This Page Is Inserted by IFW Operations
and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning documents *will not* correct images, please do not report the images to the Image Problem Mailbox.

EP　(US)　PCT

特許協力条約

国際調査報告

（法８条、法施行規則第40、41条）
〔ＰＣＴ18条、ＰＣＴ規則43、44〕

出願人又は代理人の書類記号　ＭＢＰ１－０００２	今後の手続きについては、国際調査報告の送付通知（様式ＰＣＴ／ＩＳＡ／２２０）及び下記５を参照すること。	
国際出願番号　PCT/JP　９４／０１９１６	国際出願日（日.月.年）１１．１１．９４	優先日（日.月.年）１２．１１．９３
出願人（氏名又は名称）　松　原　謙　一		

国際調査機関が作成したこの国際調査報告を法施行規則第４１条（ＰＣＴ１８条）の規定に従い出願人に送付する。
この写しは国際事務局にも送付される。

この国際調査報告は、全部で　１５　ページである。

☐ この調査報告に引用された先行技術文献の写しも添付されている。

1. ☐ 請求の範囲の一部の調査ができない（第Ⅰ欄参照）。

2. ☐ 発明の単一性が欠如している（第Ⅱ欄参照）。

3. ☑ この国際出願は、ヌクレオチド及び／又はアミノ酸配列リストを含んでおり、次の配列リストに基づき国際調査を行った。
   - ☑ この国際出願と共に提出されたもの
   - ☐ 出願人がこの国際出願とは別に提出したもの
     - ☐ しかし、出願時の国際出願の開示の範囲を越える事項を含まない旨を記載した書面が添付されていない
   - ☐ この国際調査機関が書換えたもの

4. 発明の名称は
   - ☑ 出願人が提出したものを承認する。
   - ☐ 次に示すように国際調査機関が作成した。

5. 要約は
   - ☑ 出願人が提出したものを承認する。
   - ☐ 第Ⅲ欄に示されているように、法施行規則第４７条（ＰＣＴ規則３８.２(b)）の規定により国際調査機関が作成した。出願人は、この国際調査報告の発送の日から１月以内にこの国際調査機関に意見を提出することができる。

6. 要約書とともに公表される図は、
   第　図とする。
   - ☐ 出願人が示したとおりである。
   - ☐ 出願人は図を示さなかった。
   - ☐ 本図は発明の特徴を一層よく表している。
   - ☑ なし

国 際 調 査 報 告

国際出願番号 PCT／JP 94／01916

A. 発明の属する分野の分類（国際特許分類（IPC））

Int. Cℓ⁶ C12N15／11, C12Q1／68//G01N33／566

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料（国際特許分類（IPC））

Int. Cℓ⁶ C12N15／11, C12Q1／68//G01N33／566

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース（データベースの名称、調査に使用した用語）

BIOSIS PREVIEWS, CAS ONLINE

C. 関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー＊	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	Nucleic Acids. Res., 第15巻, 1987, Ou, J. H. et al. "Cloning and characterization of a human ribosomal protein gene with enhanced expression in fetal and neoplastic cells" p. 8919—8934	1—6 (164)
X	Differntiatios, 第33巻, 1986, Oshima, R. G. et al. "Comparison of mouse and human keratin 18: A component of intermediate filaments expressed	1—6 (226)

☑ C欄の続きにも文献が列挙されている。

☐ パテントファミリーに関する別紙を参照。

＊ 引用文献のカテゴリー
「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの
「E」先行文献ではあるが、国際出願日以後に公表されたもの
「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献（理由を付す）
「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願の日の後に公表された文献
「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの
「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
「&」同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日
06. 02. 95

国際調査報告の発送日
07.03.95

名称及びあて先
日本国特許庁（ISA／JP）
郵便番号100
東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官（権限のある職員）
4B 9050
加藤 浩

電話番号 03－3581－1101 内線 3448

様式PCT／ISA／210（第2ページ）（1992年7月）

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	prior to implantation" p. 61—68	
X	J. Biol. Chem. , 第265巻, 1990 , Wilkin , D. J. et al. "Isolation and sequence of the human farnesyl pyrophosphate synthetase cDNA : coordinate regulation of the mRNAs for farnesyl pyrophosphate synthetase , 3—hydroxy—3—methylglutaryl coenzyme A reductase , and 3—hydroxy—3—methylglutaryl coenzyme A synthetase" p. 4607—4614	1—6 (255)
X	J. Biol. Chem. , 第266巻, 1991 , Batra , S. K. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of the human ribosomal protein S16" p. 6830—6833	1—6 (275)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. , 第87巻, 1990 , Ben—Ishai , R. et al. "A human cellular sequence implicated in trk oncogene activation is DNA damage inducible" p. 6039—6043	1—6 (313)
X	J. Biol. Chem. , 第263巻, 1988 , Fischer , R. et al. "Multiple divergent mRNAs code for a single human calmodulin" p. 17055—17062	1—6 (386)
X	J. Cell Biol. , 第108巻, 1989 , Barnett , T. R. et al. "Carcinoembryonic antigens : Alternative splicing accounts for the multiple mRNAs that code for novel members of the carcinoembryonic antigen family" p. 267—276	1—6 (446)
X	J. Biol. Chem. , 第265巻, 1990 , Natsumeda , Y. et al. "Two distinct cDNAs for human IMP dehydrogenase" p. 5292—5295	1—6 (454)
X	Genes Dev. , 第7巻, 1993 , Patton , J. G. et al. "Cloning and characterization of PSF a novel pre—mRNA splicing factor" p. 393—406	1—6 (706)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー＊	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	Nucleic Acids Res.，第16巻，1988，Stanford，D. R. et al. "The complete primary structure of the human snRNP E protein" p. 10593—10605	1—6（711）
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A.，第84巻，1987，Inoue，C. et al. "Evolutionary conservation of the insulinoma gene rig and its possible function" p. 6659—6662	1—6（723）
X	J. Immunol.，第144巻，1990，Jongstra—Bilen，J. et al. "Human and mouse LSP1 genes code for highly conserved phosphoproteins" p. 1104—1110	1—6（741）
X	Biochem. J.，第248巻，1987，Sakai，I. et al. "The cDNA and protein sequences of human lactate dehydrogenase—B" p. 933—936	1—6（772）
X	Biochim. Biophys. Acta.，第1089巻，1991，Tamura，T. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of cDNAs for five major subunits of human proteasomes（multicatalytic proteinase complexes）" p. 95—102	1—6（775）
X	Mol. Cell. Biol.，第3巻，1983，Cowan，N. J. et al. "Expression of human alpha—tubulin genes：interspecies conservation of 3' untranslated regions" p. 1738—1745	1—6（820）
X	Nucleic Acids Res.，第17巻，1989，Taaman，J. W. et al. "Nucleotide sequence of cDNA encoding subunit VIb of human cytochrome c oxidase" p. 1766—1766	1—6（844）
X	Gene，第93巻，1990 Taanman，J. W.，Schrage，C.，Ponne，N.，Das，A.，Bolhuis，P. A.，de Vries，H. and Agsteribbe，E. Isolation of cDNAs encoding subunit VIb of human cytochrome c oxidase and steady—state levels of coxVIb mRNA in different tissues p. 285—291	1—6（844）

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	J. Biol. Chem. ，第264巻，1989，Gray，P. W. et al. "Cloning of the cDNA of a human neutrophil bactericidal protein：Structural and functional correlations" p. 9505—9509	1—6（861）
X	Immunogenetics，第32巻，1990，Angelisova，P. et al. "The human leucocyte surface antigen CD53 is a protein structurally similar to the CD37 and MRC OX—44 antigens" p. 281—285	1—6（1158）
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. ，第88巻，1991，Koken，M. H. et al. "Structural and functional conservation of two human homologs of the yeast DNA repair gene RAD6" p. 8865—8869	1—6（1181）
X	Oncogene，第5巻，1990，Firmbach—Kraft，I. et al. "Tyk2，prototype of a novel class of non—receptor tyrosine kinase genes" p. 1329—1336	1—6（1345）
X	Science，第248巻，1990，Smith，C. A. et al. "A receptor for human tumor necrosis factor defines an unusual family of cellular and viral proteins" p. 1019—1023	1—6（1431）
X	J. Biol. Chem. ，第263巻，1988，Luster，A. D. et al. "Molecular and biochemical characterization of a novel gamma—interferon—inducible protein" p. 12036—12043	1—6（1455）
X	J. Clin. Invest. ，第83巻，1989，Look，A. T. et al. "The human myeloid plasma membrane glycoprotein CD13（gp150）is identical to aminopeptidase N" p. 1299—1307	1—6（1469）
X	J. Cell Biol. ，第105巻，1987，Argraves，W. S. et al. "Amino Acid Sequence of the Human Fibronectin Receptor" p. 1183—1190	1—6（1607）
X	Nucleic Acids Res. ，第18巻，1990，Liebhaber，S. A. et al. "Characterization of a human cDNA encoding a	1—6（1642）

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	widely expressed and highly conserved cysteine—rich protein with an unusual zinc—finger motif" p. 3871—3879	
X	J. Biol. Chem., 第264巻, 1989, Didsbury, J. et al. "Rac, a novel ras—related family of proteins that are botulinum toxin substrates" p. 16378—16382	1—6 (1709)
X	EMBO J., 第6巻, 1987, Willison, K. et al. "The human homologue of the mouse t—complex gene, TCP1, is located on chromosome 6 but is not near the HLA region" p. 1967—1974	1—6 (1749)
X	J. Biol. Chem., 第266巻, 1991, Wu, Y. et al. "Activation of globin gene expression by cDNAs from induced K562 cells: Evidence for involvement of ferritin in globin gene expression" p. 17566—17572	1—6 (1785)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第83巻, 1986, Ikuta, T. et al. "Three human alcohol dehydrogenase subunits: cDNA structure and molecular and evolutionary divergence" p. 634—638	1—6 (1864)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第85巻, 1988, Fukumoto, H. et al. "Sequence, tissue distribution, and chromosomal localization of mRNA encoding a human glucose transporter—like protein" p. 5434—5438	1—6 (1878)
X	J. Clin. Invest., 第76巻, 1985, Cooke, N. E. et al. "Serum vitamin D—binding protein is a third member of the albumin and alpha fetoprotein gene family" p. 2420—2424	1—6 (1888)
X	J. Biol. Chem., 第264巻, 1989, Huang, S.—H. et al. "Human deoxycytidine kinase: Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without enzyme activity" p. 14762—14768	1—6 (1894)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	J. Biol. Chem. , 第266巻, 1991, Huang, S.—H. et al. "Additions and corrections Human deoxytidine kinase. Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without enzyme activity" p. 5353—5353	1—6 (1894)
X	Somat. Cell Mol. Genet. , 第11巻, 1985, Bell, G. I. et al. "Human alpha—2—macroglobulin gene is located on chromosome 12" p. 285—289	1—6 (1895)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. , 第81巻, 1984, Yang, F. et al. "Human transferrin: cDNA characterization and chromosomal localization" p. 2752—2756	1—6 (1902)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. , 第83巻, 1986, Ny, T. et al. "Cloning and sequence of a cDNA coding for the human beta—migrating endothelial—cell—type plasminogen activator inhibitor" p. 6776—6780	1—6 (1904)
X	J. Biol. Chem. , 第267巻, 1992, Bausch—Jurken, M. T. et al. "Molecular cloning of AMP deaminase isoform L: Sequence and bacterial expression of human AMPD2 cDNA" p. 22407—22413	1—6 (1908)
X	Gene, 第44巻, 1986, Board, P. G. et al. "Molecular cloning and nucleotide sequence of human alpha—1 acid glycoprotein cDNA" p. 127—131	1—6 (1921)
X	Eur. J. Biochem. , 第155巻, 1986, Wathelet, M. et al. "Molecular cloning, full—length sequence and preliminary characterization of a 56—kDa protein induced by human interferons" p. 11—17	1—6 (2101)
X	Nucleic Acids Res. , 第11巻, 1983, Chebath, J. et al. "Interferon induced 56,000mr protein and its mRNA in human cells: molecular cloning	1—6 (2101)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー＊	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	and partial sequence of the cDNA" p. 1213—1226	
X	Biochemistry, 第25巻, 1986, Koide, T. et al. "Amino acid sequence of human histidine—rich glycoprotein derived from the nucleotide sequence of its cDNA" p. 2220—2225	1—6 (2174)
X	Biochemistry, 第22巻, 1983, Friezner—Degen, S. J. et. al. "Characterization of the complementary deoxyribonucleic acid and gene coding for human prothrombin" p. 2087—2097	1—6 (2214)
X	Biochem. J., 第268巻, 1990, Steinkasserer, A. et al. "Heterogeneity in human serum amyloid A protein. Five different variants from one individual demonstrated by cDNA sequence analysis." p. 187—193	1—6 (2238)
X	Nucleic Acids Res., 第17巻, 1989, Fabrizi, G. M. et al "Sequence of a cDNA specifying subunit VIIa of human cytochrome c oxidase" p. 7107—7107	1—6 (2264)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第86巻, 1989, Sims, J. E. et al. "Cloning of the interleukin 1 receptor from human T cells" p. 8946—8950	1—6 (2265)
X	Eur. J. Biochem., 第169巻, 1987, Mackinnon, C. M. et al "Molecular cloning of cDNA for human complement component C1s. The complete amino acid sequence" p. 547—553	1—6 (2266)
X	J. Virol., 第65巻, 1990, Tsujimoto, A. et al. "Isolation of cDNA for DNA binding proteins which specifically bind to TAX—responsive enhancer element in the LTR of HTLA—1" p. 1420—1426	1—6 (2475)
X	Immunogenetics, 第37巻, 1993, Emi, N. et al.	1—6

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	"Isolation of a novel cDNA clone showing marked similarity to ME491/CD63 superfamily" p. 193—198	(2556)
X	Nature, 第353巻, 1991, Kelly, A. P. et al. "A new human HLA class II—related locus, DM" p. 571—573	1—6 (2583)
X	J. Biol. Chem., 第265巻, 1990, Hla, T. et al. "An abundant transcript induced in differentiating human endothelial cells encodes a polypeptide with structural similarities to G—protein—coupled receptors" p. 9308—9313	1—6 (2600
X	J. Biol. Chem., 第267巻, 1992, White, R. T. et al. "Human adipsin is identical to complement factor D and expressed at high levels in adipose tissue" p. 9210—9213	1—6 (2802)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第87巻, 1990, Rouault, T. A. et al. "Cloning of the cDNA encoding RNA regulatory protein—the human iron—responsive element—binding protein" p. 7958—7962	1—6 (2832)
X	Nucleic Acids Res., 第17巻, 1989, Sawada, R. et al. "Complementary DNA sequence and deduced peptide sequence for CD59/MEM43 antigen, the human homologue of murine lymphocyte antigen Ly—6c" p. 6728—6728	1—6 (2954)
X	DNA Cell Biol., 第9巻, 1990, Sawada, R. et al. "Isolation and expression of the full—length cDNA encoding CD59 antigen of human lymphocytes" p. 213—220	1—6 (2954)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第87巻, 1990, Weller, P. A. et al. "Complete sequence of human vinculin and assignment of the g ne to chromosome 10" p. 5667—5671	1—6 (2983)

C（続き）．関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	Cell，第58巻，1989，Mellentin，J. D. et al. "LYL−1，a novel gene involved by chromosomal translocation in T−cell leukemia，codes for a protein with a helix−loop−helix DNA binding motif" p. 77−83	1−6 (3023)
X	Cell，第60巻，1990，Uze，G. et al "Genetic transfer of a functional human interferon alpha receptor into mouse cells: Cloning and expression of its cDNA" p. 225−234	1−6 (3041)
X	Biochem. Biophys. Res. Commun.，第179巻，1991，Xiao，L. et al. "Characterization of a full length cDNA which codes for the human spermidine/spermine N−1−acetyltransferase" p. 407−415	1−6 (3053)
X	J. Biol. Chem.，第266巻，1991，Casero，R. A. Jr. et al. "Isolation and characterization of a cDNA clone that codes for human spermidine/spermine N−1−acetyltransferase" p. 810−814	1−6 (3053)
X	Nucleic Acids Res.，第20巻，1992，Wintzerith，M. et al. "Sequence of the human RNA polymerase II largest subunit" p. 910−910	1−6 (3083)
X	J. Cell Biol.，第103巻，1986，Lawler，J. et al. "The Structure of Human Thrombospondin，an adhesive Glycoprotein with Multiple Calcium−binding Sites and Homologies with Several Different Proteins" p. 1635−1648	1−6 (3266)
X	Nature，第352巻，1991，Maslen，C. L. et al. "Partial sequence of a candidate gene for the marfan syndrome" p. 334−337	1−6 (3334)
X	J. Cell Biol.，第111巻，1990，Fishman，G. I. et al. "Molecular Characterization and Functional Expression of the Human Cardiac Gap Junction Channel" p. 589−598	1−6 (3403)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	Cell，第40巻，1985，Ebina，Y. et al. "The human insulin receptor cDNA：The structural basis for hormone—activated membrane signalling" p. 747—758	1—6 (3447)
X	Oncogene，第5巻，1990，Westin，E. H. et al. "Alternative splicing of the human c—myb gene" p. 1117—1124	1—6 (3529)
X	Genomics，第4巻，1989，Todd，S. et al. "cDNA sequence，inter-species comparison and gene mapping analysis of argininosuccinate lyase" p. 53—59	1—6 (3575)
X	FEBS Lett.，第207巻，1986，Codina，J. et al. "—Subunits of the human liver Gs/Gi signal—transducing proteins and those of bovine retinal rod cell transducin are identical" p. 187—192	1—6 (3796)
X	Nucleic Acids Res.，第18巻，1990，Roessler，B. J. et al. "Cloning of two distinct copies of human phosphoribosyl pyrophosphate synthetase cDNA" p. 193—193	1—6 (3828)
X	J. Biochem.，第109巻，1991，Sonoda，T. et al. "Complete nucleotide sequence of human phosphoribosyl pyrophosphate synthetase subunit I (PRS I) cDNA and a comparison with human and rat PRPS gene families" p. 361—364	1—6 (3828)
X	J. Biol. Chem.，第263巻，1988，Wermuth，B. et al. "Human carbonyl reductase：Nucleotide sequence analysis of a cDNA and amino acid sequence of the encoded protein" p. 16185—16188	1—6 (4033)
X	Biochim. Biophys. Acta. 第1048巻，1990，Forrest，G. L. et al. "Induction of a human carbonyl reductase gene located on chromosome 21" p. 149—155	1—6 (4033)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A.，第88巻，1991，Schuetz，T. J. et al.	1—6 (4093)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー＊	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	"Isolation of a cDNA for HSF2: Evidence for two heat shock factor genes in humans" p. 6911—6915	
X	Nucleic Acids Res., 第13巻, 1985, Hallewell, R. A. et al. "Human Cu/Zn superoxide dismutase cDNA: isolation of clones synthesising high levels of active or inactive enzyme from an expression library" p. 2017—2034	1—6 (4110)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 第80巻, 1983, Sherman, L. et al. "Nucleotide sequence and expression of human chromosome 21—encoded superoxide dismutase mRNA" p. 5465—5469	1—6 (4110)
X	J. Biol. Chem., 第268巻, 1993, David, V. et al. "Interaction with newly synthesized and retained proteins in the endoplasmic reticulum suggests a chaperone function for human integral membrane protein IP90(calnexin)" p. 9585—9592	1—6 (4373)
X	J. Exp. Med., 第172巻, 1990, Tekamp—Olson, P. et al. "Cloning and Characterization of cDNAs for Murine Macrophage Inflammatory Protein 2 and its Human Homologues" p. 911—919	1—6 (4452)
X	Biochemistry, 第30巻, 1991, Tomkinson, B. et al. "Characterization of cDNA for human tripeptidyl peptidase II: The N—terminal part of the enzyme is similar to subtilisin" p. 168—174	1—6 (4522)
X	J. Biol. Chem., 第263巻, 1988, Verma, A. K. et al. "Complete primary structure of a human plasma membrane Ca2+ pump" p. 14152—14159	1—6 (4673)
X	J. Biol. Chem., 第267巻, 1992, Shechter, I. et al. "Solubilization, purification and characterization of a truncated form of rat	1—6 (4818)

C（続き）. 関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
	hepatic squalene synthetase" p. 8628—8635	
X	J. Biol. Chem., 第267巻, 1992, Mckenzie, T. L. et al. "Molecular cloning, expression, and characterization of the cDNA for the rat hepataic squalene synthase" p. 21368—21374	1—6 (4818)
X	Nucleic Acids Res., 第13巻, 1985, Furutani, Y. et al. "Cloning and characterization of the cDNAs for human and rabbit interleukin—1 precursor" p. 5869—5882	1—6 (4872)
X	Proc. Natl. Acad. Sci U. S. A., 第89巻, 1992, Katoh, M. et al. "K—sam gene encodes secreted as well as transmembrane receptor tyrosine kinase" p. 2960—2964	1—6 (4914)
X	Differentiation, 第42巻, 1989, Kuruc, N. et al. "Synthesis of cytokeratin 13, a component characteristic of internal stratified epithelia, is not induced in human epidermal tumors" p. 111—123	1—6 (5264)
X	J. Biol. Chem., 第266巻, 1991, Kiefer, M. C. et al. "Identification and molecular cloning of two new 30—kDa insulin—like growth factor binding proteins isolated from adult human serum" p. 9043—9049	1—6 (5374)
X	J. Biol. Chem., 第265巻, 1990, Opipari, A. W. et al. "The A20 cDNA induced by tumor necrosis factor alpha—encodes a novel type of zinc finger protein" p. 14705—14708	1—6 (5427)
X	J. Biol. Chem., 第265巻, 1990, McLean, J. W. et al. "cDNA sequence of the human integrin beta—5 subunit" p. 17126—17131	1—6 (5715)

C（続き）．　関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名　及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
X	Cell，第66巻，1991，Ge，H. et al. "primary structure of the human splicing factor ASF reveals similarities with drosophila regulators" p. 373—382	1—6 (5860)
X	Cancer Res.，第52巻，1992，Kondoh，N. et al. "Differential expression of S19 ribosomal protein，laminin binding protein and HLA class I mRNAs associated with colon carcinoma progression and differentiation" p. 791—796	1—6 (6439)
X	J. Biol. Chem.，第263巻，1988，Collart，F. R. et al. Cloning and sequence analysis of the human and chinese hamster inosine—5'—monophosphate dehydrogenase cDNA p. 15769—15772	1—6 (6471)
X	J. Biol. Chem.，第261巻，1986，Romeo，P.—H. et al. "Molecular cloning and nucleotide sequence of a complete human uroporphyrinogen decarboxylase cDNA" p. 9825—9831	1—6 (6569)
X	J. Cell Biol.，第106巻，1988，Leube，R. E. et al "Molecular characterization and expression of the stratification—related cytokeratins 4 and 15" p. 1249—1261	1—6 (6875)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A.，第85巻，1988，Daher，K. A. et al. "Isolation and characterization of human defensin cDNA clones" p. 7327—7331	1—6 (7106)
X	J. Exp.Med第172巻，1990，Larsen，A. et al. "Expression Cloning of a Human Graulocyte Colony—stimulating Factor Receptor: a Structural Mosaic of Hematopoietin Receptor, Immunoglobulin, and Fibronectin Domains" p. 1559—1570	1—6 (7126)
X	Oncogene，第8巻，1993，Schulz，A. S. et al. "The genomic structure of the human UFO receptor" p. 509—513	1—6 (7790)

C（続き）. 関連すると認められる文献

引用文献のカテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する請求の範囲の番号
A	Nature Genetics, 第2巻, 1992, Okubo, K. et al. "Large scale cDNA sequencing for analysis of quantitative and qualitative aspects of gene expression" p. 173—179	1—6
A	Nature Genetics, 第2巻, 1992, Khan, A. S. et al. "Single pass sequencing and physical and genetic mapping of human brain cDNAs" p. 180—188	1—6

（なお、括弧内の数字は、関連する本願発明のDNAの配列番号を示す。）

特許協力条約に基づく国際出願

願　　書

出願人は、この国際出願が特許協力条約に従って処理されることを請求する。

受理官庁記入欄

国際出願番号

国際出願日　PCT 11.11.94

（受付印）

出願人又は代理人の書類記号（希望する場合は最大12字）　MBP1－0002

第Ⅰ欄　発明の名称

ジーン・シグナチャー

第Ⅱ欄　出願人

氏名（名称）及びあて名：（姓・名の順に記載；法人は公式の完全な名称を記載；あて名は郵便番号及び国名も記載）

松原　謙一　　MATSUBARA　kenichi

〒565　日本国大阪府吹田市山田東3－18－1－804
Room　804, 18－1, Yamadahigashi
3－chome, Suita－shi, OSAKA
565　JAPAN

☑ この欄に記載した者は、発明者でもある。

電話番号：

ファクシミリ番号：

加入電信番号：

国籍（国名）：　日本国　JAPAN

住所（国名）：　日本国　JAPAN

この欄に記載した者は、次の指定国についての出願人である：　☑ すべての指定国　☐ 米国を除くすべての指定国　☐ 米国のみ　☐ 追記欄に記載した指定国

第Ⅲ欄　その他の出願人又は発明者

氏名（名称）及びあて名：（姓・名の順に記載；法人は公式の完全な名称を記載；あて名は郵便番号及び国名も記載）

大久保　公策　　OKUBO　kousaku

〒562　日本国大阪府箕面市瀬川2－11－26

11－26, Segawa　2－chome,
Minoo－shi, OSAKA　562　JAPAN

この欄に記載した者は次に該当する：

☐ 出願人である。

☑ 出願人及び発明者である。

☐ 発明者である。（ここにレ印を付したときは、以下に記入しないこと）

国籍（国名）：　日本国　JAPAN

住所（国名）：　日本国　JAPAN

この欄に記載した者は、次の指定国についての出願人である：　☑ すべての指定国　☐ 米国を除くすべての指定国　☐ 米国のみ　☐ 追記欄に記載した指定国

☐ その他の出願人又は発明者が続葉に記載されている。

第Ⅳ欄　代理人又は共通の代表者、通知のあて名

次に記載された者は、国際機関において出願人のために行動する：　☑ 代理人　☐ 共通の代表者

氏名（名称）及びあて名：（姓・名の順に記載；法人は公式の完全な名称を記載；あて名は郵便番号及び国名も記載）

7525　弁理士　吉田研二　YOSHIDA　Kenji
8150　弁理士　金山敏彦　KANAYAMA　Toshihiko
9697　弁理士　石田　純　ISHIDA　Jun

〒180　日本国東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号
34－12, Kichijoji－honcho　1－chome,
Musashino－shi, TOKYO　180　JAPAN

電話番号：　0422-21-2501

ファクシミリ番号：　0422-21-2533

加入電信番号：

☐ 代理人又は共通の代表者が選任されていないときに、通知が送付されるあて名を記載する場合はレ印を付す

第Ⅴ欄　国の指定

規則 4.9(a)の規定に基づき次の国を指定する（該当する□内にレ印を付すこと、及び少なくとも1国を指定すること）。

広域特許

☑ AP ARIPO特許：KE ケニア Kenya, MW マラウイ Malawi, SD スーダン Sudan, 及びハラレプロトコルと特許協力条約の締約国である他の国

☑ EP ヨーロッパ特許：AT オーストリア Austria, BE ベルギー Belgium, CH and LI スイス及びリヒテンシュタイン Switzerland and Liechtenstein, DE ドイツ Germany, DK デンマーク Denmark, ES スペイン Spain, FR フランス France, GB 英国 United Kingdom, GR ギリシャ Greece, IE アイルランド Ireland, IT イタリア Italy, LU ルクセンブルグ Luxembourg, MC モナコ Monaco, NL オランダ Netherlands, PT ポルトガル Portugal, SE スウェーデン Sweden, 及びヨーロッパ特許条約と特許協力条約の締約国である他の国

☑ OA OAPI特許：BF ブルキナ・ファソ Burkina Faso, BJ ベナン Benin, CF 中央アフリカ Central African Republic, CG コンゴー Congo, CI 象牙海岸 Côte d'Ivoire, CM カメルーン Cameroon, GA ガボン Gabon, GN ギニア Guinea, ML マリ Mali, MR モーリタニア Mauritania, NE ニジェール Niger, SN セネガル Senegal, TD チャード Chad, TG トーゴー Togo, 及びアフリカ知的所有権機構と特許協力条約の締約国である他の国（他のOAPI保護を求める場合には点線上に記載する）

国内特許（他の種類の保護又は取扱いを求める場合には点線上に記載する）

- ☑ AM アルメニア Armenia
- ☐ AT オーストリア Austria
- ☑ AU オーストラリア Australia
- ☑ BB バルバドス Barbados
- ☑ BG ブルガリア Bulgaria
- ☑ BR ブラジル Brazil
- ☑ BY ベラルーシ Belarus
- ☑ CA カナダ Canada
- ☐ CH and LI スイス及びリヒテンシュタイン Switzerland and Liechtenstein
- ☑ CN 中国 China
- ☑ CZ チェッコ Czech Republic
- ☐ DE ドイツ Germany
- ☐ DK デンマーク Denmark
- ☐ ES スペイン Spain
- ☑ FI フィンランド Finland
- ☐ GB 英国 United Kingdom
- ☑ GE グルジア Georgia
- ☑ HU ハンガリー Hungary
- ☑ JP 日本 Japan
- ☐ KE ケニア Kenya
- ☑ KG キルギスタン Kyrgyzstan
- ☑ KR 韓国 Republic of Korea
- ☑ KZ カザフスタン Kazakhstan
- ☑ LK スリ・ランカ Sri Lanka
- ☑ LT リトアニア Lithuania
- ☐ LU ルクセンブルグ Luxembourg
- ☑ LV ラトヴィア Latvia
- ☑ MD モルドバ Republic Moldova
- ☑ MG マダガスカル Madagascar
- ☑ MN モンゴル Mongolia
- ☐ MW マラウィ Malawi
- ☐ NL オランダ Netherlands
- ☑ NO ノールウェー Norway
- ☑ NZ ニュー・ジーランド New Zealand
- ☑ PL ポーランド Poland
- ☐ PT ポルトガル Portugal
- ☑ RO ルーマニア Romania
- ☑ RU ロシア連邦 Russian Federation
- ☐ SD スーダン Sudan
- ☐ SE スウェーデン Sweden
- ☑ SI スロベニア Slovenia
- ☑ SK スロヴァキア Slovakia
- ☑ TJ タジキスタン Tajikistan
- ☑ TT トリニダード・トバゴ Trinidad and Tobago
- ☑ UA ウクライナ Ukraine
- ☑ US 米国 United States of America
- ☑ UZ ウズベキスタン Uzbekistan
- ☑ VN ヴィエトナム Viet Nam

下の欄は、この様式の施行後に特許協力条約の締約国となった国を指定（国内特許のために）するためのものである

- ☑ EE エストニア Estonia
- ☑ LR リベリア Liberia
- ~~☑ SZ スワジランド Swaziland~~
- ☐
- ☐
- ☐
- ☐
- ☐
- ☐

出願人は、上記の指定に加えて、　　の指定を除き、特許協力条約の規定により認められたすべての締約国を規則 4.9(b)の規定に基づき指定する。

出願人は、これらの指定が優先日から15月が経過する前に確認されない指定はこの期間が経過するときに出願人によって取り下げられたものとすることを宣言する（指定の確認は、指定を特定する通知並びに指定手数料及び確認手数料の納付から構成される。確認は、優先日から15月以内に受理官庁に提出されなければならない）。

第VI欄　優先権主張

他の優先権の主張が追記欄に記載されている ☐

下記の先の出願に基づく優先権を主張する

国名（その国において又はその国について出願がされた）	先の出願の日（日．月．年）	先の出願の番号	先の出願がされた官庁名（広域出願又は国際出願のみ）
(1) 日本国　JAPAN	12. 11. 93	平成5年　特許願 第355504号	
(2)			
(3)			

先の出願が、本件国際出願について受理官庁である国内官庁に対して行われたときは、出願人は、手数料の納付を条件に以下を請求する。

☑ 上記の先の出願のうち次の番号の出願書類の認証謄本を作成し国際事務局へ送付することを特許庁長官に請求している。

(1)

第VII欄　国際調査機関

国際調査機関（ＩＳＡ）の選択　　ＩＳＡ／ＪＰ

先の調査　国際調査機関による調査（国際・国際型又はその他）を既に請求しており、可能な限り当該調査の結果を国際調査の基礎とすることを請求する場合に記入する。関連する出願（若しくはその翻訳）又は関連する調査請求を表示することにより当該調査又は請求を特定する：

国名（又は広域官庁）　　出願日（日．月．年）　　番号

第VIII欄　照合欄

この国際出願の用紙の枚数は次のとおりである。

1．願書	3	枚
2．明細書	2,188	枚
3．請求の範囲	2	枚
4．要約書	1	枚
5．図面	27	枚
合計	2,221	枚

出願時におけるこの国際出願には、以下にチェックした書類が添付されている。

1．☐ 別個の記名押印された委任状
2．☐ 包括委任状の写し
3．☐ 記名押印（署名）の説明書
4．☐ 上記第VI欄に記載された優先権書類（具体的に記載する）：
5．☑ 所定の手数料の納付
☑ 納付する手数料に相当する特許印紙を貼付した書面
☐ 国際事務局の口座への振込みを証明する書面
6．☐ 寄託した微生物に関する書面
7．☐ ヌクレオチド及び／又はアミノ酸配列リスト（フレキシブルディスク）
8．☑ その他（具体的に記載する）

優先権書類送付請求書

要約書とともに公表する図として　第 _____ 図　を提示する（図面がある場合）

第IX欄　提出者の記名押印

各人の氏名を記載し、その次に押印する。願書により資格が明白に表示されてない場合はその者が押印している資格を表示する。

吉田　研二

受理官庁記入欄

1．国際出願として提出された書類の実際の受理の日

2．図面
☐ 受理された
☐ 不足図面がある

3．国際出願として提出された書類を補完する書類又は図面であって
その後期間内に提出されたものの実際の受理の日（訂正日）

4．特許協力条約第１１条(2)に基づく必要な補完の期間内の受理の日

5．出願人により特定された国際調査機関　ＩＳＡ／ＪＰ

6．☐ 調査手数料未払いにつき、国際調査機関に調査用写しを送付していない

国際事務局記入欄

記録原本の受理の日

この用紙は、国際出願の一部を構成せず、国際出願の用紙の枚数に算入しない。

P C T

手 数 料 計 算 用 紙

願書附属

受理官庁記入欄	
国際出願番号	
受理官庁の日付印	

出願人又は代理人の書類記号

MBP1−0002

出願人 松原 謙一
大久保 公策

所定の手数料の計算

1．2．法第18条第1項第1号の規定による手数料 — 95,000 円 | T+S

3．国際手数料

基本手数料

国際出願に含まれる用紙の枚数 2,221 枚

最初の30枚まで ・・・・・・・・・・・・・・・ 59,000 円 | b1

2,191 (30枚を越える用紙の枚数) × 1,000 (用紙1枚の手数料) = 2,191,000 円 | b2

b1及びb2に記入した金額を加算し合計額をBに記入・・ 2,250,000 円 | B

指定手数料

~~41~~ 40 (指定国数) × 14,000 (指定手数料) = 140,000 円 | D

（合計が指定手数料の10倍に相当する金額を越えるときは、Dの中にはその10倍の金額を記入する。）

B及びDに記入した金額を加算し合計額をIに記入・・・・・・・・ 2,390,000 円 | I

4．納付すべき手数料の合計

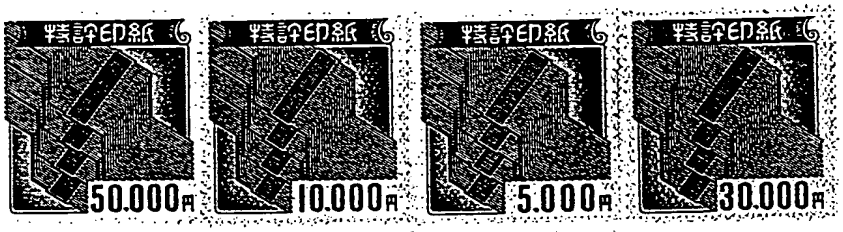
T+S及びIに記入した金額を加算し、合計額を合計に記入 — 2,485,000 円

合 計

（注意1）法第18条第1項第1号の規定による手数料については、特許印紙をもって納付しなければならない。

（注意2）国際手数料については、特許庁長官が告示する国際事務局の口座への振込みを証明する書面を提出することにより納付しなければならない。

P.O.T
11.12.94
受領印



送付手数料・調査手数料　　９５，０００円

優先権証明願（ＰＣＴ）

PCT
11.11.94
受領印

特　許　庁　長　官　殿

申請人（識別番号）　１００７５２５８

住　　所　　東京都武蔵野市吉祥寺本町１丁目３４番１２号

氏　　名　　弁理士（７５２５）吉　田　研　二

（電話番号）　０４２２－２１－２５０１

１．出願年月日　　平成５年１１月１２日

２．出願番号　　平成５年　特許願　第３５５５０４号

３．出願人

住　　所　　大阪府吹田市山田東３－１８－１－８０４

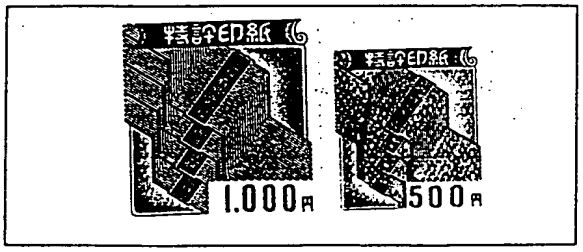
氏　　名　　松原　謙一

住　　所　　大阪府箕面市瀬川２－１１－２６

氏　　名　　大久保　公策

上記の通り相違ないことを御証明下さい。

４．出願国名　　ＰＣＴ



（1,500円）



優先権書類送付請求書

特許庁長官　殿

1．国際出願の表示　　１１．１１．９４．提出の国際出願

2．優先権の主張の基礎となる出願の表示

平成5年　特許願　第３５５５０４号

3．出願人

氏　名　松原　謙一
MATSUBARA　kenichi
あて名　〒５６５　日本国大阪府吹田市山田東３－１８－１－８０４
Room　８０４，１８－１，Yamadahigashi
３－ｃｈｏｍｅ，Ｓｕｉｔａ－ｓｈｉ，ＯＳＡＫＡ
５６５　ＪＡＰＡＮ
国　籍　日本国　JAPAN
住　所　日本国　JAPAN

氏　名　大久保　公策
ＯＫＵＢＯ　ｋｏｕｓａｋｕ
あて名　〒５６２　日本国大阪府箕面市瀬川２－１１－２６
１１－２６，Ｓｅｇａｗａ　２－ｃｈｏｍｅ，
Ｍｉｎｏｏ－ｓｈｉ，ＯＳＡＫＡ　５６２　ＪＡＰＡＮ
国　籍　日本国　JAPAN
住　所　日本国　JAPAN

4．代理人

氏　名　７５２５　弁理士　吉　田　研　二
YOSHIDA Kenji
あて名　〒１８０　日本国　東京都武蔵野市吉祥寺本町１丁目３４番１２号
３４－１２，Ｋｉｃｈｉｊｏｊｉ－ｈｏｎｃｈｏ　１－ｃｈｏｍｅ，
Ｍｕｓａｓｈｉｎｏ－ｓｈｉ，ＴＯＫＹＯ　１８０　ＪＡＰＡＮ

5．添付書類の目録

（1）平成５年特許願第３５５５０４号の優先権証明願　　１通

明細書

発明の名称

ジーン・シグナチャー

技術分野

本願発明は、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡもしくはヒトｍＲＮＡの特定の部位と特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖または該一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる純化された二本鎖ＤＮＡに関する。本願発明のＤＮＡは、細胞内の種々のタンパク質に対応するｍＲＮＡの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができる。本願発明はさらに医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされた遺伝子を含むものである。

背景技術

本願発明者らは「細胞の性質は遺伝子の発現パターンの違いによって決定される」というｍＲＮＡの最も基本的な属性に着目し、独自のアプローチである「ボディーマッピング（body mapping）」を提唱した。これはヒト体内に約２００あるとされている細胞、臓器の「遺伝子の発現情報」を作成、ある遺伝子がいつ、どこで、どの程度発現しているかを明らかにし、遺伝子をそれぞれの発現臓器にマップするという全く新しい試みである。

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、発生及び分化の状態、環境等によって異なる。

ところで、遺伝子は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺

伝子」と「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」とに分類される。このうち、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」は、一般にあらゆる種類の細胞で定常的に発現しており、これらの遺伝子は「ハウスキーピング遺伝子（housekeeping genes）」と呼ばれている。一方、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」は、特定の種類の細胞または特定のグループに属する細胞において特異的に発現していることが多く、また、発生、分化の特定のステージで特異的に発現することもある。また、細胞の置かれた環境によって発現量が変化する「誘発可能な遺伝子（inducible genes）」であることが多い。これを逆に言えば、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」が発現することによって細胞が生育し、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」発現することによって細胞固有の機能が現出されているといえる。

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内の遺伝子の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルスの感染時においては、ウイルス固有のタンパク質をコードするＲＮＡが細胞内で大量に合成され、該蛋白が大量に生産される。これを逆に言えば、細胞内の遺伝子の発現レベルの変化、とりわけ細胞内のｍＲＮＡの濃度の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内の遺伝子の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内の遺伝子の発現の状態、特に細胞内の各ｍＲＮＡの濃度を把握することが重要である。

このための１つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内のｍＲＮＡ濃度を直接測定することが考えられる。しかし、特定のｍＲＮＡについては、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のｍＲＮＡが合成されているうえ、ｍＲＮＡは抽出の際に酵素による分解をうけやすいなど不安定なものであるため、これらのｍＲＮＡを完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質に対応するｍＲＮＡの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためのプライマーもしはプローブなどに用いることができるＤＮＡを提供することを目的とする。さらには医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたＤＮＡを提供することを目的とする。

発明の開示

一般に、遺伝情報の流れはＤＮＡ→ｍＲＮＡ→タンパク質の順である（セントラルドグマ、１９５８年、Ｆ．Ｈ．Ｃ．クリックが提唱）。即ち、ＤＮＡ上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、ｍＲＮＡに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

更に詳細に述べると、哺乳動物の遺伝子には通常、タンパク質をコードする領域と、遺伝子の発現を制御する領域とが含まれている。遺伝子中のタンパク質をコードする領域は（「エクソン」と呼ばれる）、介在配列（「イントロン」と呼ばれる）によって分断されていることが多い。遺伝子がＲＮＡに転写される際に、前駆体ＲＮＡ（pre-mRNA）中のイントロンが除去され、エクソンは特定のタンパク質をコードする一連のものとしてタンデムに接続される（これを「スプライシング」という）。一方遺伝子の発現を制御する領域としては、転写領域上流に存在するプロモーター、オペレーターなどの転写を直接制御する領域の他に、転写

される領域内のコード領域の上流（5’側）および下流（3’側）に位置する非翻訳領域があげられる。特に、3’側の非翻訳領域（3’ＵＴＲ）は、ｍＲＮＡの輸送および安定性などに寄与しており発現の制御に重要である。pre-mRNAのプロセッシングの過程で、5’側末端にはキャップ付加が行われ、3’側の非翻訳領域は特異的な切断を受け、切断部位に通常１００～２００個のアデニル酸が付加し、ポリ（Ａ）テイルが形成され、またコード領域がスプライシングによって接続されて、ｍＲＮＡが合成される。合成されたｍＲＮＡにリボソームが付加し、タンパク質の合成が行われる。

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のｍＲＮＡの存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各ｍＲＮＡの存在割合を検出することによって、細胞内の各タンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている（ＤＮＡ ｓｅｑｕｅｎｃｅ 2 ｐ．１-３７－１４４（１９９１）、Ｎａｔｕｒｅ ｇｅｎｅｔｉｃｓ 2 ｐ．１７３－１７９（１９９２））。

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素（ｒｅｖｅｒｓｅ ｔｒａｎｓｃｒｉｐｔａｓｅ）を用いて、特定の細胞から抽出したｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡを合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちｍＲＮＡの存在割合が対応するｃＤＮＡの存在割合に反映するようにｃＤＮＡを合成し、ｃＤＮＡライブラリーを作成することによって、全ｍＲＮＡに対応したｃＤＮＡ群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得したｃＤＮＡライブラリーのクローニングが挙げられる。

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来のｃＤＮＡライブラリー（米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号９３６２０６、９３６２０５又は９３５）から、ランダムにｃＤＮＡをクローニングし、塩基配列を決定してい

る（Ｓｃｉｅｎｃｅ　252　ｐ．１６５１－１６５６（１９９１）、Ｎａｔｕｒｅ　355　ｐ．６３２－６３４（１９９２））。

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られたｃＤＮＡを無作為に配列決定しているが、この方法によれば、

①１本のｍＲＮＡの様々な領域をランダムにクローニングするので、１本のｍＲＮＡから重複する部分がない多くのｃＤＮＡ断片が生じ、これらのｃＤＮＡ断片が同一のｍＲＮＡに由来するのか、異なるｍＲＮＡに由来するのか区別できない。

②ｍＲＮＡが長いほどそのｍＲＮＡ由来のｃＤＮＡが合成される確率が上がる。

③ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、ｃＤＮＡの合成頻度にばらつきが生じる。

等の理由から、各ｃＤＮＡの出現頻度は、各ｍＲＮＡの存在割合に対応しないものとなってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクローニングの際の各ｃＤＮＡの出現頻度をとったとしても細胞内の各ｍＲＮＡの存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることは不可能である。

しかし、本願発明者らの開発した方法によりＤＮＡライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、ｍＲＮＡの存在割合を忠実に反映したｃＤＮＡライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリＴ」のみをプライマーとしてｃＤＮＡを合成している。ｃＤＮＡの３’末端には「ポリＡテイル（ｐｏｌｙ　Ａ　ｔａｉｌ）」と呼ばれる、Ａが連続した構造が存在するので、「ポリＴ」のみをプライマーとしてｃＤＮＡを合成すれば、必ず３’末端からｃＤＮＡの合成が開始され、３’末端側のｃＤＮＡが合成される。また、ｍＲＮＡの３’末端の大半がそのｍＲＮＡ独自のものであり、他の種類のｍＲＮＡには存在しないものであるので、（Birnstiel et al., Cell. 41. 349-359 (1985)）、３’末端側のｃＤＮＡはほとんどが特定のｍＲＮＡのみにハイブリダイズするものとなる。ｃＤＮＡを合成後、制限酵素Ｍｂｏｌ（４塩基を認識し切断する）でｃＤＮＡを切断すれば、３’側から最初のＭｂｏｌ部位までのｃＤＮＡが作成される。

なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のｍＲＮＡの存在割合を忠実に反映したｃＤＮＡライブラリー」に含まれる各々のｃＤＮＡを「ジーンシグナチャー（ｇｅｎｅ　ｓｉｇｎａｔｕｒｅ）（以下ＧＳと略称する）と称する。ただし、ＧＳには二本鎖ＤＮＡばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

本願発明は、配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、もしくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖またはこれらの一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる純化された二本鎖ＤＮＡに関する。また、本願発明は、該一本鎖ＤＮＡからなるプローブ、プライマーに関する。更に本願発明は、「配列番号１から７８３７に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み変える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３’側に含むヒトｍＲＮＡ」に相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、若しくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、またはこれらの一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる純化された二本鎖ＤＮＡに関する。また、本願発明は一本鎖ＤＮＡからなるプローブ、プライマーに関する。

以下、本願発明をより詳細に説明する。

本願発明のＤＮＡは、配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖ばかりではなく、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ又はヒトｍＲＮＡとハイブリダイズすれば配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を「含む」一本鎖ＤＮＡであってもよい。

さらに、本願発明のＤＮＡは、「配列番号１から７８３７に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み替える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３’側

に含むヒトｍＲＮＡ」に相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖ばかりではなく、該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡまたはヒト，ＲＮＡとハイブリダイズする一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含む一本鎖ＤＮＡであってもよい。

さらに、それらのＤＮＡは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、該一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる二本鎖ＤＮＡも含まれる。

なお、ここでいう「含む」とは①「各配列番号に記載されている塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」または②「各配列番号に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み替える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３’側に含むヒトｍＲＮＡに相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」が、本願発明のＤＮＡに「連続して含まれている」場所が一ヶ所であることのみを表わすものでないことは明白である。すなわち、「含む」とは、本願発明のＤＮＡに存在する前記①の塩基配列または前記②の塩基配列の間に、他の塩基の挿入が存在する場合等も該当することは明らかである。

なお、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡまたはヒトｍＲＮＡの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる（例えば、Ｍｏｌｅｃｕｌａｒ　Ｃｌｏｎｉｎｇ：Ａ　Ｌａｂｏｒａｔｏｒｙ　Ｍａｎｕａｌ、Ｓａｍｂｒｏｏｋら、Ｃｏｌｄ　Ｓｐｒｉｎｇ　Ｈａｂｏｒ　Ｌａｂｒａｔｏｒｙ　Ｐｒｅｓｓ、１９８９）。

次に、各細胞内のｍＲＮＡの存在割合を忠実に反映するｃＤＮＡライブラリーの作成方法および全ｍＲＮＡに対応したｃＤＮＡ群のクローニング方法、ならびに各ｃＤＮＡの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓由来細胞（ＨｅｐＧ２）を培養し、常法に従って、全ｍＲＮＡを単離する。次いで、得られたｍＲＮＡをｃＤＮＡライブラリー作成のためのベクターに挿入する。

例えばｐＵＣ１９（クローニング部位側にＭ１３の配列を有する）には、下記

の方法で挿入する。

すなわち、ｐＵＣ１９をＨｉｎｃIIおよびＰｓｔＩ で開裂し、ＰｓｔＩ 切断末端に２０ｂｐから３０のｂｐ程度のポリＴを付加し、そこにｍＲＮＡの3’側のポリＡをハイブリダイズさせる（図１ａ）。そして、常法により逆転写酵素を用いてＤＮＡ鎖を伸長させた後、例えばＤＮＡポリメラーゼにより二本鎖ＤＮＡを合成する（図１ｂ）。得られた二本鎖ＤＮＡを４塩基を認識する制限酵素ＭｂｏＩ で切断する（図１ｃ）。

ＭｂｏＩは４塩基認識の制限酵素であるから、挿入ｃＤＮＡのポリＡテールから数百塩基程度離れた位置でＤＮＡを切断すると考えられる。そしてＭｂｏＩ は、本願発明者らがＧｅｎＢａｎｋのデータベースから無作為に抽出した約３００のヒトｃＤＮＡを例外無く切断することを確認したことから、ＭｂｏＩ はクローニングされるｃＤＮＡのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、ｐＵＣ１-９はｄａｍ$^{+}$ の大腸菌、例えばＥ．ｃｏｌｉ　ＪＭ１０９から調製するので、ＭｂｏＩ 認識部位のアデニンがメチル化されており（Ｇ^{m}ＡＴＣとなっており）、ＭｂｏＩ によっては切断されない。

次に、ｐＵＣ１９に導入されたＭｂｏＩ 切断部位を有する二本鎖ＤＮＡをベクター内に組み込むために、ベクター側にＭｂｏＩ と同じ粘着末端を生ずるＢａｍＨＩ を作用させる。この場合に、ＢａｍＨＩ （ＧＧＡＴＣＣ）は、ＭｂｏＩ （ＧＡＴＣ）の認識塩基配列を含むため（ＧＧＡＴＣＣ）、伸長された二本鎖ＤＮＡが、更に当該ＢａｍＨＩ によって切断されることはない。

その後、常法により上記二本鎖ＤＮＡをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばＥ．ｃｏｌｉ　ＤＨ５へ導入してｃＤＮＡライブラリーを作成する。

この方法によれば、ｍＲＮＡの3’側ポリＡ上流の配列のみを含むクローンを取得することができる。

また、得られるｃＤＮＡ断片の長さが平均２７０ｂｐと短いため、ｃＤＮＡ断片が長すぎることから生ずるｃＤＮＡ合成効率の差や形質転換時の効率の差から

生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本ｃＤＮＡライブラリーは各細胞内のｍＲＮＡの存在割合を忠実に反映できることとなる。

さらに、ベクターに挿入されるｃＤＮＡが短い場合、ｃＤＮＡ断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることでｃＤＮＡ断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、ＰＣＲ法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている３’側のポリＡに妨げられずに、ｃＤＮＡの５’側末端から配列決定することが可能となる。

ベクターに含まれるｃＤＮＡ断片すなわち前に説明したＧＳの増幅は次のようにして行うことができる。

ｃＤＮＡライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターＤＮＡを含む上清を回収し、得られたベクターＤＮＡを鋳型ＤＮＡとしてＰＣＲ法による増幅反応に供することができる（図１ｄ，ＰＣＲ　ｐｒｉｍｅｒ１及びＰＣＲ　ｐｒｉｍｅｒ２による増幅）。

一方、プライマーとしては、ＧＳに接する両端のベクター配列を適宜選択し、通常の条件下でＰＣＲ法を行う。得られたＰＣＲ産物をＧＳの５’側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシークエンサーにかけ、塩基配列決定を行う（図１ｄ，ｄｙｅ　ｐｒｉｍｅｒによるシークエンス）。

次いで、各ＧＳの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのＧＳの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞（ガン由来細胞、ウィルス感染細胞など）を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞（胎児、新生児、成人由来など）、各造血球系細胞（好中球、単球など）、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞（ＨｅｐＧ２など）、前骨髄性白血病由来細胞（ＨＬ６０な

ど）を対象とすることができる。各細胞ごとの各ＧＳの出現頻度について、それを表１から表２１９に記述した。なお表中、ｐａｔｅｎｔ　ｎｕｍｂｅｒは各ＧＳの対応する配列番号を、ｓｉｚｅは各ＧＳの長さを、Ｆは各細胞における出現頻度を合計した値を表す。また、ｈｅｐＧ２は「ｈｅｐＧ２（肝臓細胞癌株）」、ＨＬ６０は「HL60 promyelocytic cell line（前骨髄球性白血病細胞株）」、granulo は「granulocytoid （顆粒球様細胞、ＨＬ６０をＤＭＳＯで刺激したもの）」、monoは「monocyloids （単球様細胞、ＨＬ６０をＴＰＡで刺激）」、４０wliverは「４０wliver（新生児肝臓）」、１９wliverは「１９wliver（胎生１９週胎児肝臓）」、adult liver は「adult liver （成人肝臓）」、lungは「lung（成人肺）」、adipose は「subcutaneous adipose tissue （皮下脂肪）」、endothelは「primary cultured aortic endothel（大動脈内皮初代培養）」、osteoblastは「osteoblast（骨芽細胞初代培養）」、colon mucosaは「colon mucosa-（大腸粘膜組織）」、small cell carci. は「small cell carcinoma of lung（肺小細胞癌）」、retinaは「retina（網膜）」、cerebral cortex は「cerebral cortex （大脳皮質）」、adenocarci(lung)は「adenocarcinoma of lung（肺腺癌）」、squamous cell ca(lung)は「squamous cell carcinoma of lung （肺偏平上皮癌）」、keratinocyteは「primary cultured keratinocyte （皮膚角化上皮初代培養細胞）」、fibroblastは「primary cultured fibroblast （繊維芽細胞初代培養）」、Altzheimerは「Altzheimer temporal lobe（アルツハイマー病側頭葉）」、cerebellumは「cerebellum（小脳）」、visceral fatは「visceral fat（内臓脂質）」、corneal epitheliumは「corneal epithelium（角膜の上皮腫）」、peripheral granulocyteは「peripheral granulocyte（末梢顆粒球）」、neuroblastoma は「neuroblastoma （神経芽腫）」、taste bud of tongue は「taste bud of tongue （舌の味覚芽）」を表わす。

また、「Accession number of target mRNA 」は配列を含むＧｅｎＢａｎｋＲｅｌｅａｓｅ７９内の各ＧＳとホモロジーを有するエントリーのアクセッション番号を、「ｍａｔｃｈ％」は該ホモロジーを有する配列とＧＳとのホモロジー

の値を、「ｍａｔｃｈ　ｓｉｚｅ」はホモロジーを計算した領域の長さを、「ｍａｔｃｈ　ｓｔａｒｔｓ　ａｔ（ＧＳ）」はＧＳ内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5’側からの位置を、「ｍａｔｃｈ　ｓｔａｒｔｓ　ａｔ（ＧｅｎＢａｎｋ）」は、ＧｅｎＢａｎｋのＧＳに対応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5’側からの位置を、「ＧｅｎＢａｎｋ　ｔａｒｇｅｔ　ｓｉｚｅ」はＧｅｎＢａｎｋのＧＳに対応する配列の全長を示す。なお、表１～表２１９のカラムは、表１の対応カラムと同一の項目で分類されている。

また、表１から表２１９より、各ＧＳを種々分類することが可能である。すなわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群（例えば「前骨髄性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群）で出現頻度が高く、そして他の細胞（群）では全く出現しないか、あるいはごくわずかしか出現しないＧＳは、「特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するＧＳと考えられる（例えばＧＳ０００１５５３，ＧＳ０００２０４７，ＧＳ０００４８９５等）。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するＧＳは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するＧＳと考えられる（例えばＧＳ００００００１９，ＧＳ００００１５５，ＧＳ０００００８６１等）。更に、発現頻度が低いＧＳも見出すことができる（例えばＧＳ００００００１３，ＧＳ０００２３９９，ＧＳ０００３１５５等）。

上記のように配列決定したＧＳは、特定の細胞で発現されるｍＲＮＡの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のｃＤＮＡライブラリー中の各ＧＳの出現頻度を調べれば、各細胞のｍＲＮＡの存在割合を知ることができるはずである。

そこで、ｃＤＮＡライブラリー中の各ＧＳの出現頻度と細胞内でのｍＲＮＡの存在割合が対応することを確認するために、取得したＧＳを常法により^{32}Ｐ標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプローブとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したｍＲＮＡに対し、上記^{32}Ｐ標識プローブを通常の条件下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、ｃＤＮ

Aライブラリーで出現する頻度が高いＧＳのプローブを用いると、特定の細胞から単離したｍＲＮＡに対し濃いバンドを形成し、ＧＳの出現頻度と細胞内でのｍＲＮＡの存在割合が対応することが確認した（実施例５参照）。

また、同様に、上記で作成した^{32}Ｐ標識プローブを用いて通常の条件下で前述のごとく作成したｃＤＮＡライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、ＧＳの出現頻度と該ＧＳにハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること（実施例６参照）から、各ＧＳの出現頻度とｃＤＮＡライブラリー中のＧＳの存在割合が対応することを確認した。

以上のことから、各ＧＳが各種細胞由来のｃＤＮＡライブラリーにおいて出現する頻度を調べることによって、各ＧＳに対応する遺伝子（ｍＲＮＡ）の各細胞における発現の状態を知ることが可能となった。逆に言えば、各ＧＳは対応する遺伝子（ｍＲＮＡ）の各細胞における発現状態に関する情報（以下発現情報と称する）が既に付加している特異的なプローブ、プライマーとして、産業上有用であるといえる。例えば、「あるＧＳは組織Ａ由来のｃＤＮＡライブラリーのみで出現頻度が高い。即ち、該ＧＳに対応する遺伝子は組織Ａのみで特異的に発現している。」ことが判明している場合は、該ＧＳをプローブ、プライマーとして用いて対応する全長ｃＤＮＡを常法によってクローニングすることによって、組織特異的に発現している遺伝子全長をクローニングすることができる。また例えば、「あるＧＳは組織Ｂ由来のｃＤＮＡライブラリーでは出現頻度が低い。即ち、該ＧＳに対応する遺伝子は組織Ｂでは発現頻度が低い。」ことが判明している場合において、該ＧＳをプローブ、プライマーとして用いて患者由来の被験組織Ｂの該ＧＳに対応する遺伝子の発現レベルを調べた際、該遺伝子の発現レベルが非常に高くなっていた場合、疾病の原因遺伝子は該ＧＳが対応する遺伝子であると強く推定されることになり、疾病原因遺伝子を見いだすことができる。そして、該ＧＳをプローブ、プライマーとして用いて対応する全長ｃＤＮＡを常法によってクローニングし、疾病原因遺伝子を取得し、その全貌を解明することができる。

即ち、本願発明のＤＮＡは、疾病を診断するためのプローブ・プライマー、疾

病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニングするためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

なお、１つのＧＳは１つのｍＲＮＡに対応するものであるが、各ｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡのいずれの部分でも対応する各ＧＳと同じ「発現情報」が付加されているものであることは明らかである。従って、本願発明のＤＮＡは「ＧＳ自体もしくはその一部を含むＤＮＡ」に限定されるものではなく、たとえば、「各ｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡの全長」「各ｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡにおいてＧＳを含まない部分もしくはその一部」等もＧＳと同じ「発現情報」を有するプローブ、プライマーなどとして、ＧＳと全く同様に利用できるものであり、本願発明に包含される。なお、ＧＳまたはその一部をプローブ、プライマーとして用いれば、たとえば、「各ｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡの全長」「各ｍＲＮＡに相補的なｃＤＮＡにおいてＧＳを含まない部分もしくはその一部」を当業者が容易に取得できることは明らかである。例えば、後で述べる「5'RACE」「ネスティング」「インバースＰＣＲ」などの周知の技術が利用できる。

本願発明のＧＳを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。表１～表２１９に示すように、前述の方法により、各組織におけるＧＳの出現頻度を調べ、各組織毎のＧＳの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のｃＤＮＡライブラリーに特異的に存在するＧＳを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するＧＳや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するＧＳも識別することができる。これらのＧＳを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。１枚のフィルターに多数のＧＳを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、１枚のフィルターに多数の変性したＤＮＡを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックＤＮＡのコスミドコンティグを１枚のナイロンフィ

ルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane　宝酒造 Code No.9035 」などが知られている。特定の組織に特異的なＧＳを組織毎にまとめたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するＧＳをまとめたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するＧＳをまとめたフィルターなどを作成することができる。これらのフィルターに固定した一本鎖ＧＳに対して、被験組織から抽出したｍＲＮＡを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む４種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。（ｍＲＮＡを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）また、別に、正常組織から抽出したｍＲＮＡを鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。（ｍＲＮＡを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）予め、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンとを比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどのような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾病の検出と同様に検出することができる。

次に、本願発明のＧＳを用いて、疾病の原因遺伝子または関連遺伝子などの遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、ＧＳを変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、そのＧＳが病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的なＧＳのみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違しているＧＳが見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応するＧＳをまとめたフィルターを用いれば、本来

はこれらのＧＳに対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応するＧＳを容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応するＧＳを見出せば、該ＧＳをプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該ＧＳをプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

更に、ＧＳをプローブ・プラーマーとして遺伝子全長をクローニングする方法を具体的に説明する。なお本願発明のクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質の産生に好適である。常法に従い、組織からｍＲＮＡを抽出し、ｃＤＮＡライブラリーを作成する（Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, Section 8 (New York; Cold Spring Harbor Laboratory)参照）。その際、目的遺伝子が高発現している組織からｍＲＮＡを抽出することが望ましい。作成したｃＤＮＡライブラリーから目的遺伝子を選別するには、例えば、ＧＳの全部または一部をプローブとしてハイブリダイゼーションを行い、ポシティブクローンを選択する方法がある。一般に、ＧＳは特定のｍＲＮＡに特異的なものであるから、ハイブリダイゼーションはストリンジェントな条件で行うことができる。プローブは少なくとも２５塩基以上、好ましくは５０塩基以上、より好ましくは１００塩基以上の長さを有していることが望ましい。

なお、目的遺伝子に対応するｃＤＮＡが濃縮されたｃＤＮＡライブラリーを作成すれば、目的遺伝子の選別に好適である。一つの方法として、目的遺伝子に対応する変性したＧＳを樹脂などに固定したアフィニティーカラムを作成し、組織から抽出したｍＲＮＡを該カラムに通すことによって目的遺伝子に対応するｍＲＮＡを該カラムに特異的に捕捉し、捕捉された該ｍＲＮＡを溶出することによって該ｍＲＮＡを濃縮し、濃縮された該ｍＲＮＡを鋳型にｃＤＮＡライブラリーを作成する方法があげられる。また、別の方法として、ＰＣＲ法によって目的遺伝子に対応するｃＤＮＡを特異的に増幅する方法があげられる。目的遺伝子の特異的な増幅は、例えば以下のように行う。目的遺伝子の３’側に位置するＧＳの一

部からなるプライマーを用いて、「逆転写酵素」「４種のヌクレオチド」などによってｍＲＮＡからｃＤＮＡを合成する。得られた一本鎖ｃＤＮＡの３’側に、「ターミナルデオキシリボヌクレオチドトランスフェラーゼ（ＴｄＴ）」の作用でポリＴなどのホモポリマーを付加する。更に「ホモポリマーと相補的なプライマー」および「先の逆転写反応に用いたプライマー、または該プライマーと同一のＧＳに含まれ該プライマーよりもＧＳの５’側に位置するプライマー」を用いてＰＣＲによる増幅を行い、目的遺伝子に対応するｃＤＮＡを特異的に増幅することができる（5'RACE(5' Rapid Amplification of cDNA ends):PNAS,Vol.85,pp.8998-9002(1988)、Nucleic Acids Res.,Vol.17, pp.2919-2932(1989) 参照）。なお、ホモポリマーを付加する代りに、「Ｔ４ＤＮＡライゲース」を用いて一本鎖ＤＮＡからなるアンカーＤＮＡを一本鎖ｃＤＮＡの３’末端に接続し、該アンカーＤＮＡに相補的なプライマーを用いてＰＣＲ法によりＤＮＡを増幅する方法もある（Nucleic Acids Res.,Vol.19,pp.5227-5232(1991)）。プライマーは少なくとも１３塩基以上、好ましくは１５塩基以上、更に好ましくは１８塩基以上の長さを有していることが望ましい。また、サイクリング反応における熱変性の効率を高めるため、好ましくは５０塩基以下更に好ましくは３０塩基以下の長さであることが望ましい。増幅されたＤＮＡをベクターに接続すれば「目的遺伝子が濃縮されたｃＤＮＡライブラリー」が作成される。

なお、上記ＰＣＲ産物から直接に目的遺伝子に対応するｃＤＮＡをクローニングすることも可能である。即ち、上記ＰＣＲ産物をゲル電気泳動等で分離し、変性したＧＳをプローブとしたサザンブロティングを行い、ＧＳが特異的にハイブリダイズするバンドが存在するかどうか確認する。ハイブリダイズするバンドが存在すれば、該バンドを切り出しＤＮＡを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するｃＤＮＡがクローニングされている可能性が高い。

前述の如くＰＣＲ法によって増幅した目的遺伝子を更に特異的に増幅するために、はじめのＰＣＲ産物に対して、どちらか一方のプライマーまたは両方のプライマーを先に使用したプライマーの内側のプライマーに変えて、第２回目のＰＣ

R（ネスティング:nesting）を行ってもよい（Journal of Virology, Vol.64, P.864(1990)）。その際、第１回目のＰＣＲ反応産物全体に対してネスティングを行ってもよいし、第１回目のＰＣＲ反応産物に対するＧＳをプローブとしたサザンブロティングによって、ＧＳが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出し、抽出したＤＮＡ断片に対しネスティングを行ってもよい。ネスティングによる産物に対する変性したＧＳをプローブとしたサザンブロティングを行い、ＧＳが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出しＤＮＡを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するｃＤＮＡがクローニングされている可能性が高い。

ここで、前述の如くクローニングされた目的遺伝子に対応するｃＤＮＡは、ｍＲＮＡの全長に対応するｃＤＮＡであることもあるが、5’側の欠失したｃＤＮＡであることもありうる。5’側が欠失している場合は、必要に応じて常法により容易に全長ｃＤＮＡをクローニングすることができる。例えば、「クローニングしたｃＤＮＡの5’側に位置する塩基配列からなるプローブ」を用いてｃＤＮＡライブラリーをスクリーニングすれば、ＧＳをプローブとしたときよりもプローブの位置が全長ｃＤＮＡの5’側にずれているので、より長いｃＤＮＡのみをポシティブクローンとして選択することができる。また、「クローニングしたｃＤＮＡの5’側に位置する塩基配列からなるプライマー」を用いてｍＲＮＡを鋳型にｃＤＮＡを合成した後に、前述の5’ＲＡＣＥ法で説明した如く、「該プライマーまたは該プライマーの内側のプライマー」と「ホモポリマーまたはアンカーと相補的なプライマー」とを用いて「5’側にホモポリマーまたはアンカーを有する一本鎖ｃＤＮＡ」に対してＰＣＲ増幅を行えば、ＧＳをプライマーとしたときよりもプライマーの位置が全長ｃＤＮＡの5’側にずれているので、ｃＤＮＡの5’側のみを選択的に増幅できる。もし、取得したｃＤＮＡがなお5’が欠失していた場合でも、この操作を繰り返せば長大なｃＤＮＡの全長をカバーするｃＤＮＡ断片群が取得できる。なお、オーバーラップ部分を有するｃＤＮＡ群を接続して全長ｃＤＮＡを取得することは、当業者が容易に実施できる。

また、インバースＰＣＲ（Inverse PCR:Genetics, Vol.120, p.621(1988)、Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, 14.12-14.13(New York; Cold Spring Harbor Laboratory)）を行えば、ＧＳの外側に延びるｃＤＮＡ、ジェノミックＤＮＡの領域をクローニングすることができる。即ち、標的ＤＮＡ（ジェノミックＤＮＡまたはｃＤＮＡ）を約２～３ｋｂ以下の長さに制限酵素等で切断し、切断部位をライゲーションして環化する。該ＤＮＡに対し、「ＧＳ自体またはＧＳをプローブ、プライマーとしてクローニングしたｃＤＮＡに相補的で、ＤＮＡ合成が相手側のプライマーが存在する方向とは反対方向に（外向きに）進行するようなプライマーのセット」を用いてＰＣＲ反応を行うことによって、ＧＳの外側に延びるＤＮＡの領域を増幅することができる。この方法を繰り返すことによって、目的遺伝子の全長ゲノムＤＮＡをクローニングする方法（Nucleic Acids Res., Vol.16, p.8186(1988)）も知られている。

なお、上記ＰＣＲ反応においては通常「Ｔａｑポリメラーゼ」が使用されるが、「ＬＡＰＣＲ（long and accurate PCR）」技術（Nature Genet., Vol.7,p350-351(1994)、Nature, Vol.369,684-685(1994)）を用いることによって、より効率よくクローニングを行うことができる。

なお、得られた全長遺伝子を適当な発現ベクターに接続して、適当な宿主中で発現させれば、対応する遺伝子産物が得られることはいうまでもない（Molecular Cloning, 2nd ed.）。

次に、本願発明のＧＳを用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。表１～表２１９に示すように、前述の方法により、各組織におけるＧＳの出現頻度を調べ、各組織毎のＧＳの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のｃＤＮＡライブラリーに特異的に存在するＧＳを見出すことができる。これらの「組織特異的ＧＳ」をフィルターに固定する。各組織に特異的なＧＳをまとめてブロック化して固定すれば便利である（例えば、肝細胞特異的なＧＳのブロック、大脳皮質細胞特異的なＧＳのブロックなど。）。このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したｍＲＮＡを鋳型に「ランダムプライマ

ー」、「標識したヌクレオチドを含む４種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる（ｍＲＮＡを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）。組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なＧＳ群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的ＧＳ」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該ＧＳをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5’上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

ここで得られる組織特異的プロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で（大半は強い強度が要求される）発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。ＧＳが提供する組織特異的プロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

次に上記のごとく得たＧＳに基づくプローブを利用して、本願発明のＧＳに対応するＤＮＡを染色体にマップする方法について説明する。

初めに、サザンブロッティングによる方法について説明する。

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞（例えばＧＭ０１３０ｂ）から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル（ｍｏｎｏｃｈｒｏｍｏｓｏｍａｌ　ｈｙｂｒｉｄ　ｃｅｌｌ）を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからＤＮＡを抽出し、これらのＤＮＡを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかける。次に上述のごとく作成

した^{32}Pで標識したＧＳをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動したＤＮＡとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのＤＮＡにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のＧＳに対応するＤＮＡが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のＧＳをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムＤＮＡを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のＧＳに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のＤＮＡがヒトゲノムＤＮＡに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムＤＮＡに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトｃＤＮＡ、ヒトｍＲＮＡに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

また、同様に、ＰＣＲ法を用いることにより、本願発明のＧＳがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

すなわち、ＧＳの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア　ＯＬＩＧＯ４．０（Ｎａｔｉｏｎａｌ　Ｂｉｏｓｃｉｅｎｃｅｓ社製）により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド（２０～２４ｍｅｒ）を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてＰＣＲ法で増幅される部分の長さは５０ｍｅｒから１００ｍｅｒ程度が望ましい。

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体ＤＮＡを抽出したＤＮＡをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のＰＣＲ法により増幅する。ＰＣＲ産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該ＰＣＲ産物の長さの確認を行う。

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムＤＮＡを鋳型として正しい長さを有するＰＣＲ産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するＧＳがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

以上の操作から、本願発明の各ＧＳに対応するＤＮＡが、どの染色体に存在す

るかを確認できることが判明した。各々のＧＳを増幅するプライマーを用いたＰＣＲ法をヒト全ゲノムＤＮＡを対象に行っても各々のＧＳに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のＤＮＡがヒトゲノムＤＮＡに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムＤＮＡに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトｃＤＮＡ、ヒトｍＲＮＡに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

図面の簡単な説明

図１は、３’ＭｂｏＩ ｃＤＮＡライブラリーの作成を示す図である。

図２は、プライマーの試験を示した図である。図中、Ａは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Ｂはプライマーにより増幅したＤＮＡ断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

レーン１；ＦＷ（－４０）／ＲＶ（－１４）

レーン２；ＦＷ（－４０）／ＲＶ（－３６）

レーン３；ＦＷ（－４０）／ＲＶ（－７１）

レーン４；ＦＷ（－４０）／ＲＶ（－２９）

レーン５；ＦＷ（－４７）／ＲＶ（－４８）

アーティファクトは、矢印で示してある。

図３は、ＳＷ（－４０）及びＲＶ（－１４）を用いたＰＣＲを示した図である。図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはＳＷ（－４０）／ＲＶ（－１４）を用いたＰＣＲ産物を電気泳動したパターンを示す。

図４は、ｃＤＮＡライブラリー内の各ＧＳの出現頻度へのｍＲＮＡ濃度の反映を示す図である。特に、図４Ａ～図４Ｄは結果を示し、図４Ｆはその要約である。図４Ｅはコロニーの写真である。

図５は、３’領域ＨｅｐＧ２ｃＤＮＡライブラリーにおける種々のｃＤＮＡ種の検索頻度を示す図である。

図６は、ＰＣＲを用いた各ＧＳ（gs）のマッピングを示す図である。

図７は、ＰＣＲを用いた各ＧＳ（gs）のマッピングを示す図である。

図８は、ＰＣＲを用いた各ＧＳ（gs）のマッピングを示す図である。

図９は、ＰＣＲを用いた各ＧＳ（gs）のマッピングを示す図である。

図１０は、ＰＣＲを用いた各ＧＳ（gs）のマッピングを示す図である。

図１１は、ＧＳ００１４１８（gs001418）のＰＣＲによる染色体へのマッピングを示す図である。

図１２は、ＧＳ００１４５７（gs001457）のＰＣＲによる染色体へのマッピングを示す図である。

図１３は、ＧＳをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図１４は、ＧＳをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図１５は、サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図である。

図１６は、ＧＳ０００１５２（クローンｓ１４ｇ０２）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図１７は、ＧＳ０００４１（クローンｓ６５０）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図１８は、ＧＳ０００１８１（クローンｈｍ０１ｅ０１）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図１９は、ＧＳ０００５５（クローンｃ１３ａ１８）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図２０は、ＧＳ０００１８０（クローンｓ４７９）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図２１は、ＧＳ０００９４（クローンｓ１７３）をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図２２は、ｊｕｎｋ（クローンｈｍ０１ｇ０２）をプローブとしたハイブリッ

ドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図２３は、サザンブロッティング法による各ＧＳの染色体へのマッピングを示す図である。図中、ＥはＥｃｏＲＩ を、ＢａはＢａｍＨＩ を、ＢｇはＢｇｌＩＩを示す。Ｅ／ＢはＥｃｏＲＩ とＢａｍＨＩ の二重切断を示す。

図２４は、サザンブロッティング法による各ＧＳの染色体へのマッピングを示す図である。図中、ＥはＥｃｏＲＩ を、ＢａはＢａｍＨＩ を、ＢｇはＢｇｌＩＩを示す。Ｅ／ＢはＥｃｏＲＩ とＢａｍＨＩ の二重切断を示す。

図２５は、サザンブロッティング法による各ＧＳの染色体へのマッピングを示す図である。図中、ＥはＥｃｏＲＩ を、ＢａはＢａｍＨＩ を、ＢｇはＢｇｌＩＩを示す。Ｅ／ＢはＥｃｏＲＩ とＢａｍＨＩ の二重切断を示す。

図２６は、サザンブロッティング法による各ＧＳの染色体へのマッピングを示す図である。図中、ＥはＥｃｏＲＩ を、ＢａはＢａｍＨＩ を、ＢｇはＢｇｌＩＩを示す。Ｅ／ＢはＥｃｏＲＩ とＢａｍＨＩ の二重切断を示す。

発明を実施するための最良の形態

以下、本願発明の好適な実施例について説明する。なお、本願発明は、この実施例に拘束されるものではない。

［実施例１］

ｍＲＮＡの標品調製

標準的な手法（Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed.(New York: Cold Spring Harbor Laboratory),vol 1, pp.7.3-7.36, 1989 ）により、肝臓癌細胞系ＨｅｐＧ２（Aden et al., Nature 282 , 615-617, 1979 ）から、細胞質ＲＮＡを抽出した。すなわち、１０％のＦＣＳを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したＨｅｐＧ２細胞を、ＲＮＡ抽出緩衝液［０．１４ＭＮａＣｌ、１．５ｍＭＭｇＣｌ$_2$、１０ｍＭＴｒｉｓ-ＨＣｌ（ｐＨ８．６）、０．５％ＮＰ-４０、１ｍＭＤＴＴ、１０００単位／ｍｌＲＮａｓｅ阻害剤（Ｐｈａｒｍａｃｉａ）］中で、ボルテックスミキサーを３０秒間使用して溶解させ、その後５

分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、９０秒間、１２，０００ｇの遠心分離により沈澱させ、上清をプロテイナーゼＫで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでＲＮＡは、イソプロパノールを使用して沈澱させ、７０％のエタノールで洗浄した。最後にオリゴｄＴカラム分別法（Aviv et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 69, 1408-1412, 1972）を用いてポリＡ$^+$画分を収集した。

［実施例２］

ベクタープライマーＤＮＡの調製とｃＤＮＡライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、ＪＭ１０９細胞（Yanisch-Perron et al., Gene 33, 103-119, 1985）内で増幅したｐＵＣ１９ＤＮＡをＰｓｔＩで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ（Ｐｈａｒｍａｃｉａ）によってポリＴテールを添加して、その平均の長さを２６にした。このプロセスは、^{3}Ｈデオキシチミジン三リン酸（Okayama et al., Methods in Engymology (San Diego:Academic Press), vol. 154 ,pp.3-28,1987）の取り込みにより調べられた。生成物はＨｉｎｃＩＩによって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファロースＳ－３００のクロマトグラフィーによって除去した。次に、Ｔテールを有するプラスミドをオリゴｄＡカラムによって精製し、１μｇ／μｌの濃度で、５０％エタノール中に保存した。

図１は、ｃＤＮＡライブラリーの作成の概要を示している。各２μｇの細胞質ポリＡ$^+$ ＲＮＡ及びベクタープライマーＤＮＡを、０．３Ｍ酢酸ナトリウムを含有する７０％エタノール中で共沈させ、沈殿物を１２μｌの蒸溜水中で溶解した。第１鎖合成のため１０分間７６℃で加熱変性した後、５×反応緩衝液を４μｌ［２５０ｍＭTris-HCl (pH8.3), ３７５ｍＭＫＣｌ、１５ｍＭＭｇＣｌ$_2$］、０．１ＭＤＴＴを２μｌ、並びに、それぞれ１０ｍＭのｄＡＴＰ、ｄＣＴＰ、ｄＧＴＰ及びｄＴＴＰを１μｌずつ、３７℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、２００単位の逆転写酵素ＭＭＬＶ－Ｈ－ＲＴ（ＢＲＬ）を添加し、３７℃で３０分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第２鎖の合成では、この反応液に９２μｌの蒸溜水、３２μｌの５×Ｅ．ｃｏｌ

i反応緩衝液［１００mMTris-HCl(pH7.5)、２０mM$MgCl_2$、５０mM$(NH_4)_2SO_4$、５００mMKCl、２５０μg／mlBSA、７５０μMβNAD］に、それぞれ１０mMで３μlのｄＡＴＰ、ｄＣＴＰ、ｄＧＴＰ及びｄＴＴＰ、１５単位のＥ．ｃｏｌｉリガーゼ（Ｐｈａｒｍａｃｉａ）、４０単位のＥ．ｃｏｌｉポリメラーゼ（Ｐｈａｒｍａｃｉａ）並びに１．５単位のＥ．ｃｏｌｉＲＮａｓｅ　Ｈ（Ｐｈａｒｍａｃｉａ）を添加し、これを１６℃で2時間インキュベートした。反応混合物を、６５℃で１５分間加熱後、それぞれ２０単位のＢａｍＨＩ及びＭｂｏＩを添加し、３７℃で１時間インキュベートした。再度６５℃で３０分間加熱した後、１×Ｅ．ｃｏｌｉ反応緩衝液で１ｍｌに希釈し、１００単位のＥ．ｃｏｌｉリガーゼを添加した。得られた混合物は、１６℃で一晩インキュベートし、この反応物を用いて、Ｅ．ｃｏｌｉＤＨ５のコンピテント細胞（Ｔｏｙｏｂｏ）を形質転換した。形質転換細胞は、アンピシリン耐性に従って選択した。その結果、「3’ＭｂｏＩ　ｃＤＮＡライブラリー」が作成された。

［実施例３］

ｃＤＮＡインサートのＰＣＲによる増幅

プラスミドを有するＥ．ｃｏｌｉコロニーを、１２５μｌのＬＢ培地（Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York:Laboratory), 1980 ）が入った９６穴のプレートに接種し、３７℃のチャンバー内で２４時間培養した。９６穴用ピン式レプリカ培養装置（Ｓｉｇｍａ）を使用して各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを作製し－８０℃で保存した。一晩３７℃で培養した後、これらレプリカの各ウエルから５０μｌの培養菌液を、ポリカーボネート９６穴プレート（Ｔｅｃｈｎｅ）に移した。細菌は、Ｏｍｎｉｓｐｉｎ　Ｈ４２１１ローター（Ｓｏｒｖａｌｌ）により、１５００ｒｐｍの回転速度で５分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を５０μｌの水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、９５℃、３０分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを３６０

０ｒｐｍの回転速度で３０分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。

５μｌの上清を２０μｌの蒸溜水に添加し、ミネラルオイル層下で１０分間、９５℃で保温した。次に、変性された分離物は、７０℃で各プライマー５ｐｍｏｌ、それぞれ５ｎｍｏｌのｄＡＴＰ、ｄＣＴＰ、ｄＧＴＰ及びｄＴＴＰ、並びに１．２５単位のＴａｑＤＮＡポリメラーゼ（Ｃｅｔｕｓ）を含む、２５μｌの２×反応混合物［４０ｍＭＴｒｉｓ－ＨＣＬ（２３℃でｐＨ８．９）、３ｍＭＭｇCl_2、５０ｍＭＫＣｌ、２００μｇゼラチン／ｍｌ］を７０℃で加えて、ＰＣＲに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ（ＰＪ１０００、Ｐｅｒｋｉｎ　Ｅｌｍｅｒ　Ｃｅｔｕｓ）か９６穴プレート（ＰＨＣ－３、Ｔｅｃｈｎｅ）のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ９６℃で３０秒、５５℃で１分間、７２℃で２分間を３５サイクル繰り返した。

なお、この方法では、ＰＣＲ反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測Ｔｍが６０℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

即ち、市販されている２４ｍｅｒプライマーと同じプライマーであるＦＷ（－４７）及びＲＶ（－４８）のプライマーの組；塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー（２１ｍｅｒ）であるＦＷ（－４０）とＲＶ（－２９）のプライマーの組；さらに3’末端におけるトリプレットの配列がＦＷ（－４０）の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーであるＲＶ（－７１）及びＲＶ（－１４）プライマーが試験された（図２Ａ）。

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した（図２Ｂ，アーティファクト生成物は矢印で示した）。これらのアーティファクトは、プライマー濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

しかし、ＳＷ（－４０）及びＲＶ（－１４）の組からは、アーティファクトが生成されなかった（図３）。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可能な結果が得られることが判明した。任意に抽出したｃＤＮＡクローンでも同様の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全てＳＷ（－４０）及びＲＶ（－１４）の組を用いた。

［実施例４］

ＤＮＡ塩基配列決定

ＰＣＲ反応生成物を、撹拌しながら、ミリポアフィルター（ＶＳ０．０２５μｍ）により、ＴＥ（１０ｍＭＴｒｉｓ・ＨＣｌ(pH8.0)、１ｍＭＥＤＴＡ）に対して９０分間滴下透析した。直径１５０ｍｍのフィルター１個で、４８個のサンプルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマーを使用して、サイクルシークエンスプロトコール（Ａｐｐｌｉｅｄ　Ｂｉｏｓｙｓｔｅｍｓ、１９９１）に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシシチジン塩基配列決定反応では、２μｌの透析後のＰＣＲ反応生成物（約０．２ｐｍｏｌの鋳型ＤＮＡ）を、０．４ｐｍｏｌのＦＡＭ　Ｍ１３（－２１）プライマー（Ａｐｐｌｉｅｄ　Ｂｉｏｓｙｓｔｅｍｓ）Ｔｒｉｓ-ＨＣｌ（１６０ｍＭ，ｐＨ８．９）溶液に、４０ｍＭ $(NH_4)_2SO_4$、１０ｍＭＭｇCl_2、５０μＭｄＡＴＰ、１２．５μＭｄＣＴＰ、７５μＭ７－ｄｅａｚａ－ｄＧＴＰ（Ｂｏｅｈｒｉｎｇｅｒ　Ｍａｎｎｈｅｉｍ　Ｂｉｏｃｈｅｍｉｃａｌｓ）、５０μＭｄＴＴＰ、２５μＭｄｄＣＴＰ及び０．８単位のＴａｑポリメラーゼ（Ｐｅｒｋｉｎ　Ｅｌｍｅｒ　Ｃｅｔｕｓ）を含む３μｌの反応混合物に加え、サーモサイクラー（ＰＨＣ－３、Ｔｅｃｈｎｅ）を使用して、１５＋１５（９５℃３０秒、６０℃１秒、７０℃１分及び９５℃３０秒、７０℃１分）の反応サイクルを行った。他の３種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオキシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、基本的に同じやり方で並行して行った（ＴＭＲＡ、ＪＯＥおよびＲＯＸの各プライマーは、それぞれ

Ａｐｐｌｉｅｄ　Ｂｉｏｓｙｓｔｅｍｓによって提供された）。４サンプルのセットを４℃まで冷却し、プールした後に、エタノールで沈澱させ、ホルムアミド／５０ｍＭＥＤＴＡ（Ｖ／Ｖで５／１）の溶液６μｌ中に懸濁させ、シークエンスゲルにロードし、ＤＮＡオートシークエンサー（モデル３７３Ａ　ｖｅｒ　１．０．１，Ａｐｐｌｉｅｄ　Ｂｉｏｓｙｓｔｅｍｓ）で解析した。

［実施例５］

ｃＤＮＡライブラリー内の各ＧＳの出現頻度へのｍＲＮＡ濃度の反映

３’領域ｃＤＮＡライブラリーが、ＨｅｐＧ２細胞中のｍＲＮＡ集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為のｃＤＮＡの選別によって重複してクローニングされたクラスから４つのｃＤＮＡクローン（ＥＰ－１α、α－１－アンチトリプシン、ｈｎＲＮＰコアタンパク質Ａ１及びインター－α－トリプシンインヒビター）のインサートを放射標識し、これらをＨｅｐＧ２細胞からのポリＡ$^{+}$ｍＲＮＡのノザン解析におけるプローブとして使用した（結果は、図４Ａ－Ｄに示され、Ｆに要約されている。）。４つのｍＲＮＡ種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々５２、２４、１及び１．２（Ｆのレーンｉｉｉ）であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、８，８００クローンから成る同じｃＤＮＡライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した（図４Ｅ）。

クローンの頻度は、３０７、１２８、７及び９で、即ち、相対比率は、それぞれ、４４、１７、１及び１．３であった（ｆ内のレーンｉｖ）。これら２種類の推定値は一致し、このｃＤＮＡライブラリーがｍＲＮＡ集団の分布に偏りのない標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したｍＲＮＡの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

なお図４は、３’指向ｃＤＮＡライブラリー中のｃＤＮＡクローンの出現頻度とｍＲＮＡの組成の一致を示す図である。そのうち図４ＡはＨｅｐＧ２細胞から得られた２μｇのポリＡ$^{+}$ＲＮＡを、エチジウムブロマイド（５μｇ／ｍｌ）を含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン１－４で電気泳動にかけたものに

ＵＶ照射し写真撮影した図である。レーン５は、サイズマーカー（Ｋｂ）として使用したＲＮＡラダー（ＢＲＬ）を示したものである。図４Ｂは以下の^{32}Ｐ標識の３’特異的ｃＤＮＡプローブを使用して、ノザンブロットを行った結果である。各レーンにはＥＦ－１α（レーン１）、α１－アンチトリプシン（レーン２）、ＨｎＲＮＰコアプロテインＡ１（レーン３）、インター－α－トリプシン・インヒビター（レーン４）がロードされている。また図４Ｃは２％アガロースゲル中で、非標識のｃＤＮＡ断片、即ち、延長因子－１α（レーン１）、α１－アンチトリプシン（レーン２）、ＨｎＲＮＰコアプロテインＡ１（レーン３）、インター－α－トリプシンインヒビター（レーン４）をそれぞれ１ｐｍｏｌずつ電気泳動させ、写真撮影した図である。図４Ｄは同じ放射活性プローブセットを使用した、図４Ｃからブロットしたフィルターのサザン解析である。レーン５は、基準１ｋｂラダー（ＢＲＬ）の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普通記録を、Ｂに関しては８時間、Ｄに関しては１時間の時点で作成した。各バンドにおける放射能は、シンチスキャナー（β－６０３；　Ｂｅｔａｇｅｎ）で直接測定し、Ｆの第１行と第２行に記載した。観察されたバンドの強度は、図４Ｄのバンドの強度（Ｆの第２行の値）を基準として補正し、さらにプローブ３（ＨｎＲＮＰコアＡ１，レーン３）の値を１としてノーマライズした（Ｆの第３行の値）。これらの値は、ｍＲＮＡの元の標品の各ｍＲＮＡ種の相対的含有量を表している。図４Ｅは４つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、３’指向ｃＤＮＡライブラリーの８，８００コロニーが含まれている膜を用いたコロニーハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がＦの第４行に記載され、その値はプローブ３（ＨｎＲＮＰコアＡ１，レーン３）の値を１としてノーマライズした（Ｆの第５行の値）。なお図４のＢ、Ｄ及びＥ中の各数字は、（Ｆ）内の各プローブ番号を表している。図４Ｆにおいて、第３行の値と第５行の値すなわち（ｉｉｉ）と（ｖ）の間に顕著な一致が見られることがわかる。

［実施例６］

ｃＤＮＡライブラリーの構成比

ｃＤＮＡライブラリーの組成を更に解析するため、無作為のｃＤＮＡの選別によって重複してクーロニングされた配列グループ（グループＩ）と１回だけクローニングされた配列グループ（グループＩＩ）から、それぞれ７個と１０個のクローンを選択し、これらのインサートをコロニー・ハイブリダイゼーション用の放射標識プローブとして使用した（図６）。各々のグループＩプローブとハイブリダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プローブを含むｃＤＮＡがクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約３．５%～約０．１%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ５２%が１７３種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されていると推定された。一方、グループＩＩの中からの８プローブを試験した結果、スクリーニングされた２６，４００中に１８のポジティブ・コロニーが識別され、ハイブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は０．００７%であった。２つのプローブは、２６，４００個のコロニー中のいずれに対してもハイブリダイズせず、平均頻度は０．００４%未満となった。従って、グループＩＩの１０プローブとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループＩの最低頻度より数桁低い結果となった。

結果を図５にまとめた。3’領域ＨｅｐＧ２ｃＤＮＡライブラリーにおける種々のｃＤＮＡ種の出現頻度を示すものである。この図５において、７個のｃＤＮＡプローブ（ａ１５からｔｂ０４２）は重複してクローニングされたグループ（グループＩ）中の１６２のｃＤＮＡから、また、１０個のｃＤＮＡプローブ（ｓ１５５からｓ６３２）は一回だけクローニングされたグループ（グループＩＩ）中のｃＤＮＡから無作為に選ばれた。カラムＡ，ＢまたはＣについて、各ｃＤＮＡは放射標識し、９８２個（Ａ）、８、８００個（Ｂ）あるいは２６、４００個（Ｃ）のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプローブとして用いた。なお、ＮＴは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている１７個のクローンのＤＤＢＪエントリー名は、ＨＵＭ０００Ａ１５、ＨＵＭ０００Ｃ３２１、ＨＵＭ００ＴＢ０３８、ＨＵＭＨＭ０１Ｂ０２，ＨＵＭ０Ｃ

１３Ａ０４、ＨＵＭＨＭ０２Ｄ０２、ＨＵＭ００ＴＢ０４２、ＨＵＭ０００Ｓ１５５、ＨＵＭ０００Ｓ１５９、ＨＵＭ０００Ｓ６３９、ＨＵＭ０００Ｓ６３５、ＨＵＭ０００Ｓ１７０、ＨＵＭ０００Ｓ１５４、ＨＵＭ０００Ｓ１６７、ＨＵＭ０００Ｓ６４５、ＨＵＭ０００Ｓ６４７、ＨＵＭ０００Ｓ６３２である。

［実施例７］

塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをＰＣＲ法により増幅し、次いでＴａｑポリメラーゼを使用してサイクルシークエンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち６０のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から１～１００ｂｐにおける確度は９８．７％であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほどんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

［実施例８］

ＰＣＲを用いた各ＧＳのマッピング

＜ｃＤＮＡ配列＞

ｃＤＮＡライブラリーは、ＤＭＳＯ処理されたＨＬ６０細胞のｍＲＮＡから作製された。３’領域ｃＤＮＡライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例１～４に示した方法と同じである。

＜ＰＣＲプライマー＞

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアＯＬＩＧＯ４．０（ナショナルバイオサイエンス）で行われ、分子間もしくは分子内の２次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。ＤＮＡオリゴマー

は、４０ｎｍｏｌスケールで自動ＤＮＡ合成機（モデル３９４、Ａｐｐｌｉｅｄ Ｂｉｏｓｙｓｔｅｍｓ）によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでＰＣＲプライマーとして使用した。

＜ゲノムＤＮＡの調整＞

ヒトゲノムＤＮＡは正常な核型を有するリンパ芽球様細胞系ＧＭ０１３０ｂから採取した。

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムＤＮＡは、Ｃｌｏｎｔｅｃｈから購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常使用されている公知のものを用いた。即ち、第３，４，９，１１，１２，１３，１５及び２２染色体並びにＹ染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体ハイブリッド細胞に含まれていて、第１，２，５，６，７，８，１０，１１，１２，１４，１５，１６，１７，１８，１９，２０及び２１染色体並びにＸ染色体はヒトーマウス単一染色体ハイブリッド細胞Ａ９シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、ｉｎ ｓｉｔｕハイブリダイゼーションによって行った。

＜ＰＣＲによる増幅＞

ＰＣＲは、標準的なプロトコール（Saiki et al., Science 230 ,1350-1354, 1985）に従って行った。全量を２０μｌとし各１０ｐｍｏｌのプライマーを用い、Ｐｅｒｋｉｎ－Ｅｌｍｅｒ９６００サーマルサイクラーにより、９４℃で３０秒、アニーリング温度で６０秒、７２℃で９０秒、を３５サイクル行った。アニーリング温度はプログラムＯＬＩＧＯによって算出された“ｏｐｔｉｏｎａｌ ａｎｎｅａｌｉｎｇ ｔｅｍｐｅｒａｔｕｒｅ”によって決定した。

＜ＰＣＲ産物の分析＞

ＰＣＲ産物は３００Ｖで１時間、非変性８％ポリアクリルアミドゲル（アクリルアミド：ビスーアクリルアミド＝１９：１，厚さ１ｍｍ）で泳動し、続いて、０．２５μｇ／ｍｌエチジウムブロマイドを含んだ９０ｍＭ Ｔｒｉｓ－ホウ酸、２ｍＭ ＥＤＴＡ緩衝液に１５分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、

１０ｂｐのＤＮＡラダー（ＢＲＬ）と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機（ＦＭ－ＢＩＯ，ＨＩＴＡＣＨＩ　Ｓｏｆｔｗａｒｅ　Ｅｎｇｉｎｅｅｒｉｎｇ）を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

＜ＰＣＲ産物の分析結果＞

顆粒球様細胞から得られた3’領域ＤＮＡ中のＧＳののうち、ＧｅｎＢａｎｋ　Ｒｅｌｅａｓｅ７６にエントリーされている配列とマッチしなかったＧＳ１９５個を選び、次いでＰＣＲ用のプライマーを設計した。

この１９５セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムＤＮＡを鋳型としてＰＣＲ増幅を行った。１９５個のプライマーセットの中で、１９１個（９８％）は、予想したサイズと５ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図６～図１０にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

ＧＳ；ジーン・シグナチャー

ＣＮ；クローン名

Ｃｈｒｏｍｏｓｏｍａｌ　ｐｏｓｉｔｉｏｎ；各ＧＳがマップされた染色体番号

Ｓｅｑｕｅｎｃｅ　ｏｆ　ｐｒｉｍｅｒｓ；プライマーの配列（Ｓｅｎｃｅ；センス鎖，Ａｎｔｉ－ｓｅｎｃｅ；アンチセンス鎖）

ＡＴ；アニーリング温度

ＨＯ；全ヒトゲノムＤＮＡ（ヌクレオチド）を持つＰＣＲ産物の実際の塩基長

ＨＥ；全ヒトゲノムＤＮＡ（ヌクレオチド）を持つＰＣＲ産物の予想塩基長

ＭＯ；マウスゲノムＤＮＡ（ヌクレオチド）を持つＰＣＲ産物の塩基長

ＣＯ；チャイニーズハムスター・ゲノムＤＮＡ（ヌクレオチド）を持つＰＣＲ産物の塩基長

Ｇ　；顆粒細胞様細胞（ＤＭＳＯ処理ＨＬ６０）のｃＤＮＡライブラリーにおける１０００個のクローン分析後のＧＳのヒット数

Ｔ　；ＤＭＳＯあるいはＴＰＡによる誘導の有る無しのＨＬ６０細胞の３つの

ｃＤＮＡライブラリーから得られた全３０００個のクローン分析後のＧＳの総ヒット数

疑問符号（“？”）は、ＰＣＲ産物が明白なバンドを生じないことを表す。

“M”及び“C”は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのＤＮＡを鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

ｃＤＮＡ配列から無差別にＰＣＲの鋳型となるサンプルを選んでも、ＰＣＲの全般的成功率は１９１／１９５（９８%）であったことから、この実験で使用したｃＤＮＡライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、ｃＤＮＡ配列中のイントロンの存在によって生じるＰＣＲ失敗の可能性は、ＧＳを用いて実験する場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のｐｏｌｙＡに近い3’領域にはほとんど存在しないからである（Wilcox et al., Nucleic. Acids Res.19, 1837-1843, 1991）。このことは、ランダムプライマーによるｃＤＮＡライブラリー（Adams et al., Science, 252, 1651-1656, 1991）あるいは5’領域ｃＤＮＡライブラリーから得られた断片的なｃＤＮＡ塩基配列の利用と比較しても、非常に有利である。

＜ＧＳの染色体へのマッピング＞

ヒトの全ＤＮＡからのＰＣＲ産物を生成した１９１個のプライマー対は、単一染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってｃＤＮＡの部分配列がいずれの染色体に存在するかを知るために用いられた。少なくとも１１９個は１つの染色体にマップされることが判明した。一例として、図１１に示されているＧＳ００１４１８は第３番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割り当てられた。一例としてＧＳ００１４５７のパターンが図１２に示されている。６２個（３３%）のクローンが２つ以上の異なった染色体で期待通りのＰＣＲ産物を生成した。３５例（１８%）では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムＤＮＡと区別がつかない大きさのＰＣＲ産物を生成した。これらのうち２１のクロー

ンは、マウスやチャイニーズハムスターのＤＮＡと区別のつかない産物を生成した。１０のＧＳは、ヒトの全ゲノムＤＮＡからの予期されたＰＣＲ産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルＤＮＡによる期待のＰＣＲ産物は生成しなかった。この１０のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。ＨｅｐＧ２ｃＤＮＡライブラリーから得られた５つのクローンについては、サザンブロット分析でも解析された。５つのクローンのうち４つはＰＣＲの結果と一致した（ＧＳ０００５３，ＧＳ０００１２０，ＧＳ０００２７１，ＧＳ０００２７９）。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらＹ染色体に割り当てられた１つのクローン（ＧＳ０００２２８）は、ＰＣＲによって第１１染色体にマップされた。

［実施例９］

サザンブロッティング法を用いた各ＧＳのマッピング

＜細胞株＞

全ヒトゲノムＤＮＡはヒトの正常の核型のリンパ芽球状細胞株GM0130b より単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図１５に示した。Koi ら (Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989) により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-y は鳥取大医学部のM.Oshimura 博士により名付けられ、３世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS) の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞をビオチン化したヒト全ＤＮＡをプローブにしたin situ ハイブリダイゼーション (Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Genet.11, 571-577, 1985) により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11,12,15染色体は各細胞株A9(neo-11)-1,A9(neo-12)-4,A9(neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927A,GM1

0868,GM11418によるものもある。

＜ゲノムＤＮＡの単離とサザンブロッティング＞

高分子量ＤＮＡは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム(SDS) とプロテネースＫを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。ＤＮＡは制限酵素EcoRI,BamHI,BglII の内の２つを組み合わせて一晩切断し、そのうちの約５μｇを0.8%アガロスゲル中で電気泳動し、ハイボンドＮ＋メンブレン(Amersham)に0.4N水酸化ナトリウムでトランスファーした。メンブレンは2xSSC 中で濯ぎ、4 ℃で保存した。

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。それらのクローンのcDNAの挿入部分をＰＣＲで増幅した。ＰＣＲ産物は2%低融点アガロース（ヌーシブ：シープラーク、３：１）中の電気泳動により分離した後切り出した。アガロースはゲルを65℃で溶かして、ベーターアガラーゼI(Bio Labs) を用い40℃１時間で消化して除いた。プローブは市販のキット(Amersham)を用いたランダムプライミングにより[$\alpha-^{32}$P]dCTPで標識した。ハイブリダイゼーションは65℃で6xSSC,1xデンハルト溶液、0.5%SDS,超音波破砕をかけて変性させた0.1mg/mlのサケ精子ＤＮＡを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは2xSSC,0.1%SDS 中で65℃で30分間洗った後、0.1xSSC,0.1%SDS 中で65℃で30分間洗い、フジBAS-2000イメージアナライザーを用いて解析した。

＜ゲノムＤＮＡを用いた解析＞

実施例１、実施例２に記載した３’末端を持つHepG2 由来のｃＤＮＡライブラリーから公知でないＧＳ１６０クローンを選別しサザンブロットのプローブとして用いた。

ヒトの全ゲノムＤＮＡは正常の核型を持つGM0130b 細胞株より単離し、制限酵素EcoRI,BamHI,BglII 単独あるいはその組合せで切断した。プローブとして用いたＧＳクローンは３’末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ（Ａ）と最も近いMboI部位(GATC)の領域を含み(Okubo, K. et al., Nature Genetics. 2, 173-179, 1992)、BamHI,BglII 部位を持たない。加えて、平均の長さは270 塩

基対なのでcDNA部分にEcoRI 部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160クローンのうち 7クローンしかEcoRI 部位を持っていなかった。

切断したヒトのゲノムＤＮＡをトランスファーしたメンブレンを、放射標識したＧＳプローブでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコードする領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3’末端領域は一般に固有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションはそのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイブリダイゼーションの結果の例は図１３から図１４に示してある。クローンs503とs632（図１３のａ，ｂ；ｊｕｎｋ）は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67クローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、ＧＳ配列の制限酵素部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311（図１３のｃ；ＧＳ００００９２）はEcoRI 単独およびEcoRI+BamHI の切断ＤＮＡに対して単一のバンドを示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては２本の異なった大きさのバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するＧＳの解析が可能になった。同様の結果はクローンc13a08（図１３のｄ；ＧＳ００００５５）で得られた。このクローンではEcoRI 単独およびEcoRI+BamHI の切断ＤＮＡでは２本のバンド、EcoRI+BglII,BamHI+BglII では４本のバンドがみられた。一方、クローンs479ではEcoRI 単独では４本のバンドがみられたが、EcoRI+BglII,BamHI+BglII ではバンドの数が減少した（図１４のｅ；ＧＳ０００１８０）。これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数を明らかにするためには、いろいろな方法でＤＮＡを切断すべきであることを示している。我々の解析から41,10,7,19個のクローンが各々2,3,4,5 本以上のバンドを含むことが示された。クローンs14f01とtw1-46（図１４のｆ，ｇ；ＧＳ０００４０７とｊｕｎｋ）は各レーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI 部位は２つのＧＳ配列に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存在することを表していると考えられる。クローンkmb07 は厳しい条件でよく洗った後でもスメアーのパターンを示しており（図１４のｈ；ｊｕｎｋ）、このプロ

ーブはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。

＜染色体へのマッピング＞

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた（図１５）。13の細胞株はKoi ら（Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989 ）によって確立されたミクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMS より得た。ビオチン化した全ヒトＤＮＡを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図１５に示してある。

ＧＳはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。３種類のメンブレンを調製した。各々のメンブレンはハイブリッド細胞より調製したＤＮＡを持っており、EcoRI 単独、EcoRI+BamHI,BamHI+BglII で切断してある。これら３種類のメンブレンの中で、全ゲノムのサザンブロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各ＧＳプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図１６から図２２に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02（ＧＳ０００１５２；図１６）はEcoRI で切断した全ヒトＤＮＡで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(lane H)、それに対応するバンドはヒトの第４染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのＧＳは第４染色体上に位置する。

クローンs650（ＧＳ０００００４１；図１７）は、EcoRI+BamHI で切断したメンブレン上で特有の7.5kb のバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI 単独で切断したＤＮＡではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3,4,9,13,22 にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb) は、チャイニーズハムスター中の相同なＤＮＡ配列を表し、他のレーンの3.3kb のバンドはマウス中の相同なＤＮＡを表す。

クローンhm01e01(ＧＳ０００１８１；図１８）はEcoRI 単独で切断した全ヒトＤＮＡで２本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン１と２で見られた。

従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの２本の染色体上に位置している。

図１９はクローンc13a08（ＧＳ０００００５５）がBamHI+BglII あるいはEcoRI+BglII で切断した全ＤＮＡに対して４本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRI 単独あるいはEcoRI+BamHI で切断したヒトＤＮＡでは２本しかバンドはみられない。従って、BamHI とBglII とで切断したＤＮＡのパネルをこのクローンに用いた。２本のバンド(12.3kb,7.5kb)がレーン7 に見られ、5.2kb のバンドはレーン2 、3.2kb のバンドはレーン17に見られた。チャイニィーズハムスターＤＮＡとクロスハイブリダイズする2 本のバンド(6.0kb,3.8kb) はレーン3,4,9,13,22 にみられ、マウスのＤＮＡとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5kb) は他のレーンに見られた。

クローンs479（ＧＳ０００１８０；図２０）はEcoRI で切断した全ヒトＤＮＡに対し４本のバンドを示した。EcoRI で切断したＤＮＡのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5kbのバンドがレーン7,19に、8.5kb のバンドがレーン8 に、7.8kb のバンドがレーン11,12 に、3.5kb のバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7,8,11,12,19染色体中に分散している。この中で、10.5kbと7.8kb のバンドは2 つの大きさの重なったＤＮＡ断片よりなる。レーンＨにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常のバンドよりも濃い。レーンＨ中及びレーン11中の3.5kb のバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

クローンs173（ＧＳ０００００９４）はEcoRI で切断した全ＤＮＡで５本のバンドを示す（図２１）。４本のそれに対応した断片は4.5kb のバンドの一つをレーン1 に含んでいた。もう一つの4.5kb のバンドはレーン4 でみられ、レーンＨ中のバンドが重複していることを示している。さらに、濃い3.1kb のバンドがレーン17でみられた。

クローンhm01g02（ｊｕｎｋ；図２２）は全ＤＮＡと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表し

ているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマップはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

160 種類のＧＳについての全ゲノムＤＮＡ解析及び染色体へのマッピングの結果を図２３～２６に要約した。４種類の異なった切断を行ったヒトＤＮＡを用いた全ゲノムＤＮＡ解析から、67クローンが１本のバンドのグループに、41クローンが２本のバンドのグループに、10クローンが３本のバンドのグループに、7 クローンが４本のバンドのグループに、19クローンが５本以上のバンドのグループに分類された。９クローンは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

２本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて２つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンｓ３１７を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。３本のバンドのグループのクローンｓ３０８（ＧＳ０００４１２）とｓ４０１（ＧＳ０００２２４）は、２本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02 （ＧＳ０００２０９）とs17a10（ＧＳ０００２９４）は異なった染色体上に位置することを示した。４本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。なお、実施例９において「junk」とは、ＧＳと同じ方法でクローニングされたＤＮＡ断片であるが、ＧＳ番号が付与されなかったものである。

［実施例１０：ＧＳを用いた遺伝子のクローニング］

［実施例１０Ａ．酵母リボソームタンパク質Ｓ２８（yeast ribosomal protain Ｓ２８）のヒトにおけるホモログをコードする完全長ｃＤＮＡのクローニング

-ＧＳの一部からなるプライマーを用いたＰＣＲ法による完全長ｃＤＮＡのクローニング（１）-］

「HUMGS00500の相補鎖と実質的に同一なＤＮＡの一部からなるプライマー」

(5'-TGAAAATTTATTACTACAGTGTTTTCACCA-3'（配列番号：7839））と「ｃＤＮＡの5'末端側に位置するベクター（ｐＳＰＯＲＴ）配列に相補的なプライマー」（5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3'（配列番号：7840））とで、HepG2 ｃＤＮＡライブラリーに対してＰＣＲ増幅を行い、酵母リボソームタンパク質Ｓ２８（yeast ribosomal protain Ｓ２８）のヒトにおけるホモログをコードする完全長のｃＤＮＡをクローニングした（Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4394, 1993)。

[実施例１０Ｂ．ラットリボソームタンパク質Ｌ９（rat ribosomal protain Ｌ９）のヒトにおけるホモログをコードする完全長ｃＤＮＡのクローニング
-ＧＳの一部からなるプライマーを用いたＰＣＲ法による完全長ｃＤＮＡのクローニング（２）-]

「HUMGS00418の相補鎖と実質的に同一なＤＮＡの一部からなるプライマー」（5'-CTTCTTTCTGTAGCCAGGTAACTCT-3'（配列番号：7841））と「ｃＤＮＡの5'末端側に位置するベクター（ｐＳＰＯＲＴ）配列に相補的なプライマー」（5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3'（配列番号：7840））とで、HepG2 ｃＤＮＡライブラリー（前出）に対してＰＣＲ増幅を行い、ラットリボソームタンパク質Ｌ９（rat ribosomal protain Ｌ９）のヒトにおけるホモログをコードする完全長ｃＤＮＡをクローニングした（Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4395, 1993)。

[実施例１０Ｃ．ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質（phosphatidylethanolamine-binding protain）のヒトにおけるホモログをコードする完全長ｃＤＮＡのクローニング
-ＧＳの一部からなるプローブを用いたハイブリダイゼーション法による完全長ｃＤＮＡのクローニング-]

「HUMGS00421の一部からなるプローブ」（5'-GATCGTTCTTCATGGGGGTAAGAAAAGCTGGTCTGGAGTTGCTGAATGTTGCATTAATTGTCCTGTTTGCTTGTAGTTGAATAAAAATAGAAACCTGAATGAAGGAAA-3'（配列番号：7838））を用い、ハイブリダイゼーション法によって、

ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質（phosphatidylethanolamine-binding protain）のヒトにおけるホモログをコードする完全長のｃＤＮＡをクローニングした(Hori et al., Gene 140:293, 1994)。

［実施例１０Ｄ．ヒトのＭｐｌリガンド
-ＧＳを用いたヒトMpl-リガンドｃＤＮＡのクローニング- ］

本実施例は、5'RACEの改良法である5'SLIC (single ligation to single stranded cDNA) 法を用いている。5'SLIC法については「Nucleic Acids Res.,19, Vol.19, p.5227-5232(1991)」に記載されている。

①ｃＤＮＡの逆転写とアンカーの付加

鋳型は、5'-AmpliFinder^{TM}キット（東洋紡績株式会社）の試薬を用い、添付されているプロトコールに従って作製された。即ち、 2μg のヒト胎児肝臓 polyA^{+} RNA(CLONTECH Laboratories, Inc. 社より購入）に、遺伝子情報配列(GS)HUMGSO2342の最も3'側に対応する配列 5'-TTTTCGGCGCTCCCATTTATTCCTT-3' (配列番号：7842) からなるプライマーであるPA-6プライマーを10pmol加えて混合し、65℃で５分間加温し変性させた。AMW 逆転写酵素、ＲＮａｓｅインヒビター、dNTP混合物、反応緩衝液、及び熱変性した試料を混合し、52℃で30分加温することによりｃＤＮＡの合成を行った。次いで、EDTAを混合物に加えることにより反応を停止させた。NaOHを反応混合物に加え、65℃で30分加温することにより混在するRNAを加水分解し、酢酸で反応液を中和した。この中和溶液にガラスビーズ(GENO-BIND^{TM}) とNaI を加えて、溶液中のｃＤＮＡをガラスビーズに吸着させた。ビーズに吸着させたｃＤＮＡは、80% エタノール水溶液で洗浄した後、蒸留水50μl 中に溶出した。精製ｃＤＮＡ溶液にグリコーゲンを加え、ｃＤＮＡをエタノールで沈殿し、蒸留水6 μl に再懸濁した。この懸濁液2.5 μｌをキットに添付されているAmpliFINDER アンカー（ 5'-CACGAATTCACTATCGATTCTGGAACCTTCAGAGG-NH_2 -3' (配列番号：7843）） 4pmol 、T4ＲＮＡリガーゼ、及びligation緩衝液を含む

溶液に加えた。反応混合物を室温で一晩反応させることにより、反応混合物中のAmpliFINDER アンカープライマーは、ｃＤＮＡの3'末端に連結された。連結された生成物は、次いで、以後のＰＣＲの鋳型として使用された。

②ＰＣＲ(Polymerase Chain Reaction) による増幅

一次ＰＣＲは、前記①に記載の操作により作製された鋳型、アンカープライマー（5'-CTGGTTCGGCCCACCTCTGAAGGTTCCAGAATCGATAG-3'（配列番号：7846））、及び、配列5'-CTCGCTCGCCCATCCTTATACAGGCTCAGTTTTGTCT-3'（配列番号：7844）からなるPA-5プライマーを用いて行われた。即ち、鋳型 1μl を、Taq DNA ポリメラーゼ（宝酒造株式会社、Code No. R001A）、dNTP混合物、ＰＣＲ緩衝液、PA-5プライマー、及びアンカープライマーを各10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で、最終容量50μl に希釈し、ＰＣＲはDNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.) を用いて行った。反応混合物を94℃１分間、63℃１分間、72℃３分と連続して加温するサイクル４０回のＰＣＲにかけ、最後のＰＣＲでは、72℃で更に８分間加温した。ＰＣＲの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、ＰＣＲの生成物に相当する長さ約800 ｂｐ対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドはアガロースゲルから切出し、そこに含まれるＤＮＡは、Sephaglas Bandprep Kit^{TM}(Pharmacia Corp.) を用い、キットに添付されているプロトコールに従って回収された。即ち、ゲルをNaI 溶液に溶解し、その混合物を60℃で10分間加温した。ゲル混合物にSephaglas ^{TM} BP を加え、ＤＮＡをそこに含まれるガラスビーズに吸着させた。次いで、吸着されたＤＮＡを含むガラスビーズは、キットに添付されているWash緩衝液で３回洗浄し、TE緩衝液(10 mM Tris-HCl pH 8.0, 1 mM EDTA) 30 μl に溶出させた。

溶出したＤＮＡの1 μl を２次ＰＣＲの鋳型として用いた。２次ＰＣＲでは特異性を高めるため、5'-CTCGCTCGCCCATGTATAGGGACAGCATTTCTGAGAG-3'（配列番号：7845）の配列からなり、鋳型配列内でPA-5プライマーの内側に位置するPA-4プライマーとアンカープライマーを用いて反応を行った。即ち、1 μl の鋳型を、Ta

q DNA ポリメラーゼ（宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A）2.5 ユニット、dNTP混合物、ＰＣＲ緩衝液、及び、PA-4プライマー、アンカープライマーを各々10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で稀釈して最終容量50μl とし、94℃ 6分前加温した後、前記①に記載の一次ＰＣＲと同じ条件下で二次ＰＣＲを行った。二次ＰＣＲの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、再び長さ約800 塩基対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドは、アガロースゲルから切出し、それに含まれるＤＮＡを前記①に記載の一次ＰＣＲと同じ条件下で精製した。

③プラスミドベクターへのサブクローニング

二次ＰＣＲの精製ＤＮＡは、SureClone ™ Ligation Kit （ファルマシア社より購入）を用い、キットに添付されているプロトコールに従い、プラスミッドベクター pUC18（ファルマシア社より購入）にサブクローニングされた。即ち、精製したＤＮＡを、Klenow ポリメラーゼ、ポリヌクレオチドキナーゼ、及び反応緩衝液を含む溶液に加え、混合し、37℃で30分加温して、反応混合物に含まれるＤＮＡ分子の平滑末端化と5'末端のリン酸化を行った。この平滑末端化とリン酸化をされたＤＮＡを、Ligationキットに添付されている、脱リン酸化され、Sma I で切断されたpUC 18ベクターの50 ng 、T4 DNA リガーゼ、DTT 及び ligation 緩衝液を含む溶液に加え、この混合物 16 ℃で、3 時間保温した。反応溶液の 1/6容によって、常法により、コンピテント細胞化した大腸菌(E. coli）を形質転換した。即ち、凍結したコンピテント細胞化した大腸菌（和光純薬工業より購入）を融解し、連結されたＤＮＡと混合した。その混合物を氷上に20分放置し、42℃で45秒熱処理してから、氷上で2 分放置した。培養液[Hi-Competence Broth（和光純薬工業より購入）] を、形質転換された大腸菌を含む混合物に加えた。この混合物を、37℃で1 時間インキュベートし、100 μg/mlのアンピシリン、40 μg/mlのX-Gal (6-bromo-4-chloro-3-indolyl-β-D-galactoside) 、0.1 mMのIPTG (isopropyl-β-D-thiogalactopyranoside) を含むアガープレートに撒き、37

℃で一晩培養した。その結果、アガープレート上に現れたコロニーの中から、白いコロニーを選び、ＰＣＲによりＤＮＡ挿入断片の有無を検定した。即ち、選択したコロニーを、 1ユニットのTaq DNA ポリメラーゼ、dNTP混合物、ＰＣＲ緩衝液、及び、それぞれ、200 μMの5'-CCAGGGTTTTCCCAGTCACGAC-3'の配列（配列番号：7847）からなるM13 P4-22 プライマーと5'-TCACACAGGAAACAGCTATGAC-3'の配列（配列番号：7848）からなるM13 P5-22 プライマーを含む反応液50μl に加え、ＰＣＲを行った。ここで、両プライマーは、pUC 18 ベクターに相補的な配列からなっている。この混合物を94℃で６分加温してから、試料を連続して94℃で1分、55℃で1 分、及び72℃で2 分インキュベートすることからなるサイクル３０回のＰＣＲにかけた。増幅された挿入断片は、アガロースゲル電気泳動により検出され、挿入断片を含むクローンpRO2342-2 が選択された。

④ｃＤＮＡの配列決定

プラスミドＤＮＡは、QIAPrep-Spinキット（フナコシより購入）を用い、キットに添付されている一般的なアルカリ-SDSプロトコールに従って調製された。即ち、クローンpRO2342-2 のＤＮＡで形質転換された大腸菌細胞を、100 μg/mlのアンピシリンを含むLuria Broth 培地で、一晩培養した。次いで、培養細胞は遠心分離してペレットにし、キットに添付のP1溶液に再懸濁した。この菌懸濁液にキットのアルカリ溶液であるＰ２溶液を加え、室温で5 分インキュベートしてキットのN3溶液で中和し、氷上でさらに5 分インキュベートしてから遠心した。遠心された溶液から得られた上清をQIAPrep-Spinカラムにかけた。次いで、Spinカラムを先ず、キットのPB溶液、次いPE溶液で洗浄し、ＤＮＡはTE緩衝液によりカラムから溶出された。次いで、溶出されたＤＮＡの配列決定は、配列決定キット、PRISM ™ Terminator Mix (Applied Biosystem Corp.) を用いて行った。約1 μg の精製ＤＮＡを3.3 pmolのM13 P4-22 プライマー、或いはM13 P5-22 プライマーと9.5 μl のPRISM ™ Terminator Mix を含む溶液と混合した。M13 P4-22 及びM13 P5-22 プライマーは、クローンpRO2342-2 のＤＮＡ挿入断片の両端の鎖の

配列を決定するため用いられた。この反応混合物は、蒸留水で最終容量20μl に稀釈し、各サイクルが、試料を96℃で30秒、50℃で15秒及び60℃で4 分の連続インキュベーションであるＰＣＲを25回行った。反応混合物中に存在する過剰のプライマー及び蛍光色素を、MicoSpin^{TM} S-200 HR カラム（ファルマシア社より購入）を用いたゲル濾過により除去し、ＤＮＡをEtOH沈澱により回収した。このＤＮＡを自動シークエンサー“モデル373A”（Applied Biosystem Corp.）を用いて解析し、ヌクレオチド配列を決定した。

ヌクレオチド配列の分析により、クローンpRO2342-2 の挿入断片は、PA-4を含んで 608塩基対の長さであることが判明した。この挿入断片の配列は、Gen Bank データベースでホモロジー検索を行ったところ、ヒトのmpl-リガンドをコードするｃＤＮＡ（アクセッション番号 L33410 、Nature 369, 533-538, 1994)の配列と、100%一致することが見いだされた。更に、クローンpRO2342-2 の挿入断片を、ヒトのmpl-ligandのｃＤＮＡ配列と比較した結果、クローン化された挿入断片は、Open Reading Frameの3'末端の81塩基対を含むことが判明した。更に、クローンpRO2342-2 の挿入断片の3'末端側には、 Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl －リガンドのｃＤＮＡ配列には存在しない配列が見出だされた。このことは、GS HUMGSO2342 を用いて、 Gen Bank アクセッション番号L33410で登録されているヒトmpl －リガンドのｃＤＮＡとは異なり、且つ、さらに望ましい性質を持つ可能性のあるｃＤＮＡ、クローンpRO2342-2 のクローニングに成功したことを示唆するものである。

⑤完全長のヒトmpl-リガンドをコードするｃＤＮＡのクローニング

好適なＰＣＲプライマーを見つけるために、適切なコンピュータプログラムを用いて、クローンpRO2342-2 の配列を探索し、プライマーPA-7を設計し、合成する。前記②に記載のＰＣＲと同様のＰＣＲを、前記①に記載の操作に基づいて作製する鋳型、アンカープライマー、及びPA-7プライマーを用いて行う。即ち、1 μl の鋳型を、2.5 ユニットのTaq DNA ポリメラーゼ（宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A）、dNTP混合物、ＰＣＲ緩衝液、及びPA-7プライマーとアンカー

プライマー各10 pmol と混合する。この反応混合物を、蒸留水で稀釈して最終容量50μl とし、DNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.) を用い、前記②に記載の条件と同様の条件下でＰＣＲを行う。次いで、ＰＣＲ生成物を、1%アガロースゲルで電気泳動し、ＰＣＲの産物に相当する長さ1300塩基対よりも大きなバンドが回収され、前記③に記載されたのと同様の方法で、適当なベクターにクローンニングされる。クローン化されたＤＮＡは、前記④に記載されたのと同様の方法で配列が決定される。次いで、この配列は、 Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl-リガンドｃＤＮＡの配列と比較され、完全長のOpen Reading Frameの存在を確認する。

一方、Takara La PCR キット (宝酒造株式会社、 Code No. RR011)を用いて、キットに添付のプロトコールに従い、前記②と同様のプライマーを使用した5' ＲＡＣＥ法を行ったところ、ヒトmpl-リガンドに相当する長さ約2Kb のｃＤＮＡが単離できた。

以下、本願発明に係る発現頻度の表とＧＳの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「ＨＵＭＧＳ．．．．．．」は、ＧＳナンバーを表わす。なお、配列表に記載された塩基配列中のＮは「Ａ又はＣ又はＧ又はＴ若しくはＵ」を表す。但し配列表に記載された核酸はＤＮＡであるので「Ｔ若しくはＵ」はＴを意味する。

本願発明によって、種々の細胞における「発現情報」が付加され、細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができるＤＮＡ及び医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたＤＮＡが提供された。

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1	GS	Sequence No.	n	HepG2	mmHL60	pmHL60+DMSO	mpHL60+TPA	40w liver	19w liver	adult liver	lung	subcutaneous adipose	aortic endothel	osteoblast	colon mucosa	small cell carcinoma of lung	retina	cerebral cortex	adenocarcinoma of lung	squamous cell carcinoma of lung	keratinocyte	fibroblast	Alzheimer disease	cerebellum	visceral fat	corneal epithelium	peripheral granulocyte	neuroblastoma	taste bud of tongue	Accession number of target mRNA	match %	match size	match starts at (GS)	match starts at (GenBank)	GenBank target size
2	00001	00001	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	5	0	0	0	M77349	95.2	461	1	2003	2691
3	00002	00002	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4	00003	00003	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5	00004	00004	5	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05249	94.8	620	1	894	1512
6	00005	00005	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0					
7	00006	00006	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X72875	91	613	1	1737	2345
8	00007	00007	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
9	00008	00008	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0					
10	00009	00009	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
11	00010	00010	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
12	00011	00011	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00856	90.3	607	1	784	1397
13	00012	00012	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0					
14	00013	00013	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
15	00014	00014	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0					
16	00015	00015	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
17	00016	00016	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
18	00017	00017	25	3	1	1	1	0	1	0	0	1	2	0	0	2	1	1	3	4	5	0	0	0	0	0	4	0	0					
19	00018	00018	128	17	8	2	26	0	0	1	1	3	1	3	4	2	4	3	6	5	5	0	0	0	0	0	4	4	M84711	93.1	536	1	346	874
20	00019	00019	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	19	3	X16869	94.6	479	1	1153	1696
21	00020	00020	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
	00021																										1	0	M31469	97.9	334	1	319	651

表1

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
22	00023	00021	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
23	00026	00022	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
24	00028	00023	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03225	90.8	534	1	520	1431
25	00029	00024	5	4	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
26	00030	00025	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
27	00031	00026	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
28	00033	00027	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
29	00034	00028	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
30	00036	00029	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	1	0	1	1	1	0	0	0	0						
31	00037	00030	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
32	00038	00031	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
33	00039	00032	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	2	M77233	95.4	346	1	16	600
34	00040	00033	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1						
35	00041	00034	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
36	00042	00035	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	2	0	0	0	0	0	0						
37	00043	00036	9	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0						
38	00044	00037	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
39	00045	00038	5	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
40	00046	00039	3	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
41	00047	00040	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
42	00048	00041	10	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
43	00049	00042	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	2	0	1	0	0	0	1	0	X67951	94.4	322	1	483	937
44	00050	00043	16	1	0	2	0	0	1	0	1	0	1	0	0	1	3	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X57847	93.6	392	1	348	1182
45	00051	00044	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M24070	96	421	1	1039	1452
46	00053	00045	4	1	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
47	00055	00046	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
48	00056	00047	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13388	93.4	317	75	2	359
49	00057	00048	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
50	00060	00049	3	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
51	00061	00050	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
52	00062	00051	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
53	00064	00052	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
54	00065	00053	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
55	00066	00054	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
56	00067	00055	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
57	00068	00056	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表2

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
58	00069	00057	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	M34664	92.4	344	1	1484	2202
59	00070	00058	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
60	00071	00059	7	1	0	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
61	00072	00060	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16961	93.4	376	1	1131	1538
62	00073	00061	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
63	00074	00062	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
64	00075	00063	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
65	00076	00064	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
66	00077	00065	34	1	3	2	5	1	0	0	2	2	0	1	1	1	1	0	1	0	4	0	0	0	1	3	0	5	0	D23660	97.9	439	1	980	1418
67	00078	00066	12	1	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	2	0	0	1	0	0	1	0	X07979	90.9	572	1	3054	3614
68	00079	00067	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	U04953	94.4	533	1	3741	4508
69	00080	00068	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	L08246	93	415	4	3501	3934
70	00081	00069	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70218	91.6	250	1	837	1382
71	00082	00070	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
72	00083	00071	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
73	00084	00072	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	K03195	99.3	410	1	2134	2856
74	00085	00073	26	5	3	1	0	0	1	0	2	0	0	2	0	3	0	0	1	0	2	0	0	0	1	3	0	2	0	M84334	94.6	406	1	1356	1760
75	00086	00074	4	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
76	00087	00075	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
77	00088	00076	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
78	00089	00077	33	1	3	2	2	0	1	0	1	0	5	0	0	2	0	0	1	4	7	0	0	0	1	1	0	2	0	X17206	94.5	397	1	543	934
79	00090	00078	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
80	00091	00079	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M84326	95.1	487	1	1204	1815
81	00092	00080	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
82	00093	00081	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
83	00094	00082	9	1	0	1	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
84	00095	00083	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
85	00096	00084	62	6	5	4	2	0	0	1	2	6	5	1	3	1	1	5	3	3	3	0	1	1	2	0	0	6	1						
86	00097	00085	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
87	00098	00086	7	1	0	0	0	2	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14446	98.2	382	1	832	1215
88	00099	00087	9	2	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	Z11793	96.1	385	1	1637	2038
89	00100	00088	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S65756	98.5	392	1	294	696
90	00101	00089	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
91	00102	00090	44	2	4	0	3	0	1	1	1	6	2	1	2	8	0	1	1	1	4	0	0	0	1	3	0	2	0	X64707	93.3	387	1	346	942
92	00103	00091	4	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J00077	99.7	380	1	1653	2032
93	00104	00092	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表3

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
94	00105	00093	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
95	00106	00094	8	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
96	00107	00095	2	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
97	00108	00096	31	2	3	0	0	1	0	2	0	1	0	3	0	0	0	0	3	6	2	1	1	0	1	2	0	0	3	X63237	94.8	384	1	154	532
98	00109	00097	5	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
99	00110	00098	2	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
100	00111	00099	38	7	0	0	1	9	13	6	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	K01396	92	373	1	983	1352
101	00113	00100	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
102	00114	00101	38	1	1	5	0	1	0	0	3	0	1	3	1	1	0	4	3	1	0	9	0	1	1	0	0	2	0	X04098	92.2	383	1	1551	1918
103	00115	00102	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
104	00116	00103	17	2	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	6	1	M14630	95.6	362	1	840	1200
105	00117	00104	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
106	00118	00105	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
107	00119	00106	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
108	00120	00107	5	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
109	00121	00108	4	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
110	00122	00109	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
111	00123	00110	14	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
112	00124	00111	6	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	2	0	2	0	1	0	0	0	1	0	X55954	98.8	336	1	144	479
113	00125	00112	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0						
114	00127	00113	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
115	00128	00114	6	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X54326	98	348	1	4238	4586
116	00129	00115	11	1	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	1	1	0	X65923	96.6	348	1	168	518
117	00130	00116	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
118	00131	00117	6	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1						
119	00132	00118	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
120	00133	00119	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
121	00134	00120	24	1	0	0	1	0	1	1	1	0	1	2	0	4	1	1	0	0	3	1	1	1	3	0	0	1	0	M16660	99.1	339	1	2205	2543
122	00135	00121	81	5	4	0	14	2	4	2	0	2	0	4	1	1	0	3	5	14	1	12	1	2	4	0	0	0	0	M10119	99.7	307	1	416	723
123	00136	00122	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
124	00137	00123	10	2	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	D00763	98.4	313	1	767	1078
125	00138	00124	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
126	00139	00125	8	1	1	0	1	0	0	0	0	0	1	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03445	93.4	335	1	1698	2029
127	00140	00126	13	1	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	2	0	0	3	0	0	0						
128	00141	00127	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
129	00142	00128	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						

表4

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
130	00143	00129	5	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
131	00144	00130	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
132	00145	00131	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
133	00146	00132	8	1	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
134	00147	00133	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05682	98.8	329	1	1245	1618
135	00148	00134	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
136	00149	00135	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
137	00150	00136	17	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	4	0	0	1	0	3	1	4	0	0	0	0	X05607	98.4	320	1	452	771
138	00151	00137	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
139	00152	00138	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
140	00153	00139	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
141	00154	00140	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
142	00155	00141	81	1	0	3	8	0	3	0	2	2	3	4	5	1	0	5	15	4	1	2	0	0	0	4	7	11	0	M11948	93.8	321	1	110	425
143	00156	00142	20	2	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	0	0	3	0	0	0	1	0	8	0	M23613	98.6	348	1	949	1296
144	00157	00143	11	1	0	0	0	8	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64982	96.9	323	1	5109	5943
145	00158	00144	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
146	00159	00145	4	1	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M30496	98.6	283	1	519	802
147	00160	00146	9	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	1	0						
148	00161	00147	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
149	00162	00148	47	1	4	3	2	1	0	1	2	5	2	4	4	2	0	0	2	2	1	7	1	0	2	1	0	0	0	M17887	98.7	312	1	149	460
150	00163	00149	30	1	0	0	1	0	1	0	1	0	0	1	2	0	1	0	1	4	0	4	2	1	2	7	0	1	0	M17886	95.7	305	1	210	512
151	00164	00150	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
152	00165	00151	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
153	00166	00152	3	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
154	00167	00153	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
155	00168	00154	6	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
156	00169	00155	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
157	00170	00156	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
158	00171	00157	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
159	00172	00158	14	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	5	3	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M12623	98	299	1	879	1187
160	00173	00159	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M26658	98.7	305	1	31	2490
161	00174	00160	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
162	00175	00161	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
163	00176	00162	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	2	0	0	0	K03000	99.7	291	1	1269	1560
164	00177	00163	18	2	2	0	1	0	2	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	1	0	5	0	0	0	L19739	98	293	1	36	329
165	00178	00164	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06323	100	295	1	1001	1634

表5

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
166	00179	00165	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
167	00180	00166	7	2	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
168	00181	00167	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
169	00182	00168	7	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	2	0	0	0	0	M34671	99	97	1	1575	1671
170	00183	00169	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
171	00184	00170	4	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
172	00185	00171	13	2	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	1	1	0						
173	00186	00172	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
174	00187	00173	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
175	00188	00174	11	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	1	0	1	1	0	0	0	2	0						
176	00189	00175	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
177	00190	00176	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02645	98.9	281	1	1114	1393
178	00191	00177	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
179	00192	00178	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
180	00193	00179	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
181	00194	00180	34	3	0	0	0	21	8	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16961	98.9	275	1	1265	1538
182	00195	00181	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
183	00196	00182	67	1	0	0	0	6	11	9	0	0	0	0	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M10617	94.9	274	4	193	462
184	00197	00183	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X12646	93.8	273	1	687	2036
185	00198	00184	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
186	00199	00185	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
187	00200	00186	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13385	96	253	1	4989	5243
188	00201	00187	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
189	00202	00188	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
190	00203	00189	3	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
191	00204	00190	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
192	00205	00191	5	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
193	00206	00192	7	2	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
194	00207	00193	5	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
195	00209	00194	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
196	00210	00195	14	1	0	1	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	4	0	M36341	98.4	384	1	1135	1529
197	00211	00196	128	8	24	2	10	0	4	2	5	16	9	1	5	0	3	0	12	5	1	0	4	2	0	4	0	7	4						
198	00212	00197	16	1	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	2	1	0	4	0	0	0	1	0	0	0	2	1	L10612	97.8	272	1	275	557
199	00213	00198	8		0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	1	0	0						
200	00215	00199	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
201	00216	00200	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表6

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
202	00217	00201	5	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
203	00218	00202	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
204	00219	00203	13	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	2	2	D13388	99.5	220	1	1216	1435
205	00220	00204	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
206	00221	00205	4	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
207	00222	00206	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
208	00223	00207	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
209	00224	00208	8	1	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
210	00225	00209	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
211	00226	00210	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
212	00227	00211	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
213	00228	00212	9	2	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0						
214	00230	00213	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
215	00231	00214	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	X17206	98.5	202	31	733	934
216	00232	00215	3	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
217	00233	00216	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
218	00234	00217	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
219	00235	00218	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
220	00236	00219	11	1	1	0	0	0	1	1	1	1	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
221	00237	00220	11	2	0	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0						
222	00238	00221	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02888	99.6	234	1	739	976
223	00239	00222	7	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
224	00240	00223	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
225	00241	00224	12	1	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	1	3	0	X59357	99.1	348	1	258	602
226	00242	00225	5	2	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
227	00243	00226	7	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M26326	100	225	1	1179	1412
228	00244	00227	65	2	0	14	1	0	0	0	0	0	1	2	3	0	1	3	7	2	4	11	3	0	1	1	4	4	1	X00351	99.5	184	1	1109	1761
229	00245	00228	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
230	00246	00229	26	3	5	0	1	0	1	1	0	3	3	1	0	1	0	0	2	2	1	1	0	0	0	1	0	0	0						
231	00247	00230	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
232	00248	00231	7	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
233	00249	00232	9	1	0	5	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	M14636	99.1	222	1	2607	2828
234	00250	00233	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
235	00251	00234	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
236	00252	00235	5	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
237	00253	00236	16	2	1	2	0	0	1	0	0	0	0	0	2	2	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0						

表7

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
238	00254	00237	38	1	0	0	2	0	0	1	2	1	0	1	0	2	0	1	3	0	0	0	0	0	1	3	20	0	0	M24096	98.1	214	1	1152	1365
239	00255	00238	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
240	00256	00239	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
241	00257	00240	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
242	00258	00241	6	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	X04588	95.4	217	3	1857	2077
243	00259	00242	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
244	00260	00243	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
245	00261	00244	17	2	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0	3	0	2	0	2	0	X65460	99	204	1	1607	1809
246	00262	00245	50	2	7	2	0	1	1	2	0	3	6	0	1	3	0	0	3	0	1	2	0	0	4	4	0	6	2	M17885	98.6	211	1	888	1097
247	00263	00246	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
248	00264	00247	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
249	00265	00248	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
250	00266	00249	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
251	00267	00250	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0	X55330	99.1	107	83	1	2150	
252	00268	00251	5	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
253	00269	00252	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63679	98.3	116	1	1152	1267
254	00270	00253	9	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X04526	95.2	209	1	2887	3088
255	00271	00254	24	2	0	1	2	0	1	0	0	2	0	0	0	5	0	1	2	0	1	1	0	0	0	2	0	4	0	X75683	99	210	1	92	301
256	00272	00255	9	1	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	J05262	100	197	1	931	1148
257	00273	00256	119	9	6	4	13	2	11	2	1	12	14	0	6	0	6	0	3	1	3	0	0	0	2	3	3	15	3	X64899	94.8	192	1	626	819
258	00274	00257	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
259	00275	00258	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
260	00276	00259	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0						
261	00277	00260	36	3	0	0	0	8	14	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29882	100	191	1	234	424
262	00278	00261	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
263	00279	00262	10	2	0	1	1	0	0	0	0	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
264	00280	00263	3	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64228	99.5	196	1	6389	6597
265	00281	00264	8	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	L07395	97.9	190	1	2036	2226
266	00282	00265	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
267	00283	00266	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
268	00284	00267	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
269	00285	00268	89	6	14	1	8	0	3	4	1	4	4	3	5	3	5	0	2	5	1	1	4	1	3	2	0	8	1						
270	00286	00269	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L11284	96.3	189	1	1999	2222
271	00287	00270	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
272	00288	00271	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
273	00289	00272	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						

表8

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
274	00290	00273	85	5	9	3	8	4	2	1	1	1	7	4	1	4	5	0	2	6	5	3	6	1	0	2	0	5	0	X66699	99.5	184	1	163	349
275	00291	00274	8	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0						
276	00292	00275	49	4	12	1	0	2	1	1	4	6	4	0	0	2	0	0	5	4	0	1	0	1	0	1	0	0	0	M60854	100	181	1	358	538
277	00293	00276	74	6	13	1	6	2	4	3	3	2	5	0	1	0	4	0	0	2	2	0	0	0	1	5	0	11	3						
278	00294	00277	5	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
279	00295	00278	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
280	00296	00279	8	1	4	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	M86737	100	183	1	2641	2839
281	00297	00280	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
282	00298	00281	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
283	00299	00282	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
284	00300	00283	24	2	1	0	2	0	1	0	0	1	1	2	0	3	1	4	2	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	M37104	98.3	179	1	294	471
285	00301	00284	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
286	00302	00285	4	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
287	00303	00286	17	2	2	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	2	2	2	L09260	96	176	1	1141	1322
288	00304	00287	48	2	1	2	2	1	0	1	1	3	2	2	3	1	0	4	2	6	0	3	0	1	4	3	3	1	0	M26880	99.4	175	1	2088	2309
289	00305	00288	46	1	6	0	2	2	3	1	2	1	4	4	2	2	0	3	0	1	4	1	0	2	2	1	2	0	0						
290	00306	00289	4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
291	00307	00290	4	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
292	00308	00291	10	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	3	1	0	2	0	0	0	0	0	Y00052	96.7	183	1	542	723
293	00309	00292	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
294	00310	00293	6	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	M72709	98.8	85	1	1634	1717
295	00311	00294	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
296	00312	00295	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
297	00313	00296	17	1	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	2	1	0	3	2	0	0	0	2	0	0	Y00472	96.8	63	1	767	829
298	00314	00297	45	1	3	1	3	0	1	1	5	1	1	0	0	7	2	0	3	2	0	3	0	0	4	3	2	0	2	X06617	96.4	168	1	378	543
299	00315	00298	21	3	4	1	0	0	1	0	1	3	2	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	2	0	L06498	99.4	161	1	345	505
300	00316	00299	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S63912	96.8	63	1	1126	3043
301	00317	00300	10	1	0	0	0	3	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
302	00320	00301	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
303	00322	00302	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
304	00323	00303	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
305	00325	00304	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
306	00327	00305	20	1	3	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	2	3	0	0	3	0	0	1	0	X03342	96.4	169	1	328	505
307	00328	00306	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
308	00329	00307	5	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
309	00330	00308	8	1	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表9

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
310	00331	00309	6	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
311	00332	00310	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X12517	98.8	165	1	554	733
312	00333	00311	16	1	0	0	3	0	0	0	1	1	4	0	0	0	0	0	2	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	M34539	98.1	157	1	1375	1532
313	00334	00312	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
314	00335	00313	86	1	16	4	3	1	1	0	3	7	3	1	6	6	1	3	2	1	1	1	1	4	2	5	0	10	3	M36072	100	165	1	727	891
315	00336	00314	47	1	2	2	2	0	1	0	0	5	6	0	1	2	0	3	4	3	1	1	1	0	1	8	0	3	0	Z12962	96.3	162	1	308	478
316	00337	00315	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
317	00338	00316	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
318	00339	00317	13	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	J03934	96.8	155	1	857	2447
319	00340	00318	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
320	00341	00319	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
321	00342	00320	5	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
322	00343	00321	12	2	0	0	1	0	0	2	0	1	0	0	0	3	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	L07633	97.4	153	1	833	985
323	00344	00322	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
324	00346	00323	9	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	1	1	0	0	0	0	0	S42658	99.6	250	1	569	826
325	00347	00324	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
326	00348	00325	10	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	3	1	0	0	0	0						
327	00349	00326	29	2	2	0	0	1	0	0	2	1	2	0	1	0	0	1	1	3	1	1	1	0	1	5	0	4	0	X74070	93.7	159	1	699	857
328	00350	00327	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	1	0	0						
329	00351	00328	8	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
330	00352	00329	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0						
331	00353	00330	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
332	00354	00331	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
333	00355	00332	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
334	00356	00333	43	1	17	0	2	2	1	3	0	0	5	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	1	4	2	X53777	96	151	1	582	770
335	00357	00334	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
336	00358	00335	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
337	00359	00336	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
338	00360	00337	19	2	2	1	0	0	0	0	1	1	1	1	0	1	0	0	2	1	0	2	0	0	0	1	1	2	0	X60036	97.2	145	1	1171	1330
339	00361	00338	11	1	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	1	1	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	0						
340	00362	00339	19	1	0	0	0	0	0	0	2	0	12	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
341	00363	00340	29	1	0	0	0	1	0	1	1	0	5	0	2	0	1	1	3	2	2	1	3	1	1	1	1	1	0	D14696	98.6	141	1	1262	1402
342	00364	00341	632	17	0	0	0	227	109	##	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L00132	98.6	290	1	1961	2251
343	00365	00342	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
344	00366	00343	4	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
345	00367	00344	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表10

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
346	00368	00345	11	1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	M31627	98.6	141	1	1657	1818
347	00369	00346	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	L10379	98.6	142	1	1581	1725
348	00370	00347	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
349	00372	00348	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
350	00373	00349	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
351	00374	00350	10	1	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
352	00375	00351	36	2	3	0	3	1	2	0	0	3	5	0	0	1	0	0	2	2	0	0	2	0	2	1	0	1	6						
353	00376	00352	21	2	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	1	4	1	3	1	0	2	1	0	1	0						
354	00377	00353	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
355	00378	00354	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
356	00379	00355	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
357	00380	00356	47	1	12	0	1	0	1	3	0	2	5	2	0	1	3	1	3	1	1	1	1	1	1	2	0	3	1						
358	00381	00357	22	1	0	2	6	0	0	0	0	0	0	0	6	0	1	0	0	0	1	1	0	0	1	1	1	0	1						
359	00382	00358	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
360	00383	00359	28	3	1	3	3	0	1	0	0	2	0	0	1	3	0	0	1	3	2	1	0	0	0	0	1	3	0						
361	00384	00360	10	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	J04031	97.8	136	1	2977	3112
362	00385	00361	4	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
363	00386	00362	6	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
364	00387	00363	5	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	L11932	100	126	1	1667	1792
365	00388	00364	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
366	00389	00365	4	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
367	00390	00366	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
368	00391	00367	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
369	00392	00368	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
370	00393	00369	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
371	00394	00370	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
372	00395	00371	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
373	00396	00372	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
374	00397	00373	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
375	00398	00374	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
376	00399	00375	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
377	00400	00376	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
378	00401	00377	16	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	2	1	1	0	1	0	1	0	3	0	M22490	94.9	118	1	1622	1751
379	00402	00378	39	1	0	0	2	2	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	0	1	3	22	0	0	M77693	97.6	125	1	917	1060
380	00403	00379	21	7	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	3	0	1	0	2	0	2	0	0	0	0	2	0						
381	00404	00380	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表11

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
382	00405	00381	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
383	00406	00382	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
384	00407	00383	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S85655	93.9	114	1	755	1043
385	00408	00384	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
386	00409	00385	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
387	00410	00386	3	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04046	100	117	1	589	2175
388	00411	00387	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
389	00412	00388	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
390	00413	00389	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
391	00414	00390	4	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
392	00415	00391	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
393	00416	00392	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
394	00417	00393	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D21260	97.2	109	1	6003	6111
395	00418	00394	116	5	22	1	13	1	5	1	0	10	10	0	0	0	9	0	1	6	0	0	1	2	1	7	1	16	4	D14531	97.2	107	1	586	689
396	00419	00395	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
397	00420	00396	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
398	00421	00397	13	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	4	1	1	0	0	3	2	0	0	0	0	0	D16111	100	101	1	1334	1434
399	00422	00398	16	1	3	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	1	2	1	1	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	M10036	91.4	105	1	1462	1835
400	00423	00399	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
401	00424	00400	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
402	00425	00401	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
403	00426	00402	13	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	4	1	0	0	0	0	1	0						
404	00427	00403	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
405	00428	00404	3	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X61970	99.4	157	1	756	959
406	00429	00405	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
407	00430	00406	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
408	00431	00407	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X75684	100	104	1	46	157
409	00433	00408	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
410	00434	00409	13	1	0	0	2	1	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	1	0	0						
411	00435	00410	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
412	00436	00411	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
413	00437	00412	34	5	4	2	2	0	0	2	1	0	2	1	0	1	2	0	0	0	0	0	1	0	3	5	0	3	0	X57959	98	101	1	727	827
414	00438	00413	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
415	00439	00414	9	1	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
416	00440	00415	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
417	00441	00416	4	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表12

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
418	00442	00417	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
419	00443	00418	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
420	00444	00419	71	6	10	1	4	2	4	1	1	0	3	1	0	5	0	0	1	4	8	5	5	0	3	5	0	2	0	M81757	98.9	90	1	410	510
421	00445	00420	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
422	00446	00421	4	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
423	00447	00422	38	2	6	1	1	0	3	2	0	2	6	2	0	1	0	0	3	1	1	1	0	1	1	1	0	3	0	X69391	96.5	86	1	841	926
424	00448	00423	17	1	0	1	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	1	0	1	0	2	0	1	2	0	1	0	1	1						
425	00450	00424	30	3	2	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	2	0	3	1	10	0	2	0	0	0	0						
426	00451	00425	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
427	00453	00426	4	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
428	00454	00427	7	1	0	0	1	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
429	00455	00428	10	2	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	2	0						
430	00456	00429	18	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	2	0	1	0	1	2	1	0	8	0						
431	00457	00430	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
432	00458	00431	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
433	00459	00432	8	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	1	1	0	0	0						
434	00460	00433	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L07493	97.5	79	1	395	692
435	00461	00434	3	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
436	00462	00435	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
437	00463	00436	26	2	2	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	2	2	2	3	1	1	2	4	0	0	0	X02152	94.7	76	1	1587	1661
438	00464	00437	18	1	1	2	0	0	1	0	0	1	3	0	1	1	0	0	0	2	2	1	0	1	1	0	0	0	0	D13630	98.6	74	1	2925	2998
439	00465	00438	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X17644	96	75	1	2513	2587
440	00466	00439	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
441	00467	00440	4	1	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
442	00468	00441	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
443	00469	00442	6	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
444	00470	00443	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
445	00471	00444	8	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
446	00473	00445	10	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
447	00474	00446	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	X16354	100	71	1	3387	3464
448	00475	00447	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
449	00477	00448	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
450	00478	00449	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
451	00479	00450	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
452	00480	00451	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
453	00481	00452	24	1	1	0	0	1	0	3	0	0	2	0	0	1	3	0	0	3	0	1	3	2	0	1	0	2	0						

表13

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
454	00482	00453	7	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
455	00483	00454	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	J05272	100	51	1	2808	2858
456	00484	00455	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
457	00485	00456	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
458	00486	00457	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
459	00487	00458	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	0	3	0	1	0	0	1	1	0						
460	00488	00459	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	U02493	90.2	61	1	1905	2593
461	00489	00460	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
462	00491	00461	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
463	00493	00462	4	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
464	00494	00463	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
465	00495	00464	12	1	2	1	0	0	1	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0						
466	00496	00465	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
467	00497	00466	11	1	1	1	3	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
468	00498	00467	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X60036	94	50	5	1266	1330
469	00500	00468	54	6	4	1	1	0	2	2	2	3	3	2	3	1	1	0	3	8	1	2	1	1	1	1	0	4	1	D14530	94.1	51	1	438	488
470	00503	00469	8	1	2	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X57346	98.1	52	1	1131	1213
471	00504	00470	56	1	5	1	0	0	1	1	1	0	2	2	2	3	4	2	1	6	2	3	3	2	0	13	0	1	0	M14328	98	51	1	1706	1755
472	00505	00471	7	2	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L16785	90	50	1	599	647
473	00506	00472	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
474	00507	00473	9	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	2	1	1	0	0	0						
475	00510	00474	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
476	00511	00475	7	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0						
477	00532	00476	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
478	00533	00477	44		1	0	0	0	0	0	0	2	0	4	0	1	1	2	4	4	3	9	2	3	0	6	1	1	0	M97164	92.1	644	1	201	1119
479	00534	00478	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	D21262	93.5	321	1	3091	3727
480	00535	00479	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
481	00536	00480	4		1	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
482	00537	00481	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
483	00538	00482	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
484	00539	00483	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
485	00540	00484	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
486	00541	00485	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
487	00542	00486	2		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D25304	94.8	503	1	4312	4804
488	00543	00487	65		9	4	5	0	2	2	0	2	11	0	2	7	4	0	0	1	3	1	0	1	2	2	1	5	1	X56932	98.8	161	1	512	672
489	00544	00488	5		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表14

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
490	00545	00489	36		3	0	2	0	0	2	1	2	3	0	1	3	1	1	0	2	1	1	0	1	1	3	0	7	1	M94314	93.4	439	1	75	556
491	00546	00490	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
492	00547	00491	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
493	00548	00492	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64716	94.4	478	2	24	497
494	00549	00493	2		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
495	00551	00494	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
496	00552	00495	4		1	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
497	00553	00496	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
498	00554	00497	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
499	00555	00498	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	D14662	97.5	481	1	395	1653
500	00556	00499	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
501	00557	00500	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
502	00558	00501	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
503	00560	00502	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
504	00561	00503	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
505	00562	00504	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
506	00564	00505	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
507	00565	00506	70		4	2	5	0	1	1	1	1	1	4	5	1	1	0	4	6	2	1	1	2	0	0	25	0	2	M30684	96.4	415	1	519	929
508	00567	00507	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06432	95.9	98	162	332	549
509	00568	00508	3		1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
510	00569	00509	10		1	0	1	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0						
511	00571	00510	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
512	00572	00511	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
513	00573	00512	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
514	00574	00513	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
515	00575	00514	2		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04564	93.5	370	4	736	1099
516	00576	00515	3		1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
517	00577	00516	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
518	00578	00517	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
519	00579	00518	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X52317	96.5	342	1	40	869
520	00580	00519	2		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
521	00581	00520	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
522	00582	00521	2		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
523	00583	00522	34		2	5	3	0	0	1	3	1	3	0	2	1	4	0	0	2	1	2	0	1	2	0	0	1	0	X73460	95.8	378	1	900	1272
524	00584	00523	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
525	00585	00524	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表15

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
526	00586	00525	6		1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X07674	95.5	396	1	2559	2970
527	00589	00526	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
528	00590	00527	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
529	00591	00528	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M96954	97.2	351	1	1045	1401
530	00592	00529	15		1	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	2	4	0	0	0	0	0	1	1	1	0	M84643	96.7	331	1	174	506
531	00593	00530	6		1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
532	00594	00531	17		3	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	4	0	2	0	M14199	99.7	341	1	136	475
533	00595	00532	4		1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	Y00282	98.5	344	1	1968	2509
534	00596	00533	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
535	00597	00534	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
536	00598	00535	3		1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
537	00599	00536	4		2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
538	00600	00537	12		2	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	3	0	0	2	1	0						
539	00601	00538	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
540	00602	00539	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
541	00603	00540	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
542	00604	00541	4		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
543	00606	00542	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
544	00607	00543	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	U02619	93.3	193	1	6800	6996
545	00608	00544	22		5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	0	6	0	Z11566	99.1	321	1	878	1640
546	00609	00545	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
547	00610	00546	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
548	00611	00547	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
549	00612	00548	3		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
550	00614	00549	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
551	00615	00550	8		1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	2	0	0	X67688	96.5	318	1	1735	2106
552	00616	00551	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
553	00617	00552	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
554	00618	00553	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
555	00619	00554	4		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
556	00620	00555	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
557	00621	00556	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
558	00622	00557	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
559	00623	00558	4		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	S43127	98	298	1	1145	1441
560	00624	00559	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
561	00625	00560	4		1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表16

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
562	00626	00561	4		2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
563	00627	00562	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
564	00628	00563	4		1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
565	00629	00564	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
566	00630	00565	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
567	00631	00566	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
568	00632	00567	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
569	00633	00568	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
570	00634	00569	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M19961	93.6	283	1	171	494
571	00635	00570	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
572	00636	00571	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
573	00637	00572	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
574	00638	00573	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
575	00639	00574	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
576	00640	00575	10		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	2	0	2	0	0	0	0	0	1	0						
577	00641	00576	8		2	2	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M55621	98.3	289	1	2311	2602
578	00642	00577	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
579	00643	00578	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X13482	96	277	1	760	1054
580	00644	00579	24		5	0	2	0	1	1	0	0	3	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0	4	0						
581	00645	00580	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X71491	93	285	1	929	1234
582	00646	00581	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
583	00647	00582	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31520	97.4	305	1	133	620
584	00648	00583	8		1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	0						
585	00649	00584	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
586	00650	00585	52		14	2	6	0	2	0	1	1	2	1	6	3	2	0	0	0	1	2	0	0	2	2	1	4	0	L06432	97.4	265	1	280	549
587	00651	00586	9		4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	L20688	97.7	266	1	984	1249
588	00652	00587	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
589	00653	00588	13		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	4	0	0	1	0	1	4	0	0	0	0	0	J04046	96.2	266	1	1910	2175
590	00654	00589	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X54942	97.8	268	1	348	627
591	00656	00590	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
592	00657	00591	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
593	00658	00592	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
594	00659	00593	6		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
595	00661	00594	9		2	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	0						
596	00662	00595	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
597	00663	00596	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表17

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
598	00664	00597	3		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
599	00665	00598	2		1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
600	00666	00599	5		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	X65867	98.4	248	1	1335	1692
601	00667	00600	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
602	00668	00601	8		2	0	1	0	0	0	1	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
603	00669	00602	2		1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
604	00670	00603	12		1	0	0	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	2	0	0	1	0	M60857	98.4	249	1	600	851
605	00671	00604	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
606	00672	00605	7		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	X66975	97.9	241	1	2915	3319
607	00673	00606	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X57500	96.2	240	1	2728	2969
608	00674	00607	5		1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
609	00675	00608	31		4	1	4	0	1	0	2	1	1	0	0	2	5	0	0	1	0	2	0	0	0	1	0	6	0	L01124	100	237	1	291	530
610	00676	00609	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
611	00677	00610	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
612	00678	00611	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
613	00679	00612	15		1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	3	1	2	2	2	0	0	0	0	0						
614	00680	00613	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
615	00681	00614	7		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	L01457	100	238	1	2484	2739
616	00682	00615	3		1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S63912	99.2	254	1	1304	3043
617	00683	00616	20		1	2	0	1	0	0	0	1	1	0	1	0	2	2	1	3	0	0	3	0	0	0	0	2	0	X13238	96.1	230	1	194	422
618	00684	00617	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	D21065	95.8	237	1	1728	3755
619	00685	00618	18		2	5	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
620	00686	00619	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
621	00687	00620	16		1	3	5	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M80927	98.4	246	1	1494	1741
622	00689	00621	40		1	1	2	0	1	3	3	0	4	0	3	2	2	2	1	2	1	5	1	1	1	1	0	2	1						
623	00690	00622	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
624	00691	00623	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
625	00692	00624	6		2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
626	00693	00625	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
627	00694	00626	3		2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
628	00695	00627	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
629	00696	00628	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
630	00697	00629	7		2	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M18082	96.9	226	1	1640	1880
631	00698	00630	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
632	00699	00631	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
633	00700	00632	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表18

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
634	00701	00633	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
635	00702	00634	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
636	00703	00635	17		4	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	1	1	2	0	1	2	0	2	0	L25899	98.3	172	1	466	635
637	00704	00636	45		4	1	0	0	1	0	1	1	6	1	2	3	2	0	0	0	3	8	0	0	7	3	0	1	1	M73791	100	217	1	506	722
638	00705	00637	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
639	00706	00638	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
640	00707	00639	10		1	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	1	0	2	1	0	0	1	0	0	0	0	M24194	92.3	209	1	887	1093
641	00708	00640	32		1	0	2	0	1	0	3	3	3	2	0	1	0	2	0	2	3	2	0	1	2	1	0	2	1						
642	00710	00641	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X75690	98.4	127	84	3	135
643	00711	00642	3		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
644	00712	00643	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
645	00713	00644	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
646	00714	00645	13		3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	X17620	99	202	1	531	732
647	00715	00646	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
648	00716	00647	48		5	3	3	0	0	0	2	1	3	0	1	3	1	0	2	9	2	2	2	2	3	1	0	2	1	X56998	94	200	1	291	495
649	00717	00648	6		1	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19067	97.5	198	1	2231	2444
650	00718	00649	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
651	00719	00650	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
652	00720	00651	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
653	00721	00652	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
654	00722	00653	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
655	00723	00654	11		1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	0	2	1	0	0	1	0	0	0	0	L10376	97	202	1	509	753
656	00725	00655	10		1	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	0	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
657	00726	00656	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
658	00727	00657	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
659	00728	00658	5		1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M77024	92.5	133	1	932	1064
660	00729	00659	7		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0						
661	00730	00660	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
662	00731	00661	2		1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
663	00732	00662	47		6	3	4	0	1	5	1	1	1	0	1	6	2	0	2	7	0	4	3	0	0	0	0	0	0						
664	00733	00663	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
665	00734	00664	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
666	00735	00665	11		1	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0						
667	00736	00666	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
668	00737	00667	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
669	00738	00668	6		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0						

表19

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
670	00739	00669	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
671	00740	00670	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
672	00741	00671	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
673	00742	00672	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
674	00743	00673	54		7	1	7	2	6	1	0	1	8	0	0	3	3	2	0	0	2	0	1	1	0	3	0	6	0						
675	00745	00674	4		1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
676	00746	00675	13		1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	1	1	1	2	0	0	0	0						
677	00747	00676	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S62904	95.9	170	1	1589	2742
678	00748	00677	5		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
679	00749	00678	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
680	00750	00679	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
681	00751	00680	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1							
682	00752	00681	4		3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X75252	97.1	170	1	873	1444
683	00753	00682	6		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
684	00754	00683	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0						
685	00755	00684	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D00723	97.6	168	1	989	1192
686	00757	00685	5		1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
687	00758	00686	5		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	D14663	97	164	1	1145	1308
688	00759	00687	25		4	1	1	0	1	1	0	0	2	1	0	2	2	0	0	0	1	0	1	0	1	4	0	3	0	M13932	98.7	159	1	320	477
689	00760	00688	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
690	00761	00689	10		1	2	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	U02570	99.4	164	1	3182	3345
691	00762	00690	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34379	93.8	160	1	761	920
692	00763	00691	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
693	00764	00692	6		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	D21853	98.8	168	1	1516	1682
694	00765	00693	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X05875	93.2	161	1	761	920
695	00766	00694	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
696	00768	00695	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
697	00769	00696	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	4	0	0	0	0	0	0	L16842	100	159	1	1827	1985
698	00770	00697	4		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
699	00771	00698	3		1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
700	00772	00699	6		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
701	00773	00700	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
702	00774	00701	5		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
703	00775	00702	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	X63692	93.2	161	1	5018	5194
704	00777	00703	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
705	00778	00704	2		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表20

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
706	00779	00705	3		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X55668	92.6	149	1	824	965
707	00780	00706	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	X70944	100	152	1	2916	3071
708	00781	00707	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
709	00782	00708	8		1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
710	00783	00709	5		1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
711	00784	00710	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
712	00785	00711	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M37716	100	145	1	329	491
713	00786	00712	4		1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
714	00787	00713	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	4	0							
715	00788	00714	4		1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
716	00789	00715	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M15502	96.5	141	1	1310	1447
717	00790	00716	5		1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	X59417	96.6	149	1	824	979
718	00791	00717	6		1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
719	00792	00718	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
720	00793	00719	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
721	00794	00720	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
722	00795	00721	42		1	1	2	0	1	3	0	5	0	2	0	4	5	0	1	2	0	1	0	1	4	7	1	1	0						
723	00796	00722	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L14754	98.5	133	1	3761	3892
724	00797	00723	36		4	0	1	0	2	1	0	1	1	2	1	5	2	1	0	4	1	3	0	0	3	3	0	1	0	J02984	100	137	1	362	498
725	00798	00724	4		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
726	00799	00725	13		1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	2	1	0	1	0	1	0	1	2	0	0	0	0	0	X63423	94.3	141	1	545	691
727	00800	00726	6		1	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
728	00801	00727	9		1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	1	0	1	0	J04823	99.2	132	1	342	472
729	00802	00728	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
730	00803	00729	7		1	1	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
731	00804	00730	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
732	00805	00731	6		2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
733	00806	00732	7		1	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
734	00807	00733	23		2	0	1	1	0	1	0	1	3	1	1	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	6	1	X69392	98.5	134	1	357	773
735	00808	00734	8		2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0						
736	00809	00735	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
737	00810	00736	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	V00568	95.4	130	1	1953	2121
738	00811	00737	4		1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
739	00813	00738	7		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
740	00814	00739	8		1	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
741	00815	00740	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表21

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
742	00816	00741	14		1	5	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	M33552	100	125	1	1507	1631
743	00817	00742	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
744	00818	00743	20		4	1	1	0	2	1	0	0	0	0	4	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	3	0						
745	00819	00744	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
746	00820	00745	18		1	0	0	0	2	0	1	0	0	1	0	2	0	1	2	1	0	0	0	2	1	1	2	1	0						
747	00821	00746	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
748	00822	00747	3		1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
749	00823	00748	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
750	00824	00749	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
751	00825	00750	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
752	00826	00751	6		1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
753	00827	00752	10		1	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M89913	99.2	123	1	716	837
754	00828	00753	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
755	00829	00754	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
756	00830	00755	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
757	00831	00756	5		1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
758	00832	00757	6		1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
759	00833	00758	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
760	00834	00759	13		1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	1	0	0	1	4	1	0	0	0	1	1	0	0	0						
761	00835	00760	5		1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
762	00836	00761	8		1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0	M20372	94.6	370	1	880	1395
763	00837	00762	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
764	00839	00763	7		1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	L20216	94.8	116	1	4066	4181
765	00840	00764	8		1	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
766	00841	00765	10		5	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
767	00842	00766	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
768	00843	00767	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
769	00844	00768	5		1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
770	00845	00769	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
771	00846	00770	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
772	00847	00771	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
773	00848	00772	12		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	2	1	0	1	0	4	0	Y00711	100	107	1	1154	1260
774	00849	00773	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
775	00850	00774	12		1	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	2	1						
776	00851	00775	14		5	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D00761	100	87	1	737	823
777	00852	00776	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表22

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
778	00853	00777	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34082	90.5	105	1	591	702
779	00854	00778	8		1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	1	0						
780	00855	00779	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
781	00856	00780	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
782	00857	00781	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
783	00858	00782	6		1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
784	00859	00783	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
785	00860	00784	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
786	00861	00785	34		6	0	2	0	1	0	0	1	4	1	0	2	3	0	1	1	0	1	1	1	0	3	0	6	0	M31520	93.5	92	5	529	620
787	00862	00786	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	J03490	97.9	94	1	2002	2314
788	00863	00787	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
789	00864	00788	5		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
790	00865	00789	56		9	2	1	0	0	0	2	2	8	2	1	4	1	0	3	5	4	0	0	0	9	2	0	1	0	M55409	100	89	1	1067	1155
791	00866	00790	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
792	00867	00791	8		1	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
793	00868	00792	5		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
794	00869	00793	5		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
795	00870	00794	4		1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
796	00871	00795	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
797	00872	00796	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
798	00873	00797	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
799	00874	00798	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
800	00875	00799	21		2	3	1	1	1	0	0	0	0	0	0	3	0	1	1	6	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
801	00876	00800	9		1	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
802	00877	00801	6		1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
803	00878	00802	3		1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
804	00879	00803	5		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
805	00880	00804	5		2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
806	00882	00805	20		1	0	1	0	0	0	0	2	2	2	0	0	0	2	1	0	1	1	1	1	1	1	0	3	0						
807	00883	00806	5		1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
808	00884	00807	3		2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
809	00885	00808	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
810	00886	00809	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
811	00887	00810	14		2	1	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	4	1	0	0	0	1	0	0	0						
812	00889	00811	17		1	0	0	1	1	1	1	0	1	0	0	1	0	0	0	4	2	1	1	1	0	0	1	0	0						
813	00890	00812	2		1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表23

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
814	00891	00813	5		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
815	00892	00814	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
816	00894	00815	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
817	00895	00816	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
818	00896	00817	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
819	00897	00818	10		2	1	0	0	0	2	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
820	00898	00819	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
821	00900	00820	27		1	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	6	1	1	3	0	2	4	2	2	0	0	0	1	0	K00558	100	69	1	1528	1596
822	00903	00821	3		1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
823	00904	00822	8		1	0	0	0	0	1	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
824	00905	00823	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	L16991	98.6	73	1	989	1250
825	00906	00824	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
826	00908	00825	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
827	00910	00826	2		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
828	00911	00827	9		1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	2	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
829	00912	00828	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
830	00913	00829	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0	0	0						
831	00914	00830	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
832	00915	00831	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
833	00917	00832	43		3	1	3	0	3	3	0	2	1	1	5	6	3	0	0	0	3	3	1	1	1	1	0	2	0						
834	00918	00833	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
835	00919	00834	7		1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	L10911	97.2	109	1	1711	2488
836	00920	00835	4		1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
837	00922	00836	9		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
838	00924	00837	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
839	00925	00838	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
840	00926	00839	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
841	00929	00840	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
842	00930	00841	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
843	00931	00842	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
844	00932	00843	16		1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	3	0	1	4	1	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
845	00934	00844	34		3	1	1	0	1	5	0	2	3	0	0	3	2	3	0	0	0	0	2	0	6	0	1	1	0	X13923	100	48	1	392	439
846	00935	00845	6		1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	L13773	94.2	52	1	9332	9390
847	00936	00846	8		2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0						
848	00937	00847	62		1	5	0	0	0	0	12	0	6	4	0	2	0	0	2	2	1	0	3	2	5	0	15	0	2						
849	00938	00848	8		1	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
850	00955	00849	6		3	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
851	00972	00850	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
852	00973	00851	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
853	00974	00852	59		0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	5	6	0	5	16	9	5	1	6	2	0	0	0						
854	00976	00853	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
855	00977	00854	5		0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
856	00978	00855	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
857	00979	00856	3		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
858	00980	00857	12		0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	1	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	2	0						
859	00981	00858	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
860	00982	00859	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
861	00983	00860	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
862	00984	00861	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04739	100	136	1	1068	1813
863	00985	00862	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
864	00986	00863	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
865	00987	00864	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
866	00988	00865	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
867	00989	00866	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
868	00990	00867	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
869	00991	00868	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
870	00992	00869	3		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
871	00993	00870	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
872	00994	00871	19		0	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	5	1	0	1	5	0	0						
873	00995	00872	23		0	3	1	1	0	1	1	1	0	0	2	0	1	3	0	2	0	0	1	3	0	1	1	1	0						
874	00996	00873	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
875	00997	00874	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
876	00998	00875	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
877	00999	00876	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
878	01000	00877	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
879	01001	00878	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
880	01002	00879	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
881	01003	00880	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
882	01004	00881	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
883	01005	00882	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
884	01006	00883	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
885	01007	00884	33		0	3	0	0	0	0	1	1	0	2	2	1	0	5	1	1	2	2	1	3	0	0	2	5	1						

表25

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
886	01009	00885	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
887	01010	00886	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05021	96.1	438	1	2494	2930
888	01011	00887	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
889	01012	00888	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	D13748	94.8	346	1	601	1383
890	01013	00889	5		0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
891	01015	00890	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
892	01016	00891	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
893	01017	00892	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
894	01018	00893	6		0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
895	01019	00894	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
896	01020	00895	8		0	1	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	D00022	98.7	449	1	1353	1807
897	01021	00896	9		0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	1	0	2	1	0	0	0	1	0	0	0	0	D13635	93.5	459	1	4716	5160
898	01023	00897	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
899	01024	00898	6		0	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15395	95.3	451	1	2250	2776
900	01025	00899	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
901	01026	00900	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
902	01027	00901	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
903	01028	00902	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
904	01029	00903	13		0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	1	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	D00422	92.4	327	1	2006	2734
905	01030	00904	9		0	2	1	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X54304	94.4	448	1	505	944
906	01032	00905	14		0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	1	2	1	2	0	Y00345	92.6	443	1	2409	2848
907	01033	00906	3		0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
908	01034	00907	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
909	01035	00908	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
910	01036	00909	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
911	01037	00910	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
912	01038	00911	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
913	01039	00912	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
914	01040	00913	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
915	01041	00914	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
916	01042	00915	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
917	01043	00916	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
918	01044	00917	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
919	01045	00918	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	X64229	97.5	355	1	2345	2699
920	01046	00919	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M82809	95.4	410	1	1572	1976
921	01047	00920	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表26

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
922	01048	00921	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M84694	96.9	382	1	708	1089
923	01049	00922	2		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
924	01051	00923	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
925	01052	00924	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
926	01053	00925	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M92423	90.3	380	24	3711	4221
927	01054	00926	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
928	01055	00927	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
929	01057	00928	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
930	01061	00929	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74782	98.3	347	1	1115	1460
931	01062	00930	8		0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	0	V00599	97.2	394	1	1011	1441
932	01063	00931	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
933	01064	00932	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
934	01065	00933	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
935	01066	00934	2		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
936	01067	00935	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
937	01068	00936	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
938	01069	00937	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
939	01070	00938	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
940	01071	00939	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
941	01072	00940	8		0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0						
942	01073	00941	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
943	01074	00942	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63071	97.3	377	1	4591	4972
944	01075	00943	10		0	4	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	1	0	0						
945	01076	00944	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
946	01077	00945	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13435	99	311	69	608	917
947	01078	00946	2		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
948	01079	00947	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
949	01080	00948	5		0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
950	01081	00949	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
951	01082	00950	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
952	01083	00951	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
953	01084	00952	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
954	01085	00953	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0						
955	01086	00954	8		0	2	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
956	01087	00955	18		0	6	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	2	2	0	0	0	1	1	0	3	0	0						
957	01088	00956	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						

表27

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
958	01089	00957	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M16592	91.8	367	1	1410	1926
959	01090	00958	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
960	01091	00959	5		0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
961	01092	00960	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D12902	93	343	16	1	1391
962	01093	00961	2		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
963	01094	00962	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
964	01095	00963	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
965	01096	00964	9		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	X66899	96.9	193	1	1981	2371
966	01097	00965	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
967	01098	00966	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X52195	98.4	64	1	477	540
968	01099	00967	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z23064	96.9	354	3	1513	1894
969	01100	00968	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
970	01101	00969	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
971	01102	00970	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
972	01103	00971	2		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
973	01104	00972	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M60091	98.6	351	1	945	1295
974	01105	00973	8		0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
975	01106	00974	16		0	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0	0	0	2	0	2	J03801	98.3	348	1	1142	1487
976	01107	00975	11		0	2	0	0	0	0	3	0	0	1	1	2	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M75883	97.7	347	1	2227	2572
977	01108	00976	5		0	1	1	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
978	01109	00977	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
979	01110	00978	2		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
980	01111	00979	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
981	01112	00980	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L20010	99.4	308	1	7851	8240
982	01115	00981	2		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
983	01116	00982	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
984	01117	00983	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
985	01118	00984	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
986	01119	00985	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
987	01120	00986	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
988	01122	00987	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
989	01123	00988	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
990	01126	00989	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
991	01127	00990	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70218	92.2	332	1	837	1382
992	01128	00991	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
993	01129	00992	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表28

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
994	01130	00993	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
995	01131	00994	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M60721	94.6	331	1	1900	2231
996	01132	00995	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
997	01133	00996	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
998	01134	00997	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
999	01135	00998	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1000	01136	00999	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1001	01137	01000	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1002	01138	01001	6		0	1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1003	01139	01002	3		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19711	97.8	318	1	5079	5493
1004	01140	01003	5		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	L11066	95.8	310	1	2517	2845
1005	01141	01004	18		0	3	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	1	7	0	0	1						
1006	01142	01005	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1007	01143	01006	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1008	01144	01007	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1009	01145	01008	7		0	4	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1010	01147	01009	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1011	01148	01010	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1012	01149	01011	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1013	01150	01012	6		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0	M80613	93.5	308	1	3730	4053
1014	01151	01013	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0							
1015	01152	01014	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1016	01153	01015	3		0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1017	01154	01016	17		0	2	1	1	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2	1	2	0	1	0	0	0	3	0	J03191	96.7	301	1	496	793
1018	01155	01017	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1019	01156	01018	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1020	01157	01019	9		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	0	1	0	0						
1021	01158	01020	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1022	01159	01021	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1023	01160	01022	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1024	01161	01023	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1025	01162	01024	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1026	01163	01025	16		0	1	1	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	1	1	1	0	1	2	1	1	1	0	0	1						
1027	01164	01026	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M23197	99	297	1	1140	1437
1028	01165	01027	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1029	01167	01028	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	.1	0	0	0	0	0	0						

表29

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1030	01168	01029	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1031	01169	01030	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1032	01170	01031	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
1033	01171	01032	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
1034	01172	01033	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1035	01173	01034	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1036	01174	01035	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1037	01175	01036	14		0	1	2	1	4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	X76717	98.9	275	1	21	415
1038	01176	01037	2		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1039	01177	01038	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1040	01178	01039	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1041	01179	01040	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1042	01180	01041	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1043	01181	01042	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1044	01182	01043	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1045	01183	01044	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1046	01184	01045	7		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0						
1047	01186	01046	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1048	01187	01047	8		0	2	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1049	01188	01048	5		0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M83246	97.9	285	1	1055	1349
1050	01189	01049	13		0	1	0	0	0	1	3	0	1	0	0	4	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1051	01191	01050	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1052	01192	01051	8		0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	1	0	0	0						
1053	01193	01052	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1054	01194	01053	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1055	01195	01054	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	M94083	96	278	1	1374	1685
1056	01196	01055	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1057	01197	01056	2		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1058	01198	01057	10		0	2	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	1	0	0	1	Y00281	92.8	290	1	1934	2397
1059	01199	01058	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1060	01200	01059	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1061	01201	01060	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1062	01202	01061	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M32011	94.6	276	1	1931	2206
1063	01203	01062	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0					
1064	01204	01063	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1065	01205	01064	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表30

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1066	01207	01065	5		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
1067	01208	01066	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1068	01209	01067	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1069	01210	01068	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1070	01211	01069	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1071	01212	01070	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1072	01213	01071	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1073	01214	01072	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1074	01215	01073	15		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	4	0	0	0	6	1	0	0	0						
1075	01216	01074	7		0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M93425	97.3	262	1	2900	3160
1076	01217	01075	7		0	1	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
1077	01218	01076	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1078	01219	01077	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1079	01220	01078	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1080	01221	01079	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1081	01222	01080	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1082	01223	01081	8		0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K03199	95.4	65	261	8	1760
1083	01224	01082	10		0	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	2	0						
1084	01225	01083	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1085	01226	01084	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1086	01227	01085	15		0	1	2	0	1	0	1	0	2	3	0	0	0	0	1	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0						
1087	01228	01086	12		0	4	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	3	0	0						
1088	01229	01087	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X06234	96.1	230	25	182	418
1089	01230	01088	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1090	01231	01089	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1091	01232	01090	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1092	01233	01091	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1093	01235	01092	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1094	01236	01093	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M63483	96.8	247	1	975	1328
1095	01237	01094	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1096	01238	01095	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1097	01239	01096	8		0	2	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0						
1098	01240	01097	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1099	01241	01098	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1100	01242	01099	7		0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
1101	01243	01100	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表31

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1102	01244	01101	25		0	3	1	0	0	0	0	2	2	0	3	2	2	0	0	2	1	0	4	0	2	1	0	0	0	X13585	93.5	262	1	254	518
1103	01245	01102	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1104	01246	01103	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1105	01247	01104	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1106	01248	01105	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1107	01249	01106	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1108	01250	01107	2		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1109	01251	01108	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1110	01252	01109	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1111	01253	01110	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1112	01254	01111	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1113	01256	01112	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	J05016	92.5	267	1	1912	2865
1114	01257	01113	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M37712	94.1	237	1	1486	3863
1115	01258	01114	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1116	01259	01115	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
1117	01260	01116	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1118	01261	01117	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13638	94.5	235	1	3809	5167
1119	01262	01118	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1120	01263	01119	5		0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M60346	92.4	172	1	2288	2457
1121	01264	01120	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
1122	01265	01121	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D25253	99.6	234	1	115	360
1123	01266	01122	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1124	01267	01123	15		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	2	0	0	0	0	8	0	1	X02490	99.5	215	1	354	568
1125	01268	01124	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1126	01269	01125	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L26953	97	231	1	350	2868
1127	01270	01126	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1128	01272	01127	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1129	01273	01128	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	D13286	97	230	1	2037	2272
1130	01274	01129	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1131	01276	01130	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1132	01277	01131	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1133	01278	01132	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1134	01279	01133	6		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1135	01280	01134	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1136	01281	01135	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1137	01282	01136	6		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	L09604	92	199	1	748	945

表32

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1138	01283	01137	9		0	2	1	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	M30448	98.6	222	1	669	2527
1139	01284	01138	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1140	01285	01139	6		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
1141	01286	01140	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1142	01287	01141	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1143	01288	01142	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
1144	01289	01143	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1145	01290	01144	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1146	01291	01145	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1147	01292	01146	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06797	100	218	1	1439	1670
1148	01293	01147	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1149	01294	01148	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1150	01295	01149	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1151	01296	01150	6		0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1152	01297	01151	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1153	01298	01152	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1154	01299	01153	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1155	01300	01154	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1156	01301	01155	5		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1157	01302	01156	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1158	01303	01157	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1159	01304	01158	10		0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	4	0	0	M37033	100	209	1	1272	1480
1160	01305	01159	28		0	2	1	0	1	3	0	0	1	1	0	0	1	3	1	3	0	0	3	5	2	0	1	0	0						
1161	01306	01160	3		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1162	01307	01161	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1163	01308	01162	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1164	01309	01163	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1165	01310	01164	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1166	01311	01165	6		0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0						
1167	01312	01166	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1168	01313	01167	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1169	01314	01168	3		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1170	01315	01169	8		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1171	01316	01170	5		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1172	01317	01171	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1173	01318	01172	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表33

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1174	01319	01173	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1175	01320	01174	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1176	01321	01175	19		0	3	2	1	2	0	1	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	2	2	1	0						
1177	01322	01176	3		0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1178	01323	01177	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1179	01324	01178	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1180	01325	01179	17		0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	1	0	2	1	0	2	0	0	1	2	3	1	0	L26247	98.5	203	1	455	660
1181	01326	01180	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1182	01327	01181	4		0	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74524	100	199	1	1543	1743
1183	01328	01182	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	D16217	93.2	251	1	2131	2493
1184	01329	01183	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1185	01330	01184	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	M13450	99.3	146	1	820	1069
1186	01331	01185	3		0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1187	01332	01186	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1188	01333	01187	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L16862	99.5	196	1	1867	2848
1189	01334	01188	7		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0						
1190	01335	01189	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1191	01336	01190	4		0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M33195	98.9	186	1	400	591
1192	01337	01191	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1193	01338	01192	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1194	01339	01193	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69838	98.9	188	1	3190	3391
1195	01340	01194	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1196	01341	01195	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1197	01342	01196	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1198	01343	01197	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1199	01344	01198	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1200	01345	01199	4		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04739	98.3	180	1	1634	1813
1201	01346	01200	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1202	01347	01201	5		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2						
1203	01348	01202	13		0	2	0	0	0	1	1	0	0	1	2	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
1204	01349	01203	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1205	01350	01204	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1206	01351	01205	7		0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						
1207	01352	01206	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1208	01353	01207	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1209	01354	01208	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表34

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1210	01355	01209	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1211	01356	01210	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1212	01357	01211	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1213	01358	01212	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L22473	95.3	127	1	453	579
1214	01359	01213	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1215	01360	01214	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1216	01361	01215	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1217	01362	01216	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1218	01363	01217	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1219	01364	01218	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1220	01365	01219	4		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1221	01366	01220	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1222	01367	01221	21		0	3	1	0	0	0	3	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	1	0	7	1	1	Z29505	97.2	216	1	1324	1558
1223	01368	01222	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1224	01369	01223	5		0	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1225	01370	01224	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1226	01371	01225	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
1227	01372	01226	7		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	X06233	91.4	58	1	405	462
1228	01373	01227	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1229	01374	01228	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1230	01375	01229	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1231	01377	01230	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1232	01378	01231	5		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0							
1233	01379	01232	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1234	01380	01233	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1235	01381	01234	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1236	01382	01235	5		0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1237	01383	01236	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1238	01384	01237	16		0	1	1	0	0	0	2	2	0	1	0	0	1	1	2	0	1	0	0	1	1	0	2	0	0						
1239	01385	01238	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1240	01386	01239	3		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M86667	100	124	41	1287	1560
1241	01387	01240	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1242	01388	01241	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10342	99.4	163	1	2	2225
1243	01389	01242	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1244	01390	01243	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0						
1245	01391	01244	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表35

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1246	01392	01245	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03342	90.7	161	1	67	505
1247	01393	01246	5		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
1248	01394	01247	12		0	4	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0						
1249	01395	01248	7		0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	Z17227	100	152	1	1724	1875
1250	01396	01249	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
1251	01397	01250	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1252	01398	01251	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1253	01400	01252	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1254	01401	01253	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1255	01402	01254	7		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1256	01403	01255	6		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1257	01404	01256	16		0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	1	2	2	3	0	0	0	0	1	0	1	0	M93651	96.2	159	1	1551	2577
1258	01405	01257	4		0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1259	01406	01258	7		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
1260	01407	01259	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
1261	01408	01260	3		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1262	01409	01261	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
1263	01410	01262	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1264	01411	01263	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1265	01412	01264	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1266	01413	01265	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X65463	99.2	119	1	1634	1752
1267	01414	01266	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1268	01415	01267	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1269	01416	01268	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1270	01417	01269	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1271	01418	01270	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1272	01419	01271	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1273	01420	01272	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0						
1274	01421	01273	4		0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1275	01422	01274	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1276	01423	01275	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1277	01424	01276	12		0	2	5	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
1278	01426	01277	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1279	01427	01278	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1280	01428	01279	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1281	01429	01280	4		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表36

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1282	01430	01281	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1283	01431	01282	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	2	0	0	X51346	99.3	144	1	1470	1612
1284	01432	01283	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1285	01433	01284	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1286	01434	01285	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1287	01435	01286	7		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
1288	01436	01287	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1289	01437	01288	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1290	01438	01289	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1291	01439	01290	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M11948	90.5	84	59	342	425
1292	01440	01291	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0						
1293	01441	01292	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X55188	98.9	92	1	10	1560
1294	01442	01293	4		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
1295	01443	01294	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1296	01444	01295	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1297	01445	01296	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1298	01446	01297	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1299	01447	01298	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1300	01448	01299	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1301	01449	01300	10		0	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	2	0						
1302	01450	01301	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
1303	01451	01302	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1304	01452	01303	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
1305	01453	01304	3		0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1306	01454	01305	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1307	01455	01306	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1308	01456	01307	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1309	01457	01308	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1310	01458	01309	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1311	01459	01310	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1312	01460	01311	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1313	01461	01312	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1314	01462	01313	6		0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
1315	01463	01314	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1316	01464	01315	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1317	01466	01316	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表37

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1318	01467	01317	4		0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1319	01468	01318	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1320	01469	01319	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0						
1321	01470	01320	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1322	01471	01321	2		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1323	01472	01322	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1324	01473	01323	9		0	2	2	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
1325	01474	01324	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1326	01475	01325	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
1327	01476	01326	19		0	4	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	10	0	0						
1328	01477	01327	4		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1329	01478	01328	5		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
1330	01479	01329	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1331	01481	01330	3		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1332	01482	01331	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1333	01483	01332	9		0	2	2	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1334	01484	01333	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1335	01485	01334	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1336	01486	01335	3		0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1337	01487	01336	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1338	01488	01337	4		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1339	01489	01338	5		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
1340	01490	01339	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1341	01491	01340	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1342	01492	01341	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1343	01493	01342	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1344	01494	01343	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1345	01495	01344	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1346	01496	01345	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X54637	100	116	1	4058	4176
1347	01497	01346	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1348	01498	01347	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1349	01499	01348	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1350	01500	01349	3		0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1351	01501	01350	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
1352	01502	01351	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1353	01503	01352	9		0	1	2	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						

表38

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1354	01505	01353	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1355	01506	01354	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1356	01507	01355	5		0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X55187	98.3	406	1	1923	2327
1357	01508	01356	13		0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	6	1	0	0	1	0	0	0	M29064	99.1	112	1	1617	1760
1358	01509	01357	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1359	01510	01358	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1360	01511	01359	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1361	01512	01360	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1362	01513	01361	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1363	01514	01362	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1364	01515	01363	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1365	01516	01364	7		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M73554	93.6	110	1	3448	4221
1366	01517	01365	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	4	0	0	0	0	0	0						
1367	01518	01366	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1368	01519	01367	3		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1369	01520	01368	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1370	01521	01369	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1371	01522	01370	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1372	01523	01371	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1373	01524	01372	7		0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	S54711	96.5	231	62	1	229
1374	01525	01373	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1375	01526	01374	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1376	01527	01375	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1377	01528	01376	16		0	2	3	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	1	0	0	1	0	3	1	0	1	1	0						
1378	01529	01377	7		0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1379	01530	01378	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1380	01531	01379	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1381	01532	01380	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1382	01533	01381	19		0	1	2	0	0	0	1	0	2	2	1	1	1	0	1	0	0	2	1	0	2	1	1	0	0	J04182	98.1	105	1	2333	2455
1383	01534	01382	8		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
1384	01535	01383	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1385	01537	01384	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1386	01538	01385	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1387	01539	01386	12		0	1	3	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0						
1388	01540	01387	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1389	01541	01388	6		0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0						

表39

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1390	01542	01389	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06814	90.1	101	1	552	702
1391	01543	01390	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1392	01544	01391	4		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1393	01545	01392	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1394	01546	01393	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1395	01547	01394	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1396	01548	01395	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1397	01549	01396	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1398	01550	01397	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1399	01551	01398	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	D25538	100	95	1	6102	6196
1400	01552	01399	10		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0						
1401	01553	01400	5		0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1402	01554	01401	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1403	01555	01402	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M95767	97.8	89	1	1208	1618
1404	01556	01403	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0						
1405	01557	01404	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1406	01558	01405	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1407	01560	01406	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1408	01561	01407	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1409	01562	01408	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1410	01563	01409	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1411	01564	01410	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1412	01565	01411	6		0	2	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M79463	100	84	1	3492	3587
1413	01566	01412	9		0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	1	1	1	1	0	X71428	94.2	86	1	1734	1822
1414	01567	01413	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1415	01568	01414	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1416	01569	01415	6		0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0						
1417	01570	01416	7		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	X65019	98.8	82	1	1263	1358
1418	01571	01417	10		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	2	2	0	1	0	0	0	J03805	96.3	81	1	1449	1529
1419	01572	01418	4		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1420	01573	01419	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1421	01574	01420	11		0	2	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0						
1422	01575	01421	6		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3						
1423	01576	01422	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
1424	01577	01423	5		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
1425	01578	01424	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表40

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1426	01579	01425	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1427	01580	01426	4		0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
1428	01581	01427	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M81601	96.1	51	28	2573	2634
1429	01582	01428	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1430	01583	01429	5		0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	U02389	100	76	1	3106	3193
1431	01584	01430	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1432	01585	01431	8		0	2	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	M32315	100	75	1	3604	3683
1433	01586	01432	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1434	01587	01433	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1435	01588	01434	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1436	01589	01435	10		0	1	0	0	0	1	0	0	3	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0						
1437	01590	01436	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1438	01591	01437	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1439	01592	01438	4		0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1440	01593	01439	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1441	01594	01440	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	Y00062	95.1	364	1	3982	4597
1442	01595	01441	7		0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
1443	01596	01442	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1444	01597	01443	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1445	01598	01444	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1446	01599	01445	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1447	01600	01446	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1448	01601	01447	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1449	01602	01448	4		0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1450	01603	01449	5		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1451	01604	01450	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1452	01605	01451	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1453	01606	01452	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1454	01607	01453	4		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
1455	01608	01454	23		0	2	0	0	0	0	0	1	2	3	0	0	5	0	0	2	1	3	0	1	2	0	1	0	0	S60099	100	54	1	3673	3727
1456	01609	01455	16		0	4	0	0	0	1	2	0	0	0	1	1	0	0	2	4	0	0	0	0	0	1	0	0	J03909	100	52	1	981	1032
1457	01610	01456	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1458	01611	01457	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1459	01612	01458	5		0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1460	01614	01459	4		0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1461	01615	01460	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表41

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1462	01616	01461	32		0	1	3	1	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	5	11	0	0	2	1	0	0	1	0	3	L03558	98.2	55	1	588	642
1463	01617	01462	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1464	01618	01463	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1465	01619	01464	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1466	01620	01465	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
1467	01621	01466	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1468	01622	01467	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1469	01623	01468	5		0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
1470	01624	01469	8		0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	M22324	100	54	1	3427	3494
1471	01625	01470	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
1472	01626	01471	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1473	01627	01472	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1474	01628	01473	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1475	01629	01474	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1476	01630	01475	9		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	2	1	0	1	1	0	0	0						
1477	01632	01476	11		0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	0						
1478	01633	01477	7		0	1	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1479	01642	01478	3		0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1480	01671	01479	35		0	2	0	0	0	0	5	7	3	2	0	0	1	6	0	0	0	3	2	0	2	1	0	1	0						
1481	01673	01480	6		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1482	01686	01481	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1483	01687	01482	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X06409	93.9	408	1	1579	2602
1484	01688	01483	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	X04098	98.2	325	1	1093	1918
1485	01689	01484	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1486	01691	01485	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1487	01692	01486	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1488	01693	01487	5		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	0						
1489	01694	01488	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1490	01695	01489	11		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	3	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	M34600	96.2	524	1	118	634
1491	01696	01490	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1492	01697	01491	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X01060	95.6	317	4	4532	5010
1493	01698	01492	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1494	01699	01493	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1495	01700	01494	9		0	0	4	1	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1496	01701	01495	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1497	01702	01496	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	M22918	99.2	394	1	109	651

表42

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1498	01703	01497	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1499	01704	01498	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1500	01705	01499	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1501	01706	01500	12		0	0	4	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	M80563	93.1	421	1	120	580
1502	01707	01501	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86752	95.3	471	1	1652	2113
1503	01708	01502	5		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
1504	01709	01503	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1505	01710	01504	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1506	01711	01505	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1507	01713	01506	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1508	01714	01507	3		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15330	96.4	448	1	1052	1497
1509	01715	01508	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1510	01718	01509	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1511	01719	01510	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M81750	98.3	345	1	1239	1672
1512	01720	01511	43		0	0	1	0	0	0	4	2	4	3	1	1	0	0	5	7	9	4	0	0	0	2	0	0	0	M14043	94.8	461	1	913	1362
1513	01721	01512	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1514	01722	01513	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1515	01724	01514	9		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	X07743	96.2	426	1	2322	2745
1516	01726	01515	5		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	M96843	90.9	364	1	808	1167
1517	01727	01516	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0						
1518	01728	01517	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1519	01729	01518	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1520	01730	01519	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1521	01731	01520	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1522	01732	01521	4		0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X12597	96.7	276	127	521	1009
1523	01733	01522	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1524	01734	01523	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1525	01735	01524	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1526	01736	01525	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
1527	01737	01526	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1528	01738	01527	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1529	01739	01528	8		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
1530	01740	01529	8		0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0						
1531	01741	01530	5		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0						
1532	01742	01531	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1533	01745	01532	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表43

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1534	01746	01533	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1535	01747	01534	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1536	01748	01535	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1537	01749	01536	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X73685	92.7	358	1	850	2177
1538	01750	01537	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16166	99.2	358	1	278	637
1539	01751	01538	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1540	01752	01539	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
1541	01753	01540	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1542	01754	01541	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1543	01755	01542	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1544	01756	01543	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1545	01758	01544	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1546	01759	01545	7		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	1	0						
1547	01760	01546	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
1548	01761	01547	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1549	01763	01548	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1550	01764	01549	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1551	01765	01550	7		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	M84739	94.7	337	1	1615	1958
1552	01766	01551	63		0	0	6	15	2	4	2	0	4	0	5	1	1	0	6	1	10	3	0	0	1	0	1	0	1	V00594	93.4	318	1	61	372
1553	01767	01552	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
1554	01768	01553	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
1555	01769	01554	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1556	01770	01555	5		0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	M64098	97.9	385	1	3963	4354
1557	01771	01556	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1558	01772	01557	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M63838	96.6	322	1	2348	2709
1559	01773	01558	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M16985	97.4	309	1	2120	2428
1560	01774	01559	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29863	91.9	185	138	906	1098
1561	01775	01560	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D11094	96.3	374	1	1105	1478
1562	01776	01561	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1563	01777	01562	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1564	01778	01563	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1565	01779	01564	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1566	01780	01565	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1567	01781	01566	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1568	01782	01567	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1569	01783	01568	3		0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	.0	0	0	0	0	0						

表44

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1570	01784	01569	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1571	01785	01570	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10320	99	301	1	1101	1401
1572	01786	01571	8		0	0	2	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1573	01787	01572	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1574	01788	01573	3		0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1575	01789	01574	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1576	01790	01575	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L03411	95.9	295	1	1011	1301
1577	01791	01576	34		0	0	1	0	0	2	3	1	3	0	0	5	0	2	0	2	3	3	4	1	3	1	0	0	0						
1578	01792	01577	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1579	01793	01578	6		0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1580	01794	01579	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1581	01795	01580	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1582	01796	01581	7		0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	L20859	99.3	285	1	2924	3220
1583	01797	01582	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1584	01798	01583	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1585	01799	01584	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1586	01800	01585	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1587	01801	01586	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1588	01802	01587	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1589	01803	01588	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1590	01804	01589	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1591	01805	01590	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1592	01806	01591	26		0	0	7	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	0	0	0	11	X05908	95.8	262	1	1142	1399
1593	01807	01592	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1594	01808	01593	47		0	0	6	0	2	1	1	3	7	4	2	4	0	0	0	0	6	3	2	0	0	6	0	0	0	S54005	98	253	1	201	453
1595	01809	01594	19		0	0	3	0	0	0	0	0	1	2	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	1	0	M58485	96.1	256	1	610	875
1596	01810	01595	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1597	01811	01596	39		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	2	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	10	17	4	M11353	98	204	1	618	1305
1598	01812	01597	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1599	01813	01598	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
1600	01814	01599	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M69238	96.8	219	1	2394	2616
1601	01815	01600	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1602	01816	01601	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M77140	97	233	1	280	512
1603	01817	01602	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65212	96.9	322	1	741	1107
1604	01818	01603	3		0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1605	01819	01604	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						

表45

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1606	01820	01605	9		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0						
1607	01821	01606	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1608	01822	01607	7		0	0	2	0	0	0	0	0	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06256	100	234	1	3965	4204
1609	01823	01608	24		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	20	0	0	U02020	98.6	353	1	1805	2376
1610	01824	01609	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15841	99.6	228	1	782	1015
1611	01825	01610	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1612	01826	01611	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
1613	01827	01612	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1614	01828	01613	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1615	01829	01614	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1616	01830	01615	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X76302	98	202	1	1201	1402
1617	01831	01616	3		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1618	01832	01617	8		0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	X51345	96.8	219	1	1580	1797
1619	01833	01618	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X14813	93.4	213	1	1432	1642
1620	01834	01619	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1621	01835	01620	5		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1622	01836	01621	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1623	01837	01622	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1624	01838	01623	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1625	01839	01624	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1626	01840	01625	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1627	01841	01626	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1628	01842	01627	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1629	01843	01628	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1630	01844	01629	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1631	01845	01630	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1632	01846	01631	2		0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1633	01847	01632	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1634	01848	01633	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1635	01849	01634	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1636	01850	01635	4		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1637	01851	01636	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1638	01852	01637	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1639	01853	01638	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1640	01854	01639	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1641	01855	01640	7		0	0	1	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表46

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1642	01856	01641	5		0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1643	01857	01642	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	0	M33146	100	186	6	1612	1797
1644	01858	01643	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1645	01859	01644	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1646	01860	01645	4		0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1647	01861	01646	18		0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	1	2	0	1	2	0	2	1	0	1	0	0	0	4	0						
1648	01862	01647	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1649	01863	01648	18		0	0	1	0	0	0	0	1	1	2	2	2	1	0	1	0	1	2	0	0	0	2	1	1	0						
1650	01864	01649	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1651	01865	01650	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1652	01866	01651	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1653	01867	01652	7		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	2	1						
1654	01868	01653	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1655	01869	01654	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1656	01870	01655	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1657	01871	01656	6		0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1658	01872	01657	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13932	94	167	1	136	477
1659	01873	01658	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1660	01874	01659	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1661	01875	01660	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1662	01876	01661	11		0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	1	2	1	0	1	0	0	1	0	1						
1663	01877	01662	8		0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0						
1664	01878	01663	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1665	01880	01664	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1666	01881	01665	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1667	01882	01666	3		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M15400	99.3	153	1	4588	4740
1668	01883	01667	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1669	01884	01668	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1670	01885	01669	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1671	01886	01670	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1672	01887	01671	4		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1673	01888	01672	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1674	01889	01673	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1675	01890	01674	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1676	01891	01675	9		0	0	1	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	2						
1677	01892	01676	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表47

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1678	01893	01677	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1679	01895	01678	7		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	2	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1680	01896	01679	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1681	01897	01680	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1682	01898	01681	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1683	01899	01682	14		0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	3	1	0	0	1	1	3	0	1	0	0	0	0	0	K00557	95.2	145	1	1104	1246
1684	01900	01683	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1685	01901	01684	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1686	01902	01685	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98252	98.5	136	1	2804	2939
1687	01903	01686	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1688	01904	01687	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1689	01905	01688	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
1690	01906	01689	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1691	01907	01690	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1692	01908	01691	21		0	0	2	0	0	2	0	0	0	4	0	0	0	0	3	9	0	1	0	0	0	0	0	0	0	L16510	99.2	126	1	1871	1996
1693	01909	01692	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X71129	100	140	1	699	852
1694	01910	01693	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1695	01911	01694	10		0	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0						
1696	01912	01695	5		0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	Z22572	98.5	131	1	2593	3723
1697	01913	01696	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1698	01914	01697	3		0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1699	01915	01698	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1700	01916	01699	3		0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1701	01917	01700	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1702	01918	01701	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1703	01919	01702	111		0	0	5	0	1	0	3	5	6	12	3	2	0	0	7	23	5	2	3	3	6	22	3	0	0						
1704	01920	01703	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1705	01921	01704	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1706	01922	01705	3		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1707	01923	01706	2		0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1708	01924	01707	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1709	01925	01708	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1710	01926	01709	24		0	0	2	0	0	0	2	0	0	3	0	0	1	2	1	0	0	2	3	1	1	1	2	1	2	M29870	100	64	1	516	579
1711	01927	01710	3		0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1712	01928	01711	10		0	0	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0						
1713	01929	01712	19		0	0	1	0	1	0	4	0	0	0	0	0	2	1	1	3	1	0	0	0	0	1	1	0	3						

表48

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1714	01930	01713	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1715	01931	01714	4		0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1716	01932	01715	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
1717	01933	01716	10		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0	2	0	0	0	X60111	97.5	276	1	756	1120
1718	01934	01717	5		0	0	1	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1719	01935	01718	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1720	01936	01719	2		0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03132	93.9	114	1	2834	2986
1721	01937	01720	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1722	01938	01721	3		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1723	01939	01722	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1724	01940	01723	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1725	01941	01724	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1726	01943	01725	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1727	01944	01726	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1728	01945	01727	7		0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1729	01946	01728	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	Z28407	94.2	328	1	236	852
1730	01947	01729	6		0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1731	01948	01730	4		0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
1732	01949	01731	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1733	01950	01732	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1734	01951	01733	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1735	01952	01734	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1736	01953	01735	17		0	0	2	2	0	0	0	1	0	1	0	3	0	2	0	1	0	0	1	0	1	1	0	2	0						
1737	01954	01736	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1738	01955	01737	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1739	01956	01738	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1740	01957	01739	4		0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1741	01958	01740	6		0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
1742	01959	01741	5		0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1743	01960	01742	6		0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	M33519	98	100	1	3640	3740
1744	01961	01743	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1745	01962	01744	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1746	01963	01745	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1747	01964	01746	6		0	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1748	01965	01747	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1749	01966	01748	8		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						

表49

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1750	01967	01749	13		0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	2	1	0	0	2	1	2	0	0	1	0	0	0	0	X14986	100	57	36	1	57
1751	01968	01750	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1752	01969	01751	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1753	01970	01752	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1754	01972	01753	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1755	01973	01754	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
1756	01974	01755	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1757	01975	01756	6		0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1758	01976	01757	5		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1759	01977	01758	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1760	01978	01759	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1761	01979	01760	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1762	01981	01761	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1763	01982	01762	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1764	01983	01763	16		0	0	1	0	0	0	0	3	2	3	0	1	1	0	2	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
1765	01984	01764	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
1766	01985	01765	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
1767	01986	01766	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1768	01987	01767	2		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1769	01988	01768	2		0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1770	01989	01769	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1771	01990	01770	4		0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1772	01991	01771	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	M57502	98.6	71	1	449	520
1773	01992	01772	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06132	98.5	66	1	1742	1806
1774	01994	01773	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1775	01995	01774	18		0	0	4	0	1	0	0	2	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1776	01996	01775	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	4	1	1	0	X13710	93.8	65	1	1039	1100
1777	01997	01776	7		0	0	2	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	X13973	95.2	62	1	1860	1921
1778	01998	01777	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1779	01999	01778	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1780	02000	01779	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1781	02001	01780	4		0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
1782	02002	01781	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1783	02003	01782	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1784	02005	01783	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1785	02006	01784	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	M16750	96.6	58	1	2239	2297

表50

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1786	02007	01785	15		0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	2	0	1	4	0	0	1	0	0	1	2	0	0	M69023	100	56	1	1064	1119
1787	02010	01786	7		0	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0						
1788	02011	01787	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
1789	02012	01788	16		0	0	2	0	0	0	2	2	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	1	1	3	0	0	1	0						
1790	02013	01789	12		0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	2	2	0	0	1	1	1	0	0						
1791	02025	01790	8		0	0	1	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
1792	02039	01791	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1793	02040	01792	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1794	02041	01793	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M61108	90.5	505	1	4356	5000
1795	02042	01794	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1796	02043	01795	8		0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K02215	95.4	477	1	1435	2099
1797	02044	01796	5		0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1798	02045	01797	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1799	02046	01798	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1800	02047	01799	13		0	0	0	2	7	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X14174	99.3	140	100	7	2339
1801	02048	01800	5		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1802	02049	01801	20		0	0	0	1	0	0	1	0	0	10	0	0	0	0	3	0	0	4	0	0	1	0	0	0	0	K01228	92.4	432	1	2919	3347
1803	02050	01802	5		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0						
1804	02051	01803	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1805	02052	01804	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1806	02053	01805	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1807	02054	01806	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1808	02055	01807	2		0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1809	02056	01808	2		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19684	100	67	1	1218	1284
1810	02057	01809	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	1						
1811	02058	01810	5		0	0	0	1	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1812	02059	01811	6		0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X67698	97.4	346	1	448	808
1813	02060	01812	8		0	0	0	1	1	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M31159	98.2	341	1	2135	2474
1814	02062	01813	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1815	02063	01814	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1816	02064	01815	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1817	02065	01816	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1818	02066	01817	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	X64877	99.7	335	1	690	1040
1819	02067	01818	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1820	02068	01819	3		0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1821	02069	01820	7		0	0	0	1	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						

表51

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1822	02070	01821	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1823	02071	01822	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1824	02072	01823	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1825	02073	01824	16		0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	3	0	3	0	1	0	0	2	0	1	0	0	0	1	1					
1826	02074	01825	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0					
1827	02075	01826	7		0	0	0	1	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X07173	96.4	308	1	2782	3089
1828	02076	01827	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0					
1829	02077	01828	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
1830	02078	01829	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1831	02079	01830	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M64925	95.7	281	1	1708	1989
1832	02080	01831	11		0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0					
1833	02081	01832	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
1834	02082	01833	7		0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	M25113	98.2	279	1	298	576
1835	02084	01834	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1836	02085	01835	83		0	0	0	16	26	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K00422	98.1	268	1	1131	1397
1837	02086	01836	4		0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1838	02087	01837	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
1839	02088	01838	2		0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1840	02089	01839	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1841	02090	01840	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1842	02091	01841	9		0	0	0	1	0	0	2	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	M14036	97.6	210	1	878	1088
1843	02092	01842	11		0	0	0	2	1	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X00129	98	254	1	629	882
1844	02093	01843	11		0	0	0	2	3	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02747	100	241	1	1412	1652
1845	02094	01844	6		0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0					
1846	02095	01845	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S46963	99.6	240	1	1564	1814
1847	02096	01846	2		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X17544	99.2	237	1	1308	1545
1848	02097	01847	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04481	99.6	229	1	2381	2609
1849	02098	01848	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1850	02099	01849	3		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0					
1851	02100	01850	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0					
1852	02101	01851	2		0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1853	02102	01852	5		0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
1854	02103	01853	5		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
1855	02104	01854	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M25897	97.8	223	1	187	439
1856	02105	01855	109		0	0	0	6	4	3	10	0	36	22	0	0	0	0	2	1	2	22	1	0	0	0	0	0	0	X02761	99.1	219	1	7462	7680
1857	02106	01856	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表52

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1858	02107	01857	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X65551	98.2	218	1	8718	11435
1859	02108	01858	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16609	98.2	219	1	5919	7252
1860	02110	01859	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
1861	02111	01860	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1862	02112	01861	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1863	02113	01862	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1864	02115	01863	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
1865	02116	01864	12		0	0	0	3	2	5	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12272	100	208	1	1262	1486
1866	02117	01865	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14057	98.6	70	1	1884	2171
1867	02118	01866	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64982	96.8	188	11	5234	5943
1868	02119	01867	8		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	1	2						
1869	02120	01868	19		0	0	0	3	12	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64983	99.5	197	1	8075	8878
1870	02121	01869	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02770	95.3	191	1	1773	1963
1871	02122	01870	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1872	02123	01871	28		0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	12	4	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	6	1						
1873	02124	01872	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1874	02126	01873	7		0	0	0	6	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1875	02127	01874	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1876	02128	01875	3		0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1877	02129	01876	4		0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M11723	98.9	175	1	1785	1959
1878	02130	01877	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1879	02131	01878	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03810	100	169	1	3000	3168
1880	02132	01879	2		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1881	02133	01880	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1882	02134	01881	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1883	02135	01882	6		0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1884	02136	01883	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1885	02137	01884	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
1886	02138	01885	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1887	02139	01886	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1888	02140	01887	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1889	02141	01888	8		0	0	0	5	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12654	100	148	1	1506	1653
1890	02142	01889	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1891	02143	01890	3		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1892	02144	01891	8		0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	1	0	0	Z15108	95.7	140	1	1998	2146
1893	02145	01892	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表53

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1894	02146	01893	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1895	02147	01894	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	J05016	100	134	1	2732	2865
1896	02148	01895	21		0	0	0	3	6	6	4	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36501	100	127	1	1915	2041
1897	02149	01896	4		0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1898	02150	01897	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1899	02151	01898	14		0	0	0	9	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1900	02152	01899	7		0	0	0	1	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K02403	96.3	245	1	5155	5406
1901	02153	01900	6		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0						
1902	02154	01901	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1903	02155	01902	28		0	0	0	7	3	11	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	M12530	100	124	1	2175	2298
1904	02156	01903	8		0	0	0	1	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M86511	99.2	124	1	1204	1327
1905	02157	01904	35		0	0	0	1	0	2	0	0	12	0	0	0	0	0	5	0	0	14	0	0	1	0	0	0	0	M14083	100	89	1	2849	2937
1906	02158	01905	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1907	02159	01906	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1908	02160	01907	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1909	02161	01908	9		0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	4	0	0	M91029	100	110	1	3250	3359
1910	02162	01909	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1911	02163	01910	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0						
1912	02164	01911	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	2						
1913	02165	01912	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1914	02166	01913	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
1915	02167	01914	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02761	99	101	6	7470	7680
1916	02168	01915	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1917	02169	01916	9		0	0	0	2	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0						
1918	02170	01917	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1919	02171	01918	6		0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	1	0						
1920	02172	01919	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
1921	02173	01920	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X75621	96.6	268	1	5208	5474
1922	02174	01921	25		0	0	0	4	1	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13692	100	101	1	637	737
1923	02175	01922	4		0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1924	02176	01923	13		0	0	0	3	1	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29844	96.9	96	1	325	420
1925	02177	01924	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1926	02178	01925	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1927	02179	01926	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1928	02180	01927	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1929	02181	01928	14		0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	1	1	0	0	2	1	0	3	0	1	0	0	1	0	0						

表54

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1930	02182	01929	3		0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1931	02183	01930	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
1932	02184	01931	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1933	02185	01932	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1934	02186	01933	68		0	0	0	1	1	2	0	0	2	1	0	0	2	1	0	2	0	1	8	5	5	37	0	0	0	X14723	96	99	1	1551	1676
1935	02187	01934	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1936	02188	01935	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
1937	02189	01936	11		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	0	1	1	4	0	0	0	0						
1938	02191	01937	6		0	0	0	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04608	98.8	83	1	842	923
1939	02192	01938	2		0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1940	02193	01939	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	U02493	97.8	91	1	1606	2593
1941	02194	01940	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86752	97.3	73	11	2040	2113
1942	02195	01941	8		0	0	0	4	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1943	02196	01942	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1944	02197	01943	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1945	02198	01944	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1946	02199	01945	5		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	L19501	100	76	1	2451	2544
1947	02200	01946	6		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
1948	02202	01947	32		0	0	0	15	12	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64983	100	60	1	8480	8878
1949	02203	01948	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1950	02204	01949	3		0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1951	02205	01950	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1952	02206	01951	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1953	02207	01952	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1954	02208	01953	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
1955	02209	01954	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1956	02210	01955	3		0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1957	02211	01956	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1958	02212	01957	2		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1959	02213	01958	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M35433	98.2	57	1	143	282
1960	02214	01959	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1961	02215	01960	4		0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
1962	02216	01961	2		0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1963	02237	01962	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D90282	93.1	101	1	5116	5215
1964	02238	01963	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1965	02239	01964	6		0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	X51745	97.3	447	1	964	1418

表55

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1966	02240	01965	5		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
1967	02241	01966	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1968	02242	01967	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X60364	98.1	416	1	1523	1941
1969	02243	01968	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1970	02244	01969	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D26124	92.5	399	1	610	1162
1971	02245	01970	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1972	02246	01971	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1973	02247	01972	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14091	93.7	380	1	1496	1872
1974	02248	01973	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1975	02249	01974	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X67055	92.8	374	1	2279	2807
1976	02250	01975	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
1977	02252	01976	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1978	02254	01977	3		0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K00484	91.6	275	1	48	333
1979	02255	01978	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1980	02256	01979	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M76766	99.1	339	1	930	1268
1981	02257	01980	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04225	97.6	210	1	306	1239
1982	02258	01981	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1983	02259	01982	10		0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	4	0	0	0	0	Y00109	94	332	1	1651	1980
1984	02260	01983	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1985	02261	01984	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1986	02262	01985	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M28614	99.6	262	64	83	519
1987	02263	01986	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
1988	02264	01987	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1989	02266	01988	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1990	02268	01989	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1991	02269	01990	4		0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M19922	98.7	233	1	1149	1382
1992	02270	01991	3		0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
1993	02271	01992	12		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	2	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0	M77025	95.7	303	1	1100	1415
1994	02272	01993	9		0	0	0	0	2	0	2	0	0	0	0	2	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X00457	92.5	308	1	752	1048
1995	02274	01994	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S46622	97	297	1	1821	2134
1996	02275	01995	2		0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1997	02276	01996	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M63175	97.4	192	1	655	1810
1998	02277	01997	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1999	02278	01998	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2000	02279	01999	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J00127	93.6	188	83	1988	2182
2001	02280	02000	3		0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表56

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2002	02281	02001	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2003	02282	02002	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2004	02283	02003	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2005	02285	02004	10		0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	4	0	0	1	0	0	0	0	X58529	95.1	264	1	2068	2325
2006	02287	02005	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03464	94.8	404	1	4976	5416
2007	02288	02006	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M61763	99.6	240	1	207	612
2008	02289	02007	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2009	02290	02008	16		0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2010	02291	02009	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15386	94.3	230	1	315	545
2011	02292	02010	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S74678	97.5	80	1	1406	2302
2012	02293	02011	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15386	93.1	231	1	315	545
2013	02294	02012	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2014	02295	02013	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2015	02296	02014	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M17886	98.6	210	10	303	512
2016	02297	02015	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2017	02298	02016	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2018	02299	02017	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2019	02300	02018	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2020	02301	02019	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13928	98	202	1	949	1154
2021	02302	02020	5		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
2022	02303	02021	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2023	02304	02022	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2024	02305	02023	2		0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2025	02306	02024	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2026	02307	02025	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2027	02308	02026	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2028	02309	02027	18		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	1	2	1	2	4	0	1	0	1	0	3	0	X15183	96	174	1	2742	2912
2029	02310	02028	3		0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2030	02311	02029	6		0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2031	02312	02030	5		0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2032	02313	02031	6		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	X61971	100	174	1	444	624
2033	02314	02032	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2034	02315	02033	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2035	02316	02034	12		0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	3	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	3	0	M38188	99.4	164	1	728	891
2036	02317	02035	5		0	0	0	0	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2037	02318	02036	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表57

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2038	02319	02037	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2039	02321	02038	7		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	M15796	99.3	137	1	1095	1231
2040	02322	02039	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13656	96.1	129	10	1673	1801
2041	02323	02040	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2042	02324	02041	2		0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2043	02325	02042	5		0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2044	02326	02043	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2045	02327	02044	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2046	02328	02045	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2047	02329	02046	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2048	02330	02047	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
2049	02331	02048	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2050	02332	02049	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2051	02333	02050	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
2052	02334	02051	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2053	02336	02052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
2054	02337	02053	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D11384	93.2	132	1	657	793
2055	02338	02054	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2056	02339	02055	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2057	02340	02056	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2058	02341	02057	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02943	98.3	121	1	1302	1422
2059	02342	02058	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	S50157	95.8	120	1	1017	1134
2060	02343	02059	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2061	02345	02060	5		0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X56352	94.1	118	1	861	1882
2062	02346	02061	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M24398	95.9	122	1	991	1109
2063	02347	02062	6		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2064	02348	02063	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0						
2065	02349	02064	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2066	02350	02065	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2067	02351	02066	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2068	02352	02067	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X05607	90.7	108	1	452	771
2069	02353	02068	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16973	92.5	107	1	1610	1995
2070	02354	02069	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2071	02355	02070	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2072	02356	02071	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	D21063	96.9	385	1	3022	3406
2073	02357	02072	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表58

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2074	02358	02073	2		0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69078	97.9	95	1	3127	3228
2075	02359	02074	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2076	02360	02075	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
2077	02361	02076	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2078	02362	02077	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2079	02363	02078	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2080	02364	02079	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2081	02365	02080	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2082	02366	02081	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2083	02367	02082	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2084	02368	02083	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2085	02369	02084	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00317	98.5	67	1	2027	2093
2086	02370	02085	2		0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2087	02371	02086	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2088	02372	02087	6		0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2089	02373	02088	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2090	02374	02089	38		0	0	0	0	1	1	1	5	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	10	17	0	0	0						
2091	02375	02090	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2092	02376	02091	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2093	02377	02092	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64594	100	56	1	1839	1927
2094	02378	02093	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2095	02379	02094	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2096	02380	02095	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2097	02382	02096	13		0	0	0	0	1	0	0	0	2	1	1	2	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	2	1	0						
2098	02399	02097	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2099	02400	02098	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2100	02401	02099	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2101	02402	02100	6		0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0						
2102	02403	02101	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03557	100	273	1	1370	1642
2103	02404	02102	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2104	02406	02103	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2105	02408	02104	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2106	02409	02105	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05037	94.8	305	1	1093	1393
2107	02411	02106	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M62401	97.4	378	1	1500	1880
2108	02412	02107	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2109	02413	02108	3		0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表59

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2110	02414	02109	2		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2111	02415	02110	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65131	97.9	340	1	1994	2798
2112	02416	02111	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2113	02417	02112	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01396	96.5	347	1	559	1352
2114	02418	02113	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01763	97.6	211	152	1022	1234
2115	02419	02114	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2116	02420	02115	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2117	02421	02116	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2118	02422	02117	7		0	0	0	0	0	1	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2119	02423	02118	3		0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2120	02424	02119	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2121	02425	02120	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2122	02426	02121	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S49975	99.4	178	1	410	790
2123	02427	02122	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2124	02428	02123	4		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2125	02429	02124	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2126	02430	02125	3		0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2127	02431	02126	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2128	02432	02127	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M81182	98.1	319	1	3042	3397
2129	02433	02128	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2130	02434	02129	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K01500	96.4	309	1	1214	1520
2131	02435	02130	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K00485	93	214	12	107	323
2132	02436	02131	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2133	02437	02132	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2134	02438	02133	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2135	02439	02134	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2136	02441	02135	5		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0						
2137	02442	02136	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04794	96.7	301	1	834	1132
2138	02443	02137	8		0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	1	0	0						
2139	02444	02138	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19297	100	294	1	790	1083
2140	02445	02139	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2141	02446	02140	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
2142	02447	02141	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2143	02448	02142	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
2144	02449	02143	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2145	02450	02144	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表60

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2146	02452	02145	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2147	02453	02146	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2148	02454	02147	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2149	02455	02148	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2150	02456	02149	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2151	02457	02150	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2152	02458	02151	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2153	02459	02152	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2154	02461	02153	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2155	02462	02154	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15943	97.9	236	1	1746	1981
2156	02463	02155	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2157	02464	02156	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L11244	98.8	245	1	913	1157
2158	02465	02157	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2159	02466	02158	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X07002	98.7	231	1	969	1199
2160	02467	02159	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2161	02468	02160	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2162	02469	02161	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2163	02471	02162	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2164	02472	02163	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L11708	99.1	219	1	1124	1344
2165	02473	02164	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2166	02474	02165	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2167	02475	02166	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2168	02476	02167	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2169	02477	02168	4		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
2170	02478	02169	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2171	02479	02170	6		0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2172	02480	02171	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	X01630	94.4	197	1	1355	1560
2173	02481	02172	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2174	02482	02173	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L22548	98.5	197	1	3184	3394
2175	02483	02174	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13149	100	192	1	1856	2051
2176	02484	02175	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2177	02486	02176	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13176	91.3	173	15	5142	5417
2178	02487	02177	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2179	02488	02178	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z28339	98.9	180	1	2513	2694
2180	02489	02179	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M76707	97.7	177	1	988	1166
2181	02490	02180	16		0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	2	6	0	0						

表61

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2182	02491	02181	4		0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2183	02493	02182	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2184	02494	02183	2		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2185	02495	02184	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2186	02496	02185	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2187	02497	02186	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2188	02498	02187	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2189	02499	02188	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2190	02500	02189	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2191	02501	02190	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2192	02502	02191	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2193	02503	02192	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2194	02504	02193	3		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2195	02505	02194	5		0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	X04701	97.3	147	1	2139	2386
2196	02506	02195	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2197	02507	02196	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
2198	02508	02197	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2199	02509	02198	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2200	02510	02199	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2201	02511	02200	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2202	02512	02201	13		0	0	0	0	0	1	0	1	8	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M85289	99.2	132	1	####	14327
2203	02513	02202	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2204	02514	02203	8		0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	0	1	1	0	0						
2205	02515	02204	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2206	02516	02205	5		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X72889	98.9	176	1	5691	5959
2207	02517	02206	6		0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	J03746	96.9	127	1	784	909
2208	02518	02207	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2209	02519	02208	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	X75694	93.6	220	4	3	230
2210	02520	02209	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2211	02521	02210	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2212	02522	02211	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2213	02523	02212	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2214	02524	02213	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2215	02525	02214	5		0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J00307	100	116	1	1831	1947
2216	02526	02215	3		0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2217	02527	02216	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表62

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2218	02528	02217	2		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2219	02529	02218	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2220	02531	02219	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2221	02532	02220	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
2222	02534	02221	5		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0						
2223	02535	02222	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2224	02537	02223	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2225	02538	02224	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2226	02540	02225	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2227	02542	02226	33		0	0	0	0	0	1	4	0	0	0	12	1	0	0	14	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M87790	97.9	96	1	782	877
2228	02543	02227	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2229	02544	02228	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2230	02545	02229	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2231	02546	02230	19		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2232	02547	02231	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2233	02548	02232	8		0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	2	1	0	0	0	0						
2234	02549	02233	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2235	02551	02234	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03826	97.7	86	1	1745	1830
2236	02552	02235	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2237	02553	02236	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2238	02554	02237	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2239	02555	02238	8		0	0	0	0	0	2	0	2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	X51442	100	86	1	182	269
2240	02556	02239	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2241	02557	02240	5		0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2242	02559	02241	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02750	97.6	85	1	1696	1843
2243	02560	02242	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2244	02562	02243	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2245	02563	02244	5		0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2246	02564	02245	5		0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2247	02565	02246	4		0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2248	02567	02247	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06465	93.8	64	1	795	857
2249	02568	02248	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2250	02569	02249	3		0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2251	02570	02250	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2252	02571	02251	9		0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	2	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0						
2253	02572	02252	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L05144	97.1	70	1	2291	2657

表63

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2254	02573	02253	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2255	02574	02254	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2256	02575	02255	3		0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2257	02576	02256	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2258	02577	02257	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2259	02578	02258	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2260	02580	02259	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2261	02581	02260	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2262	02582	02261	5		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0						
2263	02583	02262	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2264	02585	02263	3		0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2265	02586	02264	5		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	X15822	100	55	1	354	408
2266	02588	02265	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M27492	100	55	1	4856	4910
2267	02589	02266	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06596	100	51	1	2566	2616
2268	02590	02267	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M21941	96	50	1	1745	1807
2269	02591	02268	2		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2270	02592	02269	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2271	02593	02270	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2272	02612	02271	3		0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2273	02627	02272	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2274	02628	02273	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L12136	90.8	524	1	959	1831
2275	02629	02274	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31158	93.6	456	1	2456	3259
2276	02630	02275	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2277	02631	02276	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2278	02632	02277	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31899	96.4	446	1	2302	2751
2279	02633	02278	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2280	02634	02279	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2281	02635	02280	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2282	02637	02281	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2283	02638	02282	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
2284	02639	02283	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2285	02640	02284	9		0	0	0	0	0	0	1	3	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0						
2286	02641	02285	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2287	02642	02286	3		0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2288	02643	02287	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2289	02644	02288	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表64

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2290	02645	02289	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2291	02646	02290	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2292	02648	02291	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2293	02650	02292	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2294	02651	02293	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2295	02652	02294	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2296	02653	02295	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L28010	97.3	331	1	1560	1902
2297	02654	02296	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2298	02656	02297	20		0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	2	2	0	2	3	2	0	0	0	3	1	1	0	0	X00497	92.3	351	1	962	1304
2299	02657	02298	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2300	02658	02299	6		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	2						
2301	02659	02300	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2302	02660	02301	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2303	02661	02302	3		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2304	02662	02303	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2305	02663	02304	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	M14219	91.5	319	1	1004	1778
2306	02664	02305	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	Z15008	97.9	233	1	4204	5200
2307	02665	02306	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2308	02666	02307	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2309	02667	02308	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2310	02668	02309	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2311	02669	02310	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2312	02670	02311	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2313	02672	02312	5		0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
2314	02673	02313	5		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L21936	98.8	320	2	1957	2277
2315	02675	02314	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2316	02676	02315	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2317	02677	02316	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2318	02678	02317	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2319	02679	02318	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2320	02680	02319	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M18737	99	303	1	541	849
2321	02681	02320	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2322	02682	02321	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M18216	97	296	1	2232	2527
2323	02684	02322	13		0	0	0	0	0	0	1	0	5	3	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	X14787	96.1	284	1	5182	5722
2324	02685	02323	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2325	02686	02324	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表65

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2326	02687	02325	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2327	02688	02326	2		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2328	02689	02327	4		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
2329	02690	02328	4		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
2330	02691	02329	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M55542	97.6	289	1	2370	2881
2331	02692	02330	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2332	02693	02331	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03553	97.8	276	1	504	991
2333	02694	02332	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2334	02695	02333	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X72964	100	268	1	813	1087
2335	02696	02334	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2336	02697	02335	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2337	02698	02336	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2338	02699	02337	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2339	02700	02338	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2340	02701	02339	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2341	02702	02340	5		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
2342	02703	02341	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2343	02704	02342	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2344	02705	02343	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2345	02706	02344	13		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2346	02707	02345	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2347	02708	02346	8		0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	L26165	95.2	353	1	1641	2098
2348	02709	02347	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29873	95.1	263	1	2644	2907
2349	02710	02348	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2350	02711	02349	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2351	02712	02350	8		0	0	0	0	0	0	1	1	3	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X53331	94.1	392	1	217	603
2352	02713	02351	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2353	02714	02352	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2354	02715	02353	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2355	02716	02354	18		0	0	0	0	0	0	2	8	0	1	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	X04412	93.6	375	1	2229	2602
2356	02717	02355	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2357	02718	02356	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2358	02719	02357	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2359	02721	02358	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2360	02722	02359	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2361	02723	02360	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16552	98.4	252	1	3303	3653

表66

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2362	02724	02361	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83664	98.8	251	1	826	1501
2363	02725	02362	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2364	02727	02363	2		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13748	96.3	218	87	1090	1383
2365	02728	02364	6		0	0	0	0	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	D16366	98	245	1	1	244
2366	02729	02365	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2367	02730	02366	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0						
2368	02731	02367	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
2369	02732	02368	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2370	02733	02369	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2371	02734	02370	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2372	02735	02371	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2373	02736	02372	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M26761	97	235	1	768	1023
2374	02737	02373	2		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2375	02738	02374	5		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2376	02739	02375	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2377	02740	02376	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2378	02741	02377	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2379	02742	02378	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2380	02743	02379	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2381	02744	02380	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2382	02745	02381	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2383	02746	02382	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03503	99.1	226	1	1221	1446
2384	02747	02383	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2385	02749	02384	3		0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2386	02750	02385	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2387	02751	02386	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2388	02752	02387	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2389	02753	02388	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2390	02754	02389	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2391	02755	02390	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2392	02756	02391	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	X15977	99.5	216	1	392	608
2393	02758	02392	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2394	02760	02393	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2395	02761	02394	4		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2396	02762	02395	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2397	02764	02396	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表67

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2398	02765	02397	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2399	02767	02398	9		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	0	1	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0						
2400	02768	02399	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	0	0	0						
2401	02769	02400	7		0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0						
2402	02770	02401	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2403	02771	02402	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2404	02772	02403	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2405	02773	02404	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2406	02774	02405	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2407	02775	02406	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2408	02776	02407	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2409	02777	02408	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M90707	99.5	200	1	2077	2493
2410	02778	02409	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2411	02779	02410	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2412	02780	02411	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2413	02781	02412	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2414	02782	02413	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2415	02783	02414	5		0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2416	02785	02415	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M91211	96.9	163	1	1230	1391
2417	02786	02416	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2418	02787	02417	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2419	02788	02418	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2420	02789	02419	3		0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86667	99	192	1	1219	1560
2421	02790	02420	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83738	97.9	192	1	3744	3956
2422	02791	02421	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
2423	02792	02422	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0						
2424	02793	02423	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	1	0	0	0	3	0						
2425	02794	02424	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2426	02795	02425	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	3	0	0	1	0	0	0						
2427	02796	02426	5		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0						
2428	02797	02427	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2429	02798	02428	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2430	02799	02429	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2431	02800	02430	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2432	02801	02431	9		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0						
2433	02802	02432	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X65018	98.2	171	1	1230	1410

表68

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2434	02803	02433	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2435	02804	02434	5		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
2436	02805	02435	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
2437	02806	02436	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2438	02807	02437	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2439	02808	02438	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70991	95.4	174	1	2015	2192
2440	02809	02439	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2441	02810	02440	2		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2442	02811	02441	4		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	D14665	100	165	1	3377	3541
2443	02812	02442	12		0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	2	2	0	0	0	0	0						
2444	02813	02443	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2445	02814	02444	15		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	3	2	1	0	1	1	2	2						
2446	02815	02445	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2447	02816	02446	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2448	02817	02447	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2449	02818	02448	5		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2450	02819	02449	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2451	02820	02450	29		0	0	0	0	0	0	1	1	0	15	0	0	0	3	2	0	1	1	1	0	3	0	1	0	0	X02490	91.9	135	14	435	568
2452	02821	02451	22		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	16	0	0	X68277	93.4	409	1	1601	2000
2453	02822	02452	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2454	02823	02453	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0						
2455	02824	02454	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2456	02825	02455	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2457	02826	02456	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2458	02827	02457	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2459	02828	02458	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2460	02829	02459	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D25539	98.7	158	1	4303	4460
2461	02830	02460	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2462	02831	02461	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2463	02832	02462	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2464	02833	02463	7		0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	M31013	90.4	407	1	4603	5122
2465	02834	02464	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2466	02835	02465	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0						
2467	02836	02466	3		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M92449	90.7	150	1	1084	1233
2468	02837	02467	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2469	02838	02468	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表69

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2470	02839	02469	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2471	02840	02470	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2472	02843	02471	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2473	02844	02472	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L24783	98.6	148	1	495	649
2474	02845	02473	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2475	02846	02474	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2476	02847	02475	11		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	1	0	0	1	3	0	0	2	0	D90209	100	145	1	1871	2015
2477	02848	02476	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2478	02849	02477	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2479	02850	02478	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2480	02851	02479	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	2	1	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0						
2481	02852	02480	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2482	02853	02481	8		0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	M18366	98.3	287	1	1158	1444
2483	02854	02482	4		0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2484	02855	02483	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	J00271	93.9	264	5	1362	1703
2485	02856	02484	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2486	02857	02485	3		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2487	02858	02486	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2488	02859	02487	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
2489	02860	02488	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	2	1	0	0	0	0						
2490	02861	02489	10		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	1	3	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
2491	02862	02490	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	1	0	1	0						
2492	02863	02491	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2493	02864	02492	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2494	02865	02493	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X57347	94.8	134	1	509	1874
2495	02866	02494	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2496	02867	02495	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2497	02868	02496	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2498	02869	02497	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2499	02870	02498	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2500	02872	02499	4		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2501	02873	02500	5		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0						
2502	02874	02501	6		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0						
2503	02875	02502	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2504	02876	02503	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2505	02877	02504	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	.0	0	0	0	0	0	0						

表70

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2506	02878	02505	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2507	02879	02506	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2508	02880	02507	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2509	02881	02508	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
2510	02882	02509	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2511	02883	02510	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2512	02884	02511	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2513	02885	02512	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2514	02886	02513	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2515	02887	02514	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2516	02888	02515	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2517	02889	02516	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2518	02890	02517	6		0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	M95724	97.5	119	1	2991	3132
2519	02891	02518	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2520	02893	02519	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2521	02894	02520	89		0	0	0	0	0	0	87	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2522	02895	02521	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2523	02896	02522	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2524	02897	02523	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2525	02898	02524	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2526	02899	02525	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2527	02900	02526	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X02751	98.3	117	1	333	2436
2528	02901	02527	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
2529	02902	02528	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2530	02903	02529	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2531	02904	02530	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2532	02905	02531	8		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	3	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
2533	02906	02532	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2534	02907	02533	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2						
2535	02908	02534	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2536	02909	02535	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2537	02910	02536	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2538	02911	02537	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2539	02912	02538	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2540	02913	02539	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
2541	02914	02540	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表71

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2542	02915	02541	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
2543	02916	02542	8		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2544	02917	02543	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2545	02919	02544	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2546	02920	02545	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2547	02921	02546	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2548	02922	02547	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2549	02923	02548	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
2550	02924	02549	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2551	02925	02550	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31606	95.9	97	5	1475	1571
2552	02926	02551	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2553	02927	02552	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2554	02928	02553	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2555	02929	02554	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2556	02930	02555	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2557	02931	02556	15		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2558	02932	02557	4		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	6	0	1	0	0	2	2	0	0	0	1	0	D10653	100	100	1	1644	1743
2559	02933	02558	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2560	02934	02559	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2561	02935	02560	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2562	02936	02561	1		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2563	02937	02562	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2564	02938	02563	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2565	02940	02564	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2566	02942	02565	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2567	02944	02566	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2568	02946	02567	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2569	02947	02568	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2570	02948	02569	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2571	02949	02570	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2572	02950	02571	1		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2573	02951	02572	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2574	02953	02573	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2575	02955	02574	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2576	02957	02575	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2577	02958	02576	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S60088	92.7	82	1	2535	4121

表72

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2578	02959	02577	9		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	1	2	0	1	0	0	X02751	93.8	80	6	1	2436
2579	02960	02578	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2580	02962	02579	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2581	02963	02580	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2582	02964	02581	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2583	02965	02582	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2584	02966	02583	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2585	02967	02584	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X62744	100	72	1	1011	1100
2586	02968	02585	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64002	98.6	71	1	1581	2343
2587	02969	02586	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	2						
2588	02970	02587	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2589	02971	02588	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2590	02972	02589	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2591	02973	02590	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	L13799	95.5	67	1	436	500
2592	02974	02591	8		0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	U05291	100	65	1	1828	1892
2593	02975	02592	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2594	02976	02593	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
2595	02978	02594	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2596	02980	02595	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2597	02981	02596	13		0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	M84526	93.8	64	1	894	1071
2598	02982	02597	5		0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2599	02983	02598	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
2600	02984	02599	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2601	02985	02600	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31210	100	58	1	2699	2757
2602	02986	02601	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2603	02987	02602	3		0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2604	02988	02603	6		0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	S57501	96.6	58	1	1336	1400
2605	02989	02604	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X16901	96.2	53	1	1357	1408
2606	02990	02605	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2607	02991	02606	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	2	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
2608	02992	02607	9		0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	1	1	2	0	0	0	X62585	100	54	1	2506	2563
2609	02993	02608	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03747	96.2	52	1	2154	2208
2610	02994	02609	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2611	02995	02610	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2612	02996	02611	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2613	02997	02612	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04621	98.1	52	1	2626	3414

表73

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2614	02999	02613	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2615	03002	02614	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2616	03005	02615	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
2617	03028	02616	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2618	03030	02617	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2619	03031	02618	3		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2620	03053	02619	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
2621	03055	02620	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2622	03056	02621	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	J02874	93.5	429	1	209	634
2623	03058	02622	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2624	03059	02623	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2625	03060	02624	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2626	03061	02625	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D17793	96.5	397	1	737	1227
2627	03062	02626	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1	1	0	0	D14662	97.1	375	1	1280	1653
2628	03063	02627	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2629	03064	02628	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2630	03065	02629	4		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
2631	03066	02630	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2632	03067	02631	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2633	03068	02632	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2634	03069	02633	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2635	03070	02634	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2636	03071	02635	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2637	03072	02636	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2638	03073	02637	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0					
2639	03074	02638	44		0	0	0	0	0	0	0	3	0	18	0	0	0	0	20	1	0	2	0	0	0	0	0	0	X14420	97.3	329	1	4459	5460
2640	03075	02639	5		0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X61598	96.4	304	1	1507	1936
2641	03077	02640	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
2642	03078	02641	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2643	03079	02642	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2644	03080	02643	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2645	03081	02644	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2646	03082	02645	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2647	03083	02646	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2648	03084	02647	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2649	03085	02648	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表74

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2650	03086	02649	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2651	03087	02650	8		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	1	S45630	99.3	298	1	394	691
2652	03088	02651	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2653	03089	02652	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2654	03090	02653	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	3	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
2655	03091	02654	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2656	03092	02655	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2657	03094	02656	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2658	03095	02657	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12623	97.1	279	1	159	1187
2659	03096	02658	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2660	03097	02659	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2661	03098	02660	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2662	03099	02661	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2663	03100	02662	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63547	91	266	7	7860	8201
2664	03101	02663	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2665	03102	02664	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2666	03103	02665	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2667	03104	02666	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M27508	99.6	265	1	1741	2007
2668	03105	02667	15		0	0	0	0	0	0	0	2	3	4	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	3	0	0	0	0						
2669	03106	02668	9		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	X58295	99.2	256	1	1333	1606
2670	03108	02669	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2671	03109	02670	13		0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2672	03110	02671	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2673	03111	02672	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2674	03112	02673	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2675	03115	02674	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36532	91.5	435	1	890	1363
2676	03116	02675	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2677	03117	02676	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2678	03118	02677	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2679	03119	02678	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0						
2680	03120	02679	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2681	03121	02680	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0						
2682	03122	02681	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	J03544	96.6	236	1	3586	3816
2683	03123	02682	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2684	03124	02683	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2685	03125	02684	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表75

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2686	03126	02685	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2687	03127	02686	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2688	03128	02687	19		0	0	0	0	0	0	0	2	0	2	0	2	1	0	0	1	4	1	0	0	0	6	0	0	0	X15480	96	224	1	500	725
2689	03129	02688	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2690	03131	02689	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2691	03132	02690	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2692	03133	02691	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2693	03134	02692	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2694	03135	02693	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2695	03136	02694	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2696	03138	02695	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	X74295	98.5	205	1	507	719
2697	03139	02696	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2698	03140	02697	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2699	03141	02698	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2700	03142	02699	9		0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	1	0	0	2	1	1	0	0	0	0	0	X13839	99.5	210	1	1121	1330
2701	03145	02700	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
2702	03146	02701	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2703	03147	02702	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2704	03148	02703	12		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	3	3	0	0	1	0	X51405	99.5	205	1	2216	2443
2705	03149	02704	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2706	03150	02705	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2707	03151	02706	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z11793	93.9	197	1	154	2038
2708	03152	02707	8		0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	1	1						
2709	03153	02708	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2710	03154	02709	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2711	03155	02710	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2712	03156	02711	15		0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	2	1	0	6	0	1	2	0	0	0	0						
2713	03157	02712	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2714	03159	02713	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2715	03160	02714	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2716	03162	02715	4		0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2717	03163	02716	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2718	03164	02717	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2719	03166	02718	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2720	03167	02719	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2721	03168	02720	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表76

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2722	03169	02721	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2723	03170	02722	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2724	03171	02723	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
2725	03172	02724	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	L22214	92.5	174	1	2728	2900
2726	03173	02725	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
2727	03175	02726	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2728	03176	02727	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2729	03177	02728	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2730	03178	02729	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2731	03179	02730	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2732	03180	02731	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2733	03181	02732	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2734	03182	02733	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2735	03183	02734	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0						
2736	03185	02735	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2737	03186	02736	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2738	03187	02737	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2739	03188	02738	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2740	03189	02739	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2741	03190	02740	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2742	03192	02741	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98833	97.8	137	1	2703	2954
2743	03193	02742	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2744	03194	02743	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2745	03195	02744	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2746	03196	02745	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0	1	0	0	1	0						
2747	03197	02746	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2748	03198	02747	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2749	03200	02748	52		0	0	0	0	0	0	0	4	4	20	0	0	0	0	9	2	0	7	1	1	3	1	0	0	0	J03040	97.9	142	1	1968	2133
2750	03201	02749	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2751	03202	02750	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2752	03204	02751	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2753	03205	02752	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2754	03206	02753	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2755	03207	02754	9		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	1	0	1	0	0	0	3	1	0	0	0						
2756	03208	02755	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2757	03212	02756	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表77

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2758	03213	02757	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2759	03214	02758	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2760	03215	02759	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2761	03216	02760	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	D10040	94.3	406	1	3055	3634
2762	03217	02761	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2763	03218	02762	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2764	03219	02763	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2765	03220	02764	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2766	03221	02765	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2767	03222	02766	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2768	03223	02767	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S53910	98.4	124	1	2325	2463
2769	03224	02768	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2770	03225	02769	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2771	03227	02770	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M13519	96.1	387	1	1250	1832
2772	03229	02771	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2773	03230	02772	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2774	03231	02773	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2775	03233	02774	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2776	03234	02775	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2777	03235	02776	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2778	03236	02777	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2779	03237	02778	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2780	03239	02779	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2781	03240	02780	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2782	03241	02781	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2783	03242	02782	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2784	03243	02783	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2785	03244	02784	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2786	03245	02785	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2787	03247	02786	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2788	03248	02787	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2789	03249	02788	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0						
2790	03251	02789	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2791	03252	02790	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2792	03253	02791	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2793	03255	02792	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						

表78

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2794	03257	02793	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2795	03258	02794	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2796	03259	02795	10		0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	L19182	95.9	98	1	1010	1115
2797	03261	02796	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2798	03263	02797	5		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	M15856	96.8	94	1	3055	3549
2799	03264	02798	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98398	96.9	96	1	1840	1942
2800	03267	02799	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
2801	03268	02800	5		0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2802	03271	02801	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2803	03274	02802	7		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	M84526	100	93	1	720	1071
2804	03279	02803	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0						
2805	03281	02804	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13811	94.7	76	1	2028	2102
2806	03282	02805	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2807	03283	02806	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2808	03284	02807	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2809	03286	02808	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2810	03289	02809	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08647	100	71	1	432	502
2811	03294	02810	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0						
2812	03296	02811	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2813	03297	02812	4		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
2814	03299	02813	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15977	96.7	60	1	549	608
2815	03300	02814	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2816	03304	02815	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16940	94.7	57	1	1224	1279
2817	03305	02816	15		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	2	2	2	0	2	0	0	3	0	0	0	0						
2818	03306	02817	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2819	03307	02818	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2820	03308	02819	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2821	03310	02820	7		0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0						
2822	03311	02821	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2823	03312	02822	4		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
2824	03313	02823	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2825	03315	02824	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2826	03318	02825	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2827	03319	02826	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2828	03324	02827	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
2829	03325	02828	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表79

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2830	03326	02829	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2831	03331	02830	24		0	0	0	0	0	0	0	1	1	10	1	0	0	0	6	2	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
2832	03332	02831	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1	0	0	0						
2833	03356	02832	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M58510	100	128	1	3228	3355
2834	03374	02833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14658	96.5	429	1	889	1370
2835	03375	02834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2836	03376	02835	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2837	03377	02836	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
2838	03378	02837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2839	03379	02838	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M65028	98	394	1	1021	1537
2840	03380	02839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M24070	96.1	386	1	1063	1452
2841	03381	02840	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2842	03382	02841	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2843	03383	02842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2844	03384	02843	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2845	03385	02844	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2846	03386	02845	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2847	03387	02846	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2848	03388	02847	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2849	03389	02848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2850	03390	02849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2851	03391	02850	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M14083	93.2	325	1	1295	2937
2852	03392	02851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2853	03393	02852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15606	96.2	339	1	704	1041
2854	03394	02853	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	2	0						
2855	03395	02854	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2856	03396	02855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2857	03397	02856	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2858	03398	02857	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2859	03399	02858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2860	03400	02859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2861	03401	02860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2862	03402	02861	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	X72841	95.2	394	1	1556	1943
2863	03403	02862	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2864	03404	02863	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2865	03405	02864	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L20773	95.4	328	1	1237	1560

表80

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2866	03406	02865	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2867	03407	02866	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2868	03408	02867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2869	03409	02868	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2870	03410	02869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2871	03411	02870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2872	03412	02871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2873	03413	02872	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X66397	97.2	323	1	7170	7496
2874	03414	02873	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2875	03415	02874	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2876	03416	02875	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
2877	03417	02876	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2878	03418	02877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2879	03419	02878	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13666	96.1	306	1	2485	3213
2880	03420	02879	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2881	03421	02880	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2882	03422	02881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2883	03423	02882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2884	03424	02883	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	M29536	97.1	373	1	970	1416
2885	03426	02884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2886	03427	02885	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2887	03428	02886	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2888	03429	02887	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2889	03430	02888	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
2890	03431	02889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2891	03432	02890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2892	03433	02891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2893	03434	02892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L22473	96.2	106	71	474	579
2894	03435	02893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2895	03436	02894	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
2896	03437	02895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2897	03438	02896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2898	03439	02897	6		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	X14958	95	282	1	1596	1875
2899	03440	02898	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2900	03441	02899	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	M86667	97.6	83	1	1085	1560
2901	03442	02900	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表81

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2902	03443	02901	14		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	4	1	0	0	0	5	0	0	0						
2903	03444	02902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2904	03445	02903	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2905	03446	02904	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2906	03447	02905	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	S54769	96.2	264	1	161	429
2907	03448	02906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2908	03449	02907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2909	03450	02908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2910	03451	02909	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2911	03452	02910	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2912	03453	02911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2913	03454	02912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2914	03455	02913	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
2915	03456	02914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2916	03457	02915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2917	03458	02916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98479	95.1	247	1	1311	1557
2918	03459	02917	7		0	0	0	0	0	0	0	0	2	4	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2919	03460	02918	8		0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	J05481	95.5	242	1	2363	2620
2920	03461	02919	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2921	03462	02920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2922	03463	02921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2923	03464	02922	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
2924	03465	02923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2925	03466	02924	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2926	03467	02925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2927	03468	02926	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
2928	03469	02927	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	D14134	100	234	1	1436	2229
2929	03470	02928	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
2930	03471	02929	6		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
2931	03472	02930	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2932	03473	02931	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2933	03474	02932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2934	03476	02933	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L12535	98.2	327	1	1625	2194
2935	03477	02934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2936	03478	02935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2937	03479	02936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表82

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2938	03480	02937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2939	03481	02938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2940	03482	02939	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2941	03483	02940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2942	03484	02941	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
2943	03485	02942	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29063	98.6	212	1	1175	1398	
2944	03486	02943	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0							
2945	03487	02944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2946	03488	02945	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2947	03489	02946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2948	03490	02947	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0							
2949	03491	02948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2950	03492	02949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2951	03493	02950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2952	03494	02951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2953	03495	02952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2954	03496	02953	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2955	03497	02954	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M34671	100	191	1	917	1671	
2956	03498	02955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2957	03499	02956	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0							
2958	03500	02957	4		0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0							
2959	03501	02958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2960	03502	02959	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0							
2961	03503	02960	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	L25081	96.6	175	1	887	1058	
2962	03504	02961	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
2963	03505	02962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
2964	03506	02963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2965	03507	02964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2966	03508	02965	3		0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2967	03509	02966	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
2968	03510	02967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2969	03511	02968	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0							
2970	03512	02969	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0							
2971	03513	02970	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2972	03514	02971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
2973	03515	02972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

表83

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2974	03516	02973	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
2975	03517	02974	10		0	0	0	0	0	0	0	0	4	4	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
2976	03518	02975	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M95929	100	96	1	1335	1433
2977	03519	02976	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
2978	03520	02977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2979	03521	02978	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2980	03522	02979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	S60099	97.6	166	1	2428	3727
2981	03523	02980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2982	03524	02981	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2983	03525	02982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2984	03526	02983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2985	03527	02984	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M33308	100	161	1	4937	5102
2986	03528	02985	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
2987	03529	02986	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
2988	03530	02987	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	2	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
2989	03531	02988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2990	03532	02989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2991	03533	02990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2992	03534	02991	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2993	03535	02992	9		0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
2994	03536	02993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2995	03537	02994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2996	03538	02995	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2997	03539	02996	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2998	03540	02997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2999	03541	02998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3000	03542	02999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3001	03543	03000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3002	03544	03001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3003	03545	03002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3004	03546	03003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3005	03547	03004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3006	03548	03005	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3007	03549	03006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0						
3008	03550	03007	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3009	03551	03008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表84

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3010	03552	03009	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
3011	03553	03010	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3012	03554	03011	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
3013	03555	03012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3014	03556	03013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3015	03557	03014	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3016	03558	03015	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3017	03559	03016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3018	03560	03017	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
3019	03561	03018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3020	03562	03019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3021	03563	03020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3022	03564	03021	11		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	1	0	2	1						
3023	03565	03022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3024	03566	03023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M22637	100	127	1	1222	1348
3025	03567	03024	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
3026	03568	03025	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3027	03569	03026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3028	03570	03027	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D23662	98.4	123	1	483	605
3029	03571	03028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3030	03572	03029	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3031	03573	03030	9		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0	0	J04615	99.2	129	1	1198	1326
3032	03574	03031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3033	03575	03032	17		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	3	8	0						
3034	03576	03033	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3035	03577	03034	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3036	03578	03035	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
3037	03579	03036	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M61764	94.4	108	1	1460	1568
3038	03580	03037	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3039	03581	03038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3040	03582	03039	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0						
3041	03583	03040	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04385	95.4	131	1	8070	8575
3042	03584	03041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03171	100	115	1	2641	2755
3043	03585	03042	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3044	03586	03043	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3045	03587	03044	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表85

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3046	03588	03045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3047	03589	03046	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3048	03590	03047	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3049	03591	03048	9		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	1	0	2	0	2	0	0	0	0	0	1	0	L06328	97.8	179	1	1061	1404
3050	03592	03049	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X59543	97.1	238	1	2559	3075
3051	03593	03050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3052	03594	03051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3053	03595	03052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3054	03596	03053	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M77693	100	159	1	639	1060
3055	03597	03054	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3056	03598	03055	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3057	03599	03056	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3058	03600	03057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K03199	98.3	58	52	8	1760
3059	03602	03058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3060	03603	03059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3061	03604	03060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3062	03605	03061	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3063	03606	03062	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3064	03607	03063	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3065	03608	03064	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3066	03609	03065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3067	03610	03066	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M12783	93.4	182	1	3284	3798
3068	03611	03067	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3069	03612	03068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3070	03613	03069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3071	03614	03070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3072	03615	03071	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3073	03616	03072	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
3074	03617	03073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3075	03618	03074	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3076	03619	03075	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3077	03620	03076	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3078	03621	03077	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3079	03622	03078	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3080	03623	03079	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	M11718	95	238	1	920	1317
3081	03624	03080	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表86

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3082	03625	03081	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3083	03626	03082	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3084	03627	03083	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X63564	100	86	1	6647	6732
3085	03628	03084	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3086	03629	03085	9		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	2	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0						
3087	03631	03086	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3088	03632	03087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3089	03633	03088	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3090	03634	03089	8		0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	1	0	0	1	3	0	0	0	0	0	0						
3091	03635	03090	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3092	03636	03091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3093	03637	03092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3094	03638	03093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3095	03639	03094	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3096	03640	03095	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3097	03641	03096	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3098	03642	03097	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3099	03643	03098	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3100	03644	03099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3101	03645	03100	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3102	03646	03101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3103	03647	03102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3104	03648	03103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3105	03649	03104	8		0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
3106	03650	03105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3107	03651	03106	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3108	03652	03107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3109	03653	03108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3110	03654	03109	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3111	03655	03110	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3112	03659	03111	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	2	0	0						
3113	03661	03112	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3114	03679	03113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3115	03680	03114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3116	03681	03115	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X62320	95.1	430	1	1700	2152
3117	03682	03116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表87

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3118	03683	03117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3119	03684	03118	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3120	03685	03119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3121	03686	03120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3122	03688	03121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3123	03689	03122	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0						
3124	03690	03123	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	J04164	97.3	300	1	388	853
3125	03691	03124	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3126	03693	03125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3127	03694	03126	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	1	1	4	0	0	1	0					
3128	03695	03127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3129	03696	03128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3130	03697	03129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3131	03698	03130	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	2	1	4	1	1	0	0	1	0	0						
3132	03699	03131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3133	03701	03132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X71973	97.8	358	1	524	896
3134	03702	03133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3135	03703	03134	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3136	03704	03135	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0					
3137	03705	03136	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0					
3138	03707	03137	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	M64571	92.1	353	1	4646	5022
3139	03708	03138	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M94556	98.3	355	1	275	628
3140	03709	03139	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0					
3141	03710	03140	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0					
3142	03711	03141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3143	03712	03142	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					
3144	03713	03143	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3145	03714	03144	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3146	03715	03145	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
3147	03716	03146	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
3148	03717	03147	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	M76979	95	343	1	1151	1490
3149	03718	03148	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3150	03719	03149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3151	03720	03150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3152	03721	03151	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3153	03722	03152	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表88

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3154	03723	03153	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3155	03724	03154	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3156	03725	03155	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3157	03726	03156	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3158	03727	03157	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3159	03728	03158	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3160	03729	03159	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3161	03730	03160	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3162	03731	03161	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3163	03732	03162	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3164	03733	03163	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3165	03734	03164	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
3166	03736	03165	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3167	03737	03166	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3168	03738	03167	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3169	03739	03168	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3170	03740	03169	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3171	03741	03170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3172	03742	03171	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3173	03743	03172	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3174	03744	03173	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	L21186	97.3	300	1	2029	2328
3175	03745	03174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3176	03746	03175	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3177	03747	03176	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3178	03748	03177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3179	03749	03178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3180	03750	03179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3181	03751	03180	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3182	03752	03181	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	4	0	0	0	0	0	0	0						
3183	03753	03182	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3184	03754	03183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3185	03755	03184	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	X02598	97.7	393	1	227	760
3186	03756	03185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00285	96.6	58	1	6745	9090
3187	03757	03186	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3188	03758	03187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D90228	97.6	287	1	1184	1518
3189	03759	03188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表89

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3190	03760	03189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3191	03761	03190	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3192	03762	03191	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3193	03763	03192	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3194	03764	03193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70904	92.4	276	1	1063	1405
3195	03765	03194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3196	03766	03195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36035	92.6	272	1	392	821
3197	03767	03196	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3198	03768	03197	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
3199	03769	03198	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53698	96.7	241	1	211	451
3200	03770	03199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3201	03771	03200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3202	03772	03201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3203	03773	03202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3204	03774	03203	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3205	03775	03204	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	L11373	94.4	213	1	4478	4688
3206	03776	03205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3207	03777	03206	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3208	03778	03207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3209	03779	03208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3210	03780	03209	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	J03459	99.6	246	1	1815	2060
3211	03781	03210	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
3212	03782	03211	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13636	97.2	248	1	3347	3594
3213	03783	03212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3214	03784	03213	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3215	03785	03214	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3216	03786	03215	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3217	03787	03216	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0						
3218	03788	03217	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3219	03789	03218	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
3220	03790	03219	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3221	03791	03220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3222	03792	03221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3223	03793	03222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3224	03794	03223	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0						
3225	03795	03224	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表90

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3226	03796	03225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3227	03797	03226	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3228	03798	03227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3229	03799	03228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3230	03800	03229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3231	03801	03230	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3232	03802	03231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D13639	100	224	1	6255	6478
3233	03803	03232	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3234	03804	03233	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	1	1	1	0	0						
3235	03805	03234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3236	03806	03235	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3237	03807	03236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3238	03808	03237	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3239	03809	03238	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3240	03810	03239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3241	03811	03240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3242	03812	03241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3243	03813	03242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L16896	96.2	213	1	2003	2288
3244	03814	03243	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M63959	96.2	209	1	1286	1493
3245	03815	03244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M17219	99	208	1	1105	1344
3246	03816	03245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3247	03817	03246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3248	03818	03247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3249	03819	03248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08240	99.5	201	1	1992	2198
3250	03820	03249	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M25785	98.1	209	1	70	874
3251	03821	03250	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3252	03822	03251	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
3253	03823	03252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3254	03824	03253	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3255	03825	03254	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3256	03826	03255	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3257	03827	03256	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3258	03828	03257	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3259	03829	03258	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3260	03830	03259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3261	03831	03260	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表91

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3262	03832	03261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3263	03833	03262	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3264	03835	03263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3265	03836	03264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3266	03837	03265	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3267	03838	03266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04665	100	171	1	3674	4434
3268	03839	03267	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X61123	96.7	337	1	1050	1783
3269	03840	03268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3270	03841	03269	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3271	03842	03270	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3272	03843	03271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3273	03844	03272	50		0	0	0	0	0	0	0	0	0	25	0	0	0	0	8	3	0	9	0	0	5	0	0	0	0	J03464	96.9	162	1	4723	5416
3274	03845	03273	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3275	03846	03274	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3276	03847	03275	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	L08246	97.5	163	1	2385	3934
3277	03848	03276	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3278	03849	03277	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3279	03850	03278	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3280	03851	03279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3281	03852	03280	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3282	03853	03281	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3283	03854	03282	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3284	03855	03283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3285	03856	03284	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3286	03857	03285	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3287	03859	03286	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3288	03860	03287	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3289	03861	03288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3290	03862	03289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3291	03863	03290	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	U02556	96.7	151	1	2007	2156
3292	03864	03291	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L13803	97.1	278	1	35	312
3293	03865	03292	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3294	03866	03293	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
3295	03867	03294	20		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	5	3	3	1	0	0	0	5	0	0	0	M38591	99.3	145	1	505	649
3296	03868	03295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3297	03869	03296	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	1	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0						

表92

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3298	03870	03297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3299	03871	03298	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3300	03872	03299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3301	03873	03300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3302	03874	03301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3303	03875	03302	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3304	03876	03303	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3305	03877	03304	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
3306	03878	03305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3307	03879	03306	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0						
3308	03880	03307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3309	03881	03308	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3310	03882	03309	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3311	03883	03310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3312	03884	03311	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3313	03885	03312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3314	03886	03313	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3315	03887	03314	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3316	03888	03315	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0						
3317	03889	03316	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3318	03890	03317	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3319	03891	03318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3320	03892	03319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3321	03893	03320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3322	03894	03321	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0						
3323	03895	03322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3324	03896	03323	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D10522	96.1	407	1	1997	2589
3325	03897	03324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3326	03898	03325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3327	03899	03326	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0						
3328	03900	03327	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3329	03901	03328	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3330	03902	03329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3331	03903	03330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3332	03904	03331	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0						
3333	03905	03332	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						

表93

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3334	03906	03333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3335	03907	03334	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X63556.	100	116	1	9804	9940
3336	03908	03335	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3337	03909	03336	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M14676	94.5	273	1	2088	2435
3338	03910	03337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3339	03911	03338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3340	03912	03339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3341	03913	03340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3342	03914	03341	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3343	03915	03342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	S56151	93.2	293	1	979	1270
3344	03916	03343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3345	03917	03344	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
3346	03918	03345	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
3347	03919	03346	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L12350	94.7	113	1	5395	5784
3348	03920	03347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3349	03921	03348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3350	03922	03349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3351	03923	03350	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3352	03924	03351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3353	03925	03352	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
3354	03926	03353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3355	03927	03354	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3356	03928	03355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3357	03929	03356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3358	03930	03357	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3359	03931	03358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15880	93.6	110	1	1128	2291
3360	03932	03359	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
3361	03933	03360	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3362	03934	03361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13977	91.7	109	1	1481	2060
3363	03935	03362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3364	03936	03363	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3365	03937	03364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3366	03938	03365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3367	03939	03366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3368	03940	03367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16434	95.8	96	1	647	742
3369	03941	03368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表94

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3370	03942	03369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3371	03943	03370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3372	03944	03371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3373	03945	03372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3374	03946	03373	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3375	03947	03374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3376	03948	03375	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3377	03949	03376	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3378	03951	03377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3379	03952	03378	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3380	03954	03379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3381	03955	03380	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3382	03956	03381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3383	03958	03382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3384	03959	03383	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3385	03960	03384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3386	03961	03385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3387	03962	03386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3388	03963	03387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M76729	92.9	84	1	6245	7138
3389	03964	03388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3390	03965	03389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3391	03966	03390	15		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	9	0	0	5	0	0	0	0	0	0	M55618	95.5	88	1	7295	7390
3392	03967	03391	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L13210	100	73	1	2185	2257
3393	03968	03392	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
3394	03969	03393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3395	03971	03394	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	2	2	0	0	0	0	D25274	95.7	69	1	1168	1279
3396	03972	03395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3397	03973	03396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3398	03974	03397	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3399	03975	03398	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3400	03976	03399	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3401	03977	03400	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3402	03978	03401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3403	03979	03402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3404	03980	03403	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	3	0	0	X52947	100	58	1	2981	3038
3405	03981	03404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表95

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3406	03982	03405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3407	03984	03406	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3408	03985	03407	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	2	0	0	0						
3409	03986	03408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3410	03987	03409	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3411	03988	03410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3412	03989	03411	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
3413	03993	03412	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3414	04020	03413	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3415	04021	03414	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3416	04022	03415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13641	93.5	431	1	2737	3259
3417	04023	03416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3418	04024	03417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3419	04025	03418	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0						
3420	04026	03419	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	1	2	2	1	0	0	0	0	0	0	M11560	95	301	1	968	1464
3421	04028	03420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3422	04029	03421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3423	04030	03422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3424	04031	03423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3425	04032	03424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3426	04033	03425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3427	04034	03426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3428	04035	03427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3429	04036	03428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M80783	97.6	375	1	3139	3512
3430	04037	03429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3431	04039	03430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D16494	95.6	367	1	2667	3155
3432	04040	03431	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83088	96.2	365	1	1957	2320
3433	04041	03432	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3434	04042	03433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3435	04044	03434	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3436	04045	03435	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3437	04046	03436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3438	04047	03437	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3439	04048	03438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3440	04049	03439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S45936	95.7	350	1	2281	2687
3441	04050	03440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表96

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3442	04051	03441	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3443	04052	03442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3444	04053	03443	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3445	04054	03444	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	4	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
3446	04055	03445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3447	04056	03446	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3448	04057	03447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M10051	100	154	1	2017	4723
3449	04058	03448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3450	04059	03449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3451	04060	03450	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3452	04061	03451	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M88458	94.2	325	1	536	1180
3453	04062	03452	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3454	04063	03453	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3455	04064	03454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3456	04065	03455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3457	04066	03456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3458	04067	03457	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3459	04068	03458	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3460	04069	03459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3461	04070	03460	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15042	94.3	317	1	2560	2929
3462	04071	03461	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3463	04072	03462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3464	04073	03463	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
3465	04074	03464	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	M62831	99.4	345	1	1467	1811
3466	04075	03465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3467	04076	03466	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53143	98.2	273	1	379	651
3468	04077	03467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3469	04078	03468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3470	04079	03469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3471	04080	03470	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	2	0	1	2	0	0	0	0	2	1	0						
3472	04081	03471	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3473	04082	03472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3474	04083	03473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3475	04084	03474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3476	04086	03475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3477	04087	03476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表97

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3478	04088	03477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X74979	95.6	271	1	2937	3554
3479	04089	03478	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04297	96.7	270	1	3174	4108
3480	04090	03479	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M58459	99.6	264	1	594	870
3481	04091	03480	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L15203	99.2	260	1	221	480
3482	04092	03481	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M35252	98.8	250	1	836	1104
3483	04093	03482	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3484	04094	03483	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3485	04095	03484	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3486	04096	03485	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3487	04097	03486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3488	04098	03487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65131	94.7	246	1	2377	2798
3489	04099	03488	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3490	04100	03489	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	D14658	97.5	244	1	452	1370
3491	04101	03490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03363	99.2	236	1	4238	4473
3492	04102	03491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3493	04103	03492	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	M24048	99.1	235	1	1113	1347
3494	04104	03493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3495	04105	03494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53578	97.4	233	1	1795	2043
3496	04106	03495	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3497	04107	03496	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	J04501	98.2	223	1	3309	3531
3498	04108	03497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3499	04109	03498	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3500	04110	03499	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3501	04111	03500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M37197	93.2	219	1	2983	3216
3502	04112	03501	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3503	04113	03502	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
3504	04114	03503	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3505	04115	03504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3506	04116	03505	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M93036	97.2	212	1	413	672
3507	04117	03506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3508	04118	03507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3509	04119	03508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3510	04120	03509	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3511	04121	03510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3512	04122	03511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3513	04123	03512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表98

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3514	04125	03513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3515	04126	03514	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3516	04127	03515	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3517	04128	03516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3518	04129	03517	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
3519	04130	03518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D14705	97.4	190	1	2545	3433
3520	04131	03519	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M75099	97.3	186	1	377	562
3521	04132	03520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3522	04133	03521	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	1	0						
3523	04134	03522	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	M75099	95.9	219	1	345	562
3524	04135	03523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3525	04136	03524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34079	96.4	168	1	1172	1341
3526	04137	03525	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3527	04139	03526	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3528	04140	03527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X52897	93.3	164	1	2329	2670
3529	04141	03528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3530	04142	03529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X52125	100	156	1	3147	3302
3531	04143	03530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3532	04144	03531	11		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	5	1	0	0	0	0	2	0	X69654	98.7	156	1	283	438
3533	04145	03532	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3534	04146	03533	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3535	04147	03534	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0						
3536	04148	03535	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3537	04149	03536	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3538	04150	03537	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3539	04151	03538	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
3540	04152	03539	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	M73547	95.9	148	1	2918	3178
3541	04153	03540	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3542	04154	03541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3543	04155	03542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3544	04156	03543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3545	04157	03544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3546	04158	03545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3547	04159	03546	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3548	04160	03547	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3549	04161	03548	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

表99

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3550	04162	03549	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3551	04163	03550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3552	04164	03551	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3553	04165	03552	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	J03592	96.1	127	1	990	1116
3554	04166	03553	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S65738	96.2	132	1	533	1452
3555	04167	03554	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3556	04169	03555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3557	04170	03556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3558	04171	03557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3559	04172	03558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3560	04173	03559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3561	04174	03560	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3562	04175	03561	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3563	04176	03562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3564	04177	03563	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69141	93.2	117	1	1659	2051
3565	04179	03564	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3566	04180	03565	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3567	04181	03566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3568	04182	03567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3569	04183	03568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3570	04184	03569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3571	04186	03570	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3572	04187	03571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3573	04188	03572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3574	04189	03573	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
3575	04190	03574	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	5	1	0	0						
3576	04191	03575	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	J03058	100	81	1	1422	1502
3577	04192	03576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3578	04193	03577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M96684	98.8	83	1	1027	1144
3579	04194	03578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3580	04195	03579	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
3581	04196	03580	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3582	04197	03581	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3583	04198	03582	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
3584	04199	03583	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3585	04200	03584	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表100

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3586	04201	03585	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3587	04202	03586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3588	04203	03587	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3589	04204	03588	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13900	92.8	152	1	612	1277
3590	04205	03589	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3591	04206	03590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3592	04207	03591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3593	04210	03592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3594	04211	03593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3595	04213	03594	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3596	04214	03595	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3597	04215	03596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3598	04216	03597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3599	04218	03598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3600	04219	03599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3601	04220	03600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3602	04247	03601	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M94630	95.7	328	1	767	1154
3603	04248	03602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3604	04249	03603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3605	04250	03604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3606	04252	03605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3607	04253	03606	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3608	04256	03607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3609	04257	03608	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3610	04258	03609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3611	04259	03610	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3612	04261	03611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3613	04264	03612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3614	04265	03613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3615	04266	03614	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3616	04267	03615	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3617	04268	03616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3618	04269	03617	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3619	04270	03618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3620	04271	03619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3621	04272	03620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表101

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3622	04273	03621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3623	04274	03622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3624	04275	03623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3625	04276	03624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3626	04278	03625	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3627	04279	03626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3628	04280	03627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3629	04281	03628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3630	04282	03629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3631	04284	03630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3632	04285	03631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3633	04286	03632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3634	04287	03633	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3635	04288	03634	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3636	04289	03635	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	X58141	95.8	356	1	3557	3936
3637	04290	03636	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3638	04291	03637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	5	0	0						
3639	04292	03638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3640	04293	03639	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3641	04294	03640	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
3642	04295	03641	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0						
3643	04296	03642	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3644	04297	03643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3645	04298	03644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3646	04299	03645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3647	04300	03646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3648	04302	03647	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3649	04303	03648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3650	04304	03649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3651	04305	03650	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3652	04306	03651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3653	04307	03652	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3654	04308	03653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3655	04309	03654	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3656	04310	03655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3657	04311	03656	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表102

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3658	04312	03657	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3659	04313	03658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3660	04314	03659	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3661	04315	03660	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3662	04316	03661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3663	04317	03662	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3664	04318	03663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3665	04319	03664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3666	04320	03665	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3667	04321	03666	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3668	04322	03667	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3669	04323	03668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	1	1	1	1	0	2	2	0	0	0	0	0	0	M86400	99.8	415	1	2379	2834
3670	04324	03669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3671	04325	03670	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3672	04326	03671	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3673	04327	03672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3674	04328	03673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3675	04329	03674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3676	04330	03675	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3677	04331	03676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3678	04332	03677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3679	04333	03678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3680	04334	03679	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3681	04335	03680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3682	04336	03681	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3683	04337	03682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3684	04339	03683	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3685	04340	03684	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3686	04341	03685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3687	04342	03686	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3688	04343	03687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3689	04344	03688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3690	04345	03689	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M92299	97.7	259	1	1779	2037
3691	04346	03690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	6	0	0						
3692	04347	03691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3693	04348	03692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表103

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3694	04349	03693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3695	04351	03694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3696	04352	03695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3697	04353	03696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3698	04354	03697	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3699	04355	03698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M63167	98.2	217	1	2394	2610
3700	04356	03699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3701	04357	03700	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3702	04358	03701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3703	04359	03702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3704	04360	03703	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3705	04361	03704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3706	04362	03705	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	K02054	96.9	224	1	575	797
3707	04363	03706	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3708	04364	03707	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3709	04365	03708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3710	04366	03709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3711	04368	03710	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3712	04369	03711	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3713	04370	03712	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3714	04371	03713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3715	04372	03714	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3716	04373	03715	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3717	04374	03716	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	X62534	96.4	332	1	550	1301
3718	04375	03717	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3719	04377	03718	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3720	04378	03719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3721	04379	03720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3722	04380	03721	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3723	04381	03722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3724	04382	03723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3725	04383	03724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3726	04384	03725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3727	04385	03726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3728	04386	03727	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3729	04387	03728	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						

表104

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3730	04388	03729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3731	04389	03730	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
3732	04390	03731	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3733	04391	03732	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3734	04392	03733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3735	04393	03734	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3736	04394	03735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3737	04395	03736	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3738	04396	03737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3739	04397	03738	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3740	04398	03739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3741	04399	03740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3742	04400	03741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3743	04401	03742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3744	04402	03743	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	D13629	97.2	177	1	4282	4457
3745	04403	03744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L25080	95	179	1	509	1777
3746	04404	03745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31523	98.9	175	1	4222	4396
3747	04405	03746	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3748	04406	03747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3749	04407	03748	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3750	04408	03749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3751	04409	03750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3752	04410	03751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3753	04411	03752	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3754	04412	03753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3755	04414	03754	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
3756	04415	03755	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3757	04416	03756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3758	04417	03757	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3759	04418	03758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3760	04419	03759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3761	04420	03760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3762	04421	03761	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3763	04422	03762	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3764	04423	03763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3765	04424	03764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表105

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3766	04425	03765	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
3767	04426	03766	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3768	04427	03767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3769	04428	03768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3770	04429	03769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3771	04430	03770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3772	04431	03771	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3773	04432	03772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3774	04433	03773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3775	04434	03774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3776	04435	03775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3777	04436	03776	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3778	04437	03777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3779	04439	03778	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3780	04440	03779	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3781	04441	03780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3782	04442	03781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03824	97.9	141	1	1136	1279
3783	04443	03782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3784	04445	03783	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3785	04446	03784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05243	98.5	68	1	7712	7787
3786	04447	03785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3787	04448	03786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3788	04449	03787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3789	04450	03788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3790	04452	03789	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3791	04453	03790	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3792	04454	03791	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3793	04455	03792	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
3794	04456	03793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3795	04457	03794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3796	04460	03795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3797	04462	03796	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3798	04463	03797	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04526	100	125	1	1493	3088
3799	04464	03798	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3800	04465	03799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0						
3801	04466	03800	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表106

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3802	04467	03801	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3803	04468	03802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3804	04469	03803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3805	04470	03804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3806	04471	03805	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3807	04472	03806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3808	04473	03807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M94046	94.7	114	1	1932	2389
3809	04474	03808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3810	04476	03809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3811	04478	03810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3812	04482	03811	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3813	04483	03812	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3814	04484	03813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3815	04485	03814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3816	04486	03815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3817	04487	03816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3818	04488	03817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3819	04489	03818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X73459	97	99	1	217	721
3820	04491	03819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3821	04492	03820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3822	04493	03821	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3823	04494	03822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0							
3824	04495	03823	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3825	04496	03824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3826	04497	03825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3827	04498	03826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3828	04499	03827	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3829	04500	03828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3830	04501	03829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D00860	100	83	1	1974	2075
3831	04502	03830	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3832	04503	03831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
3833	04504	03832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3834	04506	03833	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
3835	04507	03834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3836	04509	03835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3837	04510	03836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表107

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3838	04511	03837	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3839	04512	03838	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3840	04513	03839	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3841	04514	03840	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3842	04515	03841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3843	04516	03842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3844	04517	03843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3845	04518	03844	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3846	04519	03845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3847	04520	03846	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3848	04521	03847	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3849	04522	03848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3850	04523	03849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3851	04525	03850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L21181	95.7	69	1	1601	1672
3852	04527	03851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3853	04528	03852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3854	04529	03853	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3855	04530	03854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3856	04531	03855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3857	04532	03856	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3858	04533	03857	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3859	04534	03858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1						
3860	04535	03859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3861	04536	03860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3862	04537	03861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3863	04538	03862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3864	04539	03863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3865	04541	03864	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3866	04542	03865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3867	04543	03866	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3868	04546	03867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3869	04547	03868	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3870	04548	03869	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3871	04552	03870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3872	04556	03871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3873	04557	03872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表108

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3874	04597	03873	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3875	04598	03874	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3876	04599	03875	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3877	04600	03876	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3878	04601	03877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3879	04602	03878	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3880	04603	03879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
3881	04604	03880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3882	04605	03881	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3883	04606	03882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3884	04607	03883	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3885	04608	03884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3886	04609	03885	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X12453	98.6	362	1	1217	1582
3887	04610	03886	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3888	04611	03887	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3889	04612	03888	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3890	04613	03889	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3891	04614	03890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3892	04615	03891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3893	04616	03892	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3894	04617	03893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3895	04618	03894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3896	04619	03895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3897	04620	03896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3898	04621	03897	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3899	04623	03898	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3900	04624	03899	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3901	04625	03900	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	1	0						
3902	04626	03901	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3903	04627	03902	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	S62027	97.4	229	1	159	408
3904	04628	03903	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
3905	04629	03904	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3906	04630	03905	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3907	04631	03906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3908	04632	03907	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3909	04633	03908	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表109

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3910	04634	03909	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
3911	04635	03910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3912	04636	03911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3913	04637	03912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S62027	96.1	232	1	159	408
3914	04638	03913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3915	04639	03914	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3916	04640	03915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3917	04641	03916	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3918	04642	03917	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3919	04643	03918	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3920	04644	03919	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3921	04645	03920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3922	04646	03921	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3923	04647	03922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3924	04648	03923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3925	04649	03924	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3926	04650	03925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3927	04651	03926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3928	04652	03927	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3929	04653	03928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3930	04654	03929	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3931	04655	03930	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	0	M22349	97.9	285	1	1990	2273
3932	04656	03931	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
3933	04657	03932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3934	04658	03933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3935	04659	03934	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3936	04660	03935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3937	04661	03936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3938	04662	03937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3939	04663	03938	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3940	04664	03939	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3941	04665	03940	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	2	0						
3942	04666	03941	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
3943	04667	03942	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3944	04668	03943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3945	04669	03944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13738	92.6	269	1	4278	4545

表110

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3946	04670	03945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3947	04671	03946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3948	04672	03947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3949	04673	03948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3950	04674	03949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3951	04675	03950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3952	04676	03951	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3953	04677	03952	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3954	04678	03953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3955	04679	03954	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3956	04680	03955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3957	04681	03956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3958	04682	03957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3959	04683	03958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3960	04684	03959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3961	04685	03960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3962	04686	03961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3963	04687	03962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3964	04688	03963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3965	04689	03964	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3966	04690	03965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3967	04691	03966	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3968	04692	03967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3969	04693	03968	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3970	04694	03969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3971	04695	03970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3972	04696	03971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3973	04697	03972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3974	04698	03973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3975	04699	03974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3976	04700	03975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3977	04701	03976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3978	04702	03977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3979	04703	03978	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3980	04704	03979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3981	04705	03980	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表111

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3982	04706	03981	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3983	04707	03982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15088	94.3	230	1	1045	1292
3984	04708	03983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3985	04709	03984	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3986	04710	03985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3987	04711	03986	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0						
3988	04712	03987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3989	04713	03988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3990	04714	03989	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3991	04715	03990	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
3992	04716	03991	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
3993	04717	03992	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3994	04718	03993	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3995	04719	03994	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3996	04720	03995	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
3997	04721	03996	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3998	04722	03997	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
3999	04723	03998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4000	04724	03999	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4001	04725	04000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4002	04728	04001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4003	04729	04002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4004	04730	04003	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4005	04732	04004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4006	04733	04005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4007	04734	04006	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4008	04735	04007	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	J02966	99.5	204	1	1097	1320
4009	04736	04008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4010	04737	04009	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4011	04738	04010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4012	04739	04011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4013	04740	04012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4014	04741	04013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4015	04742	04014	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4016	04743	04015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S42457	98	198	1	2483	2857
4017	04744	04016	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表112

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4018	04745	04017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4019	04746	04018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4020	04747	04019	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4021	04748	04020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4022	04750	04021	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4023	04751	04022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4024	04752	04023	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4025	04753	04024	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4026	04754	04025	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4027	04755	04026	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4028	04756	04027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4029	04757	04028	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4030	04758	04029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4031	04759	04030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4032	04760	04031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4033	04761	04032	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4034	04762	04033	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4035	04763	04034	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	3	0	1	0	0	0	0	0	0	0	J04056	100	178	1	1032	1209
4036	04764	04035	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4037	04765	04036	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4038	04766	04037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4039	04767	04038	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4040	04768	04039	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4041	04769	04040	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4042	04770	04041	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4043	04771	04042	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4044	04772	04043	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4045	04773	04044	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4046	04774	04045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4047	04775	04046	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4048	04776	04047	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M73531	97	166	1	2820	2985
4049	04777	04048	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4050	04778	04049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4051	04779	04050	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4052	04780	04051	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4053	04781	04052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表113

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4054	04782	04053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4055	04783	04054	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4056	04784	04055	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4057	04785	04056	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4058	04786	04057	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4059	04787	04058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4060	04788	04059	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4061	04789	04060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4062	04790	04061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4063	04791	04062	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4064	04792	04063	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4065	04793	04064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4066	04794	04065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4067	04795	04066	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4068	04796	04067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4069	04797	04068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4070	04798	04069	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4071	04799	04070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	M27319	97.3	148	1	462	799
4072	04800	04071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4073	04801	04072	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4074	04802	04073	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4075	04803	04074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4076	04804	04075	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4077	04805	04076	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4078	04806	04077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4079	04808	04078	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4080	04809	04079	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4081	04810	04080	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4082	04811	04081	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4083	04812	04082	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S74445	96.4	140	1	596	735
4084	04813	04083	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4085	04814	04084	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4086	04815	04085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4087	04816	04086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4088	04817	04087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4089	04818	04088	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	X72760	98.5	136	1	1830	1971

表114

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4090	04819	04089	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4091	04820	04090	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4092	04821	04091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4093	04822	04092	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4094	04823	04093	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M65217	100	101	1	2311	2411
4095	04824	04094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4096	04826	04095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4097	04827	04096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4098	04828	04097	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4099	04829	04098	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4100	04830	04099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4101	04831	04100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4102	04832	04101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4103	04833	04102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4104	04834	04103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4105	04835	04104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4106	04836	04105	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4107	04837	04106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4108	04838	04107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4109	04839	04108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4110	04840	04109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4111	04841	04110	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02317	100	111	1	517	874
4112	04842	04111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4113	04843	04112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4114	04844	04113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4115	04845	04114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4116	04846	04115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4117	04847	04116	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4118	04848	04117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4119	04850	04118	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4120	04851	04119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4121	04852	04120	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
4122	04853	04121	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4123	04854	04122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4124	04855	04123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4125	04856	04124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表115

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4126	04859	04125	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4127	04860	04126	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4128	04861	04127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4129	04862	04128	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4130	04863	04129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4131	04864	04130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4132	04865	04131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4133	04866	04132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4134	04867	04133	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4135	04868	04134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4136	04869	04135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4137	04870	04136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4138	04872	04137	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4139	04873	04138	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4140	04874	04139	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4141	04875	04140	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4142	04877	04141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4143	04878	04142	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0						
4144	04879	04143	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4145	04881	04144	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4146	04882	04145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4147	04883	04146	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4148	04884	04147	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4149	04885	04148	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4150	04886	04149	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4151	04887	04150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4152	04888	04151	25		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	3	0	0	0	0	6	7	0	0	0	0	0						
4153	04889	04152	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
4154	04890	04153	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4155	04891	04154	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4156	04892	04155	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4157	04893	04156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4158	04894	04157	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4159	04895	04158	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4160	04897	04159	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4161	04898	04160	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表116

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4162	04900	04161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4163	04902	04162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4164	04903	04163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4165	04904	04164	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4166	04905	04165	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4167	04907	04166	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4168	04908	04167	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4169	04909	04168	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4170	04910	04169	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L03785	100	65	1	597	661
4171	04912	04170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4172	04913	04171	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4173	04914	04172	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	1						
4174	04915	04173	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4175	04916	04174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4176	04917	04175	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4177	04918	04176	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4178	04919	04177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4179	04920	04178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4180	04921	04179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4181	04922	04180	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4182	04923	04181	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4183	04924	04182	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74826	96.6	58	1	2396	2457
4184	04925	04183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4185	04926	04184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4186	04927	04185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4187	04928	04186	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4188	04929	04187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4189	04930	04188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4190	04940	04189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4191	04945	04190	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4192	04947	04191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4193	04948	04192	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4194	04950	04193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4195	04965	04194	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4196	04985	04195	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4197	04986	04196	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表117

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4198	04987	04197	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4199	04988	04198	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4200	04989	04199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4201	04990	04200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4202	04991	04201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4203	04992	04202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4204	04993	04203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4205	04994	04204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4206	04997	04205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4207	04998	04206	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4208	04999	04207	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X76488	93.3	270	1	2202	2626
4209	05001	04208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00839	98.5	341	1	3286	3624
4210	05002	04209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4211	05003	04210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4212	05004	04211	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4213	05005	04212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4214	05006	04213	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	3	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4215	05007	04214	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4216	05008	04215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4217	05009	04216	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4218	05010	04217	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4219	05011	04218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4220	05013	04219	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00503	96.3	164	1	1197	1360
4221	05014	04220	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
4222	05016	04221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16276	98	196	1	1121	1763
4223	05018	04222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4224	05019	04223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4225	05021	04224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L20493	97.8	269	1	761	1032
4226	05023	04225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4227	05024	04226	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0							
4228	05025	04227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4229	05026	04228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4230	05027	04229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4231	05028	04230	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4232	05029	04231	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4233	05030	04232	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表118

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4234	05031	04233	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4235	05033	04234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4236	05034	04235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4237	05035	04236	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	M97935	98.7	312	1	3429	3970
4238	05037	04237	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M11233	92.4	460	1	1540	2038
4239	05039	04238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4240	05040	04239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4241	05041	04240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4242	05042	04241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4243	05043	04242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4244	05044	04243	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X14618	98.1	321	1	1043	1359
4245	05045	04244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4246	05046	04245	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4247	05047	04246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4248	05051	04247	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	M59911	93.1	289	1	4163	4637
4249	05052	04248	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0						
4250	05053	04249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4251	05054	04250	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4252	05055	04251	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4253	05056	04252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4254	05058	04253	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
4255	05059	04254	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	L03426	96.9	261	1	2875	3233
4256	05060	04255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4257	05061	04256	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4258	05062	04257	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
4259	05063	04258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4260	05064	04259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4261	05065	04260	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4262	05066	04261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4263	05068	04262	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M87789	97.4	312	1	877	1599
4264	05069	04263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4265	05070	04264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D01096	90.8	370	1	1993	2359
4266	05071	04265	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
4267	05073	04266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4268	05074	04267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4269	05075	04268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表119

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4270	05076	04269	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4271	05077	04270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4272	05079	04271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4273	05080	04272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4274	05081	04273	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4275	05082	04274	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03067	95.1	246	1	815	1081
4276	05083	04275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4277	05085	04276	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
4278	05086	04277	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4279	05087	04278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4280	05088	04279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4281	05089	04280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4282	05090	04281	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4283	05092	04282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4284	05094	04283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4285	05095	04284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4286	05096	04285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03241	97.9	290	1	2235	2529
4287	05099	04286	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4288	05100	04287	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4289	05102	04288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4290	05103	04289	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	3	0	X69819	100	69	1	1666	1817
4291	05104	04290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4292	05105	04291	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
4293	05106	04292	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
4294	05107	04293	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4295	05108	04294	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0	1	0	1	1	5	0	0	Z23090	96.6	206	1	1025	1231
4296	05109	04295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X56510	90	331	1	83	426
4297	05110	04296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4298	05111	04297	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	3	0	0	0	0	0	0	0	0	M63438	94.1	374	1	720	1244
4299	05112	04298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4300	05113	04299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4301	05114	04300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4302	05115	04301	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4303	05116	04302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4304	05117	04303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4305	05118	04304	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表120

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4306	05119	04305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4307	05120	04306	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4308	05121	04307	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4309	05122	04308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4310	05123	04309	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4311	05124	04310	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
4312	05127	04311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4313	05128	04312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4314	05129	04313	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4315	05130	04314	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
4316	05132	04315	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4317	05133	04316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4318	05134	04317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4319	05135	04318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4320	05136	04319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4321	05137	04320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4322	05138	04321	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4323	05139	04322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4324	05140	04323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4325	05141	04324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4326	05142	04325	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	XS9445	98.9	88	1	735	969
4327	05143	04326	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4328	05144	04327	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4329	05145	04328	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4330	05147	04329	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4331	05148	04330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4332	05149	04331	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4333	05150	04332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4334	05151	04333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L23808	99.2	250	1	1346	1778
4335	05152	04334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4336	05153	04335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4337	05155	04336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4338	05157	04337	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4339	05158	04338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4340	05159	04339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4341	05160	04340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表121

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4342	05161	04341	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4343	05162	04342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4344	05163	04343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4345	05164	04344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4346	05165	04345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4347	05166	04346	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4348	05168	04347	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4349	05169	04348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4350	05170	04349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4351	05172	04350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4352	05173	04351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4353	05174	04352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4354	05176	04353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4355	05177	04354	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	1	0	0	0	1	1	0	0						
4356	05178	04355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4357	05180	04356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4358	05181	04357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4359	05182	04358	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4360	05183	04359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4361	05184	04360	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4362	05185	04361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4363	05186	04362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4364	05187	04363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4365	05188	04364	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4366	05190	04365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4367	05191	04366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4368	05192	04367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4369	05194	04368	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4370	05195	04369	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19597	90.9	55	1	3459	3511
4371	05196	04370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4372	05197	04371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4373	05198	04372	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4374	05199	04373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10284	100	51	1	3826	4117
4375	05200	04374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4376	05201	04375	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4377	05203	04376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表122

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4378	05204	04377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4379	05205	04378	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4380	05206	04379	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4381	05207	04380	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4382	05208	04381	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
4383	05209	04382	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	6	0	0						
4384	05210	04383	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4385	05211	04384	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	M12125	98.4	254	1	790	1044
4386	05212	04385	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	2						
4387	05213	04386	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4388	05214	04387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4389	05215	04388	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4390	05216	04389	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4391	05217	04390	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4392	05218	04391	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0						
4393	05219	04392	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4394	05220	04393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4395	05221	04394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4396	05223	04395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4397	05224	04396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4398	05227	04397	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4399	05228	04398	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4400	05229	04399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4401	05230	04400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4402	05231	04401	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4403	05232	04402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4404	05233	04403	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4405	05234	04404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4406	05235	04405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M57650	98.4	64	1	1236	1299
4407	05236	04406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4408	05237	04407	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83554	98.9	261	1	2258	3630
4409	05238	04408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4410	05239	04409	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4411	05240	04410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4412	05241	04411	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	1	1	0	0	X64330	96.3	188	4	3910	4297
4413	05242	04412	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						

表123

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4414	05243	04413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4415	05244	04414	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
4416	05245	04415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4417	05246	04416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4418	05247	04417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4419	05248	04418	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4420	05249	04419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4421	05251	04420	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4422	05252	04421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4423	05253	04422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4424	05254	04423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4425	05255	04424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4426	05259	04425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4427	05260	04426	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4428	05262	04427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4429	05263	04428	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4430	05264	04429	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4431	05266	04430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M59040	95.2	84	1	1706	1794
4432	05267	04431	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4433	05269	04432	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4434	05270	04433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4435	05271	04434	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4436	05272	04435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M80647	96.7	120	1	1761	1882
4437	05273	04436	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4438	05274	04437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04621	95.5	332	1	1887	3414
4439	05275	04438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4440	05276	04439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4441	05278	04440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4442	05279	04441	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4443	05280	04442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4444	05281	04443	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4445	05282	04444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4446	05283	04445	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4447	05284	04446	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4448	05285	04447	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4449	05286	04448	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
																			1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表124

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4450	05287	04449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4451	05288	04450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4452	05289	04451	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	U03643	99.2	118	1	1263	1380
4453	05290	04452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53799	100	290	1	792	1081
4454	05291	04453	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4455	05292	04454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4456	05293	04455	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4457	05294	04456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4458	05295	04457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4459	05296	04458	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4460	05297	04459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4461	05298	04460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4462	05300	04461	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z22969	98.5	130	1	3405	3786
4463	05301	04462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4464	05302	04463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4465	05303	04464	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4466	05304	04465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4467	05305	04466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4468	05306	04467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4469	05307	04468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4470	05308	04469	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	1	0	0	X68148	98	354	1	2662	3031
4471	05309	04470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00971	96.9	64	1	2392	2457
4472	05310	04471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4473	05311	04472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4474	05312	04473	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4475	05313	04474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4476	05314	04475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4477	05315	04476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4478	05316	04477	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4479	05318	04478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4480	05319	04479	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4481	05320	04480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4482	05321	04481	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
4483	05322	04482	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
4484	05323	04483	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
4485	05325	04484	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0	0	1	0	0	0	0					

表125

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4486	05326	04485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4487	05327	04486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4488	05328	04487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4489	05329	04488	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4490	05331	04489	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4491	05332	04490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4492	05333	04491	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1					
4493	05334	04492	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
4494	05335	04493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4495	05336	04494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4496	05337	04495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4497	05339	04496	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0					
4498	05340	04497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4499	05341	04498	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4500	05342	04499	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4501	05343	04500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4502	05344	04501	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
4503	05345	04502	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
4504	05346	04503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4505	05347	04504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4506	05349	04505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4507	05350	04506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4508	05351	04507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4509	05352	04508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4510	05353	04509	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
4511	05354	04510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L01411	90.4	324	2	223	636
4512	05355	04511	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0					
4513	05356	04512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4514	05357	04513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4515	05359	04514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4516	05360	04515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4517	05361	04516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4518	05362	04517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4519	05363	04518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4520	05364	04519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4521	05365	04520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表126

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4522	05366	04521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4523	05367	04522	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M55169	100	79	1	4363	4446
4524	05368	04523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4525	05370	04524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4526	05371	04525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4527	05372	04526	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4528	05373	04527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4529	05374	04528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4530	05375	04529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4531	05376	04530	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4532	05377	04531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4533	05378	04532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4534	05379	04533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4535	05381	04534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4536	05382	04535	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
4537	05383	04536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4538	05384	04537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4539	05387	04538	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4540	05388	04539	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4541	05389	04540	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0					
4542	05390	04541	32		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	14	5	0	0	0	0	0	M13577	98	100	1	2041	2139
4543	05391	04542	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05459	99.1	216	1	630	1266
4544	05392	04543	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4545	05393	04544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4546	05394	04545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4547	05395	04546	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4548	05396	04547	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0						
4549	05398	04548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4550	05399	04549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4551	05400	04550	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4552	05401	04551	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M69054	95.8	265	1	645	918
4553	05402	04552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4554	05404	04553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4555	05406	04554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
4556	05407	04555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4557	05408	04556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表127

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4558	05409	04557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4559	05410	04558	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4560	05411	04559	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4561	05412	04560	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0						
4562	05413	04561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
4563	05414	04562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4564	05415	04563	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4565	05416	04564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
4566	05417	04565	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4567	05418	04566	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
4568	05419	04567	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4569	05420	04568	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
4570	05421	04569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4571	05422	04570	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4572	05423	04571	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4573	05424	04572	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
4574	05425	04573	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4575	05427	04574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4576	05428	04575	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4577	05429	04576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4578	05430	04577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4579	05431	04578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4580	05432	04579	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4581	05433	04580	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4582	05434	04581	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0						
4583	05435	04582	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
4584	05436	04583	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4585	05437	04584	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4586	05438	04585	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4587	05439	04586	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4588	05440	04587	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4589	05441	04588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4590	05442	04589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4591	05443	04590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4592	05444	04591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4593	05445	04592	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表128

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4594	05446	04593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4595	05447	04594	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4596	05448	04595	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4597	05451	04596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4598	05452	04597	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4599	05453	04598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4600	05454	04599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4601	05455	04600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4602	05456	04601	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4603	05458	04602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4604	05459	04603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4605	05460	04604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4606	05461	04605	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4607	05462	04606	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4608	05464	04607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4609	05465	04608	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4610	05466	04609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4611	05467	04610	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4612	05468	04611	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4613	05469	04612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4614	05470	04613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4615	05471	04614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4616	05472	04615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4617	05474	04616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4618	05475	04617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4619	05476	04618	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4620	05477	04619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4621	05478	04620	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4622	05479	04621	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4623	05480	04622	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
4624	05481	04623	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4625	05482	04624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4626	05483	04625	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4627	05484	04626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4628	05485	04627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4629	05486	04628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表129

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4630	05488	04629	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4631	05490	04630	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4632	05491	04631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4633	05492	04632	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4634	05493	04633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4635	05494	04634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4636	05495	04635	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4637	05496	04636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4638	05497	04637	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4639	05498	04638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4640	05502	04639	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4641	05503	04640	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4642	05504	04641	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4643	05505	04642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4644	05506	04643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4645	05507	04644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4646	05508	04645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D26018	97.1	136	1	3296	3430
4647	05509	04646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4648	05510	04647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4649	05511	04648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4650	05513	04649	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4651	05514	04650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4652	05515	04651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4653	05516	04652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4654	05518	04653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4655	05519	04654	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0						
4656	05520	04655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4657	05521	04656	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4658	05522	04657	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
4659	05523	04658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4660	05524	04659	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4661	05525	04660	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4662	05526	04661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4663	05528	04662	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4664	05529	04663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4665	05531	04664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X76104	95	121	1	5667	5886

表130

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4666	05532	04665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4667	05533	04666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4668	05534	04667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4669	05535	04668	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4670	05536	04669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4671	05538	04670	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4672	05539	04671	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4673	05540	04672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4674	05541	04673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04027	100	116	1	4286	4401
4675	05544	04674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4676	05545	04675	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4677	05547	04676	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00757	98.8	256	1	896	1152
4678	05548	04677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4679	05551	04678	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0						
4680	05552	04679	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4681	05553	04680	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4682	05555	04681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4683	05556	04682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4684	05558	04683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4685	05559	04684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4686	05560	04685	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4687	05561	04686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4688	05562	04687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4689	05563	04688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4690	05564	04689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4691	05565	04690	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
4692	05566	04691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4693	05567	04692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4694	05568	04693	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4695	05570	04694	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4696	05571	04695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06328	97.1	103	1	1302	1404
4697	05572	04696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4698	05573	04697	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4699	05574	04698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4700	05575	04699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X67734	98.8	81	1	4419	4548
4701	05576	04700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表131

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4702	05577	04701	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	J02611	94.5	308	1	502	809
4703	05578	04702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4704	05579	04703	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4705	05580	04704	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4706	05581	04705	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
4707	05582	04706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4708	05583	04707	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0						
4709	05585	04708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4710	05586	04709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4711	05587	04710	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
4712	05588	04711	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4713	05589	04712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4714	05590	04713	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
4715	05591	04714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4716	05593	04715	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	M25667	99.1	114	1	1118	1231
4717	05595	04716	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
4718	05598	04717	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4719	05599	04718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4720	05600	04719	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M23115	97.5	80	1	3702	3781
4721	05601	04720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4722	05602	04721	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4723	05603	04722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4724	05604	04723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4725	05606	04724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4726	05607	04725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4727	05608	04726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4728	05610	04727	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4729	05612	04728	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4730	05613	04729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4731	05614	04730	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4732	05615	04731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4733	05616	04732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4734	05618	04733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74491	96.9	294	1	725	3595
4735	05619	04734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M27436	95.5	292	1	1590	2127
4736	05621	04735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4737	05622	04736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表132

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4738	05623	04737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4739	05624	04738	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
4740	05625	04739	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4741	05627	04740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4742	05628	04741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4743	05629	04742	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4744	05630	04743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4745	05631	04744	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4746	05632	04745	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4747	05634	04746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4748	05635	04747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4749	05636	04748	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4750	05637	04749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4751	05639	04750	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
4752	05640	04751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4753	05642	04752	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4754	05643	04753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4755	05644	04754	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
4756	05645	04755	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4757	05646	04756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4758	05647	04757	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	0						
4759	05648	04758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X04741	99.7	310	1	330	1014
4760	05649	04759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4761	05650	04760	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0						
4762	05651	04761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L12136	99	307	1	94	1831
4763	05652	04762	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4764	05653	04763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M36661	96.9	257	1	1338	1598
4765	05654	04764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4766	05655	04765	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
4767	05656	04766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4768	05657	04767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4769	05658	04768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X01410	96.3	299	1	506	801
4770	05659	04769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4771	05660	04770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4772	05661	04771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L08112	94.6	111	1	1011	1344
4773	05662	04772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表133

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4774	05665	04773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4775	05667	04774	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
4776	05668	04775	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0						
4777	05669	04776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4778	05671	04777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4779	05673	04778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4780	05674	04779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4781	05676	04780	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4782	05679	04781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4783	05680	04782	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4784	05681	04783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
4785	05682	04784	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4786	05683	04785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4787	05684	04786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4788	05685	04787	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4789	05686	04788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4790	05687	04789	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4791	05688	04790	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4792	05689	04791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	X62078	99.2	248	1	2189	2436
4793	05690	04792	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4794	05692	04793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
4795	05693	04794	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4796	05694	04795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	J05474	99.1	222	1	1133	1354
4797	05695	04796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M93119	94.3	229	1	2593	2838
4798	05696	04797	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4799	05697	04798	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
4800	05701	04799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
4801	05704	04800	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M28650	98.6	145	1	950	1098
4802	05707	04801	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4803	05708	04802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4804	05709	04803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4805	05710	04804	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	1	0	0	0						
4806	05711	04805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M63256	96.6	117	1	2439	2570
4807	05714	04806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4808	05715	04807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4809	05716	04808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表134

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4810	05718	04809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	J05392	98.2	284	1	2120	2402
4811	05719	04810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4812	05720	04811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4813	05721	04812	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	K03002	95.4	306	1	327	632
4814	05722	04813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M86667	98.4	63	1	802	1560
4815	05723	04814	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0						
4816	05724	04815	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
4817	05725	04816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4818	05726	04817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4819	05727	04818	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	L06105	100	60	1	1297	1649
4820	05729	04819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4821	05730	04820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4822	05731	04821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4823	05732	04822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4824	05733	04823	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4825	05734	04824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4826	05735	04825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4827	05736	04826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4828	05738	04827	17		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	1	0	0	1						
4829	05741	04828	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0						
4830	05742	04829	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	4	0	0	0						
4831	05743	04830	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4832	05747	04831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4833	05748	04832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M80244	95.4	324	1	3373	3984
4834	05749	04833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4835	05751	04834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4836	05752	04835	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4837	05754	04836	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4838	05755	04837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4839	05756	04838	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4840	05757	04839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4841	05758	04840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4842	05759	04841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4843	05763	04842	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
4844	05765	04843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4845	05767	04844	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						

表135

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4846	05768	04845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X62571	97.3	73	130	1430	1512
4847	05769	04846	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4848	05770	04847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4849	05772	04848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4850	05773	04849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4851	05774	04850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4852	05775	04851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	D13643	95	343	1	3150	4186
4853	05776	04852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4854	05777	04853	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4855	05778	04854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4856	05779	04855	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4857	05780	04856	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	J00269	90.5	359	1	1268	1617
4858	05781	04857	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
4859	05782	04858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
4860	05783	04859	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	1	1	0	0	0	2	0						
4861	05784	04860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4862	05785	04861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4863	05787	04862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4864	05789	04863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4865	05790	04864	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4866	05792	04865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4867	05793	04866	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	2	0	0	3	M87068	98.5	67	1	361	427
4868	05794	04867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4869	05795	04868	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0						
4870	05796	04869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4871	05797	04870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L12350	99.5	204	1	5181	5784
4872	05798	04871	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0						
4873	05799	04872	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	X02851	100	84	1	1936	2027
4874	05801	04873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
4875	05804	04874	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	X05803	90.7	323	1	525	956
4876	05807	04875	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4877	05808	04876	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	1	2	0	0	0	0	0						
4878	05810	04877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4879	05813	04878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4880	05814	04879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
4881	05815	04880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表136

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4882	05816	04881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4883	05817	04882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4884	05818	04883	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4885	05819	04884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4886	05820	04885	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4887	05821	04886	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4888	05823	04887	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4889	05824	04888	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4890	05825	04889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4891	05826	04890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X15183	97.8	321	1	2133	2912
4892	05827	04891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4893	05829	04892	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	M19723	93.6	343	1	1152	1869
4894	05830	04893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4895	05831	04894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4896	05832	04895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4897	05833	04896	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
4898	05834	04897	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4899	05835	04898	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	X54232	96.5	313	1	3380	3692
4900	05836	04899	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
4901	05837	04900	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
4902	05838	04901	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4903	05839	04902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4904	05840	04903	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4905	05841	04904	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
4906	05842	04905	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	D26067	90.7	54	1	1718	3269
4907	05843	04906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
4908	05844	04907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4909	05845	04908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4910	05846	04909	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	1	0	0	0	0	0	0	1	0	X74801	100	135	1	941	1108
4911	05847	04910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	L10844	92.8	223	3	125	1855
4912	05848	04911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4913	05849	04912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4914	05850	04913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4915	05851	04914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4916	05852	04915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M87770	100	124	1	4132	4268
4917	05854	04916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表137

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4918	05856	04917	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4919	05857	04918	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	1	0						
4920	05858	04919	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M86667	100	168	1	376	1560
4921	05859	04920	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	M18391	93.2	118	1	3253	3370
4922	05860	04921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4923	05862	04922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4924	05863	04923	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4925	05864	04924	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	5	0	0	0	1	0	0	0	M26252	93	327	1	1817	2306
4926	05865	04925	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
4927	05866	04926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4928	05867	04927	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
4929	05868	04928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4930	05869	04929	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
4931	05870	04930	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4932	05871	04931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4933	05872	04932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4934	05874	04933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4935	05875	04934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4936	05876	04935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4937	05877	04936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4938	05879	04937	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4939	05880	04938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4940	05882	04939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4941	05885	04940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4942	05886	04941	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4943	05887	04942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4944	05888	04943	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4945	05889	04944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4946	05890	04945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4947	05892	04946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4948	05893	04947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4949	05894	04948	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	M17783	98	101	1	1091	1191
4950	05895	04949	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M21551	96.1	330	1	295	640
4951	05896	04950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4952	05897	04951	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4953	05898	04952	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表138

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4954	05899	04953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4955	05900	04954	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
4956	05902	04955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4957	05903	04956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4958	05907	04957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M62994	95.2	315	1	1591	2007
4959	05908	04958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X05803	93.8	308	1	525	956
4960	05912	04959	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4961	05913	04960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0						
4962	05914	04961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4963	05916	04962	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4964	05917	04963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4965	05918	04964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4966	05919	04965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4967	05920	04966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4968	05921	04967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4969	05923	04968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X63629	99.2	126	1	3046	3171
4970	05925	04969	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4971	05926	04970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4972	05927	04971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4973	05928	04972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4974	05932	04973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4975	05933	04974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4976	05934	04975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4977	05937	04976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4978	05938	04977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4979	05939	04978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4980	05940	04979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4981	05941	04980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4982	05942	04981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4983	05943	04982	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4984	05946	04983	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
4985	05947	04984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	L19183	90.2	51	1	983	2002
4986	05948	04985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4987	05949	04986	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4988	05951	04987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4989	05952	04988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M65028	91.8	343	1	1021	1537

表139

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4990	05953	04989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M37712	99.3	147	1	3717	3863
4991	05954	04990	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
4992	05955	04991	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	2	0	0	0						
4993	05956	04992	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4994	05957	04993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4995	05959	04994	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	M27319	98.5	65	1	735	799
4996	05960	04995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4997	05961	04996	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4998	05962	04997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4999	05963	04998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5000	05964	04999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5001	05966	05000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5002	05967	05001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5003	05968	05002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5004	05969	05003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5005	05970	05004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5006	05974	05005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5007	05975	05006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5008	05976	05007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5009	05978	05008	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	0	0	0	0	0	0	M33197	94.8	305	1	495	1268
5010	05980	05009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5011	05981	05010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M16447	91.2	330	1	1097	1550
5012	05982	05011	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5013	05983	05012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5014	05984	05013	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	L24203	94.5	328	1	2207	3018
5015	05987	05014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0						
5016	05988	05015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5017	05989	05016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5018	05991	05017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5019	05992	05018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5020	05993	05019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5021	05994	05020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5022	05996	05021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5023	05997	05022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5024	05998	05023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5025	05999	05024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表140

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5026	06000	05025	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5027	06001	05026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5028	06004	05027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5029	06005	05028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5030	06008	05029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5031	06010	05030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5032	06011	05031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5033	06013	05032	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5034	06014	05033	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0						
5035	06015	05034	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5036	06016	05035	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5037	06017	05036	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0						
5038	06018	05037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5039	06020	05038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5040	06021	05039	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5041	06022	05040	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5042	06023	05041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5043	06024	05042	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	M60801	97.8	90	1	1279	1368
5044	06025	05043	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5045	06026	05044	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5046	06027	05045	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5047	06028	05046	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5048	06030	05047	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5049	06031	05048	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5050	06032	05049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5051	06034	05050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5052	06035	05051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5053	06036	05052	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5054	06038	05053	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5055	06039	05054	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5056	06040	05055	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5057	06041	05056	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X68314	98.1	316	1	629	971
5058	06042	05057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5059	06043	05058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5060	06044	05059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5061	06045	05060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表141

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5062	06046	05061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5063	06047	05062	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5064	06048	05063	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5065	06049	05064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5066	06050	05065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5067	06051	05066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5068	06052	05067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5069	06053	05068	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5070	06054	05069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5071	06055	05070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	Z22548	94.4	338	1	509	937
5072	06056	05071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5073	06057	05072	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
5074	06059	05073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5075	06060	05074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5076	06061	05075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5077	06062	05076	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5078	06064	05077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5079	06065	05078	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5080	06066	05079	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5081	06067	05080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5082	06068	05081	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5083	06069	05082	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	M77477	96.4	281	1	1243	1625
5084	06070	05083	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5085	06071	05084	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5086	06072	05085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5087	06074	05086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5088	06075	05087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M10941	95.9	267	1	679	1296
5089	06076	05088	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
5090	06077	05089	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10284	92.5	268	1	2191	4117
5091	06078	05090	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5092	06079	05091	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5093	06080	05092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5094	06081	05093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5095	06083	05094	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5096	06084	05095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X75042	98.2	55	1	1868	2337
5097	06085	05096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表142

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5098	06086	05097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5099	06087	05098	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
5100	06089	05099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5101	06090	05100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5102	06091	05101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5103	06092	05102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5104	06093	05103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5105	06094	05104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5106	06095	05105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5107	06097	05106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5108	06098	05107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5109	06100	05108	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5110	06101	05109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5111	06102	05110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5112	06103	05111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5113	06104	05112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5114	06105	05113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5115	06107	05114	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5116	06108	05115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5117	06109	05116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M58510	98.8	84	1	100	3355
5118	06110	05117	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5119	06111	05118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5120	06112	05119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5121	06113	05120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5122	06114	05121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5123	06115	05122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5124	06116	05123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5125	06117	05124	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5126	06118	05125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5127	06119	05126	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5128	06122	05127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5129	06123	05128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5130	06125	05129	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5131	06126	05130	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	K03515	98.8	339	1	1506	1987
5132	06127	05131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5133	06128	05132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表143

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5134	06129	05133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5135	06130	05134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5136	06131	05135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5137	06133	05136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5138	06136	05137	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5139	06137	05138	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5140	06138	05139	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5141	06139	05140	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5142	06141	05141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5143	06142	05142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5144	06144	05143	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5145	06145	05144	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5146	06146	05145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5147	06148	05146	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z22534	96	321	1	1930	2715
5148	06150	05147	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
5149	06151	05148	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5150	06152	05149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5151	06153	05150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5152	06154	05151	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5153	06155	05152	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5154	06156	05153	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5155	06157	05154	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5156	06158	05155	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5157	06159	05156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5158	06160	05157	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5159	06161	05158	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5160	06163	05159	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5161	06164	05160	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5162	06165	05161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5163	06166	05162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5164	06167	05163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5165	06168	05164	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5166	06169	05165	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z13009	96.6	321	1	4457	4778
5167	06170	05166	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5168	06171	05167	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5169	06172	05168	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表144

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5170	06173	05169	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5171	06174	05170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5172	06175	05171	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5173	06176	05172	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5174	06177	05173	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5175	06179	05174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5176	06180	05175	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5177	06181	05176	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5178	06182	05177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5179	06183	05178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5180	06184	05179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5181	06185	05180	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5182	06186	05181	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	2	0						
5183	06187	05182	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5184	06188	05183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5185	06189	05184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5186	06190	05185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5187	06191	05186	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5188	06192	05187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5189	06195	05188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z23064	93.8	224	1	1152	1894
5190	06196	05189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5191	06197	05190	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5192	06198	05191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5193	06199	05192	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5194	06200	05193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5195	06201	05194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5196	06202	05195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5197	06203	05196	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
5198	06204	05197	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5199	06205	05198	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
5200	06206	05199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5201	06207	05200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5202	06208	05201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5203	06209	05202	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5204	06210	05203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5205	06211	05204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表145

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5206	06213	05205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5207	06215	05206	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5208	06216	05207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5209	06217	05208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5210	06218	05209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5211	06219	05210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5212	06220	05211	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5213	06221	05212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
5214	06222	05213	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5215	06224	05214	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
5216	06225	05215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
5217	06226	05216	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5218	06227	05217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5219	06228	05218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5220	06229	05219	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5221	06230	05220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5222	06232	05221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5223	06233	05222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5224	06234	05223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5225	06235	05224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5226	06236	05225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5227	06237	05226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5228	06238	05227	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5229	06240	05228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0						
5230	06241	05229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5231	06243	05230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5232	06244	05231	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5233	06246	05232	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0						
5234	06247	05233	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
5235	06248	05234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5236	06249	05235	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0						
5237	06250	05236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5238	06251	05237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5239	06253	05238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5240	06254	05239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5241	06255	05240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表146

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5242	06256	05241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5243	06257	05242	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	1	0	2	0	0						
5244	06258	05243	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5245	06259	05244	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	X52056	98.5	68	1	1297	1364
5246	06260	05245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5247	06261	05246	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5248	06262	05247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5249	06264	05248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5250	06267	05249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5251	06268	05250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5252	06269	05251	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5253	06270	05252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5254	06271	05253	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5255	06272	05254	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5256	06273	05255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5257	06274	05256	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M80359	93.9	181	1	2062	2914
5258	06275	05257	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5259	06277	05258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	2	0	0	0	M90104	94.2	173	1	1700	1879
5260	06278	05259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5261	06279	05260	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5262	06280	05261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5263	06281	05262	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M64784	95.6	338	1	638	1138
5264	06282	05263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5265	06283	05264	11		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	9	X52426	100	102	1	1574	1677
5266	06284	05265	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5267	06286	05266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5268	06288	05267	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5269	06289	05268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5270	06290	05269	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5271	06291	05270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5272	06292	05271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5273	06293	05272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5274	06294	05273	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5275	06295	05274	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5276	06296	05275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5277	06297	05276	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86400	92.4	197	1	1196	2834

表147

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5278	06299	05277	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	0	M74002	98.7	229	1	2508	2736
5279	06300	05278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05448	98.9	176	1	1256	1766
5280	06301	05279	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5281	06302	05280	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5282	06303	05281	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5283	06304	05282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5284	06305	05283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5285	06306	05284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5286	06307	05285	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5287	06308	05286	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
5288	06309	05287	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5289	06310	05288	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5290	06311	05289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
5291	06313	05290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5292	06314	05291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5293	06315	05292	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5294	06316	05293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	M69039	99	102	1	1130	1240
5295	06317	05294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5296	06318	05295	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5297	06319	05296	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	1	1	0	0	M59287	99.5	198	1	1549	1750
5298	06320	05297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5299	06321	05298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5300	06322	05299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5301	06323	05300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L22846	100	69	1	1698	1766
5302	06324	05301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5303	06325	05302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5304	06326	05303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5305	06327	05304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5306	06329	05305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5307	06330	05306	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5308	06331	05307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5309	06332	05308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5310	06333	05309	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5311	06334	05310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5312	06335	05311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13638	96	124	1	1571	5167
5313	06337	05312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表148

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5314	06338	05313	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5315	06339	05314	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5316	06341	05315	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5317	06343	05316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5318	06344	05317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5319	06345	05318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5320	06346	05319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5321	06347	05320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5322	06348	05321	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1						
5323	06350	05322	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	2						
5324	06351	05323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5325	06353	05324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5326	06354	05325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5327	06355	05326	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5328	06356	05327	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5329	06357	05328	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5330	06358	05329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5331	06359	05330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5332	06360	05331	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5333	06361	05332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5334	06362	05333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5335	06363	05334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5336	06364	05335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5337	06365	05336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	X02994	96.8	217	1	1282	1498
5338	06366	05337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5339	06367	05338	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	1	0	0	0	0						
5340	06369	05339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5341	06370	05340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5342	06371	05341	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5343	06372	05342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5344	06373	05343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5345	06374	05344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5346	06376	05345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5347	06377	05346	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5348	06378	05347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5349	06379	05348	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	1	0	M83751	99.1	323	1	660	1103

表149

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5350	06380	05349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5351	06381	05350	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0						
5352	06382	05351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5353	06383	05352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5354	06384	05353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5355	06385	05354	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
5356	06386	05355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
5357	06387	05356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X56134	94.9	59	1	430	1766
5358	06388	05357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5359	06389	05358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5360	06390	05359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5361	06392	05360	26		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	X05232	99	103	1	1699	1801
5362	06393	05361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5363	06394	05362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5364	06395	05363	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	L08239	98.4	63	1	1559	1631
5365	06396	05364	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	M92287	99.2	238	1	1794	2042
5366	06397	05365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5367	06398	05366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5368	06399	05367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5369	06400	05368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5370	06401	05369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5371	06402	05370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5372	06403	05371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5373	06404	05372	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5374	06405	05373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X56134	94.8	193	1	430	1766
5375	06407	05374	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	M62403	100	70	1	1157	1955
5376	06408	05375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5377	06409	05376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5378	06410	05377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5379	06411	05378	15		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	M13509	97	203	1	1769	1970
5380	06412	05379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5381	06413	05380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5382	06414	05381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5383	06415	05382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5384	06416	05383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5385	06417	05384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表150

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5386	06418	05385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5387	06419	05386	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
5388	06420	05387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5389	06421	05388	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	M59040	99.3	296	1	934	1794
5390	06422	05389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5391	06423	05390	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5392	06424	05391	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1						
5393	06425	05392	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5394	06426	05393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5395	06427	05394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5396	06428	05395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5397	06429	05396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5398	06430	05397	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5399	06431	05398	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5400	06432	05399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5401	06433	05400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5402	06434	05401	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	1	0						
5403	06435	05402	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	S59184	94.9	274	1	2791	3068
5404	06436	05403	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5405	06437	05404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5406	06438	05405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5407	06439	05406	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0						
5408	06440	05407	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5409	06441	05408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5410	06442	05409	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
5411	06443	05410	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5412	06444	05411	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5413	06445	05412	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5414	06446	05413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5415	06447	05414	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	M62994	96.9	196	1	426	2007
5416	06448	05415	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0	0	0						
5417	06449	05416	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	2	0	0	0						
5418	06450	05417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5419	06451	05418	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5420	06452	05419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5421	06453	05420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表151

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5422	06454	05421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	L10910	95.1	205	1	2334	2595
5423	06455	05422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5424	06456	05423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5425	06457	05424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5426	06458	05425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5427	06459	05426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5428	06460	05427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5429	06461	05428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M59465	100	183	1	4244	4426
5430	06462	05429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5431	06463	05430	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5432	06464	05431	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5433	06465	05432	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5434	06466	05433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5435	06468	05434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5436	06469	05435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5437	06470	05436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5438	06471	05437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5439	06472	05438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5440	06473	05439	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	0						
5441	06474	05440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5442	06475	05441	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
5443	06476	05442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5444	06477	05443	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5445	06478	05444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	X63657	96.8	313	1	1738	2272
5446	06481	05445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5447	06482	05446	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X12510	95.6	250	1	760	1041
5448	06483	05447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
5449	06484	05448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	L25610	92.8	333	1	1641	2098
5450	06485	05449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5451	06486	05450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5452	06487	05451	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5453	06488	05452	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
5454	06489	05453	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
5455	06490	05454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5456	06491	05455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5457	06492	05456	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						

表152

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5458	06493	05457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5459	06496	05458	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
5460	06498	05459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5461	06499	05460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5462	06500	05461	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	L24559	97.1	68	1	2112	2187
5463	06501	05462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5464	06502	05463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5465	06503	05464	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5466	06504	05465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5467	06505	05466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5468	06506	05467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5469	06507	05468	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5470	06508	05469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5471	06509	05470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5472	06510	05471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5473	06511	05472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5474	06512	05473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5475	06513	05474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5476	06514	05475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5477	06515	05476	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0	L16785	100	49	1	599	647
5478	06516	05477	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5479	06517	05478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5480	06518	05479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5481	06519	05480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5482	06520	05481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5483	06521	05482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5484	06522	05483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5485	06523	05484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5486	06524	05485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5487	06525	05486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5488	06526	05487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5489	06527	05488	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5490	06528	05489	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5491	06529	05490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5492	06530	05491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5493	06531	05492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

200

表153

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5494	06532	05493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5495	06533	05494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5496	06536	05495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5497	06537	05496	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5498	06538	05497	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5499	06539	05498	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5500	06540	05499	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5501	06541	05500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5502	06542	05501	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X02761	94.9	313	1	4357	7680
5503	06544	05502	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5504	06545	05503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5505	06546	05504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5506	06547	05505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5507	06548	05506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5508	06549	05507	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5509	06550	05508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0						
5510	06551	05509	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5511	06552	05510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5512	06553	05511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5513	06555	05512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5514	06556	05513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5515	06557	05514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5516	06558	05515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5517	06559	05516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5518	06560	05517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5519	06561	05518	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5520	06563	05519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5521	06564	05520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5522	06565	05521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5523	06566	05522	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5524	06567	05523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X07820	94.4	269	1	1374	1743
5525	06569	05524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5526	06571	05525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5527	06572	05526	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5528	06573	05527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5529	06574	05528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表154

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5530	06576	05529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5531	06577	05530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5532	06578	05531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5533	06579	05532	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	X54925	98	203	1	1410	1970
5534	06580	05533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5535	06581	05534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M58460	98.9	177	1	1364	1542
5536	06582	05535	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
5537	06583	05536	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
5538	06584	05537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5539	06585	05538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5540	06586	05539	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5541	06587	05540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5542	06588	05541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5543	06590	05542	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1	0					
5544	06592	05543	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	M98479	92.4	250	1	1311	1557
5545	06593	05544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5546	06594	05545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5547	06595	05546	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5548	06596	05547	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
5549	06597	05548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5550	06599	05549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5551	06600	05550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M14083	90.1	162	1	2218	2937
5552	06601	05551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5553	06602	05552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L07590	95.1	102	1	4230	5217
5554	06603	05553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5555	06604	05554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5556	06605	05555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5557	06606	05556	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5558	06607	05557	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5559	06608	05558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5560	06609	05559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M10036	95	80	43	1483	1835
5561	06610	05560	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
5562	06611	05561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L22569	91.5	130	1	971	2286
5563	06612	05562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5564	06613	05563	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
5565	06614	05564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表155

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5566	06615	05565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5567	06616	05566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5568	06617	05567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5569	06618	05568	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	L11005	98.7	76	1	4882	4957
5570	06619	05569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5571	06620	05570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5572	06621	05571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5573	06623	05572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5574	06624	05573	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
5575	06625	05574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5576	06626	05575	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M20472	95.4	131	1	383	1023
5577	06627	05576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5578	06628	05577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5579	06630	05578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X66363	95.1	184	1	1479	1745
5580	06631	05579	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5581	06632	05580	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5582	06633	05581	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5583	06634	05582	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5584	06635	05583	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5585	06636	05584	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	X53743	97.6	167	1	1991	2156
5586	06637	05585	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5587	06638	05586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5588	06639	05587	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	M38258	94.9	253	1	2320	2571
5589	06640	05588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5590	06641	05589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5591	06642	05590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5592	06643	05591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5593	06645	05592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5594	06646	05593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X52678	95.8	96	1	1593	1879
5595	06647	05594	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5596	06649	05595	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5597	06650	05596	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5598	06651	05597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5599	06652	05598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5600	06653	05599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	M81757	98.6	69	17	432	510
5601	06654	05600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表156

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5602	06656	05601	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5603	06659	05602	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5604	06660	05603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5605	06661	05604	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5606	06662	05605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5607	06664	05606	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
5608	06666	05607	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05016	91.6	215	1	1912	2865
5609	06667	05608	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5610	06668	05609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5611	06669	05610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5612	06670	05611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5613	06672	05612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5614	06673	05613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5615	06674	05614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5616	06675	05615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5617	06676	05616	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5618	06677	05617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5619	06678	05618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5620	06679	05619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5621	06680	05620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5622	06681	05621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5623	06682	05622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5624	06683	05623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5625	06684	05624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5626	06685	05625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5627	06686	05626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5628	06687	05627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5629	06688	05628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5630	06689	05629	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
5631	06690	05630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5632	06691	05631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5633	06692	05632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5634	06693	05633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5635	06694	05634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5636	06696	05635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5637	06697	05636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表157

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5638	06698	05637	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5639	06699	05638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5640	06700	05639	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5641	06701	05640	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0						
5642	06702	05641	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5643	06703	05642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5644	06704	05643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5645	06705	05644	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5646	06706	05645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5647	06707	05646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5648	06709	05647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5649	06710	05648	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L15388	95.7	369	1	1826	2557
5650	06711	05649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5651	06712	05650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5652	06713	05651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5653	06714	05652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5654	06715	05653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X15187	97.8	231	1	2537	2780
5655	06716	05654	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5656	06717	05655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5657	06718	05656	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5658	06719	05657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5659	06720	05658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5660	06721	05659	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5661	06724	05660	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5662	06725	05661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5663	06726	05662	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
5664	06727	05663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5665	06728	05664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5666	06730	05665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5667	06731	05666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5668	06732	05667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5669	06733	05668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5670	06734	05669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5671	06735	05670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5672	06736	05671	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
5673	06737	05672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5674	06739	05673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5675	06740	05674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5676	06742	05675	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5677	06743	05676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5678	06744	05677	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5679	06745	05678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5680	06746	05679	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L08488	100	253	1	1453	1705
5681	06747	05680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00815	98.8	172	1	7531	7702
5682	06749	05681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5683	06750	05682	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5684	06751	05683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5685	06752	05684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5686	06753	05685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5687	06754	05686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5688	06755	05687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03548	94.6	129	1	1335	1463
5689	06756	05688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5690	06757	05689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5691	06758	05690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5692	06759	05691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5693	06760	05692	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
5694	06762	05693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5695	06763	05694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5696	06764	05695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M18217	91.4	336	1	292	946
5697	06765	05696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5698	06766	05697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5699	06767	05698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5700	06768	05699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5701	06769	05700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5702	06770	05701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5703	06771	05702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L02785	93.6	373	1	2499	2881
5704	06772	05703	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5705	06773	05704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
5706	06774	05705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5707	06775	05706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5708	06776	05707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5709	06777	05708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表159

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5710	06778	05709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5711	06780	05710	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0						
5712	06781	05711	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
5713	06783	05712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5714	06784	05713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5715	06785	05714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5716	06786	05715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5717	06787	05716	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	J05633	100	214	1	2887	3117
5718	06788	05717	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0	0						
5719	06789	05718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5720	06790	05719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5721	06791	05720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5722	06792	05721	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0						
5723	06794	05722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5724	06795	05723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	D21163	98.3	363	1	2923	3784
5725	06796	05724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5726	06797	05725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5727	06798	05726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5728	06800	05727	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5729	06801	05728	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5730	06802	05729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5731	06803	05730	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5732	06804	05731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5733	06805	05732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5734	06806	05733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5735	06807	05734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5736	06808	05735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5737	06809	05736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5738	06810	05737	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5739	06811	05738	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5740	06812	05739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5741	06813	05740	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	L07956	98.4	127	1	2780	2955
5742	06815	05741	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5743	06816	05742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	X06985	93.3	195	1	1175	1550
5744	06817	05743	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5745	06818	05744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

207

表160

!	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5746	06819	05745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5747	06820	05746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5748	06821	05747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5749	06823	05748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5750	06824	05749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5751	06825	05750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5752	06826	05751	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0						
5753	06827	05752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5754	06828	05753	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5755	06829	05754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5756	06830	05755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5757	06831	05756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5758	06832	05757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5759	06833	05758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0						
5760	06834	05759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	J05481	92.8	237	1	2363	2620
5761	06835	05760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5762	06836	05761	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5763	06837	05762	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0						
5764	06838	05763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	J03202	95.3	299	1	5002	5306
5765	06839	05764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5766	06840	05765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5767	06841	05766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5768	06842	05767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5769	06843	05768	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0						
5770	06844	05769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5771	06845	05770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5772	06846	05771	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5773	06848	05772	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5774	06850	05773	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0	0						
5775	06851	05774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5776	06852	05775	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5777	06854	05776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5778	06855	05777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5779	06856	05778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5780	06857	05779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5781	06858	05780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表161

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5782	06859	05781	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5783	06863	05782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5784	06864	05783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5785	06865	05784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5786	06866	05785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5787	06869	05786	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5788	06870	05787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	3	0						
5789	06871	05788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5790	06872	05789	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5791	06873	05790	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5792	06874	05791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5793	06875	05792	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5794	06876	05793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5795	06878	05794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D21261	95.3	236	1	672	1360
5796	06879	05795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5797	06880	05796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5798	06882	05797	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5799	06883	05798	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5800	06884	05799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5801	06885	05800	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
5802	06886	05801	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L22342	97.6	289	1	545	835
5803	06888	05802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5804	06889	05803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5805	06890	05804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5806	06891	05805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5807	06893	05806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5808	06894	05807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5809	06895	05808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5810	06896	05809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5811	06897	05810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5812	06898	05811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5813	06899	05812	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5814	06900	05813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5815	06901	05814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M73778	94.8	269	1	1762	2155
5816	06902	05815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5817	06903	05816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表162

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5818	06904	05817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5819	06906	05818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5820	06909	05819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5821	06910	05820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5822	06911	05821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5823	06912	05822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5824	06913	05823	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5825	06915	05824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5826	06916	05825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5827	06917	05826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5828	06919	05827	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5829	06920	05828	27		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	22	0	0	0	0	0	J04569	93.5	216	1	2807	3017
5830	06922	05829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5831	06923	05830	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0						
5832	06927	05831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X52203	92.3	91	1	816	906
5833	06928	05832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5834	06929	05833	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5835	06930	05834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L20046	96.8	158	1	3545	3702
5836	06931	05835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5837	06932	05836	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	M27110	97.1	137	1	2343	2777
5838	06933	05837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5839	06934	05838	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5840	06935	05839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5841	06936	05840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5842	06937	05841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5843	06938	05842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5844	06939	05843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5845	06941	05844	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5846	06942	05845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5847	06943	05846	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5848	06945	05847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	6						
5849	06946	05848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5850	06947	05849	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5851	06948	05850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5852	06949	05851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5853	06951	05852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表163

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5854	06952	05853	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5855	06953	05854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5856	06954	05855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5857	06955	05856	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
5858	06956	05857	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5859	06957	05858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5860	06959	05859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5861	06960	05860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5862	06961	05861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M72709	100	84	1	1634	1717
5863	06963	05862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5864	06964	05863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5865	06965	05864	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5866	06966	05865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5867	06967	05866	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5868	06969	05867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5869	06971	05868	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5870	06972	05869	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	Y00698	93.7	284	1	2394	2759
5871	06973	05870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	Z21966	96.8	344	1	1731	2182
5872	06975	05871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5873	06977	05872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5874	06978	05873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5875	06979	05874	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5876	06981	05875	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5877	06982	05876	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5878	06983	05877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5879	06984	05878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5880	06985	05879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5881	06986	05880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
5882	06987	05881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5883	06988	05882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5884	06989	05883	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5885	06990	05884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5886	06991	05885	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5887	06992	05886	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5888	06993	05887	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5889	06994	05888	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	4	0	0	0						

表164

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5890	06995	05889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5891	06996	05890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5892	06997	05891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5893	06998	05892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5894	06999	05893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5895	07000	05894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5896	07001	05895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5897	07002	05896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5898	07003	05897	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
5899	07004	05898	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5900	07005	05899	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5901	07006	05900	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5902	07007	05901	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	0	0	0						
5903	07008	05902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5904	07009	05903	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5905	07011	05904	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5906	07012	05905	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
5907	07013	05906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5908	07014	05907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5909	07015	05908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5910	07016	05909	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5911	07017	05910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5912	07018	05911	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5913	07020	05912	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0						
5914	07021	05913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5915	07022	05914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5916	07023	05915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5917	07025	05916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5918	07026	05917	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5919	07027	05918	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0						
5920	07028	05919	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5921	07029	05920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5922	07030	05921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5923	07031	05922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5924	07032	05923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5925	07033	05924	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表165

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5926	07034	05925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5927	07035	05926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5928	07036	05927	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5929	07037	05928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5930	07038	05929	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5931	07039	05930	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5932	07040	05931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5933	07041	05932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5934	07043	05933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5935	07044	05934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5936	07046	05935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5937	07047	05936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5938	07048	05937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5939	07049	05938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5940	07050	05939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5941	07053	05940	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
5942	07054	05941	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
5943	07055	05942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5944	07056	05943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5945	07057	05944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5946	07058	05945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5947	07059	05946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5948	07060	05947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5949	07061	05948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5950	07062	05949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5951	07063	05950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5952	07065	05951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5953	07066	05952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0						
5954	07067	05953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5955	07068	05954	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M34671	94	248	1	1332	1671
5956	07069	05955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D25269	93.3	134	1	147	410
5957	07071	05956	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5958	07072	05957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5959	07074	05958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5960	07075	05959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5961	07076	05960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表166

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5962	07079	05961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5963	07080	05962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5964	07081	05963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5965	07082	05964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5966	07083	05965	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	0	0						
5967	07084	05966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5968	07085	05967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5969	07086	05968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5970	07087	05969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5971	07088	05970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5972	07089	05971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5973	07091	05972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5974	07093	05973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5975	07094	05974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5976	07095	05975	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
5977	07096	05976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5978	07097	05977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5979	07098	05978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5980	07099	05979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5981	07100	05980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5982	07101	05981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5983	07102	05982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5984	07103	05983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5985	07104	05984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5986	07105	05985	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
5987	07106	05986	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1						
5988	07108	05987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5989	07110	05988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5990	07111	05989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5991	07112	05990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5992	07113	05991	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X14767	96	124	1	1743	1866
5993	07114	05992	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
5994	07115	05993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5995	07116	05994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5996	07117	05995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5997	07118	05996	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	0	0	0						

表167

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5998	07119	05997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
5999	07120	05998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6000	07121	05999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6001	07122	06000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6002	07123	06001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6003	07124	06002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6004	07125	06003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6005	07126	06004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6006	07127	06005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6007	07128	06006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6008	07129	06007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M16447	91.6	227	1	725	1550
6009	07130	06008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6010	07131	06009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6011	07132	06010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6012	07133	06011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6013	07134	06012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6014	07135	06013	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
6015	07136	06014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6016	07137	06015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6017	07138	06016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6018	07139	06017	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6019	07140	06018	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0						
6020	07141	06019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6021	07142	06020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6022	07143	06021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6023	07144	06022	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6024	07145	06023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6025	07146	06024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6026	07147	06025	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6027	07150	06026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6028	07151	06027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6029	07152	06028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6030	07153	06029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6031	07154	06030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6032	07156	06031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6033	07157	06032	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						

表168

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6034	07158	06033	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6035	07160	06034	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6036	07161	06035	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6037	07162	06036	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6038	07163	06037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0						
6039	07164	06038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6040	07165	06039	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6041	07166	06040	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0						
6042	07167	06041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0						
6043	07169	06042	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6044	07170	06043	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6045	07171	06044	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6046	07173	06045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0						
6047	07174	06046	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6048	07175	06047	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
6049	07178	06048	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1						
6050	07179	06049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6051	07180	06050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6052	07181	06051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	M32219	95.7	326	1	312	765
6053	07182	06052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6054	07183	06053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6055	07185	06054	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6056	07186	06055	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	L20860	96.8	94	1	639	2793
6057	07187	06056	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6058	07188	06057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6059	07192	06058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6060	07193	06059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6061	07194	06060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6062	07195	06061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6063	07196	06062	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6064	07199	06063	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6065	07200	06064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6066	07201	06065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6067	07202	06066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6068	07204	06067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6069	07206	06068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	.1	0	0	0	0	0	0						

表169

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6070	07209	06069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6071	07210	06070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6072	07211	06071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	L19713	94.2	171	1	2239	2660
6073	07212	06072	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6074	07213	06073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6075	07214	06074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6076	07215	06075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6077	07216	06076	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6078	07217	06077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6079	07218	06078	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6080	07219	06079	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6081	07220	06080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0						
6082	07221	06081	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6083	07222	06082	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6084	07223	06083	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X68148	92.3	104	1	1502	3031
6085	07224	06084	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	X65024	93.6	172	1	3234	3455
6086	07225	06085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6087	07226	06086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6088	07227	06087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6089	07228	06088	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6090	07229	06089	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6091	07230	06090	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6092	07231	06091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6093	07232	06092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	D21852	99.3	134	1	4139	4272
6094	07235	06093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6095	07238	06094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6096	07241	06095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6097	07243	06096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6098	07244	06097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	J05032	98.8	81	1	1573	2271
6099	07245	06098	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
6100	07246	06099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6101	07249	06100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6102	07250	06101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6103	07251	06102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6104	07253	06103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6105	07257	06104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表170

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6106	07259	06105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6107	07261	06106	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
6108	07263	06107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6109	07264	06108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6110	07265	06109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6111	07266	06110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6112	07267	06111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6113	07268	06112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6114	07269	06113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6115	07270	06114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6116	07272	06115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6117	07274	06116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6118	07275	06117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6119	07276	06118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6120	07277	06119	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
6121	07278	06120	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6122	07279	06121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6123	07280	06122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6124	07281	06123	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
6125	07282	06124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6126	07283	06125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6127	07284	06126	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6128	07285	06127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6129	07286	06128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6130	07287	06129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6131	07288	06130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6132	07289	06131	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6133	07290	06132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6134	07291	06133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6135	07292	06134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6136	07293	06135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6137	07294	06136	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6138	07295	06137	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6139	07296	06138	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6140	07297	06139	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6141	07298	06140	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表171

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6142	07299	06141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6143	07300	06142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6144	07301	06143	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6145	07302	06144	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6146	07303	06145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6147	07304	06146	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6148	07305	06147	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
6149	07306	06148	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6150	07307	06149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6151	07308	06150	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6152	07309	06151	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0						
6153	07311	06152	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6154	07312	06153	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6155	07313	06154	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6156	07315	06155	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6157	07316	06156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6158	07317	06157	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6159	07318	06158	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6160	07319	06159	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6161	07320	06160	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6162	07321	06161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6163	07322	06162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6164	07323	06163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6165	07324	06164	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6166	07325	06165	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6167	07326	06166	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6168	07327	06167	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6169	07328	06168	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6170	07329	06169	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6171	07330	06170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6172	07331	06171	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6173	07332	06172	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6174	07333	06173	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6175	07334	06174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6176	07335	06175	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6177	07336	06176	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表172

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6178	07337	06177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6179	07338	06178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6180	07339	06179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6181	07340	06180	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6182	07341	06181	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6183	07342	06182	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6184	07343	06183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6185	07344	06184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6186	07345	06185	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
6187	07346	06186	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6188	07348	06187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6189	07349	06188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6190	07350	06189	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						
6191	07351	06190	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6192	07352	06191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6193	07353	06192	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
6194	07354	06193	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6195	07355	06194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6196	07356	06195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6197	07357	06196	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6198	07358	06197	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
6199	07359	06198	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6200	07360	06199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	D14659	95.2	147	1	885	1219
6201	07361	06200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6202	07362	06201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6203	07363	06202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6204	07364	06203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6205	07365	06204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6206	07366	06205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6207	07367	06206	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6208	07368	06207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6209	07369	06208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6210	07370	06209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6211	07371	06210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6212	07372	06211	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6213	07373	06212	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						

表173

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6214	07374	06213	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6215	07375	06214	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6216	07376	06215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6217	07377	06216	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	2	0	0						
6218	07378	06217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6219	07379	06218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6220	07380	06219	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6221	07381	06220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6222	07382	06221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6223	07383	06222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6224	07384	06223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6225	07385	06224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6226	07386	06225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6227	07387	06226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6228	07388	06227	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M77016	94	234	1	1369	2665
6229	07389	06228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
6230	07390	06229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6231	07391	06230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6232	07392	06231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6233	07393	06232	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6234	07394	06233	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	J03068	92.9	141	1	2175	3317
6235	07395	06234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6236	07396	06235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6237	07397	06236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6238	07398	06237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6239	07399	06238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6240	07400	06239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6241	07401	06240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6242	07402	06241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6243	07403	06242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6244	07404	06243	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
6245	07405	06244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6246	07406	06245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6247	07407	06246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6248	07408	06247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6249	07409	06248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表174

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6250	07410	06249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6251	07411	06250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6252	07412	06251	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6253	07413	06252	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
6254	07414	06253	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6255	07415	06254	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6256	07416	06255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6257	07417	06256	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6258	07418	06257	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6259	07419	06258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6260	07420	06259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6261	07421	06260	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6262	07422	06261	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
6263	07423	06262	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6264	07424	06263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6265	07425	06264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6266	07426	06265	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6267	07427	06266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6268	07429	06267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6269	07430	06268	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	1	0	0						
6270	07431	06269	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6271	07432	06270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6272	07433	06271	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6273	07434	06272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6274	07435	06273	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6275	07436	06274	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6276	07437	06275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6277	07438	06276	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6278	07439	06277	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6279	07440	06278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6280	07441	06279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M99436	92.1	280	1	1990	2271
6281	07442	06280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6282	07443	06281	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	Z25535	93.7	191	1	5299	5487
6283	07444	06282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6284	07445	06283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6285	07446	06284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表175

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6286	07447	06285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6287	07448	06286	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6288	07449	06287	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6289	07450	06288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6290	07451	06289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6291	07452	06290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6292	07453	06291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6293	07454	06292	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6294	07455	06293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6295	07456	06294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6296	07457	06295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6297	07458	06296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6298	07459	06297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6299	07460	06298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6300	07461	06299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6301	07462	06300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6302	07463	06301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6303	07464	06302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6304	07465	06303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6305	07466	06304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6306	07467	06305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6307	07468	06306	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6308	07469	06307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6309	07470	06308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6310	07471	06309	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6311	07472	06310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6312	07473	06311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6313	07474	06312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6314	07475	06313	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1						
6315	07476	06314	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6316	07477	06315	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6317	07478	06316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6318	07479	06317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6319	07480	06318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6320	07481	06319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6321	07483	06320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表176

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6322	07484	06321	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M75126	94.2	330	1	3032	3580
6323	07485	06322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6324	07486	06323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6325	07487	06324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6326	07488	06325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6327	07489	06326	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6328	07490	06327	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6329	07491	06328	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6330	07492	06329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6331	07493	06330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6332	07494	06331	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6333	07495	06332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6334	07496	06333	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6335	07497	06334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6336	07498	06335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6337	07499	06336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6338	07500	06337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6339	07501	06338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6340	07502	06339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6341	07503	06340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6342	07504	06341	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6343	07505	06342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6344	07506	06343	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6345	07507	06344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6346	07508	06345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6347	07509	06346	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6348	07510	06347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6349	07511	06348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6350	07512	06349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6351	07513	06350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6352	07514	06351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6353	07515	06352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6354	07516	06353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6355	07517	06354	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6356	07518	06355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6357	07520	06356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表177

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6358	07521	06357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6359	07522	06358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6360	07523	06359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6361	07524	06360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6362	07525	06361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6363	07526	06362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M38054	98	102	1	112	213
6364	07527	06363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6365	07528	06364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6366	07529	06365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6367	07530	06366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6368	07531	06367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6369	07532	06368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6370	07533	06369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6371	07534	06370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6372	07535	06371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6373	07536	06372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6374	07537	06373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6375	07538	06374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6376	07539	06375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6377	07540	06376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6378	07541	06377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6379	07543	06378	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6380	07544	06379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6381	07545	06380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6382	07546	06381	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0						
6383	07547	06382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6384	07548	06383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6385	07549	06384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6386	07550	06385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6387	07551	06386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6388	07552	06387	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6389	07553	06388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6390	07554	06389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6391	07555	06390	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6392	07556	06391	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0	0						
6393	07557	06392	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						

表178

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6394	07558	06393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6395	07559	06394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M18172	97.5	161	1	674	834
6396	07560	06395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6397	07561	06396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6398	07562	06397	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6399	07563	06398	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6400	07564	06399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6401	07565	06400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6402	07567	06401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6403	07568	06402	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6404	07569	06403	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	2	0						
6405	07570	06404	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0						
6406	07571	06405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0						
6407	07572	06406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6408	07573	06407	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6409	07574	06408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6410	07575	06409	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6411	07576	06410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6412	07577	06411	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6413	07578	06412	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6414	07579	06413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6415	07580	06414	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6416	07581	06415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6417	07582	06416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6418	07583	06417	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6419	07584	06418	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6420	07585	06419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6421	07586	06420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6422	07587	06421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6423	07588	06422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6424	07589	06423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6425	07590	06424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6426	07591	06425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6427	07592	06426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6428	07593	06427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6429	07594	06428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表179

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6430	07595	06429	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
6431	07596	06430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6432	07597	06431	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6433	07598	06432	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6434	07599	06433	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6435	07600	06434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6436	07601	06435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6437	07602	06436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6438	07603	06437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6439	07604	06438	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
6440	07605	06439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M81757	100	67	248	430	510
6441	07606	06440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6442	07607	06441	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6443	07608	06442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6444	07609	06443	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6445	07610	06444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6446	07611	06445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6447	07612	06446	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6448	07613	06447	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
6449	07614	06448	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0						
6450	07615	06449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6451	07616	06450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6452	07617	06451	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6453	07619	06452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6454	07620	06453	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0						
6455	07621	06454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6456	07622	06455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6457	07623	06456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6458	07624	06457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6459	07625	06458	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6460	07626	06459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6461	07627	06460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	U04847	90	100	1	1337	1857
6462	07628	06461	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6463	07629	06462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6464	07630	06463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6465	07631	06464	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表180

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6466	07632	06465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6467	07633	06466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6468	07634	06467	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0						
6469	07635	06468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6470	07636	06469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6471	07637	06470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6472	07638	06471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	J04208	100	48	1	1598	1654
6473	07639	06472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6474	07640	06473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6475	07641	06474	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
6476	07642	06475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6477	07643	06476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6478	07644	06477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6479	07645	06478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6480	07646	06479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6481	07647	06480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	D25248	95.5	157	1	4575	5109
6482	07648	06481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X69391	91.3	69	19	858	926
6483	07649	06482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6484	07650	06483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6485	07651	06484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6486	07652	06485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6487	07653	06486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6488	07655	06487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6489	07656	06488	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0						
6490	07657	06489	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6491	07658	06490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6492	07659	06491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6493	07660	06492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6494	07661	06493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	L02950	99.2	119	1	974	1100
6495	07663	06494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6496	07664	06495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	U00968	97.2	327	1	3828	4154
6497	07665	06496	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6498	07666	06497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6499	07667	06498	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2	0	0						
6500	07668	06499	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6501	07669	06500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表181

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6502	07670	06501	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6503	07671	06502	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6504	07672	06503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6505	07673	06504	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
6506	07674	06505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6507	07675	06506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6508	07676	06507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6509	07677	06508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6510	07678	06509	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6511	07679	06510	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	3	0	0						
6512	07680	06511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6513	07681	06512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6514	07682	06513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6515	07683	06514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6516	07684	06515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6517	07686	06516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6518	07687	06517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6519	07688	06518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6520	07689	06519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6521	07690	06520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6522	07691	06521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6523	07692	06522	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6524	07693	06523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6525	07694	06524	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0						
6526	07695	06525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6527	07696	06526	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6528	07697	06527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	L20431	94.8	135	1	5392	5672
6529	07698	06528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6530	07699	06529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6531	07700	06530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6532	07701	06531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6533	07702	06532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	Y00064	95.4	261	1	2191	2454
6534	07703	06533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6535	07704	06534	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6536	07705	06535	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6537	07708	06536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表182

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6538	07709	06537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6539	07710	06538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6540	07711	06539	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6541	07712	06540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6542	07713	06541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6543	07714	06542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6544	07715	06543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6545	07716	06544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6546	07717	06545	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6547	07718	06546	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6548	07719	06547	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	M75715	92.6	229	1	1762	2261
6549	07720	06548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	X14829	96.2	79	1	391	472
6550	07721	06549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6551	07722	06550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6552	07723	06551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6553	07724	06552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6554	07725	06553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6555	07726	06554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6556	07727	06555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6557	07729	06556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6558	07731	06557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6559	07734	06558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6560	07735	06559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6561	07736	06560	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6562	07738	06561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6563	07739	06562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6564	07740	06563	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0						
6565	07741	06564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6566	07742	06565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6567	07743	06566	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1						
6568	07744	06567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6569	07745	06568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6570	07746	06569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M14016	100	34	1	1164	1197
6571	07748	06570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6572	07749	06571	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6573	07750	06572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表183

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6574	07751	06573	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6575	07752	06574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6576	07753	06575	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6577	07754	06576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6578	07755	06577	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6579	07756	06578	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6580	07757	06579	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6581	07758	06580	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6582	07759	06581	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6583	07760	06582	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6584	07761	06583	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6585	07762	06584	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6586	07763	06585	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6587	07764	06586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6588	07765	06587	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0						
6589	07766	06588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6590	07768	06589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6591	07769	06590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6592	07770	06591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6593	07771	06592	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6594	07773	06593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6595	07774	06594	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6596	07775	06595	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6597	07776	06596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6598	07777	06597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6599	07778	06598	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6600	07779	06599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6601	07780	06600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6602	07781	06601	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6603	07782	06602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6604	07783	06603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6605	07785	06604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6606	07786	06605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6607	07787	06606	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6608	07788	06607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6609	07789	06608	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表184

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6610	07790	06609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6611	07792	06610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6612	07793	06611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6613	07794	06612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6614	07795	06613	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	5	0	0	M31732	98.5	66	1	1748	1813
6615	07796	06614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6616	07797	06615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6617	07798	06616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6618	07800	06617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6619	07801	06618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6620	07802	06619	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0						
6621	07804	06620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6622	07805	06621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6623	07807	06622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6624	07808	06623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
6625	07810	06624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6626	07811	06625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6627	07812	06626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6628	07813	06627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6629	07814	06628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6630	07815	06629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6631	07816	06630	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	J05448	97.8	91	1	1669	1766
6632	07817	06631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6633	07818	06632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6634	07819	06633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6635	07820	06634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6636	07821	06635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6637	07822	06636	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
6638	07823	06637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6639	07824	06638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6640	07826	06639	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6641	07827	06640	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	L07395	95.3	127	1	1265	2226
6642	07828	06641	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6643	07829	06642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6644	07831	06643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6645	07834	06644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表185

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6646	07835	06645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6647	07836	06646	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6648	07837	06647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6649	07838	06648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6650	07839	06649	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6651	07840	06650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6652	07841	06651	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	0	0						
6653	07844	06652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6654	07845	06653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6655	07848	06654	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0						
6656	07849	06655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6657	07850	06656	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6658	07852	06657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6659	07853	06658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6660	07854	06659	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6661	07855	06660	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6662	07856	06661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	Z22555	94.2	278	1	2228	2566
6663	07857	06662	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6664	07858	06663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6665	07859	06664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	S49355	94.4	284	1	1211	1558
6666	07860	06665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6667	07861	06666	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0						
6668	07862	06667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6669	07863	06668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6670	07864	06669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6671	07865	06670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6672	07866	06671	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
6673	07868	06672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6674	07869	06673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6675	07870	06674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6676	07871	06675	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6677	07872	06676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6678	07875	06677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X63422	94.9	138	1	843	994
6679	07876	06678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	L20868	94.5	163	45	1043	1379
6680	07878	06679	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6681	07879	06680	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						

表186

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6682	07880	06681	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	M60278	98.6	294	1	1700	2360
6683	07881	06682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6684	07882	06683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6685	07883	06684	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6686	07884	06685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6687	07885	06686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6688	07886	06687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6689	07887	06688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6690	07889	06689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6691	07890	06690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6692	07891	06691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6693	07892	06692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6694	07893	06693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6695	07894	06694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6696	07895	06695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6697	07896	06696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6698	07897	06697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6699	07898	06698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6700	07900	06699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6701	07901	06700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6702	07902	06701	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0						
6703	07903	06702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6704	07904	06703	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6705	07905	06704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6706	07909	06705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6707	07911	06706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6708	07912	06707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6709	07913	06708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6710	07915	06709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6711	07916	06710	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6712	07917	06711	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6713	07918	06712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6714	07919	06713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6715	07920	06714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6716	07921	06715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6717	07922	06716	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						

表187

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6718	07923	06717	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	2	0	0						
6719	07925	06718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6720	07927	06719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6721	07928	06720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6722	07932	06721	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6723	07933	06722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6724	07934	06723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6725	07935	06724	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	L13852	91.9	62	1	3457	3520
6726	07936	06725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6727	07937	06726	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6728	07938	06727	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0						
6729	07939	06728	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6730	07941	06729	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0						
6731	07942	06730	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6732	07944	06731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6733	07945	06732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6734	07946	06733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6735	07948	06734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6736	07949	06735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6737	07951	06736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6738	07952	06737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6739	07953	06738	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6740	07954	06739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6741	07955	06740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6742	07956	06741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6743	07957	06742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6744	07958	06743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6745	07959	06744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6746	07960	06745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6747	07961	06746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6748	07963	06747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6749	07964	06748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6750	07965	06749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6751	07966	06750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6752	07967	06751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6753	07969	06752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						

表188

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6754	07971	06753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0						
6755	07973	06754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6756	07974	06755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6757	07975	06756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6758	07976	06757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6759	07977	06758	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6760	07981	06759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6761	07986	06760	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	3	0	0						
6762	07987	06761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6763	07988	06762	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6764	07989	06763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6765	07990	06764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6766	07991	06765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6767	07992	06766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6768	07994	06767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6769	07995	06768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6770	07997	06769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6771	07998	06770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6772	07999	06771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0						
6773	08000	06772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6774	08001	06773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6775	08002	06774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6776	08003	06775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6777	08004	06776	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0						
6778	08005	06777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6779	08006	06778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6780	08007	06779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6781	08008	06780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6782	08009	06781	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0						
6783	08010	06782	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	M85168	96.9	96	1	6865	6961
6784	08011	06783	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	U03891	100	195	1	491	685
6785	08012	06784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6786	08013	06785	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	M63488	95.1	283	1	1995	2393
6787	08014	06786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6788	08015	06787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6789	08016	06788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表189

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6790	08017	06789	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	Z28407	92.7	300	1	236	852
6791	08018	06790	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6792	08019	06791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6793	08020	06792	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6794	08021	06793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6795	08022	06794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6796	08023	06795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6797	08024	06796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6798	08025	06797	27		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	27	0	0	0						
6799	08026	06798	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6800	08027	06799	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X65024	98.2	112	1	3344	3455
6801	08028	06800	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6802	08029	06801	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6803	08030	06802	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6804	08031	06803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6805	08032	06804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6806	08033	06805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6807	08034	06806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6808	08036	06807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M14199	98.8	240	32	236	475
6809	08037	06808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6810	08038	06809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6811	08039	06810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6812	08040	06811	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	M16453	94.4	143	1	172	369
6813	08041	06812	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6814	08042	06813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6815	08043	06814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6816	08044	06815	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	M63625	91	433	1	1019	1684
6817	08045	06816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M92439	96.5	229	1	3739	4782
6818	08046	06817	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6819	08047	06818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6820	08048	06819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6821	08049	06820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6822	08050	06821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6823	08051	06822	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	M86849	98.1	157	1	2087	2312
6824	08052	06823	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6825	08053	06824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表190

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6826	08054	06825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6827	08055	06826	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	5	0						
6828	08056	06827	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	3	0	0	L13463	99.5	207	1	1139	1345
6829	08057	06828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6830	08058	06829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6831	08059	06830	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6832	08060	06831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6833	08061	06832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6834	08062	06833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6835	08063	06834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6836	08064	06835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M10036	93.2	103	1	1462	1835
6837	08065	06836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6838	08066	06837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6839	08067	06838	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0						
6840	08068	06839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6841	08069	06840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6842	08070	06841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6843	08071	06842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6844	08073	06843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6845	08074	06844	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6846	08075	06845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6847	08076	06846	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6848	08077	06847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6849	08078	06848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6850	08079	06849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6851	08080	06850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6852	08081	06851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6853	08082	06852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6854	08083	06853	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6855	08084	06854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1						
6856	08085	06855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6857	08086	06856	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6858	08087	06857	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6859	08088	06858	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6860	08089	06859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X13425	94.4	250	1	1364	1793
6861	08090	06860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表191

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6862	08091	06861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6863	08092	06862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	D13627	97.8	225	1	1597	1821
6864	08093	06863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6865	08094	06864	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6866	08095	06865	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0						
6867	08096	06866	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6868	08097	06867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6869	08098	06868	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6870	08099	06869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6871	08100	06870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6872	08101	06871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6873	08102	06872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6874	08103	06873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6875	08104	06874	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6876	08105	06875	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	X07695	100	165	1	1582	1746
6877	08107	06876	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6878	08108	06877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6879	08109	06878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6880	08110	06879	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6881	08111	06880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6882	08112	06881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6883	08113	06882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6884	08114	06883	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	Y00503	92.8	166	1	1197	1360
6885	08115	06884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6886	08116	06885	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
6887	08117	06886	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
6888	08118	06887	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0						
6889	08119	06888	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6890	08120	06889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6891	08121	06890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M80482	99.5	221	1	4183	4403
6892	08122	06891	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0						
6893	08123	06892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6894	08124	06893	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6895	08125	06894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6896	08126	06895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6897	08127	06896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表192

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6898	08128	06897	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6899	08129	06898	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6900	08130	06899	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6901	08131	06900	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6902	08132	06901	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6903	08133	06902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6904	08134	06903	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6905	08135	06904	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X57500	98.9	90	1	2021	2969
6906	08136	06905	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6907	08137	06906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6908	08138	06907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6909	08139	06908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6910	08140	06909	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6911	08141	06910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6912	08142	06911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6913	08143	06912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6914	08144	06913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6915	08145	06914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6916	08146	06915	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	D10923	97.7	298	1	1454	2051
6917	08147	06916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X59303	98.5	68	1	4016	4107
6918	08148	06917	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6919	08149	06918	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6920	08150	06919	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6921	08151	06920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M81457	97.4	77	199	513	609
6922	08153	06921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6923	08154	06922	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
6924	08155	06923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6925	08156	06924	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6926	08157	06925	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
6927	08158	06926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6928	08159	06927	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6929	08160	06928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6930	08161	06929	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6931	08162	06930	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
6932	08163	06931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6933	08164	06932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表193

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6934	08165	06933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M77349	94.2	103	7	2589	2691
6935	08166	06934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6936	08167	06935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6937	08168	06936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6938	08169	06937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6939	08170	06938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6940	08172	06939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6941	08173	06940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6942	08174	06941	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6943	08175	06942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6944	08176	06943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6945	08177	06944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6946	08178	06945	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6947	08179	06946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6948	08180	06947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6949	08181	06948	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0						
6950	08182	06949	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	K00558	90.9	99	2	938	1596
6951	08184	06950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6952	08185	06951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6953	08186	06952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6954	08188	06953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6955	08189	06954	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6956	08190	06955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6957	08191	06956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6958	08192	06957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6959	08193	06958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6960	08194	06959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6961	08195	06960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6962	08196	06961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M24194	93.7	205	1	887	1093
6963	08197	06962	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6964	08198	06963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6965	08199	06964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	U04209	92.2	51	1	1905	1955
6966	08200	06965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6967	08201	06966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6968	08202	06967	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0						
6969	08203	06968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L18960	100	38	1	702	1202

表194

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6970	08204	06969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6971	08205	06970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6972	08206	06971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6973	08207	06972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6974	08208	06973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6975	08209	06974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6976	08210	06975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6977	08211	06976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6978	08212	06977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6979	08213	06978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6980	08214	06979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6981	08215	06980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6982	08216	06981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M15800	98.6	69	1	983	1051
6983	08217	06982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6984	08218	06983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6985	08219	06984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6986	08220	06985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6987	08221	06986	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6988	08222	06987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6989	08223	06988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6990	08224	06989	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
6991	08225	06990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6992	08226	06991	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6993	08227	06992	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6994	08228	06993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6995	08229	06994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6996	08230	06995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6997	08232	06996	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6998	08233	06997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6999	08234	06998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7000	08235	06999	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0						
7001	08236	07000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7002	08237	07001	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
7003	08238	07002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7004	08239	07003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7005	08240	07004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表195

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7006	08241	07005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7007	08242	07006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L06133	98.2	57	1	8422	8478
7008	08243	07007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7009	08244	07008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7010	08245	07009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7011	08246	07010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7012	08247	07011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	S55700	94.2	275	1	1297	1589
7013	08248	07012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7014	08249	07013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	L20298	94.9	214	1	2615	2851
7015	08250	07014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0						
7016	08251	07015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7017	08252	07016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7018	08253	07017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7019	08254	07018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7020	08255	07019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7021	08256	07020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7022	08257	07021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7023	08258	07022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7024	08259	07023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7025	08260	07024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7026	08261	07025	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7027	08262	07026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7028	08263	07027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7029	08264	07028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7030	08265	07029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7031	08266	07030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7032	08267	07031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7033	08268	07032	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7034	08269	07033	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	D00860	96	101	1	1974	2075
7035	08270	07034	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7036	08271	07035	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7037	08272	07036	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7038	08273	07037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7039	08274	07038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7040	08275	07039	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7041	08276	07040	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表196

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7042	08277	07041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7043	08278	07042	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0						
7044	08279	07043	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0						
7045	08280	07044	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7046	08281	07045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M57892	97.1	172	1	1145	1316
7047	08282	07046	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7048	08283	07047	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7049	08284	07048	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7050	08285	07049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7051	08286	07050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7052	08287	07051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X03918	94.3	123	1	2268	2760
7053	08288	07052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7054	08289	07053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7055	08290	07054	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7056	08291	07055	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7057	08292	07056	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7058	08293	07057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	K03195	95.4	153	1	2704	2856
7059	08294	07058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7060	08295	07059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7061	08296	07060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7062	08297	07061	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	L19783	100	18	1	1152	1394
7063	08298	07062	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7064	08299	07063	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7065	08300	07064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7066	08301	07065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7067	08302	07066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7068	08303	07067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7069	08304	07068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7070	08305	07069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7071	08306	07070	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7072	08307	07071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7073	08308	07072	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7074	08309	07073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7075	08310	07074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7076	08311	07075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7077	08312	07076	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表197

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7078	08313	07077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7079	08314	07078	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	M96067	94.8	328	1	2147	2472
7080	08315	07079	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7081	08316	07080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7082	08317	07081	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7083	08318	07082	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M60626	99.4	310	1	1290	1866
7084	08319	07083	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7085	08320	07084	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7086	08321	07085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7087	08322	07086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7088	08323	07087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7089	08324	07088	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7090	08325	07089	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
7091	08326	07090	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7092	08327	07091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7093	08328	07092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7094	08329	07093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7095	08330	07094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7096	08331	07095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7097	08332	07096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7098	08333	07097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7099	08334	07098	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7100	08335	07099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7101	08336	07100	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	X17042	97.3	296	1	344	1182
7102	08337	07101	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M81637	93.9	295	1	1293	1652
7103	08338	07102	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
7104	08339	07103	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	M17017	93.2	413	1	874	1639
7105	08340	07104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7106	08341	07105	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7107	08342	07106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M21130	100	297	1	34	448
7108	08343	07107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7109	08344	07108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7110	08345	07109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7111	08346	07110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7112	08347	07111	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0						
7113	08348	07112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表198

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7114	08349	07113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X17519	98.4	306	1	1624	2323
7115	08350	07114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7116	08351	07115	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7117	08352	07116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7118	08353	07117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7119	08354	07118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7120	08355	07119	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M62505	97.1	204	1	2110	2328
7121	08356	07120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7122	08357	07121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7123	08358	07122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7124	08359	07123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7125	08360	07124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7126	08361	07125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7127	08362	07126	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	X55720	100	85	1	2450	2546
7128	08363	07127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7129	08364	07128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7130	08365	07129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7131	08366	07130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L14076	95.8	337	1	1507	2076
7132	08367	07131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7133	08368	07132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7134	08369	07133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7135	08371	07134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7136	08372	07135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7137	08373	07136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7138	08374	07137	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7139	08375	07138	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	M69043	99.3	301	1	1250	1550
7140	08376	07139	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7141	08377	07140	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7142	08378	07141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7143	08379	07142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7144	08380	07143	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7145	08381	07144	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7146	08382	07145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7147	08383	07146	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	U00115	97.2	180	1	3034	3536
7148	08384	07147	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
7149	08385	07148	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表199

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7150	08386	07149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7151	08387	07150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
7152	08388	07151	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7153	08389	07152	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	1	0						
7154	08390	07153	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7155	08391	07154	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7156	08392	07155	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7157	08393	07156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X71427	95.5	292	1	934	1678
7158	08394	07157	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7159	08395	07158	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
7160	08396	07159	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	X75304	98.9	90	1	####	10300
7161	08397	07160	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7162	08398	07161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7163	08399	07162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7164	08400	07163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L08238	96.7	123	1	2681	2805
7165	08402	07164	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7166	08403	07165	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7167	08404	07166	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7168	08405	07167	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7169	08406	07168	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7170	08407	07169	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7171	08408	07170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7172	08409	07171	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7173	08410	07172	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7174	08411	07173	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7175	08412	07174	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7176	08413	07175	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7177	08414	07176	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7178	08415	07177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7179	08416	07178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7180	08417	07179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7181	08418	07180	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M84721	99.4	345	1	3260	3680
7182	08419	07181	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7183	08420	07182	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7184	08421	07183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7185	08422	07184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表200

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7186	08423	07185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7187	08424	07186	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
7188	08425	07187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7189	08426	07188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7190	08427	07189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7191	08428	07190	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7192	08429	07191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7193	08430	07192	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7194	08431	07193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7195	08432	07194	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7196	08434	07195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7197	08435	07196	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7198	08436	07197	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7199	08437	07198	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7200	08438	07199	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
7201	08439	07200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7202	08440	07201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7203	08441	07202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7204	08442	07203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7205	08443	07204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7206	08444	07205	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7207	08445	07206	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7208	08446	07207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7209	08447	07208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7210	08448	07209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7211	08449	07210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7212	08450	07211	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7213	08451	07212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7214	08452	07213	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7215	08453	07214	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7216	08454	07215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L24122	99.4	161	1	1342	1502
7217	08455	07216	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7218	08456	07217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7219	08457	07218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7220	08458	07219	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7221	08459	07220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表201

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7222	08460	07221	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7223	08461	07222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7224	08462	07223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7225	08463	07224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7226	08464	07225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7227	08465	07226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7228	08466	07227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7229	08467	07228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7230	08468	07229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7231	08469	07230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7232	08470	07231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7233	08471	07232	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7234	08472	07233	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7235	08473	07234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7236	08474	07235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7237	08475	07236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7238	08476	07237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7239	08477	07238	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7240	08478	07239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7241	08479	07240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7242	08480	07241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7243	08481	07242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7244	08482	07243	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7245	08483	07244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7246	08484	07245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7247	08485	07246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7248	08486	07247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7249	08487	07248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7250	08488	07249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7251	08489	07250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7252	08490	07251	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7253	08491	07252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7254	08492	07253	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7255	08493	07254	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7256	08494	07255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7257	08495	07256	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表202

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7258	08496	07257	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7259	08497	07258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7260	08498	07259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7261	08499	07260	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7262	08500	07261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7263	08501	07262	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	S48568	99	302	1	753	1062
7264	08502	07263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7265	08503	07264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7266	08504	07265	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M98252	96.2	445	1	2200	2939
7267	08505	07266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7268	08506	07267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7269	08507	07268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7270	08508	07269	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7271	08509	07270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7272	08510	07271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7273	08511	07272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7274	08512	07273	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7275	08513	07274	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0						
7276	08514	07275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7277	08515	07276	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7278	08516	07277	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7279	08517	07278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7280	08518	07279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7281	08519	07280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7282	08520	07281	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7283	08521	07282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7284	08522	07283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7285	08523	07284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7286	08524	07285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	J03143	94.6	112	1	1595	2064
7287	08525	07286	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7288	08526	07287	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7289	08527	07288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	D13638	91.8	61	1	3809	5167
7290	08528	07289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7291	08529	07290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7292	08530	07291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7293	08531	07292	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表203

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7294	08532	07293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7295	08533	07294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7296	08534	07295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7297	08535	07296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7298	08536	07297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7299	08537	07298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7300	08538	07299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7301	08539	07300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7302	08540	07301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7303	08541	07302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7304	08542	07303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7305	08543	07304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7306	08544	07305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7307	08545	07306	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7308	08546	07307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L06633	95.2	310	1	1124	1724
7309	08547	07308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7310	08548	07309	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
7311	08549	07310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7312	08550	07311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7313	08551	07312	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7314	08552	07313	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7315	08553	07314	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M90696	99.5	208	1	1524	1784
7316	08554	07315	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7317	08555	07316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7318	08556	07317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7319	08557	07318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7320	08558	07319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7321	08559	07320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7322	08560	07321	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7323	08561	07322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7324	08563	07323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	J03619	98.3	357	1	1932	2295
7325	08564	07324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7326	08565	07325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7327	08566	07326	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7328	08567	07327	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7329	08568	07328	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7330	08569	07329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7331	08570	07330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7332	08571	07331	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7333	08572	07332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7334	08573	07333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7335	08574	07334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7336	08575	07335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7337	08576	07336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7338	08577	07337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7339	08578	07338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7340	08579	07339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7341	08580	07340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7342	08581	07341	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7343	08582	07342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7344	08583	07343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7345	08584	07344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7346	08585	07345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7347	08586	07346	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7348	08587	07347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7349	08588	07348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7350	08589	07349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7351	08591	07350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7352	08592	07351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	J03779	96.3	375	1	4622	5508
7353	08593	07352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7354	08594	07353	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7355	08595	07354	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7356	08596	07355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7357	08597	07356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7358	08598	07357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7359	08599	07358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7360	08600	07359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X58957	95.7	161	225	1755	2560
7361	08601	07360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7362	08602	07361	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7363	08603	07362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7364	08604	07363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7365	08605	07364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表205

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7366	08606	07365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7367	08607	07366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7368	08608	07367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7369	08609	07368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7370	08610	07369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7371	08611	07370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7372	08612	07371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7373	08613	07372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7374	08614	07373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7375	08615	07374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7376	08616	07375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7377	08617	07376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7378	08618	07377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7379	08619	07378	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7380	08620	07379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7381	08621	07380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7382	08622	07381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M29064	94	402	1	838	1760
7383	08623	07382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7384	08624	07383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7385	08625	07384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7386	08626	07385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7387	08627	07386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7388	08628	07387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7389	08629	07388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7390	08630	07389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7391	08631	07390	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7392	08632	07391	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7393	08633	07392	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7394	08634	07393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7395	08635	07394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7396	08636	07395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7397	08637	07396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7398	08638	07397	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M60627	95.1	286	1	997	1281
7399	08639	07398	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7400	08640	07399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7401	08641	07400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表206

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7402	08642	07401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7403	08643	07402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	D16626	99.7	321	1	2765	3085
7404	08644	07403	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7405	08645	07404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7406	08646	07405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7407	08647	07406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7408	08648	07407	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7409	08649	07408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7410	08650	07409	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7411	08651	07410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7412	08652	07411	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7413	08653	07412	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7414	08654	07413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7415	08655	07414	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7416	08656	07415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7417	08657	07416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7418	08658	07417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7419	08659	07418	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7420	08660	07419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7421	08661	07420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7422	08662	07421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7423	08663	07422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X52151	99.3	134	1	1868	2022
7424	08664	07423	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7425	08665	07424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7426	08666	07425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7427	08667	07426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X59834	97.6	248	1	1124	2727
7428	08668	07427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7429	08669	07428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7430	08670	07429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7431	08671	07430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7432	08673	07431	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7433	08674	07432	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	M93056	94.3	353	1	955	1316
7434	08675	07433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7435	08676	07434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7436	08677	07435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7437	08678	07436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						

表207

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7438	08679	07437	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	L02426	98.6	360	1	1209	1599
7439	08680	07438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	J03571	94.7	266	1	2220	2484
7440	08681	07439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7441	08682	07440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7442	08683	07441	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7443	08684	07442	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1						
7444	08685	07443	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7445	08686	07444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7446	08687	07445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7447	08688	07446	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0						
7448	08689	07447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7449	08690	07448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7450	08691	07449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7451	08692	07450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7452	08693	07451	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7453	08694	07452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7454	08695	07453	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7455	08696	07454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7456	08697	07455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7457	08698	07456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7458	08699	07457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7459	08700	07458	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7460	08701	07459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7461	08702	07460	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	L24804	100	79	1	704	782
7462	08703	07461	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0						
7463	08704	07462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7464	08705	07463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7465	08706	07464	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7466	08707	07465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7467	08708	07466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7468	08709	07467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7469	08710	07468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M61831	96.3	405	8	1798	2211
7470	08711	07469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7471	08712	07470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7472	08713	07471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7473	08714	07472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表208

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7474	08715	07473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7475	08716	07474	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7476	08717	07475	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7477	08718	07476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7478	08719	07477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7479	08720	07478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7480	08721	07479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7481	08722	07480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7482	08723	07481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7483	08724	07482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7484	08725	07483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7485	08726	07484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7486	08727	07485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7487	08728	07486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7488	08729	07487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7489	08730	07488	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7490	08731	07489	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
7491	08732	07490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7492	08733	07491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7493	08734	07492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7494	08735	07493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7495	08736	07494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7496	08737	07495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7497	08738	07496	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7498	08739	07497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7499	08740	07498	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7500	08741	07499	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7501	08742	07500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7502	08743	07501	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7503	08744	07502	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7504	08745	07503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7505	08746	07504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7506	08747	07505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7507	08748	07506	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	M32886	97.3	335	1	471	952
7508	08749	07507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X63547	91.7	338	1	5220	8201
7509	08750	07508	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	X70649	94	336	1	1501	2399

表209

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7510	08751	07509	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7511	08752	07510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7512	08753	07511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7513	08754	07512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7514	08755	07513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7515	08756	07514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7516	08757	07515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7517	08758	07516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7518	08759	07517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D00760	97.5	326	1	541	866
7519	08760	07518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7520	08761	07519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7521	08762	07520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7522	08763	07521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7523	08764	07522	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7524	08765	07523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7525	08766	07524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7526	08768	07525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7527	08769	07526	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M77836	99	303	1	1491	1792
7528	08770	07527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7529	08771	07528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7530	08772	07529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7531	08773	07530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M27937	98.7	311	1	326	832
7532	08774	07531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7533	08775	07532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7534	08777	07533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7535	08778	07534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7536	08779	07535	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7537	08780	07536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7538	08781	07537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7539	08782	07538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7540	08783	07539	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7541	08785	07540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7542	08786	07541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7543	08787	07542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M87339	90.3	298	1	1051	1446
7544	08788	07543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7545	08789	07544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表210

I	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7546	08790	07545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7547	08791	07546	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7548	08792	07547	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7549	08793	07548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7550	08794	07549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7551	08795	07550	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7552	08796	07551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0						
7553	08797	07552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7554	08798	07553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7555	08799	07554	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7556	08800	07555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7557	08801	07556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7558	08802	07557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7559	08803	07558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7560	08804	07559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7561	08805	07560	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7562	08807	07561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7563	08808	07562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7564	08809	07563	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7565	08810	07564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7566	08811	07565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7567	08812	07566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7568	08813	07567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7569	08814	07568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7570	08815	07569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7571	08816	07570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7572	08817	07571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7573	08818	07572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7574	08819	07573	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7575	08820	07574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7576	08821	07575	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7577	08822	07576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7578	08823	07577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7579	08824	07578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7580	08825	07579	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7581	08826	07580	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表211

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7582	08827	07581	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7583	08828	07582	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7584	08829	07583	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7585	08830	07584	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7586	08831	07585	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0						
7587	08832	07586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7588	08833	07587	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7589	08834	07588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7590	08835	07589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7591	08836	07590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7592	08837	07591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7593	08838	07592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7594	08839	07593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7595	08840	07594	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7596	08841	07595	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7597	08842	07596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7598	08843	07597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7599	08844	07598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7600	08845	07599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7601	08846	07600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7602	08848	07601	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7603	08849	07602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7604	08850	07603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7605	08851	07604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7606	08852	07605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7607	08853	07606	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7608	08854	07607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7609	08855	07608	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7610	08856	07609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7611	08857	07610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7612	08858	07611	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7613	08859	07612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7614	08860	07613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7615	08861	07614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7616	08862	07615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7617	08863	07616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表212

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7618	08864	07617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X68742	94.1	101	1	263	3453
7619	08865	07618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7620	08866	07619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7621	08867	07620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7622	08868	07621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7623	08869	07622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7624	08870	07623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1						
7625	08871	07624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M23613	94.8	290	83	966	1296
7626	08872	07625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7627	08873	07626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7628	08874	07627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7629	08875	07628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7630	08876	07629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7631	08877	07630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7632	08878	07631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7633	08879	07632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7634	08880	07633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7635	08881	07634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7636	08882	07635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7637	08883	07636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7638	08884	07637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7639	08885	07638	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
7640	08886	07639	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0						
7641	08887	07640	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7642	08888	07641	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7643	08889	07642	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7644	08890	07643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7645	08891	07644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7646	08892	07645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7647	08893	07646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7648	08894	07647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M55409	100	79	1	1067	1155
7649	08895	07648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7650	08896	07649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7651	08897	07650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7652	08898	07651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7653	08899	07652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D11466	97.1	275	1	3253	3589

表213

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7654	08900	07653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7655	08901	07654	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7656	08902	07655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7657	08903	07656	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7658	08904	07657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7659	08905	07658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7660	08906	07659	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7661	08908	07660	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7662	08909	07661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7663	08910	07662	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7664	08912	07663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7665	08913	07664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7666	08914	07665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M84810	97.2	71	1	2201	2284
7667	08915	07666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7668	08916	07667	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7669	08917	07668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7670	08919	07669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7671	08920	07670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7672	08921	07671	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7673	08922	07672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X69910	99.6	236	1	1840	2910
7674	08923	07673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7675	08924	07674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7676	08925	07675	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7677	08926	07676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7678	08927	07677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7679	08928	07678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7680	08929	07679	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7681	08930	07680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7682	08931	07681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7683	08932	07682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7684	08933	07683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7685	08934	07684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7686	08935	07685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7687	08936	07686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7688	08937	07687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7689	08938	07688	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7690	08939	07689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7691	08940	07690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7692	08941	07691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7693	08942	07692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7694	08943	07693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7695	08944	07694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7696	08945	07695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7697	08946	07696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7698	08947	07697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7699	08948	07698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7700	08949	07699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7701	08950	07700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7702	08951	07701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7703	08952	07702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	K02581	98.7	78	1	1344	1421
7704	08953	07703	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7705	08954	07704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7706	08955	07705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7707	08956	07706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7708	08957	07707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7709	08958	07708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7710	08959	07709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7711	08960	07710	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7712	08961	07711	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7713	08962	07712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7714	08963	07713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7715	08964	07714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7716	08965	07715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7717	08966	07716	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7718	08967	07717	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7719	08968	07718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7720	08969	07719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X70649	97.7	347	1	973	2399
7721	08970	07720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7722	08971	07721	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7723	08972	07722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7724	08973	07723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D13315	94	266	1	731	1993
7725	08974	07724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表215

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7726	08975	07725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7727	08976	07726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7728	08977	07727	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7729	08978	07728	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7730	08979	07729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7731	08980	07730	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7732	08981	07731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7733	08982	07732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7734	08983	07733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7735	08984	07734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7736	08985	07735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7737	08986	07736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D14695	95.5	359	1	1316	1860
7738	08987	07737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7739	08988	07738	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7740	08989	07739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7741	08990	07740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7742	08991	07741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7743	08992	07742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7744	08993	07743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7745	08994	07744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7746	08995	07745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7747	08996	07746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7748	08997	07747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X54941	98	152	1	566	717
7749	08998	07748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7750	08999	07749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7751	09000	07750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7752	09001	07751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7753	09002	07752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7754	09003	07753	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7755	09004	07754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7756	09005	07755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7757	09006	07756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7758	09007	07757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7759	09008	07758	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7760	09009	07759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M25756	98.4	306	1	1824	2336
7761	09010	07760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表216

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7762	09011	07761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7763	09012	07762	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7764	09013	07763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7765	09014	07764	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7766	09015	07765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7767	09016	07766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7768	09017	07767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7769	09018	07768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7770	09019	07769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	J03191	98.6	69	4	725	793
7771	09020	07770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7772	09021	07771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7773	09022	07772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7774	09023	07773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7775	09024	07774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7776	09025	07775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7777	09026	07776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7778	09027	07777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X57348	91.5	199	3	1219	1450
7779	09028	07778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7780	09029	07779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7781	09030	07780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7782	09031	07781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M24069	95.1	265	56	989	1568
7783	09032	07782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7784	09033	07783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7785	09034	07784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7786	09035	07785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7787	09036	07786	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7788	09037	07787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7789	09038	07788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7790	09039	07789	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	M21302	93	256	1	423	683
7791	09040	07790	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	X66029	100	123	1	1555	1681
7792	09041	07791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7793	09042	07792	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7794	09043	07793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7795	09044	07794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7796	09045	07795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7797	09046	07796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

表217

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7798	09047	07797	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M60047	95	261	1	103	1163
7799	09048	07798	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7800	09049	07799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7801	09050	07800	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3						
7802	09051	07801	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	J00269	94.6	351	1	1268	1617
7803	09052	07802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7804	09053	07803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7805	09054	07804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7806	09055	07805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7807	09056	07806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M93150	98.8	169	1	1576	2360
7808	09057	07807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7809	09058	07808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7810	09059	07809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7811	09060	07810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7812	09061	07811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7813	09062	07812	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04790	98.5	326	1	2116	2458
7814	09063	07813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7815	09064	07814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7816	09065	07815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7817	09066	07816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7818	09067	07817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7819	09068	07818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7820	09069	07819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7821	09070	07820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7822	09071	07821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7823	09072	07822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7824	09073	07823	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3						
7825	09074	07824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7826	09075	07825	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7827	09076	07826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7828	09077	07827	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04098	93.2	325	1	1551	1918
7829	09078	07828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	D13638	91	78	1	3793	5167
7830	09079	07829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7831	09080	07830	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	J04605	97.6	123	1	1627	1888
7832	09081	07831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X02902	98.2	337	1	584	1181
7833	09082	07832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

表218

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7834	09083	07833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7835	09084	07834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7836	09085	07835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X56976	92	287	1	3066	3419
7837	09086	07836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7838	09087	07837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

配列番号：1
配列の長さ：704
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00001
配列：
GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTTCCAG GGCTTCCCAG AGGTCTGTGC GACTAGCCCG 60
TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT GAAGCACTAC AGGAGGAATG 120
CACCACGGCA GCTCTCCGCC AATTTCTCTC AGATTTCCAC AGAGACTGTT TGAATGTTTT 180
CAAAACCAAG TATCACACTT TAATGTACAT GGGCCGCACC ATAATGAGAT GTGAGCCTTG 240
TGCATGTGGG GGAGGAGGGA GAGAGATGTA CTTTTTAAAT CATGTTCCCC CTAAACATGG 300
CTGTTAACCC ACTTGCATGC AGAAACTTGG GATGTCACTT GCCTGACATT CACTTTCCAG 360
GAGAGGACCC TATCCCCAAA TGTGGAATTG ACTTGCCTAT GGCCAAGGTC CCTTGGNAAA 420
GGGAGCTTCA GTATTTGTGG GGGCNTCATA AAACCATGGN TTCAAGNCAA TCCAGCCTCA 480
TNGGGNNGGT CCTGGGNACA GTTTTTTGGT AAAGGCCCTT GGCCCAGNTG GGGGGAATGG 540
GCCTCCTTTT TAAGNTTTGG GNTGGAATNG TCTNGCAAAT TGGGGCTCCC ATTTCNCGGG 600
GGTTTGGGGG TTTTTTNGGG CCTTNCCNGG NNGGAAGGGN TGGGTTTGGG GGNTNGGTTN 660
CCNTTGGGNG GGCCTGGGGN TTTGATTTNA CCCGGGNCTT NGGN 704

配列番号：2
配列の長さ：659
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00002
配列：
GATCTTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGTT ACCTTTNTTC CCAAATTTCA 60
TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN ATTATNACCT TACAGAAGTT 120
TGAATTATCC GGTCGGGTTT TATTGTTTAA AATCATTTCT GCATCAGCTG CTGAAACAAC 180
AAATAGGAAT TGTTTTTATG GAGGCTTTGC ATAGATTCCC TGAGCAGGAT TTTAATCTTT 240
TNCTAACTGG ACTGGTTCAA ATGTTGTNCT CTTCTTTAAA GGGATGGCAA GATGTGGGCA 300
GTGATGTCAC TTAGGGCAGG GACAGGATAA GAGGGNTTAG GGAGAGAAGA TAGCAGGGCA 360
TGGCTGGGAA CCCAAGTCCA AGCATACCAA CACGGAGCAG GCTACTGTCA AGCTCCCCTC 420
GGAGGCGGNG CTGGTTCACA GCCAGCTGGC ACCAGNTTTT NTNGNGGAAG NCTTTTTCAA 480
ACAGTCTCAG GNAATCCAAT NTGCAAAGAC TTGCTTTNAG NAAAACCCAG NAGTTGAAAG 540
GCTCCCAAGN ATTTTAAGGG NACTTNCCAA AACGGGGCCC CNGGNNCCTT TTGGGTTTNG 600
GGGNTCAAAA CCCCGGAGGG GTTTGGGAAG NTTTTAATTG GNTTTAAAAN ATNNNTNTN 659

配列番号：3
配列の長さ：625
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00003
配列：
GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60

CAGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA GGTTTCATCT ATCAAATGTC 120
TCCTCTGACT TCCTTTTGAA ACTTACTGCT CTTCTGTTTT ATTTTGTTTT GTTTGAAGCT 180
CAGAGGGAGA TGGGCAATTG ACAGGGATGC AATCCAGGGT GGGATTTCTT GAGGAAGTTA 240
CAAATAAGCT TGTTACAACA TCAAGATAGA TGGAATTGGA AGGATGCTAC CAGGAGAGTA 300
CTTACATAGT GCTCAGGAGT TTCTCTTCTT AAAATGTTTA CTGCTGAAAG ATGAGCAGGA 360
CCAGGGCGTT ATAGGCAGAG CCCTAGCCGA GAAACCTGCT GGCCTCTGCC TGTTTTCATT 420
TCCCACTTTT GGTTGTTGTG GCATTACTTT CAGAATTTGC ACTTTCCTGC TTGTCATGAC 480
TTTTTTGGCA CACTTGCCAT GACGGGTGTT TCTGNGAACC ATGGAAGTTT TGCGGTAGTG 540
CCTCCAGGGG CAGGGGGNAA GGAGGNGGTG TANCTGCATT TNGTNCAAAT AAATCCNGCC 600
TATTGTTAAT NAACCAGTCT TTTGN 625

配列番号：4
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00004
配列：
GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTCGGTATC TGCTGTTCAC AGGTCTCCAC TGTAATCCGA 60
ATACTTTGCC AGTGCACTAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC ATTAGTGTGT TACTAAATGT 120
NAATTTTNTT TTGCGGAAAA TACAGTACCG TGTCTGANTT AATTATTAAT ATTNAAAATA 180
CTTCATTCCT TAACTCTCCC TCATTTGCTT TGCCCACAGC CTATTCAGTT CCTTTGTTTG 240
GCAGGNTTCT GCAAAA 256

配列番号：5
配列の長さ：616
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00005
配列：
GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60
CACCGAGGGA ACAACTCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAACT ACCACTTGCC AGCAACAAAA 120
GGAAGAGCTG CTCCCTGCAC AGGATATCAA AGCTCTGTTT GTGTCTGAGG AGGAGAAAAA 180
GCTGACTCGG AAGGAGGTCT ACATCAAGAA TGGGGATAAG AAAGGCAGCT GTGAGAGAGA 240
TGCTCAATAT GCCCCAGGCT ATGACAAAGT CAAGGACATC TCAGAGGTGG TCACCCCTCG 300
GTTCCTTTGT ACTGGAGGAG TGAGTCCCTA TGCTGACCCC AATACTTGCA GAGGTGATTC 360
TGGCGGCCCC TTGATAGTTC ACAAGAGAAG TCGTTTCATT CAAAGTTGGT GTAATCAGCT 420
GGGGGAGTAA GTGGGATGTN TGCAAAAACC AGAAGGCGGC AAAAGCAGGT ACCTGNTTCA 480
NGGCCCGAAC TTTCACATCA NCTNTTTCAA GGTNTTNCCT GGNTGAGGNG GAACNTCCAN 540
GTTGGGGGTT TTGGGTTTTT TTAAGGGGTT CNTGTTNGCA AGGGGGTTGG GNTTNNTTTA 600
NNCCTGTTNN GNACCN 616

配列番号：6
配列の長さ：615
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00006
配列：
GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTTAAGGTTG GTTACNNATA 60
ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATTAATT TCTGGGCAGT TTGTTCTCTG TATACAATTG 120
CAAATGATAA GCATTTTTGT GAGTGACCAC CTTTGCAATA TGTTTGTTAA TTNTTCATGT 180
TGGGTTCTTT CTGAAATGTA CATCTTTACA TAAAAACCTC ACATTCTACT TGATTTACAC 240
TTCCTAGTCT ACATTACATG TGGTTGAAGG TTTTATACAT TCTATATGCT TTTACTAAAT 300
ATACAAGATT TACTACTAGA AATTTGGAGA AAGAACACTA ACACATGTAC TTGTGATTTG 360
TTCATGTTAT ATTAAAACCT TGAGATTTGT GTATTTATGT AGGGGGGGGT ATTGNCCAGG 420
NCTGNTGGTT TTTTGCTCCN TGGGGCTATT NTAATAAANC NGGGGTATNG GGTTGNTGGC 480
CTNGGTTTGG GCCTAAANTT GGATATATNT GGGGTTCCTT NGNTTTTACC AAAATNGNTT 540
TTGGTTGGTA GGGTTNTTAT TGGACCCNNT CCTGGGCCTG GGATAATNTG GCNGNTTCCC 600
NGGANAAAAN NCCCN 615

配列番号：7
配列の長さ：608
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00007
配列：
GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60
TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA TTGATTGGCA ACCAGATTTA 120
TCTAAGTAGA ACTGAATTGG CTAGGAAAAA AGAAAAACTG CATGTTAATC ATTTTCCTAA 180
GCTGTCCTTT TGAGGCTTAG TCAGTTTATT GGGAAAATGT TTAGGATTAT TCCTTGCTAT 240
TAGTACTCAT TTTATGTATG TTACCCTTCA GTAAGTTCTC CCCATTTTAG TTTTCTAGGC 300
TGAAAGGATT CTTTTCTACA TTATACATGT GTGTTGTCAT ATTTGGCTTT TGCTATATAC 360
TTTACCTTCA TTGTTAAATT TTTGTATTGT ATAGTTNCTT TGGNGGTATC TTAAAACCCT 420
ATTTTTGAAA ACCAACCTTG GCTTTGNTAA NCATTTGGGC CGCTTGGGTA NGTCCGGACC 480
TNNCCTTTNC CCCNAGGGCC TGTCAGGAGN GCCGGNTTNN CCGGGGNGTT GGNCCCGNNG 540
CCTTCCCGAT TTTTNGGGGT TGGGTCCTTN GGTTNCCGGC NTCTGTANGG GGTNCNCCTT 600
TTNNNCCN 608

配列番号：8
配列の長さ：606
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00008
配列：
GATCGCTTCC TAGAAATAAG CAACACCTCT CCCAAAAAGC AGCCCACAAG GCAGGGGCCA 60
GCAGCCCAGC CATCACTCAT CTTTNAGGAA ATNAGTTGGT AGCCTCTGTG CACTGTTTGG 120
TGGCCACATC ANNGGTGATG TCCTGTTCAC ATACCTGCTT GTATTTAAAG CCCTCAGTCT 180
GTCCTGTTGT GTGGGGCGAA GTGATGGACT CTGCCAGGTG GACATGCTGT GGGTGGATGT 240
TCCCGGCGTG TGCCGGCCTG AATGGACAGG GGTCACTTCA CAAGCATGTC AGGGAAAATC 300
ACTGTCACAC AATTCCAATG GATTTTGTGC TCTTTTTGAA AAAAAAAAAT TCTTTAGCGT 360
AAACCATGNA TTTTTTTTCA ATGTAGNCCC TTGGGGANTG AANTGAAATT TTGGGCTTCT 420

TCANATNCGN AAAATNAAAT TTTTACCCCT GAGGGGGGGA GCCCCTTTCT GAAAGAAGGT 480
NTGGGCCAAA AGCCCTTTTA ATGNTTGCTG GCCNTTGNTG GTTTTNANNG TCCANTTTGC 540
TTGGGGCGAA NGCCGNNNTG ANAAAGGTGG GTTTCNCTGG NGGNTTTAAG GNGGTGGTTT 600
GNTTTN 606

配列番号：9
配列の長さ：606
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00009
配列：
GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAAAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTTAA 60
GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA CTTATGTATT GAGGAAAATT 120
TGAAGTTTAT TTTTTCGATG AATAAGGCTG TCAAATNATT TAGTATAGAT TAATGACATC 180
TTTTTTAGAA ATATTAAAGT GAGTATTCCT CATTATGTCA TCATTTCTGA TAATTAGAGT 240
GCTAATTTGA ATGTTAGATA ATGNTTCCAC ATCTATACCT ATTTCTTTCT AGGGCACTTC 300
TGACCCTGGG GCTTGGGGAT GGCCTTTAGG CACAAGTAGT GTCTGTGTTA AGTTCACTAA 360
ATGTGTATTT AATGAGAAAC ATTCCNATGT AAAAATGTGT GTATGTGAAC GTATGCNNAC 420
ATTGTTATTG TGCACCNGTA CATTGTGAAG AAGTAGTTTN GAAATTTTGT AANGCACAAC 480
CCTTAANGNG GTGTGGAGTT ATTAAANTGN TGTAGGCNCA AATGTAATGT TTAGCCTATA 540
AAAGGCCCTC CTATTGTCCN TNGGCAAGGC TTTGNCNCTT GNAANTAAAN CCCGTNTTTG 600
TTTAAA 606

配列番号：10
配列の長さ：606
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00010
配列：
GATCAGGGGA GACCCCAACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60
ATAATGTTCT GTCACGTGAA ATATTTAAGT ATATAGTATA TTTATACTCT AGAACATGCA 120
CATTTATATA TATATGTATA TGTATATATA TATAGTAACT ACTTTTTATA CTCCATACAT 180
AACTTGATAT AGGAAGCTGT TTATTTATTC ACTGTAAGTT TATTTTTTCT ACACAGTAAA 240
ACTTGTACTA TGTTAATACC TTGTCCTATG TCAATTTGTA TATCATGAAA CACTTCTCAT 300
CATATTGTAT GTAAGTAATT GCATTTCTGC TCTTCCAAAG CTCCTGCGTC TGTTTTTAAA 360
GAGCATGGAA AAATACTGCC TAGGAAAATG CAAAATGGAA ATAGGAGAGA GTAGGTTTTC 420
CAGCTTAGTT TTGAGGGGGG CCGGTTACCT TGTATATTCC CCCATTCACA TTTGGTGTCC 480
ATGTGTAGGG GAAGGTAAAG GGGTGGTTCC ATAATCAAGT TCCCCGTGGG GTGTNCCCCC 540
TGTTAAATGT CCCTGGTTTG GTGTTACCCG GGCTTTATGG GGNCCTTTCA TTATTTCCGG 600
TNGGGN 606

配列番号：11
配列の長さ：598
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00011
配列：
GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
GAAATAGAAG TAAAAAAGAA ACAACTCCAA AACCTAGAAG ATGCTTGTAA TGACATCATG 120
CTTGCAGATG ATGATTGCTT AATGATACCT TATCAAATTG GTGATGTCTT CATTAGCCAT 180
TCTCAAGAAG AAACGCAGAA ATGTTAGAAG AAGCAAAGAA AAATTTGCAA GAAGAAATTG 240
ACGCCTTAGA ATCCAGAGTG GAATCAATTC AGCGAGTGTT AGCANGATTT GAAAGTTCAG 300
TTGTATGCAA AATTCGGGAG CAACATAAAC CTTGAAGCTN GATGAAAGTT AAACATTTTA 360
TAATACTTTT TTTATTTGNT TTAATAANCT TGATTATTTG TTTAANATGG TAATTTTTCC 420
TTCTTCANAT GGCGNNGGGT NAGCAAANCT TTCTTTTTTT AAAAAATTTT CCANTTGTTT 480
AATGGGGAAC TTTGCCCNTT TTCCNCATGG CNTGNTNATT NATTTTNTNT TTTTAAAGGG 540
GGGCCAGTTT TCCCCCNNGG TTTTTTGNCT TNNCGGTTNT TNCAGGNNTN GGGGGTCN 598

配列番号：12
配列の長さ：597
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00012
配列：
GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTTGCGA GAGATGTTTG GTTTATATGG 60
TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAACTG AATGCCCGAC CCTTAGAAGT 120
TTTCATGTGT AGTGTGCTCA AAAGACAAGG TTACGGAGAA GGCTTCCGCT GGATGGCACA 180
GTACATTGAT TAACACAAAC TCACATTGGT TCCAGGTCTC AACGTTCAGG CTTACTCAGA 240
GATTTGATTG CTCAACATGC ATAACTTGAA TTCAATAGAC TTTTGCTNGG TTATAAAACA 300
GATGTTTTTT AGATTATTAA TATTAANTCA ACTTAATTTG ANTGNGAATT NGAAANCTGA 360
TTCAAGTAAG NTTTGAGTAT CACANTGTTA GCTTTCCTAA TTCCATAAAN GTACCTTGGG 420
TTTTTTNCAG NTTTATAAAT CTGGCCATCA NCCCCNGCGG CCTTTTNGTA AAGGGGCACC 480
TTTTCCNGCA GGCCATTTGG NAGCNCTTTT TTAACCACCT TGGGNTTTTT AACCCTTTTT 540
TNAAGGGNCN NCNTGGTTAA NTTTTTTNNT GGGCCTTTNC NGGGCCTGGT NTTTAAN 597

配列番号：13
配列の長さ：593
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00014
配列：
GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAATAA CTTTTCTAAA TGTAGTGCCT TTAAAGGAAA 60
AATGAACACA GGGAAGTGAC TTTGCTACAA ATAATGTTGC TGTGTTAAGT ATTCATATTA 120
AATACATGCC TTCTATATGG AACATGGCAG AAAGACTGAA AAATAACAGT AATTAATTGT 180
GTAATTCAGA ATTCATACCA ATCAGTGTTG AAACTCAAAC ATTGCAAAAG TGGGTGGCAA 240
TATTCAGTGC TTAACACTTT TCTAGCGTTG GTACATCTGA GAAATGAGTG CTCAGGTGGA 300
TTTTATCCTC GCAAGCATGT TGTTATAAGA ATTGTGGGTG TGCCTATCAT ACCANTTGTT 360
TTCTGTATCT TGAAAAAGTA TTCTCCACAT TTTANATGGT TTTATATTNG GGGATTCCTT 420
TAATGCCCCC TTGGNCAAAT TTATATATAT GGGCCCCATN GTTNCCNTTT NAATTTTTNG 480
GTTTTNGGGT GTAAGGGNCN TGCNCNTATG GTGGGGGCCT CCCAAAANTG GGANCANGNT 540

TTTNCCTNNG GACNCCCNNT TGGTTGTTNA GGGGGGCCAA TNTTTCNTNC CCN 593

配列番号：14
配列の長さ：574
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00015
配列：
GATCGTNCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AAACTCGGAG 60
CCTAGAGCAG CAGCTCAGCG CTTCTATGGG AAGCGGTCTC GAGCAGAAGC CCCACTGAAG 120
TGTCCCCTGG CAGACACCCA CATGAACTCT TCCGAGAAAC TCCAGTTCTA TAAAGAGAAA 180
GCCCCAGATT GCCATGGGCC AGTNTTGAAA CACGAAGCTA TCTCAAGCCA GGAGTCAAAG 240
AAGAGCAAGA AGAGACCTTT TGAGGAGTCA GAGACAGAAC AGAATAACTC TTCACAACCT 300
TCAAAGCAGA AATATGTATG TNTTGCTGTG GAAGACTGGG GACTTGTTAA ATTCCTATTG 360
ATTAAGTAGA TACAAGTTGA CCTTTCTCTG GCCCCCAGCT CTAGTGTTTG AGTAAAGGGA 420
GACTNAGGGT GGGTTTACTT TTTTNGGTTT GNATTTANCC TATTGGCATT TAGNCATAGG 480
TAAGGCGGTN TTTTCNNCCT TTTNTTGGNT TTGGGNGGGG GATTNTNTNN GGGGNNNNAA 540
AAAANTTNCC ANGGGNTTTT TCCAAANCAT NGGN 574

配列番号：15
配列の長さ：573
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00016
配列：
GATCAGCCCA GAGGAATGCT GAGAAATCAC CTGGAGGAGG GAGCAGAAAG AGAAGGTTTT 60
TAAGGAGGGG CTTCTGAATA CTTGGGAGAT ACGGAACGGA CCAAGGACCA CACTCCAGGG 120
TGCATTCGTT GCTCCCTGGG GCACCACTTC TGGATTACAG TGTGCCAGGT CCTTTGGAGG 180
CCCTACCCCT TCCCCATTCA TTGCCACCAG TGAGAAATNG GGGTGCCCCT GTGTAAAGAA 240
ACCTACCAAA GGTTTACATT TGCACCTTAG CCTCAATAGC TACGAACCCT AGAGAAGCAG 300
CTAGCTGGAG CTCATGTGCA ACTCCTGATT CTCAGGAGAA AGATGGATTT TAACCNAAAA 360
TTATGAGTNA GCTGTTAACT CTAAAATGTA CTTNGGGAGA TAGGGCCAAG NGAGAGGTCA 420
TGGGCCAACT TAAGTGTTAT CCNGTAGGAA AGNNCAGGTA NCACTGGNTT TNTTTTTNNA 480
GGGTTGCTNT TNCCTTNTNC TAAANGGATT TGNTANTTCC NTGGGGNTNG NATTTAAATT 540
GGGTTNTAAA AAGNTTNGAC GTGANAAAAA TTN 573

配列番号：16
配列の長さ：567
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00017
配列：
GATCAAAACA GTCTCACCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAAGAAA 60
AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTTAA GGAAGTGACA TGGAGNTAAT ATAAGTCACC 120
TGTGTTCACA TTCCACTGGC AAAAATTCAG TCACAGGAAT GTACTTAGCT GCAGAGGAGG 180

CTAGGATATG CCCTCCAAAA ACTCAGGGGG GATGTCCTAC TTGTAAAAGG AAGAAATGAA 240
AANTGGACAC TGAGAGGAAA TCAGCAGTCT CAGAGGTAAT ATACTTACAC AAGTTTTTTA 300
AAAACCATAA AATGATGCAG AATGAAGTTT CCACTCTATT CACCATCTAT CCAGTCCTCA 360
TGCCTCCCAN CANGNGGTAA ATNCTTTATT ATTGTGTCAT GGTATCTTTC CAGGGTTTTT 420
CTAAGCAATT TTGCAACNGN TTTTAATTAT GTATCCTNAT TTCCTACNTT ACCCCNTTTT 480
TGTCCATGNA NGGNANANTN TCCTGNGGNN TAACCTTCNT GTNTCTTTTT TTCCCCTNAT 540
ATTTTTTGGC GGTNCCNTNN NTTTGGN 567

配列番号：17
配列の長さ：552
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00018
配列：
GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60
CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC TGTNCTGTGT TGGTTTTACT 120
AAAAAACGCA ACAATCAGAT ACGGAAGACC TCTTATGCTC AGCACCAACA GGTCCGCCAA 180
ATCCGGAAGA AGATGATGGA AATCATGACC CGAGANNNGC AGACAAATGN CTTGAAAGAA 240
GTGGTCAATA AATTGATTCC AGACAGCATT GGAAAAGACA TAGAAAAGGC TTGCCAATCT 300
ATTTATCCTC TCCATGGNTG TCTTCGTTAG AAAAGTAAAA ATGCTGAAGA AGCCCAAGTT 360
TGAATTGGGA AAGCTCATGG AGCTTCATGG TGAAGGCAGT AGTTCTGGAA AAAGCCACTT 420
GGGGNCCGNG ACAGGTGCTT AAAGGTTGAA CCGNGCTNGA TTGGTTNTGA ACCCACCAGT 480
CCCAGGAATT CTTGTTTAAA GTTCCAGNCN TTCAATTAGT TGGCAAATTA AAAANGTGCT 540
TNTTTGNGGA AA 552

配列番号：18
配列の長さ：581
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00019
配列：
GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGGTGATGCT 60
GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG AGAGCTTCTC AGACTATCCA 120
CCTTTGGGTC GCTTTGCTGT TCGTGATATN AGACAGACAG TTGCGGTGGG TGTCATCAAA 180
GCAGTGGACA AGAAGGCTGC TGGAGCTGGC AAGGTCACCA AGTCTNCCCA GAAAGCTCAG 240
AAGGCTAAAT CGAATATTAT CCCTAATACC TGCCACCCCA CTCTTAATCA GTGGTGGAAG 300
AACGGGTCTC AGAACTGTTT GTTTCAATTG GCCATTTAAG TTTTAGTAGT AAAAGACTGG 360
TTTAATGATA ACAATGCATC GTAAAACCTT CANGAAGGGN AANGGAGGAA TGNTTTTGTG 420
GGCCCACTTT GGGTTTTNCT TTTTTNCGGT GTNGGCAGTT TTTAAGGTTN TTAAGTTTTT 480
TNAAAATNCA GGACCTTTTT TAANTGGNAA CCAACTTTGG CCCAAAAATT TTGTCACCAG 540
ATTTTTTNGG GCCCCNTTTA AAAANGTNTT NATTNGGGAA A 581

配列番号：19
配列の長さ：556
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00020
配列：
GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
AATGTATTTT AAACACATAT CGTTTCTTTT TCTTGGAAAA AAAGTTGATT AGGACCACAG 120
NNNNGGTTTA GAAAGGGTAA TATTTTGAAA TACTACAAGG TTTAGACAGT CCATGAAATC 180
GACCTGTTTA ATAATTTACC ATCCTGAAAG TCCAGAATTA AAATATGGAA GCAAGAACTA 240
TATAATTGAT TAGGATGCTT GGTAGGTTTT TTTCATTGTT CAAATATTCA TTGCACAGTG 300
GATTGTTTTG ATTAGTTAGT ATGCTTTTTT TTTAATTAAT TCAGTCTTCT GTTAATTTTT 360
AAGNTTTGGT TAGTGCCACA AGGAATTTNA CTTNTTGATT TGTATAATNG GAACCTGACC 420
TNGGGATTNG TAGCGGGGNT TTGAAGGGTG GGGACCTNCC CNCAAAATAA GGGGGAGGTT 480
TCCAAANNTT CCNCTGGCCG NCCNNNNATC CCAGGTAAAG GGGGTNGAAA TANTNNGGGN 540
NCCCCCCAGG GGAAAN 556

配列番号：20
配列の長さ：555
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00021
配列：
GATCTGGTAC GAGTGTGTGA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCCACC GAAAGAAGAA TCTTCAGTAC 120
TACGACATTT CTGCCAAAAG TAACTACAAC TTTGAAAAGC CCTTCCTCTG GCTTNCTAGG 180
AAGCTCATTG GAGACCCTAA CTTGGAATTT GTTGCCATGC CTGCTCTCGC CCCACCAGAA 240
GTTGTCATGG ACCCAGCTTT GGCAGCACAG TATGAGCACG ACTTAGAGGT TGCTCAGACA 300
ACTGCTCTCC CGGATGAGGA TGATGACCTG TGAGAATGAA GCTGGAGCCC AGCGTCAAGA 360
AGTCTAGTTT TATAGGGAAG TTGTCCTGTG ATGTCAGCGG TNCAGCGTGT GTNCCACNTC 420
ATTATTATCT AGCTAAGCGG ACATGTNTTC ATCTGTGGGN TCTTAAGGAG NTGAGTNGNN 480
TNGGNGTNAT NTGGANTTAA AAATAACTTC ATTNTTNGGC CNNATATTTA NGTNTTTTNG 540
CCCGNTTNNT CCCTN 555

配列番号：21
配列の長さ：544
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00023
配列：
GATCGATACA TGCAAATTTA ATGTAGTAAC TCACTTTTCC ATATATTTTN AATGTATATT 60
TCTATTTATG AATACCAATT TATAAAAAAT AATTACACAG AAAAAAATGG AATAGGAAAA 120
ATTATGCATC TAGCACATTT AAACTGTGCA AATATGAAAA TTTTTCGAGG ATTACATTTT 180
NTNNNTAGGC TGCATATTTT AACTGGCTTT AAAACTGTAA CACATCACAT AAAAGTACTT 240
TACCCGGTAT GTATTGCATT ATATCATTGC AATAATTATT GGAGTCTAGA TATCGAGCCA 300
TCCCAGGTGT TGGGCGGGGG GAGGGTTGTG GCAAGTTGTC TTTTCAATTT NGNGNGTTTT 360
CCTGTNGCTC CAGGGCAAGT ACCGGGTTGG AAAGCTGCCT GTAAGCGTTG GCACCTTCAT 420
AGNGTAGTGT TTNGGTGNCT TTTTTTNTCG GTTCTTGTAA ATTNGGTNCG GTNGGTGGTG 480

TTCAGATGNT TTTTTNCNCT NGTTCAGCAA CTTNCCCNNT NNCTTGTCTT GATAGGGNAC 540
NTCN 544

配列番号：22
配列の長さ：538
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00026
配列：
GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTCAC 60
TGGTATATTT GGTCACTCTT AGAACCTGTC CTTCACATAT GTTTTTTATG GGACCCATGA 120
ATGGTTAGCC TTTCTGTACT ATTGTAGAAG GAAATAAATA GGCGTAAAAA GACCATTGTA 180
GTAAATAAGT TCAAGGGGAA CTTGGGACCA GAAACCACTG GTATGTACAA AAAAGCTGGC 240
AATTTGAATA ACCTCAAGTT TGACAATAAT TTTTAAATTT GAACAGTTAT GATAAATTTC 300
AGTAGTTTTA TACACTAGAT GTGCCTAGAT GGTTCTCAAG GCTTATAGGA CTGGCTCACA 360
GTTCACCATT TCTAGTGGCT TTTCTTGCGT TTGGGTCTGG GGGGCTGGGG GCAATGGGCT 420
TTTTTCCTTG GGTTGCCAAT CGGTTTCTCT GGTTGGTCAG TTTCCAATCC TTNGGGGGGT 480
CNTTGTGNTN TTNNCNGCCC NGNNNGGTNN GTCCNGGGTG TTNGCCGGGN NCNTTTTN 538

配列番号：23
配列の長さ：535
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00028
配列：
GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA ACAATTTTNA GACACTGGAA 120
GAATGCAAGA NCATTTGTNA AGATGGTCCG AATGGTTTCC AGGTGGATAA TTATGGAACC 180
CAGCTCAATG CTGTGAATAA CTCCCTGACT CCGCAATCAA CCAAGGTTCC CAGCCTTTTT 240
GAATTTCACG GTCCCTCATG GTGTCTCACT CCAGCAGACA GAGGATTGTG TCGTGCCAAT 300
NNGAACAGAT TCTACTACAA TTCAGTCATT GGGAAATGCC GCCCATTTAA GTACAGTGGA 360
TGTGGGGGGA AATGAAAACA ATTTTACTTC CAAACAAGGA ATGTCTGAGG GGCATGTAAA 420
AAAGGGTTTC ATCCAAAGGA TTTCANAAGG GNGGCTNATT TAAAACCANA NGGAANNGGN 480
AGGAGGCNGG NNGTGAATTT GNNTTTTGGN GGAANTTTTT GNTTNAANNT TNTGN 535

配列番号：24
配列の長さ：528
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00029
配列：
GATCTACACT TGGATGGATG CAACTTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60
CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNCA ATCGTTTTTA CAGATGTTAA 120
AAGACCTGGC TATCGAGTTA AGGAGATTGG CAGCACCATG TCTGGCAGAA AGGGGACTGA 180
TGATTCCATG ACCCTGCAGT CGCAGAAGTT CCAGATAGGA GATTACTTGG ACATAGCAAT 240

TACCCTTCCA AATCGGGCAC CACCTCCTTC AGGGCGCATG AGACCATATT AAATTCTATT 300
TACTATTTGT TGAATTTATT TTTCCGTCAG TTATGTAAAA TAAACATACT CTNCCTTCCT 360
CCCCTGGATT TATTGCCATT TAAGGCTTTT AAAATTCTAA TCAANNTTTG TNANTGCAAT 420
CATCTGTTTN GGGNGTTNNG TTTTGGGATG TGCTTTTTGN NTGGNTTNCG GNTTAGNCTT 480
GGNTTGTTTT AATGGCCNTT CNNGTNANAT TTGGNGGNAA NGNGCTTN 528

配列番号：25
配列の長さ：528
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00030
配列：
GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATTATN GTTTTCAAAT 60
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA AATGAATATA TCAGTATTTA 120
GAAATAAATT GCAAAGGTGG GAATATATAC TTAAATAATT TGTCTTAAGT AAATTAGCAT 180
TTGGTAGTCT GANATGGTGA CAGATTACTT GTTAAAATTG TGAAANCTCT GTTGTGTCCT 240
CTCTNCCTAC ATTTGTCCCT GAGAGTNCTC CACGATTACT AGGTTCTTGA TTCCCTTATA 300
TGGCAATCAG GCAGAGGCGT TCCTTAAGCA TTAGAGAGTT CTGAAGCTTA AGATTTGTTT 360
TGGTTGGATG AANGTCCTTA GTACAGTTGA AAANCAGAGC ATTAAAGNCT ANTCANTTTG 420
TTTTGNCCTC ACCAGTCATT TTAAAATNNG TNGGAATNCT TNTTNNCTCA GTGCTTAAAN 480
NTTTCCNTTG TTTCAANCTG NNGGGGGTTN GGATTAAACC AGGCCNCN 528

配列番号：26
配列の長さ：527
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00031
配列：
GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA TGCACTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTCTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAANCAG CACTCANGTA 360
ATCCTAAAAT GGATTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGGCCCT GGNAANGTCN TATTGANTTT 420
ANANGGGCTT TCTTCNTTTC AGGAGTTTNG GTCAACGGTG GCAAATCCNT GGGGTNNTTA 480
ANTGGNNNGG TTNNTTAANT TNTGNTANTT TCNTNGGGGC CANAGGN 527

配列番号：27
配列の長さ：520
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00033
配列：
GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTTCTGT TGCCAAACTT TCCATTCAGA 60

GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT CATCTTAGGT AGAAAGGGCC 120
TGAATCTTCC ATTTTATATT CAAACCTCAT TGTTATTTGG CCTAAGTAAA AAGTCAGATT 180
TCATTTCCAT TTACCTGAGT TCGCTTTAAA GAGCTTTTCA AAGAGAGCTT TATAGACACC 240
CACAATTGTC CCCAATCTCT TCATGATGTT GCATTAATAG TTGTTTTTGT CCCTTTCTTG 300
GAAATGTTAA TGCCAAAGNT TGCCTGAACA TTNGGGCGGG TTTTCTTAAA TTTGAANGTN 360
TAAAANTTTT NTAANGGGGG AATTNCCAAA NGGGTATTTA AAAGGGTTNG TTTTAACCAG 420
GTATTGTNGT GGGGGGATGG TCCAATAATC CTCCNGGGGG AGGGCTTTCA AGGGAAATCC 480
CNTTTTNGGG GAAATAAAAA NNGGGTTAAA ANNNNTTTTN 520

配列番号：28
配列の長さ：514
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00034
配列：
GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
GGACGCCAAC ACCTTGGCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC AAGAGGAAGG AGCTGGAGCA 120
GGTGTGTAAC CCCATCATCA GCGGACTGTA CCAGGGTGCC GGTGGTCCCG GGCCTGGGGG 180
CTTCGGGGCT CAGGGTCCCA AGGNAGGGTC TGGGTCAGGC CCCACCATTG AGGAGGTAGA 240
TTAGGGGCCT TTCCAAGATT GCTGTTTTTN TTTTGGAGCT TCAAGACTTT GCATTTCCTA 300
GTATTTCTGT TTGTNAGTTC TCAATTTCCT GTGTTTGCAA TGTTGAAATT TTTTGGTGGA 360
AGTACTGAAC TTGCTTTTTT TCCGGTTTCT ACATGCAAGA GATGAATTTA TACTGCCATC 420
TTACCGGCTA TTTCTTCTTT TTTAATTCCA CTTAACTCAG GCCATTTTTT AAAGTTGGGT 480
ACTTGCAAAG TAAAATAAAC TTTAAAAATT CAAA 514

配列番号：29
配列の長さ：513
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00036
配列：
GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAAC ATTTGCATAT 60
TCAGGAATGC ATGAGATTTC AAGAGAGCCT ACAGTATGAA ATCATTTTCA CAAAATAAGC 120
AGCTTGCTTC TGAAATGCTG TCTTTCCCAG TAGCTACTCA CCTGCCTCTG GTGGCTGGGA 180
TTCAGATGCC ACAAAACTGT CAGTATCTAT AGACCAGGTC TGTGCCACCT CCTCTCTCCT 240
CTGTGCTCAG TGAGGAGGCA GTAAATGAAG TTACAGGCTA GCACAATACC TAACTCATGT 300
TTCCCAGTAC ACCTGTTGGA TATTNNCTGT NCCTTTTAAT GGTTCTCAAG GGANTTAGGT 360
TNTTGNCCTG TTTCCAGNGG TTTCCAGGTT TTCTTTGGGT NCTTTTTNAA TTTTNAANTT 420
CCNAGGGGGG GGGNNTTTTG GGNAAGGGGG GGGCAAAGGG GNTTTTTTTT TTNTTGGGCC 480
NNGNTTTTTG GGGGGAAANC CTTTNNGGTN NCN 513

配列番号：30
配列の長さ：512
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00037
配列：
GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTCAT TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60
GATTTAGTTT TCATATCGTA TACATAGCTG TATAGATTTC AAAATNAGGT TGTTAATTTG 120
TGTCACTTAC TATTTTTGTG TTGGTAATGC TTTAAATGCA TACTTAAAAA TGAAGTACTG 180
TTATCTAAGC TACTGTGTTT AGAAAATGTT AAGAATGAGC AGAAATTTTT ATAGAAAAGT 240
ATAACCGGAA GANGAGAGAA GATACTGCGA ATAGGCCCTC AANCTTAAAA NAGAAAAACC 300
TTTGCCAGTT TTANGGACAT ATTTTGATTC TTTCNGTATT CTTAACACCT TTTTAAACAA 360
NGTTCTTGAT AGTACCCACT ATTATTGGGT TTGTTTTATG CCATTATTTG ATTCTTGGAT 420
ATTCAAGCAT TTNCAATGTG GCATATTTNG NTTTCCNNTN NCCTTNCNTT TTTTNGGNCN 480
NCNTTACCCT TTCCNTTGGA AAGNCANTTN GN 512

配列番号：31
配列の長さ：510
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00038
配列：
GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60
AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAACTG TGTAACTGCT CCAAGTGCCA GANTGCTTAC 120
ACGTTAAAGC AGCACCTTTC CATTTGCCCA CATATTCTTC TTGCACACCC CTTCCATTAC 180
TGCTGAATAG GACATTGCAT GGGAAGAGTA CAGAGGTGGC AGANTGANGC TAGAGTGGGC 240
AGGNCTAAAG ACTGAGCCCC AGAGTGCTCC CAGCAACCGC CACGTACANG GTCTGNAATG 300
NCANGGGCAN GNGTGAGATT GGAANCTGTG TGTGAANGGT AAGCCCTTGC AGTNTTTCTG 360
CCTCCCTTTC TTTCTGCCTT TCACCCCNCT TANTTGTNTG GTTNTTGGTT TGCCCGTTCT 420
TCTCTTGGTG GNTGCNCATT TGTTANATGG TGTTAGGGGT GTGGGGNTGA GGTTTTCCCC 480
TTTGATGTGG GNTTNTTCCN TTGGGTTTAN 510

配列番号：32
配列の長さ：507
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00039
配列：
GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CNCAGGCTCT 60
TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GGCTCAGCTC AGGGAGCTGA ATATTACGGC 120
AGCTAAGGAA ATTNAAGTTG GTGGTGGTCG GAAAGCTATC ATAATCTTTG TNCCCGTTCC 180
TCAACTGAAA TCTTTCCAGA AAATCCAAGT CCGGCTAGTA CGCGAATTGG AGAAAAAGTT 240
CAGTGGGAAG CATGTCGTCT TTATCGCTCA GAGGAGAATT CTGCCTAAGC CAACTCGAAA 300
AAGCCGTACA AAAAATAAGC AAAAGNGTCC CAGGAGCCGT ACTCTGACAG CTGTGCACGA 360
TGCCATCCTT GAGGGACTTG GTCTTTCCNA AGCGGAAATT NTNGGCAAGA GGANTCCNGN 420
GTCAAACTTT GNTTGGCANG NCGGGCTCAT AAANGGTTCA TTTTGGNNCA ANNGACNAGN 480
AGGNCCAATT NTGGGNCAAA NAGGNTN 507

配列番号：33

配列の長さ：508
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00040
配列：
GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTNGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC GAACAAAGCC ACACTTCTAA 120
CTGCTTCTGG CGAACTGATT TAATTTTNAA TTTTTTNCAA TAAAGATATT CTTAGATACT 180
GAAAGAAATA GTTAATGAGT TTNCATTTGT CCTTGAGAAA ATTTGGCTCA AGTCCATTTG 240
GCTGTAGTGT CAACGATGTT TCCAGTAGTG TTTAGGATTT GGTGTCTTCA AAGGTAGTTG 300
ATTAAACCAA GTGTGTCTTT AATATCTTGT ATCAGAATAA CTTTGTATGT TACCAACTTA 360
AATTGCTAGA ATAAGGGTAA ATTGGATACA CAACTGCTGA TTTTTAATTT AGGANCTTTG 420
ACCNNATTTT GGGGTTTTCA AANCCGTTTT TGGNTGCTNT GTATCCTTAT GCTGTTTGGT 480
TNATTTCCAN TAAAAANTTC ACNCGNGN 508

配列番号：34
配列の長さ：505
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00041
配列：
GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTTA AAGNNAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAAACAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GAAGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA ANTTATACTA 240
ACTTATTTAT GTTAAAAGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
TTTGTGCATT TGTAAATGCT GTGTTGGGTA GANTAGGTTT TCCCCTCTTT TGTTAAATAA 360
TATGGCTATG CTTAAANGGT TGCATACTGG GGCCAAGTAT AATTTTTNTG GTAATGTGTG 420
GNAAAGGATG NCCAGTTATT GGTTACCNCT TTANGNNATC CNNTAANGGG AACCTTCCCC 480
TNGGTTAAAA NCANGNNGTA NANNN 505

配列番号：35
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00042
配列：
GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAAT GTAAAANCCC TGCTAAATGA 60
AA 62

配列番号：36
配列の長さ：503
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00043

配列：
GATCGAAAGG CACTCCATGA GCTAAAACTG GAAGAGTGGA AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60
GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG ATGAACCTGA GAATGNTGCT 120
AAGAAAATTG AAGCACTGCT AAACCTTCCT AGAAACCCTT CAGTAATAGA TAAACAAGAC 180
AAGGACTGAA AGTGCTCTGA ACTTGAAACT CACTGGAGAG CTGAAGGGAG CTGCCATGTC 240
CGATGAATGC CAACAGACAG GCCACTCTTT GGTCAGCCTG CTGACAAATT TAAGTGCTGG 300
TACCTGTGGT GGCAGTGGCT TGCTCTTGTN TTNTTCTNGN CTNTTTAACT AAGAATGGGG 360
CTGTTGTACT CTCACTTTAC TNATCCNTAA ATNTAAATAC ATACTGATGN TTTGTATTAA 420
TCGNTCCAAT ATATGNNTAC ATGNANTATA TCNACNCNCC TTNGATNTTT AAGCANGTAA 480
ATAAAACCAT TNNGCAATGG AAA 503

配列番号：37
配列の長さ：497
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00044
配列：
GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60
GAAAATGGAA GCAATAAAGG CTAAACAAGC AGAAGCCATC AGTAAGAGAC AAGAGGAAAG 120
AAACAAAGCA TTTATTCCAC CTAAGGAAAA ACCAATTGTG AAACCTAAGG AAGCTTCTAC 180
TGAAACTAAA ATTGATGTGG CCAGCATCAA GGAAAAGGTT AAGAAAGCAA AGAATAAGAA 240
ACTGGGAGCT CTTACAGCTG AAGAAATTGC ACTTAAGATG GAGGCAGATG AAANGAAAAN 300
GANGAAAAAN NAGTANCATA CCCAAANCTC CTTGNCTNGG ACCTATCTCC TTTTTNGTAA 360
AGGGGTTTTT TGGGGTTTTC AGGCCTTTAG GTTNCCCTTT TTTTGNGGGA AANTTTTNTT 420
GGGGGGGTTT TTTNNCNTTT TTTNGGGGGG GGNGGGGGTT TTNNTCCTTG GGNGGGGTTT 480
TCTTTNNAAA AATTTTN 497

配列番号：38
配列の長さ：498
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00045
配列：
GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTTCTGCAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60
TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA TGAACTATTG ACCCATTGTT 120
CATTGAGACA GCAACATACG CACTCCTAAA TCAGTGTGTT TAGACTTTTC AAGTATCTAA 180
CTCATTTCCA AACATGTACC ATGTTTTATA AACCTCTTGA TTTCCAGCAA CATACTATAG 240
AAAACACCTG CTACTCAAAA CACAACTTCT CAGTGTCATC CATTGCTGTC GTGAGAGACA 300
ACATAGCAAT ATCTGGTATG TTTGCAAGCT TTCAAGATAG CCTGAACTTA AAANGTTGGT 360
GCATTAGTTG TATCTGATGG NTATAAATTT TGCCTCCTAG GTTCACTTTG GTGTCCAGGN 420
GCTAAACCTG TGGANCCTAA CTTTCCCCTN ATTGGGGGGG GAATAACCTG GAAAATAAAG 480
GGTTTTTTTC CAGGGNTN 498

配列番号：39
配列の長さ：494

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00046
配列：
GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60
TTCTAAGTGG TAAGAATGAC CTGTCACTAT AATATACTGT ATGTTTACAT TTNATTTAAA 120
TTTAATCTCT TATGTATAGG GTGATAACCT TCCCCAGAAA CAACAGTGAT TGCNATTGTT 180
TTCTAGAAAC TNCTTTAAAG TGCCACATTT GGCAGTACAA ATGAGTCTGA GTGTAATAGC 240
CCAGAGATTT ATATATAGTT GAATGTCTAA NATGGTAAAA TGTGCCACTG TGTCAAGTTA 300
CAGTGGCTTA TGTTTTTCAT AGTAATTCAN ATGANCTTCC TATTTTTGNT AGTAAATGGC 360
CATTTAATAG NATTCCTTGG CCATTTGAGG CTCACTGGCA AATTTTAGGT GCNGGGGGNG 420
GAANCCANTT TTTTANATGG NAATCCTTGG GTTTTTNCCN CCNTNNTNCC TGGNCCNTTC 480
CCCCAAAAAN CCTN 494

配列番号：40
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00047
配列：
GATCAGTTGA CAGTGGCAAT TAAACTGTAA ATAACTTGCC CTGGGGGCCT TTTTTTAAAA 60
AACAAAAACC ACAAAAATTC CCAAACCATA CTTGCTAAAA ATNCTGGTAA GTATGTGCTT 120
TTNTGTGGGG GTGGGATTTG GAAGGGGGGT TGGGTTGGGC TGGATATCTT TGTAGATGTG 180
GACCACCAAG GGGTTGTTGA AAACTAATTG TATTAAATGT CTTTTGATAA GCCTTCTGCT 240
CAAA 244

配列番号：41
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00048
配列：
GATCACTGTA AATGAACCTC CCTGTTGGCC GCTCTGTGGA TGANACTTTA AGACTAGTTC 60
AGGCCTTCCA GTTCACTGAC AAACATGGGG AAGTGTGCCC AGCTGGCTGG AAACCTGGCA 120
GTGATACCAT CAAGCCTGAT GTCCAAAAGA GCAAAGAATA TTTCTCCAAG CAGAAGTGAG 180
CGCTGGGCTG TTTTAGTGCC AGGCTGCGGT GGGCAGCCAT GAGAACAAAA CCTCTTCTGT 240
ATTTTTTTTT NCCATTAGTA AANCACAAGA CTTCAGATTC AAA 283

配列番号：42
配列の長さ：486
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00049
配列：
GATCAGTTTT CNTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60

TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTTCC TGTCTGTNCT CCCATCATCT GCCCTCCACC 120
ATCCATACCT ACGTTTGCAA CACTTCGTGT TTATAAGCCA TCAGCTGGAA ACAATTCCCT 180
CTATCGGGAC ACAGCAGTTT TTNAATGTTT GCCACAACAT GCGATGTTTG GAAATNATAC 240
AATTACCTGC ACGACACATG GAAATTGGAC TAANTTACCA GGAATGCAAG GGAAGTAAAA 300
TGCCCATTCC CATCAAGACC AGNCAATGGA TTTGTGGNAC TATCCTGCAA ANCCCAACAC 360
TNTNTTTCCA AAGGNTTAAA GGCCACATTT TGGGTTGGCC ATTGGTNGGG TTATTTNTCT 420
TGGGAGTTGG GCCCCGGANG GAANTTTGNN TNTGTTNCCN NAANCTTGGG GAACCCTTGG 480
GTTTNN 486

配列番号：43
配列の長さ：470
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00050
配列：
GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGGCGGGGC TGAGTAAATG 60
CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA ACAAGAAGAA ATATGAAATT 120
CCAGCAATAA GAAATGAACA AAAGATTGGA GCTGAAGACC TAAAGTGCTT GCTTTTTGCC 180
CGTTGACCAG ATAAATAGAA CTATCTGCAT TATCTATGCA GCATGGGGTT TTTATTATTT 240
TTACCTAAAG ACGTCTCTTT TTGGTAATAA CAAACGTGTT TTTTAAAAAA GCCTGNGTTT 300
TTCTCAATAC GCCTTTAAAG GTTTTTAAAT TGTTTCATAT CTGGTCAAGT TGAGATTTTT 360
AAGNCCTTCA TTTTTAATTT GTAATAAAAN GTTTACCACC TTGGATTTTT TCAANAAAGG 420
TCAACCAANC TGCAANGCAC CTGTTAATAA NGGGTCTTTA ANTAATTAAA 470

配列番号：44
配列の長さ：479
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00051
配列：
GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAANCAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GANGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA AATTATNCTA 240
ACTTATTTAT GTTAANNGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
TTTGTGCATT TGTAAATNCT GTGTTGGGTA GAATAGGTTT TCCCCTCTTT TTGTTAANTA 360
ATATGGCTAT NCTTTAANGG GTTGCNTACT GGGCCAGGTN TAATTTTTTG TAATGGNGTG 420
AAAGGGTGCC ATTTTTTTGT CNCACTTNGG GGGTCTCANT GGGGGGNTTC TNNCNGGGN 479

配列番号：45
配列の長さ：477
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00053
配列：

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTT TTTCTTATAG GCTTTATGCT CAAATGTCAT 120
AGTCTCCTTT CAAAGAATTG TGTTGCATTT TAAATGCACC CAGCTTAAGT AGAAGACATT 180
GAAGGATGCA TTAATTTTCA GGAACTATTT TGAATTATGA AAAGATTCCC AATTGAAAAA 240
NTTATTCAAC AAGTAAAAGC TAAGAAATTT CATTGAAATC ATAAGGCAGT TTAAGCATAA 300
NTTGATAAAA ATAGCTGTGT ACTACTAATT AATAGAAAAT CATTCAACCA AGAGANGAGT 360
CANGTGAATA TCGTTTGTTT ATTTGCTAGT GAGTTTCTTT GTAACGTTGG ATTTTATTAA 420
NTGGTTAATN TTTGGTTAGG TATGTCCTAT GTTANTNAAA ANTGGNCCAA NTTTAAA 477

配列番号：46
配列の長さ：476
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00055
配列：
GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60
CATCTAAGAG AGAGGTTAAT CACACTATAG AGGCATAAGT GGTATCAGTT TTCATTTTCN 120
TAATTGTTTA ANCTGTGTTT TATACCAGTN TTTGCAAGTA ATTGGGTGTT AGCTTGAGAT 180
GGTTAAAGGT GGTTTGGGGA GGGACTTCGT TGTAATGGTT TTCCTGTAAA ANATGTTTCC 240
AACTCCNCTG AAATGTTGCT GAAAAGCATG GTGCTGGTAA CAGTTCAACA ATCCCGTGGC 300
TGCTCATTCT TGGCCTACTT TTACTCTCCC ACTTGNNAGC AGGTTAGCGT TTGAAGGGTG 360
GTATGGGAAA AGCCTNGCAT TGCCTGGGCC AAATTCCTTT TGGGGTTCTN CTCCNTTCCC 420
CNCTTCNCCN TNTCCTTCCT TTCCCCCNTN ANGTCCNNCC NCTTNCNTTA GGTTTN 476

配列番号：47
配列の長さ：472
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00056
配列：
GATCAAATCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60
TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120
AACCTTATGG CCCTTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180
CTAAAGAAGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240
TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300
ATAATTTACC ACCCACTTAT CCACCTTTAA ACTTGGGGAA GGNNGCNTTT CAAATTAAAT 360
TTAATCNTNG GGGGNTTTTA AACTTTAACC CTTTTNCCNT TNTNGGGGTN GGNANTTGNC 420
CCCNTTAAAG GGGGNNCCCC TNCNNGGGGG AATAAAACAA NTTNNTTTTT TN 472

配列番号：48
配列の長さ：472
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00057
配列：

GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60
TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120
AACCTTATGG CCCNTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180
CTAAAGNNGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240
TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300
NTANTTTAGC AACCCAGTTA TCCNCNTTAA NNCTGNGGAG AGTGGTCTTT ACATCTTAAT 360
TTTATTCNTG TGGTGGTTNT TACCTTTAAC CCGGTTTCTT ATTTTTGGGT TTGTTATTGG 420
CCCTTTTTAG GGGTGGTCCC TNTTCCNGGT TGGNTTTCCC TTTTTTTGTG TN 472

配列番号：49
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00060
配列：
GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60
CGGCTGGGGC TGCGGGTGCT GGATTTAGGC AGCCCNNAAC TGGCCATGCA CTCTATCCGG 120
GAGATGGCCT GCACCACAGG AGTCCTCCAG ACCCTCACCC TCTTCAAGGG CTTCTTTGAG 180
CTGTTCCCTT CTCTAAGCCA TAATCTCTTA GTGGATTGAG CCCTCTTGGA AAGACTTCTC 240
TGCCATCCCT TTGCACCTGA GAGGGGAAGT TCTCAGCTGA GCTGAAGCTG GATTATTAAA 300
GTGGATTGTC ACTCAGAAA 319

配列番号：50
配列の長さ：461
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00061
配列：
GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTACG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTCAGAA 60
AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC TAAAAGGACT GATTTAACCC 120
AAGATGATTT CCACTTGAAA ATCTTAAAGG ATATTTTATG TGAATTTCTT TCTAATATTT 180
TTCAGGCATT AACAAAGGAG ACGGTGGCTC AGGGAGTAAA GGAAGGCCAG TTGAGCAAAC 240
AGAAGTGTTC CTCTGCATTT CAAAACCTTC TTCCTTTCTA TAGCCCTGTG GTGGAAGATT 300
TTATTGAAAA TCCTACGGTG AAGTTGATAA GGCGCTTTGC TGGATGGGCT TGGGATAAAA 360
ACCCTTTCCC AAGTTTTAAA GGGTTTCAGG TCTTTAAATC CCTGAAATTT TGGGATTTCT 420
TTCTTGTTCC AGGTTGTTTA AACCTTTTAT TTTTTCCTCC N 461

配列番号：51
配列の長さ：458
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00062
配列：
GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60
CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG CATGGAATCA CGCAGTCACC 120

TTGGGCATTT AGTTTACTAG AAATNCTTTA CCTTAAGCAG CACACACATT TACTACACAC 180
ACAGNCCTAA CAAAGCACTG TGCTTAGAGG GTAAAAAGGA ATCACAAAAC AAGAATCTTT 240
CCAAAGTTGT CTCATTCAGC AATGTTAAGG CATCTGTATC AAATTATTTT GGATGTAAAG 300
ATTCCTGTGT CTCATAATAT GAATGTATTT TTTGATATAC AAGGAAACTG GCCATAAAAA 360
TGGTGNGGNA ANCCGCCCNN TAATTTTNCC CCTGGGGCCC CAATTGGTNN NNTCNANTCT 420
NGGNTTNAGC NTTTGTCCTC AAATGGGATN CANTTNNN 458

配列番号：52
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00064
配列：
GATCTATCAC CCAAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60
AAACTGGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG TCCCTCATAG CACTGGTGAA 120
TNACCCCCAG CCTGAGCACC CGCTTCGGGC TGACCTAGCT GAAGAATACT CTAAGGACCG 180
TAAAAAATTC TGTAAGAATG CTGAAGAGTT TACAAAGAAA TATGGGGAAA AGCGACCTGT 240
GGACTAAAAT CTGCCACGAT TGGTTCCAGC AAGTGTGAGC AGAGACCCCG TGCAGTGCAT 300
TCAGACACCC CGCAAAGCAG GACTCTGTGG AAATTGGCAC GTGCCACCGN CTGGCGTTCG 360
NTTGTGGCAG TTACTAACTT TTCTACAGTT TTCTTAATCA AAAGTGGTCT TAGGTAANCC 420
TGTAAAGGNA AGGGGTTTAN NAATTTTANG GTTGGTCTN 459

配列番号：53
配列の長さ：458
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00065
配列：
GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60
TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA CGTTGGTATT CCCCGTCCAT 120
CTGGAGAAAA ATCTATACGA AANCAAGAGT GGACTGCAAT NATTCCAAAT NCCCAGCTAA 180
TTGTCATTCC ATACCCTCAC AATGTCCCTC GAAGTTGGAG TGCCAAACTG TATCTTACAC 240
CAAGTAATAT TGTNCTGCTT ACTGCTATAG CTCTCATCGG TGTCTGTGTT TTCAATCTTT 300
GGCAATAAAT TGGCATTTTA CCATTTGNCA GGGAAAAGGA AAGGCNGGTT GGNTTGGGGG 360
GAAAACCGGC CAAGGGANGG CCCCCCCGGG TTTTCNATTT TTGGNGGGNT TNTTGGGNNT 420
TTTGCCTTTT TAAANTTTTT CCNAANAAAN NGGGANTN 458

配列番号：54
配列の長さ：454
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00066
配列：
GATCAGTTNC GTGTCCGCNG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60
TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGGCAGC CTGAACCTGG AGTCTTATCT 120

CCCCCAGGAG CCGAAAGCAC TTTTCTTGAT TTCCCCCAGG AAATCAAGCG CTGCTTCTCA 180
GCTCCTGTGG TTTTAGTATT TATATATCTG TATCTTCTTT GTAGAAATTT ATTTATTTTT 240
GAATAAGAAT ACCTGCCTGG ACAAAATTTA AAAGGACGGG AGGGCGAANT GCAAGGGAAG 300
GCCTCTCCTA TGCCGNCCCA GAGNAGCACT GTACCAATTT CATGTGATTC CTTAACTCTG 360
TTTAAGGAAG CTCTGAAACT GTCATTTCCT TTGCAGATTG TTNTGAACCT GGAAACCCNG 420
AATTTATNGN TAANNCTCAN TTNCCACCNG GAAA 454

配列番号：55
配列の長さ：505
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00067
配列：
GATCGTTGGG GAACCCAGCC CCTTGGAACT TGGAAGACCC GTGTTTCCTG GACCGCGAAT 60
CAGTGTGTTG GGCATCAGTG TTTTCTGCAA GGGTTGTGAC CTGAAACTTT TTAAAAACCA 120
CCCACCTTTG GGGAAGCATT TCTGAATTTA TCCATCACCA ACCATTTCTT CTTGGATACC 180
ATCAAGTAAC AGCTATTATT TGCCAAGTGG AGCTGTCATT TAATTTGATG CACCTCTGGN 240
TTCAGATGAA ACATTAAATT GTCTTCCTCG ATTCTCCATC GGGTGTAGAG TTTTTAAACT 300
ATCANTGGCA TTTCAAGTCT TCTGANACAA CATGGCTGTA TGTGCGTGGT CCATAGCACA 360
GTACATGCAG CATCTAATAA GNGTTTCCAT TTGTAGAATT NTTTTCNNCA NACTTNTAGT 420
TAAANNCAAA ATTTTTTAAT TTGNAAANAA GNGNTGNGTT GGTTATTTNN GNTGTTNTTT 480
GTNTNTGGTT GNTNTGTTTA TTNTN 505

配列番号：56
配列の長さ：450
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00068
配列：
GATCAGAGAC TGGAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60
CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG ACTTGCTCGC TGTTACCTGC 120
TTCCCCAGTC TTTTCTGAAA AACTACAAAT TAGGGTGGGA AAAGCTCTGT ATTGAGAAGG 180
GTCATATTTG CTTTCTAGGA GGTTTGTTGT TTTGCCTGTT AGTTTTGAGG AGCAGGAAGC 240
TCATGGGGGC TTCTGTAGCC CCTCTCAAAA GGAGTCTTTA TTCTGAGAAT TTGAAGCTGA 300
AACCTCTTTA AATCTTCAGA ATGATTTTAT TGAAGAGGGC CGCAAGCCCC AAATGGAAAA 360
CTGTTTTTAG AAAATATGAT GATTTTTGAT TGCTTTTGTA TTTAATTCTG CAGGTGTTCA 420
AGTCTTAAAA AATAANGATT TNTANCAGGN 450

配列番号：57
配列の長さ：447
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00069
配列：
GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60

CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA CCCAACAAAG GTTGTGAGAN 120
CTGCTTTATT GGATGCTGCT GGTGTGGCCT CTCTGTTAAC TACAGCAGAA GTTGTAGTCA 180
CAGAAATTCC TAAAGANGAG AAGGACCCTG GAATGGGTGC AATGGGTGGA ATGGGAGGTG 240
GTATGGGAGG TGGCATGTNC TAACTCCTAG ACTAGTGCTT TACCTTTATT AATGANCTGT 300
GACAGGAAGC CCAAGGCAGT GTTCCTCACC AATAACTTCA GAGAANGTCA GTTGGAGAAA 360
AATGANGAAA AAGGGCTGGC TTGAAANTCA CTNTTAACCN NTTANGGTTG CTTGGGTTTC 420
ANGTTGGCCA NAGTTTTNNN TNNTGGN 447

配列番号：58
配列の長さ：445
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00070
配列：
GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GGGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60
CCCCACTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN CTGCCTACCC CCATCCTCAT 120
ATTTCTGTCT GTCCCAGCAC CTCAGGAGCA TTCTCATTGT GGCCGGCTAA CTCCGCCTGG 180
ATGTGAACAG GCAAGCACAG TGGGAAATNA GTCACGTACT TGTATTGCAC AGTGGACACC 240
TCTAGAGGTC CATTGGTTTA AAGGGATAGG GAAGGAGGAG GGATGAGACC ATCTCCCCCT 300
CCCAGGAAGT AAATCTAAGT ATCTAAGGTT TTCTTTATNG CCTTNGAGTC AAACTANTAA 360
CTGGCTAGTA CGGGAGGTGT NTGCTNGGTT TNTTTCGGGT GGTTTTTTCC TAATGNAATA 420
AACTTCATTT NTTGCNTGNT TGGNN 445

配列番号：59
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00071
配列：
GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60
ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT GTCCCGCAGC TCCTTCTGGC 120
TTAGATTGAA ACATGGGCTT CCTAATGGGT TAAATCCTTT AAAACAAGGA GTTGTGGGGG 180
AAGGGTGTCG TGCACTCCTA GAGAAAGGTA CACAGTTGCC CGGTTGGGAA TGTGCTTGGC 240
GCTGACCCTG CGGGCATCTG ACTGGTCTTC CAGCTCAGGA AAAAGAATTT GAAAGAGGCT 300
TAGCGTGAAG GGGAATCAAA GAGGAGGTTG TNATTTNGGT CGAAGGTGCC TTGGTTTAAG 360
TCCTNGTAAT TTGTNCTTAT TAATTTTTTT TNATATAATA TNATTTTNTT GGGGGGTAAA 420
CCATTTTTAA ATTAAACCAA CCATTTGTCT TNCTNGAAA 459

配列番号：60
配列の長さ：441
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00072
配列：
GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60

ACATAGCCAC CATTTTTTCC AAGCCTGGGC ATGGGTGGGG GGCCTTGTCT GCTGGCCACG 120
CAAGTTCACA TGCNATCTAC ATTAATATCA AGTCTTGACT CCCTACTTCC CGTCATTCCT 180
CACAGGACAG AAGCAGAGTG GGTGGTGGTT ATGTTTGACA GAAGGCATTA GGTTGACAAC 240
TTGTCATGAT TTTNACGGTA AGCCACCATG ATTGTTTTCT CTGGCCTCTG GGTTGACCTT 300
ACAAAAACCC ATTTGGAACT TGNNGACTTT GAAANGGTGC TCTTTGCTTA AGGCTTTNAT 360
ATNGNGCCTT GTTTAATTGG GANGGTCNCT TNAAAAGGCC NTTTCCTTTA NTTAANGGNG 420
GGGTTNTTAN GGNTGTAGAA A 441

配列番号：61
配列の長さ：436
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00073
配列：
GATCCGTCAC TCTTCCTTGT GGTAATCCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTTTAGTCA 60
TCTTTGTATG TCTTTAGCAG AGTTCTTGAC ATGTGGTAGG TGCTTAATAA ATNTTTGTTG 120
TTTATCAAAT TTTATGGTAG GGAGAGTAAG TCAGCATCGG TATAAAATCG CTTACTCCAC 180
GTAACTCTTC TTCTGATAGG GTTTGATTTT CTATTAGAAG CTCAATTTTA GTTTTTTTTC 240
ATATTATAAC TAAATATGTT TCCTGAGAGA TAAGAGAAAT AATGTTCCTA CAATAGTTGT 300
ATGTATCTAA GATAAGACAT ATAGATGCTT AAGACATTTT GTTTCACTTG CTATTCACTA 360
GTGTACTTGA ACCATGGTCA TTTTTAGCCC TTTTCCTAGG GACCATGCTT ATTTCTCAAT 420
AAGGAAATAC CTTCCN 436

配列番号：62
配列の長さ：434
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00074
配列：
GATCTTTTTC CATCCAGCAG TGGAGTTTAG TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60
TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCGTGGGC AAGGTGCCTG AATTCTCTAT ACACCTATTT 120
CCTCATCTGT AAAATGGCAA TAATAGTAAT AGTACCTAAT GTGTGGGGTT GTTATAAGCA 180
TTGAGTAAGA TAAATANTAT AAAGCACTTA GAACAGTGCC TGGANCATAA AAACACTTAN 240
TAATAGCTCA TAGCTAACAT TTCCTATTTA CANTTCTTCT AGAAATAGCC AGTATTTTGT 300
TGGAGTGCCT ACNATGTTAG TTCCTTNTAC TAGTTGCTTT ACATGGATTA TCTTNATATC 360
CTGTTTTAAA GNTTNTTCAC AGGTACCAGG TTTTCATGGA ATTTTCCTTT NANTAAANGG 420
GGAGGNNAAN GNTN 434

配列番号：63
配列の長さ：433
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00075
配列：
GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60

CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA GCATTTCTGT TAATTCATTC 120
AGAATCCATT CTTTACAATA TGCAGTGAGA TGGGCTTAAG TTTGGGCTAG AGTTTGACTT 180
TATGAAGGAG GTCATTGAAA AAGAGAACAG TGACGTAGGC AAATGTTTCA AGCACTTTAG 240
AAACAGTACT TTTCCTATAA TTAGTTGATA TACTAATGAG AAAATATACT AGCCTGGCCA 300
TGCCAATAAG GTTCCTGCTG TGTCTGGTTA GGCAGCATTN CTTTTGATGC AAATTTCCTA 360
TTGGNCCCTN TNTTNNTCCA AAAAGGTAAA TGNCTTNNAT TNCCCGGTTA AAAAATNNTT 420
CCCNGGNNAT TTN 433

配列番号：64
配列の長さ：432
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00076
配列：
GATCCTGGAG GTCTTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAAACAC CTTGGCTTGT 60
TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC TACCTATNAT CCTTCTACTT 120
GTCCAGTTCA AATAAGAAAT AAGGACAAGC CTAACTTCAT AGAAACCTCT CTATTTTTAA 180
TCAGTTGTTT AATAATTTAC AGGTTCTTAG GCTCCATCCT GTTTGTATGA AATTATAATC 240
TGTGGATTGG CCTTTAAGCC TGCATTCTTA ACAAACTCTT CAGTTAATTC TTAGATNCAC 300
TAAAANTCTG AGGAACTCTA CATGTAACTA TTTCTTCAGA GTTTGTCATA TACTGNTTGG 360
CATCTGAATG GCTACTCAGC ATTTGGTTAA CATTNGNGTA AATTTGGAAT AAANTTCCCC 420
AGTAAGCCAT TN 432

配列番号：65
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00077
配列：
GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTTGAAGCT 60
AAACCCATAT GCAAAGACCA TGCGCCGGAA CACCATTCTT CGCCAGGCCA GGAATCACAA 120
GCTCCGGGTG GATAAGGCAG CTGCTGCAGC ANCGGCACTA CAAGCCAAAT CAGATGAGAA 180
GGCGGCGGTT GCAGGCAAGA AGCCTGTGGT AGGTAAGAAA GGAAAGAAGG CTGCTGTTGG 240
TGTTAAGAAG CAGAAGAAGC CTCTGGTGGG AAAAAAGGCA GCAGCTACCA AGAAACCAGC 300
CCCTGAAAAG AAGCCTGCAG AGAAGAAACC TACTACAGAG GAGAAGAAGC CTGCTGCATA 360
AACTCTTAAA TTTGNTTATT CCATAAAGGT CAAATCATTT TGGNCAGCTT CTTTTTTGAA 420
TAAAAGNCCT GNTTTATACC AGGGCAGTGA GGAACCAAA 459

配列番号：66
配列の長さ：626
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00078
配列：
GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60

AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGTTTGGTAA CTTTNATGCC TTCACTTTAC 120
AAATTCANGC CTTAGATAAA AGAACCGAGC ANTTTTNTGC TAAAAAGTCC TTGATTTAGC 180
ACTATTTACA TACAGGCCAT ACTTTACAAA GTATTTGCTG AATGGGGACC TTTTGAGTTG 240
AATTTATTTT ATTATNCCCG TTTNGTTTAA TGTCTGGTGC TNNCTATCAC CTCTTCTAAT 300
CTTTTAATGT ATTTGTTTGC AATTTTGGGG TAAGACTTTT TTATGAGTAC TTTTTCTTTG 360
AAGTTTTAGC GGTCAATTTG CCTTTTTAAT GANCATGTGA AGTTATACTG TGGGCTATGC 420
ACCAGCTCTC ACCTACNGGG GGNCTTACCT TGGGGGTAGN GNCCATACCA GNCCACTGTA 480
TGTTTACTTC CTCACCCATT TGGNGTTGCC CCANCTTGGT TNAACACTNG GGCANCATTN 540
TGGTTTNAGG GGNCCTTAGG GTTNACCAGN TCNTTTTAAC NGGNTATTTN CCCGGGGTTT 600
TTTNAAANTG GCCCAAAATN CTTAAA 626

配列番号：67
配列の長さ：534
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00079
配列：
GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60
GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG CTTGAAAACC CACTTGGGCA 120
GAATGGACTC ACCCACCAAG GTCTTCTGTA TGAAGCAGCC AAGGTGTTTG GCCTTCGGAG 180
CAGGAAGCTA AAGCTGTTTC TGAATGAGAC CCAAACGCAG GAAATTACAG AAGACATCCC 240
CGTGAAGACT TTGAATATGA AGACTGTGTA TGTTTCTGTG TTACCAACAA CAGCAGACTT 300
CTAGCATGTA CTTATCAATG TTGTTCGGTC AGCCCTTCCC TAATTACACC TATCCCCTAC 360
ACATACATGC ACATAGNCAC ACACATGNAC ACACTTGAAG GTATTTCCTT CAAGGTGTGT 420
GTAAAAATAT GCTGCTTGGN TTTGAATTCA AATGGGGTTG NTTAGGTCAA GTACTTTGNG 480
GCCTNANAGG NATCTTCACA CTTAACCTTA GGCACTTTTG ANGCATTGTT GGGN 534

配列番号：68
配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00080
配列：
GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AGGACACCCC AAGTGGTTTG 60
GNAAAGNAGG AGGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG GAGGCAGGTG GTCTAAGTCC 120
TGACTGGCTA CGTAGTTCNG GGCAAATCCT CCAAAAGGGA AAGGGAGGAT TTCCTTAGAA 180
GGATGGCGCT CCCAGTGACT ACTTTTTGAC TTCTGTTTGT NTTACGCTTC TCTCAGGGAA 240
AAACATGCAG GTCCTCTAGT GTTTCATGTA CATNCTGTNG GGGGGTGACA CCTTGGTTCT 300
GGTTAAACAA GCTGTACTTT TAATAGCTGT TNCAGGAAGG GTTAAGGCCA ACTACAAATT 360
AATGTTGGTT GCAAATGTAG TGTGGTTCCC TAACTTTNCG GGGTTTTCCT GAGGAAA 417

配列番号：69
配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00081
配列：
GATCTGCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTTACAAGT GGCACTTCAA TGAGACGGTG 60
CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG AATGTGGCAG CATCTTGGAG 120
CTGGACGAGC ATCTCCAGAA AGATTTCATC ATCTTTGAGC TGCTCCCAAG AGCACGGGGC 180
ATCCCTCCAA GAGCCGTGCC GCTATTCCTG TGACCCGCCG GCCTGCCCTC ACCTTTGGCT 240
CGACATGTGC TTGCATTTCT AGCGAGCTGG CGTGGGGGCT GTCTGGTTGT GTCCCAAGAG 300
GTGTTGAGGT AGGTNTTGAG AGCTGAGACT AGTCATGTCT CTCTTTCCAT TACATGAGTT 360
CATATTTTTN TTTTCTNTTT TGTGTTAGTA ATTTGGAAAT GAAATTATAA GGAATGN 417

配列番号：70
配列の長さ：415
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00082
配列：
GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGTTTGAGAT GCTATGTGCT 60
CTCCCCAAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA GACAAAACAG ATTGCGTCGC 120
TGACAAGTTC TCAAGAAGAA CTTATGAGTA AGCAGTCTGA GAACTAAAGA GTTTATGCCA 180
AGAAAACTTT CTGCTGAAAG TGTCATTGCT GGCTGTGAAG TCGGGATAAT CAGTAGAATT 240
CTCACCCAAA CAGCAACATT TCTAAGGAAC TTGGATTAAT TGGGGGAAAA AAAANGGGGT 300
ACTTGTACTG CTTTGATTTG TTTTCCTTTG GNTGAAAAGN TGGGGGGTTA AANGGGGGAT 360
NGTGAGGGGG ANTTTNCTTN TNNAGGGNTT TNTTNTNANC CCATTTNGGN NTNCN 415

配列番号：71
配列の長さ：415
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00083
配列：
GATCAGAATC ATTAAAAAAT ATTTTTGTTT AGTAAGTTTG AAGATTTCNN GCTTTNAGGC 60
CTTTCCTATT TTGTCCCATT TATTTTTNCA GGCAATCTTT TCCATGGAGG GCAGGGTATC 120
CATTCTTTAC CATGGGTGTA CCTGCTTAGG TTAAAAATCA TACCAAGGCC TCATACTTCC 180
AGGTTTCATG TTGCGTCTTG TTGAGGGAGG GAGAGCAGGT TACTTGGCAA CCATATTGTC 240
ACCTGTNCCT GTCACACATC TTGAAAAATA AAACGATAAT AGANCTAGTG ACTAATTTNC 300
CCTTACAGTT CCTGCTTGGN CCCACCCNAC TGNGGGTNGG CTCCATTGGT NNGTTCCGGG 360
GCCGTNNTTT AGGGGGNANT TGGGGGNTCG GTTAGGCCTN TNGGTTTGGG GAAAN 415

配列番号：72
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00084
配列：
GATCTCCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTTGC CCCTTCCCAN CTCTTCCTAC 60

CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGTT GGGAGCACTG GAGTGCAGGG 120
AGGAGAGGGG AAGGGCCAGT CTGGGCTGCC GGGTTCTAGT CTCCTTTGCA CTGAGGGCCA 180
CACTATTACC ATGAGAAGAG GGCCTGTGGG AGCCTGCAAA CTCACTGCTC AAGAAGACAT 240
GGAGACTCCT GCCCTGTTGT GTATAGATGC AAGATATTTA TATATATTTT TGGTTGTCAA 300
TATTAAATAC AGACACTAAG TTATAGTATA TCTGGACAAG CCAACTTGTA AATACACCAC 360
CTCACTCCTG TTACTTACCT AAACAGATAT AAATGGCTGG TTTTTAGAAA 410

配列番号：73
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00085
配列：
GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAAGTTA GTCTACTCTT 60
AAGCCATCTT GGTAAATTTC CCCAACAGTG TGAAGTTAGA ATTCCTTCAG GGTGATGCCA 120
GGTTCTATTT GGAATTTATA TACAACCNGC TTGGGTGGAG AAGCCATTGT CTTCGGAAAC 180
CTTGGTGTAG TTGAACTGAT AGTTACTGTT GTGACCTGAA GTTCACCATT AAAAGGGATT 240
ACCCAAGCAA AATCATGGAA TGGTTATAAA AGTGATTGTT GGCACATCCT ATGCAATATA 300
TCTAAATTGA ATAATGGTAC CAGATAAANT TATAGATGGG AATGAAGCTT GTGTATCCAT 360
TATCATGNGT AATCAATAAA CGGNTTNAAT TCNCTTGGAN TGGAAA 406

配列番号：74
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00086
配列：
GATCACATTG TAAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTTN ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60
AGTTATACTC TGTTTGCNAC ATCATAATGC TGGTTTTCCT GACTTTTTGT NTTTTAATAT 120
ATTTATAAAA AAAGAAAAAG TTGGTGATTG CATTGGGAAA TTCCCAGGGT ATTACTGGAC 180
CTATGTGGTG TATTGTTAAA CCAGTGTCCT TGTNATACTG TTGCTCTTGA TGTTCCTGAT 240
ACAGGTAAGG ANGCAGTTGG TCAACTCTNA TACAAAGTAT ATATACAGTT CAGTATTGTC 300
TCTGTTCATT TTGTTTTAAT TTCATTGGNC AAANTCAANC CAGCATTCCC CATTTGTGTA 360
AATAAATGAT TTTCCTGGAA TAAAAGGNAA AGGNCTTNAA ATTCCAAA 408

配列番号：75
配列の長さ：407
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00087
配列：
GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60
TTTGGTAACT AGGTCTACAG GTTTNCATTT TTCTGTGTTA CACTCAAGGA TAAAGGCAAA 120
ATCAATTTTG TAATTTGTTT AGAAGCCAGA GTTTATCTTT NCTATAAGTT TACAGCCTTT 180
TNCTTATATA TACAGTTATT GCCACCTTTG TGAACATGGC AAGGGACTTT TTTACAATTT 240

TNATTTTATT TTCTAGGTAC CAGCCTAGGG GATTTCGGGT TAGGTACTCA TTTTGTATTC 300
ACTGTCACTT TTTCCTCATG GTCCTAATTA TAAATNGNCC CAAAATCAAG GNTTGCCTNA 360
AAAAGGGGGN AAAATGGTTG GCCCCNNGGT TNTTNGNNNC CCCNGTN 407

配列番号：76
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00088
配列：
GATCTACCGA CTCACTTCTG AGAATATTTT TNACAGATTA TCTTTGGGCC TTTCCATTAG 60
AAAGCTGTTT GTTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC CTCATTTTGC CGTTTCAAAT 120
TGTAAAAGCT CACAGGGGTG TTTTTTGGAA TCATTTGCTG AGTCATTTTC TCAAATCATA 180
TTCCATTGTA TCAGTTAACA TATAGTTTTA AATGTATGTA TTATAAATNT CTGTANCCAA 240
ATCATTTGAA GGCTTGATAA ATTTNTAACA ANGTTTGTAC ATTTNTCATG AAAGTCACTA 300
GTAATGCTNG GNGNGGTAGT GCAATGGANT TTTCCNTTTT TCNTCCCTGT GCCCATTTTG 360
GAGTTGAGAG GGTTGTNGGT AATNAACTGT ATGGTGTACA NTGNANCCNA NNN 413

配列番号：77
配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00089
配列：
GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60
ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC GCACCTGTGC CTAAGAAGCT 120
GCTCATGATG GCTGGTATCG ATGACTGCTA CACCTCAGCC CGGGGCTGCA CTGCCACCCT 180
GGGCAACTTC GCCAAGGNCA CCTTTGATGC CATTTCTAAG ACCTACAGCT ACCTGACCCC 240
CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT CAGGGAGTTC ACTGACCACC 300
TCGTCAAAGA CCCACACCAG AGGTCTCCGT GCAGNGGACT TCAGGNTNCA GNTTGTGGTT 360
ACAACATAGG GGNTTTTTAT ACAANGGAAA NGTAAAGGTG NNNTTAAAGN GGTGAAA 417

配列番号：78
配列の長さ：404
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00090
配列：
GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60
ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTTATGAT GATTTTCTAA ATGGAGAAAC 120
ATTTGGCTGC ATCCACATAG ACCTTTATGT TTTGTTTTCA GTTGAAAACT TGCCTCCTTT 180
GGCAACATTC GTAAATNAAG CAGAATTTTT TTTTCTCTTT TTTCCAAATA TGTTAGTTTT 240
GTNCTTGTAA GATGTATCAT GGGTATTGGT GCTGTGTAAT GAACAACGAA TTTTAATTAG 300
CATGTGGTTC AGAATATNCA ATGTTAGGTT TTTAAAAAAG TATCTTGATG GTTCTTNTTC 360
TATTTATAAT TTCNGACTTT CATAANGTGT ACCCANGANT TTCN 404

配列番号：79
配列の長さ：622
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00091
配列：
GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTC CATAGCCATG TGCTTGTCCC 60
TGTGCTCCCA CGGTTCCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCCAC AGCCACCCCA CTATGCCGCA 120
GCGGCCCTAC CCACCTTCAG GCAGCCTATG GGACGCAGGG CCCCATCTGT CCCTCGGTCG 180
CCGTGTGGCC AGAGTGGGTC CGTCGTCCCC AACACTCGTG CTCGCTCAGA CACTTTGGCA 240
GGATGTCTGG GGCCTCACCA GCAGGAGCGC GTGCAAGCCG GGCAGGCGGT CCACCTAGAC 300
CCACAGCCCC TCGGGAGCAC CNCACCTCTG TGTGTGATGT AGCTTTCTCT CCCTNAGCTG 360
CAAGGGTCCC GATTTTGCCA TCGGAAAAAG ACAACCTCTA CTTTTTTNCT TTTGTATTTT 420
TGATAAACAN TTGAAGNTTG GAGCNTGTTA AAATTTATTN TTTGGGGGGA AACCTNAAGA 480
ACTGGGNCTT AATTTNGGNG TTCGTGGGAC CCTNTTANNT GGTTTTNAAT NAANCGGTTA 540
NGGAATTAAA CTGTTTTGGA ANANTTGGTT TAAAGNTTTA AAATTTTGGG AAAAAAAGGG 600
GCTTTTTAAA TTTTTTGGGT TN 622

配列番号：80
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00092
配列：
GATCTTCCTT TNTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTC 60
TTCCCTCCAC CTCCACCCCT TTCTTTCTTT CTCTCTCTGA TTGAGAGGCA TTNAATTACG 120
TTTTCAGTAG TACAGGCTTC TTGCCGATAT GAAGGGAACT TTTCAGAAAG AGACCTACTC 180
TGGGTCATTT AATTTTGAAT ACAGTTTTCA ATCGTTCAAG TTTTGGNNNG NTTATATCTA 240
ATGTGTGTTT CATTTTTTTG GAAAGCTATA TTTTGTATTT AGGAAATGGT ATACTATTTT 300
GCTATTTGTA CTGAGTGAGT ACATTGGCAT AAATATAGAA ATTTATATAT ATACATATAT 360
ATAACTGTGC TNNTTGCCCT TTTTNNTGNG GGAAATTGGN 400

配列番号：81
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00093
配列：
GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGGAGGTG 60
CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC TGGCAGTGAT GCCTGGAAAC 120
AGTACATGAG AAGGTCTACT TGTACTATCA ACTACAGTAA AGACCTTCCT CTGGCCCAAG 180
GAATCAAGTT TCAGTAAAGG TGTTTTAGAT GAACATCCCN NAATTTGAGG GTGTTCCAGC 240
AGCTGTTTTT GGAGAAGACA AAGAAAATTA AAGTTTTCCC TGAATAAATG CATTATTATG 300
ACTGTGACAG TGACTAATCC CCCTATGACC NNAAAGNCCT GATTAAATCA AGAGATTCCT 360

TTTTTAAAAA TCAANTAAAA TTGTNACACC ATAAAA 396

配列番号：82
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00094
配列：
GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
GCTTTTGAAA AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG GTTATACTCG GGCAGAGAAA 120
GAGTGCAAGA TAGAATATGA TGATTTCGTA GAGTGTTTGC TTCGGCAGAA AACGATGAGA 180
CGTGCAGGTA CCATCAGGAA GCAGCGGGAT AAGCTGATAA AGGAAGGAAA GTACACCCCT 240
CCACCTCACC ACATTGGCAA GGGGGAGCCT CGGCCCTGAA CAGAGCAGCT GCTGATGTCT 300
GGAGGCTGAT TTTCCTGTTC TCTGTTCTCC ACTGGAAAGG TTGTTTACGA CAAACCTCCT 360
TGTCAAAGTN TGTAAAAATA AAGGATTGCT CCATCCTAAA 400

配列番号：83
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00095
配列：
GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAAN AAAAAATTGG 60
AACCTGAGAA GGGGGTCGTG GGGTCCCCGG GGCCCACCGT CTGCACTTGG NATCTNAAGT 120
CGGGGTGGNC TTGTGGGACT NACCCNTTAC CCTGTGGGTT CTGTACTAGC TCCGGGNAAT 180
TGGTGACAGA NTCGAGTTAA ATTGTAGGAC ATCGCGTTGG TGTCTGAGAG GGAGTTGGAG 240
AGCTGGTTGG TGTGGAGGGA AAGGNTTACA CACATGTNAT TTCAGAAGCG TTCTGTGGGT 300
AGAGGAATCG TTTTCTCTTT GAGACTGTTA TGAGTATGTA CAAATTTTAT TTCCTGTAAA 360
AATATTTNCA TTTTTTAAAN TGGTTATTTT CTAGAAA 397

配列番号：84
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00096
配列：
GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAACT AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
TGAAGCTGTC TCAAACATTC AAGAAAACAC ACAGACTCCA ACTGTACAAG AGGAGAGTGA 120
AGAGGAAGAG GTCGATGAAA CAGGTGTAGA AGTTAAGGAC ATAGAATTGG TCATGTCACA 180
AGCAAATGTG TCGAGAGCAA AGGCAGTCCG AGCCCTGAAG ANCAACAGTA ATGATATTGT 240
AAATNCGATT ATGGAATTAA CAATGTAACC ATATGGANGC AACTTTTTTT TGGTGTCTCA 300
NAGGNGTAAC TGCAGCTTGG TTTGAAANTT TGTTACCTTG TTTCTTATCA TAAAATNAAN 360
NGTTATTNGC TTCCTTTTTT GGNTTGGAAA 390

配列番号：85

配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00097
配列：
GATCACTTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCAC 60
TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA AATNAGCAAG TTTGGCCGGG 120
ATTGCAGGCA TGAGCCACTG AGCCCGGCCC CCAACTGTTA CATCAAAATA TTATTTGAGA 180
GTATATGTGT CCTCACGTCC CTAAAACACT AGAAACTGTC AANCTTTTAA TCTTTGTCAA 240
ACTCTCAAAA GTAGTATCTC TGCATTTGCA TGCCTTTGNG TNCTAATAAG GTTGAGTACT 300
GCTTTAAAAG TTTGCTGGNC ATCTNTTTGN TTTTTTTAAG GACCTGCGGT GGNNAGGCCC 360
NTTCAANANA TTNTTTCNTT AATTNGGGCC TN 392

配列番号：86
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00098
配列：
GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
AGCGGCCCCT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT NGNACACCTG GCATGGGTGG 120
TGGTATTCTC TGAAATCTGT GGTTATGAAA ATTAGGCCAA ATGATTTTAT TCCAAATGTA 180
ATTTAATTGC TGCTGTTGGG CTTTCGTTTC TGCAATTCAG CTTTGTTTAA AGTGATTTGA 240
AAAATACTCA TTCTGAACAT ATCCATGCGC AATCATGATA ACTGGTTGTG AGNAGTGCTT 300
TTCATTCTTC TCACTTGCCT TTGTTACTTA ATGTGCTTTC AGGACAGCAG ATATGCAATA 360
TTCACCAAAT AAATGTAGGC TGGTGGTAAT AAA 393

配列番号：87
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00099
配列：
GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
TATCCATTTA TCTTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT TTAACTATCA CACATGAATA 120
AAGCCTTTGT ATCTTTCTTT CTCTAATGTT GTATCATACT CTNCTAAAAC TTGAGTGGCT 180
GTCTTAAAAG ATATAAGGGG AAAGATAATA TTGTCTGTCT CTATATTGCT TAGTAAGTAT 240
TTCCATAGTC AATGATGGTT TAATAGGTAA ACCAAACCCT ATAANCCTGA CCTCCTTTAT 300
GGTTAATACT ATTTANGCAA GGANTGCAGT ACAGATTTGG NTACAGTACG GATTTGNCCA 360
AATAANTTCA NTAAAAGCCT TAAAGCTGAA A 391

配列番号：88
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00100
配列：
GATCAACCCA CAGAACAAAG CGGATTTCCA AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTTGTCATG AACTTTGTTG GCTGACTCAT 120
TCTCATTTAC TTAATTGAGG AGTAGGAGAC TAAAAGAATG TTCACTCTTT GAATTTCCTG 180
GATAAGAGTT CTGGAGATGG CAGCTTATTG GACACATGGA TTTTCTTCAG ATTTGCACTT 240
ACTGCTAGCT CTGCTTTTTA TGCAGGAGAA AAGCCCAGAG TTCACTGTGT GTCAGAACAA 300
CTTTCTAACA AACATTTATT AATCCAGCCT CTGCCTTTCA TTAAATGTAA CCTTTTGCCT 360
TCCAAATTAA GGACTCCATG CCACTCCTCN 390

配列番号：89
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00101
配列：
GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA ATAATGTAAG GTAAAGAGTT 120
GCATGTCAGT CTTTGTAATN ATTTACACTT TAACTTTCTC CAGAACTCAG ACATGATTTC 180
AACATGGTGT TAGATTTGTG CATTTNATTT TCCTGACCAC CTCATTCCAG CCAATGTATG 240
GTTATCCACT CTGTGTGCNA AANCCAATCA TGCNTTTCAC GGCCCTTTAG TTCAGAGAAG 300
TTCTGCACTG ATTTTTAGTC TCTTGATGTC TCAATCTTAC ATGTATACCA ATCACAATGG 360
AATAAAAAGT GTTTGAGGTT GTACTGTGGN 390

配列番号：90
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00102
配列：
GATCCGAGGA GGCGGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAAACTCA TCCTCTTCCC CAGGAAGCCC TCGGCCCCCA AGAAGGGAGA 120
CAGTTCTGCT GAAGAACTGA AACTGGCCAC CCAGCTGACC GGACCGGTCA TGCCCGTCCG 180
GAACGTCTAT AAGAAGGAGA AAGCTCGAGT NATCACTGAG GAAGAGAAGA ATTTCAAAGC 240
CTTCGCTAGT CTCCGTATGG CCCGTGCCAA CGCCCGGNTC TTCGGCATAC GGGCAAAAAG 300
AGCCANGNAN GCCGCAGANC AGGATGTTNG TAAGGAAANN ATTTANAGCC CCTCCTGGGN 360
GACCTTTGGG ATTCAGTCGN CAGTCAATAA A 391

配列番号：91
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00103
配列：
GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGAT TCTCATTAAC 60

CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACTTG AGGCTGTCAT TGCAGATTTC 120
TCAGGCCTGT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC CAGGAACAGG AAGTCTGCTT TGCTGAAGAG 180
GGACAAAAAC TGGNGNCAAA AACTCGTGCT GCTTTGGGAG TTTAAATTAC TTCAGGGGAA 240
GAGAAGACAA AACGAGTCTT TCATTCGGTG TGAACTTTTC TCTTTAATTT TAACTGATTT 300
AACACTNTTT GGTGAATTAA TGAAATGNTA AAGACTTTTT ATGTGAGATT TTCCTTATCA 360
CAGAAATNAA NTNTCCTCCA AATGTTAATA N 391

配列番号：92
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00104
配列：
GATCTTTTCC CCTGGCCAAA GGGAAGTTGT ATTAGTCTGT GACATCTTGT GATGCTGTTT 60
ATCTTGGTTT GACATTGGAG ATACGCTAGT AACTGTGATA CCATACTATA AAACAGAAGA 120
ATTTTCTGCT ACTAAAAACT GCCTTTTTAC AAAATGACTG TAAATATTTG TAAAATAAAA 180
TAACACTAAA CTTTAAGCCC AAAAGGAGAG ATAGAGCCAT GTGTTCAGTT GTGGACCTGT 240
CCGTGGGGCA CAGTGCCACC CCATCACAGT GTTGCTGTCA TCAGGCAAAN GTGAATGTTT 300
GTTTATGGCA AATTCGNCTT TTGCGAATGG CTTANTTCTG ACACTACCTT TCTGGGAAAT 360
GTTAATANAT TTTTAATTNT TCAAA 385

配列番号：93
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00105
配列：
GATCTTTGAT AGTTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60
ATAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTTTGTTTC ATTTCTCATC TGTTTGGGAG 120
ATGATTTTAG AGCACTAGAA AGGCACTGGG GAGATTCTCA GCTTAAAACA TCCAGCAGTT 180
TGAAGTATGA TTAGGTACAT CAGGGCTGCA TTGTCAATNT TCTCTTTAAG TCTTTTAACA 240
TTTATAGCAA TTTTTTTTTT CCCGGAGAGT TTAGGTTGCA AGTTTTGGGT TTCTTGTTTG 300
TTTTTGTTTT GCTTCCTGCT TTAATNCTTN AATTTNCAGT CATTACTGGT ATTGAAAAAT 360
AAAATATCTT TAAANCANNG N 381

配列番号：94
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00106
配列：
GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60
CAAATNACTT TGTAGCCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA ATTGAATTCT CCATGGACTT 120
TTAGGTTTAT GGGGGAGTTT TAGCTGTGTT TCTTGGTTTT ATTTCAGCCA AACATGTCTG 180
CTTTTGATTT TTTTTTTAAA GTATAAGTGG TCTATATATA TGTTCACCTT TTAAATGTAA 240

ATGTTTAAAA AGTAAGCATT TATGTGTTTC CATAACTGAC ATCTGATGCA GACCTCATTC 300
TCTCCCCCTC TTCTACCCTC CTCTTTTCCC CCTTTTCAAT ACTCTTGTAT TGGGTTCTAA 360
TAAAATGGGT TGCTTTTTCN 380

配列番号：95
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00107
配列：
GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60
AAGTTTTGTT TGGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA GTTAAATTTC AGCATATCAG 120
TTTTATAAAG CAGTTTAGGT ATGGTGATTT AGCAGAACAC AAGAGAGCAA GAAAATGTGT 180
CACATCTATA CCAAATTGAG GATGTTGAGT TATGTTACTA ATGTATGCAA CTTTAATTTT 240
GTTTAACACT ATCTGCCAAA ATAAACTTTA TTCCCTATAA CTTAAAATGT GTATATATAT 300
ATAATAGTTT ATTATGTACA GTTAATTCTA CTGTTTTGGC TGCAATAAAA TCGATTTTGG 360
AAATAAATGG AATGTTGGN 379

配列番号：96
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00108
配列：
GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TGGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60
GGAGTCTACT CTTCATCTTG TGTTGAGACT TCGTGGTGGT GCTAAGAAAA GGAAGAAGAA 120
GTCTTACACC ACTCCCAAGA NGAATAAGCA CAAGAGAAAG AAGGTTAAGC TGGCTGTCCT 180
GAAATATTAT AAGGTGGATG AGAATGGCAA AATTAGTCGC CTTCGTCGAG AGTGCCCTTC 240
TGATGAATGT GGTGCTGGGG TGTTTATGGC AAGTCACTTT NGNCAGACAT TATTGTGGCA 300
NATNTTGTCT GACTTACTGG TTNCAACAAN CCCAGAAGNC ANGTNAACTG TNTGANGTTN 360
ATNAAAAGNC ATGTNCTGAA CAAA 384

配列番号：97
配列の長さ：583
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00109
配列：
GATCCTCATG AATGACTATC CTAAATTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTGC TGGGTTTATT 60
CGTGCTGGTT CATCGNGAGT NAGANGCCTG CCTTGCTGTT CCTGGGAAGA TGCCATAGTT 120
TTCGTTACTG GATGTTTGGA GTAGATACTG GTCTGTNATT GGTGGAATGG AGAACACACG 180
TGTTGGTGCT TCTGGGTAGC ACTGGTTTGC ATTAGTTTAT GTTTCCATGC CAGAGTTTGT 240
GTGGGCGGGC GCATGTCCAC CACAGAGTGC ACTCGAGGGG ACTTTCAGTC ACAGGATTTC 300
ATAATTGTNA TTGTCACACT TTCAAATTTT TGTACATCAG TGAATTTTTT TTATATTAAA 360
AGGTTGAGCC AAAGCCCCCA GTGTTTTGTA TTTTGAAGCC AAGCTTCACT TCTAAAAGTG 420

CCTACAGAGG ACTTGTAAAA TGGAAAATGC AGCTCTGCAC GGAGTTTGAA ACCGTCATAC 480
CTCCTTCTAT TAGGGAATNG GCATATACTG AGGGTGGTCC GGAAGNNNTT AACTTCCTAA 540
AATTTTTAAA TAAAAGGCCT TTGCACCATT GGACCCCNTT AAA 583

配列番号：98
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00110
配列：
GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAACT ACAGAATTTA CAAAAAAGGA TACTCAAACC 60
AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG AAATTGCTTC CTTAAAAACA 120
CTGATGGAAT CTAACAAACT TGAGACAATT CGTTATCTTG CAGCTTCAGT GTTTACTTGC 180
CTGGCAATAG CATTGGGATT TTATAGATTC TGGAAGTAGT ATTAATGCTC ATCCTGCTGT 240
GGCTGTTGGC TTCTTAGAAC ACCAAACCGG GAGAGATTTA CTTTGAACAT TGTCAGTTGC 300
AGCAAAAATT TACTACACAA GATTATTCGA AGTGTATACG GACTAAAAGA GGAAGTGTTT 360
TAGAATGAAA 370

配列番号：99
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00111
配列：
GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA AGGCCGTGCA TAAGGCTGTG 120
CTGACCATCG ACGAGAAAGG GACTGAAGCT GCTGGGGCCA TGTTTTTAGA GGCCATACCC 180
ATGTCTATCC CCCCCGAGGT CAAGTTCAAC AAACCCTTTG TCTTCTTAAT GATTGNCCAN 240
AATACCAAGT CTNCCCTCTT CATGGGAAAA GTGGTGAATT CCACCNAAAA ATAACTGNCT 300
GTNGGTNCTC AACCCCTTNC NNTTCATCCN TGGGCCCNTN GGCTTGGATN GANAATTAAA 360
AGAAGGGGTT GNGGCTNGGG NAAA 384

配列番号：100
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00113
配列：
GATCTTTGAA ACCTTGGTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60
TGCCTAGAAT TTTGAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA TTCCAAAAGT TTTGTNCTTT 120
TNAAAATTTG TNTTGGTAAT TATCACATTT NTNCCTCTTA CCTTCCTTTA AATGGCCACA 180
GTGTGTACTG CTGGANTGTN CCATCCAAAA GATGTAGCTT CAGANGCACA GTGATTGCCC 240
CAGGGTCCAT GAGATATTGT TTGTATTATG ANGTTGGAGT GCTGTCTACT GAAATTATAC 300
TCTTAAATAA NTATGTATGT NGTGTGTAAT ATTTCCTAAT AAATNCTTTN GATAAACTAA 360
AAAACTNNNG CTNN 374

配列番号：101
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00114
配列：
GATCTGTGCA AGGTATTAAC GTGTCAGGGC TGAGTGTTCT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
CAAGAACCAG TTGTTTTGTC TTGCGGGTCT GTCAGGGTTG GAAAGTCCAA GCCGTAGACC 120
CAGTTTCCTT TCTTAGCTGA TGTCTTTGGC CAGAACACCG TGGGCTGTTA CTTGCTTTGA 180
GTTGGAAGCG GTTTGCATTT ACGGCTGTAA ATGTATTCAT TCTTAATTTA TGTAAGGTTT 240
TTTTTTGTAC GCAATTCTCG GATTCTTTTG AAGNAGATGA CAACAAATTT NGGTTTTCTA 300
CTTGTTATGT GAAGACCATT AAGGCCCCAA GCAACAAGNC AATTNTGTAA GGGAAANTNA 360
AAGTTCCTTG CNGTAANCCA AA 382

配列番号：102
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00115
配列：
GATCTGTCTC TGCTGTTTAA CTTCATTGGA TTAATCAGCT GGTTTCAACT CTACTGCGAA 60
ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTTCT CCTTCAGTGG CATGTAGTTA TCTAATCAAG 120
ACACCTCATT CAAACAAAAC CTGCCTTAGG AAAATTTAAT ATATTTNAAA TNATTTTAAA 180
AGAAATACAA CATCTTATTC TTTAGCTTTC TTAATCGGTG CTTTATGGAG GCCAGTGTAA 240
CGNTACATGA CTCGTTGAGA AAGTTGAGGA ATTTCCTCTA CCACCTTTGT TGCTTGAAGA 300
AAAACATGTC TTTTCAAAAT GAGAGGCTTT CATTGAAGAA AAGAAAAAAA CAACAGTTAA 360
AAGCTAAA 368

配列番号：103
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00116
配列：
GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
TGGTGTGACC ATGTTCATNA TAATCTCAAA GGAGAAAAAA AACCTTGTAA AAAAAGCAAA 120
AATGACAACA GAAAANCAAT CTTATTCCGA GCATTCCAGT AACTTTTTTG TGTATGTNCT 180
TAGCTGTACT ATAAGTAGTT GGTTTGTATG AGATGGTTAA AAAGGCCAAA GATAAAAGGT 240
TTCTTTTTTT TCCCTTTTTT GTCTATGAAG TTGCTGTTTA TTTTTTTGGG CCTGTTTGAT 300
GTATGTGTGA AACANTTGTN GTCCAACATT AANCAGGANT TTTATTTTNC NGAGTNGTNC 360
TANCAAA 367

配列番号：104
配列の長さ：366

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00117
配列：
GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT GAAGAAAATG CAAACCTTTC 120
AATTCCCACG TGTATACAAG CTAATGTGAT GAGGGGGAAA AAAATCCAAC GGGTGCATTT 180
TCATTCATAT GAAAGACTTC TCATAGTACT TTTTTTTCCN TTTTTTAAAA GGAGGTTTTT 240
CTTGTTACAT GTGATGGGCA TTGAGCCACA CCNNTTCTTA GACTGAATAT NGAAGTTTTT 300
GTTTTGAGTT ATGTTTATAA CATTTATTTC AGAACANTAA TGATTCAGAT TTGTGACAAA 360
GGCAAA 366

配列番号：105
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00118
配列：
GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TGCGTCTTTC CACTTGCTGT 60
TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATNTGGATG CATACCGAAA TAAAAGNAAT TCATTGTGTA 120
AA 122

配列番号：106
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00119
配列：
GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTTC ACAGAACTGG 60
TGTCAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC AAGTAAGTCA AGGTTTTATC 120
CTGATTGGAA ATAGAAGACA TTTCCGGTTG AGAGAACAGA TTCGTTGGAA GCTTAACTTT 180
TGTTGCCTCT TAACGCCACC AAATTTTAGG GTAATTTGAT TATGAAAGAG TGAATTTTTC 240
TGGACAGAAA AGGGAGAGCT ACCAAATTGT TTTTTTCTTT TTAAAAGGAA GTTTAATGTC 300
CGTTGTATCA CAAATCAGTG TTAAAACACC AGAACTTTAG CCAAAATAAA TGTCTTACAT 360
TACN 364

配列番号：107
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00120
配列：
GATCAGCAGG GAGTTTATTT GAGGACATCA GTCACCTTTG GGGTTGCCAT GTACAATNAG 60
ATTTATAATC ATNATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAAGA CACTACTAAT ACGCAGGAAG 120
CGTTCCAGCT ATTTAATGCT GGCAACTACT GTTTAATGGT CAGTTAAATC TGTGATAATG 180

GTTGGAAGTG GGTGGGGTTA TGAAATTGTA GATGTTTTTA GAAAAACTTG TGAATGAAAA 240
TGAATCCAAG TGTTTCATGT GAAGATGTTG AGCCATTGCT ATCATGCATT CCTGTCTCAT 300
GGCAGAAAAT TTTGAAGATT AAAAAATAAA ATAATCAAAA TGTTTCCTCT TTNCTAAA 358

配列番号：108
配列の長さ：430
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00121
配列：
GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60
TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC GTAAGCACGT ATGGAGTTCG 120
AAAAGCAATG GGGATTTCCA TTCCTTCCCC CGTCATGGAA AACAACTTTN TGGATTTGAC 180
AGANGNNNCT GAAGAACCTA AAAAGACGGA TGTTGCTGAG TGTGGACCTG GTGGAAGTTG 240
AGGCTGCCTG GTATTTGATT ATATATTATG TACATACTTT TTCATTCTTA ACTTAGAAAT 300
GCTTTTCAGA AGATATTAAA TATTTGTAAA TTGTNTTTTT AATTAAACTT TGGAACAGCG 360
AATTTGGNTG TTCCAGAGGT TGGGCCTTGT ATTAGGGAAA TAAAAGCTTG GACCTGGGGC 420
CTCGTGGAAA 430

配列番号：109
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00122
配列：
GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60
GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCCC CTCTCAANCC CCCAACCCAA AACCAAGCAT 120
TTTGGAATGA GTCTCCTTTA GTTTCAGAGT GTGGATTGTA TAACCCATAT ACTCTTCGAT 180
GTACTTGTTT GGTTTGGTAT TAATTNGACT GTGCATGNCA GCGGCAATCT TTTCTTTGGT 240
CAAAGTTTTC TGTTTATTTT GCTTGTCATA TTCGATGTAC TTTAAGGGTG TCTTTTATGA 300
AGGTTTGCTA TTCTTGGCAN TTAAGNTTTT TTAGGNCTTT TTAAANGNGN ANNNAAA 357

配列番号：110
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00123
配列：
GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCGC TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60
AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT CCAGCAGTGG TCATTCGACA 120
ACGAAAGTCA TACCGTAGAA AAGATGGCGT GTTTCTTTAT TTTGAAGATA ATGCAGGAGT 180
CATAGTGAAC AATAAAGGCG AGATGAAAGG TTCTGCCATT ACAGGNCCAG TAGCAAAGGA 240
GTGTGCAGAC TTGTGGCCCC GGATTGCATC CAATGCTGGC AGATTGCATG ATTCTCCAGT 300
ATATTTGTAA AAANTAAAAA AAAGCTAAAC CCATTAAAAA GTATTTGTTT TGCAAA 356

配列番号：111
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00124
配列：
GATCCTACCT ATCAAGCACT AAAAAGTTGA ACCATTATAC TTTATATCTG TAATGATACT 60
GATTATGAAA TGTCCCCTCA AACTCATTGC AGCAGATAAC TTTTTTGAGT CATTGACTTC 120
ATTTTATATT TAAAAAATTA TGGAATATCA TCTGTCATTA TATTCTANTT AANGTTGTGC 180
ATAATGCTTT GGAANAATGG GTCTTTTATA GGAAAAAACC TGGGATAACT GATTTCTATG 240
GCTTTCAAAG CTNAAATATN TAATATACTA AACCANCTCT AATATTGCTT CTTGTGTTTT 300
ACTGTCAGNT TAANTTACAG CTTTTATGGG TGGTTAACTT TTCGTNCATT TTCAAAAAAN 360
CCNGGGGNNN NNNNN 375

配列番号：112
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00125
配列：
GATCTCTGTT TTGTTGTTGA AAATTCATTT GTATACTTTT GTTTTNATCT AGGACTTCAT 60
GTTTTTTNAA AGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA GTGTGGTAGT GGATTAGTGA 120
AAGTCTCCTC AGGAAATCTG AAGTCTGTAT ATTGATTGAN ACTATCTAAN CTCATACCTG 180
TATGANTTAA GCTGTAAGGC CTGTAGCTCT GGTTGTATAC TTTTCCTTTT CAAATTATAG 240
TTTATCTNCT GTATAACTGA TTTATAAAGG TTTTTGTACA TTTNTNAATA CTCATTGTCA 300
ATTTGAGAAA AAGGACATAT GAGTTTTTNC ATTTATTAAT GNAACTNCCT TTGAAA 356

配列番号：113
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00127
配列：
GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAAACT GGTTTATTGT 60
GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA CTCTGCCTCA CCAAACACAT 120
GCTAGGATAT AACCCCCAAA ATAAGTATTT AACTTTGCAT TAGGTATAAA GGAGACTGGG 180
TGCTATAATN AGATTATTTT GAGGCAGACA GAGAGCTGTT ATCCTAACTG ATTTAGTATG 240
TTCTGTAATT GAGAAAATGT TCACCAAATN ATACTTTTTA GTGATTTACA TGTACATTTT 300
ATAGGGGACA TGTTCTGTGT ATAGCGAATA AATAACTTTT ATAGTATCAC N 351

配列番号：114
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00128

配列：
GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNNAAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60
CTCTGTGAAC TGCAGCCTGG AGCCAAATNT GTCTGTGGCA AGAACCCTGC CAAGTACTAC 120
ACCTTATTTG GTCGCAGCTA CTGNGGGATG NACGAAAGCC CCCTCTTCAA CTCCTCTCAC 180
TTTTTAAAGC ATTGATATTA GTATCTTCTC AGATACAGAC CGTTTTATGA TTTTTTAAAA 240
AGTAAAAGTT CTAAAATGAA GTCACACAGG ACAATTATTC TTATGCCTAA GTTAACAGTG 300
GATAAAAGAC TTTTCTGTAA ACAACTCCAG TAATAAATAT CATGNACTNA AA 352

配列番号：115
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00129
配列：
GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCGCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60
GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA TGCTTGGAGG TAAAGTCCAT 120
GGTTCCCTGG CCCGTGCTGG AAAAGTGAGA GGTCAGNNTN NTNAGGTGGC CAAACAGGAG 180
AAGAAGAAGA AGAAGACAGG TCGGGCTAAG CGGCGGATGC AGTACAACCG GCGNTTTGTC 240
AACGTTGTGC CCACCTTTGG CAAGAAGAAG GGCCCCAATG CCAACTCTTA AGTCTTTTGT 300
AATTCTGGGC TTTCTTCTAA TAAAAAAGCC ACTTNAGTTC AAGTCAAA 348

配列番号：116
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00130
配列：
GATCTCCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60
TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG AGGTAGGTTT TATTTGTGGA 120
GAGAGAGTTG AAGATTAGGG AACCAGTGAT TTTAATTATG CTACTTTTCC TTCTAAGAGA 180
TAAATTGATA TATCATTCAG TGTCATGAAA AACATGAATG TNGTACAATT TTCTNCCTCA 240
AAAAACTTTT TAAATGTAAG TATCCTTATT TNNTTTTTAA AAGAGCACAA TGTAGGTGTA 300
TTTGGGTATT TCCAAGAAAA GANTAAANCC ATTAATGCAG TAAA 344

配列番号：117
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00131
配列：
GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60
GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCCGGCA CCTACAGAGA ATGTTTCACA 120
GTTCTGGCAT TTAAATCCTT TGATAGTGGA TTGTGCTGCT GTTAGCCTTA GTTTCAGTGC 180
TTTACAAGTC TCGCTTATNA TCTCATTGGT ATTTAGGTAT ACAAAACAGT TGATTATTCA 240
CCACGCCAAT ATCTGGGTCT CTGTATCTCA TGTAGAACAT AAGAAAATGG GAACTAATAG 300

GGAAATTTAT TTATAGCATG AAAATAAACC TGGTGGCTGG AGTCTGCTAA A 351

配列番号：118
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00132
配列：
GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60
AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA TCACCATTTT CTAAAGAGGA 120
AAAAGGTGAA CCTCACAAAC TATAGACCAA AAAAATAGGA CATCGAGAGA AAGAATATGA 180
AGCTAGCATA GGTTCACAAA GAATGAGTCA AATCAAACAA CATGCATTTT TTATTTATAA 240
AGCATGACTT GTTCATTGTC AATTCATGTT AGCTTAATCA TTAGGCATTA ATGCCATCAC 300
TGCAATGCAT ATGTCAGCAA TAAATAATCA AGGCCCGGCT TCN 343

配列番号：119
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00133
配列：
GATCTTCCCA CAACACCACA GGACTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60
GCAGTCCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC AACGAGGGCA AAGATGCTAA 120
ATCTTGCTTT GCATTCAGTA AAGTGTCAAG TGATTAAGTG TGTATTTGTA CCCTAGATGA 180
TATGAACCAG CAGTCTTGTT TTGGCATCAT CCTCATCATG TTGTATTCCA GCTTCTTAAG 240
TGGAAGGAAA AGAGTGCTGA GAAATGGCTC TGTATAATCT ATGGCTATCC GAATTCTCTG 300
AAAAANTANT AAAAGTCCCC TCTNTTATAT GAGCCTGTAC AGAAA 345

配列番号：120
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00134
配列：
GATCCCCCCT CTCGAGGGCG ATGAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60
GAGTTCATAG TTGGAAAACT TGTGCCCTTG TATAGTGTCC CCATGGGCTC CCACTGCAGC 120
CTCGAGTGCC CCTGTCCCAC CTGGCTCCCC CTGCTGGTGT CTAGTGTTTT TTNCCCTCTC 180
CTGTCCTTGT GTTGAAGGCA GTAAACTAAG GGTGTCAAGC CCCATTCCCT CTCTACTCTT 240
GACAGCAGGA TTGGNTGTTG TGTATTGTGG TTTATTTGAA TTNCCTTCAT TTTGTTCTGA 300
AATTAAAAGT ATGCAANAAT AAAAGAATTA TGCCCNTTTT TNATACAANA NNAANAAA 358

配列番号：121
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00135
配列：
GATCTTCATG CCCTGGGTTC TGCCCGNACG GACCCNCATC TCTGTGACTT CCTGGAGACT 60
CACTTCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTNTC AAGAAGATGG GTGACCACCT GACCAACCTC 120
CACAGGCTGG GTGGCCCGGA GCTGGGCTGG GCGAGTATCT CTTCGAAAGG CTCACTCTCA 180
AGCACGACTA AGAGCCTTCT GAGCCCANCG ACTTCTGAAG GGCCCNTTGC AAAGTAATAG 240
GGCTTCTGNC TAAGGCTCTG CCTNCAGNCA ATAGGNANGC TTTTTTAACN ATCCTAACAN 300
GGNTTGGGAC CAAATGGNAA TAAAGNTTTG TNGATGCAGG AGATATGAAA 350

配列番号：122
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00136
配列：
GATCTGAGCT GAATTTGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTTA ACTTCAATGA 60
AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT AAACAAAGAT GGTGCAATAT 120
CTTTGTTTTT TTTTTATGAG GCTCCTGAGA ATCAACCCAA CTGAAGCATT TCAATTCACT 180
TGAATGAGAA ACGTGTTTAG TATCAAAAGA GCCCAAGAAG ACACTGGTGT GAAAGGTACA 240
NTCTCAGAGG TTGGTCAATT ACCGTGGCAC ANTTTCTGGT CACTTTGTAC AATGTAGATT 300
TGAAGTACAG TGGTGAAAAC ATTAAATGTG ACATTTGN 338

配列番号：123
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00137
配列：
GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA NNAAAAGAAC 60
AGAAAGAAAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC ATTTGGGGCA CCATTTCAGT 120
GTAAAAGCAG TCCTACTCTT CCACACTAGG AAGGCTTTAC TTTTTTNAAC TGGTGCAGTG 180
GGAAAATAGG ACATTACATA CTGAATTGGG TCCTTGTCAT TTCTGTCCAA TTGAATACTT 240
TATTGTAACG ATGATGGTTA CCCTTCATGG ACGTCTTAAT CTTCCACACA CATCCCCTTT 300
TTTTGGAATA AAATTTGGAA AATGGAAATN AAGGAAA 337

配列番号：124
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00138
配列：
GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAT 60
GCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT AGATTGTTCT AAGTAATGTC 120
ATTTCGGTTT GTGANTTTGA TTTTTCCCTT CATTTCATGT CATATTGNAA ATGCAAACAA 180
ACTGCTCTCA AGAACACCCA GAAGCTATCT GTGTTACCAG ATGTGTTGTG NACACTCTAC 240

TNTTTTTCAT AGGTGCTACC TGGNAATATA TGTCCATTGT AGTGGTGGNG NGGGNCTNGA 300
CTCTNTCAGG CTCTTNTCTN GCCAGNTGNC TNCNGN 336

配列番号：125
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00139
配列：
GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCCT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60
ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT GCGTACGGCT CTCATCAACT CCACTGGGGA 120
AGAAGTGGCC ATGCGCAAGT TGGTGCGCTC AGTGACTGTG GTTGAGGACG ACGAGGATGA 180
GGATGGAGAT GACCTGCTCC ATCACCACCA CGTGAGTGTA AGCCGCCGTT GAGGCCGAGC 240
CTGCACTGGG GCCACCNAGC CAGGCCTGGG GGNAGCNTTT CCCNAGNNTN CNNGTGCCAA 300
AANTTTTTTN ATTAAAAGAT TGTTTTGGGA ACTTTAAA 338

配列番号：126
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00140
配列：
GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCCTT 60
CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGGA TGAGGTGAAG TCCACAATCA 120
AGTTCCAAAT NAAGAAGGTG TTATGTCTGG CTGTAGCTGT TGGTCACGTG AAGATGNCAG 180
ACGATGAGCT TGTGTATAAC ATTCACCTGG CTGTCAACTT CTTGGTGTCA TTGCTCAAGG 240
AAANCTGGCA GANTGTCCGG GCCTTATATA TCANNGNGCA CCATGGGCAA NGCCCCAGCG 300
GCTTATATTT AAGGCACATT TTNNATAAAT TCTATTNACC CGGTAAA 347

配列番号：127
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00141
配列：
GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60
CCACTTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCTCTAG AAGCTCCCAA CATAGATAGT 120
CTACATTTCA GACTACTAAG TTATTAACAA ACCCTTTGGG CCCATGTTCA CTTTAGGGTT 180
GAGCATAGTG TGAGGAGATG TAAATTAAAT TATAATCCTA TATGTGTGTG TAATAAATAT 240
TAAAGTGTAT AAATTAAACA GCAGATTCTA AGTATCCAAC AAGAGTCAAA TAAATGATAC 300
AAAGTCACCA AATAAATAAT ATTTAATCTC ATCTN 335

配列番号：128
配列の長さ：356
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00142
配列：
GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60
GTTGAATGTT TATATGTTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC AGAAAAAGCT GAGGGAATGT 120
GAATCAGTGC TTGTGAATGA CTTCTTCTTG GTGGCTTGTC TTGAGGNNNN CATTGAAAAT 180
GCCCGTCTCT TCATATTTGA GACTTTCTGT CGCATCCACC AGTGTATCAG CATTAACATG 240
TTGGCAGATA AATTGAACAT GACTCCAGAA GAAGCTGAAA GGTGGATTGT AAATTTGATT 300
AGAAATGCAA GACTGGATGC CAAGATTGAT TCTAAATTNA GGTCATGTGG TTATGN 356

配列番号：129
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00143
配列：
GATCAAAGNA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TNTNACCCTG 60
AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTTCAT TTNATTTTTG TTAAGAGTGC AGTATTGCAG 120
AGTCTAGAGG AATTTTNNTT TCCTTGATTA ACATGCTTTT CCTGGTTGTN ACATCCAGGG 180
CATGGCAGTG GCCTCAGCCT TAAACTTTTG TNCCTACTCC CACCCTCAGC GAACTGGGCA 240
GCACGGGGAG GGTTTGGCTA CCCNTGCCCA TCCNTGAGCC AGGTACCACC ATTGTAAGGA 300
AACACTTNCA GAANTTCAGC TGGTTCCTCC AAA 333

配列番号：130
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00144
配列：
GATCTCTGTA GATATTCTGT TTTATTTTGG TCATCTTTAG AAGTTATCAG GAATGTGTTT 60
AAAACAAGAA GAGAACTTTT CTAAGGAATG ATACATAGAA AAGATTTTAT TTTAAAATGA 120
GTTGTAAAGC TTGTTTTTCT TTGTTGCTGC AANTATCTGC CCAAGTTAAT GCAAATGGAC 180
ACATTTTTTA TGTCAGAAAA ACACACACAC ACACACACAC ACACACACAC ACACACNCGC 240
GNNACACAGN GANAAAAGTG CTTGNGCTTN NNCTCNCTNC CCCTTGCNGT CTGTTGTGTG 300
CGCAGCCTGT TTATNTCTCT NNTATTGTGT CN 332

配列番号：131
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00145
配列：
GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60
TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTTAAA CAGATGCTTG AAGGCAGCAT 120
GCTCCTTAAG AGTCATCACC ACTCCCTAAT CTCAAGTATC CAGGGAGACA AACACTGCGG 180

AAGGCCGCAG GGTCCTCTGC CTAGGAAAAC CAGAGACCTT TGTTCACTTG TTTCTTTGTT 240
CACTTGTTTA TCTGCTGACC TTCCCTCCAC TATTGTCCTA TGACCCTGCC AAATCCCCNT 300
NTGATGAAAA ACACCCAAGN ATANTCANTA AA 332

配列番号：132
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00146
配列：
GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60
TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA ACTGGTACCC GTTGGAACAA 120
GATTGTCCTG AAGAAGTGGT ACACGATTTT NAAGGACCAC GTGTCTCTGG GGGACTATGA 180
AATCCACGAT GGGATGAACC TGGAGCTTTA TTATCAATAG ATGAGAATCC TCATCTTNCT 240
GCCCCGCTNT CCNNCTNCCA TCCTCATCCC CCACANTNGG GATAGATGCT TNGTTTGTAA 300
AAACTCANCN NAATAAAGAC TTAGATGTTG AAA 333

配列番号：133
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00147
配列：
GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAAA TNAGAGTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60
TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG CATTAATTCC ATTTGTTACT 120
ATTGTGCACA AAAGCCCTGT TCACAGGGGA ATGGTGTAAA CATTTATACT GTTTTGTTCA 180
CTGTATTTAG TAGACATAAC TGTTGAATAG TTACTGAATC ATGATGTAAA GAATATGTGA 240
CCATCTTCAG GTATGGGATT TCTGAACGTT TCAAATTTCA ATCAATGAGC ACTGTCAACA 300
CCCACAGGNG AGAATAAAAT TACCTGTGCN 330

配列番号：134
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00148
配列：
GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAGA CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60
GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATTC ACGATTCAGN TCTTGAAACT 120
TTGATTATGC AAAAGAGGTA TATATAAATA TTTCATTATG ATTCAGGTTT TAGGCTTTGC 180
AGCTTCTATA AGGTGTTCTC AGGTGGCCCT TGTACNNCTN AAAGCATCCT TTAGGAAATN 240
CTTTAAGGGN GGCTTTNTAT AAGGAATAGG NGGNTGTTGA ATTTTTACAG GGGGGTTTGG 300
GTCATTNAGN CCCCGATTNT GTANGN 326

配列番号：135
配列の長さ：325

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00149
配列：
GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTTAAACACA 60
CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGGAAG CAAGGNCTCA AAGGCAAGGT 120
GCACGCAGAG GGACGTTTGA GTCTGGGATG AAGCATGTNC GTATTATTTA TATGATGGAA 180
TTTCACGTTT TTATGTNAAG CNTGACAACA CCAGGCAGGT ATGAGAGGAA AGCAAGGCCC 240
GTCCATNGCT GTCCGTACNC TTACGGNTTG CTTGTNGGAG NCATTTNGGT ATTGTTTGTT 300
GTAANANCCA AAANGGGCTT TGGNN 325

配列番号：136
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00150
配列：
GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTCG AAATCCACCT GTCAGGACGC 60
CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT NATGCACACC TCCCACCCCC 120
TGTATTCCCA CCCCTGGACT GGTGGCCCCT GCCTTGGGGA AGGTCTCCCC ATGTGCCTGC 180
ACCAGGAGAC AGACAGAGAA GGCAGCAGGC GGCCTTTGTT GCTCAGCAAG GGGCTCTGCC 240
CTCCCTCCTT CCTTCTTGCT TCTNATAGCC CCGGTGTGCG GTGCATACAC CCNCACCTCC 300
TGCAATAAAA TAGTAGCATC GGCAAA 326

配列番号：137
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00151
配列：
GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60
AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCCG GNCAAGGTCC CGCCCTCCCG TGGTCACTGG 120
CTCCGCCCCA GCACCAGGCG CCCAGTGGAG CCGTTTGGAA GAATTGCCTG CNGCACGAGC 180
GGGGCCGGAC AGGCGCACAG ACCTACTGTN GCGGGAGGAA GGGGCGGCTG CTGCCTGGTG 240
ACGGCACCCG GANGCCCACC AGGACGCGCC ACCGGTNAAT GTNNCTCTNG TGGCTGCTGA 300
GAAAAATACA CTGTGCAAGT CAAA 324

配列番号：138
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00152
配列：
GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60
TAATGTCTGG ATTATCCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTTCA GGTATTTAAC AATGTTGTGA 120

CTAATTGGCT TCCATTATTT CCCTAGAGTA GGTTCTGTTA TNACCCTGGA ATATGTTTGT 180
AATAGAGTGG GCTATTACAA TCATCTAGGA TAAAGATAAT CGTGGCTTGG AATAAGGGTG 240
GTAGCAATGG AAGTGATGAG AAGTCATTAG ATGCAGAATA TATTTTATAG ATGGANTGTG 300
ATAAANTAAA AAATAAACTG GGN 323

配列番号：139
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0153
配列：
GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60
CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAACATA TAGATGACGG GTTTGCCTAT NAAACTTCAG 120
TACTACAAGA AACATAAAAT ATTTAAATAT ATGANATTTA AATATATTTA AAATTATTAA 180
AGTAATATAA ACATTTTTNA GTGACTGTGT TATGTTTTTC TGGTTATTTT GTTTTCTACT 240
AGTATATTTT TCTGTAAAAA TTGTAAAACT ATATCAGCAA TTTCTAATGC CAANAANGTA 300
AAACCTNGTG TGTATAAATG CN 322

配列番号：140
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0154
配列：
GATCAGAGGC ACAAGTNCAG AGGCTGTGGT CATGCGGAAC ACTCTGTTAT TTAAGATGGC 60
TATCCAGATA ATCCTGAACA CTGTGTATTT ATTTAATTTA GACTACCAGC AAAGATTAAA 120
GCATGAAATG TAAAACATCT GATAAAACTT ACAGCCCCCT ACACCAAGAG TGTATCTGTG 180
AAAGAGCTCC TACACTTTGA AAACTTAAGA NTCCCTTNTC ATGAAGTTTG CCTGTNCTAG 240
AATTGTAAGA TTGTTAATTT CCNTCAATCT CTAGTGACAA CACTTAATTT CTTTNCTAAT 300
ANAAAAAGCC TNGTNGGTGN AAA 323

配列番号：141
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0155
配列：
GATCAAGTTT AAATGACTGT GCTGCCCCTT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60
CGCGCCTGCC TTTCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA GGGAAGGAAA GAACTTGCAT 120
GTTGGTGAAG GAAGAAGTGG GGTGGAAGAA GTGGNGTGGG ACGACAGTGA AATCTAGAGT 180
AAANCCAAGC TGGCCCAAGG TGTCCTGCAG GCTGTAATGC AGNTTAATCA GAGTGCCATT 240
TTTTTTTTTG GGTTCAAANG NTTTTTAATT TNTTNGGAAT NGNNCCANTT TTTTNAATTT 300
NGCAANTAAA AANGTTTAAA ANCTTAAA 328

配列番号：142

配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00156
配列：
GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAAT 60
TTNCCGTCTT ATTTCATTTC TGTAACAGTT GATATCTGGC TGTCCTTTTT ATAATGCAGA 120
GTGAGAACTT TCCCTACCGT GTTTGATAAA TGTNGTCCAG GTTCTATTGC CAAGAATGTG 180
TTGTCCAAAA TGCCTGTTTA GTTTTTAAAG ATGGAACTCC ACCCTTTGCT TGGTTTTAAG 240
TATGTATGGA ATGTTATGAT AGGACATAGT AGTAGCGGTG GTCAGACATG GAAATGGTGG 300
GGAGACAAAA TTATACATGT GAAATAAACC TCAGTATNTT AATAAAGTAG CACGGNTTCT 360
ATTTGNAAA 369

配列番号：143
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00157
配列：
GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNN 60
NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT AGACTAAGTT AAATATTTCT 120
GCACAGTGTT CCCATGGCCC CTTGCATTTC CTTCTTAACT CTCTGTTACA CGTCATTGAA 180
ACTACACTTT TTTGGTCTGT TTTTGTGCTA GACTGTAAGT TCCTTGGGGA CAGGGCCTTT 240
GTCTGTCTCA TCTCTGTATT CCCAAATGNC TAACAGTACA GAGCCATGAC TCAATAAATA 300
CATGTTAAAA TGGGATGAAT GAAA 324

配列番号：144
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00158
配列：
GATCATTGAA CGAGACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAGATG 60
TTAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT AGAGGAAGAT TCTTTACGTT 120
GTTGTNCTTG TTTTTAAATC ATCAGTATAG TTTAACACAT TCTTTCTAAG CAGTTTTGTG 180
TGGGATAATT TGAAGAATAT ATTATGAGTA ANCTCCGAAA ATTTTGTTTA TCCAAAGGCT 240
CANTGGATTA TGTTTCTATT ATNTACAAGG TTTTAAGTAA ACATANNNTT TCCNGNNCNG 300
AGNTTANAGN NATTTN 316

配列番号：145
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00159
配列：

GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60
AAGCATTTCC AATNAACCAT GGTGAAACTA GTGATGAAAC TTTATNAGAG GATGCCATAG 120
AAGTTTGCAA GAAGTTTATG GAGCGCGACC CTGATGAACT AAGATTTAAT GCGATTGCTC 180
TTTCTGCAGC ATAGCTTGTC AATAATGGAA ACACCAAAAA CTGTATTATT TGCAACTAAA 240
TTTTCTCTGC CATACACTAA CTCAAAAATT TTGATATTTT CATTAACTTG ATGATTAAAC 300
TTTATGTGAG TTAANCTTTG AAA 323

配列番号：146
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00160
配列：
GATCTTACTG CTTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTNATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60
TTGATTTTTG AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTTCA AGATGTAATT TTACATTNCT 120
GCATTTTTAA AACAGTTTGG CCATAATCCT AGATGCACGC TTCTAATTCA TGTACCTGCA 180
CATGTGACCT TTGTGAACAG NAATTTGCAT GNATAATTNG TGTTTACTTG TAACTNTCTG 240
GTTATATACT GCTTATATCT GTGGATTCAA GTTACTGAAG TGGANTNCCA ATAGAAAGNA 300
ANCCCTAGGC CATGTTAAA 319

配列番号：147
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00161
配列：
GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTTAAAC 60
AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC TAACCTGGTC ACTCATGGTA 120
ATNAGAAACT CTGATTGGCA GCTTTGTATT TCTTGACTAA AAACCTAAAT AAACTGATTA 180
GGTTTTAGGC GTTCTTTCAA AGAGGTTCTT GAGAAGATTG AGAACTATCC TATTTGGTGC 240
TTAGTGAAAA GATTTTGAAT TACTGTACGT ACCAGTTGTT GCCATTTCTT TATTAAATTC 300
AGAAGTTTTT TTGCCN 316

配列番号：148
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00162
配列：
GATCTTGGAC AGCNTGGGTA TCGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60
GCTGAATGGA AAAAACATTG AAGACGTCAT TGCCCAGGGT ATTGGCAAGC TTGCCAGTGT 120
ACCTGCTGGT GGGGCTGTAG CCGTCTCTNC TGCCCCAGGC TCTGCAGCCC CTGCTGCTGG 180
TTCTGCCCCT GCTGCAGCAG AGGAGAAGAA AGATGAGAAG AAGTAGGAGT CTNAAGAGTC 240
AGNTGNTGNC ATGGGATTTG GCCTTTTTTG GTTAAATTCC TGNTNCNCTG CAAATAAAGG 300
CTTTTTTTAC AGANGTAAA 319

配列番号：149
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00163
配列：
GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGTGT AAATATTGAG CCTTTTTGGC CTGGCTTGTT 60
TGCANAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC TGCAATGTAG GGGCCGGTGG 120
ACCTGCTCCA GCAGCTGGTG CTGCACCAGC AGGAGGTCCT GCCCCCTCCA CTGCTGCTGC 180
TCCAGCTGAG GAGAAGAAAG TGGAAGCAAA GAAAGAAGAA TCCGAGGAGT CTGATGATGA 240
CATGGGCTTT GGNCTGTTTG ACTAAAACCT CTTTTATAAC ATNGTNCANT AAAAAGGCTG 300
GAGCTTTAAT AAA 313

配列番号：150
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00164
配列：
GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GGTTTATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTNA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA GAGCCTCAAG AACCCAACAA 120
GGTGCCCCTA GAAGACACAG AGACAGATGA NCTTTGGGCA TCCTTGGAGG CAGCTGCCAA 180
GCGGANAGCT CTCGGGTTTG GAGCAGCCCC AAGGAGCTCT CCAAACGAGA CGGAGAAAGA 240
AGAAGCGGCC TGGGTCCACC AGCCCCTGAC GCCCCTGTNN CCACTTTGTA AATAAACTTG 300
CTGAACACCC AAA 313

配列番号：151
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00165
配列：
GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA ACAGAAAAAG AACTTTAAGT 120
AAAAATTAAG GGAATATTAA TAAAGTATGC ATTTTGGTTA ATAATGTATC AATATTGGTT 180
TATTAGTTGT GACAAATGTA CCAGAGGAAT GTAAAATGTC AACAATAAAG GAATTGGATG 240
TGGGGTCCAT GAGATGCTGT ACTATTTTTG CACTTTTCTT AAATCTAAAC TCTTATAAAT 300
TTAANCATAA AGN 313

配列番号：152
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00166

配列：
GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTTN AAATCTTTGG CTGCCTTGGC CAGTAGGAGG 60
CGACACGAAG GATTTNCTGC TGCCTTGGGG GATGGGAAGN AACCTGAAGG CATTTTTNCC 120
AGAGTGGTGC AGTACCACTN AGGACTGTTG CTGTATTGAT TAGGAAAAGA GACAGAGTAA 180
TTTNCAGTTT GTTTGATTTA TACTTTTGTT TATCTACAAC CCAATAACAG ACATGAGGGA 240
TGGCCCTGTC TCTCTGGGAC AGAGCCTCAA AGATGATGTC CATGTTTTGT GTGAATGAAA 300
CTCAAACACT CTTCAAA 317

配列番号：153
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00167
配列：
GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCCTTATG CTGGACTTTT 60
AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT TCATTCTTTG TGAAATGGTT 120
GCTTCCTCCT GATTCCCTAA TTGTGCTGTG TTCGTGTCTT GCACTGGAAT TCAACATTCC 180
CTTCTCCTTT TGTACTGTGT TGTGCTTGCT GTCTCTCCCG GACANCCTTA AAGACTGTCT 240
TTTTAGCAAA AAATTTCAGT AAAGTGTTTT CTGTAATCTT TTTTTAAAAG GTGAGAACTA 300
ATTATTGTCN 310

配列番号：154
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00168
配列：
GATCACCACG GTTTTCAGCC ATGCTCAGAC AGTGGTTCTT TGTGTAGGTT GTTCAACAGT 60
GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA GGGTGTTCAT TTAGAAGAAA 120
GCAACACTAA TGATTCAAAC AGCTTCCTGA ATTTTAATTT TGTGTTGTCT CACAGAAAGC 180
CTTATCATAA ATTCCATAAT TCTAATTAAT TTACCAAGAT AATGTAATTA CATTTGGTTT 240
TGTAAGGTAT ACAGCAGTAA TCTCCTATTT TGGTGTCAGT TTTTCAATAA AGTTTTGATT 300
ATGGGCAAA 309

配列番号：155
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00169
配列：
GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNAA TGTAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTCAA 60
AAGTCAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG AAAANCCTTA TGANTGATTT 120
GGATATTAGA AATTNCCAGC CACAAGTCAG CCTCCATAAT GCNTCAGAGT CTTCACACTG 180
TGGAGANGGG CCTGTTGACA TCCTGATTGT TCANTAACTA TCCACAACCT CGCCTTATGT 240
TACTCCANNG TAACAGTAGG GGTTAANCCC ATAGNCTACA ACACCTNTNG GNTGGCTTTT 300

NTTAGGN 307

配列番号：156
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00170
配列：
GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGTT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC TCCACACATC ATCCTTAGCA 120
GCCCAGACTG CATTTCTGTA GCAGCCTCTT CCCTGGTCTC TTCTTTCAGT CTCTCTGCCT 180
CTAATCCAGT GGCTTTAAGA ATTTTTTGGC TGTGACTTCC AGTAAGAAAT ACAATTTACA 240
TTGTGACCTA GTAAATATGT GTGTAAGATT TATTAACTGA AATAAAAATG TTATGATTTA 300
ATTTTTN 307

配列番号：157
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00171
配列：
GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA CGTCCCATCT GTGGGTCCTT 120
GTTGGTGGCT AATGAAGTGA GGGGAGGGAG GGATGTCACC CCAAAAGTAG GCCCTCCCAT 180
TGGCTTTGGC CAGGCCAGAC ACTTCACATC GTTTACATGG TTCTGTGTAA TTTTAAAGTT 240
TATGTGTATA AAGCGACGGT TTTCTGTGAA CTGTATATTT TGTAAATAAA TATATTGCTA 300
CTTTGN 306

配列番号：158
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00172
配列：
GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTTNATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGG TCGGCTTGTN 60
AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAAATGTGA AATGTCAACC CTCACTCTAA ACTTTCCCTG 120
TTCAGAGCAT CAGATGAAGA CTTCATTGGG TTTTATAGTG GCTTTCTGAT TTTNGGTAGT 180
CCATTGAAGA AGGGAGTTTG AAAGTTGTTG TATACTGTTA ACGATTGTCT GCCCATGTCC 240
TGCCTGAAAT ACCATGATTG TNTATGGAAA GTATCTTTAA TAAAGCTGGA TACAGTTTGG 300
CTTGGAGAAA 310

配列番号：159
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00173
配列：
GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG GAGGCTTTGA AGAGAAAGCA 120
GCAATGCTAA ACCTCTGTTT CATGCTAACC AGACACGCCG TGCACTCGTT AGATTCCTTT 180
CTTAGAAAAC TCGTTTTCTG CTCCCTTCCC TCGTCCCTTC CCTCCCCGAC AGGTCACATA 240
ACAGCTGCAT CATTGACCGC ACAGCGCCAT CTCTCCCTGA GAATAAAGCC GATAGCCACC 300
NTCAAA 306

配列番号：160
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00174
配列：
GATCTATTGG ACTTTTTTTT GCAGGAAGTG CATTCTCTGG TCCTTCCCTA TTTTCTGTTC 60
TGGATGTCAG TGCAGTGCAC TGCTTACTGT TTTATCCACT TGGCCACAGA CTTTTTCTAA 120
CAGCTGCGTA TTATTTCTAT ATACTAATTG CATTGGCAGC ATTGTGTCTT TNACCTNGTA 180
TACTAGCTTG ANATAGTGCT GTCTCTGATT TCTAGGCTAG TTACTTGAGA TATGAATTTN 240
CCATAGAATA TGCACTGATA CAACATTACC ATTCTTCTAT GGAAAGAGAA ACTTTTGATG 300
ATGAAACAAT AAAGNTTTTA AATATCAAA 329

配列番号：161
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00175
配列：
GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTTNATG 60
TTGCTTAACT GTTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTTA AAAAGTTATA GCTTTTGCAA 120
CTTTATTACT GGTTATATAC ATTTGGCCAT TATNATGTGC AAGCAATTGG AAAAAAAGTC 180
AAGTAAATGC TTGTTTTTGT AGTAGTTTGT TCTTGTTAAA AATGTTTATA TGATAATGTC 240
TGTAAACAGC ATCACTTTGA TTACAATAGA TGTAGTGTTG TAATAAACTG TTTAATGGGG 300
AAA 303

配列番号：162
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00176
配列：
GATCTCTCTA GCTTTGTCAT AGTTATGTGA TTTTCCTTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC CCTTAGTGAC TCTTGAAGTA 120
CTTAACATAC ACGTTAACTG CAGAGTAAAT TGCTCTGTTC CCAGTAGTTA TAAAGTCCTT 180
TGGACTGTTTT GAAAAGTTTC CTAGGATGTC ATGTCTGCTT GTCAAAAGAA ATAATCCCTG 240

TAATATTTAG CTGTAAACTG AATATAAAGC TTAATAAAAN CAACCTTGCA TGATTAAA 298

配列番号：163
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00177
配列：
GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60
CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATGGATGTN AAATGCCCAG GATGCTATAA AATCACCACG 120
GTCTTTAGCC ATGCACAAAC GGTAGTTTTG TGTGTTGGCT GCTCCACTGT CCTCTGCCAG 180
CCTACAGGAG GAAAAGCAAG GCTTACAGAA GGATGTTCCT TCAGGAGGGA AGCAGCACCT 240
AAAAGGCACT CTGAGGTCAA GGATGAGGTG GGGAANCCAT CTCAATTAAC CACCATTTTT 300
TGGGTTAAA 309

配列番号：164
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00178
配列：
GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTTCCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60
CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG CGCCTTCTAT TACATTTGCC 120
TAACATCTTT GGACGTGGCA GAACCTTACA TATTCTGTGA GCTTCGATGA GCCAGAGTGA 180
TATCATAACC ACCAGAAATC ATACTCTCCT TTCTTAGTCA CAACAAAATC ACACATGTCA 240
TCTTTGTCAA GGGCATAAAT ATATCATTCA TACCCCCATT AAATTTTGTT AGAAA 295

配列番号：165
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00179
配列：
GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60
CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTCAGAAG NCCCCTGNTG CATTGAGACT 120
TGAAACCTTT GGATAGGGGA AAAAATTATA TATATATATA TNNNTTTGTT CTGTTTGCAT 180
TTCTTAATTT GTGCTTGGAA TGTGTTGATG TGCACAGCTA ATGATTCAAT GCGAGACAAG 240
ATTGGCGTCT GTGTTGTGGA GGTTTCAAAT AAAGAGCACT CTTCATAAA 289

配列番号：166
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00180
配列：

GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTACTTCCAC TTATAATACT TGTGATTGGG GAGGTTTGTG 60
GAAATTCAAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAATG TTGGCATACT TGGGGAATTT 120
AGTGGCAAAT ACATTCCCCA GCAGGCCTTT TGTTGGTTGC ACTAACTGCA AGGTTGCTGG 180
GAAGTAGAGT CCATTTGGTT GATGAGCTTT GACTGCGGTT TTGGAACCTT ACCTCTCCTC 240
CTTAGCCCAA TATGCTGTCT TGGGTCCTAT TCAAATAAAG TTATTTCTCC TGGTCTCAAA 300

配列番号：167
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00181
配列：
GATCAAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60
TCAACAAATC AAGCAAACTG GAATCAAGGG GAGGGGGAAG GGAATNAAAT GGAAAGGGAG 120
GCTGATTCCC TTCCCCTGAC TTACCACTAA TTTACTAGGC TACCTACTTT NATGAGTAAC 180
CTCTCACAGC TACCCAGCAC ATGCCACAAT CCTATGCTCT TGCCTTCTTT NATCTGCACT 240
GTGTGAAGGG ACTCTTTTAA ATAAATNAGC AAGTGTCCTA AGCTATGTCA AA 292

配列番号：168
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00182
配列：
GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60
ATGTTGAAAA AAAACCCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA CCGAGTGCAA TGAATGATGC 120
TTTTNTGAAA ATGAAATATA ACAAGTGGGT GAATGTGGTT ATGGCCGAAA AGGATATGCA 180
GTATGCTTAA TGGTAGCAAC TGAAAGAAGA CATCCTGAGC AGTGCCAGCT TTCTTCTGTT 240
GATGCCGTTC CCTGAACATA GGAAAATAGA AACTTGCTTA TCAAAACTTA AA 292

配列番号：169
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00183
配列：
GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCACTCACCT ATGTTTTGGG TGGATTGCCT 60
AGGAAAGCAA GTCATATGGC CATTGATAGT TCTCATGTAA TTAGTTTTGC TCACCACTAG 120
TACAGATGAC CCGTTTACAC GTGGCTTCCC TCGGAAGCCT CCTCAACAGT AGCTGGTGTG 180
AAAGACTAAA TCAGTAGAGT TGGAAAAGCT TTATAACCGG TGTGTCATAT GCTTGCTATT 240
TAAAGCTGTG TGTTGGTTTT GTTTTTCTGC CACATTCACT AGTTTTTTAA TAAATATTTT 300
CCAAAAANTGG AAAAAAANAA NNCCCNCNNC CCN 333

配列番号：170
配列の長さ：401

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00184
配列：
GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNGAA AAGAGAAGAN 60
AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC TGCTCCTTAT TTTAACTTTG 120
TNTTGCATTG TCCTGTATTT ATCACAGTTT CTGTTGAACA GCTTTTCAAG TATTTGGGGA 180
GTTTATCTTG CCATCCTCCC CTTCTGGTTC TCTGCACCCA CCTGTCCCAC TGCAGTTCCT 240
TCCGTGCTCT GTGACTTTAA GAGAAGAAGG GGGGAGGGGT CCCGGATTTT ATGTTTGTTT 300
GNTNTTTCTC CTTAGCAGTA GGACTTGATA TTTTCAATTT TGGAAGAACT AAAAGATGAA 360
TAAACTGGGT TTTTTTTGTT GTTTGNTTTT GNAAATTCAA A 401

配列番号：171
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00185
配列：
GATCGAGCTC GCCTATNAGC AAGTGGCAAA CCCCCTCAAA TAAGCCCCTC CTGGGACTCC 60
CTCAACCCCC TCCATTTTCT CCACAAAGGC CCTGGTGGTT TCCACATTGC TACCCAATGG 120
ACACACTCCA AAATGGCCAG TGGGCAGGGA ATCCTGGAGC ACTTGTTCCG GGATGGTGTG 180
GTGGAAGAGG GGATGAGGGA AAGAAATGGG GGGCCTGGGT CAGATTTTTA TTGTGGGGTG 240
GGATGAGTAG GACAACATAT TTCAGTAATA AAATACAGAA TAAAAATCAA GTGTTTTTAC 300
GCAAA 305

配列番号：172
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00186
配列：
GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60
AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAACTT GAATGTGTAT GTTTGACAAG 120
TCCTGCTTGG CCTGATGGGT GGGAGANGGA ACCTGAGCCT GGCTGAGATG GCTAGGCGGA 180
GGGCTTTGAA GTCCAAGCAG CTGAACTGGC TGGGTGGGTT TCTACCTTTG AAACTGCAAG 240
ACTTNTTTTG GAGCTCTTAA TTACAATATC TGATATTTTT ACAGTCTGN 289

配列番号：173
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00187
配列：
GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTCACA 60
CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC ATGGTTTGTN ACTNTTGAGC 120

TTCTGTTCCT AGAGAATCCT AGAGGCTTGA TTGGCCCAGG CTGCTGTNTG TNCTGGAGGC 180
AAAGAATCCC TACCTCCTAG GGGTGAAAGG AAATNAAAAT GGAAAGTTCT TGTAGCGCAA 240
GGCCTGACAT GGGTAGCTGC TCAATAAATG CTAGTNTGTT ATTTCN 286

配列番号：174
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00188
配列：
GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60
AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT AGATGACAAG NATTATTTCC 120
TATTTAGAGA TGGTGACATT CTTGGAAAGT ACGTAGACTG AAATAAGTCA CTATTGAAAT 180
GGCATCAACA TGATGCTGCC CATTCCACTG AAGTTCTGAA ATCTTTCGTC ATGTAAATAA 240
TTTCCATATT TCNCTTTNAT AATAAACTAA TGATAACTAA TGNCATCAAA 290

配列番号：175
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00189
配列：
GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60
NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT CCAGGCCAGA AGGCCANNGC 120
CACCCAGCAG CTGTTTGCCA GAGCTGGAGC TCAGTTGAAG ATGATGCTCA AGGTACTCTT 180
CATGGCCACC ATTCGTGTTG GAAGAACGNT TTACTNCNNA CAGCTCTTTA CCTTCTGTGT 240
GTTTNAGNTG TTAGNAGATN TCAGGAATAA TGTGATTGCC TTGN 284

配列番号：176
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00190
配列：
GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60
TTGAGCATTT TTAAGGGAGT GGCCTCATTT CACTAGAGAC AAATCTTTAA GAATAGTTCT 120
AAAATTGGGC TTGTGATTTC CATTTCTGAT GTCTCCAGAT TGGCACCCCT TTCTAGTTCA 180
ATGCCTCACG AGATTTTGCC AGGGGCATCC AAGGCAAACA ATCCCAATCT TTCTATATAA 240
ANTGTATTCA AGCAAACATC AAATAANTTT CTGGGATATT TN 282

配列番号：177
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00191

配列：
GATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTTTGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTTGGT GAGTTCTGCA 60
CATTTCCCCT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG ATGGCAGAAG TGGAAGATGA 120
GCCTACTTGT GAGCGATGTG ACTTTAAGGA AATGAAGACT GGGGAAGAAT AATTAGTGTT 180
TATAAGACAT TTAAGAGGCC CTTTTTCATA TACTGACTCA CTGATGAATC AGCATTNGCA 240
TTNTATGGAA NAATATAAAT CCAAAGAAAT AATTTAAA 278

配列番号：178
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00192
配列：
GATCAAAATA ACCCTCGTAA AAATATATGT ANGGGGTACA CAAAGTAAGC CTCTTTATGA 60
AACAATTGAG GATAATNATG TGAAAGGTTT TAATGATGAT GTTCTACTTC ANATAGTTCA 120
CTTTCTACTG AATAGACCAA AAGAAGAAAA ATCACAGCTG TTGGAAAACT GAAAAAGCAT 180
ATTTNATTGA GAACTGTGGG AATATTTAAA TTTTACTGAA GGACCAATAA TGATGAGATT 240
TGTAACTGTC AACTATTAAA TACATTGATT TTTGAGACAA A 281

配列番号：179
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00193
配列：
GATCAGGCCC AGGAAGGGCA CAGGGGCTGA GCACTACAGA AGTCACATGG GTTCTCAGGG 60
TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA CCTTGAGAGT AGAGCAGACC 120
CTGTTCTGCT CTGGGCTGTG AAGGGGTGGA GCAGGCAGTG GCCAGCTTTG CCCTTCCTGC 180
TGTCTCTGTT TCTAGCTCCA TGGTTGGCCT GGTGGGGGTG GAGTTCCCTC CCAAACACCA 240
GACCACACAG TCCTCCAAAA ATAAACATTT TATATAGN 278

配列番号：180
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00194
配列：
GATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCGT CATTCCTCAC AGGACAGAAG 60
CAGAGTGGGT GGTGGTTATG TTTGACAGAA GGCATTAGGT TGACAACTTG TCATGATTTT 120
GACGGTAAGC CACCATGATT GTGTTCTCTG CCTCTGGTTG ACCTCNACAA AAACCATTGG 180
AACTGTGACT TTNAAAGGTG CTCTTGCTAA GCTTATATGT GCCTGTTAAT GAAAGTGCCT 240
GAAAGACCTT CCTTAATAAA GAAGGTTCTA AGCTGAAA 278

配列番号：181
配列の長さ：277

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00195
配列：
GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA TTAGCAACAA TGTACATTAA TTTTGGATTT 60
TCATTTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT GGAGCTTGAG TATACAGACT 120
GTAAATATAG TTCTTGTATT TGTACTAATT CTGATTCTTT TGCTNNCNNG CCTTAGATGT 180
GCAATGCAGA CACTATCTAA CTGTGTGTGG TAACCTTGCG TCACGGAGCT GTTAGTGAAC 240
GAGGTAAAAA TAATAAAGGT ACAGCCAGTG CATCAAA 277

配列番号：182
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00196
配列：
GATCAAAACN GATTTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60
GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG TGACAACTTT CAAAAACATC 120
AAGTCTGTGA CCGAACTCAA CGGCGACATA ATCACCAATA CCATGACATT NGGTGACATT 180
GTCTTCAAGA GAATCAGCAA GAGAATTTAA ACAAGTCTGC ATTTCATATT ATTTTAGTGT 240
GTAAAAATTA AATGTAATTA AAAGTGANCT TTNGTTTTTA AA 282

配列番号：183
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00197
配列：
GATCCAGATG ACCGTGGTNG TTGGGGTATA TCTCCTCGAG GAGCTGGTTA CACCTTTGGG 60
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA CGTTGGTGTC TAGAGCTCAC 120
CAGCTAGTGA TGGAGGCATA TAACTGGTGN CNNGGCCCGG AATGTAGTAA CGATTTTCAG 180
TGCTCAAACT ATTGTTATCG TTGTGGTAAC CAAGCTGCAA TCATNGANCT TTTGCGATAC 240
TCTAAAATAC TCTNTCTTGC AGTTTCACCN AGNNNNN 277

配列番号：184
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00198
配列：
GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTTGAG GCTGGAACTG TTTCTTTAAA 120
ATCCCTTAAT TTTCCCATCT CAAAATTATA TCTGTACCTG GGTCATCCAG CTCCTTCTTG 180
GGTGTGGGGA AATGAGTTTT CTTTGATAGT TTCTGCCTCA CTCATCCCTC CTGTACCCTG 240
GCCAGAACAT CTCACTGATA CTCGAATTCT TTTGGCN 277

配列番号：185
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00199
配列：
GATCGGTTTT TGTTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTTGCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC TATAAATTCC AACAACCAAC 120
TGGTGTGTAA AAATAATTTA AAATTTCCTT TACTGAAAGG TATTTCCCAT TTTTGTGGGG 180
AAAAGAGCCA AATTTATTAC TTTGTGTTGG GGTTTTTAAA ATATTAAGAA ATGTCTAAGT 240
TATTGTTTGC AAACATAAAT ATGATTTTAA ATTCTCN 277

配列番号：186
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00200
配列：
GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
TTGAGGAAAA CAGTTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCACTGA AGATATTGAC ACAATTTNNA 120
AAAATCAGTA AAGGAATGTA TATAATATTG CNCTCGTGTT TTACAGTAAG ATTTGTTGCT 180
CTCAGACTGT GTAAAACAAA ATTNATNGNT GTTTTCTGCA TNTTAAAAAA TCTTATTGTA 240
CCANCTGGTA ANCTATTAAN TGCCTATAAN NCTAAA 276

配列番号：187
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00201
配列：
GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTTAG TGTAAATGTG ACTTNTNGAA 60
CTGTATGAGT ATTTTAAGAT TATTNGAGTA AAGTAAGTTT TAAAAAGCAG TCCCTAATCA 120
TCAAAAGTAA AAAACTCTTG ATGTAGTCAT ATAACCACAC TAAGAACTCT TCCAGGTGAC 180
TTCAAAACAT AGGACAGTAC ATCTCTAGTA GANTNTGCCC TGAGAATGAA AAGAATGTAA 240
CAGTGTTAGT ATTTTGAATA AACATGTTAT TACTN 275

配列番号：188
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00202
配列：
GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTTTT TTGTGTTTTT TAAAGGAATA 60
TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT GTNCTTTAGT CACACCGACG 120

TCTTATTTTT CCCTTTAGGC CAGTTCTGTT TTTAAGGTGT ACATGGNCAA TGTTACAGTG 180
TAAGAAACTC CATATCCATA TGTNCCCATT CGCATTTTGT ATTGGTTCAT GTATACCATT 240
TTTNCAAAAN ANANGGAANA ANNGGNAGTN CTN 273

配列番号：189
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00203
配列：
GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTCGTNA CGAGTATTTN ACGTTAACAT 60
AATTGAAAAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAAATNATG TCTAAACAGA AATGGGACAA 120
ATAGACTTGA AAATAGAAGG GATTTATTCC ACCCCTGCAA GGGTAAGAGT CAGGTGAGAG 180
TCCCTTGGTG AGTCATTTGT ACATCAGTGT CATTTCTTCT TAACCTCTGA AGAAAGATGG 240
GCATCAGAAA TAAAGACAAA GCACTATCAA A 271

配列番号：190
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00204
配列：
GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60
CTTGGGGACA ATTCATCGGA GCTGCCTGGA GCACTGGCTG TCATCCTCAA ACACCAGCTA 120
CTGTGAACTC TGCCACTTCA GGTTTGCAGT CGAGCGAAAA CCCAGGCCGT TAGTGGAGTG 180
CCTGGGAAAC CTTGGCCCCC AGATTGGGAG GGGNCTTTTT TTTGGNGANA TGGTNNNTTT 240
TGGGTTNTAA ATCNCCNGGG NNCCATNTNN 270

配列番号：191
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00205
配列：
GATCTCTGAG CTGCCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60
TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT GGTAAAAAAG AGACAATCGA 120
GGAATGAGGA CAATTTTGAC AACTTTTGAC CACTTGCGCT AATAAA 166

配列番号：192
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00206
配列：
GATCTACATG AGAAGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60

GTTTCTTGGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG ACCCATCCTC CATCCTATTT 120
ATAGTGGAAG GGCCTTCAAT TGTATCAGTA CTTTNTTTTA AGCTCTGGCA CATTGACCTC 180
TATGTGTTAC CAGTCATTAA TGAGCTGCTG CAGAGGTGAC TATTTGTTTT ACTTTCTTGG 240
ATGTTAACAT TACACTACTC ACTACTCAAT CTCAAA 276

配列番号：193
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00207
配列：
GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60
GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGGTAA AGTCCTTTGT AATAATAGTT TGATTTTTTT 120
ATTTCGAGAG AATCTTTCAT TTTCCTATGT ATGCTTTTTN CCTTTTTTGC CCAGTTTCCT 180
TATCACTTGC TGTAGATGGC TTATNTNGCA TTCATGCAGA CTATGTTGCA AGTCTGTTTC 240
ATCTAGTAAA CTGAAAATNA TTGCTTAATC AAA 273

配列番号：194
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00209
配列：
GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTTN CTTTTAATCA 60
GCCCACCTTT TGACTCCCCG CCCGCCCCAA TCCATTATNT TTTTCTGCCT TCCGGGTCCC 120
ATCCTTAGAG CTCGAGTCGT TCCTTCCCCT CCTGGATTCC GGGTAGCAGA GGCAGCGCCG 180
CAGGAGGCGG GTGCCCGTTT GTCCCAGGNC TGGGCGTGGT GGAGNNAGGG GTGCTGGAAC 240
AATAAACGGC ACNNNNCAAA TGTCAAA 267

配列番号：195
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00210
配列：
GATCCAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCCTA CATTGACTCC 60
TGGCCTACAT CAGCCAAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGGA TTTGATAGCC AATTAGTTCT 120
GTGCTGGTTG CAAAGAATTG ATATTTAGAT GGTTTTTAAT ACTCAGCAGA TTGTCTTCCT 180
TTATATTGTG TCTTTTTTAT GTNGCATGTN GCTTTTGTTA TCAGCCTGAT TTTTTGCTCA 240
GTATATGATA GTNCTGCTGA TGTTTTGTTT ATTGGGCAGA CATATCTTCA TTAAGAGTTT 300
TTGGAAAACT CATCAAATTC GATGAATACA TTTTCTTCAT AACCCATTTG GAATTATTCC 360
TAATAAAATG ATAAAATACG TAAA 384

配列番号：196
配列の長さ：277

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00211
配列：
GATCTAAAAA AATTCAGAAG AAATATGATG AAAGGAAAAA GAATGCCAAA ATCAGCAGTC 60
TCCTGGAGGA GCAGTTCCAG CAGGGCAAGC TTCTTGCGTG CATCGCTTCA AGGCCGGGAC 120
AGTGTGGCCG AGCAGATGGC TATGTGCTAG AGGGCAAAGA GTTGGAGTTC TATCTTAGGA 180
AAATCAAGGC CCGCAAAGGC AAATAAATCC TTGTTTTGTC TTCACCCATG TAATAAAGGT 240
GTTTATTGTT TTGTTCCCAC ATTTATGTTG CCTGAAA 277

配列番号：197
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00212
配列：
GATCGGCGGC GCGCAGNAAC CGCTCCTACA GCAAGCTGCT GTGCGGCCTG CTGGCCGAGG 60
CGCCTGCGCA TCAGCCCGGA CAGGGTCTAC ATCAACTATT ACGACATGAA CGCGGCCAAT 120
GTGGGCTGGA ACAACTCCAC CTTCGCCTAA GAGCCGCAGG ACCCACGCTG TCTGCGCTGG 180
CTCCACCCGG GAACCCGCCG CACGCTGTGT TCTAGGCCCG NCCACCCCAA CCTTCTGGTG 240
GGGAGAAATA AACGGTTTAG AGACTAGGAA A 271

配列番号：198
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00213
配列：
GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60
CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA AAGAATCAAA GGTTCTGATT 120
TTNAGTTGCA ATAAAGGGAA AGACCATGCT CATAGCAGTG CCAACATCTG AAGTGTGGAG 180
CCTTACCCAT TTCATCACCT ACAACGGAAG TAGTTAACTG GAAGAGATTA CCAAGAGAAT 240
AAAAAGAGAC TCATTCAGTG GAAA 264

配列番号：199
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00215
配列：
GATCTGCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60
TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTTGCAGT ATGCTATAAA TGATACCCCC CTACCACACC 120
CACACACACA GTTTTTGTCT AATGAAAATG TTGCTGTGAT TATTTATAAT TGGTAGTATT 180
TCTTCCAGAA GAAGCTAAAA TAAGACTGGC ACTTACCCTG AAGTGCATTA ATAAAACCAC 240
ACTTTAAAAT TAANAAA 257

配列番号：200
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00216
配列：
GATCAACCTG AGCNTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGCGTCATTG ACATCTGCAT 60
GAAGCTGGAG GAGGGCAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC AACAAGCAGG TCATCCGTNT 120
CTACAGCCTC CCTGATGGCA CCTTCAGCTC TGATGAAGAT GAGGAGGAAG AGGAGGAGGA 180
AGAAGNGGAA GAAGATGNGG ANGAAACTTA AACCAGTGAT GTGGAGCTGG AGTTTNTCCT 240
TCCACCGAGA CTACGNGGGC CTTTNATGCT TAGTGGAATG TNTGTCTAAC TTTGCTCTCT 300
TGACATTTTA GCAGTTGAAA TTAAATTATA TANTCTGTTT TNNGTCTTTT NAAATAAANA 360
AAANNANATT NTGN 374

配列番号：201
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00217
配列：
GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
ATCTAACATT ACCATTCACG TTAAATGAAG TTTCCTCATA ACATTTATCT TTAGTTTTAT 120
GAAGTCATCG TGACCAATGT TACAGTAATT TCTGTTAGCT GATTGTGGTA AACAATGTTT 180
AATGNGAAAA GAAATTAAAA CTTTCTTCAT CTGTTGTAGA ATATTTCTCT TCTTTAAAAT 240
GGCTTCTATT CATAAA 256

配列番号：202
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00218
配列：
GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAAACCC AAAGAACCAA AAACAAACCA CCCCAAGGAT 120
AATAATAGCT ACACTGCTAG CTTCTCAAGT TCTTGTGAAA AACAATTTAC ATAATGACAC 180
AGTAGATGTG GAACACCTAG CCAGTGCCTG GGCAGGTCCC TATTATCATA AATGAACATA 240
AAGTGCTCTA AAAACN 256

配列番号：203
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00219
配列：

GATCCAAATC AGGAAAAGAC GGCGCCACTA CAATGGAGAA GCATATNAGG ATGATGAACA 60
TCATCCCAGA GGTGGTGTTC AGTGTCAGAC CTCTTAATGG GCCAGTGAAT AACACTCACT 120
GCTGGCATTT AATGTGCAGT AGTGAATGAG TGAAGGACTG TAATCATAAT ATGCTCACTA 180
CTTGCTCTTG TTTTTGTTTT AATAAACTAT AGTAGTGTTA TAANNNGTTA AATGAAGAAT 240
AAACGCAAAT ATAANAGCTC TGAAA 265

配列番号：204
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00220
配列：
GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCT CCACAGCATT 60
CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA AGAGCGCTGG ACTTGAAATC 120
AAAATAATTG CGTTATGTCT TTGGTTATGT CGCTTCATCA TAGCACTTTC TAAAACTATT 180
TGACAAACAT GTATTGCATA CCTACNGCAT TCCAGTTCTN GTACANGTAA TTAAATGCTC 240
GACTAACGNN AAA 253

配列番号：205
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00221
配列：
GATCTGGAAT TGGACATTTC TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60
CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG CTGAGAATAT NACGGCAAGA 120
GGAACAGAGN TTGCTCCAAG TGGGAAAGGG TCCCAAGCAG TCCAGAGAAG ATGTCTGTGT 180
GGCTTTCCCT CCCTGCCTCC CCCAGCTCCC ACACTGGCCT TTGTAAATAA ATGGCGTGGT 240
CTTTGTTGTG AAA 253

配列番号：206
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00222
配列：
GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTC AGCCCTTCCT 60
GCCGAGAAAT CTTNTAAATT TCAACCTACC TTTAAAAATA AAGTCTCCCT ACTTAAAATC 120
CAGTAGATAT CATGGCACTA ATGCTAACAC CCCTTTCCCC AAATTAATAA AACAAAAATA 180
AAAAAAAGAA AAAANTGCAG GCATGCAAGC TTGGCGTANT CATGGNNTNA GCTGTTTCCC 240
NGTCACGGCG TGN 253

配列番号：207
配列の長さ：251
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00223
配列：
GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTNCC AAGTGAACAG 60
CTGCGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC AGAGCCTGGG AAGGAGGCCG 120
CTATGAGGGT AGCACTGGGA ACAGGAGACC CACCTNAGNC TCAGCCTNGC CTCAGTNTAC 180
TGGGGAGTTT ACTACCTGGG GCCCANTTGA CATGCTCCAG CTACANACAN TTANTTGCTT 240
TTTTNTTGGN N 251

配列番号：208
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00224
配列：
GATCGATTCT TGTATATTNA TTTTATCTCT TTCTGTATCT ATAGGTAAAT CTCAAGGGTA 60
AAATGTTAGG TGTTGACATT GAGAACCCTG AAACCCCATT CCCTGCTCAG AGGAACAGTG 120
TGAAAAAAAA TCTCTTGAGA GATTTAGAAT ATCTTTTCTT TTGCTCATCT TAGACCACAG 180
ACTGACTTTG AAATTATGTT AAGTGAAATA TCAATGAAAA TAAAGTTTAC TATAAATAAT 240
AAA 243

配列番号：209
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00225
配列：
GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60
TACAGCCTTT GGNNCNNTTG TTTCCATTTT TTAAATATCT TCTATATCCA TATAGTATTC 120
AAATNATTAA TGCTCATGTA CCAAGGTTTT GCTATAAAAG TTTTGNCTGT ATGAATAATG 180
TGGCTTTAGT AAATAATCAT TTTTCAACTG TAAACTTATT CTGAAATAAA GTAAAATTCT 240
AATTGTTTN 249

配列番号：210
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00226
配列：
GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 60
TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTNAG ATACAATGTA TTCCTTGTAC TGAAAGAATG 120
AAAAAGGACT TTTTCAGCAT TTGAGGTAAG TNCTTTAACG TTTCATTAAA ANCATTTTTT 180
ACAAATATTT TGTACATGCA CTTGCAGTAT TGAGGTTAAT CATTTTAATA AATNCGGAAA 240
TTAAAACN 248

配列番号：211
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00227
配列：
GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTTNCTACA TAGATAGTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT TATGTGATTT TAGTGGTATT 120
TTTGGCACCC TTATATATGT TTTCCAAACT TTCAGCAGTG ATATTATTTC CATAACTTAA 180
AAAGTGAGTT TGAAAAAGAA AATCTCCAGC AAGCATCTCA TTTAAATAAA GGTTTGTCAT 240
CTTTAAA 247

配列番号：212
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00228
配列：
GATCAAAACA AACAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTCCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAAT ACAGATAAAC AGAGTTGGCA GTATATTATA 120
GTGATAATTT TGTATTTTCA CAAAAAAAAA NGTTAAACTC TTCTTTTCTT TTTATTATAA 180
TGNCCAGCTT TNGGTATTTC ATTGTTACCA NGTTCTATTT TTNGANTAAA ATTGTTCTCC 240
TTCTAAANGT TTTAAA 256

配列番号：213
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00230
配列：
GATCGGCAAG CCCCACACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTTNATGC CATTTCTAAG 60
ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT 120
CAGGAGTTCA CTGACCACCT NGTCAAGACC CACACCAGAG TCTCCGTGCA GCGGACTCAG 180
GCTCCAGCTG TGGCTACAAC ATAGGGTTTT TATACAAGAA AAATAAAGTG AATTAAGCGT 240
GAAA 244

配列番号：214
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00231
配列：
GATCAGATTG GGTCCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60
CGATATGGTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC ATAGGCTTCT TTCAGTCTTT 120
ATGTCACCTC AGGAGACTTA TTTGAGAGGA AGCCTTCTGT ACTTGAAGTT GATTTGAAAT 180

ATGTAAGANT TGATGATGTA TTGGCAAACA TTAATGTGAA GTAAATNGAA TTNAATGTNG 240
AAA 243

配列番号：215
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0232
配列：
GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60
GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA CAACCAGAGA TGCTCCACAA 120
GGATATGCTC CCCACGGTTT TCTTTCTACA ATTTCCAAAG GTTGCAAGAT GTTTTTTTGT 180
GGATGAATAT AAAATTTTAT TGTGTAATTA CTTGGTTCCA TTAAAATTGG TTAACTTGCT 240
AAA 243

配列番号：216
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0233
配列：
GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60
TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAAACT GGCTAATGCT GAACCCTACA TATACTATGT 120
TTTTNCTGTA CATATATATG ATAAAGTTTA AATNATAAAT NAGGTACAGT AACAACAATA 180
ACAGTAAAAC AACAGTTATA ACAATATACT GTAATAAAAG TCATGTGAAT GTGGTGTTTC 240
TCN 243

配列番号：217
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0234
配列：
GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTTACAGG TCAGTTGAGG 60
CAAAAAACTA TGGGTTTTTT CAGGTGAACC TCCCCCATTT AAATACTCAG AAGATAAGGT 120
GTGAATGTAT GTATTATTAG AGTCCTAAAG TATTTTATAA GTACTGGTTT CACCACGCTT 180
TGTGGGAGAG AAATCATTCA AATCATTTTT TTTGTCCGTA CAATAAAGTT TACTAAAAAC 240
CN 242

配列番号：218
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0235
配列：

GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTTG AAATGCCAGA ATGACTTCTG ACATNCCAAG 60
TTTTTCACAA AATATATTTN ATCTGTGATT AGCCATTTGA CTAATAATAC TGGCTAACAG 120
ATGTTGAAAA AAATTGTCTG TTTTCTCATT AATTTTGGTC TAAAACATGT TTGCACTTGT 180
NTTTGACTTG TGTTTTATTA ACATTGATTG GCATATTAAA AGTCACTCNG AGCTTAAA 238

配列番号：219
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00236
配列：
GATCCAAANN ATGACTTCAG AAAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60
TATGGAACAC CTCAAAAACT GGTAGAATCT GAGTGTCTTC AGGCCAACCT GGTGGAAATN 120
TTGTTCTCTG AAGATTAAGA TNGGTAGGAT GGCAATCATG TCTTGATGTC CTGATTTGTT 180
CTAGTATCAA TAAACTGTAT ACTTGCTTTG AATTCATGTT AGCAATAAAT GATGTTAAA 239

配列番号：220
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00237
配列：
GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60
AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG AGCTGTCAGT CTAGGTTATT 120
CTCTTTTTTT GTGGCTATTT TTAATTGCTT TGGATTTGTT AAATGTTTTC TGTCTTCTGT 180
TAAGTGTGTT TTCTCTGGAG ATAGAATGTA AACCATATTA AAAGGAAAAA GTTTCAGACA 240
AGCAATTAAA 250

配列番号：221
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00238
配列：
GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60
GTCCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC CCCTGCACAG CCCACTGGCA 120
CTTCGGGCAA TAACTCTGTG GCACGTGGGC ATCACGTAAG CAGCACACTA CGAGGCCCAG 180
GCGCAGGCAA AGAGAAGATG GTGCTGTCAT GAAATAAAAT TACAACATAG CTACAAA 237

配列番号：222
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00239
配列：

GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTTAAAT 60
AACCTGTCCT TGTTTTTGAT GTTAAACAGT AAATGCCAGT AGTGACCAAG AACACAGTGA 120
TTATATACAC TATACTGGAG GGATTTCATT TTTAATTCAT CTTTATGANG ATTTAGAACT 180
CATTCCTTGT GTTTAAAGGG AATGTTTAAT TGAGAAATAA ACATTTGTGT ACAAAATGCT 240
AAA 243

配列番号：223
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00240
配列：
GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60
GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT TACCTTTTGT TGATTTANNN 120
NNNATTGCAT TTGTATATTG CTAACTGATA AGACAAATTG AGTTATTGAG CTATTAANTG 180
CACATTTTAA TATAANTGCA GAAATCCCAA ATAAAATGCT AACATACTGA AA 232

配列番号：224
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00241
配列：
GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60
ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA GTTGCTAACA GCAAAGAGAG 120
TTACGAATTA CGTTACTTCC AGATTAACCA GGACGAAGAA GAGGAGGAAG ACGAGGATTA 180
AATTTCATTT ATCTGGAAAA TTTTGTATGA GTTCTTGAAT AAAACTTGGG AACCAAA 237

配列番号：225
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00242
配列：
GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60
GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT GTTATCACCT TCTTTAAAAG 120
AAGTCAAAAT TTAAAAAATA CAATAGCACG TTGTTGGTGT CATATTCAAT AACATTTCCA 180
ATGCTACATA TAATTTTATA GACATAATAA AGAAGGTATT GAAAAAACTA AATAAA 236

配列番号：226
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00243
配列：

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60
GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC ACCCGCCGGA TAGTGGATGG 120
CAAAGTGGTG TCTGAGACCA ATGACACCAA AGTTCTGAGG CATTAAGCCA GCAGAAGCAG 180
GGTACCCTTT GGGGAGCAGG AGGCCAATAA AAAGTTCAGA GTTCAAA 227

配列番号：227
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0244
配列：
GATCAGCAAG CAGGAGTATG ACGAGTCCGG CCCCTCCATC GTCCACCGCA AATNCTTCTA 60
GGCGGACTAT GACTTAGTTG CGTTACACCC TTTCTTGACA AAACCTAACT TGCGCAGAAA 120
ACAAGATGAG ATTGGCATGG CTTTATTTGT TTTTTTTGTT TTGTTTTGGT TTTTTTTTTT 180
TTTTTGGGTT NNCCCCNGGT TTAAA 205

配列番号：228
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0245
配列：
GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60
TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCCT CATCTGGGAA TAGGGAAGGC 120
ACCTTGCAGA AAATATGAGC AATTTGATAT TAACTAACAT CTTCAATGTG CCATAGACCT 180
TCCCACAAAG ACTGTCCAAT AATAAGAGAT GCTTATCTAT TTTAAA 226

配列番号：229
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0246
配列：
GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60
TCCATCCCGC CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA GCTGGCATCA TGGACCATGA 120
AGAAGCAAGA CGAAAACACA CAGGAGGGAA AATCCTGGGA TTCTTTTTCT AGGGATGTAA 180
TACATATATT TNCAAATAAA ATGCCTCATG GACTCTGGTG CTTCCAAA 228

配列番号：230
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0247
配列：
GATCTGCGAC CATTTCTGTA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60

CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG ACGGCGTGGA CTGAGGCCGG 120
TTCCTTCCTG GAGGCCTCCT GTCCTCGGGG ACCCCAGCAC CTCATCATCA GCATTGCTGG 180
AGCCAAGGGT AGGAGCCCTA CACTAGGAGC CCAGGATGGG ACGGNGNATN AGCCGAGAGG 240
NAGGGAACTT TTNAGTNAAA TTCCTCAAAA AGAGGNTTAG AATAAANCCT TNGGCTTAAA 300
AAGAGAAA 308

配列番号：231
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00248
配列：
GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGGAAGAT GAACACTTGA GGACTTCAGC 60
TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG GCATGTTTGG AAATCAAAAT 120
GTCACATTCT CGGGGGAGGA AGCCCAGAAA ATTGGGTATG TTCTAGAGAT TTACCACCAT 180
TGCTTATTGC TTTTNCTCTT TAATAAAGTT TAGGAAAGTA GAATTTTAAA 230

配列番号：232
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00249
配列：
GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAAATTG AACTCTAGAA 60
TTGTCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT TTTTACAACA TTCACTGGTT 120
TTTGTTTTGT TAGCTAATAA TCTATAATAG TTGAGTATCT CTGGGAATGG GGAGGGAAAT 180
TATATGTAAT AGAGCTTAAA AATAAAGTGT CAATTTCCAA GGNCTAAA 228

配列番号：233
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00250
配列：
GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTACTGTGAA AATTTGGTAG TAAATTTNCA 60
TTTGATATTA GATATAAATA TCTGAATATA AATAATTTNA ATATACTAGT CATGATGTGT 120
GTTGTATTTN AAAAATTATC TGCAACCTTA ATTCAGCTGA AGTNCTTTAT ATTTCAAAAG 180
AATGAATAAC ATTGATAATA AAATCGCTAC TTTAAGGGAA A 221

配列番号：234
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00251
配列：

GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60
TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC TTACGTTTGA TGCAATTTAT 120
TTTTAAAATA GGCCTTGTTT TTCAGCTTCA TCTGCAGTTC TATGTGAAGA TTGATAAATC 180
AGTTTTTACT TGTTTTATTA ATAAAACGTA ATTNGGAAA 219

配列番号：235
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00252
配列：
GATCTCCGTT CCGCTCCCAG CGGCTCCAGT GTAAATTCCC CTTCCCCCTG GGGAAATGCA 60
CTACCTTGTT TTGGGGGGTT TAGGGGTGTT TTTGTTTTTC AGTTGTTTTG TTTTTTTGTT 120
TTTTTTTTTN CCTTTGCCTT TTTNCCCTTT NATTTGGNGG GAATGGGAGG AAGTGGGANC 180
AGGGAGGTGG GAGGTGGATT TTGTTNATTT TTTAAGCTCA TTTCCAGGGG TGGGANTTTT 240
TTTTNAANAT GNGNCATGAA NAAAGTTTGT TTTTGAAANT AACCAAA 287

配列番号：236
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00253
配列：
GATCAGAATT GGCAGCACAA AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60
CGNCCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA GAAAAATAAA TATACAATAA AAGTAAACAC 120
ATACACACAA AACAGCAAAC TTCAGGTAAC TATTTTGGAT TGCAAACAGG ATAAATTAAA 180
TGTTCAAACA ATCTGATAAA ATAACCATTT GGGNCTTGNA AA 222

配列番号：237
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00254
配列：
GATCATCTTT CCTNTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAATA AGAATCTGAA TATAAATTTG 120
TTTTCTCAAA TATTTGCTAT GAGAGGTTGA TGGATTAATT AAATAAGTCA ATTCCTGGAA 180
GTTGAGAGAG CAAATAANGT CCTGAGAACC TTCCAGACAA A 221

配列番号：238
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00255
配列：

GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60
TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTTA ACCTGCCCTA CATCAGANGT CACCGAGCTC 120
CCAGCCTGCA GCCAGTNTGG AGGCCAAAGG ATATTNNATT TTCANCTTAT GCCAGCNCTG 180
GTCAGCATGC TCAANAGTGC TANTTTAGGT CTTNCTN 217

配列番号：239
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00256
配列：
GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACTACTGC TTATTCTCCA AAGAATATTG 60
GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG TATTTGCCCT ATGACTGAGC 120
TTTCTATAGG AATTTTATTA AAGAATGTTT AATTTNGTTG TCCTNCTNAA TGTTCTCAGT 180
CAAATAAATG AGTGAGCTGG TTTCGGCTGC TCTTGGN 217

配列番号：240
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00257
配列：
GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACTTC TGTGGCCACC 60
ACCTCCTGCT CCTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT GTCCTGGCCT TTCAGTTTTA 120
TAAGTNGNTT CCAGCCCCAG TGTCCTGACT TCTNCTGCAN AATAGGAGGG AGGCCTCCTT 180
TTNGGANGGN NGTACTTTGG GNGATAGTGN GGCCTN 216

配列番号：241
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00258
配列：
GATCTTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60
TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAAATGTA CTCTCCTTTT ATNTGGTCTC 120
TTTGGGGCCG ATTNGGNGAA AGCGAAATCA NTAGTGCAAC TGTTTTGATA CTGAATATTG 180
ACAAGTGTCT NTTTNAAATA AAGACCCANT CCCTTCCAAA 220

配列番号：242
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00259
配列：
GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60

TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT TTAAATAAAA TACCCTCATA 120
TTTCCATATA ATCTACATAC ATTCTCCCAT ATACTTTAAA TCATCTCTAG ATTACTNATA 180
ATGTCTAATN CAAAATAAAT GCTATGTAAA TGTAATTATT AAA 223

配列番号：243
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00260
配列：
GATCAACTTA ATTCCTTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCCTCT 60
TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGNNTAAT NAGTTGCAGG ATAATGCAGT 120
CATAACTTGT TTTCTCCNAA GTATTTGAGT TCAAAACGCC NGTATCTAAA GAAATACGGT 180
TGGGGTCATT AATAAAGAAA ATCTTTCTAT CTTAAA 216

配列番号：244
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00261
配列：
GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60
TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTCACATC ANATACCAGT TCAGTTTTGT CATTGTTCTA 120
GTAAATTAGT TCCATTTGTA AAAGGGTTAC TCTCATACTC CTTATGTACA GAAATCACAT 180
GAAAAATAAA GGTTCCATAA TGCATAGTTA AA 212

配列番号：245
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00262
配列：
GATCCATCTG CCTTTGTGGC TGCTGCCCCT GTGGCTGCTG CCACCAACAG CTGCTCCTGC 60
TGCTGCTGCA GCCCAGCTAA GGTTGAAGCC AAGAAAGAGT CGGAGGAGTC GGACGAGGAT 120
ATGGGATTTG GTCTCTTTGA CTAATCACCA AAAAGCAACC AACTTAGCCA GTTTTATTTG 180
CAAAACAAGG AAATAAAGGC TTACTTCTTT AAAAAGTCAA A 221

配列番号：246
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00263
配列：
GATCCCATTG GAAGGAATGC TCTACCTCAC AGAACTCTGA ACCCTACAGA AATATGGGCC 60
TGCTGCCATT TCCTGAAGAC CGGGGCATCG GGGTGGGGTG ATAAAGGATA CAACCTGCAC 120

AGGGGGAAGT TATTAAAGAG GCTGCAAAGT CCAGCCACCC TGAAGATACT CCCCAGTGCT 180
CCCCTCCTGC TAAAGAACCA GTTACCCCAG GAAA 214

配列番号：247
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00264
配列：
GATCCTCAAC TATTGGAAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60
TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT GATAGTTGCC CTGATTCCCA 120
TTTTGGGTTT GTGAAAAGTG TATGTATTTA AATTTGCTGT AAAACATAAT CACTAATAAT 180
ATGCAATAAA TATTTCCTTG AAGGGAAA 208

配列番号：248
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00265
配列：
GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60
CTGCGCATGT GGTTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC ATGGGGTTTT GCATTCTTTG 120
CCTGGGGACC NTTAAATATC CCCTTCATGT ACCTCTTCTC CATCTTCCAN TTCATTACAA 180
GGTAAGATAA ATTGTACATG AATAGTCN 208

配列番号：249
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00266
配列：
GATCAAATAT CACTAAATAC TTTAAATTGT TTTACTTAAG AGTCTAATCT GGGAAGTTTT 60
CAAATCATAC TATTAATGTG TAATCTAAGC TCTTCAGATG TATCCATGAA TAATCCTGGA 120
ACAATATTGC TTGTATTCCT GTCATAGAAC AGGTTTTGTA ATCTTTAAAA GAAATGAAAA 180
TTTATATAAT AAAGTTTCAA A 201

配列番号：250
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00267
配列：
GATCACCTTG GTGTTCCTTG TTTGGAAGAT TATTTCCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60
CCAGTTGGCA TTTGCCTGAA GTTGTATTGA AACAATTTAN TGAAAATATT AAATATTTGG 120
TTTCAAAAGG CAGATTTATC TTCTCCCAAC ATTCTGTTAT TTCTGATACT TTTGAAAAAC 180

TAATAAAAAT TAATAAAAGA CATGAACTAA A 211

配列番号：251
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00268
配列：
GATCCAAGAA AACGCCTCAC TGCCTTAACC TTAACTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC 60
TGTATTTTTT AAAGTGCTGG GGCAAACAAA GNANCCCCAA AAGAGTTGAT GTGTGTTTTA 120
AAAGNAAAAA CCCAATGAGG AACAATTGGA GATTTTTATG CAGAAACTAA ATAATCCTTA 180
ATAAATAAAT CTCTATTTTG GAATCAAA 208

配列番号：252
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00269
配列：
GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAACTNCA AATGTAGCAG 60
ACTCTCCCCG GAATAAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT TATAANCTAA TTGATTAATG 120
TCCCCAAAGA AATCTGCTTT CTACTATATC TTTCAGCATT AGAGATTTTC CTGTTCTNGA 180
AAATNCAGTC TGTGCTCTTT GATTN 205

配列番号：253
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00270
配列：
GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTTT CTCGTTTCCN GTCCAACAAC 60
TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTTACCCCT TTCCACCTTT TGTATTTAAT TTTAAAGTCA 120
NGTGTACNTG CAAGGAATGC TGGATGCAAG ATAGATACTA TATTAAACTG TACTGTTATT 180
TAAGATGTAA TAAAGCAGTT TGACATGAGA AA 212

配列番号：254
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00271
配列：
GATCTAAGAT GATTATTTTG TAAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60
TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTTCTTTGT TTTTACTTTG TCCTTTGCTA TCTGTGTTAT 120
GACTCAATGT GGATTTGTTT ATACACATTT TATTTGTATC ATTTCATGTT AAACCTCAAA 180
TAAATGCTTC CTTATGTGAA AAAAACAAA 209

配列番号：255
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00272
配列：
GATCTGCCAG CAGTGTTCTT GCAATATGAG GAAGACAGTT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCCA GCCGTCTTTC TGGGGCTTGC GCGCAAAATC 120
TACAAGCGGA GAAAGTGACC TAGAGATTGC AAGGGCGGGG AGAGGAGGCT CTCAATAAAT 180
AATCGTGTAA CCTTAAA 197

配列番号：256
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00273
配列：
GATCTATCAC CTGTAATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTAAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60
AGACAAATGG GACTNATGTC ATCTTGAGCT CTTCATTTAT NTTAACTGTA ATTTATTTGG 120
AGTGGAGGCA TTGTTTTNAA GAAAAACATG TCATGTAGGT TGTCTAAAAA TAAAATGCAT 180
TTAAACTCAT TTGAAA 196

配列番号：257
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00274
配列：
GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
TCAATTTCGC AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG TACAAAATAC ATACAGTTTT 120
TGTCAATTTA AAGATATCAG AATTCTAGAA TATGATAAAG TTGTGTTTTC AAGCAAGTAA 180
AGATAGNTTA CTTAAA 196

配列番号：258
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00275
配列：
GATCAGATTT TNCATTTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT TTTCNATTGT CTTAGGGCAG 120
GCTTTTGAAA ATNTCAGCCT GTAGCCAAAT GCAAGATTTT CTCCATCCTT TAATAAAAAG 180
CACACTGAGA AATCCTN 197

配列番号：259
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00276
配列：
GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60
ACAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT TAGGGGTGCC TATCCTCAAG 120
TATTGGAAGA GCAGAATTGA GGGAGAGACC TTTCTTCCTT GTTGAGGGTG AAAAATAAAT 180
ANGAATTACA TGTCCTAAA 199

配列番号：260
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00277
配列：
GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTTCGTGG AACTTGGAAC 60
ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC CAACCCCAGC TGGCCTCTAG 120
AACACCCACT GGCCAGTCCT AGAGCTCCTG TCCCTACCCA CTCTTTGCTA CAATAAATGC 180
TGAATGAATC CNNNAAA 197

配列番号：261
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00278
配列：
GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 60
ATACAATAAT TTTTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC AATCAGTGTT AAATCATTTG 120
CATAAGATTT AACAGCATTT TTTATAATGA ATGTAAACAT TTTAACTTAA TGGTACTTAA 180
AATAATTTAA AAGGN 195

配列番号：262
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00279
配列：
GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT 60
AAATATCCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT ATGGCTTGTT GGCAAAGAGT 120
GCTACACCGT TTCAATGAAA CAATGTATGT TTGTTTTAAC TGAACTAAAA TAAATACATG 180
CTTAATCCTG AAA 193

配列番号：263

配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00280
配列：
GATCCCTGGG ACCAACCGCA TCCTCAGCTT CTTCCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 60
CAGACCGACG TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA AACAACAGAA ACCAAAACTC 120
ACAAGGCGCA TGATTACTTG TTTTATATTT CATGTTGGGT TTTCCCTCCC ACTATTAAAC 180
AGTCTGTTTC CGTAAA 196

配列番号：264
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00281
配列：
GATCTGTTAA AAAAGAAATC TGTTTCAACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGGTGAAA 60
ATGAATTCAG ACTTATTAAA TGATGAACTT GTTAAATCTN CTCAGTGTCT ATTTATCAGC 120
ACAATACACA CAGGAGANCT GTTGATGGCA TATTGAATAG ATTTNCCTGA ATAANTTGCT 180
CTGGAAACCA AA 192

配列番号：265
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00282
配列：
GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 60
GAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC CATTCTATGG AGTAGCAGAT 120
TTAAAAGAAA TNCTTAATGC TATATTAANC AGAAATGCAA AGGNNGTTTA TGANTGTNGA 180
CCTCGCANN 189

配列番号：266
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00283
配列：
GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAAATTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 60
CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT AATGTATATG TTTGTTATAA 120
TGTCCATGTA AACATGCCCT ATGTTTGTGC CTTTTAATTA GTTTGTCTCA ATAAACAAAA 180
TGTAGAGN 188

配列番号：267
配列の長さ：206

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00284
配列：
GATCCTGAGA ACTTGGAATT CCTTGTAACT GGAGCTCGGA GCTGCACCGA GGGCAACCAG 60
GACAGCTGTG TGTGCAGACC TCATGTGTTG GGTTCTCTCC CCTCCTTCCT GTTCCTCTTA 120
TATACCAGTT TATCCCCATT CTTTTTTTTT TCTTACTCCA AAATAAATCA NGGCTGCAAT 180
GCAGCTGGTG CTGTTCAGAT TCTAAA 206

配列番号：268
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00285
配列：
GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCGT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA AGGAGCCTGA GCTGCTGGAA 120
CCTATTCCCT ATGAATTCAT GGCATAATAG GTGTTAAAAA AAAAANTAAA GGGCCCTCTG 180
GGGCTACAAA 190

配列番号：269
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00286
配列：
GATCAAGATA TTAAAATNTC GGATTTATCT TTCCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAAATCCTT TTAACCATTT TAACCTAGAT 120
GTTTAACAAA TCTAATCTCT TATTCTAATA AATATACTAT GAAATAAAAA AAANNGNTTG 180
AAAGCTAAA 189

配列番号：270
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00287
配列：
GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTTGA AGGACAGAAC AATTACTGCA 60
TGATGAATCT TCCTNTCTCT GCCTTCTGAG CACCGNCTTT AATTTCCATA TCTTCAAGTC 120
TTGAAGAAGT TGATGTTAAT TGAAGAATTC ACTTGTCTGG TTGAAATAAA GCCTGTTTCT 180
GTTGTGAAA 189

配列番号：271
配列の長さ：186
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00288
配列：
GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG CAGAATATTG TAATTTGTTG 120
CACACTATGT AACAAAACAA CTGAAGATAT GTTTAATAAA TATTGTACTT ATTGGAAGTA 180
ATATCN 186

配列番号：272
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00289
配列：
GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGCAAAGTGC ACGATATATA GTGAATTTNG CTCTAAAAGA 60
GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTTTTGTAC AGTGCCTGGC ACTCTGTGGG TGCTCAATAA 120
ATGGATAGGA GTTTTCATTT GAAGGATATT TGAATTTTTA AAATAAAGTG TTTTATTCCC 180
NTAAA 185

配列番号：273
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00290
配列：
GATCTGGTCA CTGTGGTTCC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60
CCACTTCCGC TGTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT GAAGGAGTTG AAAGACCAGT 120
AGACGCTCCT CTACTCTTTG AGACATCACT GGCCTATAAT AAATGGGTTA ATTTATGTAA 180
CAAA 184

配列番号：274
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00291
配列：
GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAANATTACA CTATCTGATT 60
AATAGTTTCT TNATACTCTG CATATAATTT NTGGCTGCAG AATATTGTAA TTTGTTGCAC 120
ACTATGTAAC AAAACAACTG AAGATATGTT TAATNNATAT TGTACTTATT GGAAGTAATA 180
TCAAA 185

配列番号：275
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00292
配列：
GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCTGCTG GTAGCTGACC CTCGTCGCTG 60
CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC TACCAGAAAT CCTACCGATA 120
AGCCCATCGT GACTCAAAAC TCACTTGTAT AATAAACAGT TTTTGAGGGA TTTTAAAGTT 180
TCAAGAAA 188

配列番号：276
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00293
配列：
GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60
AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA AGAGTGTTGG GGGGGCCTGT 120
NTCCTGGTGG CTTGAAGCCA CATGGAGGGN GTTTCATTAA ATGCTAACTA CTTTTNCCTA 180
AA 182

配列番号：277
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00294
配列：
GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60
CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC AGAGACTTGT TGCATCTTTG 120
TCCCCAGCAA AGGCTACATG TTACCTCCTT CAATTGATAA TAAACCTTTC TGAGATGCAG 180
AGGGTCCAGG TCAAA 195

配列番号：278
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00295
配列：
GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60
GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATNAA GTGACTCAGC TTCTGGCTTC 120
TCTGCTACAT CAAATATCTT GTTTAATGGG GCAGATATGC ATTAAATAGT TTGTACAAGC 180
AGCTTTCGTT GAAGTTTAGA AGATAAGAAA CATGTCATCA TATTTAAATG TTCCGGTAAT 240
GTGATGCCTC AGNTCTGCCT TTTTTTCTGG AGAATAAATG CAGTAATCCT CTCCCAAAAA 300
AAAAAAAAAN NNNTNNNTNN NNNTNNN 327

配列番号：279
配列の長さ：183
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00296
配列：
GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCCTGTTC 60
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG CTCCTACCTG GGGCCTATTT 120
CTACTTTCAT TTTGTATTTC TGGTCTGTGA AAATGATTTA ATAAAGGGAA CTGACTTTGG 180
AAA 183

配列番号：280
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00297
配列：
GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60
AGGTGTTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC TGATACCTTG TTTACATGTT 120
TGTTTTTATG GCATTTCTAT CTATTGTGGC TTTACCAAAA AATAAAATGT CCCTACCAGN 180

配列番号：281
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00298
配列：
GATCACATGA TTTTTGTTCT CAGTTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTC AATGTTCTGT 60
TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTTCAGTA GCTGCTGAAA AAGCATTTGA 120
TAAAATTCAG CATACCTTTA TGATACAAAA AACCTTCAAT AAACTGGGTA TATATGNACN 180

配列番号：282
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00299
配列：
GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60
GGTTAAAAAT TAGTATGAAT TTTTTAGCTT CTTAATGAAT ATGGATTTAA AACTCTCCAG 120
TTCTTATTTT ATGAAATGAC TTGCCTTTCT GGTAATACAA TGCTGATTTT TTAGTAAA 178

配列番号：283
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00300
配列：
GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAATNAAT 60

CTGGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA GTTTCAGAAT AAACATGCAT 120
TTCATAACTG TCAAATGTTC TTTTAATTCT GAGTCCAAAT AAATTATTTG GTGATGTTGA 180
AA 182

配列番号：284
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00301
配列：
GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAT 60
GCACCTTGTT GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC TTCTTGTACA GCTGAGATAG 120
CTTCTTCTGA ACTATTATTA AATAAGTGAA TACAAAGGCC CTATGATGGG AAATCCAGN 179

配列番号：285
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00302
配列：
GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCCAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60
TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA AAATCACCAC CAGGACACTG 120
AAGGCCCGAA TGGACTAACC CTGTTCCCAG AGNCCACTTT TTTTTCTNTT TTTGANATAA 180
AATAGCCTGT CTTTCAANAA A 201

配列番号：286
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00303
配列：
GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTACTGTCCA GCTGGAAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60
ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTTAT GTACCTTTGG GTTCAGGCAT 120
TATTTGGGGG GTTTTGTTTC CAAAGGAACT AAATAAAGTC ATATTGCTTA TAGAAA 176

配列番号：287
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00304
配列：
GATCTTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60
AAGAGTCCAC TCTGCACTTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG TGTCTAAGTT TCCCCTTTTA 120
AGGTTTCAAC AAATTTCATT GCACTTTCCT TTCAATAAAG TTGTTGCATT CCCAAA 176

配列番号：288
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00305
配列：
GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCNTC 60
ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG GACCCGACCC ACCAAGAGCT 120
CCTGAGCCCC CTGCCCCCAG AGCAATAAAG TCAGCTGGCT TTCTNACCTG AAGAAA 176

配列番号：289
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00306
配列：
GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60
TGGAACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATGG GCTAGGCACT TTATATCTGT 120
GTGAATACAG ATTTATAAAA CAGGTTAATA AACTTATCCA AGGTCACATT TCAAA 175

配列番号：290
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00307
配列：
GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTTCATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60
GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCG GCAGCCTTCA GTGAATATTG 120
GTTTCTCTTT GGTATGTCAA TAAAAGTTTA TCCGTATGTC AGAAA 165

配列番号：291
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00308
配列：
GATCATTCCT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTTGCTCG CAGTATCCTA 60
GAATCTTTGT GCTCTCGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCCAT GTTTTCCTTG TTCCCTNCCA 120
TGCCTAGCTG GNTTGCAGAG TTAAGTTTAT GATTATGAAA TAAAAAACTA ACTGACAATT 180
NTCAAA 186

配列番号：292
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00309
配列：
GATCTTGTAG AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAACTAAAA GTTTGGTTTT 60
TGGAAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT GGTTCCAAAG TTTTACAGAC 120
ATGGAGAACA TCACCTGTTA CTAGTTCAGT AATATAAATA TTTTGTATAT TAATN 175

配列番号：293
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00310
配列：
GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGGA TTCCTGCCCC AACCAAACCG CATTCGTGTG 60
GATTTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT TTTTTTCCTA TTTTTGACGA 120
TTGGNGCCCT TAAGATGCAC GATGGAATTG TGTTTTNCGT TTTTNGGTAA AAGGAGCAAA 180
GCGNGGNCCT GGAGATAAAC GCTGGAGCAA TCTCCTTGGA AGGATTCAGC ACGAGTAGAT 240
GGTAAACATT TAAAGGGGAA AGGGGGGTTT GTTTAAAATA GTAAATCAGT AAGTCACTTC 300
TAAATTTAAA GAAACCAAAA TTGGGAGTTG AAGAATAAGT AGGGTTTCCA ATTGGGCTAT 360
TGCCGNTTTN CTTTGNAAAA ATTAAACCAT TNTTTAAAAA CCTAAA 406

配列番号：294
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00311
配列：
GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTTNNA TAAACTTAGT AAAGTCTTNG AGACTAGAAG 60
CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCCA AAAACTNGAA TAGATTTTNA CTGAATAGTG 120
GTCTATCTGA TGGTATATGT TTCTTAAAGG TCCAANTGTA ATAAAAAAAA TTGAAAAANA 180
GGTCTCAGTG TTTTNAATGC ACTNCATATT TGTNTGCN 218

配列番号：295
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00312
配列：
GATCCACCAA GCACGCCTAT NAATACAAAG TAAACTATNA TTTTNATTGT GAAATTTTCA 60
TAGATGGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTTTACAA TNATCTTACC ACTTATTTTT 120
GTACCATGTA TTTCAATTGC CTGTTTAGTG AAAAATAAAA ATTAAAAAAA CCTAAA 176

配列番号：296
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00313
配列：
GATCCCAGCA AGATAATGTC CTGTCTTCTA AGATGTGCAT CAAGCCTGGT ACATACTGAA 60
AACCCTATAA GGTCCTGGAT AATTTTTGTT TGATTATTCA TTGAAGAAAC ATTTATTTTC 120
CAATTGTGTG AAGTTTTTGA CTGTTAATAA AAGAATCTGT CAACCATCTA AA 172

配列番号：297
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00314
配列：
GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TGCGCTTCAA 60
CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG TTCCAGAAGT TCTGAGGCTG 120
GACATCGGCC CGCTCCCCAC AATGAAATAA AGTTATTTTC TCATTCCCAG AAA 173

配列番号：298
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00315
配列：
GATCGTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60
TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT GAGGTGGAAG TCACCATTGC 120
AGATGCTTAA GTCAACTATT TTAATAAATT GATGACCAGT TGTTAAA 167

配列番号：299
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00316
配列：
GATCTGGTGG TGGAAGTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAACAG CAGAAAAGGG 60
TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT CCTACCATCT AAAATACGAA 120
GGTTTCTGGC TGGGTAAGGT TTGTAGTTGA CAGTAAAACC TGATGACACC N 171

配列番号：300
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00317
配列：
GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTTA CCTCTATTTT 60
ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACTTA CTGACTTTGC ATTTTCGTTT 120
TTAAAAGGAT GTATAAATTT TTACCTGTTT AAATAAAATT TAATTTCAAA TGTAAA 176

配列番号：301
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00320
配列：
GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTACTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA 60
TATAATATAT ATATATNNGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC CTGGTTTACC CCCCCGGCCT 120
GGGCATCTNA CCTCCCCCAC CCCAGTGTGA TTTAACATCC NGGNACTGN 169

配列番号：302
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00322
配列：
GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCCTGACG TTTTACATTT CCACTTTCCT ATTCCATTCA 60
TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGATTGTTC TCATAACTGA ACAAAAACCA 120
CATAATCTAA ATAGAGCAAA GCTACAAGAA ATAAATTTAT TTAAACGCAA GAAA 174

配列番号：303
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00323
配列：
GATCCTAGCA TATGTTAAAA TTCAAATTAA TGTAAAACAG ATTAACAACA ACAAAGAAAC 60
TGTCTATTTG AGTGAAGTCA TGCTTTCTAT TATAATAACT TGGCTTCGGT TATCCATCAA 120
ATGCACACNN ATACTGTTAT CTGATTGTTT ATAATAAAGA ATACTGTACC TNNTAAA 177

配列番号：304
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00325
配列：
GATCAGATGG TTTTAGTATT GTGGCAGAAG CGAGAAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAG 60
AAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG TAACTCCATG GAAATGCCAC 120
GTCTGCTCTT CAGTGAAGAA GCTGGTTTAG AGTCTCACAG AAAACTN 167

配列番号：305
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00327
配列：
GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC GTGGAAAGAG CTGCCCAACT 60
GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT GAAGAAAATA AGTAGGCAGC 120
TCATGTGCAC ATTTTCTGTT TAAATAAATG TAAAAACTGC CATCTGGAAA 170

配列番号：306
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00328
配列：
GATCGGGAAT GGTCTGTGTG TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60
CATGGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTAA TTTCTGTCAA CCACGGACGT TTGCCTTCAT 120
GTGTAGAATT TACTGTTGTT ATGCAAATTA TATTTTCAAT TATAAATGAA A 171

配列番号：307
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00329
配列：
GATCAGACAG AATAATATTT NCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCCTAAT 60
GCTCATTCTG ATACAACTAT TTTCCGTGTC AAATATCTAC TGTGCCCAAA TGTACTCAAT 120
TTAAATCATT ACTCTGTAAA ATAAATAAGC AGATGATTCT TAAA 164

配列番号：308
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00330
配列：
GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCCAC CGTCTTCCAG 60
ACACCCCACC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC TTTCACTGNT GCACCCGCGC 120
CCTCGGCCGG CCCCCCGAGC AGCCTTTGTA CTCTGCTTGC GGAGGGCTGG GAGACCCTCC 180
AGGACATTCC CACNNTCNCC CATGCTGCCA AGTTNNNNCT ATAGCTACAA ATAAAAAAAA 240
ACCTTGTTTT CAAGAAATAA A 261

配列番号：309
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00331
配列：
GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60

CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT TTTGGTTTTN ATTTTTTTAT 120
TTGAACTTTA GTCGTGTAAT AAACTCACCA GTGGCAAACC AAA 163

配列番号：310
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00332
配列：
GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCCCTGTC 60
CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA AAAAGATGCA GTTTTCCTTT 120
GTATTGGGAA ATGTGAAAAT AAAATTNTCA ACTCTTTCAG TTAAA 165

配列番号：311
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00333
配列：
GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCTTCTC ACCCCTTTGC TGTCCTGTGT 60
AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTTCCCCCAG CACCATTTAT GAGTCTCAAG 120
TTTTATTATT GCAATAAAAG TGCTTTATGC CGGCTTTTCT CAAA 164

配列番号：312
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00334
配列：
GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60
TTATTTTCCT GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA AATTGGTAGG TGTCTAATNA 120
CTGTTTACTT CATTGTTATA TTGCAGTAAA AGTTTTAAAN CANCCATTGC ATGTTNGCTT 180
TTGATGTATC CCTTTGNGAA ATTAGCACTT TTGGGGCCAN TGGNGAAATG CAGCATTCAC 240
TCTCCCTGTC TTTTCCCCTT CCCTCAGCAG AAACGTGTTT ATCAGCANGT CGTGAGTCAA 300
ACTGCTGCCT TTTAAAAANC CCACAAANTT GNTNNGN 337

配列番号：313
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00335
配列：
GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60
GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAAACTG GGTTAAATGT ACACTGTTGA 120
GTTTTCTGTA CATAAAAATA ATTGAAATAA TACAAATTTT CCTTCAGCCA GTGAAA 176

配列番号：314
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00336
配列：
GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA ACAAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60
GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTNNTGTGT TTATTTGTGG CCGAGTGTAA CAACCATATA 120
ATAAATCACC TCTTCCGCTG TTTTAGCTGA AGNATTANGN CATCTTGTCT ATTAAA 176

配列番号：315
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00337
配列：
GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATTTTTTA AATATCTTCT ATATCCNNNT 120
AGTATTCAAA TTATTAATGC TCATGTACCA AGGTNTTGCT ATAAAAGTTT TGTCTGTATG 180
AATAATGTGG CTTTAGTAAA TAATCATTTN TCAACTGTAA ACTNATTCTG AAATAAAGTA 240
AAATNCTAAT TGTTTAAA 258

配列番号：316
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00338
配列：
GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
GAACGTTTGC TTTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCTTGA GTCAGTGCTG TTGATGATGA 120
GTTGTCTTGA ATAAATNATG TGTTCTTTGC AAA 153

配列番号：317
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00339
配列：
GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTTCTAACAT GTTATCAAAT 60
CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTTAGTTTT TAAGATTTGT GTTTTNCTNT 120
NTCCACAAGG AATAAATGAG AGGGAATCGA CTGTAAA 157

配列番号：318
配列の長さ：161

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00340
配列：
GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT AGTTTATGTA TATGAGTACT 120
AAGNNTTTTA TAATAAAATG CCTCAGAGCT ACAATTTTAA A 161

配列番号：319
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00341
配列：
GATCTGAAAA CATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
TTTCCTTTCT NATTTCTNTT TCTCTGCGTT GTTAGTTTTN AAGAGTGGAG GAGCTAGGGG 120
CTCCAGAAAG AATCTTACAC ATGTTTTGAA GACATTGATG TCATAGGGAG CGGGGAGCTG 180
CATTCCCTTC TGGGCTGTTA CTGCTAAATC TCAGTATGAA CAGACCAGGC GGAAAGCTTG 240
GTGGCCAAGC AGTCTGTGTG CTTCCCCGCT GATGGAGAAC GTTGCGTTGT TCACAATAGG 300
GCCTCATGGG TGN 313

配列番号：320
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00342
配列：
GATCTTGTTC ACAAGTAATC TGTTGACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAAA AAATTAACAT 60
GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA TTAAATCTGT TTCCTGTGTT 120
AGTCAGTATT CTTAAATAAA ATTTATAATT GAAACATGAA A 161

配列番号：321
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00343
配列：
GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAAACT TGCTTCTGTT GAGATTTTTC CCTCACCTTG 120
CCTCTCAGGC ACAATAAATA TAGTTATACC ACTGCCCATC AAA 163

配列番号：322
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00344
配列：
GATCATCCTA ACAATGTGGG GCTGTTAGGT TTTACCTTTG ANCTTTCATA GCACTGCAGA 60
AACCTTTAAA AAAAAAATGN TNNATGAATT TTTCCTTTCC TACAGTTGGG TAGGGTAGGG 120
GAAGGNGGNT AAGCTTTTTT TTTTNAAATG ACTGAN 156

配列番号：323
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00346
配列：
GATCATGCTG CCCTGGGACC CAACTGGTAA GATTGGCCCT AAGAAGCCCC TGCCTGACCA 60
CGTGAGCATT GTGGAACCCA AAGATGAGAT ACTGCCCACC ACCCCCATCT CAGAACAGAA 120
GGGTGGGAAG CCAGAGCCGN CTGCCATGCC CCAGCCAGTC CCCACAGCAT AACAGGGTCT 180
CCTTGGCAGC TGTATTCTGG AGTCTGGATG TTGCTCTCTA AAGACCTTTA ATAAAATTTT 240
GTACAAAGGC ACAAA 255

配列番号：324
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00347
配列：
GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA ATGTATGACC AATCTTAGAC 120
CCTGAAAAAT GGCAGAAAAT ACATGGAAAT TTGN 154

配列番号：325
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00348
配列：
GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60
CCTGTGGTTG TCCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT CGGTCAGCCC CAGCCCCAGG 120
TTGATAAATC TATTGATTGA TTGTGATAGT AAA 153

配列番号：326
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00349
配列：
GATCTCTAAT ATTTTTAAGC CCAAGCCCCT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60

TATACACAAT TCATTCTTTG CAGCTAATTA AGCCGAAGAA GCCTGGGAAT CAAGTTTGAA 120
ACAAAGATTA ATAAAGTTCT TTGCCTAGTA TAAA 154

配列番号：327
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00350
配列：
GATCAAATTC TAATGGAATT GAGCCGGTTT CTTATCCTAA ATGTTTCCTC CCTTTTTACA 60
ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GGTTAAATAA TGTATGCTGT GAGACATGNA ATTAAAACAG 120
GCCTATGGAA TAAATTATTT TAAAACCAGN AGGTTAAA 158

配列番号：328
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00351
配列：
GATCTTAAAG CAGAATGCCN TTTNCTTTTT TTGCTTCAGT TGTAAAGAAG AGGGAATACA 60
TGATAAAGTA ACTGGTTTGA TTTCTCGTTC ATTGTACACT GCCTCTGAAC ANCTAATTGT 120
TTTTAGTTGT CTAAATAAAA TGCCTCTAAA ACAAA 155

配列番号：329
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00352
配列：
GATCCAAGAG GAAGAATCCA GCTGCCTATG AAAATAACAA ATNAGCAACG CATCCGGATG 60
ACGGTTCCCT GTCTCTGAAA GACCTTTCTC TGGAAGAGGA GTCTGCATTG TAGTGTCTCA 120
AAGACACAAT AAACTTCCTA TGGTCTGCAC TGTTGTGATA TTAAA 165

配列番号：330
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00353
配列：
GATCTACTTT GTTTGAGCAA AACAGCATTA TTTGTTATGT TAATNATGGT TAATTTCCAT 60
TTTATTGGTT TTATGTTTAT TTTAATTTGT AAATGTTTTA GCATTTATNA TTGTATGTNA 120
NCTATATTTN CCTATTTNAT GTTGATAAA 149

配列番号：331
配列の長さ：151

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00354
配列：
GATCAAAATG CTAAAACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
CATTGCCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA ATATTTGTCT GTGTGCTACT 120
AACAGATTAT AATAAATTGT CATCAGTGAA A 151

配列番号：332
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00355
配列：
GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA AATATATATA ANCGTGTGTG 120
GTCTNATTCT NCCCCCCGCA ANANNAN 147

配列番号：333
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00356
配列：
GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60
AAAGATATCC CAGANGAAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG GCACGGGAGT AAATTCAGCA 120
TTAAAATAAA TGTAATTAAA AGGAAAAGAA A 151

配列番号：334
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00357
配列：
GATCTTTGCA GTAATTTCTA GGAGCTGTTT ATGTTTGGAG GTAATTGGTC CTTTGTCCAT 60
ATATATGAGA TGTAAGTNTT ATTTTCCAGT TTATCTTTTT GCTTATTTTT TTTGACTTTT 120
TATTGTAAAA TAAAACATCA AACTGCACAG AACAGTTGAA TAGCTTAATG AATAACTACA 180
GTAAAAGCTA TGGTAACCAC TAAA 204

配列番号：335
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00358
配列：

GATCCAATTA ACATGTGGGG TTCTTGGTNT GGGTCTGGGG AGCTGAAGGA TTTNATGGAG 60
CTGGTGCTTT GGAGGAATCT TAAGGGAAAG NAGTAGAAGC TCAGGCCTTT AAAGGATTTC 120
ANCTCCTCCT CTCTGTAATT NNTNCN 146

配列番号：336
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00359
配列：
GATCGCATCT NTTAAACAGG TACAAGTTGA CATGAGGTTA GTTTAATTGT ACACCATGAT 60
ATTGGTGGTA TTTATGCTGT TAAGTCCAAA CCTTTATCTG TCTGTNATTC TTAATGTTGA 120
ATAANCTTTG ANTTTTTTCC TTTAAA 146

配列番号：337
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00360
配列：
GATCAGTGTT GAAGAAAGTG CAAAAGGAAC TTTTATATAT TTAACAGTGT AGGAAATTGT 60
CTATTCCTGA TATAATTACT GTAGTACTCT TGCTTAAGGC AAGNGTTTCA NATTTACNGT 120
TGAAATAAAC CCAACTCTTC NTGNAAA 147

配列番号：338
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00361
配列：
GATCTNGAAA ATNATCATTG AACATATTAA TGGTTATTTC TTTTTCTTGG ATTTCCAGAA 60
AAGCCTCTTA ATTTTATGCT TTCTCATCGA AGTAATGTAC CCTTTTTTTC TGAAACTGAA 120
TTAAATACTC ATTTNATCNN NTGNAAA 147

配列番号：339
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00362
配列：
GATCAGTTTT TTCACCTGGA AGCATTTGTT TCTACTTTGA TATGACTGTT TTTCGGACAG 60
TTTATTTGTT GAGAGTGTGA CCAAAAGTTA CATGTTTGCA CCTTTCTAGT TGAAAATAAA 120
GTGTATATTT TTCCTATAAA 140

配列番号：340

配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00363
配列：
GATCTGAACT TTTCATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60
AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA TCTTTGTAAT AAGATGATTT 120
AATAAATCTC TTTAAATACT TAAA 144

配列番号：341
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00364
配列：
GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTNCTTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60
AAAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTTCTCT GTGCTTCAAT TAATAAAAAA 120
TGGAAAGAAT CTAATAGAGT GGTACAGCAC TGTTATTTTT CAAAGATGTG TTGCTATCCT 180
GAAAATTCTG TAGGTTCTGT GGAAGTTCCA GTGTTCTCTC TTATTCCACT TCGGTAGAGG 240
ATTTCTAGTT TCTTGTGGGC TAATTAAATA AATCATTAAT ACTCTTCTAA A 291

配列番号：342
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00365
配列：
GATCTTAAAC CTATGATTCA GTAACTTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60
GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTTATAG ACAAAGTAAA AAGACAGATA 120
TTTAAGAGGC ATAACCAAA 139

配列番号：343
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00366
配列：
GATCCGTGGC AGGGCTGCTG AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60
GTTTTCTCTC CATCTCTTTT CTTTGTACAA TCCCATTTCC TATTACCATT CTNTGCAATA 120
AACTCAAATC ACATGTCTGC AAA 143

配列番号：344
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00367
配列：
GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAAGACGCAA ACAGGTTTTG ACTCCTGCAT GGCCGATGAC 60
CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAAAGTACAT NCAACAGTTC TTTGAGGTTT AACTAGAGCA 120
GCAAATAAAG CAAAAGTTN 139

配列番号：345
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00368
配列：
GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATTATAGAAA TTTACTATGT AAATGCTTGA TGGAATTTTT 60
TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAAGGTGCTT TCTCCATTTA TTTAAAACTA CCCATGCAAT 120
TAAAAGGTAC AATGCAGAAA 140

配列番号：346
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00369
配列：
GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAGGTTTATC CTGTTTTGTT TGCTACTGGT TACAAATTCT 60
ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GACTAAAGTT TTCACTGTGT TTGTTTGGCA AAACAAATTA 120
AACAAAAAGT AAGGTTTTTA AA 142

配列番号：347
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00370
配列：
GATCTCCGTN AAACACATTT TTNTTCTTAG TCTATCTCTT GTACAAACGA TGTGCTTTGA 60
AGATGTTAGT GTATAACAAT TGATGTTTGT TTTCTNTTTG ATTTTAAACA GAGAAAAAAT 120
AAAAGGGGGT AATAGCTCCT TTTTTCTTCT TTCAAA 156

配列番号：348
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00372
配列：
GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGTNGCAATC TTACATGGCT ACGNCTTTCG TTTGATAGCC 60
AGTCATGGTN ACCACATGAG AACCATATGC TGAGATGCAA TAAAGTAAGA GAATGTTTTC 120
TGACAAAAAA ATCTN 135

配列番号：349
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00373
配列：
GATCTTAAGC GTGTCTTGAG TTCCATGCAA ATTCAATTCT GTTGATAATG TGTCCATAAT 60
CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC CCCATAATTA TCAGACATTA AAATAGTTTA 120
TTTCTTTTTC AAA 133

配列番号：350
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00374
配列：
GATCTCGTTC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC CAGTTCCGTT CTCCTCACGG GCCGAACGGA 60
ACAAGGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCTCC CCAGCCCATT CCTGCTGTCA AACAAACAAA 120
ACCTTGCAAA GCGCAAA 137

配列番号：351
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00375
配列：
GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC AGAAAATCGT TGTGAAAGTG TTGAAGGCAC 60
AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAAA ATGAAACTTT TTTGAGTAAT AAAAATGAAA 120
AGACGCTGTA AA 132

配列番号：352
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00376
配列：
GATCAAGTTC CCGCTGCCCC ACCGGGTNCT GCGCCGTCAG CACAAGCCAC GNTTCACCAC 60
CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA GGGCCCTCTT CCGNGTTTTG CCCCAAATAA 120
ACTCANGAAC GNCCCGGTTA AA 142

配列番号：353
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00377
配列：
GATCAAGGAT ATTTGAAATC ACTACTGTGT TTTNCTGCGT ATCTGGGGCG GGGGCAGGTT 60
GGGGGGCACA AAGTTAACAT ATTCTTGGTT AACCATGGTT AAATATGCTA TTTTAATAAA 120
AATATTGAAA CTCACCAGTA AA 142

配列番号：354
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00378
配列：
GATCTCTAAT GAAAAAGGGA TGTCTTTTTG TTTATAGTCA TGTGGCAAGA TGAGAGTAAA 60
ACCAGAGAGC AAACCTCTAT AAGTNTTGAG TATATGTATA CATTTGAAAT AAACCAGAAA 120
TTTGTTACCT TAAA 134

配列番号：355
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00379
配列：
GATCAGCTCT GAGGTGCACT TCTTCACATA CTGTACATAC CTGTGACCAC TCTTGGGAGT 60
GCTGCAGTCT TTAATCATGC TGTTTAAACT GTTGTGGCAC AAGTTCTCTT GTCCAAATAA 120
AATTTATTAA TN 132

配列番号：356
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00380
配列：
GATCNGGGCT GGATTGACGG ATGTCACCCC CNATCCCCTC GTGACATGCA CGTCNGCAGG 60
AATGGGGGGT CTGCNGTGGT CGCCNGTCGT GTGAACAAGA TTCCGTCAAA ATATTTTCTG 120
TTAATAAATT GCCTTCATGT AAA 143

配列番号：357
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00381
配列：
GATCTAGAAG ATGATGTTCA AACTATGAAA CTGCTTGTGA ATTGTGAAAT GACTTTGTTC 60
TTTGCTTGTT TTTTTNAATT TCCTATAATG NACATACTAA CTTTTAAAAA ATAAAGGTTA 120
TTTTAAAAGC CTGAAA 136

配列番号：358
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00382
配列：
GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGAA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60
GGGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNAA GAATAATTGT TGCAAAATAT ATTGCTTCTA 120
CTTTGCCTGG AAA 133

配列番号：359
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00383
配列：
GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60
GCAGCATTAA AGCTGGCGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT AAAGAAATTT CTAACATTCC 120
ATGTCAGAAA 130

配列番号：360
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00384
配列：
GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60
GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGTNTG TTTACTTTAG TGACGTTCCA CAGAATAAAA 120
GGAAACAAGT TTGCCATCTT GGTGTTGCAA TATGAAA 157

配列番号：361
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00385
配列：
GATCTGAAAA GGCGTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAA ACTTGATTTN 60
AGTTTTTCAT NNCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTC AATAAAATTC ACTGCAGGAT 120
AGACCAGTTA AA 132

配列番号：362
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00386
配列：
GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTTC TAAGAACCTT TTTTTTTTCT 60
NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA CCATGTTTCC TNGNGGGGTA 120
TGCTCTGTNC TGGTTTCTGT TTTNAAATCA AATGCCTGTT TGGGAGGAGA TGAACGNATT 180
NAGTCTATTA GATTTGN 197

配列番号：363
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00387
配列：
GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60
CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCCT CCTTCCTGTT TTTATCTAAT AAAATGCTAA 120
CCTGCAAA 128

配列番号：364
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00388
配列：
GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGTG 60
TGTGTGTGGA TGTGTGTGTG TGGGTTTTNT AAAGAATTCT TGACCAATAA AAGCAAAAAC 120
TGTCAAA 127

配列番号：365
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00389
配列：
GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60
ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCTTT GCTGAGATGC AAATAAAGTA AGAGAATGTT 120
TTCCTGAAA 129

配列番号：366
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00390
配列：
GATCAGCTAT TAAATTTATA TAAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60
ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC TCAATAAAAT TGAGAAAATT 120

GGAAA 125

配列番号：367
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00391
配列：
GATCTTTTTA ATTATAATTT TGTTGTATTT GTTTCCTAGG AGCAAGTGTT CCTGCTGCCA 60
GTTCTTTCCT CTTTAGGCGT GGTTGAGAAA AAGCAGAAAC TTTACATAAA GCTGTATTTC 120
TTAATCATCT TTAATTTGAA ACTTAAGNAA ATGAATTTAT TCTGTNATAT TTATGTAACT 180
NATTTCCTGG NAGTNATATC TACTAGTNTT GNTTGATAAT AATAAAATTN GGCTATACCT 240
TGNAAA 246

配列番号：368
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00392
配列：
GATCTAAAAT TTATTGTGGT GATGTTTGCA TAACAGTGCA AATATACTGA AAACCACTGA 60
ATTTTACACT TTAAATCAGT GGCTTCTGTG GTATGTTATC AATATTTCTC AATAAAACTT 120
CAAAAAAATA AA 132

配列番号：369
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00393
配列：
GATCTGGTAT TAGGAAATTA CTTTCACAGT AAATATCAAA GAAAAAAGAT TAAGGGTCTC 60
TTTGCCATGC TTTTCATCAT ATGCACCAAA TGTAAATTTT GTACAATAAA ATTTTATTTC 120
CTAAGTAGAA A 131

配列番号：370
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00394
配列：
GATCTGAAAA AGAACACTGT GCGAGATTGT ATTCCTGCTT ATCCTTTCCA AGTTAGTAGG 60
CAGATTGGAA CTATAGAATT TATCCGTGAT AATAATAAAG TCCGCATAAC TTTTGTCCTG 120
AAA 123

配列番号：371

配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00395
配列：
GATCTAAAGA GAAACTGTAG ATTGTTTTCC TGACAGCAAA AGACTAATGT GACAAAATGA 60
AGTCATTGTA AAGAAGCGAT GCAACTTGTC AAATATTTAA TAAAGAATTA TGGAAGCTGG 120
AAA 123

配列番号：372
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00396
配列：
GATCACAACT GNAAGATAAC AAGAGATTTA AGTTTTAAGG GCATTTAATC AGGAGGAAAG 60
GTTTGGAAAA CTAACTCAGG TGTATTTNTT GTTTAAGCAG AAATAAAGTT TAATTTTTNC 120
TTGN 124

配列番号：373
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00397
配列：
GATCTGTGTT AGAATGAGTG CTTTCCCTTC CTACTGATGT GATTGTGGAT TAGGAATTCG 60
TGACCGAGTG ATTTTTGGCC AGTGGTTGGG TTTAAAATTC TATTAAAATT TGTAGTTTGG 120
GN 122

配列番号：374
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00398
配列：
GATCGCCGCC CTGCTGGCCA CCTGCGNTGG NGCTGGCNCT CGTGGTCGTC GCGCTGAGAA 60
AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC GAATAAAGGG GCCGCNGCCG GCCGCGGCGC GACTCGGCAA 120
A 121

配列番号：375
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00399
配列：

GATCAGGCCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60
CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT AAAGTGCACT TGTTCTCGGN 120

配列番号：376
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00400
配列：
GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60
ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCCAC ACACTACACA GNCTGNTNCC TTATAGCTN 119

配列番号：377
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00401
配列：
GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60
CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT NTACCCTGGC CCCTCTCCCT 120
TGGGCTGTGA TGAAAAATTG CTGACTGTAG CTTTTGGGAG TTTAGCTCTG AGAACCGTAG 180
ATGGATTNCA GTTCTGGGAA AATAAAACCC GTTGATTACT NNAAA 225

配列番号：378
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00402
配列：
GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60
CACACTGGTA CTTAGAGTTT CNGTTTGATT CTTTTTTAAT AAACTACTCT TTGATTTAAA 120
GCAAA 125

配列番号：379
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00403
配列：
GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAC 60
TGTTTGCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA AGCTTATTTT CATTAACAAT 120
TTGTATTAAA ATNTGGGTTC CTTGAAA 147

配列番号：380
配列の長さ：116

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00404
配列：
GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTTTCTC AACAAAAATT 60
AATAGCTGGT TCTATTTTTT TTAAACCTAG AAAAAATAAA GTTGATTTTT TTCAAA 116

配列番号：381
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00405
配列：
GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG ACACTGCTTA 60
CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA TAAAGAGCCT ACCCCCAAA 119

配列番号：382
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00406
配列：
GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60
TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG AAAGTTGCCA TTATN 115

配列番号：383
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00407
配列：
GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60
GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGGCAGT CCGTGCTCCT CCAGCTGCCC CAGTN 115

配列番号：384
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00408
配列：
GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60
ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAAACAT TAGCTTCTGT ATATAATANT AAA 113

配列番号：385
配列の長さ：116

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00409
配列：
GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTTT CTCAGCGCAG 60
TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAA AAATATAAAA CACAAA 116

配列番号：386
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00410
配列：
GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCGGTTCT 60
AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA CAAAAGATTT GTCCCAAA 118

配列番号：387
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00411
配列：
GATCTATAAA AAGTCAGCAA CTGATGTGTT TGAAAAGCAT CCTTGTCTNT ATATCCTAAT 60
GTTTGGATGT GTCTTTNCTA AAGTCTCACA AAAATTAGTG GTAGCTCACA TGACCAAAAG 120
TGAACTATAT CTNCAAGACA CTGTCTNNGG GGGGCCAGGT CTTTTGTTTT TAGGNCCAGT 180
ACTTNNATAA TTTTNTAGAC GGATATGGTT GTCCTATGGA TGGCAATGGG TGNTTNCTCC 240
ATTTGNN 247

配列番号：388
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00412
配列：
GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60
AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA AAAGGGAACA GN 112

配列番号：389
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00413
配列：
GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTTGAACA 60
TTTTTAAACA GCGGATTTAA ATAATGCATA AANTAAATTG CCATGNTCAA A 111

配列番号：390
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00414
配列：
GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTTAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60
TTAAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATGAGTT AACTTCAAA 109

配列番号：391
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00415
配列：
GATCGTNACG CTCGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60
TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG TGNAATACTT N 111

配列番号：392
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00416
配列：
GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT AAATGTAAA 109

配列番号：393
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00417
配列：
GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60
TTGTGGAATT TAAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT GGACTGTGGA AATAAA 116

配列番号：394
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00418
配列：
GATCTCAAGA GTTCACCTGG CTNACAGAAA GAAGATGCCA GATGACACTT AAGACCTACT 60
TGTGATATTT AAATGATGCA ATAAAAGACC TATTGATTTG GACCTTCTTC TTAAA 115

配列番号：395
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00419
配列：
GATCATTCTG AACTGTACAT ATTTATGTNG CGAGAGGCAA AGGGCAAGTT TTGGATTTTC 60
CTTCTTCCAA GTTTGTTTTT AAACGACAAA TAAAAAAAGA ACATTTTAAA TAAA 114

配列番号：396
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00420
配列：
GATCTGAATC TNTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCCAGT 60
GAGGATAATT AAACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT NTCAAA 106

配列番号：397
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00421
配列：
GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGAAA 107

配列番号：398
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00422
配列：
GATCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCCCGTNCCT CTTTGCTGTN 60
TATGTNAACC ACCCATGTAA GGGAATAAAC CTGGCACTAG GTCTTAAATA AA 112

配列番号：399
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00423
配列：
GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGGAA 60
GTCCTGCAGT CTTTAATCAT NCTGTTTAAN CTGTTGTGGC ACAAN 105

配列番号：400
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00424
配列：
GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTCATACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA TNNN 104

配列番号：401
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00425
配列：
GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CNTTTTCGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT NAAA 104

配列番号：402
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00426
配列：
GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60
GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG TGGAACAAA 109

配列番号：403
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00427
配列：
GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCNGTNCCTN 60
AAACACCTGG CCTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC GGACCAGAAA 110

配列番号：404
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00428
配列：
GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCCTTAAA TTTTATTTCC 60
AGCTCCTGTT CCTTGGAAAA TNTCCATTGT ATGTGCATTT TTTAAATGAT GTCTGTACAT 120

AAAGGCAGTT CTGAAATAAA GAAAATTTTA AAATAAA 157

配列番号：405
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00429
配列：
GATCAGCAAC ATTTGCTGAG CCTGTTTTTN AAGCTAATGT GTATTCTNAC TAATNTNCCT 60
ATCAAGAATG GATTTGTAAT ATATNCTGTC TATTTCTAAT GTN 103

配列番号：406
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00430
配列：
GATCTGTAAG CACAGTCTTA TTTNCTTTTG TTGTCCAGAA TACTTATAAT TCTTGAGCCT 60
CCCAGAAATT GGAAGCTAAA TAAAGCAACT CAAGTTTCCT TTAAA 105

配列番号：407
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00431
配列：
GATCAGCATC ATTGGAACAT GGGGACGAGT GACGGCAGGA GGACCACGAG GAAATACCCT 60
CAAAACTAAC TTGTTTACAA CAAAATAAAG TATTCACTAC CAAA 104

配列番号：408
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00433
配列：
GATCTATCAC TCTCGTNCTT GTAGCTCCCA GCCGAGGACG TCGGATGTAA TCGTCCTTNC 60
TGCTTTGCCA CCCCATTCCC GTCAATAAAG TGGTTTGAAC CCAAA 105

配列番号：409
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00434
配列：
GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60

TTCTCCTGGT GACTCAAATA AAAGTATAAT TTTNACCTGC GGAAA 105

配列番号：410
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00435
配列：
GATCAACACA AAGCACAATG NATTACNCGN AATTCAGTAT TTTCAAATTT ACATATTTAA 60
AGTCATGCAA GCTGTAACTT CCCNGTCAAA ATTACTNGCT N 101

配列番号：411
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00436
配列：
GATCATAAAG NNCTATCAAG GAGTTCTATC AAGGCATCCA TGTCAGTGGT GCTATGCTGG 60
TTACAACTTG AGATTTTTGA AATAAAAAAT TTGTCATAAA 100

配列番号：412
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00437
配列：
GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGTCTAC CATGATTATN TTTCTAAGCT 60
GGTTGGTTAA TAAACAGTAC CTGCTCTCAA ATTGAAAAAG AAA 103

配列番号：413
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00438
配列：
GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TAACAGACTA GAACCTTCTT TCAAGTACCT GAATTGAAAT 60
NAAACTCATT TTGAATAATA AAAACTCTAG AAACTCAAA 99

配列番号：414
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00439
配列：
GATCTGTAAT AGCATATTGT AGATGCACTT TGCAGCAGTT GGAAAAGAAA GTGTTGTGTG 60

ATTTGATTGA AATAAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA 99

配列番号：415
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00440
配列：
GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGA 60
AGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTCN 96

配列番号：416
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00441
配列：
GATCCTCCCA TCCGTGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTNT GGNCTGTCCT CCCTGTTGAT 60
TGGTCTGGCA TTTCCGGTAT TAAAATGATA ANATAAA 97

配列番号：417
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00442
配列：
GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA 60
TCACGTTACC ACTAATAAAC TTATTTTACA GTN 93

配列番号：418
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00443
配列：
GATCTGTATT TTGCAAATAT TTTCTTCAAT ATGTGGCTTG TCTTTTGGTT CTCTTAACAA 60
GGTCTCTTCC AGAGTATAAN CTGTAAATAT TAAGAAA 97

配列番号：419
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00444
配列：
GATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT 60

GCTGGGTTAA TAAATTGCCT CATTCGTAAT CCTGGAAA 98

配列番号：420
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00445
配列：
GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTTAGTAAT TTTCTGGTAG 60
AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAAA 100

配列番号：421
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00446
配列：
GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GGCGTGGAGT 60
TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA 93

配列番号：422
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00447
配列：
GATCTGTGTT TNCCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTC TAAATGTNTT 60
AAGAACCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA 94

配列番号：423
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00448
配列：
GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC 60
TCTGAATAAA ACTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT TTTGGGCTTT CCCTCTTTTT 120
TGTAAAGCAA TGTCTGCCTA GTTTATTGTC CAGTTAACTT TAGTGACCTT TTAAAAGTTG 180
GCATTGTAAA TAAAACAACT TGCAAA 206

配列番号：424
配列の長さ：481
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00450

配列：
GATCTCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACAA 60
CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTTGCTCTT TCAAGTTCTA TCACTTTTTG 120
TTTGCAAAGT TCAAAGCTGT ATTGTTTGGT ACATATACAT GTAGGTTTGC CAAGTCTTTG 180
TGGTGAATTG ACTCTTCTGT CATTATGTGA TGTCATTTTT TTGCCTTTTA ATAGTCTTGT 240
CAATACTTTA CCTGATGTTC TCATAGTGAC TCCTGCATAT TTTGATTAAT GTTTGCATGG 300
TTAATATTTC TTCATTTTAT TTTAAAGCTT ACCTGTATCA TTACTTATGA AGTCAGTTTC 360
TTTGAACAGC ATATACTCAG GCCATGCTTT TTTTNATTCA TTCCTGCATA TGGCTCTCCT 420
TAAATTGGGA ATGGTGGAAA ATGGNTTTAC CATTAANAAT AAATTAATTG GTATTTTTAA 480
A 481

配列番号：425
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00451
配列：
GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60
GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA 87

配列番号：426
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00453
配列：
GATCATACTT GAAAGTGAAC TTTAACATTG AAAAATCGTA CAGTCATTTC AAGAATAAGA 60
AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA 93

配列番号：427
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00454
配列：
GATCCCATGT GCTCTCACAC CATGTTTTTG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CTTTGTTCTC 60
TTGAAATAAA CAGAAGAAAA TGAAA 85

配列番号：428
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00455
配列：
GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT GTAATTATCT 60

TTATTAAAAA ATTGTACTTG GATTAAA 87

配列番号：429
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00456
配列：
GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA 60
AATTNAAATA TGGTTCACTG TTACTCTTAA A 91

配列番号：430
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00457
配列：
GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCCTA 60
ATAAAACTGG TTTGTACAGT CAAA 84

配列番号：431
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00458
配列：
GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA 60
ATAAATGCAT TTCTATATCT TCN 83

配列番号：432
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00459
配列：
GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCTGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATNAA 60
ACAAATAATT TAGATGGTGG TAAA 84

配列番号：433
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00460
配列：
GATCTTGATG GATTTNCATA CGATTGTAAA TGNAGCTATA TTAAAGTCTA TTAAAGGAAG 60

CCCTTCTTGT TTGAGGGAGN 80

配列番号：434
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00461
配列：
GATCTATGCT TGTTTGTTTT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCCTTC 60
TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA 86

配列番号：435
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00462
配列：
GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT 60
AAAGNACTTT GTACATTTTT AAA 83

配列番号：436
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00463
配列：
GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAAACCCCC 60
AATAAACCGT TGAACATGTG ACAAA 85

配列番号：437
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00464
配列：
GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTTAAA AAAATAAAGN 60
CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA 86

配列番号：438
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00465
配列：
GATCATTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAATA 60

AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA 83

配列番号：439
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00466
配列：
GATCCAAACT GTCTTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA 60
AAAAAAATCT AAAGATGN 78

配列番号：440
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00467
配列：
GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA 60
TGCCGATGAT TTGTGTGAAA 80

配列番号：441
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00468
配列：
GATCTTACAG GGAGAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTTT 60
GCTCACCCTC AAA 73

配列番号：442
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00469
配列：
GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAAT 60
TTACTTATGT AACTTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT TTCAAAAAAT TTCCTGTGTA 120
TACCCATCAG TGATTCATTC CCAAATCTNC TAGAAGCATA AGTGTCTCAA TATATTAAAA 180
CATATTGAAT AATCAAA 197

配列番号：443
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00470

配列：
GATCCAGGCG CCACGCTGGC GGTTCGTGAG TGTCGAGGCA CCACTAAATA TAGCTGTCTG 60
CCGTCCACTC ATAAA 75

配列番号：444
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00471
配列：
GATCANATTG TAAGCTTTTC TGTTTNATTT CTTTTAAGAA CCTTTGAATA AAAAACATCT 60
GAAATTTTAA NAAA 74

配列番号：445
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00473
配列：
GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT 60
TTAACCAATG AAA 73

配列番号：446
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00474
配列：
GATCATGTCT GAATTATGTA TGAAAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC 60
AGACATCGAA A 71

配列番号：447
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00475
配列：
GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGGATAC TAATAAAATG ATAAGCATTC 60
TGGTTCTCN 69

配列番号：448
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00477

配列：
GATCGTAATG TAAAATTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAAATACAG GTACTTGACC 60
ACATTCTN 68

配列番号：449
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00478
配列：
GATCGGGCCC CGGGGGCCTG AGCCTGGGAC CCCACCCNGT GTTAATGAAA AATGAGTTTT 60
GGCAGCGCCA AA 72

配列番号：450
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00479
配列：
GATCCTTTTG TAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA 60
TAAA 64

配列番号：451
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00480
配列：
GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTTNCCA NAAAATACAA GGTTATAATA AAACTAAGAN 60
CTACCN 66

配列番号：452
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00481
配列：
GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAACT 60
TGAANATAAA 70

配列番号：453
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00482

配列：
GATCACTAAT TTTGCATCAG TAAAATGAAT TTTTTTAAAA CCAATAAATC ATCAATTATT 60
AGAAA 65

配列番号：454
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00483
配列：
GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC 60
AAA 63

配列番号：455
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00484
配列：
GATCATTAAT TGTAAAGCGC TTTGTAAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA 60
AACCTAAA 68

配列番号：456
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00485
配列：
GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA 60
TGN 63

配列番号：457
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00486
配列：
GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA 60
GN 62

配列番号：458
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00487

配列：
GATCTAACAC TAACTGTATT GTTTTGTTCA CATCAAATAA ACATCTTCTG TGGACCAGGA 60
AA 62

配列番号：459
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00488
配列：
GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA 60
A 61

配列番号：460
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00489
配列：
GATCAACCTG AGTTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA 60
A 61

配列番号：461
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00491
配列：
GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC 60
N 61

配列番号：462
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00493
配列：
GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT 60
AATGTAAATA TTTGCTTTAT TACAAA 86

配列番号：463
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00494

配列：
GATCTCTACT ACTGTTGATT TTGCCCTCGG AGCAAACTGA ATAAAGCAAC AAGATGAAAA 60
CTGAAA 66

配列番号：464
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00495
配列：
GATCAAACTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA 60
AAAAAAGAAA 70

配列番号：465
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00496
配列：
GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAGN 57

配列番号：466
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00497
配列：
GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA 60
AGAAA 65

配列番号：467
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00498
配列：
GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGGAAATAGA CCCAACTCTT CATGN 55

配列番号：468
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00500
配列：
GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA 56

配列番号：469
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00503
配列：
GATCTGTTCA GTGTCACTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA 52

配列番号：470
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00504
配列：
GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA 54

配列番号：471
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00505
配列：
GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号：472
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00506
配列：
GATCCAGTGT TGGNATTCTT TGGTGTAAAT AAACGTTTGG TTTTATTTAT NCAGGTTAAA 60

配列番号：473
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00507
配列：
GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A 51

配列番号：474
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00510
配列：
GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATGA 60
GTCATTATTT TAAAGGTAAA 80

配列番号：475
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00511
配列：
GATCCAAAAC TTTAATGTTG CACNTGTATT CCAAATAAAG GTAAAAACA GAACCAAAGT 60
TATAACTCCA ACACAAA 77

配列番号：476
配列の長さ：669
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00532
配列：
GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTTAAACTAA AAANTGTTTC 60
CTTGGGTCAG TGGTTTTNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT TCTTTTGTCC TTCCTGTTGG 120
AATGAAAACA TTTCGATTTT CCTTCATCTG TGACTGGTGC CATAGACACA GGTTTATAGT 180
TTTAACTTAC AGTATTGTTT GAAATTTACC TGTTTTTNTT GTCAAACCTG AGCACTCCTC 240
CTGCTGAAGT TTCTTATTTA ATTCCAGAGT ACTGTCCTCT ACTCTAAGGC ATTACTTTTA 300
AGTGTATTAT GAAGGCAGTT TTCAAAGGAT ATGACCAGTT GGGGGTAATT CAAATTAAAA 360
AGGAAAAGAT TTGTTTGGGA AGTAACTGGG TGTCTCTAAG AGGGAATTTT TAGGATGTCC 420
AGTTTGGGAG GCTCTTTCCC CCCTCAAATT GAGANGCTCC TTGGTTAATT CAGAGCTCCC 480
ANGACTAGGC CCTGGGCTAA CCAANCATTN GGGNGGCCAA AGGTTAGGGA ACCATTNGNT 540
ACCAAGCTTT TGNANCAGGG GGNTTTNTNC CATTTGGGTA ATAGGGCCCT TTTCANGCCT 600
TTANGGGTAN GCTTTTTTAN CCCNGAAACC NTTNNTNNNT TTGNAATTAA ACCGGAACCT 660
TTTGNCAAA 669

配列番号：477
配列の長さ：651
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00533
配列：
GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNACCG 60
CGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT CACCAATCTC ATGAGGAGAG 120
GGAACATGCT GAGAAACTGA TGAAGCTGCA GAACCAACGA GGTGGCCGAA TCTTCCTTCA 180
GGATATCAAG AAACCAGACT GTGATGACTG GGAGAGCGGG CTGAATGCAA TGGAGTGTGC 240
ATTACATTTG GAAAAAAATG TGAATCAGTC ACTACTGGAA CTGCACAAAC TGGCCACTGA 300
CAAAAATGAC CNCCATTTGT GTGACTTCAT TGAGACACAT TACCTGAATG AGCAGGTGAA 360

AGCCATCAAA GAATTGGGTG ACCACGTGAC CAACTTGCGC AAGATGGGAG CGCCCGANTC 420
TGGCTTNGGC GGAATATCTC TTTGACAAGC ACACCNTGGG AGACAGTGNT AATGGAAGCT 480
TAAGCCTTGG GGNTAATTTN CCCCATANGC NGTTGGGTTG ACTTCNCTGG TCANCAGGGC 540
AGTTCANTGA ATGTTNGGGG TTNCCTTTAC CTTTNCNTTA GGTNGTCCNA AACAATCCNT 600
NAAAGTCTTT GNTTTGNACC NTTCCGNNAA TAANGGATTN GGGCCCNGAA A 651

配列番号：478
配列の長さ：617
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00534
配列：
GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60
AGATTACATT AGGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTN CTAATGGGGT TGGAAAGAAC 120
CTTACAGAGC ATATTACCTG ATAAACTGGA GTGGGTTTGG GAGAACAAAC TAATAGGATT 180
ATNGTNTCTC CTAGTTGGTA CCTGGGAGCA ATTGACATGC CCCCTTCAGA ACCTTAACTG 240
TTAGTAGCAG TGGCTGTAAC AACACAAACC AGTGACCAGA GATAACAGCT TTTNGGCCAA 300
GCTGGCCTGA CGGTATGGCT GCAGGANGTG ACTGAGCAGT AGCGGTACTC AGCCAGACCA 360
AGACGGAGAG GGGAGAGTCC ACAGCTTTCT GGAGCTAAGG CATTCTGGTG GTAGAAAAGT 420
GTGCCCNAAG CCTTCATNGG CGGGTTATAN GGTCTNAAGA TAAGTCTCCT CTTGTNTGGG 480
ATNCCATACT NTGCTAAATA ACCNNGGTAT TANCCGGGTT TTCCNTGTAA CNGCCTCTNG 540
GGAGGAANTG ACTNNGNAAG NTGGCACAGG TNTTTAAGCN TNAATGGAAA GGGNNAAATC 600
CTNCTCAAAN TAGAACN 617

配列番号：479
配列の長さ：569
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00535
配列：
GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TTTCCAAGGA 60
GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT AGGCTAGTTT TGATTTCTTG 120
CTCATTTTCA GAATAACTTT CCAGGAAGAG ATGGCATTTA GAACTTCAGC TTTGGTGCTC 180
AGGTATAAAG CCAATTAAGG TACAATTGTA CCATAAAGGG AACAATCTGT TTCTGATTGC 240
ACAGTTTCTA ATTTTTAAAA CTGNNGTGGT TTGCATTTCA TAAAAGGCAA AGTTTACAGA 300
NCCATAAACA TTCTCAATTT TCTTTATGCT AGACATATAA ATTTATTTTT CCAAACTGTA 360
ATAGGATTTG GGGTAAAAAG NTTGTCTCAG GTNCCTCTNC CCANTTTGCC AATGGGGNAA 420
AAAAAAGGCT TAATTTTTTA CCATNNTACT TNAAATTTTC TAAAACCCNT GGTAACCCCC 480
CATTGGNACC CCNATTTTTC CANCTTTAAG GGTCTNGCAT NGGCNGGCTT TTTNAATTNN 540
CCCTGGGGGG GTTTTNCCTG GGAGGGCCN 569

配列番号：480
配列の長さ：556
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00536
配列：
GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60
AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA CCCGGACACT TCCGAGGGGG 120
CCATCACCGC CTGTNTATAT AACGTTTCCG GTATTACTCT GCTACACGTA GCCTTTTTAC 180
TTTTGGGGTT TTGTTTTTGT TCTGAACTTT CCTGTTACCT TTTCAGGGCT GACGTCACAT 240
GTAGGTGGCG TGTATGAGTG GAGACGGGCC TGGGTCTTGG GGACTNGAGG GCAAGGGGTC 300
CTTCTGCCCT GGGGTCCCAG GGTGCTCTGC CTGCTCAGCC AGGCCTNTCC TGGGAGCCAA 360
TNGNCCAAGA GACTCAGCTT GGNCAAANTT GGGGGGGNTN TGTNCAACCA NGCCCGCNNN 420
TCCTNTTNGG GTTGAAAAGT TTAACCTTGT TTCCCTTTCT NGCCCCGGTT TTGGAGAACC 480
CGANTTTTTT GGGGNAATTT TTTGCTTTNA ATNAACTTNT NCCTTTTTTA AAAANGTGGG 540
TTTAAAACTN TNAATN 556

配列番号：481
配列の長さ：551
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00537
配列：
GATCTACTGT CTTTGTTCAA AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTTAT TCTACTTTCT 60
ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG GACATAATAA TATTGAATAG 120
TAATTACCTT TACTAGATGA AAGAAATTTT CATTACAAAC TTAAATCATG TAAAACTCAA 180
CAACTCAGAT TCCTGGACCT GGTGTCCTGG NTGGGTCCAA GGTGATTTTA CAGAAGNAAA 240
AANCAACTNA AGCATTCTGG TGGCAACATA GAGATTGTAG GCTGCTTCTA AGGAAGTNAT 300
TAACAATTNG GAAATTCCNA AGTAGGATGA GAGTTAGTAA CTGGATACGA GTGAAGTTTA 360
TATCCAAGTT CAGNCTCAAA GGCATNATTA TGATTNGCTT CTTCCCATGT CTNCCATGGN 420
CCTGCTTCTC AAAGTTTTTC TNATCNATCA CACTGCTGCC TAACTGCTCT GAGNATGCAT 480
GNGGTNTTCA ATTCAGCGTN NTNTNAATCN GGNNTANCTN TGGATTGGGA TGGGGATACG 540
GACNTTAAGG N 551

配列番号：482
配列の長さ：520
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00538
配列：
GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60
TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCACG ATTAAATATA ACCAAAAAAC TTTATAGTGA 120
CTGATTCAAA TTTGAATACT GGTTTTAGCT AATGTAGTAG TAATGAACTG GTTTGGGGGT 180
AAGATTTTCC TGGTATCTTA TTGCTGTAGA AATTTTCCTT TAACAGTTAC AGTGTTTTCT 240
TCCAAATCCT TCACTTCTCT GTCCTGGCTT GTAAAGAAAA CATCTGAGGA CTGAGGGGTC 300
ATATTTGAAT TGCTCTNTAT AATACCATAG ACTACTCATT GCTTAGACTN TACTAAGCTA 360
GAAATCACAA GAGCATAAGC NACTCTNAAA ATTNATATNA TGNGAATGTA AAAGGTACCT 420
GNCTGCAAAT ATCTNGANCN TCACTTTGGC TCAAGTNTCN NGTTAACCTG TNNNNTAATA 480
CNGNNATGTG AATTNGGCCA CCAGGTCCAT GNTTGGCAAA 520

配列番号：483
配列の長さ：517
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00539
配列：
GATCATGCTT TTNGTGCCTG TCACCAGGTC TCCCAAGTGC ACTCATCCAG GTCAGTGCTC 60
AGATGTGTTT AAGGAGACCC TATATTCAGG GAAGTTGCGT GAACACTGCA GTGGGGAGAA 120
TTGAGAATAG TCAGGCCTAT CAGTCTCACA GAATCACCCC TCTACCTTTG ATATTCCACT 180
TAGCTGTAGA GTCCATCTGT TTGTCCATCT GCTGAAATGA GAAAAGAAAA ATTTATGCAC 240
TGATTTAAAA CAAACCAAAA AAAAAGAAAA AAACAAAAAA AAAAATCCNT CCTTTCTNGC 300
TGACCAAAAN TGTGCAGTTA ATNCTGGGNG CTTGAAANTG CAGTGGTGAA TNTGGACCAA 360
GCCTGTCTGT ATATCTGGTA GCTCTTTTCT GGCTTNGTTT TTNCTTACCA GTATTCNGGC 420
CTAACGTTTT GCTTCGGGNN TGGTAATATN NCCTNGNAAG NACANCNGTG GGTTGTGGAA 480
ATGGGTTNGG CAAAANGGAA NTTCCNGGGG TNTTGGN 517

配列番号：484
配列の長さ：515
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00540
配列：
GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGCAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60
GAAGATTTTA AAGACATTTT GGCTACAATA TATTTNTTAA TGCACAAGAA TCCCAAGGTC 120
CAATTGTGGT CTACTTATCA AGTTAGGAGT GCTGACTGGT CACTTGAAGC TTTACTCTAC 180
AAATGGGATA TGAAATGTGT CCACANNGNT CTTGAGTCTT TTGATGCAGA CAAAGAAGAT 240
ATAGCAGAAT CTACCNTTCC AGGAAGACAT ACAGTTGAAA TGCTGGTCAT TTCCTTTGCA 300
AAGNACAGTC TCTGAATNAT ACCNACAACC NGTNCTGGGA CAGTATCAAT ACTGATGAGC 360
AACCNGGCAC ACAAACTATG AGCAGACCAC TTCAGCTTGA GGAATGCAGT GGGTCTGAGG 420
ATGGTCAAGT CTGTTTGCCT TAGATTTTGN TGTCACTTGG CCACACTTGA AANCTNNTTT 480
GGAACAAAAN TTTAAATTCG GGTTTCCAAG GTAAA 515

配列番号：485
配列の長さ：510
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00541
配列：
GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60
GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCCTG GCAGTCAGGC CTAGAGGCTG GCGTCTGTGC 120
AGTTGGGGGA GGCAGTAGAC ACGGGACAGG CTTTATNATT TATTTTTNAG CATGAAAGAC 180
CAAACGTATC GAGAGCTGGG CTGGGCTGGG CTGGTGTGGC TGCTGAAGCC CCACAGCTGT 240
GGGCTGCTGA AGTCAGCTCC GCGGGGGAGC TGCCCTGACG TCAGCAGACC GAGACCAGTC 300
CCAGTTCCAG GGGGAGGCCT GCAGGCNCTG GCCCTTCCAC CACCTNTGCC CTNCGTCTGC 360

AGANCTTGGT NCATCTGCAC CAGGCTCTGC TTNACTCNNN NANAGTNTTT GGAAATTTGT 420
TCTNNTCCTN TGAAAGTCAC ATTTGNTTNT AAAAATTTTG TGGNTTGAAT CGGAAACGGG 480
AAGNAATAAA GCGGTGGGNG GNAGGGCAAA 510

配列番号：486
配列の長さ：507
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00542
配列：
GATCCTTACA TCTGCCCATT CTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACTGC 60
ATCTATAGGA AACATTTTTG TGATTACGGA ATACTTTAGT TGATTGCTGA AAATATTGAA 120
AGGTCTTCAT TTTACAGTGA TGAGTACATA TGCATGTTTC GGGGACTTGG CCCTTCTGAT 180
GAGGGGCCCT CGGTACTCTG GATAACGAAG CTTGTGCAGA GTGGTAACCA TGCTTAGACA 240
CTAAACTATA ATATAAAGGA AATGAAGCCA TGTTAATCTG AGAGCAGTGT CGCCATAGTT 300
GTGTTGTTTA CAATACTCTA TAAATGGGGT TCCTGTTGCC CTGTAATTAA CCTGCTGCCC 360
GTAGAGGCCT TTCCAGTTCC TTTTCTGTCC TTNCCCCTTT CTTAACACAA GCTCAAATTT 420
TCCTAACTNG GTTTTNNATT TGGAGGNCTT TTAAAANGGN CCATTTTCAA TACCATNAAA 480
ANTAACCAGG GCTTTATAAT ANTTAAA 507

配列番号：487
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00543
配列：
GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60
NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC CACGGACTCC TGGTCTTAGC 120
CCAATAAAGA CTGTTAATTC CTCAAAAAAA NGAAA 155

配列番号：488
配列の長さ：499
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00544
配列：
GATCTTAAAA ACTAACTTCT AAGATGATTT CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60
ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA TTGTAATTTT TTGCTTTATT 120
TTCATCTGCC AGTGGACTTA TTTGAAATTT TCACTTTAGT CAAATNATTT TTNGTATTAG 180
TTTTTGATGC AGACATAAAA ATAGCAATCA TTTTAAATNG TCAAAATTTC CAGATTACTG 240
GTAAAAATTA TTTGAAAACA AACTTATGGG TAATAAAGGC TAGTCAGAAC CNTATACCAT 300
AAAGTGTAGT TACCATACAG ATTAATATGT AGCAAAANTG TATGCTTGAT ATTNCTCACC 360
NGTGNTAATG TTNCTGCNGT ATTCCAGCNG ACCAAACCAA TATTAAGNAT GCATCTGTAT 420
AAAATGGGNG CCTATNGGNT AATGGGAATN ATTNGGGTAA TNGGCCTNTA CCNGGNTGGT 480
NATAATGGNG CCCTNTGGN 499

配列番号：489
配列の長さ：516
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00545
配列：
GATCTACCCC GGACACGGGA GGCGCTACGC CAGGNCCGAC GGGAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
TAATGCGAAA TGCGAGTCGG CTTTCCTTTC CAAGAGGAAT CCTCGGCAGA TAAACTGGAC 120
TGTCCTCTAC AGAAGGAAGC ACAAAAAGGG ACAGTCGGAA GAAATTCAAA AGAAAAGAAC 180
CCGCCGAGCA GTCAAATTCC AGAGGGCCAT TACTGGTGCA TCTTTTGCTG ATATAATGGC 240
CAAGAGGAAT CAGAAACCTG AAGTTAGAAA GGCTCAACGA GAACAAGCTA TCAGGGCTGC 300
TAAGGNAGCA AAANAGGGCT AAGCAAGCAT CTAAAAGGNC TTGCAAATGG CTGCTTGCTA 360
AGGCACCTTC AAAGGGCAGC ACCTTAGGCN AAAAGGATTT GTNTAAGCCN TGTTGAAAAG 420
TTTCCAGCTT CCCCGTNTTT TGGTTGGGAA NNGGNTAAAC CTTGGCAGGG TTTTGNTTTT 480
TTTAATTAAN AGGTTTGGGG TTTTAANCTN TTTAAA 516

配列番号：490
配列の長さ：497
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00546
配列：
GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC TGTGCGTGGG GACGCCAGCC 120
GTGACATGAA GCAGACCATC ATGGAGACCC TGGAGCAGGG CCCAGCACAG GCCAGCCCCA 180
GCTACGTGCC CCTCTTCAAG GACATTGTGG TGCCCAGCTG AACGTGGCCA AGCTGCTCAA 240
GTAGCCTCCG CGGNCTGCCT GCTCGCCCTC CACAGCTNGG TCCTGCTTTA GAACGCGGGC 300
AGTNATTGTC TCTTGGCACA CGTGTCCTTT TAGTGACGGC TGTNTTTAGG TGCANTGTNA 360
TGACNGGGTG TGCGTCGAGT GANGTCNGAG GGCACGTGCG GAGGCNGTAN TTTGCTGTAA 420
AGGCTGTGGG TTCAGNGTTT NCNGACAGCG TTNNTTGGGT GTTGTTNTTC AGNGGTGAAG 480
TGTTNGGGAA AGNGNCN 497

配列番号：491
配列の長さ：494
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00547
配列：
GATCCAAGAA ACAATTTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60
CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT AACTATAAAG TGGTGGAACT 120
GGACCTGCTT GAATATGGAA ACCAGTTCCA AGATGCTCTT TACAAAATGA CTGGTGAAAG 180
ANCTGTTCCA AGANTATTTG TCAATGGTAC TTTTATTGGA GGTGCAACTG ACACTCATAG 240
GCTTCACAAA GAAGGAAAAT TGCTCCCACT AGTTCATCAG TGTTATTTAA NNNNAAGTAA 300
GAGGAAAGAA TTTCAGTGAT GTTTATACTA ATAAGTTTGC TAGTACAGTG TCAGTTATTT 360

AAAGTGGTAA TGCCCGNTAA TGTCTTTTAA ATGTTTTGAG GGATGTTTTA AAATACATGC 420
NATTGTCTTC ACGGAGGAGG GNTGTAAAAA TTANTGGGCC AATAAATTGC GGGTGGGAAN 480
CCNTNTTCTT NAAA 494

配列番号：492
配列の長さ：489
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00548
配列：
GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTCGCAATG CCGCCTAAGG 60
ACGACAAGAA GAAGAAGGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA AGACAAAGAC CCAGTGAACA 120
AATCCGGGGG CAAGGCCAAA AAGAAGAAGT GGTCCAAAGG CAAAGTTCGG GACAAGCTCA 180
ATAACTTAGT CTTGTTTGAC AANGNTACCT ATGATAAACT CTTTAAGGAA GTTNCCAACT 240
ATANACTTAT AACCNNAGCT GTGGTCTCTG AGAGACTGAA GATTCGAGGC TCCCTGGCCA 300
GGGCAGCCNT TCAGGAGCTC CTTANGTAAA GGNCTTATCA AACTGGTTTC AAAGCACTGA 360
GCTCANGTAA TTTACACCAG AANTACCANG GGTNGAGATG CTCCAGCTTG CTTGTGAAGA 420
TGCATGATTA GGTCCACCAG CTGTACATTT GGAAGAANTA NANCTTNTGT TAAATCAATG 480
GNGTNNAAA 489

配列番号：493
配列の長さ：487
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00549
配列：
GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTTNCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60
GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGAG AACTCACAGC TCTGGGAAAA 120
AGAGGAGCAG ACAGGGTTCC CTGGGCCCAG TCTCAGCCCA GCCACTGATG CTGGATGACC 180
TTGGCCTGAC CCTGGTCTGG TCTCANAATC ACTTTTCCCA TCTGTAAAAT TGAGATGAAT 240
TTTNGTGTTG AAAGTNCTTC CNNGAGCAGA TGTCCTAGAA GGTTTTAGGA ATAGTGACAG 300
AGTCAGGNCA CCCNAAGGGC CATGGGGAGC CAGCTGACCT GCTTNGCCGA AGGATTTCTG 360
ACAGACTATC TTTGGGGATG TTTTCAAAGA AGGGATATAG GTTATTGACN TNNGGGCATT 420
TAAAGNAAAT TNTNTCTCGG GGATTAANTT TTTAGGANAA TNAAAGCTTT NGTGTCTANN 480
GGCAAGN 487

配列番号：494
配列の長さ：481
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00551
配列：
GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTCAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60
GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC TGGTGGAGAC GCTTATTCTA 120
CTGGACCGGC TGCTGTACCT TCAGGAACAG GGTTTCCATG CTGAGCTCCT GCCCATCTTC 180

AGTCCTGAAC TCTCTCCCAG AAACCTGGTT CTGGTGGCCA CCAAGATGCC CCTGGGTCAG 240
GCTCTTTNTG TTCTGGAGAC TGAAGACAGC TGATGCAGCC TGAGGAGACA TCTCAGACCC 300
CATCATCTGA AAGTGNCCAG AGAGCACAGT GGCAGAGTAC ATCTNATCCA GAGAAACAGC 360
ATCCTGCATC CTCCAGAGTC CTGGTTCCTT CAAGTTTCAT CNCTTTTNTC TCCTTTCCAT 420
GGGNTTATGT AAATACAATT GTAAAGTTTT AATTAAATTA AAAAATTGGG TTATCTGGAA 480
A 481

配列番号：495
配列の長さ：472
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0552
配列：
GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60
CACACATTGC ATGCACAGCG CCCCACACAT TGGATACTGT TGTTCACGAT AATTTCTCCC 120
GTTTTCCAGA GCATTTAACA TAGCTTGGAG GCGTAAAATG GCTCTGTATT TTAATAACAC 180
AGAAACATTT GAGCATTGTA TTTCTCGCAT CCCTTCTCGT GAGCNCTTAG ACCTTTTNCT 240
ATTTTAGTCG GATTTTGTTT TGGAATTTTG CTTTNGTATG AACACTCAGC AGAAAAGTAC 300
TTACTTCTNG CCAGTTATCT ATTAACCAAA ACCNTTGATT TGTAGTTTTA AAGNTTAACC 360
GNCAAAGTTC TNTNCATAAC TGCCTTGGCC AGTNNGGGGT NGTNCCGGTN CTGGTTAATN 420
GCCTGTGGCN TTTTNGGTGG TTTGTGNTTG GTNTTTACNT GNGCANTTAA GN 472

配列番号：496
配列の長さ：461
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0553
配列：
GATCAACCAA TTTTNCTAAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60
AAAAAAATGT AAACTATGAC TGCTGAGTGA TAAAACACTG TGGTGTGAAA GTNTCATCTT 120
CACTGCCAAT CAGGCAAAGA CCGGAAAGAT TTGCATTTTA TTATGTCTGT CTTATCATGC 180
AATGGAAATN ATGCTTTTNG TAAGTATGCA TCTTACCAAT GATGTAACGG TTTAATACCN 240
TTGAATGTTT TAATAACCAA GTNGCTGCTG AACTTATACT AAATCAGGGG CCAAAAAACT 300
NGCTCTNATC NNCTCAAATN GTATNCNATA TCCATTAATG TATCAGTTAT NCCAAAGCCT 360
TCAGGTGGAG GGGTTTACCA CCNTCCTAGG TCGTTCAACC AGGTTTTGTG AGGAATGCAT 420
TCAAAGTGGC TNTATAAAAG ANGATTTTCT TTAGCATGAA A 461

配列番号：497
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0554
配列：
GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60
GTTTTTNCTT CTAAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG ATTTTCCTCT ACCCCCTTCT 120

ACTTACGNCA CCATGGCCAT TCGAGAAGTG CTAAAAATGG ATACCAGTAT CAAGAACCAG 180
ACGCAGCTGA ATACAACCTG GCTTCGCTGA GCAGTACCTT GTCCACAGAT TAGAAAACGT 240
ACACAAGTGT TTGCTTCCTG GCTCCCTGTG CATTTTTGTN TTAGTTCAGA CTCATATATG 300
GATTTCAAAT CTTTGTAATA AAAATTATTT GTATTTTTAA GTNTTTATTA GCTTAAAGAA 360
ATAATTNGCA ATATTNGTAC ATGTACACAA AATNCNGGAG GTTCTTANTT TTAGCTCAGG 420
NTATAAATNA GTCAAATNCN NNGGTNNNGG NTNNGNTGN 459

配列番号：498
配列の長さ：481
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00555
配列：
GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60
GGTCCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG CTACCACTGG CAGGAACTTT 120
GATGAGATTC TCAGGGTAGT CATCTCTCTC CAGCTGACAG CAGAAAAAAG GGTTGCCACC 180
CCAGTTGATT GGAAGGATGG GGATAGTGTG ATGGTCCTTC CAACCATCCC TGAAGAAGAA 240
GCCAAAAAAC TTTTCCCGAA AGGAGTCTTC ACCAAAGAGC TCCCATCTGG CAAGAAATAC 300
CTCCGCTACA CACCCCAGCC TTAAGTCTCT TGGAGAAGCT GGTGCTGTNA GCCAGAGGAT 360
GTCAGCTGCC AATTGTGTTT TCCTGCAGCA ATTCCATAAA CACATCCTGG GTGTCATCAC 420
AGCCAAGTTT TTTANGGTTN CTATACCAAT GGGTTTATTT AAATGAAAAT GGGCACTTAA 480
A 481

配列番号：499
配列の長さ：453
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00556
配列：
GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60
AAGGTACAGA TAGAGGCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG CACTCAGGGT GTTTGCAGCC 120
TCAGAGCCCA CCTGCCCCCA GGGCCACAGC TGCATCTCCT GCCCTGCTGT CATTACAGGG 180
ATGGGCAGGC TGGCATGGGG GCACCCGCTG CCCCTGCCTG GNTGTTGCTG TGTATTCCTG 240
CCGGCCAGGG GCACTGCCAG GACCACGCCT CCNTTTTNAT ATCCNGATTC TTAAGTTCTG 300
CTATTGTGGT ATTCTGGTGG AGAAAAAAGA CCGNGTGGCT GTTTTTGAAC TGCCTGGAAC 360
CTAAGACCCT GAATTCTTTT CCCCCCAAGG GAAAATCTAT ATGGAAACAT TTATTTAAAT 420
ACAGGATGAA GTAATTAAAA GNTTTAATTC AAA 453

配列番号：500
配列の長さ：446
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00557
配列：
GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGACTCGAGA CATGGGCGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60

ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT AGAGCCCTTT ATTTCTTCCA 120
ACCTTGCAAG GACCACACTN CCCATACCNT TCAGTGCAGT GTACCAGGGA AGAGCCTTGT 180
GCCTCTAAGC AGTGGACCAT GGTCACCTTG CTGGGTAGAG CCTAGGTTGT CCTTGGGCCG 240
GCTTCCTTAG GGGACAGACT NTTGGGTGGT GATGGGGATT GTAGGATGGA GCCAGGCACA 300
TGGATGATGA TGATTCTCCC NCACAGGTTC GAACCTCTGA CATGGGTGGC TATGCTACTN 360
GCNATGCTTA NTGAGGNTGT CATTGCTGCT TTNCCNAACC ATAGGCCTGT CATACNNTGT 420
AAGGNGTCAA TAAGGACATG ACCAAA 446

配列番号：501
配列の長さ：434
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00558
配列：
GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTTGATTT TTTTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60
TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA GTAAATGTGT GTTGAATATC 120
TACCCTTGAC CTTTTTTTGA GAAATAGAGT AAACACAGTC CCTGTAGTCT GACAGCTAAT 180
GGGGAGAGAG GGTAGACTTT TCATCGAATT AAATTTCTAC ATGCACCTTT CCCCCAGAAA 240
TCTTACTCAT GGCTGGTCTC AAGTAAGTCT TTATTGAAAA ATATNGACAT ATCTNCTTCC 300
TCTTCCTTCT CCTCACTGTC TTCCTTTTAG TAGTTAGGCA GAGTTAATAG GTAAGAAAAA 360
TTATCTGCAT TTATGTGTAG TTTGTAATCT ACTAAAGGGG TTCTAGAATA AATGTNGNCA 420
TNTNGTAACN GAAA 434

配列番号：502
配列の長さ：430
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00560
配列：
GATCAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTTAAA TTTCACATTT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60
TGTAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG TATAAAATTT GGAAACATTT 120
TGTTGGGCAT AGTAGTGATT GGGTGAAAAG GATAAATTAT ATCAAAATGA GAATGTNCTG 180
TAATTGGAAG TAGGGAGCTA AAGGATGTTT CTTTCAGTTT AGTAGAACTG GAACGTTTTA 240
CTATTAAACA TGGCTTTTAT AAATNCATGG TCCAATAATT TTATTCACTG TTAGTATTTA 300
ATTCACTGTC AGCTTATTAA TGTTTTCTGT ACCCATTAAT GAATTTTAAA TTACAAAAAA 360
TTGTCTAGCA GCTTCCAGTT TAANAAATGG AACCTAGGCC ATTAAAATTA AATTTGGTAA 420
ATTTTTTAAA 430

配列番号：503
配列の長さ：428
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00561
配列：
GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60

TNTTCACATT TGTNTATTCC TCAGCACTCA CCCGAAACTG AACAGATGGG GAGTGGTCTT 120
GATTGTCAAG ATAAAACTGG TGAAGAAAGC TAAATGCTGA GAAACTGAGC ATCTATTGTG 180
GTGTTTAAGC TTAGCTGGGT CCTTTCTAGT TTGTTTTTAC AGCTTACTAG GTGAAGTAGT 240
TTGCACTATT TTNGCAATAA ATTCATGGAA AACCTAACAG TTACTNGTNT NGTTTCTNAC 300
TGTGTGTATA TAANCTAATA CTAAANGTNT GGCATAGTGT TTNTGCACCT NCNTACATAA 360
CCNCTAACAT GCACAGAATG CTGGTAAATN TGATAAANTA TGANGTGANT GATGATNNGA 420
TANAGTGN 428

配列番号：504
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00562
配列：
GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTTAACT 60
NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCTTCCATC CCAGCCCTGT CAGTNAGCCC AGGTCTGGTG 120
CAACTNCTGC AGGATGCCTG TAGTAGGGAA CTCTGGAAGT GTATTGGGCT GAGGTGGGAT 180
TTTCCCTCCC CACAGTGCAC TGAGCAATGG AGGGTGGTGA GGGAGCCATG CTGCTGAATT 240
CTGGTTGGCA TTTCCCCATT ATGTAAAATG GGGTGTTGGG TAGGGCAGAC TCTGCTTGGG 300
TTTGGTTGTA AGATAAACCT GGAGGAGAAG CACAGTTGTC CCATTGAATT ATTTGAGCAA 360
AAACTACTGT AAATAACTTT TTTGGGCTNT TGTCAAATAA AATTTTTTTT TGTTTNTTTA 420
AA 422

配列番号：505
配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00564
配列：
GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60
CCACTGAGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT ACTATTTTCC TGTGCATCAC 120
ACTTAACTCA TCTAACTNNT TCCCCGGACA CCCTCCACCT CTAGTTGTTA CTAAGTAGCT 180
GCAGTAGGCA TTGCTGGGGA AGAAACAAAC ACACACCAAA CAGTACTGCT ACTTAGTTTC 240
TAAGGCTGCA CAGGGAAGGG AAAGACTGGG CTTTGGACAA TCTAGAGGTA ATTTATATCC 300
GCCCCCAGGT GGAGCAACAT GCGATTNTGG AGGCACGGGG GTAACTGAAA GTGAGTACAT 360
ATAGTNTTTC TGGTTTCTGG GGATAACCCA TCAATAAAAG CTGCTTCCTC TNGTAAA 417

配列番号：506
配列の長さ：421
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00565
配列：
GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60
GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT GGGGAGCAGA GAATTCTCTT 120

ATCCAACATC AACATCTTGG TCAGATTTGA ACTCTTCAAT CTCTTGCACT CAAAGCTTGT 180
TAAGATAGTT AAGCGTGCAT AAGTTAACTT CCAATTTACA TACTCTGCTT AGAATTTGGG 240
GGAAAATTTA GAAATATAAT TGACAGGATT ATTGGAAATT TGTTATAATG AATGAAACAT 300
TTTGTCATAT AAGATTCNNT ATTTACTTCT TATACATTTG ATAAAGTAAG GCATGGTTGT 360
GGGTAAANCT GGGTTTATTT TTNGTTCCAC AAGTTAAATA AAATCCATAA AACCTTGGAA 420
A 421

配列番号：507
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00567
配列：
GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGACAGAA GGANGTAAAG GNTGGAAACT ACAGCCAGGT 60
GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG GTCCTAACAG AATTGGGCAT 120
AGGAGGTCAG GGGATAAAAC ATCCCTTGCC CCCTCCTCTG AATCCAGGNC CTAGCCAATG 180
GNCTGGACAA CAAGCTCCGT GAAGACCTGG AGCGACTNAA GAAGATTCGG GCCCATAGAG 240
GGCTGCGTCA CTTCTGGGGG TGAGTGGGGG GTCTCATCTC CCTGCCTACC TCGACTCAGC 300
ATTCCTCCTA CTCGNTCTTC TTNTTTTCCC AACCTTTTTG TTTCTTGCTT GTNCATGACC 360
TNGTGACTTN TTCNTNTTTT TACCNTGCAN GCCTTTNGTN GTCCTAGGGN CAN 413

配列番号：508
配列の長さ：407
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00568
配列：
GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GGTTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60
CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA NAGGGCTTGT AAACAGACCG 120
GAGAGGACAG TGGATTGTTT ATACTCCAGT GTACATAGTG TAATGTAGCG TGTTTACATG 180
TGTAGCCTAT GTTGTGGTCC ATCAGCCCCT CACATTCCTA GGGGTTTNAG ATGCTGTAGG 240
TGGTATGTGA CACCAAAGCC ACCTCTGTNA TTTGTNGTGA TGTCTTTNCT TGGCAAAAGC 300
CTTGTGTATA TTTGTATATT ACACATTTGT ACAGAATTTN GGAAGATTTT CNAGTCTAGT 360
TGCCAAATCT GGCTCCTTTA CCAAAAGGAN ATTACCCTTG NGGNAAA 407

配列番号：509
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00569
配列：
GATCAAACAG TTTCTGGAGT GTGCCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60
CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG GCCTAATGAA GAAGTTCAAC 120
CTGGAGAGAT GGAAAATCAG CTCTCATAAC TANGTTAATT TAGTATAAAA NTAGAATTGA 180
TAGTGAGGGT ATAAAGTGTA ACCATCAGTT AAACCTCTCC TGTCATTCCT GGCTTCCTTG 240

CTTCAGANTT GAAATGGAAG TGGGGGTGTC CCTACTCTGT AGAATCTGGG NCTGGGCAAA 300
TGTTTGTTTG GCCTCCTTAA ACTAGCTGTT ATGTTATGAT TTTTNTTCTT TGTGAGTTAA 360
TTAGGAATAA AGTCATTTTC TTTCCAAGGG TATGGTTCCA AA 402

配列番号：510
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00571
配列：
GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCCTGA GATTCTGCAA 60
AAGATTTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT ATATATATGA GCTGGCAACT 120
GCTTTCACAG AGTTCTATGA TAGCTGCTAC TGTGTGGAGA AAGATAGACA GACTGGAAAA 180
ATATTGAAGG TGAACATGTG GCGTATNCTG CTATGTGAAG NAGTAGCTGC TGTCATGGCC 240
AAGGGGTTTG ATATCCTGGG AATAAAACCT GTCCAAAGNA TGTAATCCTT CATAGGTTTG 300
ACACTGTGTG TTTTACCCAA GTGGCCATTG GNACTGTTTG CTTTTTTACA ATCATGTGGG 360
CACAAGCNTA AGAAAGGAAA TTNGCAACCA GGGAAA 396

配列番号：511
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00572
配列：
GATCCAATCA GATGCAGAGA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60
TTGGNCGTTT TTNATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA GGAATGTNTT CACTTATACT 120
TGGATTTGCT CTCTTCCCAT TTCTGATTGT NGTATAGCTT TCGATTTTNC TTACAGTAGT 180
TCCCCCTTAT CTNCGGGAGA TACATTCCAA GGCCCCCAGT GAACTCCTGA AACCTCAAAC 240
AGTACCAAAC CTTTATACAC TGTTTTTTCC ATATATATAT ACCTATGATA AAGTATAATG 300
TATANNTTAA GCATAGCAAG AGATAATAAT AATGTNATAG NCCATTGNTA CNANCTATAN 360
TAANNGGTTA TGTGANTGTG AAAA 384

配列番号：512
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00573
配列：
GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTCTTCATA 60
TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA AGAGGAGAAC TGAAGAGTAG 120
AAGTTCCCTT GCAGATTTTT TTATCAGTGA CATGTAATGA GCAATTCACA GATGAGCGCA 180
GGCAGAGCTC TGTGTGCCGT GTACATATGG ACCGTGCTAT GATGTGTCTC ACATTGGATG 240
ATATTCCACT TTGGGAATTT TAGTATTTGT ATATAGAAAA TGGGTTTAAT AACTCACCAT 300
GGTTTTNATT NGTCTTATAT TCGTTATTTC TTAAAACTCT NGTATGTGTT TTTATAATAA 360
ANAATAAAAG TAAGCCATGG AAA 383

配列番号：513
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00574
配列：
GATCCAAAAT CATACTGTCA AGACCATCAA ACAAAACAAA GAAGCTTAAG TGAACTAAGC 60
ACAGGGAAAA GTTGTTTTTT CACTCGTTCA TTTTGTCATC TGCTTCTAGA TGCTGCAATC 120
AAGAAGTAGC AAATGCCCAA GTTGCCATAG TGTTTGCAGG AAAAAAAGAG AAAAAATAAT 180
AAAAATAAGG AAGGAGCAAT GCCAAAAATT GAAGGAAATA TTATATAATT AANGCAAGAA 240
GNTATCTATC CATTGAGNGA AACAATTTTT ATATTATTTG CTTTTAGCNG CAAAGCATTA 300
GGAATTCTGA GATTGTTATA GCACTAAGAA GGTTTTNATT CTGTGTACAC ACTGGAAAAT 360
TAAAATTCTG GGTAAAGGAA A 381

配列番号：514
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00575
配列：
GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCTTG GCCACAGAGT ATGGAAGTAG CTCCGCAGAG 120
GCGTGGGCTC GATTCCTCAG GGCCACGTTA CCACAGACCT GTTTGTTTCT NATGCTGTTG 180
TTCGTGGAGT CTCATGGGAT TGTNTGGTTT CCNTTACAGG GCCCNCTCCC CNGGGAATGC 240
GCCCACCAAG GCCNTAGACT CATCTTGGCC NTCCTCAGCT CCCTGCCTGT TTCCGGTAAG 300
GCTGTACATA GTNCTTTTAT CTNCTTGTGG CCTATGAAAC TGGTTTATAA TAAACTNTTA 360
AGAGAACATT ATAATTGCAA A 381

配列番号：515
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00576
配列：
GATCTGCGTG GGGCTGGTGG TGGTTGGTGT CCTGCTCATC ATCCTGATTG TNCTGCTGGT 60
CGTCTTTCTC CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA CGGACCCAGG ATGCAGGCAT 120
TGCCTCAGGG CCTGGGAACT GACCCAGCTG GTCCTGAAGG AGAAGCCAAA TGGCTGCACT 180
GGCCGATTCT GGTCTCCAGA GGACCTTGGT GTTTGCTCTC CCTTGACCCA CCCCAGTNAG 240
TGCCAAAGGG CAGCCCCAAC ATGTGCACCC CTGCATTTCC TGTCATGCCA CAGACTGGCC 300
CTTGAGGGCA GCCTGCTGTA CTGGCCATGC TGGGCCAGCC NCACCTGGAG CTCAGTAAAA 360
ACTGCTGTTT GATTAAA 377

配列番号：516
配列の長さ：375

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00577
配列：
GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAACAG TTTCACCTGT NATACAGTTC 60
CCTAGAACAT TTTCCCAAAA GTAGTGAACT GCAAAGTGCT TAGGTTTGAC ATTTATTGTA 120
GCAGAACAGT AATATCACAG TATGGGACAA AGGTTTACAC TTTGCAGGGT ATTCTTTGGG 180
GGAATGTTAA ATACTGTAAT AAAAACATGT TCAATCATGG TAAAATGTTC AACTNGTTAA 240
ANTTACAAAT GGNCAAAAAA NATTTTTTTC CTNATATATN GCCTAANTAC CAAATGAAGN 300
GCTTAANCTT AAGNTTCAAT GTGAAANCGA GTAAATNTGT TCCTAAATTT GCAGNAATAA 360
NAGATANCCN GTANN 375

配列番号：517
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00578
配列：
GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC AGGAGATGGT GGACATCATC 120
GAGACGGTGT ACCGCGGGGC CCGCAAAGGC CGCGGCCTGG TGGTGTCCCC CAAGGACTAC 180
TCCACCAAGT ACCGCTACTG AGGCGCCTCA GTCTGCGCGG ATAAATGTCG TGGAGCCCTT 240
TTTGTATGGA AACGTTTTAA GCTATTTAAA GCCTTTGGAA AATACAGGAN GTNCAGGGCT 300
GGAGCACCTC TGAGATGGAA TTGATAACAT GGTCTTAACT CACCGAAATA AACAAGCACG 360
TNGTGAGNGG NAAA 374

配列番号：518
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00579
配列：
GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAAG GACTCCGGAA AGGCCAAGAC AAAGGCGGTT 120
TCCCGCTCGC AGAGAGCCGG CTTGCAGTTC CCAGTGGGCC GTATTCATCG ACACCTAAAA 180
TCTAGGACGA CCAGTCATGG ACGTGTGGGC GCGACTNCCG CTGTGTACAG CGCANCATCC 240
TGGAGTACCT NACCGCAGAG GTACTTNAAC TNGGCAGGNA AATTGCATCA AAANGACTTA 300
AAGGTNAAAN GGTTTTACCC CTNGGTNANT TGCAACTTTG GTTATTTNGN TGGGGGATGA 360
AGGNTTTGGG TTNN 374

配列番号：519
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00580

配列：
GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTTGG AACCCATCTA AATGTTGAAG 60
TTCCCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG GGCTANGCAG CCCCTAATGA 120
GAGGCTCTGC TCCCTTTCCC ACCTCGCCAA TGTTGTTGTT GCTGCCTTTT TGATTTGTAT 180
CCTCTGTTAT AGACATTTTT NAAAAACGAT TTCCTCTTTC ATTGTGCACA AGTGCTGAGA 240
GTCTNAGGCC CCATTTCTGC TGTGTATATA TATCCTGACT CGGGGCTTTT ATTCAGCAAA 300
CTGTTCATTC TTCTGTCAGA CAATGTCATA TTCAACTCTG TTCATATTAA ACCACTTGTN 360
AAGCANTNNA AA 372

配列番号：520
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00581
配列：
GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60
CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG CCGCTCCACC GTCTGCCCTC 120
CAAGGACCCG CATGGAGGCA GTGGGCTGGC AGCTTCCTGC TGCTCCGTGT NAGAGTCAAA 180
GCACAAATCC TCAGGACGGG CTCAAGGGCC AGGGCAGCCG AGGGAAGTNC AGGTGGGGAC 240
CACGTCTTCC TGAGGTTGGT GCCACTGCTT GGNACCGTTT GCAGTGGGGT GGCCTCCCCT 300
CTGTTTGCNT GGTGNAGNNA GCGTGGCGTG GGGACGTGAC TGAATAAAGC ACCATGGGTG 360
ATGTGTTGAA A 371

配列番号：521
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00582
配列：
GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60
AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA TGAACTCAGG TGCCTAGAGA 120
AGCCAGGCAG CNNAAGGACA AGGAATGCTG GGGGCTGTGG GAACAGGAAT GCAGATACCC 180
TTTGAAGGAG CATTCCTGCT AAAAGAAGCT GAAAATGTAG ACCTATGTGA AGTGCTCTGA 240
TTTCTAAATA TTGTGAAGGT TAAGAAAAAC ATANATTTTN GGGTCTATGG GCTAGGATTN 300
AGNCCCACAG TTGGCCANTT TNTAGGNGGT NCCCAAATGG ANTGGTTAAA CCNNNGGTTT 360
NGNTTCCTAG CCTAGGGGTA AA 382

配列番号：522
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00583
配列：
GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60
TGGCTTTNTC CACTATGGTG AAGTGACCAA TGACTTTNTC ATGCTGAAAG GCTGTGTGGT 120

GGGAACCAAG AAGCGGGTGC TCACCCTCCG CAAGTCCTTG CTGGTGCAGA CGAAGCGGCG 180
GGCTCTGGAG AAGATTGACC TTAAGTTCAT TGACACCACC TCCAAGTTTG GCCATGGCCG 240
NTTCCAGACC ATGGAGGAGA AGAAAGCATT CATGGGACCA CTGAAGAAAG ACCGAATTGC 300
ANAGNGAAGA AGGAGCTTAA TGCCAGGNAC AGATTTTGCA GTTGGTGGNN GTCTCAATTA 360
AGNGTTATTT NNCCACTGGA AA 382

配列番号：523
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00584
配列：
GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCTAGCC ACAAGCTCTC 60
CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT NTGCCCCCTT CCATCATCAT 120
CNCGTCGCAG AAGTCGCTGG TGTCAGGCAA GCCAGCAGAG AGCTCTGCTG TAGCTGCCAC 180
TGAGAAGAAG NCGGTGACTC CAGCTCCTCC CATAAAGAGG TGGGAGCTGT CCTCGGACCA 240
GCCTTACCNG TNACACTGCA CCCTNACGGC ACCNGACTAC TTTGCCTGCT TGGATTTCCT 300
CCAGGGGAAT GTGACCTAAT TTATGNCAAA TACGTAGAGT CAGGTATCAC TTCTAGTTTA 360
CTNTAAA 367

配列番号：524
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00585
配列：
GATCAAGAGG AAAGAGAACG TAACAACCAG AACCCCTGGA CATTTGAGCG AATAGCCACT 60
GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN ACTTGACCCA CAAGGGGAAA 120
TACTGGGGCA AGTTCTACAT GCCCAAACGT GTGTAGTGAG TGTAGGAGAT AACTGTATAT 180
AGGCTACTGA AAGAAGGATT CTGCATTTCT ATTCCCCTCA GCCTACCCAC TGAAGTCTTT 240
GGGTAGCTCT TAAGCCATAA CTAAGGAGCA GCATTTGAGT AGATTTCTGA AAAACAATGT 300
TATTTGTTGA TTTAAAAAGA AAACTGTATT NTTATTAAAT AAAATTTAAA CATCACTTCA 360
GGAAA 365

配列番号：525
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00586
配列：
GATCTATGGG TTGACTAATT AAACAATAAT TCAAGTAGAG TGTCCCAGAA AAAAACCACT 60
TGGGCTCCCT GTTTGGAGTC TGGCTGGCTC TGAGCATTGC CAATGGCCCC TACTCACCTG 120
ACTTTGTATC CTCTCCTTTT AGAGGCTTTG CATTCTGCAC CCAGCTTCAC TAACAGTGGG 180
CTGAAAACAT CCTTGGGTTG AGTGTTTCAT TTGGGAGTTA TTTGGCCAGG GCCTTTTGAA 240
CAGTAGTGTC CCCATGAAGT GCTAGATAAT ATATGTGTAA GAGTCAGCTT TTTTTTTTTT 300

TAAACTNTAA CACCNTTNAG AANTTTCTAA CTACTTNGNA ACTGNATGGT TTANCCCGGN 360
GNTAAAAGCN GTTTTTAAAA GTNTANGTTT TCCAAA 396

配列番号：526
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00589
配列：
GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTTGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60
AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA GCTATAAAAG TCACTGACAT 120
TTCAGGCACT AAAAGAAGAA ATCAAAGAGA TGCATGGATT GCGGATATTT ACCTCTGTCC 180
CCAAACGCTG ACCACGGCCT GGCTGCATAG ATGCTGCTGC TTAAGACCTT GGATGAACTT 240
CACTGACATC ATTCTTCCCT AAGCAGTCAC CAAAAAATTT ATATATNTNG CTCATATACA 300
NTNCCATATN ATANTTATAG AAGATGTATA ATCTATTTTA GATGTNANTN AAAGGGTAAA 360

配列番号：527
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00590
配列：
GATCGGGTTT GGCCCCCAGC CCCGCTCACG CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60
TTTCAACTCC AAACCCCAGA GAGGGGTTGT AGATTGGGTC CAGCTTTGCT TCAGTGTGTG 120
GAAATNTCTC GTGGGGTGGC ATCGGGGCTG CGGGGTGGGG ACCCCAAGGC TTTCTGGGGC 180
AGACCCTTGT CCTCTGGGAT GATGGGCACT GCTATCCACA GTCTCTGCCA GTTGGTTTTA 240
TTTNGAGGTT TNTGGGCTTT TTTTAAA 267

配列番号：528
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00591
配列：
GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60
GCTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT ATGGTATGGC AAGTTACCAA 120
ACACAGTGAG CCGGGACTCT AAAAAAAAAT TGTAATTCAT GATAGGCTTC GATTTCCTGT 180
GACACTCTGA AGACATGAAA GTAGACATCG GAAAATGNAA ATATTTATTT TAAAAATTGA 240
AATGTTTGGA ACCTTTAGCA CAGATTTGCT TTGGTGAAGG ACACGTGTCT TCTAGTTCTG 300
CCTTTTNAAA GTTTNTTGTT CATGNTGGAT NTTGAACATN GNTTTTTNTT TN 352

配列番号：529
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00592
配列：
GATCAAGCCT TTCTTTCATT CCCTCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA GTCAAATGCA TGCCAACATT 120
CCAGTTTTTT AAGAAGGGAC AAAAGGTGGG TGAATTTTCT GGAGCCAATA AGGAAAAGCT 180
TGAAGCCACC ATTAATGAAT TAGTCTAATC ATGTTTTCTG AAAACATAAC CAGCCATTGG 240
CTATTTAAAA CTTGTAATTT TTTTAATTTA CAAAAATATA AAATATGAAG NCATAAACCC 300
AGTTGCCATC TGCGTGACCA ATAAAACATT AATGCTAACC ACTTTTTTAA A 351

配列番号：530
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00593
配列：
GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCCTCAT GTGCCAGTNC GGTCTGCCTG CAGAGGCTGT 120
GGAGGCCGCC AACANGGGCG ATGTGGAAGC GTTTGCCAAA GCCATGCAGA ACAACGCCAA 180
GCCCGAGCAG AAAGAGGGCG ACACGAAGGA CAAGAAGGAC GAAGAGGAGG ACATGAGCCT 240
GGACTGAGCC ACGCGCCGTC CTCCGAGGAA CTGGGCGNTT GCAGTGCGTT GCACACCTTN 300
ACCTTCNACN TACTGATTAT TAATAAAGTT TTTTCTTTTA CCTGCAAA 348

配列番号：531
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00594
配列：
GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTCAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA CTGCTACTCA GCCTGAGGTT 120
GCAGACTGGT CTGAAGGTGT ACAGGTGCCC TCTGTGCCTA TTCAGCAATT CCCTACTGAA 180
GACTGGAGCG CTCAGCCTGC CACGGAAGAC TGGTCTGCAG CTCCCACTNG CTCAGGCCAC 240
TGAATGGGTA GGAGCAACCA CTGACTGGTC TTAAGCTGTT CTTGCATAGG CTCTTAAGCA 300
GCATGGAAAA ATGGTTGATG GAAAATAAAC ATCAGTTTCT ATTTAAA 347

配列番号：532
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00595
配列：
GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAACT TCACTTTTGC TCCTAGCACG ATTATATTTC 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA CTGGACTCAG CTCAACATGT 120
TCCAGACCTT GAAGTACCTG GCCATCTTGG GCAGTGTGAC GTTTCTGGCT GGCAATCGGA 180
TGCTGGCCCA GCAGGCAGTC AAGAGAACAG CACATTAGTT CCAGAAGAAA GATGGAAATT 240

CTGAAAACTG AATGTCAAGA AAAGGAGTCA AGAACAATTC ACAGTATGAG AAGAAAAATG 300
GAAAAAAAAA CCTTTATTTA AAAANGAAAA AAGTCCAGNT TGTAAA 346

配列番号：533
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0596
配列：
GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTTCTAGCAT AGTCTTTTTG GCAAATNATT 60
TGTGTTTTCA GTGTGTGGGG AAGCTGTCCT GGGGGCTGGG GCGACAGATA GCACATAGGC 120
TGTTTCTGGG GCTGCAGGGG CTTCCNTGAG CTGGATGTTG TGGGTNTTGC CGTGCTTCAG 180
GAAGTNTGGC GACCAGAAAG CGTAGACCCG GGGCCCAGGG TCTGCCCGCC CCTGCAGCNT 240
GGCCTCCCCG CACAGGCTGT GGCTTGCACT CCAGCCGNTC TAGTNTCTNA GGAATTTNCT 300
TGTNACTTGT ACTGTGTAAA TAAAGCTTCC TGGTTCAATA CCNAAA 346

配列番号：534
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0597
配列：
GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60
AGAAGGAGGA CTTCAGTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC CAAACAGAAG CAAAAAAAAC 120
GGAAAGCTCA GCCCCAGGAC AGCCGTGGGG GCAGCAAGAA ATATAAGGNG TTCAAGTTTT 180
AGGTCCCCTC ACACTAGCCC TTTTTTTGGC CCTACGTCTG GATGCCTGGG CTTCACACAA 240
GAACCACCTC TCCCGCAGTT CCCAAGGNCT TGTCATTTCA TGTTCTTATT TTAGACCTGT 300
TTTGTAAATA AAGCTGTTTC CCAAGGAAAG AGATGAATAT TTAAA 345

配列番号：535
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0598
配列：
GATCGTGTTT ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTT NTTGAAAGGA 60
ATATTGACTC TTTTTGCTAC TACATAAAAG AAAGATACTC ATTTATAGTT ACGTTCATTT 120
CAGGTTAAAC ATGAAAGAAG CCTGGTTACT GATTTGTATA AAATGTACTC TTAAAGTATA 180
AAATATAAGG TAAGGTAAAT TTCATGCATC TTTTTATGAA GACCACCTAT TTTATATTTC 240
AAATTAAATA ATTTTAAAGT TGCTGGCCTA ATGAGCAATG TTCTCAATTT TCGTTTTCAT 300
TTTGCTGTAT TGAGACCTAT AAATAAATGT ATATTNTTTT TTGCATAAAG TAAA 354

配列番号：536
配列の長さ：343
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00599
配列：
GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
CAGCGACTAC GTGCGCGCCA TGCGTGAGAT GAATGGGAAG TATGTGGGCT CGCNCCCCAT 120
CAAGCTTCGC AAGANCATGT GGAAGGACCG GAATCTGGAC GTGGTCCGCA AGAAGCAGAA 180
GGAAAAGAAG AAGCTGGGCC TGAGATAGGG TCTGTGGCCA GGCACCCGCT CCCACCTGGC 240
CGGGCGCTGG CTCCTCCCTC AGTTCTCTTT GGGAAAACCC CCAGCTNGTC CACCCATCCN 300
NTGCCCCAAA ACCAGTTTCA GTAAATTTAC GTTCATTTCC AAA 343

配列番号：537
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00600
配列：
GATCGAACGG ACTGTGAAAT CCGCTCTTTG TCGGAAGCTG AGCAAGCTGT GGCTTTTTTC 60
CAACTCCGTG TGACGTTTCT AAGTGTAGTG TGGTAGGACC CCGGCGGGTG TGGCAGCAAC 120
TGCCCTGGAG CCCCAGCCCC TGCNTCCATC TGTGCTGTGC GCCCCACAGT AGACGTGCAG 180
ACGTCCCTGA NAGGTTCTTG AAGATGTTTA TTTATATTGT CCTTTTTTAC TGGAAGACGT 240
ACGCATACTC CATCGATGTT GTATTTGCAG TGGCTGAGGA ATTCTTGTAC GCAGTTTTCT 300
TTGGCTTTAC GAAGCCGATT AAAAGACCGT GTGAAATGAA A 341

配列番号：538
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00601
配列：
GATCCTCGGG TGTTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCACT ACAGACAGAT GTTTTTATCT 60
ACTGAACTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTTAT GATTCATTAT TACAAGCTGT TGCCTTCTAT 120
GANTTAGCAG TGTTTGACTC TCAGCCTTAG AATTCTGAGG TTAACGTGCT AAAGTATAAT 180
TNTTAGCTCT AACGTAACAC CAACTGTTGT GAACATCCAT GTTATTGGAA AAGAACACAT 240
TTTCAGTGTA TTTTAGATGT TTAANTTCTG ACTTTTGGCT ATTAAATGGT TTACACAATA 300
AGCCAAGACC AAATCAATAA ACATTTTNTG AGAACGAAA 339

配列番号：539
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00602
配列：
GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60
CATCACCGAC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG CGCTTTCGGG TGGCCATAAA 120
AGACAAGCAG GAAGGAATTG AGTAGGGGCC AGAGGGGGCT CTGCTCGGCC TGTGAGCCCC 180

GTTCCTACCT GTGCCTGACC CTCCGCTCCA GGTACCACAC CGAGGAGAGC GGCCGGTCCC 240
AGCCATGGCC CGCNTTGTGG CCACCNCTCA CCCTGACACC GACGTGTCCT GTACATAGAT 300
TAGGTTTTAT ATTCCTAATA AAGTATAGCG GAAGAGAAA 339

配列番号：540
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0603
配列：
GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGGA ACCATCACAC 60
AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA GGTGGGGAGG CTCTCTTGGC 120
TCACATAATC GTGTCTGTGT CACAAATAAT CATTAAATTA GCTATTTTCA GCTAACACAT 180
TTGTNGTTGC ACTTGAAAAA GAGTTAGTGA GCCTGTCTTG GAGTTTAAGT AGTTTCAAAT 240
AAAAAAAGGC TACAGTGCCT CACAAAGGAT GTTCCCAGCA AGTNGTTTAA ATTCCCAGCA 300
AGTTGTTAAA GTGTAAATAN AANTATATGA ANTTGTAAA 339

配列番号：541
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0604
配列：
GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60
NTTTTTGGAA TCTGTTTCAT GGATTTTNCA TCTTCTACCG TATGTNAAAT TGCAAGTNTT 120
TGAAGATTTA TAAGTACAAA TTTGGGAACA TACAAATCTT TTAGGTAGTA GAGTTTAACG 180
TGTATAAGCT AAAAGTGAAA GTAACTGAGT GTTCTCTTGT TTCTTTGCAT TAATGTAACT 240
GTGTGGTTTG CCTTTGTCCC CCTGGATAGA ACGTGCATTT AAAGAATATA TTGTACTTAC 300
TGTGACAGCA GATAATAAAC CAGTCTCTTG GAGGGCACAA CCCTTATTTG ACAAA 355

配列番号：542
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0606
配列：
GATCTTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60
AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT GAATATATAC CCCATTATAG 120
GAATAACTGT TACTTATTTA GGATTCCATC ATTGAAAATT TTNACCCAAG GCACAGCAGT 180
GAANTTTATA GTNCTCANTT TAGTTGNCAT TATTGACAGG CATTGGNATT ATTAGTCATT 240
GCTAAGCAAC TAAAACTTCA TCAGTTCAAN TAAGTTTTAN TTGTCANATG GCNGTATAAN 300
CACATGANCT TTCTAGGAAA TATTCCCTCN N 331

配列番号：543
配列の長さ：330

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00607
配列：
GATCGGTGTG CCCCGCTGCG AGGGGCCCCC CATGGGGCTG NTGGCCCNTC CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG AGGGCNTCCC TTTTNAGCCT 120
TGTNAGTCAC CTGGCAGGCC CCAGCTGGGC TGGCTGTCCG TGTCCCTCAG CCTGGNTGGT 180
GATTCCTTGC AGGCCAGAAA TNAAGAGTCC CTGTAGGTTT TGGTTTTGTT TGTTTTATTT 240
TGTTCTTTCA CCTTTTTTCC TCATTAAAAA AAAAANGNCC CTGNGGAGTG TACTNATTNA 300
TTTTTTGATN AAAGGGANGT AAAATGNAAA 330

配列番号：544
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00608
配列：
GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
CTTTTTCTAA AGTGTTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTTN NTTGTTGCAT CTTTTCTACT 120
TCAGTACACT TGGTGTACTG GGTTAATGGC TAGTACTGTA TTGNCNCTGT GAAAACATAT 180
TTNTGAAAAG AGTATGTAGT GGCTTCTTTT GAACTGTTAG ATGCTGAATA TCTGTCCACT 240
TTTCAATCCC AATTCTGTCC CAATCTTACC AGATGCTACT GGACTTGAAT GGTTAATAAA 300
ACTGCACAGT GCTGTTGGTG GCAGTNAAA 329

配列番号：545
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00609
配列：
GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
GTTCATTTCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC ACAGAATGCT AATATGCCAG 120
TGGTACCCAG TACCTCTTGT ATATAGGTTA TTGCAAATAT TGTNCTGAAA TGCTTAACTT 180
CAGAATTACA TTTTTTAAAG TAAATAATTG TTTTAAATCT ATTTTGTAAA GNTATAAAGT 240
ACAATAGAAT TTCTGGAGTA CAGATTAAAC TATTTGCACT AACACACGTG CCGTGCATGA 300
TTTAATAAAA TANCTNNACT CTCCNTAAA 329

配列番号：546
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00610
配列：
GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60
TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTTGCT TTGTTAACAA AAAATTGCAG CTATTGTCTA 120

GCTTTCATTT TTTTACTGAG AACTTTAAAT TAGTCCCCTA TTAGAATAGG GTTGCTACTC 180
ANCTNTTTTN AAAAACCGAA TTTCATCATT TATCTAAAGA GNAAATATGC AGANTAACTG 240
GTCTTGTTAA GAGTGCAATA TTATATNNNN ANGTAAAACT AAAANTNAAT TTGGGGGGAT 300
TATTTATNCA GCATGANACC TANTNTGN 328

配列番号：547
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00611
配列：
GATCCCNGGG ACGTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60
AATCACAGCA CNCCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT TTTTACATAA AAATATGGTA 120
GANTTAATTT ATGACATGGA AATGCCTTAC GTGGTATCAC ACTTAGTCTT GAAAAAAACA 180
CCNAGGTGAC GTTTAAAATT TTTAGTACAT ATCCTCAAAT TGGAGCTAAG TTATACTTCT 240
TTTATAACCT TTTGGGCATC TGGTCGAGAG AAGACAAGAT TTTNTCTATT TACAGTGATG 300
CAATAAATAT GTTTGCCACC TTTGGAAA 328

配列番号：548
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00612
配列：
GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG TGGCTCCAAG AAAAANAGGA 120
ATTNTCCAAA GAGGAGCCGG TCAGCAGTGG NCCTGAAAGA GGCGGCTGGC AAGANCAGCT 180
CCAAGAAGAA GAAAATGTTC CATAAAGCAT CCCAGGANGA TTAGAATCAA ATGGACANTC 240
TCTNGGAGGT GGGNATACCA TAGNCCAAGG TNCATTTCCC ACCNTGTGCC GTGTTCCCAA 300
TAAANACAAA TTCACAAGGA AA 322

配列番号：549
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00614
配列：
GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60
TGGCCTTCAT TATCTCTNTT TTAAAAATGA AAAAGTTTAT AATTTACATT CAGTAAAATC 120
ACCCTTTTTA GTGTCTAGTC TGTGAATTTT GACAAATGCA TGGTTTTGTA ACCAATCGAT 180
AGGNCAGTTC TGCCACCCAG GACATTCCCN TCTGTTCCTC TGTTCCTCTC TTCTCCTGCC 240
CCCTAGCAAC CACTGGTGTT TTCTGTCCNT CTGGTTCATT TGACATTTAT TTTAAAATAA 300
AATATTTTAA AATCTAAA 318

配列番号：550

配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00615
配列：
GATCCTCACC GTGGAGGACC ATNATAATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA GTTAANCGGG TACCAAGAAG 120
TGGGAAGCCG GCTGAGCTGC TGAAGATGTT TGGTATCGAC AGGGATGCCA TTGCACAAGC 180
TGTGAGGGGC CTCATNACCA AGGCCTAGGG CGGGTATGAA GTGTGGGGCG GGGGTCTATA 240
CATTCCTGAG NTTCTGGGAA AGGTGCTCAA AGATGTACTG AGAGGAGGGG TAAATATATG 300
TTTTGNGNAN AATGCAAA 318

配列番号：551
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00616
配列：
GATCCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN CCAGGCTACC TTCTCCATCT 120
GGTTTTTNTT TTTTNTTTTT TTTCCCCCAT GCTTTTGTTT GGNTGCTGTA ATTTTAAAGT 180
ATTTGAGTTT GANCAGATTA GCTCTGGGGG GAGGGGGTTT CCACAATGTG AGGGGGAACC 240
AAGAAAATTT TAAATACAGT GTATTTTCCA GCTTCCTGTC TTTACACCAA AATAAAGTAT 300
TGACACAAGA GAAA 314

配列番号：552
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00617
配列：
GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAAGTAAC 60
TGACCAGAGC TGAGGAACTG TGGCACAGCA CCTCGTGGCC TGGAGCCNGG CTGGAGCTCT 120
GCTAGGGACA GAAGTNTTNC TGGAAGNNAT NCTTCCAGGA TTTNTTTTTC AGAAACAAGA 180
ATTGAGTTGA TGGTCCTATG TNTCACATTC ATCACAGGTT TCATACCAAC ACAGGCTTCA 240
GCACTTCCTT NGGTGTGTTC CTNTCCCAGT GAAGNTGGAA CCAAATAATG TGTAGTCTCT 300
ATANCCANTA CCN 313

配列番号：553
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00618
配列：
GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60

GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC TTAGCATTTA ACACGTGTAA 120
TNTTGTATGT ATTGGTTTGA TTAATGTCAG ANCCACTAGA TTGTAAACTC CATGAGGACC 180
GGAATTTNGT TTCTGTCATT GTCATTGTTC AACTTTGTAT TTTTNATGCC TCATACAGTG 240
CCTGGCACAT AGTAGGTGCT CAATTAACTT NATTGGAAAG AATAAAATGA ATGGATGAGG 300
TATCAAGAAA 310

配列番号：554
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00619
配列：
GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60
GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCCTTG CTCCCACCCC TGGCAGCAGG GAAGGGCTTT 120
GCCTGACAAC ACCCAGCTTT ATGTAAATAT TCTGCAGTTG TNACTTAGGA AGCCTGGGGA 180
GGGCAGGGGT GCCCCATGGC TCCCAGACTC TNTCTGTGCC GAGTGTATTA TAAAATCGTG 240
GGGNAGATGC CCGGCCTGGN ATGCTGTTTG GAGACGGAAT AAATGNTTTC TCATTCAGTC 300
TNCAGTCAAA 310

配列番号：555
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00620
配列：
GATCCNGTGC TGAAAGAGAA ACCAAGAAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60
ATGTAAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTTCA GAGCTTCCAA GACCACAAAC 120
TTAAAATAAG TAAAGANGAC AGTAAAATTN TTAAAAAGGC TCGGAAAGAT GGATTTTTGC 180
ATGAGACGCT TCTGGACAGG NGAGCCAAAT TGAAAGCCGA CAGATACTGC AAGTNACTGG 240
GATTTTTNTT TCTGCCTTAT CTTNCTGTNG TTTTTTCTGA NTAAAATATT CAGAGGAATG 300
CTTTTAAA 308

配列番号：556
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00621
配列：
GATCTTCCTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCCAGGT GGACATNATG 60
AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG TGAATGCAAA GGGCATGGGC 120
TCCACAGCCT GGACCCTGGC ATGGAGTCCA GCNNCCTGCT CACCGGCCAG GAGGCCTGGG 180
GGCGGGTCAC TTACCCTTNT NAGCCTCANT TTCTNTTTCT GGAAGCGGAG ATGGTAATAG 240
CTTTNACATT NGAGGTGAAT GTNAGAATTA AACTTGGGCA CATGGAGGAA TACACCTAAA 300

配列番号：557

配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00622
配列：
GATCACTTGT CCTATTACCC TATACCTAGC ACTTGTGACA CCACCCCTAA ATCACTTTGA 60
GCCTGGGAAA TAAGCCCCCT CAACTACCAT TCCTTCTTTA AACACTCTTC AGAGAAATCT 120
NCATTCTATT TCTNATGTAT AAAACTAGGA ATCCTCCAAC CAGGCTCCTG TGATAGAGTT 180
CTTTTAAGCC CAAGATTTTT TATTTGAGGG TTTTTTGTTT TTTAAAAAAA AATTGAACAA 240
AGACTACTAA TGACTTTGTT TGAATTATCC ACATGAAAAT AAAGAGCCAT AGTTTCAAA 299

配列番号：558
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00623
配列：
GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCCGCCC 60
CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC CCTCTTGGAT TAAGGAAGAC 120
TGAAGACTAG CCCCTTTTTC TGGGGAATAA CTTTCCTCCT CCCTGTGTTA ACTGGGGCTG 180
TTGGGGACAG TGCGTGATTT CTCAGTGATT TCCTACAGTG TTGTTCCCTC CCTNAAGGCT 240
GGGAGGGTGN TAAACACCAA CCCAGGANTT CTCAATAANT TTTTNATTAC TAAACCTGAA 300
A 301

配列番号：559
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00624
配列：
GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGACTTACAC TAGATTTTGT TTTGGCTTAT AATGACAAGA 120
AAATGGAATT TTTTTTTCCC ACTTTCTAAT GTTTAAATCC CATAAAGCTA AGTTTCCCGT 180
TAAAGGGAAG TGCTTTGAAG ATGTGTACCC ATTTTTGTAA GTTAATCATG ATTATCCTGG 240
AAAAAAGAAGA AAAGAGCTTC TTCTTTGCAG ATGAAAATAA AGGTGTTTTT GGTTAAA 297

配列番号：560
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00625
配列：
GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAAAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60
TTCTAAACAA GAACCATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA TTAAACCAAT TATAACTTAT 120
TAGCAGTCGC GAGCACATGT TCATATAGTC AATGTAAAAA TACACTAATG AGTATTTGGT 180

AAATCCCAGT AGGCTTTTAC CATTAGCATA ATTTTGTGTT GTACAATTAA GTTACAATTA 240
CATCTCTAAT TTTGGATAAT ATTCATTGGT TAACANTANA GTGACAAAAG CTCATGCCTT 300
CAAA 304

配列番号：561
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00626
配列：
GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTC CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60
AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTACTCTTCT TGAAGCACTA TTATTTATTC 120
TTCCGCTGTC TGCCTGCAGC AGTACTACTG TCAACATAGT GTAAATGGTT CTCAAAAGCT 180
TACCAGTGTG GACTTGGTGT TAGCCACGCT GTTTACTCAT ACAGTACGTG TCCTGTTTTT 240
AAAATATACA ATTATTCTTA AAAATAAATT AAAATCTGTA TACTTACATT TCAAAAAGAA 300
A 301

配列番号：562
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00627
配列：
GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60
GTTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC AGGCGGCTGC CAGGCCCAGC 120
CCTGACTTCC ACTCTGGCTC AGCAACCTGG TTATTTATGT GGGGCCGTGC AGGCATGGGC 180
CCACTGCCTG TCCATCCTGT TTCTNTTATA AATTGAAACT CACCATTGCC CTATCCTTGT 240
GTCTCCACCC GCTTCCATGT GTTGAATAAT AAAAGGTGGG AAAGTGCTGT CAAA 294

配列番号：563
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00628
配列：
GATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60
AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC ATTAAAAATA TTTTTATTTA 120
AATAACTTTA TTTATAACTT TTAGAAACAT GTAGTATTGT TTAAACATCA TTTGTTCTTC 180
AGTATTTTTC ATTTGGAAGT CCAATAGGGC AAATTGAATG AAGTATTATT ATCTGTCTCT 240
TGTAGTACAA TGTATCCAAC AGACACTCAA TAAACTTTTT GGTTGTTAAA CTGAAA 296

配列番号：564
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00629
配列：
GATCGACTAC AGAGTACTTN TTTCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTTGGGTG 60
GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGGG TTTCTTCAAA ATGTGTGTGT 120
CATACTTCTT TTGGGAGGGG GGTTGTTTTC TTCTGTTTAT TTTCTGAGAC TCCTACAGGA 180
GCCAAATTTG TAATTTAGAG ACACTNAANT TTGTTAATCC TGTCTGGGAC ACTTAAGTAA 240
CATCTAAAGC ATTATTGCTT TAGAATNNNC AAATAAAATT TTCCTGACCA AATTGTTTTG 300
TGGGAAA 307

配列番号：565
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00630
配列：
GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60
CTGTGTAATT GTAGGAGAAG ACACTCAGCA GTGATTGCCA TGGCACAGAG CCGTGGTCAT 120
TGTTGCTGTT ACAAAGAAGA AAACCATCTG AGTTCTAACT CCTTGGTTGC TTAAAAGTAG 180
TTCCCAAGAG TCTGAGAAGC TATTTCTATT TTTAAGAGTC ATTTTTTGTA ATNTTTGTAA 240
NACAAAAGTA CCAATCTGTT TTGTAAATAA AANTCATCCT AAAATTCGAN GTTAAA 296

配列番号：566
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00631
配列：
GATCTTTNGC TAGGTGGATG ACTAGTNATA TTCAAAGCCT TTTCTCAAAG CCCTTTCAGT 60
TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT TTGTATAAGA NCCTGTATTT 120
TGAAAAACAC ATTCATGTAT ATTTATTCCT GGAATTATTT GCCTGTTAAA CAGTGTCTTT 180
CATGTTCTCT CCCCAGATTG TAAACTCTGT AAGAAGCTGC TNGTATCTGT ATCCCTTGTT 240
GAAACTCTGA AAACACTGAA TAACTAAANT CTTCTTCTCA TCCNTAAA 288

配列番号：567
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00632
配列：
GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60
AAAATNAAAG NTTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA TGAGAGTATG GAACTGTCTG 120
CATTGGACCC TAAACTGGAC TAGANGAGGC ATCTTCAAGG TTCATACGTT GTCCAGCTGT 180
AAGTTCATTT GAGTAGCAGA GCTAACAAAT ATTTGAGGTC AAAACCCTAC CATGTTAAAA 240
CAAACAAAAA CTTATCATGT TAATAAAAGT ATTCATTTGC TTGANANANA AA 292

配列番号：568
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00633
配列：
GATCCTGACA AGAAGAAAAT NAAGCTCAAA GTCAAAAAAT CTCGTGAAAA ACGGAGTTTG 60
GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTNCC AAAAGGAAAC AAGGGCAAGG CTTATCTTTG 120
TGTCAAAACG GAGAGTCACC CAACTGTGTG GAAGACAAGA TGCTCTCGAC AGTTGCAGTA 180
CTTACCCTTG GCTAAGAACT GCACTGCTTT GTTTAAAGGN CTGCAGACCA AGGAGCGAGC 240
TTTCTCTCAG AGCATGCTTT TCTTTATTAA AATTACTGAT GCAGANAAAA A 291

配列番号：569
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00634
配列：
GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC TCCAACAAGA GAATAGTAGG 120
CTGCATCTNT NAAGAGGACA ATACCAGCGT CGTCTGGTTT TGGCTGCACA AAGGCGANGC 180
CCAGCNNTGC CCCCGCTNGT GGAGCCCATT ACAAGCTNGT NCCCCAGCAN CCTGGCACAN 240
TGAGGNACCT GCACTAAATT ACTNAAAATG TGCTGTAAAG NTTTN 285

配列番号：570
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00635
配列：
GATCACCCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAT CTAAAGCAGT 60
TTCCCCTGTT TTGGAGATTT TNTAGTTAAT TTTAATTTTG GCTATTGTTT GGAAAAGATG 120
AGCTGTCTGT GTAGATATGA AGTATAGTTT TTNCCATAAA ACAGATGTTT ATTTTGTATT 180
AAAAAATACC ACTGTACTTG TTTTACACCA TTTGTATACA TGTGGTGATA TTAATGCTAA 240
ACTGTAAAAT TCAGGAATTA AAATGTGACC CTGTAATTCC ATAAA 285

配列番号：571
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00636
配列：
GATCTAACCA TTTTCATACT CTTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60
ATGCATTGAA ACTTGTTTTT AAATGTTAGA TGGCACTATG TATATTAATG TAAANCAATG 120
TTAATTTACT CAAGTTTTCA GTTTGTACCG CCTGGTATGT CTGTGTAAGA NGCCAATTTT 180

NGTGTATTGT NACAGTTTCA GGTNATTNAT ATTCGATGTT TTGTAAANCT CAAATANCGA 240
CTATACTNAT GGGNCCAAAT AAATGGGCAT CTGCATTCTN GGTTAAA 287

配列番号：572
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00637
配列：
GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60
AACACCAGTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC TAACAAATCC ACAAATAGCC 120
CCGAGATTCA CCGTCCTAGA GCTTAGGNCT GTTTTCCACC CCTCCTGACC CGTATAGTGT 180
GCCACAGGAC CTGGGTCGGT CTAGAACTCT CTCAGGATGC CTTTTCTACC CNATCCCTCA 240
CAGCCTCTTN CTGCTAAAAT AGATGTTTCA TTTTTNTGGA AA 282

配列番号：573
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00638
配列：
GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA ATACAGTCAG CTTTGTGAAA 120
TAGTATTGCA AGCAAGCCCC GTGGGCAAAT TTGTATTGAG TCCATCTGTA ATTTGCTCAG 180
TGATGGCAGA CAAGATGGCT GTCTGGTTTT GAGACACACT TTAATTTTAT GTTAACTTGT 240
TAAATCTTTT TAAAAATTAA AAAATTTTTA TGATTGAAA 279

配列番号：574
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00639
配列：
GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60
TTAAGAGGAA GTTTATGTTC TAATTCTTGA CTGAGAATAC AGTATTGAGA TTCTNTGTTT 120
TACAGATAAC AACTGGTTTT TATTACTCAT TAAGTTCATT TGCATCCCGT AGCCCTCTGT 180
AAATGTTTCC CCTAGTTGTA TGTACGTAAA TGCACGCTTA TCCAGTNTAT ATTAGACATT 240
TTTGTGCTAA AATATATTAA GTGGGATTTT TGTAGCAAA 279

配列番号：575
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00640
配列：

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG GTGAGAACAC TTGCAACAGT 120
TTATTAATGA GGTGACTTTC ACCTTAGGAC AACTGTTGCA TGCCAAGTTT TTTGTGTGTG 180
TGAAACACTN TCAAAACTGA TTTAAAAGAT GTAAATTTAA AATTGGTTGT ATCTAATATG 240
CCCCAGGTTC GGTAAATAAA CAATTCTTTT TAAAAACAAA 280

配列番号：576
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00641
配列：
GATCTGCCTG TCCCTTTTTC CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60
GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG CCCAGTGCTG CCCAGCCTCC 120
CCGNCCGCTC CCAGGCGCCC CATGTCCTCA CAGGCCAGGA CGCCATGNCA GGATGGAGAG 180
GACTTGGTGG ATTTTTGTTT CTTGCCTGAC CTCAGTTTCA TGAAAGAAAG TGGAAGCTAC 240
AGAATTATTT TCTAAAATAA AGGCTGAATT GTCTGAAAAA TAAAATATAT TTGTATTAAA 300

配列番号：577
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00642
配列：
GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60
CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG CAAATNAGAT GGCCGCTCCA 120
GGCCTGGAAT GTTCCGTGGC TGGGCCCCAC GGGAAGCCTG ATGTTCAGGG TTGGGGTGGG 180
ACGGGCAGCG GTGGGGCACA CCCATTCCAC ATGCAAAGGG CAGAAGCAAA CCCAGTAAAA 240
TGTTAACTGA CTTCCAGCCT CACCCGTGGG CGGTCAAA 278

配列番号：578
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00643
配列：
GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60
CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG GAACAAGTNT TGCTTTTNGA 120
ACATGGTATA ATAGCCTTGT TTGTNTTAGC AAAGTGGAAT CTATCAGCAT TGTTGAAATG 180
CTTAAGGCTG CTGCTGATAA TTTNNTAATA TAAGTTTTGA AATCNAAATG TCAATTTNCT 240
ACAAATNATA AAAATAAACT CCACTCACNA TGCTAAA 277

配列番号：579
配列の長さ：277
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00644
配列：
GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTTGCCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA GCCCCTGGAC CTGCGGCCTA 120
AGAAGACACG TGCCATGCGC CGCCGGCTCA ACAAGCACGA GGAGAACCTG AAGACCAAGA 180
AGCAGCAGCG GAAGGAGCGG CTGTACCCGC TGCGGAAGTA CGCGGTCAAG GCCTGAGGGG 240
CGCATTGTCA ATAAAGCACA GCTGGCTGAG ACTGAAA 277

配列番号：580
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00645
配列：
GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG GTCTCCACTC TCCGTCTGGC 120
CTAAAGGTGA TGTATTTGGT GTTTGGCCCT GCAGTCCCCA CTCTTGAGGC TTAAGGCGCA 180
TGTGGCACAN CACTNCTTCC AGCAGTAGTC GCTTTACTGT TACCNGTTTA GGCCTAGAAG 240
TTTTCCNNCA TCTGTAAATG TGATTTAAAA TNTAAA 276

配列番号：581
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00646
配列：
GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCTTTCAT CACATTCCTA GCCCACTCTC 60
ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA CTGTGTTTTG ATATGTCTAG 120
CAATAACTTA AAGAAAAAAA AACCTGGGAA ATCTTCAACA TGNNNTNGGA ACATATATGT 180
ATGTATTAAT GNATATACAT GGCTTAACTT ATACGGTTAT GGCAGCNCCT GTATACAGTT 240
TGAACTCATG NACCTGAAAA ANAATTCTTA ANTTN 275

配列番号：582
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00647
配列：
GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTCACCCC GGGAAGGCGA CAGTGCCTAA 120
GACAGAAATT CGGGAAAAAC TAGCCAAAAT GTACAAGACC ACACCGGATG TCATCTTTGT 180
ATTTGGNTTC AGAACTCATT TTGGTGGTGG CAAGACAACT GGCTTTGGCA TGATTTATGA 240
TTCCCTGGNT TATGCAAAGA AAANTGGAAC CCNAACATAG NCTTGCAAGT CATGGCCTGT 300
ATGNGGN 307

配列番号：583
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00648
配列：
GATCTGAATT TTTTCCTCCT TTTGGTTTTA TTTTGTTGGT TTATTTTGTG TTTTCTTTTC 60
TCCTTTTTGG GGGGTATTCA GAGTGGGCTG GGCCCCTGGG CGAGACACAG CTACCTCTGT 120
TGGCATCTTT TTAATACCAG GAACCCAGCG GCTCTAGCCA CTGAGCGGCT AAATGAAATA 180
AAGTGGAAAA AAAAAAANGG GAAAAACCCA AAGGNTTAAA AACCCACNGG AATTTTNTTG 240
TNGAAANTNG AAAATAAAGG TTTCCNNGTA AA 272

配列番号：584
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00649
配列：
GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTTA CAGTCACCTG AACAATGACC CATCATCTCT 120
TGCTTGCTTG AAATCTTGCT GAAATGTTCT CATTTCCTGT TTGCTGTATG GGCTCGGGTG 180
GGATGTTTGT TGGCTCTGTT GTGTTTATTC ACCAATTTGT ACATTATTTG TTGTCCTTTA 240
CTACTGTAAA CAGTAAATAT AGTTTGGTAT TCTGTCAAA 279

配列番号：585
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00650
配列：
GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAAG NATGGAAAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG GAGCGACTGA AGAAGATTCG 120
GGCCCATAGA GGGCTGCGTC ACTTCTGGGG CCTTCGTGTC CGAGGCCAGC ACACCAAGAC 180
CACTGGCCGC CGTGGCCGNA CCGTGGGTGT GTCCAGNAAG AAATAAGTCT GTAGGCCTTT 240
GTCTGTTAAT AAATAGTTTT ATATACCTNN AAA 273

配列番号：586
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00651
配列：
GATCTNCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60
TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA ACAGGTCTTT GACTCAGGTT 120

CCAGTAGTTC ATTCTAATGC CTAGATTCTT TTGTGGTTGT NGCTGGCCCA ATGAGTCCCT 180
AGTCACATCC CCTGCCAGAG GGAGTTCTTC TTTTGTGAGA GACACTGTAA ACGACACANG 240
AGAACAAGNN TAAAACAATA ACTGTGTGTG TTAAA 275

配列番号：587
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00652
配列：
GATCTTATGG ATAAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCCAGCT 60
ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA TAGATAAGCC TTGTCATTNT 120
GTATCAAAAA TCTGTTGTCG TTTTCTAGTA ACTTCAAATT CCATTACTCC AAATGGCATG 180
GTTTTCCGGT TTGTAACCAT AACTAAATTG TCAGTCTGAC ATTTAATGTC TTTCTATGGA 240
CAACATTAAA TCNCCCTCCC TTCTGTAAA 269

配列番号：588
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00653
配列：
GATCAAGTGG CTTTCCCTGG GACCTGCCCA GCTTTGAGAA TCTCTNCTCA TCCACCCTCT 60
GGCACCCAGC CTCTNAGGGA AGGAGGGATG GGGCATAGTG GGAGACCCAG CCAAGAGCTG 120
AGGGTAAGGG CAGGTAGGCG TGAGGCTGTG GACATTTTCG GAATGTTTTG GTTTTNTTTT 180
TTTTAAACCG GGCAATATTG TGTTCAGTTC AAGCTGTGAA GNAAAATATA TATCANTGTT 240
NNCCAATANA ATACAGTGAC TANCTGAACA AA 272

配列番号：589
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00654
配列：
GATCGTCAAA TCTTTTNCAA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60
ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTCATCCAT ACCTGTGCAT GAGCTGTATT CTTCACAGCA 120
ACAGAGCTCA GTTAAATGCA ACTGCAAGTA GGTTACTGTA AGATGTTTAA GATAAAAGTT 180
CTTCCAGTCA GTTTTTCTCT TAAGTGCCTG TTTGAGTTTA CTGAAACAGT TTACTTTTGT 240
NCAATAAAGT TTGTATGTTG CATTTAAA 268

配列番号：590
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00656

配列：
GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT TCTNTTTGAG ATTTTNCTTA AGTTTTGGTA 60
GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT GGGAATTAAG TAAGCTAAAC ATTGTGTCCT 120
TATTATNAGT TATATAAAAC TATGCTTTAG ACTTTGTNAG AAACTTCTGC CCCACCTTGA 180
CTGACTGCTT TNCCATTTNT GGTTGTACAA AATGAATTCA CACTTTAATG CTATGGCCAC 240
CTTTAAATAA AGTACAGCGT GACTAAA 267

配列番号：591
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0657
配列：
GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGGTTT ATTCTTGTGC TTTCTGTATT TAAAACTTTG 60
GCTGTACTAA GCAAATGCAA GGTTATAATT TAGCTAATAG TAGTTTACAG ACAATTCTGA 120
TGATTATGAT TTCATTTGGT TTAACTAAGC TGTACTAGTT CATTTCATAA GGAAATGATA 180
CTGTAGACAA ATGTAAATAA AGCCTGTGAG TCAAGCATCA AGTGGTGTTT GTTAGAAATA 240
ANCTAGAGAT TTTTAANCTC TGAAA 265

配列番号：592
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0658
配列：
GATCTGGGGC CAGCTCACCG CTCACGTCCC CGTCATCGAC AACTCCACCC TNTACATCAG 60
TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT TNCGGTAAAG TAAACTATGC TGATTTCTCA 120
GACTTTAAAG ATGCTCTNNT TCTGTGTGTN AAATAGGACC CAAAGTGTCT CGATTGCTGA 180
AGTGATGAAC AAGTGGGAAA GCAGATTTGA GACTATTTCC TTATCTGAAT ATTTAAATGA 240
AATACAGCAT CTTTAAAANG CAAA 264

配列番号：593
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0659
配列：
GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCTGTA TTTATTGTGC TGTGTCTGGT CCTAAGTGGA 60
GCCAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTTN CCAGTGTTGA ATCTCACACA CTGTACTTTG 120
AAAATTTCCT TCCATCCTGA ATAACGAATA GAAGAGGCCA TATATATTGC CTCCTTATCC 180
TTGAGATTTC ACTACCTTTA TGTTAAAAGT TGTGTATAAT TGTTAAAATC TGTGAAAGAA 240
TAAAAAGTGG ATTTAAATTA AA 262

配列番号：594
配列の長さ：260

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00661
配列：
GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT GAAATTTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG TGTTTTGTAC AGGGCATTCT 120
CTGTACTAGT TTGTCGTGGT TATAAAACAA TTAGCAGAAT AGCCTACATT TGTATTTATT 180
TTCTATTCCA TACTTCTGCC CACGTTGTTT TCTCTCAAAA TCCATTCCTT TAAAAAATAA 240
ATCTGATGCA GATGTGTAAA 260

配列番号：595
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00662
配列：
GATCCCTTTA TGAAACCTTG TGAATAGATG AATGTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT CATCATGTTA GAAGCCTTGG 120
AACGAGTATA AATAATGGCT GTTCAGCAGA GAAACCCATG TCCTCTCTCC ATAGGGCCTG 180
NTTTACTATG ATGTAAAAAT TAGGTCATGT ACATTTTCAT ATTAGANTTT TTGTTAAATA 240
NNCTTTTGTA ATAGTCAAA 259

配列番号：596
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00663
配列：
GATCNNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCCGC GCCAGGNAAA ACAGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC TGTCCATCAG CTCTTCCTCC 120
TTTCGAGTCA TGTGGAAAGG GACAGGNCCA AGTGGCCTTG GTGTTTAAAT CTTGCCCTAA 180
ATTGTAACTC ACATGATTAT TTAAAGTCAC TAGANATAAG TAAGCACAGC AATAAAGNTT 240
TAATGGAATA AAAGAAA 257

配列番号：597
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00664
配列：
GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACTTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT NACTATTTTC TACAAAGAAA 120
ATATTTTCTA ATTTAAGTTG GAGCTATCTG TGCAGCAGTT TCTCTACAGT TGTGCATAAA 180
TGTTTTTNCT ATAAAATGAG CTAATGTATA ANATACTGCT GTATACCATA ATAANGATAG 240
TAATACTTGA AA 252

配列番号：598
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00665
配列：
GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT CTGCTGTCAA GATTCCCATC 120
TCTAAGGACT CCAAGTGCTA GAGACAAGGG GGTCTATGAG CATTTACTGA CTTCCTGTTA 180
AAACTTCATT TTTTCAAACT TTTTGAGCTA TGCAATATAT AANTAAACAG TAAGAATTTT 240
AAATTACAAA 250

配列番号：599
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00666
配列：
GATCCTTCTT CCTTTCACTG GTCGTGCCTC CCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
GGTGTATCCC CTGTTAAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG GTGAAAGCAG AATTATGTCT 120
GTAGAGTTGG AAGAGAATTA AACGAAAATC ATTGTTAATT GCTGAGGCAT GAAAATTGTG 180
TTACTATAAT GCCTTATTTT ACCTCGAGAA TTGTTACCTT AAATTAGTAC AGCACTTTCT 240
TCTTCCCAAA 250

配列番号：600
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00667
配列：
GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTC ATATTTTNNT 60
NTTGTNCTTC CAATTGGTAT ATACAACTTT CAGAGCCTCT TGTATTTGGA AGGCTGGAAG 120
GGCCCAGACT TTGGAATAGT GTCTTGGTTT CACTGTTTTN GTTTTGATTT TTTTTTTGTT 180
TNGATTTTTT TAAAACTAAA GCTATATAAA GCTTGNGGAT TAANCAGANT AAATTCCTAA 240
ATTTAAA 247

配列番号：601
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00668
配列：
GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60
CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT GGGGCTTAAA GAACTGGGAC 120

CAGACCAAGT AGAGGCCTTG GTGCTGNTTG GGGTGGGGCC TGCAGANTCT TAGTTACTGA 180
TTTCATTTTC AATAAATGTA GGTTTGTTAC ATGAGTTTCC CAATTAAAAA AAAAATGACT 240
TCTAAA 246

配列番号：602
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00669
配列：
GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60
TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT TATTTAAAAG AAAGGTAAAG 120
ATTGGCCTGT TAGAAAAAGC ATAATGTGAG CTTTGGATTA CTGGATTTTT TTTTTTTTNA 180
AACACACCTG GNGNGGNCAT TTGAAAACAC TNTTCTTACC CTCGANCCCT GATGTGGTNC 240
CATTATGTAA ATATTTCAAA TNTTAAAAAT GTATATATTT GAAA 284

配列番号：603
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00670
配列：
GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60
TNAGTGACCG TCTGTGCAGG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG CTCTGAGCTG CACTNGCCCC 120
GGTGCTGGCA TCTGGTGGAG CGGACCCACT CCCCTCACAT TCCACAGGCC CATGGACTCA 180
CTTTTGTAAC AAACTCCTAC CAACACTGAC CAATAAAAAA AAATGTGGGT TTTTTTTTTT 240
TTAAATAAA 249

配列番号：604
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00671
配列：
GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60
GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT GCACTGGAAT ATGTCTACAA 120
AGGGCAGCTG CAGTCTGCCC CTTCCTAGCC CCTGTTCCCT CCCCCAACCC TATCCCTCCT 180
ACCTCACCCG CAGGGGAAAG GAGGNAGGCT GACAAGCTTG AATAAAACAC AAGCCTCCGT 240
TAAA 244

配列番号：605
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00672

配列：
GATCCCCTTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG GGTGTAAATA TTTATAATTT TTAATACCTG 60
TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT TTTNATGGTG ACACAAATGT ATATTTTNCT 120
AACAGCAATT CCAGGCTCAG TATTGTGACC GCGGANCACA GGGGACCCCA CGCACATTCC 180
GTTGCCTTAC CCGATGGCTT GTGACGCGGA GAGAACCGAT TAAAACCGTT TGAGAAGCTC 240
CAAA 244

配列番号：606
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00673
配列：
GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT TCATCTTTGT GGATGGTGTC TCCTTTACTA 60
AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT TTTTTTNTTG TCCTCATTCT TGCCTTGAGT 120
TCCAGTTCCT CTTTGGTGTA CAGACTTCTT GGTACCCAGT CACCTCTGTN TTCAGCACCC 180
TCATAAGTCG TCACTAATAC ACAGTTTTGT ACATGTAACA TTAAAGGCAT AAATGACTCA 240
AA 242

配列番号：607
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00674
配列：
GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT CTATGCTGAC GNCTCCCTGG TCTTCCCCCT 60
GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT GGATGCCTTC ATGCATGAGA AGAACGAGGA 120
CTGAGCGGCT GCGGTCCCAG GAAGGTCTTA CCCCCTCTNC TATTTATNAA TTTGCAGACC 180
CAGCCCNTCC CCTACTTTTT GGTCAGCTAC GNCTCTAGAA TAACNCCCGG TATCTGAAGT 240
CCAAA 245

配列番号：608
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00675
配列：
GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT GCTGTTCGAA AGCATCTTGA GAGGAACAGA 60
AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT CTAATAGAGA GCCGGATTCA CCGTTTGGCT 120
CGATATTATA AGACCAAGCG AGTCCTCCCT CCCAATTGGA AATATGAATC ATCTACAGCC 180
TCTGCCCTGG TCGCATAAAT TTGTCTGTGT ACTCAAGCAA TAAAATGATT GTTTAACTAA 240
ACAAA 245

配列番号：609
配列の長さ：241

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00676
配列：
GATCTAAAAT GTCACATTCA GATTTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
TNTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC TTCTAACCTG AAACACATTC 120
TTTCCCATCC NGGTTGGGCT TCTNTACCNC CTTATTAATT TATGAACCNG AAGTTGCTTG 180
AAGTGTTTTG GGCTTAATAA ATGGGGTGAA AGTATAGGTA GCAGTAACAC CTACATGNAA 240
A 241

配列番号：610
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00677
配列：
GATCTTCTGA GGTCAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60
CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT GTAGTCCCAG CTACTTGGGA 120
GGCTGAGGCA GGAGAATCGC TTGAACCCAG GAGGCGGAGG TTGCGGTGAC CCTCCAGCTT 180
GGGCAACATG TTATGANTGA AACTCCATCT CAAAAAATAA AAAAAAAAAA GGGNNGCAAA 240

配列番号：611
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00678
配列：
GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60
CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC AGCGCGTTGT AACTCATGTG 120
TTTACATGTC TGTCCCNCCA GACTGTNAGC TCCTTGAGGG CAGGGACTGT ACATTCTCCA 180
GCTCTGTGTC CCCAGGGCCT GGCACATTGT AGACGCTTAA TAAATTTCTG TTAAATGAAA 240

配列番号：612
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00679
配列：
GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
TCCTGCCTTG TTTCATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT GTCCAAGTGT ATCTTTCACT 120
GATTTCTGNA TCATGNTCTA GTTGCTTGAC CCTGCCANAT GGGTCCAGTG TTCATCTGAG 180
CATAACTGTA CTAAATCCTT TTTCCATATC AGTATAATAA AGGAGTGATG TGCAATAGCA 240
AA 242

配列番号：613

配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00680
配列：
GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTCAGGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
ACACTCCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC ATGCTGAGTA CTGGACCTCG 120
GACCAGAGCC ATGTAAGAAA AGGCCTGTCN CCTGGAAGCC AAAGGACTCT GCATTGAGGG 180
TGGGGGTAAT TTTTTCTTGG NGGGCCCAGT TAGTGGGCTT NCGNANTGTN TGTATGNGN 239

配列番号：614
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00681
配列：
GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAAACAG 60
TCGGTGGGAA ACAAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT CAGACAGAGG CTTCAGGTAC 120
AACTGGCCAC AGAGATAGTC CTGGAAGACA CGTGGCGCCT GTGGACCGGA AGCACCAAAT 180
GCTGGTGCTG CTTTTGTACA TACATATTTT TAAACCATTA AAATTCTTCC TGAAGAAA 238

配列番号：615
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00682
配列：
GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60
CATAGCCACA GTTTGCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG CAATGTAGTG TCAATTAGAT 120
GTACATTCCT GAGGTCTTTT ATCTGTTGTA GCTTTGTCTT TTTCTTTTTC TTTTCATTAC 180
ATCAGGTATA TTGCCCTGTA AATTGTGGTA GTGGTACCAG GAATAAAAAA TTAAGGAATT 240
TTTAACTTTT CAAA 254

配列番号：616
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00683
配列：
GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTC TACAGAAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAAGT AATCTTGGAA TATAAAGAAT 120
TNCTTCAGGT TGAATTACCT AGAAGTTTGT CACTGACTTG TGTTCCTGAA CTATGACACA 180
TGAATATGTG GGCTAAGAAN TAGTTCCTCT TGATAAATAA CCANTTAACA AATNCTTTNG 240
ACAGAAA 247

配列番号：617
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00684
配列：
GATCTGCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60
GCAAGTATGC TGCTCTCTCT GTTGATGGTG AAGATGAAAA TGAGGGAGAA GATTATGCCG 120
AATAGACCTC TACATCCTGT GCTTTTNTCC TAGTTTCTCT CCACCCTGGA ACATTCGAGA 180
GCAAATCAAA ACCTCTATCC AGACAAGACA AAATAAAACT CAACATCTCC TGAAA 235

配列番号：618
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00685
配列：
GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTTC CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTTA ACTTCANATT GANCTTACTG 120
TAGCCTCAAA TGATTTCCCC CCTCCGCCTC CAGGAAGAAA GAATGTNACT GCCTTAATAA 180
AAAATGAAAA GAGAATGATG CTCAAAATCT TTCCAAATAA AATGTTCCCT ATATTAAA 238

配列番号：619
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00686
配列：
GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCAGT GAAGGGGCAT TTNTNGTCAA TGTAGGTGCC 60
CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TNTTGAAGCC CAGACCGATG TTCTTGTAGT ACCGCGGGAG 120
CTTCTCCTTG CCAGTTTCTC CCAGCAGGAC CCTCTTCTNG TTTTGAAAGA TGGTCGGCTG 180
CTTTTGGTAG GCACGCTCAG TCTGAATGTC CGCCATCTTC CCGGCCGGCT GAAA 234

配列番号：620
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00687
配列：
GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTTNTTC AACTCCCTGC CCCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACCA AGGAGCCAAA CATCCTACAA GACACAGTGA 120
CCATACTAAT TATACCCCCT GCAAAGCCCA GCTTGAAACC TTCACTTAGG AACGTAATCG 180
TGTCCCCTAT CCTACTTCCC CTTCCTAATT CCACAGCTGC TCAATAAAGT ACAAGAGCTT 240
AACAGTNNAA A 251

配列番号：621
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00689
配列：
GATCCATCAT CCGNCAATGT TAAAAGGCCC CGTGCGCGAG GGCGACGTGC TCACCCTTTT 60
GGAGTCAGAG CGAGAAGCCC GGAGGTTGCG CTGAGCTTGG CTGCTCGCTG GGTCTTGGAT 120
GTCGGGTTCG ACCACTTGGC CGAGGGGAAT GGTCTGTCAC AGTCTGCTCC TTTTTTTTGT 180
CCGCCACACG TAACTGAGAT GCTCCTTTAA ATAAAGCGTT TGTGTTTCAA GTTAACTCAA 240
A 241

配列番号：622
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00690
配列：
GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTGCT GGGATTACAT GCATACCTGA NCTACTGAGC 60
ACTTTNATCT TGAATGAGTG TTGGATTTTG TCAAATGCTT TTCCTGTACC TATTAATACA 120
ATCATGATTT TNNCCTCTTT AGTATGTTGA TATGATGGGT TACATTAATT GATNNTCAAA 180
TGTTGAATCA GTCTNGCATA CCTGGAATAA ATCCCACTTG GTCATAATAA A 231

配列番号：623
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00691
配列：
GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTAAATA TTTTAAAAAT TATAATACAA ATCATCAGTG 60
CTTTTAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAAATAC CATGAAATTT ATAGGTAGAT AACCAGNTTG 120
TCNCTTTTTG TTTAAACCAA GCAGTTGANA TGGCTATAAA GACTGACTCT AAACCAAGAT 180
TCTGCAAATN NTGATTGGNA TTGCACAATA AACATTGCTT GNTGTTTTAA A 231

配列番号：624
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00692
配列：
GATCCCATTT AGGAANCGGC ATTCACTTCA GAAGGTACTT TTTAACTGCT CAGTTTTTGA 60
CTATTTTAAA TAGTTTGCTG AAAACTCCTG ATAACACTTG CTACATATCA TGTTTTAATT 120
GCTTGTACAG TTAACCTTTA ATTTTATTTA GTAAAGTGTA TCAAAGTAGG ACTTTTTTGA 180
ATTGTAAATA GGTGGTTTTA TTAAATAAAA GTCAATGTAA AAATTGTTAA A 231

配列番号：625
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00693
配列：
GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
TTATTAAAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT GGCTGTTCTT GGGAAAGGGG 120
TCACCGTGTC TGACAAAGTG TAACTTTAAA AAGCACGTTG ATTTTTTACA AATGTAAGTG 180
TGCTTGGGAA TTCCTTAAAT TTTGTGCAAT AAACTATTTT TTGGAAGAAA 230

配列番号：626
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00694
配列：
GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC CACAGCACGT GCATCGCGGA 120
NAGCCTNCTT GGGATAAAAT ATGTTTACAA TAACTTGCCT ATTGCTGAGA TTAAACCTTA 180
CAGGCTGCGT TATTTTAGCA AA 202

配列番号：627
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00695
配列：
GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA CTGAAGTGAA CGTGAATATG 120
CTGACTATAT CCTGGAAGCA TTTTTATACC ATCTTGAAAT TTCAACANAC TGGCTTTTGC 180
CAGTTAATCC AGCTGTCTTT CAAGAATAAA AGTTGGGGTT TTCAAA 226

配列番号：628
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00696
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG TAATCTCAGC TACTTGGNAG 120
GCTGAAGCAG GAGAGGTGCT GGAACCTGGN AGGCGGAGGT TGAAGTNAGC CGAGATTGCC 180
CTATTGCACT CCAGCTCGGG CGNCAACTGC AAGACTCCAT CTCAAA 226

配列番号：629

配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00697
配列：
GATCTGTTAA TTTCCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA AACATTAAAC AATAGGCANA 120
TATATGTNAT GTGCATTTCT AGAAATACAT AACACATATA TATGTCTGTA TCTTATATTC 180
AATTGCAAGT ATATAATAAA TAAACCTGCT TCCAAACAAC AATAAA 226

配列番号：630
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00698
配列：
GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60
CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA CCATTGGTGC TGCCTTCTNT 120
TCCCACAGCC TGTAACTCAG TGTTTTGTAC TTCACTGAAT TGTGATGGNT AGAAACTTCG 180
TGGGTAGNNN NTGGGAATCA TCCNGTTAAA CAANACGGGN TTTAAA 226

配列番号：631
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00699
配列：
GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTTCTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTCATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT CCCAAAATGT AAATACAATT 120
TNTTATGTTA CTTTTTTGTG GTAACTACCG AGATGAATAT TTTAATTAGA TAAGTTATAT 180
GAAAAGGAAA ATTCCATGTC TAAATAAAAA ACAAACTCCA AA 222

配列番号：632
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00700
配列：
GATCTTCTGG ACAAACTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT CCCAGCCTTG TGCAGACAAT 120
GCTGTGCTTT CCAGTGGTCT CACGGCAGCA CGATGAAGAC TGGAAAGCGA CGGGTAATGC 180
GGCATTGATG CTTNCCAATA AAACCAACCA ACCAAACACA AA 222

配列番号：633
配列の長さ：221

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00701
配列：
GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60
CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA AAAACACAAT TGGNAATATA 120
TCATACTNGC TGGTTTGCAC CTNGCTTTTT TTGCTTAATA TATCTAGTTT ATAATGNCCN 180
AATGNGCAAA TTTTNGCATC NGCCCTAAAT ATCTACTGGN N 221

配列番号：634
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00702
配列：
GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAACT 60
TTTTTGTAAA GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG CAGGCCATAT ATCCTCTNCT 120
GCAAATNCTC AGCCCTGCTG TTGTAATGTA AAANCTNCCA CAGACACTAC ATGAACACGA 180
ATGAGTGTGG CTGGTGTTCC AATAAAACTT TATTTACAAA 220

配列番号：635
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00703
配列：
GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60
GAGCCGTGGC CTTGGAAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT ATTGGTGGCT CTCGCCGGGC 120
AGCTTGGAGA AGGCGCAATA CTCTCCAGCT CCACCGTTAC CGCTAATATA NGTAAAGTTT 180
NGTAAAATTC ATACTTAATA AACAATTTAG GACAGTCAAA 220

配列番号：636
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00704
配列：
GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT GCTGATGAAT TTGAAGACAT 60
GGTGGCTGAA AAGCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC AAGTACATCC CCAGTCGTGG 120
CCCTCTGGAC AAGTGGCGGG CCCTGCACTC ATGAGGGCTT CCAATGTGCT GCCCCCCTCT 180
TAATACTCAC CAATAAATTC TACTTCCTGT CCACCTAAA 219

配列番号：637
配列の長さ：215
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00705
配列：
GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60
ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTTAACACCA GGGTTCCTTG GGTGAAGGAG 120
CTTCTTTATC TNGGTAACAG CATTATTTCA AGCATAACTN GTAATATAGT NATATTACAT 180
ATATANCATA TATATATATN NCANANCANA TATAN 215

配列番号：638
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00706
配列：
GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60
AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT GTCTGGGTTC AAATGCCATC 120
TTTGACACTT GCAAGCTAAA TNACATTACT CAAATTAATC GTTCTGCACT TCAGCTTCCN 180
TGTCTATCAA ATAAAAAGAA TAGTACCNGC CAAA 214

配列番号：639
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00707
配列：
GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60
CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT CTGTTTGCTG GCTACACGGA 120
CAACCTGGTG CGAGTGTGGC AGGTGACCAT TGGCACACGC TAGACGTTTA TGGCAGNGCT 180
TTACATGTGG GGGAATAACN TGGCTTTTCT GTAAA 215

配列番号：640
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00708
配列：
GATCAAACCA AGGCCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60
ACCCAGGCCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC CAACATGAGG ACAGAAGGAC 120
TGGTGCGACC CCCCACCCCC GCCCCTGGGC TACCATCTGC ATGGGGCTGG GGTCCTCCTG 180
TGCTATTTGT ACAAATAAAC CTGAGGCAGG ATTTGTTAAA 220

配列番号：641
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00710
配列：
GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCGCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA ATGGTCAGCC AGAGCTGGGG 120
AAACCCAGAA CTGACTTCAA AGGCAGCTTC TGGACAGGTG GTGGGAGGGG ACCCTTCCCA 180
AGAGGAACCA ATAAACCTTC TGTGCAGAAA 210

配列番号：642
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00711
配列：
GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGGG AATAATATGT 60
GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGTG TTGTNATTTT GGAAAAAATG AGGGGAGGGA 120
GTTTGGCAAG AATGGAGAAA ATGAATGAAG AAGGCCTAAT CTCTCTCTTT TTCAGTNAAT 180
AAATGGAACA CCATTTCTGG ATTCTAAA 208

配列番号：643
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00712
配列：
GATCTGTACA TTGTAAAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA AATGAATGGC AGAAACATTA 120
AAATGAACAC TATGGGGAAA GGGGAAGAGA GGCAGAATCA GAAATTATCC NGAATAAATA 180
TTTATNCCAT TTGTCATCCN NCNAAA 206

配列番号：644
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00713
配列：
GATCTATGTG GTGAAAATGC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAAGA GAGAGCTCCT 60
TTCGCCATGT TTTACCAGTN TGCTGTTATA ACCTCTTAGG TTGTATCCTT TAATTTCCAG 120
CCTTTTAGGT TAGTTTCTGT AACAGAACAA GTGAGTCTGG GATGAAGTCC TCAAAGTACT 180
TCAAATGGTA ATTTTTTTGT TTTTGTAATA GCTNAACAAA TAAACCNAGG GTTTCTATAT 240
TAAA 244

配列番号：645
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00714
配列：
GATCTATGAA TGANAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTTC CCCTCCTTCC 60
CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA CAGGAACTTC ATCATAATTT 120
GGAGGGAAGC TCTTGGAGCT GTGAGTTCTC CCTGTACAGT GTTACCATCC CCGACCATCT 180
GATTAAAATG CTTCCTCCCA GCATAGGATT CATTGAGTTG GTTACTTCAA A 231

配列番号：646
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00715
配列：
GATCTACATC TTTTTCTAAA GAAAAGTGGA GCTTGCCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60
TTTCCCTCCC ATGCCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG GAAGGATGCA GAGGCTGTGT 120
GGTTTACCAA ATGCCTTAAC TTAGCAGTGA ATGACAACTG TCAAACACAT GTTGAGGGGA 180
AATTTTTACT GATTCACAAA 200

配列番号：647
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00716
配列：
GATCTGCCGC AAGTGCTATG CTCGCCTTCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGNA 60
GTGTGGTCAC ACCAACAACC TGCGTCCCAA GAAGNNGGTC AAATAAGGTT GTTCTTTCCT 120
TGAAGGGCAG CCTCCTGCCC AGGCCCCGTG GCCCTGGAGC NTCAATAAAG TGTCCCTTTN 180
ATTGACTGGG GNNGNANAAA 200

配列番号：648
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00717
配列：
GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60
GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGGNAGAG CAGGCTGGCA GCTCTCCAGT CAGGAGGCAT 120
AGTTTTTACT GAACAATCAA AGCACTTGGA CTCTTGCTCT TTCTACTCTG AACTAATAAA 180
TCTGTTGCCA AGCTGGAAA 199

配列番号：649
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00718

配列：
GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCCTGT CCCCACAGCA 60
GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCCT 120
TCCCCTTGTT TTTATTTTAC TGTTATAATA ATTATTAACT TCCTTGTAAT AGAAATAAAG 180
TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206

配列番号：650
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00719
配列：
GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60
TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120
ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180
AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201

配列番号：651
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00720
配列：
GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60
GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120
TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180
CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198

配列番号：652
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00721
配列：
GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60
CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120
CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180
AATGCGTAAT TAAGAAA 197

配列番号：653
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00722
配列：

GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60
TGTTGTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTTNCTGTAC CTTAGATTCA CAAACTTTGT 120
ATTTTNAGTA CATATTTNNA AGAATTTCTA TAGTACATAT NTNNAAGAAT TTTNATATCA 180
AATATACCGT ATACTNN 197

配列番号：654
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00723
配列：
GATCACCGCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60
GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA AAAAGCTCCA GCCCAGGNNN 120
GCACCTGCTC CAAAGGCATC TGGCAAGAAA GCATAAGTGG CAATCATAAA AAGTAATAAA 180
GGTTCTTTTT GACCTGTTAA A 201

配列番号：655
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00725
配列：
GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTTNCTTTC TAGCTGTTAA 60
CCTACTTCCT GGAAAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT GGAGTTTCAG TGGAACCAAA 120
TNTTTGCCAT TAAAAACTGG CATTATACTG AACTATACAT TGAGAAATCA ATCAAAATAA 180
AANTTTTNAC TTTCACAAA 199

配列番号：656
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00726
配列：
GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60
TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG GTTCAAATGC ATCTTTGCAC 120
TTNAAGCTAA ATGACATACT CAAATTAATC GTCTGACTCA GTTCCTTGCT ATCAAATAAA 180
AAGATAGACC TGCAAA 196

配列番号：657
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00727
配列：
GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60

CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT TGTGATTTTA TTGACTTGTT 120
GCTTGCTTTT CCTNAGGCTT TGTAACTTGT AATATGTTAA AGTGTACTAT CCTAATAAAC 180
TGAATACTTT GGTATCTTAA A 201

配列番号：658
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00728
配列：
GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60
CCCCCTCCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG GGCTAACATC AGCTCATTGT 120
CAAGGCCACC CCCACCCCAG AACAGAACCG TGTCTCTGAT AAAGGCTNTT GAAGTGAATA 180
AAGTTTTAAA ANCTAAA 197

配列番号：659
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00729
配列：
GATCGTNTTT GTTTTGTTTT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60
TTNATATAGC TCTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTCGT TTTGGGGAAG AAATCTGTAC 120
TGTATTGGGA TTGTAAAGAA CATCTCTGCA CTCAGACAGT TTACAGAAAT AAATGTTTTT 180
TTTGTTTNNC AGAAA 195

配列番号：660
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00730
配列：
GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60
CCTGGTTCCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA CCTCTGGCTC AGACTTGCTC 120
TACTGAAGGC TTCTTGGTTA TAAGATGCAT AAAGTCACTG GGGCTAGCTA AACAATAAAG 180
AGTTTATTGT GAGAAA 196

配列番号：661
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00731
配列：
GATCTAATGT ACTGTAACTT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60
TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAATTTT TCCAATAGAT TTCATTCTTG 120

TCATTTTGTA AGACGACCCT GCAGTCCACC NGTTTGTAAC TTTTTTAATA AAATAGACAT 180
CTGTATTACT GAAA 194

配列番号：662
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00732
配列：
GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60
CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AAACTGAAGC AGTCCCTGCC CCCCGGTTTG 120
GCAGTGAAGG AACTNAATAA ACCAGACACA CACAGAACAG GCGATTATTT ATTTGTTTTT 180
AATTTATTTT GTCATATTTT TGTAAAACGG CAGAAATGCA ATAAAACCTA TATTTCAACA 240
GTGAAA 246

配列番号：663
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00733
配列：
GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60
AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTTGGTC CAAATTATGT AGGATAAGTT AAACTTAAAT 120
TGCATTCTAT TAACCAATAT GAGTGTATTT CTGTAAGCAT AGTTATGTTG AAATAAAGTT 180
TTAAAAACCA AA 192

配列番号：664
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00734
配列：
GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTTCCCTT TGAGGTGAAA 60
GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG TGGAATCAAA TAAAATGCTT 120
CCACNACCAA AAGACATTAG AGAAAACCTT AAAAGTAATA AAGNGAAATA TATTTNTCAC 180
TTATACCTAA A 191

配列番号：665
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00735
配列：
GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60
CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT CTTCCCCCAC CCCCAGCTAC 120

CCATAGGGGC TGCAGAGTTA TAAGCCCCAA ACAGGTCATG CTCCAATAAA AATGATTCTA 180
CCTACAAA 188

配列番号：666
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00736
配列：
GATCTNAAAC CCAAGGGTCT GAGGCCAGGG CCGACTGCCG TAAGATGGGT GCTGAGAAGT 60
GAGTCAGGGC AGGGCAGCTG GTATCGAGGT GCCCCATGGN AGTAAGGGGA CGNCTTCCGG 120
GCGGATGCAG GGCTGGGGTC ATCTGTATCT AAAGCCCCTC GGAATAAAGC GCGTTGACCG 180
NCGAAA 186

配列番号：667
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00737
配列：
GATCTGTAAA TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60
AGAACCGATG AAAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTTAAG AAAACTTTGT TTGTTTAAAG 120
AAAAAGTATT GTATAANTNA TAATTTTAAT TTAAATAAAC CTAAAATGCT TTGTGCTAAG 180
GAAA 184

配列番号：668
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00738
配列：
GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60
TACAACAGAA CACTGCTCTT TTTGATTTTA TTTGTACTTT TTGGCCTGGG ATATGGGTTT 120
TAAATGGACA TTGTCTGTAC CAGCTTCATT AAAATAAACA ATATTTGTAA AAATCATAAA 180

配列番号：669
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00739
配列：
GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTCC TTTTTATTGC TGAATAGTAT 60
TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC ATTCGCCTGT TGAAGGACAC 120
TTGGGTTGTT TCCAGTTTCA GGTTCTTACA AATAAAGCTA CTCTGTGTGT TCATGTAAA 179

配列番号：670
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0740
配列：
GATCAAATGC CAGTGTCATT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60
NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC CTCTCCCGTT GTACCGCATT 120
CTTTCCAGCA TTGTGCTTTT TCCCTGGNCT TATTTGAAAA TTTTACTGTT TTATACAAA 179

配列番号：671
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0741
配列：
GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTC TGTCATCCGT GCTCTGTTTC CTATTGGAGT 120
TTCTTCTCCA CATTATNTTT GTTCCTGGGG AATAAAAACT ACCATTGGAC CTAGAAA 177

配列番号：672
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0742
配列：
GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60
GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA GCCTCCTCAG CTCGGGGGGC 120
CGGGGACCCA GTGAGCCGAG AGCCCTCTGG NCTCCACTTA TGCATATGCA CCAAA 175

配列番号：673
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0743
配列：
GATCCGGAGA ATAGGGCNNN AATATGTGCC GCCAGTGTTT CCGTCAGTAC GCGAAGGATA 60
TCGGTTTCAT TAAGTTGGAC TAAATGCTCT TCCTTCAGAG GATTATCCGG GGCATCTACT 120
CAATGAAAAA CCATGATAAT TCTTTGTATA TAAAATAAAC ATTTGAAAAA ACCCTTCAAA 180

配列番号：674
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO0745

配列：
GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCNNNGT 60
CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG TAAAAGGAAA GTTGAAATCA 120
ATCCTCCTGA TGATATGGNN NGGAAAAAGT ACTAAATAAA TTAATTTGCT CTCAAA 176

配列番号：675
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00746
配列：
GATCAAAACC AGTTTGATTT GGGAATCTTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60
TTAACTTTCC TTGGTGTTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT CCACTTAAAA CCGTAATCTA 120
GTTTGTAAAA GAGATGGTGA CGCATGTAAA TAAAGCATCA GTGACACTCT AAA 173

配列番号：676
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00747
配列：
GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60
TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC ATTTTAATTA AACAATCTAT 120
ATGGAACAAA CATTCCCAAA TNCTAAGAAT AANTNTTCNT NTAAGTTTTC AAA 173

配列番号：677
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00748
配列：
GATCCAAATA ATTTATTAAA TGACTGGTCT CAGAAACTGA ACTCATTAAT GTCTCTGGTT 60
AACAAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGGTCT 120
TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT AAAATTGGAA GTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGA 180
AA 182

配列番号：678
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00749
配列：
GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60
CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA GGANTTAAAC CTGCTAATCC 120
CTATTTTAAT TAGAACAGTG AGAAANTAAA TATCTGTATT TAAGCCTCAC AAA 173

配列番号：679
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00750
配列：
GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60
AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC ATACATTCGG AAGAAGGGTG 120
GAAAAGTTAC TGGAGATAGT CAACCAAAGG AACAAGGACA GGNAGATTTG AAA 173

配列番号：680
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00751
配列：
GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60
CGTNGCTCCC TGCCAGCTTC CCCCCTGAGG TTGTGTATCA TATTATCTGT GTTAGCATGT 120
AGTATTTTCA GCTACTCTCT ATTGTTATAA AATGTAGTAC TAAATCTGGA AA 172

配列番号：681
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00752
配列：
GATCAAATTT AAACTTCATT TTGGGGGGTA TTTTGGTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60
TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA ATTGGGGGGA AAAAGACCAG 120
GTCTACAGTG ATAGAGCAAA GCATCAAAGA ATCTTTAAGG GAGGTTTAAA 170

配列番号：682
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00753
配列：
GATCGGAACA GCTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60
ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG ACGTTTGGTT TTTTTTTGTT 120
TTTGTTTTTG TTTTTTCCTT TATAAGGTTG TCTGTTTTTT TTTTTNAAAA AATNGCANCA 180
GTNCATGGCC CCCATCATTA ANANGNGAGG ANTNCANCAG AAAATAAAAT ATNCACTCN 239

配列番号：683
配列の長さ：170
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00754
配列：
GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60
CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT CCTCCTGGAG GGTGTGGCTA 120
CCCTCGCCAC CCCAAATTCC ATGTCAATAA AGAACAGCTA AATTCTCAAA 170

配列番号：684
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00755
配列：
GATCTTTCCA TTGGAAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TTGCTTGTAC AGTGTCAGAT 60
GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT GCTGGTGCTA TTTTNATACA 120
GTGAAGCAAC AGCTTTGCAG CAAAATAATA AAATACTTCT ANGTTAAA 168

配列番号：685
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00757
配列：
GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60
AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC CCCCAAGTNT TATGGGCCCG 120
GAGCGAGGAG AGTAGCACTC TTGTNCGGGA TATTGATTTC ACGGAGAAA 169

配列番号：686
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00758
配列：
GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACTT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60
ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT TTTATAGCTN ACTTCACAAT 120
GTGCCCAGGT CAGCTGTATA AAATAAATAC TGCATTNTNG TTTCTTTCAA A 171

配列番号：687
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00759
配列：
GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60
GTCACTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTC AAAACGCCTC GGGGACCTGT TTGAATTTTT 120

NCTGTAGTGC TGTATTATTT TCAATAAATC TGGGACAACA GCAGAAA 167

配列番号：688
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00760
配列：
GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTTATA 60
TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT TTTGATTGAA ATGAATCGAT 120
TTGCTTTTGT GTAATTTTAA TTGTAATAAA ACANTTTAAA AGCAAA 166

配列番号：689
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00761
配列：
GATCTATTTG GTCTTTCTCA TGTCCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60
ACTGTGTGAA TCCAGTGTTC ACATTCACAC TTAATGACTT CCTTGGCACC AATCATGTAT 120
TTCACCGTTT GCACTTNTTG TATTTCAATA AAAATGTTGA TGCAAAACTG CTAAA 175

配列番号：690
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00762
配列：
GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCCACCCCN GNGACCCGGA 60
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT GCCCGGGNCT NCTCAGCTGC CCACACCCAC 120
ACTGTCCAGC ATCTGGCACA ATAAACATNC TCTGTTTTGT AGAAA 165

配列番号：691
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00763
配列：
GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60
TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA TATATGTNCT TTTCCAAACA 120
TAAAATAACT TTTTGTTTTG TTTGATTGAA AAAAAATTTA GAAA 164

配列番号：692
配列の長さ：171
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00764
配列：
GATCCAGATT CTCACTTAAT GGGGTTTATA TGGACTTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60
CTCCCTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT TTCTTATTTA CATGTAAATA 120
ATACATTGTT CTAAGTCTTT TNCATTAAAA ATTTAAAACT TTTCCCATAA A 171

配列番号：693
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00765
配列：
GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCCC GGGACCCGGA 60
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA CCTCAGGGGG NCACANTTTA 120
CACTCTCCAG CATCTGGCAC AATAAACATN CTCTGTTTTG TAAA 164

配列番号：694
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00766
配列：
GATCTAATGG TCTAAAAACT GGAGTTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTNC CTGCAACCAT 60
CCATGCAAGA TGTNACTTGC TCCTCTNTGC TTTCTGCCAT GATTGTAAGG CCTCCCCAGC 120
TACATGGAAC TNTAACTCCA TTAAACCTCT TTNTTTTGTA AATTGAAA 168

配列番号：695
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00768
配列：
GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTGAGCCA CCCTGCCCGG 60
CCACTTTTGT ATGATTTCTA ATGTATTTGT AATTTACCTA ACAAATTGCC TAATCTGCTA 120
TGTTAATGTA TTTATGAATT AAAATAAATA CGACTGCAAA 160

配列番号：696
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00769
配列：
GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60
CAGGGCCGGG GTTTGTGGTC CCCCCCCCAC CACAAACACA GCACTTCGGC TCCTCTAACC 120

TGTGCCACAG GTGACCACCA ATAAAATCCT CTGCTGAGAA A 161

配列番号：697
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00770
配列：
GATCTCCCTG CCCCCACCCC AGTTCCCCAA CCCACTCCCT TCCAACAACA ACCAGCTCCA 60
ACTGACTCTG GTCTTGGGAG GTGAGGCTTC CCAACCACGG AAGACTACTT TAAATGAAAA 120
AANGAAATTG AATAATAAAA TCAGGAGTCA AAATTCAAA 159

配列番号：698
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00771
配列：
GATCTTTTNN TTTTTTTTAA GTCTCACAAG ACATGGGGCA TCTCCACAAA TTTAAGTTCC 60
TGTCCATTTG GAAATTTGTT TCTATGTGTA CAGTTTGTCA GAGAAAAACA AAGTTTTTGT 120
ATGANTACAG AATGTGATTT ACGCAAGATT TGACAGAAA 159

配列番号：699
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00772
配列：
GATCTACCTA TCTTCAGGAT GGAACCTTGG GGAAAAATAA AATTGAGGGG AAGTAAAAAG 60
TATGTAACAC TTCCAGTTGT GAGCCAAGAT TGTAACCAGA GAGCAGCCAG GAGCTTCCTG 120
TCAGTAACCA TNTTTTCAAT AAATACTCTT TCATGTACAA A 161

配列番号：700
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00773
配列：
GATCCTCTCA CCTCAGATTT CCAAAGTGTT GGATTATAGG TGTAAGCCAC TGAGCCCAGT 60
TTGAATGCTT TTTTATATAT TTTTTGGCCA TTTGTATGTC ATCTTTGGAG AAATGTCTAT 120
NCAAATCCNT TGCTCATTAA AATNATTTNC TGATAAA 157

配列番号：701
配列の長さ：160
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00774
配列：
GATCTGGCCG TNAGCCGCGA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTTT ATTGTAATTG TCTTAATTTG 120
CTAAGAACAA GTAATAAGTA AATTTTTAAA AAGCCTTAAA 160

配列番号：702
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00775
配列：
GATCAAATTG TGCAGTACTT TGTGCATTCT GGATTTTAAA AGTTTTTNAT TATGCATTAT 60
ATCAAATCTA CCACTGTATG AGTGGAAATT AAGACTTTAT GTAGTTTTNA TATGTTGTAA 120
TATTNCTCCA AATAANTCTC TCCTATAANC CACCAGGGAA A 161

配列番号：703
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00777
配列：
GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTTA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA TGGCAAACAA TCATTTTGCA 120
TTCCTGCAAA TAAAATTGTT TTATACTGTA GAAA 154

配列番号：704
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00778
配列：
GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTTNTTTC CTCCCTTGGT 60
CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA CCTGCAAAGC AGCATGGTGT 120
AGTTGAGAAG AATAAACAGA GAAGACTGGG AAA 153

配列番号：705
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00779
配列：
GATCTTTGGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60
NTCCCCCCAC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG CCGGCCCTGC ACCTNACCCC 120

ACCGTGACCT CAATAAACGT TGAAACTNCA AA 152

配列番号：706
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00780
配列：
GATCTATCCT TTACTTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAAGG TCATTTTGTT GCATTTCCCC 60
ATTTCTTGTT TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT AAATGGCTTG TATTGAACTT 120
TTACATTTGA ATTAAAGATG TTAAACATGA AA 152

配列番号：707
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00781
配列：
GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAACTGGT TCCTAATAAA 60
AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA TATAATAGCC TAACTCAGTA 120
AGANTATTAA AACTTACTAT TATNCTTCAA A 151

配列番号：708
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00782
配列：
GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAACTCAC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTCAGA 60
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC AATAGGCTGT ATTCCCAGCA 120
GNCAATAAAT GGAACACCCG TANAANCNCA AA 152

配列番号：709
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00783
配列：
GATCCCCAGG GTTTCTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACTTTG TCCAGCGCAC 60
TGTGAGGCCC CCACTCAGGC CAGCCCTGGC CCCCCCTTGG TACTTGGAAC CGAAGTTACA 120
GATTATATTA AAATAATAAT GTACAAA 147

配列番号：710
配列の長さ：146
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00784
配列：
GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAAACT CAAATATTCC 60
TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAAT GAATATTGTT TTATAATAAC 120
TTGTTAATAA AGTACTTTCT AATAAA 146

配列番号：711
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00785
配列：
GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTTG TTTTTAGATG TCCTTTGTCC 60
AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTTGAT TACCCTCGTG TTACTACAAG ATGGCAATAA 120
ATACTATGGG ATTGTTTGTA TTAAA 145

配列番号：712
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00786
配列：
GATCTCCCTT CAGCAACTTA TTTTGCTTTA ATTGCTTTAA ATCTTAAGCA ATATTTTTAA 60
TTCAGTAAAC AAATTCTTTC ACAAGGTACA AAATCTTGCA TAAGCTGAAC TAAAATAAAA 120
NTGAAAAGGA GAGATTAANG GTAAA 145

配列番号：713
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00787
配列：
GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TTAAAAGTTG TTATGTGGTT TTCTTTTAAA 60
AAGCTCCTGT TTTTGGAAAG TAGAATTTAT GGGTACAACG TATGTTCATT ATTTGTACAT 120
AAAATAAAAC CATTTAATAA GTAAA 145

配列番号：714
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00788
配列：
GATCTATGCC TAACAGAGCC CCAGTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60
TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCCTAGTA GATAGGAACT GACCCCAACA 120

ATAAACTTTG ATAATAAAGA AAAAAAANCG NAAA 154

配列番号：715
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00789
配列：
GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60
CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA TTTACATAAA TNTATAATGA 120
AAATAAACAT GTATAANATT TAAA 144

配列番号：716
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00790
配列：
GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCCACTCCT CCTACCACCA AAGTGGTTAG GACNCTATAT 120
AANTAAAAAC AAGGCTTTTG GAAAATAAA 149

配列番号：717
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00791
配列：
GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GCCTGAGTTT AAAAGGCTGT 60
GCCCACTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT TGAAATTTCT AACTGCCTAC CTGCATAAAG 120
AAAATAAAAT CGTTTTAAAT CAAGAAA 147

配列番号：718
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00792
配列：
GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA TTTNTTTAAG TCAAA 115

配列番号：719
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00793
配列：
GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTTTGTCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60
ATAAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC TATATGTTAA TCTCNTGTTA 120
AAATAAAATA TAGCTTGTGA AA 142

配列番号：720
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00794
配列：
GATCTGTGCC TACNTTTTAC CACCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60
TTCAAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAAA ATCTGCCACT TATCCAAGTC CACTAGAGGC 120
CACTGTCTTC AAAGNTTNTN TN 142

配列番号：721
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00795
配列：
GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60
CTTTTCACCT ACAAAATTTC ACCTGCAAAC CTTAAACCTG CAAAATTTTC CTTTAATAAA 120
ATTTGCTTGT TTTAANAACA NNNGAAA 147

配列番号：722
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00796
配列：
GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60
CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG GGATATAAAT NATTTAAAAA 120
TTAAATGAAA ACGTTGCAAA 140

配列番号：723
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00797
配列：
GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60
CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCCGCTT CATCCCTCTC AAGTAATGGC TCAGCTAATA 120
AAGGCGCACA TGACTCCAAA AAAAAATAAA 150

配列番号：724
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00798
配列：
GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTTC ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCTGGGTC CCTGTCCTGG AAATNGTCTA ATAAATCCTT 120
TNCCCTTCTT GAGCTACAAA 140

配列番号：725
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00799
配列：
GATCCGAATC GAGGCCAACG AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60
CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAACT GCCCCCAGCC CACGNCCNAT 120
TAAAGACCCG GAAGCCTGAA A 141

配列番号：726
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00800
配列：
GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT GACCCGGAGC AGAAATAAAT 120
NCTTTTCCTA ATTAAA 136

配列番号：727
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00801
配列：
GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60
GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC CCCCTTGTAA CAATAAAATC 120
TATTTAAACT TTAAA 135

配列番号：728
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00802
配列：
GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCCAT TCCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60
GCACTCTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGAT ATATTTNNAG AATNATGAAA CGGAATAAAA 120
TTGTAAAAAA CTAAA 135

配列番号：729
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00803
配列：
GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60
CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT CAGTAGGGGG NTATTTNAGG 120
CCTTTCTTTT TAAA 134

配列番号：730
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00804
配列：
GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTTGTGT 60
AGTTTATTTA TCTTGTACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA AACCTGAAAA ATAAATAGTC 120
ATTTAATGTT GAAA 134

配列番号：731
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00805
配列：
GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTTT 60
ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTTGTAAAT GCCGTACAAT AAACAAATTA 120
TTTAATAACC TAAA 134

配列番号：732
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00806
配列：
GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60
AGGCGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG ACTTAATAAA AGAGGAAAAA 120
ACTCTTGCTT CAGTAAA 137

配列番号：733
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00807
配列：
GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAAGGAAA GGAAAAGGGC AAATACAAGG 60
AAGAAACCAT TGAGAAGATG CAGGAATAAA GTAATCTTAT ATACAAGCTT TGATTAAAAC 120
TTGAAACAAA GAAA 134

配列番号：734
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00808
配列：
GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT 60
AACTTTGAAC TTGGCTAGTT CAAAGATAGA CTCTTCTTTT GTAAAGTAAA TAAATTCTTC 120
AAAATGCTTA AA 132

配列番号：735
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00809
配列：
GATCNNAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATNT CCNAACATAG CATTACAGCC 60
TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA AGAGATTAAA GTGCTGGATT 120
TTAAATGTCA AA 132

配列番号：736
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00810
配列：
GATCANATGC AACCNCACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG 60
TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT TTTATGCTTA CCATCTNTTT 120
TTTTTCTTAA N 131

配列番号：737
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00811
配列：
GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC GGGACTGTGA GACGACAGGC 120
TGTGGATGTG TCCCCCCTGC GCCGTGTGAA CCAGGNCANN TGGCTGCTGT GCACAGGCGC 180
TCGTNAGGCT GCCTTCCGGA ACATTAAGAC CATTGCTGAG TGCCTGGCAG ATGAGCTCAT 240
CAATGCTGCC AAGGGCTCCT CGAACTCCTA TGCCATTAAG AAGAAGGACG AGCTGGAGCG 300
TGTGGCCAAG TCCAACCGCT GATTTTCCCA GCTGNTGCCC AATAAACCTN GTCTGCCCCT 360
TTTGGGGGAA GCCCCGAAGC AAA 383

配列番号：738
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00813
配列：
GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCAGT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60
CCCCACCCCC TGCCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA CCTAATTAAA GGGGCTGAAA 120
GTCTGAAA 128

配列番号：739
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00814
配列：
GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60
AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC ATTTAAATAA AATGTTTCTA 120
ACTAGAAA 128

配列番号：740
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00815
配列：
GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60
CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAATGTG TAAGGATATC CTACAACTCA 120
ATAGCAAA 128

配列番号：741
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00816

配列：
GATCCAAGGG GAAACTGCAG GTCAAGGGCT GATAACGGCC ATGCAGGATG CTTGATGCTG 60
CGTCCCCCGC TGCTTGCCGC CCCCCACCCC GCCATTTTGT ATAATAAAGC TCCCTGTGTA 120
TTCTCAAAAA AAANCAAA 138

配列番号：742
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00817
配列：
GATCCCTGAG ACTGAGGGGT TTACGGGCTG TGAATGGACC TTCAGCCCTN CCCACCCTCC 60
CTCCCCACTG CTGCTGAGTC TGTCTGATGT TTTGGTTGTG TGAATAAATA TAATTCCCCT 120
CTGGAAA 127

配列番号：743
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00818
配列：
GATCGGGTAG CTCAAAAGAA GGCAAGCTTC CTCAGAGCTC AGGAGCGGGC TGCTGAGAGC 60
TAAACCCAGC AATTTTCTAT GATTTTTTCA GATATAGATA ATAAACTTAT GAACAGCAAC 120
TAAA 124

配列番号：744
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00819
配列：
GATCAGAAAT TCTCTTGCTT GAGAGATTTT TTTTTGTCCT CTGTTGACTA CATAGTTTCA 60
AATCTCTCTN TATTTCATGA TGATATATAA ATNGCTTTTA ATTATATNAA ATNTTAATTN 120
NCCN 124

配列番号：745
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00820
配列：
GATCTCATTA CCCTGTTTCC GAATTCTGCC GTGTGTATCC CCAACCCTTG ACCCAATGAC 60
ACCAAACACA GTGTTTTTNA GCTCGGTATT ATATATNTTT TTCTCATTAA AGGTTTAAAA 120
CCAAA 125

配列番号：746
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00821
配列：
GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT AATAAAGCAC TCAAACTTTG 120
AAA 123

配列番号：747
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00822
配列：
GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTTC AGCTAATGCT 60
TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAAAT AAAAACAGTT GCCTTCNGGG AAAANTTNNA 120
AA 122

配列番号：748
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00823
配列：
GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60
GCTGACATTC TAGTGCGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT AAAATAAATC ATAAAAATTA 120
AA 122

配列番号：749
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00824
配列：
GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAATAAATT TTAAAATGCA AAAACTCGGA 120
AA 122

配列番号：750
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00825

配列：
GATCNTAGAA GGGCTTCCCA ACCNNATTTG CAACATCCAA ATTGTCTTCA ATTNAAGGAA 60
GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTTCATT GTAAAAATAA ATGTACTTTG CACCACTTCA 120
AA 122

配列番号：751
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00826
配列：
GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATGGATG TNTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATTGT 60
TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGATGCTA TAATAAAAAT AGCTGTTTGG TAACCATAGT 120
TTCACTTGTN CAAAGCTGTG TAATCGTGGG GGTACTATCT CAACTGCTTT CGTATTCATT 180
GTATTAAAAG AATCTGTTTA AACAACCTTT ATCTTCTCTN CGGGTTTAAG AAACGTTTAT 240
TGTAACAGTA ATTAAATGCT GCCTTAATTG AAA 273

配列番号：752
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00827
配列：
GATCAAAAAG AAACTTTGTT TTTCCGCAAT TGAAGGTTGT ATGTAAATCT GCTTTGTGGT 60
GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTAAAAT CAAATGTAAA TCAATTACAG ATTAAAAAAA 120
AAAGCCTGTA TTTAAAGAAC GAAA 144

配列番号：753
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00828
配列：
GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACAGAGT GCAAGTNAGA AGACCTGGCT TTTNATCCCA 60
GCTTTGAAAC TTGGAACTTT TTGATTGACA AATTAATAAA CCTCTCTATG CCTCAGGCTC 120
CTCATCTGTA AA 132

配列番号：754
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00829
配列：
GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60
NTGTAACTNT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA ATTGCAACAC GAGTAAA 117

配列番号：755
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00830
配列：
GATCAGTACA TAGCATTTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTTGTACA 60
AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTAA TTAGAAATAA ACATTAATAC AGTGAAA 117

配列番号：756
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00831
配列：
GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCCC TGTGGCTGCT 60
GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG CAGTTCCCTC CGGGCCAAA 119

配列番号：757
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00832
配列：
GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
GTGGTGACCG CCCCACTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG GTAGTTGTGT ATCTGNTCAT 120
GTATGTGATT TGACAAACCA GTTTTTTAAA ATAAATGGCT TTTTAAA 167

配列番号：758
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00833
配列：
GATCCAACTA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTCACCAAG GAGCAATGCT 60
GGGATTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTTAT GCAGTGGGAG GATTCGATGG CAATGAATTT 120
CTGAATACGG TGGAAGTCTA TAACCTTGAG TCAAATGAAT GGAGCCCCTA TACAAAGATT 180
TTCCAGTTTT ANCAAATTTA AGACCCTCTC AAACTANCAG GCTTAGTGAT GTAATTATGG 240
TTAGCAGAGG TACACTTGTG AATAAAGNGG GTGGGTGGGT ATAGATGTTG CTANCAGCAC 300
CACAANGCTT TTCCATATTN GCNTCCTNTT AACCATGCNT GTCCATAAAC CCNGGGANGN 360
NNANTTGNGG GGTTNAANN 379

配列番号：759
配列の長さ：121

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00834
配列：
GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60
CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG GACTGCACAG GNCCTGGGAA 120
A 121

配列番号：760
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00835
配列：
GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTTCAGTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG GTAATATATT TGTNTGAAAT 120
TAAATTACTG TTTTNATTAA AAAATACTGC TTCATTGGGC TGATTTTGTA AAATGTAATG 180
AGTAAAATGA ATTACTGTAT TTNCCCTTTT ATGTCCACAG AATGAGAGTC ATATGTNGTN 240
ATATNCTAAA TNTNCATTAA ATATTCATGT CACCTTGAGT TGTCATGATA AGTATGTTTT 300
AAA 303

配列番号：761
配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00836
配列：
GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CAGCAATTCC AGAACCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCTG CCTGTGTCTT GTGCCTGGAA 120
GAGTGGGATG AAACGCCACA GAGCAGCCTG TGCTTCGGCT AGTATTAATG TGTAGATAGC 180
ACTCTGGTAG CTGTTAACTG CAAGTTTAGC TTGAATTAAG GGATTTGGGG GGACCATGTA 240
ACTTAATTAC TGCTAGNNNN GGAATGTCTT TGTAAGAGTA GGGTCGCCAT GATGCAGCCA 300
TATGGAAGNC TAGGGTATGG GTCACACTTT ATCTGTGTTC CTATGGAAAC TNATTTNGNA 360
TATTTNGNTT TGN 373

配列番号：762
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00837
配列：
GATCTAGGGA GATGTGGAAG AAACTGTGAC TACTATAGAA ATTGATGAAG AAACATATGA 60
AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC TTTGTCCGGG GAGATGGCGT 120
TGTCCTGGTT GCCCCTCCAC TGAGAGTTGG CTGAAACAAA GAATTTGTCC TGTATGGAAA 180
NCGNNNNNNN GGTGTACAGT GGCCTCTCTA AAAGTACAAA ACATTCATAA GAGAAACCCG 240

CATACATTTT GATATTAAGA AATAATTCCG GGGATTCTTC CACTCCTGAA ATGAGTTGAT 300
TTGCAGATAA CTCACAACTT CTTAAGCTAA ATGGTATTTT CATTTTTCTC AAGCTCTCCN 360
ATAANTATGG CCACCNNNGG NNANNGNGTG GGGAAAAAAA NAATTN 406

配列番号：763
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00839
配列：
GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAAACTGCCT TCTTCGGAAA GAAGAAGGTG 60
GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAAATAA AGTAGAATAT AAGACGNAAA 120

配列番号：764
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00840
配列：
GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAATTT GGTGCTTATA 60
AGAGAGAGTT AAAAAAAAAT AGGATTGCTT CAATTAAAAT TACAAAAGAG NCAAA 115

配列番号：765
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00841
配列：
GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60
GTTCCTGGTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT AATTTGTAGG AAA 113

配列番号：766
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00842
配列：
GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60
TTAAACTTTA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT TAGTTTTCCA AA 112

配列番号：767
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00843

配列：
GATCAAAGAC CCAAAGGAAT GCAACANTTT ATCTNTTATC TACCTATNAC CTGCGAGCTG 60
CCCACCACCC CCANGTTGTN GCGCCTTTCC AGACAGAACC AGTGTACATC TN 112

配列番号：768
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00844
配列：
GATCCAAAAC TTAAATACAT CTATGAATTT CCTGGGGCTA TTGTGAGTAC TGTGTATGTA 60
TTTAGCAAAT ATTTAAGACC TAGTAAGTGC TCAATAAATT GTAGCTGTTA TTGCTGTTGT 120
NGTTTGTAAA 130

配列番号：769
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00845
配列：
GATCGTGCCA CTGCTCTCCA GCCTGCATGA CGGGAGTNAG ACACCATCTC AAAAAATACA 60
TATAATAATA TAAATAAAAA TATCTTTTTN GAAAATAATT TAATATNNCN N 111

配列番号：770
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00846
配列：
GATCNAGTAN TGNAGGGGCT GTTAGGAGCT TCCTGCAAAT CCCTGAGAGG GCAGAAGATA 60
GCTTCTGTTA ATTCATTATT CTTCCAATAA ATGTTGATTG AGTACCTAAA 110

配列番号：771
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00847
配列：
GATCACCGNC CAGTAATGGG CTCAGAGCAG GTCTTCATCA TGCCTTGTCC TTTTTTAACT 60
GAGAAAGGAG ATTTTTTGAA AAGAGTACAA TTAAAAGGAC ATTGTCAAA 109

配列番号：772
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00848
配列：
GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCCTATGCTT GGTTTAATGC 60
TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT AGTGTGAAA 109

配列番号：773
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00849
配列：
GATCAACAAG GTTTGCCACT GCTTGTATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTTCTNT 60
TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTTGGAG TTCTCCAAA 109

配列番号：774
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00850
配列：
GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTTT TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60
TANGAAAAGT TACCCGAGGG AAAATAAATA CAGTGATATT CTTACGCAAA 110

配列番号：775
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00851
配列：
GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAACTG 60
TACCTTGGAT GGTTTTGTTT ATTAAAAGAG AAACCTGAAG TACTCAAA 108

配列番号：776
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00852
配列：
GATCACCATC TTTAAATTTA CTTCAAAATA AAAGCATGTA AGTNACTGTT TTTCAAGAAG 60
AAATGTGTTT CATAAAAGGA TATTTATATC TCTNTNGCTT TGACTNNN 108

配列番号：777
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00853
配列：
GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60
CCCTGGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCCGGN AATNCGCCCA CCAAGN 106

配列番号：778
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00854
配列：
GATCCCATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60
AAATCTTCCG TTTTTTAATG TACATATATT TTGAAAAATA TGAATAAACA TGAAATTTTA 120
AAAGCTGAAA 130

配列番号：779
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00855
配列：
GATCATGGTG GGTCAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60
TNCCGACGAA TATATCTGGC AAACNNATAC ATATNTAACT TTAN 104

配列番号：780
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00856
配列：
GATCTTTTTA CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60
TNTTANTATA TGCAACCAAT TAAAATGTAT AAATTAGTGT AAGCAAA 107

配列番号：781
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00857
配列：
GATCAAAATG AAAGAAAATC ACAGAAATTA TCCTATGTGT ACTCCTCATC CCTCCTGCTG 60
TATATNTTCT NATTTTTTGC GTAATAAATN ATGTTAATTA CCAAATAAA 109

配列番号：782
配列の長さ：125
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00858
配列：
GATCTCCAAT GTTTTGGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60
TTTTTGTTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA ATTAAACTCC AAGTCTCATT 120
TTAAA 125

配列番号：783
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00859
配列：
GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTTTGCTAA TGN 103

配列番号：784
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00860
配列：
GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCACAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60
TCTCAGATAC CAAGGACTGG AATTAAAACC TTTCCTGGGA AA 102

配列番号：785
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00861
配列：
GATCACAGCC GAAGAGTGAA AGGTGCTGCA ATGAATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATTT 60
TTCGCAAGAA CATTAATAAA CTAAAAACTT CATGTGAAA 99

配列番号：786
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00862
配列：
GATCAAGTTA TTTTNAATTT GGTTTTCACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CAGATATGAT 60
TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号：787
配列の長さ：102

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00863
配列：
GATCTCTTCT TCTCCCTGTG GCCCCTGCGC TGTTGCCCCG TCCCCGTCAC CCCGCCCGNN 60
ACTGAAATNT ATAATCTGAC TTCCTGTACA GAAACCTGCA AA 102

配列番号：788
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00864
配列：
GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTNCTGTT AGTCGGGTTA GAGTTGGCTC TACGCGAGGT 60
TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGTTTAAT AAA 93

配列番号：789
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00865
配列：
GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCATCAC CTAGCTGCCT GCACCTGCCC TTCAGGGAGA 60
TGGGGGTCAT TAAAGGAAAC TGAACATTGA ACCCTTTAAA 100

配列番号：790
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00866
配列：
GATCAGAATT TAAAATGTGT GATTCTTTTT CTTTCTGTAA GTATGTATTG CTATGATAAA 60
TAAAAAATGG CAGGACCATT NTTTTTATNA AA 92

配列番号：791
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00867
配列：
GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGATTCTCA CAGAAGGTTT TGAACTCTAA GAAATAAATT 60
GGTTTGGTAA TAAATGGCTT CTGGTCAGAT AAA 93

配列番号：792
配列の長さ：114

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00868
配列：
GATCTTGTAT CTTTGTATAA CGGATGTNAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT 60
TGTNCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTTGCAAA AAAAAAAAAA AAANCCCNAG GAAA 114

配列番号：793
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00869
配列：
GATCTGTTTT GTACTTTTTA TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAAACTTTT ACTAGGGTAT 60
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA 90

配列番号：794
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00870
配列：
GATCCATTTC ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTTCCGTATT TCTCCTGTAG 60
AAGTAAGAAA TAAATTTCCT TAAATAAA 88

配列番号：795
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00871
配列：
GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGNATGAT TTGCTAATAT TGAGNATCTG TTGTATCAAA 60
CATAATAAAC TTTTTTTTGA GATGTGAAA 89

配列番号：796
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00872
配列：
GATCAGGGTG TCTCCTTGTC CTTCTNAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA 60
NTTGAAATAA AAGATTTTTG CCTTTGAAA 89

配列番号：797
配列の長さ：86

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00873
配列：
GATCCATTGA GCCCAGCAGT CCAACCTGGG CAAAATAAGT GAGAGACCCT GTATCTGAAA 60
GTAATAATAA AAATAAAAAA TATAAA 86

配列番号：798
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00874
配列：
GATCCTTTTT GATAATCTCA TTCCTAGAAA TTTAACCTTA ATGAAATCCC TAATAAAACT 60
CAGTGCTGTG TTATTTGTGC CTCAAA 86

配列番号：799
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00875
配列：
GATCGAACAT TTCACCTCTC ATATTAAGTC TGGCAATGAT GACTATATGT ATTCCTGCCT 60
AAATAAATCA TCTATTAATC ATTAAAA 87

配列番号：800
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00876
配列：
GATCTCCGAG TCAGGACGGT CGGCCAGACC CACGGGGTAA CGGGTCTAAT CGTGTAGGAA 60
TAAAGCTGTA TTCCAGTGCT TCCAAA 86

配列番号：801
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00877
配列：
GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCTTCTGAC TTCCAGGTGA TGACTGGGCC CCCAATAAAT 60
CCCGTCTTTG GGTCTCTCTG CAAA 84

配列番号：802
配列の長さ：84

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00878
配列：
GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTC TCAGTTTGTA CTCCTAAATA 60
AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA 84

配列番号：803
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00879
配列：
GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGAAAAAA 60
AGTAAAACCT GTTATAAACA CATGCAAA 88

配列番号：804
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00880
配列：
GATCGTGCCA TTGTGATATG AATATGCCTT ATATGCTGAT ATGAATATGC CTTAAAATAA 60
AGTGTTCCCC ACCCCTGCCA AA 82

配列番号：805
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00882
配列：
GATCTTAAGT CATACATTTN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAATGTCTA 60
TNAANCTAAA ACAAATGGAA A 81

配列番号：806
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00883
配列：
GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATAAAAAT 60
AAGTTTCTAC TGGGTAAA 78

配列番号：807
配列の長さ：78

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00884
配列：
GATCCCCCCA GCAAGGATAN CATTCAAAGG AGCTCACATT TATGGAATGG ATGAATCAAT 60
AAATTAATTC ACTTTAAA 78

配列番号：808
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00885
配列：
GATCCCATTT CTGATGGATG TGTCACACCT TTTCTGTCAA AATAAAATGT CTTGGAGGTT 60
ATGACTCCTT GGTGAAA 77

配列番号：809
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00886
配列：
GATCTGTGTT AATCTGAGTA ACTTATTGCC TAGCCTATAA ATAAATTCCA AAATATCCAA 60
TTCATTTCTT CTTGAAA 77

配列番号：810
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00887
配列：
GATCATCCTT CCTGGCAAAT AAATTCCCGT TTCTATCCAA AAGAGCAATA AAAAGTTTTC 60
AGTGAAATGT GCAAA 75

配列番号：811
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00889
配列：
GATCTGAAAG CCTGAGTGTG TGTACGTGCG CGCGTGCGTG AAGGCCCTGC CACGATTAAA 60
GACTGANACC GGCAAA 76

配列番号：812
配列の長さ：129

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00890
配列：
GATCTTTAAT ACAATATAGA AATTGTGTAA TAGTTATTAT AAATGTTAAT ACACAACTTT 60
CAGGTAATTT TAACTGATTA TTTCTTTTGC TCTTTTAACT TAAGTTATTA AAGTTTAAAA 120
GTTCGTAAA 129

配列番号：813
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00891
配列：
GATCTGGTCT CGGTGGTCCT TCCCCGCAGG CAGGTGTCAG GACCGGCCTA ATAAACATGT 60
GTGGCCTCCT CAAA 74

配列番号：814
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00892
配列：
GATCCAAATC CCATTACAGT TGTATAAAGA AATAAAATTT TGTACTNATA TTATTAAAAA 60
TCACATTTTT AATATTTGTA AA 82

配列番号：815
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00894
配列：
GATCCCCAGA GACCCCATTT GCCTCTCAAC ACTCAGACCT TCAACTGTTT TTNAATAAAT 60
CTACTTTTTA AA 72

配列番号：816
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00895
配列：
GATCCTACAC CCNGAGCCTC AGAGCACTGC TACTTTTTAA AATACTTCTT TCTCTTAAAA 60
GTCTTTACCA AA 72

配列番号：817

配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00896
配列：
GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAAAATTA AAATTACACA 60
AATTGTGCAA A 71

配列番号：818
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00897
配列：
GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAGG 60
AAAACCAGAA A 71

配列番号：819
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00898
配列：
GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAAACTATAA 60
ATAAAAATAG CTCTCATTTA TAAA 84

配列番号：820
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00900
配列：
GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTCA 60
TTAACATCAG AAA 73

配列番号：821
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00903
配列：
GATCTGATTA TTTACTTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAAATAA ACTTGTTATG 60
CAAAATAAA 69

配列番号：822

配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00904
配列：
GATCCAGTTG TAGCTGCCAT CAGATGCCGG AGACTCGCCC NTCAATAAAA AAATCTCTTC 60
TAGCTGAAA 69

配列番号：823
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00905
配列：
GATCACTGTA AATGGTAATC AGTTGGAATT CTCCTAAATG TCTTCCAGAC ACTAGTAAAA 60
AACGACCTGA AA 72

配列番号：824
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00906
配列：
GATCTTTCTA CCTGCCTTTC CATGTCATGA GAGGAAGAAA CAAGAATGAC AAGTGTATGA 60
CTNCCAAA 68

配列番号：825
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00908
配列：
GATCACGTAC CTGTGCAGAA ACCGCCTCTG TGGCTGCATT TGAAATAAAA CCCGACCCAG 60
CAGCAAA 67

配列番号：826
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00910
配列：
GATCATATTT TATGAACAGA AAGACTCAGG ACATATTAAA AAATAAACTG AACTAAAACA 60
ACTTTTGCCC CTGACTGATA GCATTTCAGA ATGTGTCTTT TGAAGGGCTA TGATACCATT 120
TATTAAATAG TGTTTTATTT TAAAAACAAA ATAATTCCAA GAAGTTTTTA TAGTTATTCA 180
GGGCACTATA TTACAAATAT TACTNNGTTA TTACACAAAA AGTGATAAGA GTAACATTTG 240

CTATACTGAT GNTTGTNTAC TCAAAAACCT CNGNTNAACN GTATGTAATC TNAGTTCACT 300
GCACTTAAGT TCACCNAACA TNNATNAATG TCAATGNAGA AA 342

配列番号：827
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00911
配列：
GATCTAAGAA GTTGTGAATG TTGTTAATCA TTTAGCCGTT GCAATAAATG TAGAGGAAAT 60
GCAGTGTGCA AA 72

配列番号：828
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00912
配列：
GATCACCTGA GGCCATGAGT TTNAGACCAG TCCTGGTAAC ATAGCAAGAC CTCCATCTCT 60
ACAAA 65

配列番号：829
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00913
配列：
GATCCTAGAC AGCGCCTTAT CTATGATTGA GTGTCCGTGT AAATAAATTC CTACTTAGAC 60
TTAAA 65

配列番号：830
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00914
配列：
GATCTGGGAA CTTTTTNCTG TACAAATCTG TTTAAAAAAA AAAAAAGGNA CCNCATTGAT 60
TTAAA 65

配列番号：831
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00915
配列：

GATCCAAATT AAAACCTGGT AGAATCTAAT ACATTGACTG CAATTAAAAT GTTTGCCTGG 60
AAA 63

配列番号：832
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00917
配列：
GATCCAGTTC TAAGTGTCAT CTTTTATNAT NAAGACAATA AAATCTTGAG TTTATGCTTC 60
ACTTNAAA 68

配列番号：833
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00918
配列：
GATCCACGGT TGTNACCATG TATTACCACA AATTTAACAA TAAAAAATTG TTTTAAGAGT 60
AAA 63

配列番号：834
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00919
配列：
GATCTACTGT CATTTGNATG CAATTTCCTG TTACCTTGAA AAAATAAAAA TGTTAACAGG 60
AATGCAGTGT GCTCATTCTC CCNAAATAGT AAANCCCACT GTATACAAA 109

配列番号：835
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00920
配列：
GATCCAATTA CACACATTCG TTCACAACTC AACACAAATT CCTATTAAAT ATTAAAAGTA 60
AA 62

配列番号：836
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00922
配列：

GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CATACGTGTT CATGATAATA AAATGCTTTC TATGAAATAA 60
A 61

配列番号：837
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00924
配列：
GATCATACCA CTGCTCTCCA GCCTGGCTAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA CAGAAA 56

配列番号：838
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00925
配列：
GATCAGACAC TTAACCCTTA TAANTTAAAG TCAATAAAGC ACCTTTTTAA AGGAAA 56

配列番号：839
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00926
配列：
GATCAAAGTG AAACAATGTT TGGATGCAAC GCAGAATAAA AGAATATAAG AAATAAA 57

配列番号：840
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00929
配列：
GATCTAATTA AAAGACCTTC TGCACAGCAA AAGAAACTAA CAACAGAGTA AA 52

配列番号：841
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00930
配列：
GATCCCGGCA GAAGCTATGA AAGGGAATAA AGAGAAAAGA AGTACCCAGA AA 52

配列番号：842
配列の長さ：52

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00931
配列：
GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52

配列番号：843
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00932
配列：
GATCTCTTTT CAGAAGTGTC TATAGAACAA TAAAAATCTT TNACTTCTGA CCTTGAAA 58

配列番号：844
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00934
配列：
GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAACTCATTG GAAAAGTGAG AAA 53

配列番号：845
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00935
配列：
GATCAAGCTG TAAAAAAACN AAAAAATTAA TAAAAATTTC GAGAAATANA AA 52

配列番号：846
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00936
配列：
GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTTAGACTAT AAACTTGGAA A 51

配列番号：847
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00937
配列：
GATCTGAGGT AAACTTTGAA GTAAAATAAA AGCTGTGTTT GAGCATCATT TGTATTTCGA 60

AA 62

配列番号：848
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00938
配列：
GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT TTGCCCCTTT GGGCTGNCAT GAGGTCAAA 59

配列番号：849
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00955
配列：
GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTTTTTTCT TTAAATNATT TGTATTACTT TATTAAAACT 60
CTGATATTAA A 71

配列番号：850
配列の長さ：661
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00972
配列：
GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA CTGCACCCAG GTCATCCCTG TGCAGGGCCG 60
GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA ACTGCACCTG CTCAGCTGTT CCCGAGACAA 120
CACACTCAAG GTCATCGACC TGCGTGTCAG CAACATCCGC CAGGTGTTCA GGGCCGATGG 180
CTTCAAGTGT GGTTCTGACT GGACCAAAGC TGTGTTCAGC CCGGACAGAA GCTATGCACT 240
GGCAGGCTCC TGTNATGGGG CCCTTTACAT CTGGGATGTG GACACCGGGA AACTGGAGAG 300
CAGACTACAG GGACCCCATT GCGCTGCCGT CAACGCCGTG GCCTGGTGCT ACTCCGGGAG 360
CCACATGGTG AGCGTGGACC AGGGCAAGGA AGGTTGTGCT TTTGGCAGTA GGGCCACGAC 420
CTGCCTGCTT GGGNTGGAGN TTTTTNCCCG AAGCTNAAAG TTTCTTNNGG GGCAATGAAG 480
GGGTTTGGGG TTTGGGATTN GAGNTTNGNC TTGGGATTTA ATTGGGNAAG AAGGCTTGGA 540
AAGACCTTGN CTTTTTTNTT TAAAANTNAA GTATTGGTTT GGGGGNTTAA GGTAATTTTT 600
TTTTNGAATT TTAANTTNAT NTCTAAATTT TTTTCCAAAT TTTGAAAAAT TNTTTTTNAA 660
A 661

配列番号：851
配列の長さ：641
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00973
配列：
GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAAC ATTCTTGTCT ACTGTATATT ATCTTGGAAG GCTCTTGTTA ATATGTTACA 120
CTTAATATTC TCCACAGTTA CCTTTAGAGA GAATTTATGA GAAGTTAGTT TCTGATGCAG 180
AGGTTTTTAG GCTGTGATTT CATCAAAAGT CCTAATAGCA TTCTACCTCA AAGGGACACT 240
TAGNATGCCT AAAATTTATT CACTTAGTTT TCCTTTTTTA TTTGAAAAAA TACATGACAT 300
GTAATCTTTT TTTCTTGAAT TCTTTCTCAG ATTTTAAAGT ACTATATTAA AGAAAAAAAT 360
TAATGTCTAA AGGCCTAGCA TTCCTTGCAG GACCCCTATA CTAACCATGG TAATGGGGGA 420
GAGGGGTGGG GCAGNTNNGT AGGGGNACCA GGTTCCAGGC CTCAAGCTTC CCAAAGCCAT 480
TTTTTNTAAA TGGGAAATCC NTNAANTTNT GGAACCCGCT TTGNTATNGG NGCCCCTTTT 540
TTTAAAATTC CNGGCCTTTT TTTNNTTGGT AATGGGGGTT NCTGTTTGNG GTTTTAACCT 600
NANCCTGGNC CGGGGGGGTT TAAAGGAATG CTGNCTGCAA A 641

配列番号：852
配列の長さ：627
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00974
配列：
GATCTGCTNC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTNTCT TTTCACCGTA GNGCGCNNGA 60
CTGGCATTGT ATTAGCAAAC TCATCACTAG ACATCGTACT ACACGACACG TACTACGTTG 120
TAGNTCACTT CCACTATGTC CTATCAATAG GAGCTGTATT TGCCATCATA GGAGGCAACA 180
TTCACTGATT TCCCCTATTC TCAGGCTACA CCCTAGACCA AACCTACGNC AAAATCCATT 240
TCACTATCAT ATTCATCGGC GTAAATCTAA CTTTNTTCCC ACAACACTTT CTCGGCCTAT 300
CCGGAATGCC CCGACGTTAC TCGGACTACC CCGATGCATA CACCACATGA AACATCCTAT 360
CATCTGTAGG CTCATTCATT TCTCTAACAG CAGTAATATT ANATAATTTT CATGATTTGA 420
GAAGCCTTCG GTTTCGAAGC GAAAAGTCCT AAATAGGTAG GANGAACCCT TCCATTAAAC 480
CTGGAGTGAC TATATGGNTT GCCCNTACCC TTACCANACA TTCNGAGGAN CCCGTATACA 540
TAAAATTNTN GNNAAAAAAN GGANGGNTTC GNACCCCCCA AAGGTTGGTT TNANGNCAAC 600
CCCCNTGGGC TCNATGGTTT TTTTAAA 627

配列番号：853
配列の長さ：617
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00976
配列：
GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA NCCNCTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTTTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAAACAG CACTCAGTAA 360
TCCTAAAATG GATTTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGNCCTG CAAAGTCTTA TTTAAATTTA 420
AAAGGCCTTT CTCATTTACC AGGGGTTTAG GTCAACGNNG GCAAACCCCT GGGGGAATTT 480
AAATTGGGAA GGTTANTTNC CTTTNGTAAA TTCATAGGGN CCAAANGGCN GGGNAGTTAA 540
TTTTTCCATN GGGTTGGTGG CNCCCGGGNT TCATTGGTNT TNGGCCCCAN GGAATTTAAT 600

TTTTTTAAAN CCTTAAA 617

配列番号：854
配列の長さ：602
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00977
配列：
GATCCCGTGC GGCGCGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTGCAGTTC TCCTGGAGTT 60
CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTTCATTTGC TTCCACAAGA ACCGCGAGGA 120
CAGAGCCGCC TTGCTCCGAA CCTTCAGCTT TTTGGGCTTT GAGATTGTNA GACCGGGGCA 180
TCCCCTTGTC CCCAAGAGAC CCGACGCTTG CTTCATGGCC TACACGTTCG AGAGAGAGTC 240
TTCGGGAGAG GAGGAGGAGT AGGGCCGCCT CGGGGCTGGG CATCCGGCCC CTGGGGCCAC 300
CCCTTTTNAG CCGGGTGGGT AGGAACCGTA GACTCGCTCA TCTCGCCTGG NTTTGTCCGC 360
ATGTTGTAAT CGTGCAAATA AACGNTCACT TCCGAATTAA GCGGTNTATT TNTTGAANGT 420
TTAATAATTG TGTTTTNTGA ATACTGAAGT ATTTGGCTTT AAATTCTTAA NTTAAAAATT 480
TAATNTTTTA CTTTTTTAAT TGCTGGGTTT AAGATNGTTN AAGATTATCC TTGNAACTTT 540
NNGGGGGANG TTNTTATTTT NGAGTCTTTT NGGAANAGNC TTNAGGCTTT TNNACTTNGA 600
AN 602

配列番号：855
配列の長さ：595
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00978
配列：
GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCTATATTA TATATCGACA TACATATATA 120
TTTTNGGGGG GGGGCGGACA GGAGATGGGT GCAACTCCCT CCCATCCTAC TCTCACAGAA 180
GGGCCTGGAT GCAAGGTTAC CCTTGAGCTG TGTGCCACAG TCTGGTGCCC AGTCTGGCAT 240
GCAGCTACCC AGGCCCACCC ATCACGTGTG ATTGACATGT AGGTACCCTG CCACGGCCTA 300
TGCCCACCTG CCCTGCTTCC TGGCTCCTTA TCAGTGCCAT GAGGGCAGAG GTGCTACCTG 360
GCCTTCCTGC CAGGAGCTTT NCACCCACTN ACATTCCGTC CCCGCGGCTT AACTGNAGCA 420
AGCGTGGNCC TAGGACAGNA GGAGCTTCGG GCCCNGTTTN ACCTTGCGGT GGGGCTNANG 480
GGTTGGCATT TCTTGCCTGG GGCCACTGGG TTNAAATTTT GGGNTGATNA TTGGGGNGAG 540
GGGTGGGGTA ACAAAACCAN TTTTGGNNAA GNTTGGGANG NTTTTGNCTT TTAAA 595

配列番号：856
配列の長さ：581
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00979
配列：
GATCTGGAAT TGCAGCCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60
ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT NAAGTACCCC CTTTCCTCCT 120

CACCCACCTC CAAACTGACT AGCACTCAGA GGGACTTATG ATAAAGGTTC AGCTCCAGGG 180
GTAGTACCTG AGTGTGTGCC ATGCCCCTTC AGACCAGCTG CTTCCATCAG AATTCCAGGG 240
TCACAGCCCC AACAGAAGCA GCAGTGCCTC TGTAGGAGGG GTGCTGGGCT CTGGNCTTCT 300
NATGCAGAGA GGTCCGGGAC AGGGTCAGTA TCGTGGGCAT GTNTATAGCT TCCCAAGTTC 360
TTTTACAAGT CCCNTGCTGG GACTCCCTGA NTTTACTTTT GGTNGGNTTC CTAGGTNCTA 420
ATTGGTTTTA CAAACTTACA NTTTTNTAGG AATTTGANTT ANGATTANCT TGNTTTAATT 480
TAATTGTAGA NTTTNGGGGC CTTTTTGGGN CTCAAATTTT NCCATTACAA GGNNTTATTN 540
GGGAAANAAA GNNGTTTNAA TNAAAATCCT TGGCCAGGAA A 581

配列番号：857
配列の長さ：569
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00980
配列：
GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTTGGA ATGGAACCCT 60
TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGGAAAT TTAGGAGGCA TAGGCCATTT CAGGCAGCAT 120
AAGTAATCTC CTGTCCTTTG GCAGAAGCTC CTTTAGATTG GGATAGATTC CAAATAAAGA 180
ATCTAGAAAT AGGAGAAGAT TTAATTATGA GGCCTTGAAC ACGGATTATC CCCAAACCCT 240
TGTCATTTCC CCCAGTGAGC TCTGATTTCT AGACTGCTTT GAAAATGCTG TATTCATTTN 300
GCTAACTTAG TATTTGGGGT ACCCTGCTCT TNTGGCTGTN CTTTTTTTGG AGCCCTTCTC 360
AGTCAAGTCT GCCGGATGTC TTTTTTTACC TACCCCTCAG TTTTCCTTAA AACGGGNACA 420
CAANCTCTAG NGNGGTGTTA NGANTAATNG TTACTNGGGT TANTGGGGTA NTTNNTGGGG 480
TNTNGGTTTG GGGCTAGGCA TTGTGGTAGG TTTTNAANAA TTAGNGGGTT GGNCCCCNTT 540
NGNTGGGGTG NTTTCANGGT NGAATNAAN 569

配列番号：858
配列の長さ：566
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00981
配列：
GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60
TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG NNTTCACCAT GATAACCTAG 120
TGCCTCCATA GAGGGGTTTG GAAAAATTCC AGTCCGATTT CTTTGTGTGT CAGCTGACTT 180
CCTTAGCTGA TTGTTCCCAC TTGCACCTCT CCACCTTTGG CACTAGAACT CCTGAGACAC 240
CACTTCTCAT GCTTCTCCCT CCCTACCAGC GGTCAAGGCT TTGGAGCCAC TCTTTTGTAA 300
CTCCAGATTA TTTAAAGAGA AAAGTACAAG ACAGAAATCT TCTAGCACTT TGTAAACACA 360
GTTGATTAAC CCTCTTGGGN GTATTTTTTG GGCTTTATAT AAAANCANGG TTTTTTAATT 420
NGTAAAGTNT AAGTGCCATT AGGAANATGC ACCAGGGCAT ATTTTTGGTT NAAGGTGGTT 480
TTTTCAATGG TTTTNCAGGN TTNCATTTTC AAAAAAANGG TTTTTTTAAT GGAGGTTGTT 540
NTTNAAANNT TCNTGANTGG TGGAAA 566

配列番号：859
配列の長さ：556

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00982
配列：
GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60
GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG GAGTCAAAAG AACTGCCAAA 120
GATGTTATTG GCAAAGCAAA GAGTCTCCAA AAACTTGACC CTCATCAAAA AGATGACATA 180
AATAAAAAGG CATTTGATAA GTTCAAAAAA GAACATGGNG TGGTACCTCA AGCAGACAAC 240
GCAACGCCTT CAGAACGATT TGANGGTCCA TATACAGACT TCACCCCTTN GACAACAGAA 300
GNACAGAAGC TTTTNGAACA AGCTTTGAAT ACATACCCAG TAAATACANC TGAAAGATGG 360
GNANAAATAG CAGTAGCGGT GCCTGGCAGG NCAAAGGAGG GNCTGCATNN ANCCGGTTNC 420
AGGGGACTTT GTCGNGNTGG GTAAAGCCAA AGGAAGCTTG TTCCAGGTCN ANGTGCTGGA 480
TGCAAGTTGG GGCNTGGNAT TNNCNATTTT TTGTTGGGGT GTTCCTTTTT TTANTAAACC 540
TGNANTTCTT TTTAAA 556

配列番号：860
配列の長さ：555
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00983
配列：
GATCTGGATT ATTTGTCTAA GTGAGAGATT GCGAATATCA AAATATCTGT CTCACTTCTT 60
CTGTGAATNA CACAGAGTAG AAATAAATTC ACTTTAAAAA TATGACTGAA TTTTGAAAAT 120
CAAGACTGAA TCTCACATAG CTGCAGACAG GAACTAAGCC AGCCTCTTTG TATGTGGTAA 180
CAAGTACAGT ATAAGANTGA AAGATTTACC ATCCTTGAAA GCTCTAATGA AAATCAAATC 240
CAGCAATATA TATTCAACTG TGTACAGGAT TTAAGAACTT ATTTTATGAA GGAGTAATAG 300
TGTGTAGATA TAGATTCTGA AGTCTTTAAA CGTGCCTTAA TAAATNAAGT TCNCTGGCAT 360
TGAGNTGANN ACCAGGTGAC CNTTGGGGNC AAAAACCCNC ACAAGTGATT NGCACACCAG 420
TATACNTTCA CCANTATACT NTNTGCACAC ACANCNTTTG TTTNGGTTCA GGGTTTTGCA 480
AATNGGTCCN ATGTATTGGC ACTGGCGTCT TTGNATTGTG TAAGTGGNTA TTTTNTGAGG 540
NTAGCGTGGT NNCNN 555

配列番号：861
配列の長さ：554
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00984
配列：
GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCCGCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60
CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCTTTGC CGTCCTCCCC AACTCCTCCC TGGCTTCCCT 120
CTTCCTGATT GGCATGGTAA GCAGTTCCTG GGTTGGACAG ATGAGGAGCC CCAGACAGTC 180
CCAACAGCAC TGTCTTTGGA GTCAGGAGAC CATGTGAATC CTGTCTGGAT TCAAACCTGG 240
ACTGTGTCAC TCCGGAGCCT GAGGCTTGAG TCACTGTACT CAATGGTGCC GACTCCTGGA 300
GGTATTCATT CACCCAGCCA TTCACTAGTG CGTTTGTTTA CTTATTCATT CAATTATTCA 360
TTCAGTCAAT TTCTCATTCA TTCANTTATT CATTCCATGT TGGCTTGAAA TATGTGTACT 420

GTNCCAATTN ATCCATTTAT ATCTTTAGTC ATTCAATTAT GCATTNGTGG TATTTGTTCA 480
TTNATTCANT TNTTAATTTN ATTNAGTTAN TNNNTNGGTT GGTGNCTTGG NGTANNGTNA 540
TACATTTGNG GAAA 554

配列番号：862
配列の長さ：549
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00985
配列：
GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTTC CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60
ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTGG TTCCATGATG GGAAGTGACA 120
TGCGTACTGA GCGCTTTGGG CAGGGAGGTG CGGGNCTGTG GGTGGCAGGG TCCTAGAGGA 180
ATGGGNCTGG AACTCCANCA GGAATATGGT AGAGGGAGAT AAGAGTACGA AGNCCAAACA 240
AAAAACCCCG ATTTTAGATG TGATATTTAG GCTTTCATTC CAGTTTTGTT TTGTTTTTTT 300
GTTTAGATAC CAATCTTTTA AATCNTTGCA TTTTAGNAAG AAGCTATCTT TTAATGGTTG 360
TAGCAGTTAT TGACCTAATA TTTGAAATGG CTGTTGGCAG TAAATTATGA ATCAGTTTTT 420
GACCAGGNGA TTTTTTTNCN TNTATTCCTT ANTTTCCTGT TNCTGATATN CCCCCAAGTA 480
TGCAGTTNCT NNNCNCTNAA TTCCANGGNN CCATTTTTTT TTCNGGGTTC AANAATNGAA 540
TNGNTTAAA 549

配列番号：863
配列の長さ：543
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00986
配列：
GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTCACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60
AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT ATCATCATTC ATNAGGAGCG 120
TCACTTGGTG GTTTAGGGGG AAATAATCTA TTCTNAAGAT TGAAGAGAGT GCAGGATTTG 180
GGGGGTTGAC TCTACATCCT TCAGTATCAG GGCTTATCTC CTTGTNTTAC CTCCTAGGAG 240
ACCCTCCTGT TCTTAACTGT GGGCGATGAG AAAGGTGGTG GACTCTTCTT ACTGGCAGGG 300
CCACCTGCGT CTGTGGAGAC CCTGGGGCCC AGGGTGGCTG AGGTCCTGGA AGGCAAAGGA 360
GCAGGGAAGA AAAGGCCGTT TTTCAGGGCA AGGCCACCAA GATGAGCCGG CGGATGGAGG 420
GCGCAGGCGG TTCTCCAGGN CTACATCAGC AACGNAGAGT NCTAAGNANT TANGGCTTTA 480
GGGCACTTAN CTNCTGGTTT CCACAGGAAT CTTTTNGTCA ATNAAATTAG TTTGCCTCAG 540
AAA 543

配列番号：864
配列の長さ：538
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00987
配列：
GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60

AATGGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA TAAATCTGAC AGGCATAAAC 120
CCAAATCAAA GATAATTTGG TGCCCATTAT GAATTTGAAG TTAAGTGATA GCTCACTTGT 180
AAAGTGACTA CCTTAATGTG TATAGAGACC CCAGTCTACT ATTATTTGGG AAAATTGTTT 240
AGGTTATATG GGAAAAGTAG CTCTTTAAAA ATCATATTGC CCAACAGAAA CCTTAGGCTG 300
AATTTACAGG TATGATAATT TTTGTAATTA ATTTTCTTAG AATTGTGCAG GCTGGGATGG 360
GGATAATGNC ATACTCTTTT ACACTGTACC AGCAGCATTT ATTNNCCTNG GACCTTTTAA 420
CCNTTTTAGG GGTTAGGGTN CTNGGGGAAC CAACCTTAAT TNGGNCATCC TCCATTTNNC 480
TTNTNTNCCN NNNNCCCNNT TTTTTTTTTG GNCCCCNTTN GGNCCCCTTA AACNACCN 538

配列番号：865
配列の長さ：533
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00988
配列：
GATCAAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATAACT ATGGGAACTA 60
TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG AGCACTTATG GCAAGGCATC 120
TCGAGGGGGT GGCAATCACC AAAACAATTC CCAGCCTTTC CACATTGGCT TTCCCATGTA 180
GTCCTTAGTG TGTCTGCTNC TCCTCTCTCT CCTCATCACA GTTCCCAGCC CCCACCTTCA 240
ACTGAACTCA ACAAAATCTT CAACTTCATA CAGTAGTCAC ATTGTTAGTA ATAACACTGG 300
GCATTTTTAT TTTGATANAN TAGACCGTTT AAATTTTTGA GATTCTACCT TATATTTTTT 360
GAATTATATA CTAAAGCANA TAAGTAGGTG NTGTAATGTC CATTGGGGNC CAAGNTTTTT 420
AGGTGTAAAT GGNAAAAGGG TANCAAATTT NAANCTCAAG TAAACACCCT GTAGGCTTTC 480
CCCATGGNTT GGGGNATNTC CGGATTAAGG NCAGGGTTTT CCNTTTTCTN AAA 533

配列番号：866
配列の長さ：532
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00989
配列：
GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60
TAAAACTCAT CTGTTTTAAC TCACTTTTTA ATAGATGAGT TAAACTTAAT TTACTTAAGG 120
ANNNNCAGTT AGAGCCTGGA ACTTCAACCA TTATTCACTC CCCATGCCCT GTTTCCCCCC 180
ACTTCGAAAT TAAATGCGGT TAGCATCATA TAGTTCATTT TCCCCCTCCA TGCTGCTGTG 240
TGATTCTTGA CCTTGGGTAT GAGTTTTTCA TCCTTCATGC AGGGTTCTGT CAGTTCATGG 300
TATAGTGATT CAGTGTTAAA ATGGTGGTGT CTCAGCTGTG CTGTGCACAT TTCCAACCTT 360
GTCAAATTAA TAGTCCTGAG CAAGCAAGAA AAAGAGGTAA TAACATACCC ATTTTCTTTT 420
ATGGANTATA AGCTTAATAA TATTTTTTTC NATGNGCCTA TTTTTTACCT GNGCAAATTN 480
GTATGGNCTC ACATGGTTAA CCCCAATNAA TTANTCTTGG NCAATTTTTA AA 532

配列番号：867
配列の長さ：528
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00990
配列：
GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAAACGAGG 60
GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACTTTTTTC CTGTTATGTA CTTAGTGTTA 120
GAGGGTCAAA ATAATCTTTC TGCTTAGCAT CTCTTAAACC ATACCTGCAA ATATAGCAGG 180
ATTNTTACAT TTACAGTACT TTAATACTTG TATAANCTAT GCAGAAATTT TTAATAAAGT 240
GTAATATATT TNATAAGCTA ATAAGACTGA ATGGGTAAAG GTTTTTNGCA TGCGTTAGTA 300
TACTTGCAGA TACTGAAACA TTTTGGTAAT CTTTCTTACT AAAGGATGTG AATGTTTAAT 360
GTACCTTCTC TGTTTCTACT CTGTAGTCCA ATGGGAATTC AGTAATGNCA TTTTGNCATG 420
TCAACCTGGG GACCATAAAN TTGGTCCTGG TCCAGGCCCT CATNTCCTAT ATCCAGTATG 480
CAATNTTATN TNNTNTNCCT GGTNAATNAA CCCCTCCGGG NTTTTAAA 528

配列番号：868
配列の長さ：526
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00991
配列：
GATCTTTCCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60
GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA AATATAGCAC CTTTNATTAA 120
CCAGTTTCAG GTACCTATAC GTGTATTTTT GGACCTATCC TCATTGCCCT GTATACCTTT 180
AAGCAAGCCA GTGGAACTCT TAAGACTAGA TTTAATGACT CCGTATTTGA ACACCTCTAA 240
CAGAGANGTA AAGGTATACG TTTGTAAATC TGGAAGACTG ACTGCTATTC CATTTNGGTA 300
TCATATGTAC CTTGATGAAG GGGATTAGGT TGGATACTTC ANGTGAGGCC TCCCNCTGGA 360
AACAAGCTGC AGTTGTTTTA GNTANTCCCA TCCNGGTTGA NATTGGGNGN GGNCCTTGNN 420
CCTAGCATTN CGCATCACNA AGGCAATGTC NGCNTCACAG TTANGGCATT GNGGGGCCGT 480
TTTNCCATGN GNACTGGGTT ATTGGGGNCT NACCAGGTCC AANTTN 526

配列番号：869
配列の長さ：526
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00992
配列：
GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TGGATTTGGC 60
GTGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNAG GTTTAATTTA ACGGTATATC 120
CAGAGCTAAC AGTGACTCAA CTCGTCTAGT TCTGCAAGTC AGATGTACAC TTAGAGTCTC 180
TCTGTGAAGG GTTTGGGTCT GAGCTGTATA GTATGTCAAA CTGCCAGTAA GCCAGCCCCT 240
CACCNTCTGA TAGATATTCC TTTAATGCAC CAGACTTCAT GTTTGATAAA TGATTAATGG 300
TTGAAATTGT TTCTCTTCTT TTGTGTTTTC CCAGTTAATA GATGGTCACT GTTTCCACAA 360
TGTTTTATAC TTTCCAGCTT TTNGTAACTN AACCTATAAT TACTTNAATT TTAATTTTTT 420
TTAAAGCTTN GTTGGTGGNC CTAATGNGAA GGTNTTTTTC CAGTGCATNA ATGGTTTTTT 480
NTGGNGCTTC TGNNAAATGN CCNTCCCAAT TGTGGGTTGG GTTTTN 526

配列番号：870

配列の長さ：520
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00993
配列：
GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCAGTATC 60
GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA AAGAGCCAAA ATGTCACAGT 120
TCCTATCTGT GAGGGAATGG AGCACAGGTG CAGTTAGATG CTGTTCTTCC TTTAGATTTT 180
GTCACGTGGG GACCCAGCTG TACATATGTG GATAAGCTGA TTAATGGTTT TGCAACTGTA 240
ATAGTAGCTG TATCGTTCTA ATGCAGACAT TGGATTTGGT GACTGTCTCA TTGTGCCATG 300
AGGTAAATGT AATGTTTCAG GCATTCTGCT TGCAAAAAAA TCTATCATGT GCTTTTCTAG 360
ATGTCTCTGG CTCTATAGTG CAAATGCTTT TATTAGCCAA TAGGAATNTT AAAATACCAT 420
GGACCTTACA CAAAAGGCTT TCATGNCCTT ACTTTNTNAA AAGGGGTTAT TGTATTCATT 480
GGATATGTGC CGTAGCAATN NNGGGNTGTT AGCGGNTAAA 520

配列番号：871
配列の長さ：517
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00994
配列：
GATCTCCGTG GCTTTGGGTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60
GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTACTGACAG AGGGGGTATT GGGGTTATTT TCTGGTAGGA 120
ATAGCATGTC ACTAAAGCAG GCCTTTTGAT ATTAAATTTT TNAAAAAGCA AAATTATAGA 180
AGTTTAGATT TTAATCAAAT TTGTAGGGTT TCTAGGTAAT TTTTACAGAN TTGCTTGTTT 240
GCTTCAACTG TCTCCTACCT CTGCTCTTGG AGGAGATGGG NACAGGGCTG GAGTCAAAAC 300
ACTTGNANTT TTGTATCTTG ATGTCTTTGT TAAGACTGCT GAAGATTTAT TTTTTTCCNN 360
TTATAATANG GGGNTAANCC CCACCTTNAT TCCTTCAATT CANCCTACCA TTTTCNNGGG 420
TTCTTNGTGT TGGGCTTGTG GCAGGNCCAG CTTNTGGGTT TTCCTTTTTN CCATGCCAAN 480
NTTNTNAATT NCCCATGTAC CAGTTTGNTN CAAAGGN 517

配列番号：872
配列の長さ：517
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00995
配列：
GATCAGAAAT ACAGATTTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAG 60
TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTTGGGGTG GGTATAAAAG ATGGGGTCTG 120
TAAAATCTTT CTTTCTTAGA AATTTATTTC CTAGTTCTGT AGAAATGGTT GTATTAGATG 180
TTCTCTATCA TTTAATAATA TACTTGTGGA CTAAAAGATA TAAGTNCTGT ATAAANNCNN 240
CCAATTATGT TAAACTAGCA TATCTGCCTT TATTGTGTTT GTCATTAGCC TGAGTAGAAA 300
GGCCTTTAAA ATTTTTTTAG AAAGCATTTG AATGCATTTT GTTTGGTATT GTATTTATTC 360
AATAAAGTAT TTAATTAGTG CTAAGTGTGA ACTGGACCCT GTTGCTAAGC CCCAGCAAGC 420
AATCCTAGGT AGGGTTTAAT CCCCAGTAAA ATTGCCATAT TGCACATGGT CTTAATGGAN 480

GTTTGAATCT TAAATAAATT GGATATTCAC TTTTAAA 517

配列番号：873
配列の長さ：515
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00996
配列：
GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTTGTNCTGT TTTGTTTCTG TAAGCTTTTC 120
CCCTGGTGTC ATGGAAAGGA CTTCTTAAAT AACCACATTG TGGGTGGCTG TATCCAAAGT 180
TTAAATAATT GGCCAGAAGT GCAGAGTATC CTTTCCTGGA TTCGTGTCAG AAAAGGGCTC 240
CTTGCCACAA CTGAACTTAC TGTATAAAAA CCTGGCTAGG GAGATTTAAT TTTACTAAAA 300
TTACAGTTTA ATGTTACCGT CTAGCCACAA ATCAAGCAGC AAAAGCTATT TTGATGATGA 360
AAGGGGGTCC CGTTGAGCTG GCCATCTAGT GCAGTGTGCT CTCAGATNCC ATGTTTGTTG 420
ATTGTGTGCT TCACAAGNCC NTCTCTGGTG CTTGAATTGG ATTTGAATTC TTGGTNAGAA 480
GNCTCAGCAT CTCCTTGGGG TNGGCTTGGG CCAAA 515

配列番号：874
配列の長さ：514
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00997
配列：
GATCAGNNAA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC AGTATACGAA ACATTATTCA 120
CAATCCTTGG GCAATCTCAT TTTTTTTTCC TTCTCCCCTC CTCCCCTGCC CCCCATACAT 180
TTNTATCCTT GAGTTAGTTT TGGNGGGGCA GGAAGTACTT AACATCTCAG AAGCTAGATT 240
GGGAAACATG CTCAGCTATA AGAACTGAGC TTTAAATTTT GAGTTTAAAA ATGTACATCA 300
GGAGCAGNTG GGGAGGGTCT TTTTTTTNAA AAAAATCTTT CCAATTTTGG GTTTTCTNTG 360
CCATATGGCC GTTTTGTAAA TNCTTTNGGG GTTTTTNATT NTTTTNGAAA GTGGNTGAAA 420
TCTTGTTNTG GGNTTTTTTT CCCCGAAACA TTTNNAATAT AACCCNGTTT ATTTTTNNAT 480
GNAAATTAAA CCTTNTTTGG GTAAAAAGGT TAAA 514

配列番号：875
配列の長さ：513
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00998
配列：
GATCTTCTAT TAAANTGATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
TATATTTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA CCTNCTTTNC TTTGTGGCAT 120
ATATGGCATC TNCTGTCTTC AGATTTNCTT ACACTTTTGT GATTTATAAT GTTAGTGATT 180
GGTGCCTTAT TCTCTGAGGA AAGATGGAGG GTTCATAAAG CAATGCCTTA TCCACAGCAG 240
ATTTNCTTGT ATATTAAGTT AAACAGAATT CTGTAAATTA TTATGAAGGG TTCAAGCTCT 300

TTAGGGGGAG TTTTTTTTTC TTGTTGGTTA ACAAATTGGT TGCAATCTNT TATATTTCGC 360
AATTGGNTTA GATATTACAG TCTACTTATT TTTNCANGNG TAAATTAATT GTNTAAGGTT 420
TGGGTTNGGT ATAAATGGNT AAAATATTAA TATNGTGGGG GGTAAAATTT GATTNGGNGT 480
TTTTTTTTTT NAAGGCCNNN GGNTTTANGG AAN 513

配列番号：876
配列の長さ：510
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00999
配列：
GATCAGTATG AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTTGCTATT GTATTTTTNC CTAGTTGGTG 60
TGCCTGCTCA GAAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC CTGTGTATAT ATAAAAGGTC 120
AATTTATATA TNTNCCTATA GGAAAATGGA GTAACAAGTT CCCTATCTCC CATATTTATT 180
TGTCCATAGT AAAATGGCCA CATTGATGAT AATTTCTAGA ACTAGTTTCT GAGATTGTCA 240
GCCCTTTGTC TAAAATAATG GCAGTATTAA TGATTGACTT CTGTCACTGC CATAGTTACC 300
TGGATTGTCA GCCTNGGTAG CCTTTGTCTA AAGTCCTAAA GAGTTCCAAA AAAAATGTGT 360
TGAAATAATT GCTAAATAGT GGTGGGTGAT TCTTNCAGTA GGNATTTGTA ATAATTTCNT 420
GGCAAANAAG GTTATTNCCT GCTATTGGTA TTGGATNATT NGNCTTNTAT NCNGGTATTT 480
TNNAAAAGGC AGGNNTATAN GGNTNNNCCN 510

配列番号：877
配列の長さ：504
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01000
配列：
GATCTTCCAT CCTCAAATGA CTCTTTTTTC TTTATATGTT AACATATATA AAATGGCAAC 60
TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA TCTGCTCAGA GCCTATGTGC 120
ATAGATGAAA CTTTTTTTTA AAAAAAGTTA TTTAACAGTA ATCTATTTAC TAATTATAGT 180
ACCTATCTTT AAAGTATAGT ACATTTTACA TATGTAAATG GTATGTTTCA ATAATTTAAG 240
ACCTCTGAAA CANTCTACAT ATACTTATTA CCCAGTACAG TTTTTTTCCC CCTGAAAAGC 300
TGTGTATAAN ATTTATGGTG GATAACCTTT TATGGTTTCC CTTTCCAAAG GCCCAGGGTG 360
GGAGGGGGGA TTAAGGGGGC CTAAGGTNTA TGCCTCCNNG GTTTTAAANT TAAATNCCCT 420
CNNGGTATTT AAATTANNTT TTNCCNANGG TTTNTNGGGG GANTGGGGGG GTTTANANTT 480
GCCTTNTTTN GGGGTTTGGG GAAA 504

配列番号：878
配列の長さ：500
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01001
配列：
GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60
CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT CTGGCTCTTT GGTGTTGGAG 120

CCTTTCCAAT AGCCCCATGA AAAGAAGCAT CACCCAAGGA TATTGTAAAA AGGATGTAAC 180
AAGGAGATAG GGTAGACATT GTACTCAGTG GGCCTTGGGG CCTAGCCCAG CTCTGAGCAG 240
AGGACTGTGG CATTCACTGT CCTTGAGTGT TTCACCTTCT TGGATAACAC ACGGGCCTTC 300
TCTTCTGGAT TTCATCAGAG ATTACAGCCA GATGGGGGCT GAAGACCATC CTCTTTGACC 360
ACAGAGGGTG TGACTGTGGG GAATTCCTCC CAATTTATGG TTTCCNAGGA AAATCTTAGT 420
TCCTTTTATT TATAGGAATG CATGNCNTTT TGGTGTTAAG GAAACCCAAG GGGNANTTAA 480
NGGGACCANT CCTANTNAAA 500

配列番号：879
配列の長さ：500
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01002
配列：
GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60
CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTGGA CTTTNCCTCA GGGATACATT GGCCTGCAGG 120
TCCCAGTTCA CATGTAGTCC CCTGCTCACC ATTGGAGAAT CAGCTCACTG CTCTCTAGAA 180
ACGTGGCGTT GGTGAACGGA CCATGCTTCC GTAGCTCTGA CCTGGGCAGC TTGGACCTGG 240
TCATCCTCTA CTGCCATACC TTTCCCTGGG GGCTTGAACA CAGAACAGGG AGATGGACAA 300
CCACTTCAAA GAAAGACCCA CCGAATGCAG TTTCTGCTTG ANTGACTGGG NCTGCAGTTC 360
CNTTNTCCTG GGACTTAGAG GTGGNCAGAT NTANGGCCCC TTTACTCATC CANCTTNGTN 420
TTCAACTGGN ACTNCCNAAT NANTNAAAGA GCCTNAAATT TTAAACTNGN TGTGGATNGG 480
GNATATGGGA NTAGGGTTGN 500

配列番号：880
配列の長さ：500
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01003
配列：
GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60
ACCATTGACC TGAGTGCGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT TTCTATGATT GAAAATCTGC 120
CATCGCTGAC TGTTGGCCAG TTTCAAAGGG ACCCATTGTA TACAGGGTGC AAATGTATTA 180
TACGGATGTT TCCTTTTGTA CACTTCATTT TTACAAGTTT TGCTACTCAC AAGCTTTATG 240
TAGTGGAGGA TAGAGGTATT TTTGGTCTTT AGAAGCTTGT CGGGGTGAGG GCTGCTAACT 300
TACACTTCAG AGGCCTGTGT CCCAAAGGCC TGGCTGCGTT TGCCGTGCTG TGCGAGGACC 360
TGTGTACACA GGCAGGTGTT CGCCTGCCCG AGCGCGAGTA GCTCTTTGTG TAGTNGGTGA 420
AAATGCTTGC AGGCATCTGT TTAATTAAAA ATTNCCTGCT GTTAAAGNCA GGGGTTAAAA 480
ATNTCCACAA TTTANGGAAA 500

配列番号：881
配列の長さ：498
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01004

配列：
GATCAGGATT CAGANGTGGA CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTACTGAGCC ACCTAGCACT 60
GCCACGAACC GGTCGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT GCAGAGTCTG ATGAAGAAGA 120
AGATGATGTT GATTTTGCAA TGNNNTAATT AAGTGCCCAA AGAGCACAAA CATTTTTCAA 180
CAAATATCTT GTGTTGTCCT TTTGTCTTCT CTGTCTCAGA CTTTTGTACA TCTGGCTTAT 240
TTTAATGTGA TGATGTAATT GACGGTTTTT TATTATTGTG GTAGGGCCTT TTAACATTTT 300
GTTCTTACAC ATACAGTTTT ATGCTCTTTT TTTACTCATT GAAAATGTCA CGTACTGTCT 360
GATTTGGCTT NGTAGGAATT GTTTATAGGN CTGCCCGTGC ATTAGGCACA GGATTTTTAA 420
ATTGTCCATG GGTTNCCANC CTACCAGACC CTGCTTTTTT NGNNAATNGG AATTTTNAAC 480
CATTNANAAA TNGGGAAA 498

配列番号：882
配列の長さ：494
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1005
配列：
GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTTAAGGGC ACAAAGACAG 60
CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA CTGCAGCTGA ACAGTGTGTA 120
GTATTTTCCC AGTCAGCTTT GCCATACTGA CGTCAATCAT TTGAGAGAAA TTATTCAGAT 180
TTNATTTTTG TATCTGTGGT AACAAAACAT TAACCAAAAG ATTTTNTGTC CAGAAGCCTC 240
CCCGNCCCCC CAAGCTATTT GCTCACATTA ACANATTAAA GTGCCTGAAG CATAATTCAT 300
TCTTTACCTG TATACTAAAA ACCCTGTTGT ATTGGTTTTT TTTNTAATAA GCCTTTTTAC 360
CTCTGTGTAA ANANATATAT ATACCAGGTG TATGATGGTN CATTTTGGGT CTTNANCTTT 420
TTTTTAATGG TTTCTAATNT GTNTGNCCNA ATGTTGGCNT TGNTTTTANA NTTGTNCCGG 480
GGTNNATTTT TANN 494

配列番号：883
配列の長さ：493
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1006
配列：
GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTNCTTA GAATGTATAA 60
AGGTTGTAGC CCATCCAACT TCAAAGAAAA AAATGACCAC ATACTTTGCA ATCAGGCTGA 120
AATGTGGCAT GCTTTTCTAA TTCCAACTTT ATAAACTAGC AAAAAAGTGT TTGCTTATTC 180
CACCAGTTCT ACTGTGACAT ACTCGAGTAT AAAGACATGT AGCAATAACG GGGAGTGGGG 240
GGGGAGTCTC ACAGTGCCTT TGGAAGGGCC CGAACTTGCC TTAAATCTTC CTCAACCAAA 300
TAAGTATTTT ATTAGTGCTT GAGAGAATCT GGAATGTAGG NTGGGTTCAA CTGCACAAAN 360
GGAAAAANGNT TTTTACCACT NTTTTTATAT AGNTATAAAG TGNAGCAACC GCCTTAGTGC 420
CTGAATATGT AGTCCATGAN TATGCCTTGT NTAATTTCCA GAAATTCCAN ACCTTGTACT 480
GTTTTTTTTC CCN 493

配列番号：884
配列の長さ：492

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01007
配列：
GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGCGTCA CTACTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60
GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT GACATCATTC AGCGCATGCA 120
CCNNNGTCAG TACGAGCTGN NCTAAGAAGG GAACCCCCAA ATTTANTTAA AGCCTTAAGC 180
ACAATTAATT AAAAGTGAAA CGTAATTGTA CAAGCAGTTA ATCACCCACC ATAGGGCATG 240
ATTAACAANG CAACCTTTCC CTTCCCCCGA GTGATTTTGC GAAACCCNCT TTTTCCCTTC 300
AGCTTGCTTA GGATGTTCCA ATTTTAGGAA AGCTTAAGGC GGCCTACAGA AAAGGGANAA 360
ANGGGCCACA AAAGTTTCCT TTTAACTTTT NAGTAAAAAT TAANTTAAAN CAGCAGCAGC 420
AACCANTTTA AATTGGATTT AANGGGTCCN AATTGGAATT NAATTTTTTG GNTTNNNNCG 480
GGNTTTNAAA AN 492

配列番号：885
配列の長さ：490
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01009
配列：
GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCCC CCGCCCCCAT 60
CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC CTGTGGCCCG TCCTGTGACC 120
CATATTTAGC CGTGTTTGGG ACTCCGTGTC TTCAATGGTT TGTTAGTTGC CATTACAACT 180
TTGTCTGGGT AGAGTTTTTG AGTTTTTNCA GTTCAGTATC CCTCTGTCTA TTCACACTTC 240
GTGTTAGTGG TAACTCAGTT TGTCTTTAAA TAGTTACAGA AGGGATACGT CATTTGTNAA 300
TGCTTTTGTG AAGTGAGTTA AACGAGCTTT CTGTATTTTA ATGCTTTAGT GTTTCAGTTT 360
TATAAGTGAA GATTTTATTT TAAAAACCAG TGGGAAAGAG TGGGGGGTTT CTTTTTATGT 420
CTGGGTCATT CAGGCAGTAC ATCTGNTTTA AAGCTGAATG TAGGACANTT AATGAAATCC 480
ANATCTGAAA 490

配列番号：886
配列の長さ：487
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01010
配列：
GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60
AAGGGAAAGT TTTGTCCTGT ATATTTNNTT ACCTTTTACA GAATAAAAGA NTTACATATG 120
AAAAACCCTC TAANCCATGG CACTTGATGT GATGTGGCAG GAGGGCAGTG GTGGAGCTGG 180
ACCTGCCTGC TGCAGTCACG TGTAAACAGG ATTATTATTA GTGTTTTATG CATGTAATGG 240
ACTATGCACA CTTTTAATTT TGTCAGATTC ACACATGCCA CTATGAGCTT TCAGACTCCA 300
GCTGTGAAGA GACTCTGTTT GCTTGTGTTT GTTTGTTTGC AGTCTCTCTC TGCCATGGCC 360
TTGGCAGGCT GCTGGAAGGC AGCTTGTGGN NGGCCGTTGG NTCCGNCCAC TCANTNCTTC 420
TGGNGCACTG GTTTNTNCTT TANAGTTANG GTNCCATGNN NCAAGGGGGG TTCCNANGNG 480
GAGGNCN 487

配列番号：887
配列の長さ：485
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1011
配列：
GATCGCAAAT ACACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCACT TATGGTTCAT TGGTTTTTGT ACCAATATTT TTTATGCACT TCAGTGCAAG 120
TNTTGTCAGT TAACCTTACT TTATGAGTAA GCTAAATAAC CCAAATTACA TTTNTTTAAA 180
CCTGTTTTAC TACTATGGCA CTTTGATAAA ATGGTCAGGA ACCAACTTTA CTGGCAAAAG 240
GGTCCATGTA CCACCATGTG CTGGAGCATC TGTTCTACAT GTGGATATCT ATGANTGGTA 300
ATGTTTTCCT TCATGTAAGT GCCTATTCAG AGTTTCAGAA TTTTAAAATG CCAAATATTT 360
TCATGGGTCA TTTGCATGTA GTAAGCCAGA AAATATTCAA NGGGATTTTG GAAAACCAAT 420
TGGTATTTAA CCAGCCTCAA ATTGTGCAAC CATGGTTGTA TAATAANGGA TTTGGAACCC 480
GGAAA 485

配列番号：888
配列の長さ：485
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1012
配列：
GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT GAGGGACCCC ATTCGGATTC 120
TTGTCAAGAA GGAAGAGTTG ACCCTGGAGG GTATCCGCCA GTTCTACATC AACGTGGAAC 180
GAGAGGAGTG GAAGCTGGAC ACACTATGTN ACTTGTATGA AACCCTGACC ATCACCCAGG 240
CAGTCATCTT CATCAACACC CGGAGGNAGG TGGACTGGCT CACCGAGAAG ATGCATGCTC 300
GAGATTTCAC TGTATCCGCC ATGCATGGAG ATATGGACCA AANGGAACGA GACGTGATTN 360
TNTGGNANTT TCGTTCTNGC TCTAGCAGAG TTTTGATTTC CANTGACCTT TTGGNCAGAG 420
GAATTNTTGT TTNNGAAGGT TTTTTTTTAG TCATCANNCT NTTGTCCTTT CAACTATCAG 480
GGGTN 485

配列番号：889
配列の長さ：492
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1013
配列：
GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCCA TNACCGTGGC CCATGTGGAT GGCCAAACCC ACATGTAATT 120
TGGNTCTAAC CGGATGGAGC TGCTGGCGCA CCTNCTGGNA GANAAGTGGA TGGNCCCTAT 180
ACCTCCAGCC GTGAATGCNA GATTTTAAGA TTGCCCGGAG GAAGCAAACT TTTCGTATAA 240
AAAAAGCAGG CCATCTGCTT AACCNTTGGN TCCACCATAA GGCACTGGGA CTNGGATTTT 300
TNTATCTGAT AGAGGTATTT NTTGTGGCCC TGGGAGCTGT CTGNTTTTCC CCTACCCCCA 360

AGGNTGCCAG GAAGACGTCC ACCATTAGCC ATGTGGNAAC CTTTACTTCT ATGCTTACAA 420
GTGCCTTTNA GNGAGCCCCA ATTCTGGTTT TNCCACAAAA TAAACCTAAT GCNNTCAGGG 480
AAAACNNTTA AA 492

配列番号：890
配列の長さ：478
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01015
配列：
GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60
CAGCGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC CATCCATCCC GCAGAAGAGG 120
CATGGTGACA CCCAGGCTAC TGTCCATGCT TGAGAGGACG TATTTGAAGG TTCTGTTACT 180
ACAAGTTGGG AATATTCACG GGCCATGCCT GAATACCCGG NCTGTANCTC ACACNGTGGT 240
CTGTGTAAGG GGNTACCCTN GGGGCGGCCT GGTTTAATCN TGATTAATAT CTGAAAGCNT 300
GGGTTNNNTG GGGAATGTNA GGGTTTTCCT AATGCCATTA AATTTTTTTT TAGGCNGTAA 360
AAATTAAAAT NCATTTTNTT ATCCAGCAGG CCTCTTTTAT ACCTTTATNG GGGAATCTNC 420
CATACTTACT TTCCGGCCAN NTTTTCAATA ATNAAATTTA TTTTGGAAAN TTTTTAAA 478

配列番号：891
配列の長さ：474
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01016
配列：
GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTCAGAAA 60
AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT ACGATATTTA TAGTGATGTG 120
CTTTTATTTN CTCATGAGAT ACTAAATATT AATTGTGTTG TACATTTGTN CTTAGCATAT 180
ATTAAAGTTT TGAACCAAAT GTGTTAAAGC TTACGCTTTG CCATGTAAAT TTCCCAGAAG 240
TTGTTGAGCT CAAATGTATC CTACATCCAG CTGTAGAAAT TTGTCAGAAA TTGTTTAAAT 300
TTTGTATATA ATTGTACTGT TTAATTCTAG CCATTGCGCT GAACAGTATT TGAGTTACCA 360
TATAATATGG CTTTACACAA NGGNAATGTG TGGCTTTTGT TTTGGTATTT TTTCCAGTAT 420
AGGAAGTTCC CTGTGGCCTT ATTTAAAATA AAGGTTATTA GGTAAAACTG GAAA 474

配列番号：892
配列の長さ：473
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01017
配列：
GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60
CTCAGTAGGT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA CTAATTTTNG TATTTTTTGT 120
AGAGACGAGG TCCCACCATG TTGCCCAGGC TGGTGTCAAA CTCCTGGGCT CAGTCAGTCC 180
CCCCATCTCA CCCTCCCCAA GTGCTGGAAT TACAGGCGTG ANTTACTGTG CCCAGCCTTA 240
CGGACATCCT TTTGAATTAT CTTTTTCACT CATAGAATAT GAATACATTT ATTTAGACTT 300

TTTCTAGAAC TTTCCTGTTT TCATGTCTTT GNTTCACCTG GAATTGGGTT TAACACCCTT 360
TTATAAAGTT TGTGGTTTGN AAAATTTCCA TTGGGGCCAT CAATACGGAA ATATATTTGG 420
TAANATTNGG GGGTTCNATT TTTTAATTAA AATGGCAAAT GANNGGCAGG AAA 473

配列番号：893
配列の長さ：473
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01018
配列：
GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCAACATC GNGGGACCTG 60
CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTC TAGCCGGCCC CCTCTCCAGG GGTCGCCGTG 120
GCCGGCATTA TTTCCTAGTT CTTCTTGTAA CCCTGAGGTG CCAGCGCGGG GAGTGAGGAG 180
GGGTCAGGGG GCTAAGGATG CAACCTCTGA CGTTCTGCGC CTTCCTAGGA GAGTCTTACA 240
TGTNTTGAGA TTTCACAAGC AATGCGAGTT GTAAAATACC AGCTCTACAN GAAGCTAGGC 300
TCTGTGACGG CATAGTTTTC AGTAGCTNTA TCACAATATT CACAATGGAG AATTATATGA 360
CATGGTAAGC AGAAATAGGC CCCTTTTAAT GNGNTGCTTC TATTTTACCT CANATTGGTG 420
GNTNTAGGNT AATCANTAAA AATCNATCCA NNGCNTTTCA CAACACTNNN AAA 473

配列番号：894
配列の長さ：468
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01019
配列：
GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60
TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT GTTCTTCCTG GACCTGGGCA 120
TTCAGCCTCC TGCTCTTAAC TGAATTGGGA GCCTCTGCCA CCTGCCCCGT GTATCCTGGC 180
TCTCAGCTCA TGGGGAAGCC ACATAGACAT CCCTTTCTTC CCTTGCACGC TCGCTAGCAG 240
CTGGTAAGGT CTTCACACCC TGATTCCTCA AGTTTTCTGC TTAGTGGCAC TGACATTAAG 300
TAGTGGGGGG ACAGTCCATG CCAGGACACC CTGGAGTAGC CTTCCCCCTT GGCCGTGGGG 360
CAGGNCCTAA CTCACTGTCG CTTTGGAGTT GAGGGTGTCT TTTCTTNTTC TTTCTTTAGT 420
TCCTGTATTC TAAACATTAG TAAAAATAAA TGTTTTTTAC ACAGGAAA 468

配列番号：895
配列の長さ：462
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01020
配列：
GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60
TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCG TGCACGGAAA ATACAGCGTT TCTTGTCTCA 120
GCCATTCCAG GTTGCTGAGG TCTTCACAGG TCATATGGGG AAGCTGGTAC CCCTGAAGGA 180
GACCATCAAA GGATTCCAGC AGATTTTGGC AGGTGAATAT GACCATCTCC CAGAACAGGC 240
CTTCTATATG GTGGGACCCA TTGAAGAAGC TGTGGCAAAA GCTGATAAGC TGGCTGAAGA 300

GCATTCATCG TGAGGGGTCT TTGTCCTCTG TACTGTCTCT CTCCTTGCCC CTAACCCAAA 360
AAGCTTCATT TTTCTGTGTA GGCTGCACAA GAGCCTTGAT TTGAAGATAT ATTCTTTCTG 420
ACCAGTATTT AAGGGTTTCC AATAAAATGT ACACCNCTCA AA 462

配列番号：896
配列の長さ：462
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1021
配列：
GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60
GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT TTAAAGTGGG AAAGCTGAAT 120
GACACTNTTT AAGACAATGA ACATTATCAA AACAAAATGT ATAATTNCTT AATTTGAATA 180
ATAAATTAGG CGTTTAAATG CTATTTGTAG TCTTGATATA CAGAAATAAA ATAATTAGGG 240
TTGGTCTTTT TTATTTTAGG TTGTTTTATG TTGAATGTTC TATATCTTAT TAGTTAATTN 300
GTATATTTNA TTAGTATTTN GGGAAATAGC ATATCTGAGA CTGAAGGGGA AATTGGCCAA 360
TTCACTTATT TGTGGTTTTT TTCCTCAGCT ATTCTGAGCT TATTTATTAA TTGNATGGCC 420
TAATGGCTAA CCATTTACAT TAAAATGGTT TTTTNCCCCA AA 462

配列番号：897
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1023
配列：
GATCTNCTCT TTCCTCTCCT TTTCCTCATT TATTCCTAAA GGAATCTGAC CATTAAAACG 60
NCTCTACGGC CCAAAAAAAG ACAAAAATAA AAATTCCTTT TTATTCCTGT CAACTGGATG 120
GAAACACAAA TTTCATGGAG CTGTGTACCA TCGAAGAAAC CTGGTGTCTG GCATGAAATT 180
ACTGTAAAGA ACTTCCTGTA AAACACGTTC TTTAACAAAC TGAAATGAAA AGCATTGGAG 240
CGTCTGANTG AAAGACGTGA CCTCCTGCTG GGACTCTGAT GGTCTTCAGC ATTCACCTTC 300
GTGTGTCTTC AGTGTCTCAT TGTCATCCCT NGCTTCTGGN TTGGNCCTTA GGAGTNGTTT 360
GGGATATAAC CTNAAATTGT NGGATGGGTA AANGGGAAAT TTNNATGNNG TTTTTTTGGT 420
TTTTTAAAAT NATTTTNAAA NCGGGGTCAN TTTTTTAAA 459

配列番号：898
配列の長さ：457
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1024
配列：
GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60
GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG ACGGTCATGA ACCCCAAGTT 120
TGCTGAGAGT TAGGAGCACT TGGTGAAGAC AAGGCCGTCA GGACCCACCA TGTCTGCCCC 180
ATCACGCGGC CGAGACATGG CTTGCCACAG CTCTTGAGGA TGTCACCAAT TAACCAGAAA 240
TCCAGTTATT TTCCACCCTC AAAATGACAG CCATGGCCGG CCGGGTGCTT CTGGGGGCTC 300

GTCGGGGGGA CAGCTNCACT CTGACTGGCA CAGTCTTTGC ATGGGAGACT TGAGGAGGGG 360
AGGGGNTTNA GGTTGGTGAG GTTAAGGTGC GTGTTTCCTG GTGCAAGTCA AGACCATCAG 420
TCTTATTAAA AGGTGGGTGC CAATTTTTTT TACNAAA 457

配列番号：899
配列の長さ：457
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1025
配列：
GATCCAGTAT CTTCCTCGGC TTTTTAGGGA GCAGGAAAAA TGCGTCTNAN AGCAACTTTT 60
TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATAACTG TGTCTGTTTC ACCGNGTGNC CTCCCAAGGG 120
GGTGGGAACT TGATATAAAC GTTTAAAGGG GCCACGATTT GCCCGAGGGT TACTCCTTTG 180
CTCTCACCTT GTATGGATGA GGAGATGAAG CCATTTCTTA TCCTGTAGAT GTGAAGCACT 240
TTCAGTTTTC AGCGATGTTG GAATGTAGCA TCAGAAGCTC GTTCCTTCAC ACTCAGTGGC 300
GTCTGTGCTT GTCCACATGC GGTGGGCGTC TTGGGACCTT GAATGCCTGC CCTGGTTGTG 360
TGGACTCCTT TAATGCCAAT NATTTCTTCA NTTTCTCTTG GGACACCNAG GGNTGCCNGT 420
TNGACAAAGT TTTGGNGAAC NTCCTAATTT AAAATGN 457

配列番号：900
配列の長さ：454
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1026
配列：
GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60
GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT TTGGTTGGGG GCAGATTGGG 120
TTGGAATGCT TTCCATCTCC AGGAGACTTT CATGTAGCCT AAAGTACAGC CTGGACCACC 180
CCTGGTGTGT AGCTAGTAAG ATTACCCTGA GCTGCAGCTG AGCCTGAGCC AATGGGACAG 240
TTACACTTGA CAGACAAAGA TGGTGGAGAT TGGCATGCCA TTGAAACTAA GAGCTCTCAA 300
GTCAAGGAAG CTGGGCTGGG CAGTATCCCC CGCCTTTAGT TCTCCACTGG GGAGGAATCC 360
TGGACCAAGC ACAAAAACTT AACAAAAGTG ATGTAAAANT GAAAAGCCAN ATAAAAATCT 420
TTGGAAAAGA GCCTTGGAGG TTCAACGGGG GAAA 454

配列番号：901
配列の長さ：453
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1027
配列：
GATCTTNCTT NTTAAGTGGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60
TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTC TNATATGTGG CCTACAGCGG AGAGAACACT 120
TTTNNAANCT GAGGGCCATT GCTGGGCTAG GTGCACCGTA ACTGCTTGTG TATCTTGTAA 180
ATAGCCAGCC ATTTNCAGTT ATTATACCAG AACCTCTTCA CATAGACCTA TTAGTGCATT 240
TGTAACTGGN TTTATTTCTT AATATATTGG AAGGTTTGTT TCCTTAGNCT AGTAAATTAT 300

CATACAGNGT TTTATTTTGA GGTTTTTCTT NNNTGTGCAT TNTCCTCATG GCCTGTAAAC 360
CNCCAGGAAA CCTTTTCCTT CTNGGAAATC ATATTTGAAA TGATAATTCN TATATCCGAN 420
GTGAGGNTAG GNNCCGGGTC CTCCCAATAA ANN 453

配列番号：902
配列の長さ：452
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01028
配列：
GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60
AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAATT ATTTGCATCT GTGTCAAATG 120
CAGTTTAGTC AGAACGTAAG ACATAATAGG TGTGGACATG AACTCTGGAG TGTGAAATAA 180
AATCCACAGT TACTTAAGCA GTCTGTTTTG ATGGAAAGTA TCTTGGGATA ATACTTTCCT 240
CTGTGGGATT TTGTTCATTT TAGATGGTGC ANGGNAGTAT CAGTCTTTAA TTTTTTTGTT 300
GTTGTTTTTA TCANTCATTT GCTCTGATGG TATGATGCAT GGGCTTCAGG ACTCCAGCTG 360
CACCACTGTA TAAAACTCAG TTCAGGTTTN CTAGCGGTCN TTGGNTAATT TTCGGGGCNT 420
ANCCCGATNC CAATTNTTTT TAATGTGNTA AA 452

配列番号：903
配列の長さ：448
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01029
配列：
GATCAGGGAC CCTCCCNGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60
CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC TTTTNAAATG ATGTAATTCC 120
CACTGTAATA GCATAGGGAT TTTGGAAGCA GCTGCTGGTG GCTTGGGACA TCAGTGGGGC 180
CAAGGGTTCT CTGTCCCNGG TTCAACTGTG ATTTGGCTTT CCCGTGTCTT TCCNGGTGAT 240
GCCTTGTTTG GGGTTCTGTG GGTTTGGGTG GGAAGGAGGG CCATCTGCCT GANTGTAACC 300
NGCTAGCTCT CCGANGCCCT ACGGGCCTGN CTNGTGTGAG CGTGTGGACA GTGGTGGCCG 360
GCGCTGTGCC TNCTCGTGTT GCCTACANTG TNCNTGGCTG TTGAGGCGCT GCTTCANGCC 420
TGCAACNCGT CCNTNGTCTC ANTACAAA 448

配列番号：904
配列の長さ：461
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01030
配列：
GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAG 60
GGGAATTTGA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC ATGGAGCCAA AGACAAAGAT 120
GACTGAAATA ACTTCAAATT CCAGCCAAAC GTTCCTTGTT GCCACTTTGG GTATTCTGAG 180
ATTTTCTCTT GCATGCCCTT AGCTTTACAG CTTTTGCATT TCCTGTTGTA TTTATTCTCA 240
GCCATTTTGG GCATATGTAT CTTTATAATC AGACTGGAAA CGGGACTTTC TATTAATATC 300

ATTTTTCAGA ATAAAAAATA GGGTAATTTA ACCTACCAGC CCTTCTCCCC CAATAACTGT 360
GGGCCTATAC AGNGTCAATA TATTTTTTNC AGNGAAAGGT TTATTCGGCT CGATTTTTTT 420
CTGGAANTCC ATAATTTAAC CTTTTATGGG TTAAANTTAA A 461

配列番号：905
配列の長さ：453
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1032
配列：
GATCAGGGAC CATGAAAAGA AACTTGTGCT TCACCGAAGA AAAATATCTA AACATCGAAA 60
AACTTAAATA TTATGGAAAA AAAACATTGC AAAATATAAA ATAAATAAAA AAAGGAAAGG 120
AAACTTTGAA CCTTATGTAC CGAGCAAATG CCAGGTCTAG CAAACATAAT GCTAGTCCTA 180
GATTACTTAT TGATTTAAAA NCAAAAAAAC ACANAAAAAT AGTAAAATAT AAANCCAAAT 240
TAATGTTTTA TAGACCCTGG GAAAAAGAAT TTTCAGCANN GTACAAAAAT TTANCGCATT 300
CCTTTCTTTA ATTTTGTANT TCTTTACTGT GGGAATAGCT CAGAATGTCA GTTCTGTTTT 360
ANGTAACAGN NTTGGATAAC TGAGCAGGGN ANCGNAATTT TGGNTTTNTA AAATTCCTTG 420
CTTTNANTAN ANNTTCCCTT NNCCCGGTGG AAA 453

配列番号：906
配列の長さ：445
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1033
配列：
GATCCGATGG AGAAGGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCCGA AGCTGAGGCC 60
TTGGGATGGA GCAGAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC GNCTTCCCCA TCACGGAGGG 120
TCCAGACTGT CCACTCGGGG GTGGAGTGAG ACTGACTGCA AGCCCCACCC TCCTTGAGAC 180
TGGAGCTGGC GTNTGCATAC GAGAGACTTG GTTNAACTTG GTTGGTCCTT GTNTGCACCC 240
TCGACAAGAC CACACTTTGG GACTTGGGAG CTGGGNCTGA AGTTGNTCTG TACCCNTGAA 300
CTCCCAGTTT GCGAATTATA GAGACAATCT ATTTTGTTAC TTGCACTTGT TATTCGACCA 360
CTGAGAGCGA GATNGGGAAG CATAGATATC TATATTTTTA ATTTCNCTAT NGAGGGCCTN 420
GTAAATAAAT TTCTAAAAGC CTAAA 445

配列番号：907
配列の長さ：444
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1034
配列：
GATCTCAATG AAATTAAATT AATAACTATA TCTAGAAAAA CTCCCAATAT GTGAATATTA 60
AGCAACATAC TTATAAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA TCAAAAGAGA ATTCAAAATA 120
TTTCAAAATA AATTATGATG ATTATATAAN ATGTAGAAAT GTGTGGGATG CCACTACACC 180
AGTTCTTAGA GTGAAATGCA CAGCTTTCAA GGCTTCTGTT AAAAGAGTTG GGAATTACAA 240
AACAAGGAGC AGCGACTGCC AATGGGTGTG GAGTCTTTTT TGGGGTGATG ATGAAAATGT 300

TCAAAAATTG ATTTTATTGA TGGTTACACA CGTCTATAAA TATATTTNAN CGGNAGAATT 360
ATATGGATAT ATATGTGATA TATGGAGGTA TATCCTCTGT AAAATTCCTA NGGGTTTAAN 420
GGAGGATTGG GTATCCACAC CAAA 444

配列番号：908
配列の長さ：440
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01035
配列：
GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60
CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT AAGCCCCGTC CCAAGAAGTG 120
ACACAAGTGG CCAACATCCA CACTGTAGGC TTGCAGGCTA CCCGCCCTGA GATTTGGTAA 180
AGAACACTGC CTTGTTCCCC ATCAGTAAAC AAGGTTACCT ACCTCAGGAG GCTGCTTGTG 240
AGAGAGCAAA TGCAGTATCT TCAGANTGAT TTATTTTTTT ANTTAATTGT AAAGACTTGT 300
GCCATTGGCT GCTCTTTCTA GTCCCCTAAN TTTCTGTTCT AGTTTTAANT TTCTCTAGAN 360
CTTGCAATNG TTGGGGGGTT TTTATANTGG TGTTTTTNCA ATGNTTTGTT TCNTTANNNT 420
AAANCCTTAA AAGTTCCAAA 440

配列番号：909
配列の長さ：439
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01036
配列：
GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGTCAAGTAC GACCTTAACA ACCNGGACAA 60
GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GGCCACGGGN CTGGTGTTCA TCATCGTGGT 120
AGTCAACATC TTCATCACGG CCTTCGGGGT CCAGAAGCCC TTGATGGACA TGGCACCCCA 180
GCAGTAGGAC ACCCAGGACC NTGGATGCTG CCTGCCNNTG CAACTCAGCT GCCCGACCCC 240
AGGAGTCGCC ATACCTGTNA GGTGTCCACC TCCCTGCACA TGGCACTACC CAGANTGCCA 300
GAGCCCAGGC TGGNCTCATC TGCACCATGT CCCCGGACCA GCCCTTGCTC TGANTGCGGG 360
CCAAGNACCA NGTAGGAGGN CACTNTTGTT TNTNAGCAGN TTTTTCCAGG NGGGNAGTTN 420
NNTTCTGGGA AATTGGGGN 439

配列番号：910
配列の長さ：435
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01037
配列：
GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTCT CTCTCCCACT TTCGCTTTCT 60
CTGTCTCTTC TTAGTTCTGC TTTCCTCCAC TGTGCCTTCG CTCTCAGAGA GAGCTCTCCC 120
CTGGCAGTGA CAAGATGGCT GCAGCAGCTC CAGCAACCTC AGAGGACTCC CCCATCCAGG 180
GTCCTTGTGA GCTCCTCATC TGTAGGATGT GCAGTAAACA CTCACGTGTC CTTTCCTGAG 240
GAGCCCAGTG GCTGGGGTGG GGGCTGAGGG GCAGCCCCTA TGCCCTCACA GTGCAGCAAC 300

CTTGGTTAGC TCACCCATCA GGGCAGACTT GGGCAGAAAT CATGTCTTGG CATATTGTTT 360
TGTAATCTGC TTTTTAAATT GTCACTATAT ATTATGAGCA TTTCCCTATA ATATACAATA 420
TTCTTCCACA TTAAA 435

配列番号：911
配列の長さ：433
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1038
配列：
GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTTTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60
TTTTATCAAT CATTAAAATT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC TTTTTAATTA ACTTGTCTTT 120
CATTGCACTT CACTCTGCCT GTTTTCAAGG GGAGTAAGAT TGGTAACATT TGGGGAGACT 180
GTATCTGTCT ACTTAGCGTG GCTGTTTTGA GGGACTGTCC CATCAGTGAA CAAACTGCAT 240
GGCCTTGGAG AGAGACTCTG GGCTCTTGGC TCAGATGTGT TCATCAAATA CTCCTTTCAG 300
AGCTGTTGTG GGTGTAAGTG ACATGATGTG GCCAAAAAAT CCAAACTGTG CAGTTGCGNT 360
TGTGACAACC ATGCAATGTG NCTGTAAAAA TTNANTTNCA GTTTAAATTN ANATNNTTTA 420
TATTNNGTGG AAA 433

配列番号：912
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1039
配列：
GATCTTTCTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60
GTTAAAACAG TTTGCAATAA AAAAAAATGA ATNAGCTTAA GTCATTTAAT CATTTCAAGT 120
GCATTCTGCA TCCTTTAAAA ATAAGTTTAA GAAATTTAAG AGAATTGTGT TTTCATTAAG 180
TTTTGCATAT CTTTTGTTAT GCCATGTAAA TNCCCTTTTN CGTATGATTA AAGGAAGGTT 240
ATGATAAAAT GATTAGTTCA TTTACATTCA CTTGTAGCAA TTACATGAGA ATTTGAATTT 300
NGTCGTGTTT GGGTTTGTNC ATTCCTGTGA ATGATGGTNC AGTTAGGTGA GATTTNCTGT 360
TATGGNACCC CAACTCACCA TTTGGNCCTC TTTAATCTTT GGGGGGTTCC AATAAAAATT 420
GGTCACTNAA A 431

配列番号：913
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1040
配列：
GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TGGAAGAATA AAACTAAAAT GTTAAAACTG 60
TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT AAACAAATAT TTAAAATANG 120
GCAGGTTAAC ATTTGCGTTT AGGCACAATA AATCTGTATT AAAGGGAAGC ACATCAAGGA 180
AATATATACA TGTTGANTAA TGTAACTNAA AAATATTTTT TAAAANCCAC TTAAAAATGA 240
NAAATAATTT GATGGGTACT TTAAGCATTG TAGATAGAAA TTAATGTATA ATAGTGTCCT 300

CCCNGTCTTT GTATGAAAAN TTAAAANCTC TCTAGTCCTT TAATGAGCAT GANTTTTATA 360
CTTCTACATT TTGTTGCCTA GGNAAAATTN TCCTCNNGTA CCTTTGAGGT NATTCCGGAT 420
TTTATGGTTT N 431

配列番号：914
配列の長さ：430
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01041
配列：
GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60
AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTTAAAGT GGGGAAACTA GATTAAAATA TTTGTTTTTT 120
AACTAGTTTA TTAGTTTCTN TGGAATCTGC CTGTGTCCCT GGGTTTGGGT TTTGCTCTTG 180
GCAGCAGCAG GTGCCTCTTG GGTGCTCCTC CTGCTCCTGC CTGCAGCCCT AAGAGCAGGT 240
GGGTGCCGAG TGTCTGGCAC AGCTTGGATG CCGCCCACTG AAGACAGCAG AGGGGGGTTG 300
TNTTGAAGCT CCCGNGACAC AGTCAAGCAT CTTCTGAGNC TTCGATGTCT TCGGNAAGTA 360
AAAATGGGGN TTTAGTAAAA CCCTGCCCCN GTTTNTCACA GGGGGTTNTT TTGCAAGNNA 420
AANTGATAAA 430

配列番号：915
配列の長さ：428
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01042
配列：
GATCAGATTC TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60
AATGGAGGAT GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG ACAAGAAGTG TCTACTGNAA 120
AAGGANCCTG CTTCTTTACT CTAGAACTTT GTTCTTATAG ACCAAGATTA CATTCTCAAT 180
TAGAAAACTG CAATTTGGTT CCACCACATC ATGACTATTA CTATAGTATA GTTTTCTCTA 240
TTCTTTTATT TTTCCCTTTA CCCATTCCCT TATTTGTACA TAAAATAATG GGTGTATGTT 300
CACAAGCATT TTGCTGGTTT TNAAATATTA ANTGGCCAAT GACATCCACT TGATGTCANT 360
CAANACNATA TCTGTGGGGG NAAANTACCG NTTCTTNGAA ATTTNCCTCC NNTTTTTCCA 420
TNAGTGGN 428

配列番号：916
配列の長さ：428
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01043
配列：
GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60
TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC ACCGCAGGGC CCGACCNTNC 120
CCTCACGGCT GAGGAGTGGC TGGGGGGTCG GGATGCTGGG CCCCTCCTCA TCTCCCTCAA 180
GGATGGCTAC GTACCCCCAA AGAGCCGGGA GCTGAGGGTC AACCGGGGCC TGGACACCGG 240
GCGCAGGAGG GCAGCACCAG AGGCCANTNG CACTCCCAGC TCGGATGCCG TGTNTCGGCT 300

NNGAGGAGGA GATGCGGGAA GTTCCAGGCC ACGGTGCAGG ANCTCCAGAA GNNGTTNGGA 360
CAAGGNTTGG AGGAGACAAG TCCAAGNNCA AGTAGNAGCC CCTGAAGGNN TTTNCATCAN 420
GGTTTCAN 428

配列番号：917
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01044
配列：
GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60
CATTAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG AGAATTTATT TTATAGTCTA 120
AATCACAAAT ACTTTACTCA ATTTAGTTTT TAAAATAGTA AACTGAATAT TTTTGTTGTA 180
AGCCTATCAG AGTCAATCCT TCGTTTGGAA TTGTTTTCCT GTTTTNCCTT ACTATAAATC 240
ATTTAAAAAC TGAATTCATT TTCTTAGATG GCATAAGTCT GTCTCTTGAG AAATAAGTAA 300
AATACTCCTA TTTTCAGTAT CTGTAGCACC TGAAATAGGT CTTTGTATAG CCAGAANCAA 360
GTTATGNTTG AAGTTAGCTT TTCTTTGTCA CCAGTTTTGG NCAATAAAAA TCTGAANGTT 420
TAAA 424

配列番号：918
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01045
配列：
GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAAA TTTACTGTCT 60
TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT TATGACACAA TGACACATTT 120
GTNGCACCAA TTAAGTGTTG AAAAATATCT TTGCATCATA GAACAGAAAT ATATAAAANT 180
ATATGTNGAA TGTTAACAGG TATTTTCACA GGTTTGTTTC TTGATAGTTA CTCAGACACT 240
AGGGAAAGGT AAATACANGT GANCAAAATA NGCAACTAAA TGAGNCCTAA TAATTGGCCT 300
TCGATTTTAN ATATTNGTTC TTATAAACCT TGTCAATAAA AATAAATCTA AATCAAAAAA 360
AANTTGGTTC CACCTNTGCA GGTTTTTATA ANTGGTGCCA ATTAAAGGTT TTTGTTTTTA 420
AA 422

配列番号：919
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01046
配列：
GATCCTTACT AAGTNTTTCA TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60
TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAACTA AATTCTAAAG TATGGTTATA 120
CAAACCATAT ACATCTGGTT ACCAAACATA AATGCTGAAC ATTCCATATT ATTATAGTTA 180
ATGTCTTAAT CCAGCTTGCA AGTGAATGGA AAAAACNNNC AAGCTTCAAA CTAGGTATTC 240
TGGGAATGAT GTAATGCTCT GAATTTAGTA TGATATAANG AAAACTTTTT TGTGCTAAAA 300

ATACTTTTTA AAATCAATTT CNTTGATTGT AGGTAATTTC TATTTGCACT GGGCCTTTCA 360
ACTCCAGAAA CATTCTGANG GTGGTACTTG GGGTTTAANT TAAAAAGGTC CACTTTGGTA 420
AA 422

配列番号：920
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1047
配列：
GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60
TATTTGGTCT TCAGTGTTTT AGCCTCATTA GTTCATATTT GGCATGCAGC TTGTGGTGAG 120
TACTGTTCTA GGACTGGCCA AAAATGGGCA AAATGTATCA CTCCAAACAC TACTGATTCA 180
GCATTGTTTT CATGTCTTAA AATTGCCACC TGCACTTTGT TTCTGCACTA TTATGTAGTG 240
CATTTTAACT TAAATTTTTT CCAGCAACAT GTTACTTATT TANGATACAT TACTGATATT 300
TCATTATAAT TANGTTCATC TTCCCTGTGA AACAAGAGAA TTGTAAAATG TTGTGGGAAA 360
ATGATACATA TGTGGGATGC TAATGNAAAT CATAGGTATT TTTGTGTAAA 410

配列番号：921
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1048
配列：
GATCACANTT GANCTGGCAG CGGGATGGCG AGGACCAAAC TCAGGACACC GAGCTTGTGG 60
AGACCAGACC AGCAGGAGAT AGAACCTTCC AGAAGTGGGC AGCTGTGGTG GTGCCTTCTG 120
GAGAAGAGCA GNGATACACA TGNCATGTAC AGCANGAGGG GCTGCCAAAG CCCCTCACCC 180
TGAGATGGGA GCCATCTTCC CAATCCNCCN CCCCCATCGT GGGCATTGTT GCTGGCCTGG 240
NTGTCCTAGC AGTTGTGGTC ATCGGAGCTG TGGTCGCTGC TGTAATGTGT AGGAGGAAGA 300
GCTCAGGTGG AAAAGGAGGG AGCTACTCTN AGGCTGCGTG CAGCGACAGT NCCCAGGGCT 360
CTTAATGTGT CTTTNACAGN TTGAAANGCC TGAGACAGCT TGTTTTGTN 409

配列番号：922
配列の長さ：407
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1049
配列：
GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTTGTGT 60
CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCACTGTT TGTCAGGAAG AGAAAATGGG 120
CTAGTGGAAG CCCAGTCTTG AGTTCTTGTC TTGTTACCAT TTAAAATTGA CATTTAATTT 180
TCAAATCACT GTTGGTGCCT AATCACTNAA GTTATTAATT TATTCTGTTG TATTCTTTTT 240
TTTNAAATNG TAACATATTT ATCCGGTGGG TGGGACAGGA GTGTGTTCAA GTGGGTCATG 300
TTTTTNCTGT GGTGACACAT GGTACAGGCT TGGAGCTTGC AGGTCCCTTT CTACTGTGGT 360
TTTGGAGCAG GNCAATTAAA GTCCACTANG AAATNCACCN CTTTAAA 407

配列番号：923
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01051
配列：
GATCCAGGTT CCTCCAGAAA TAAGATATAC AGATTACTTT GTNATTGTAA GTGGAACTTC 60
TACCCGACAC TTACATGCCA TGGCCTTCTA CGTTGTGAAA ATGTACAAAC ACCTGAAATG 120
TAAACGTGAC CCTCATGTTA AGATAGAAGG GAAGGACACT GATGACTGGC TGTGCGTGGA 180
TTTTGGCAGC ATGGTGATTC ATTTGATGCT TCCAGAAACC ANAGAAATCT ATGAATTAGA 240
GAAATTATGG ACCCTACGTT CTTATGATGA CCAGTTAGCT CAGATAGCAC CTGAGACAGT 300
ACCTGAAGAC TTTCATTCTT GGAATAGAAG GTGATACTTN ATCTGTNACT NCANTGGGNG 360
TTAAAATGTG GATTAAATTN TTTTANTGCA NTGNNGTTAG TCATTTTCAA A 411

配列番号：924
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01052
配列：
GATCAGAGCN TATNTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGNTGCCTG CAGAGACTTT 60
AAAATGTAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAGCTATTC TCATTTAAA 109

配列番号：925
配列の長さ：405
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01053
配列：
GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAACTGAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCCAC TGGGCACCCA GGCATCATCC CACCACATGC 120
CACTCTCGTN TTCGATGTGG AGCTTCTAAA ACTGGAATGA CAGGAATGGC CTCCTCCCTT 180
AGCTCCCTGT TCTTGGGTAA GGAAATGGAA TACTGAAGGG CCCTTCACTG CCTTTGCTCC 240
TCCCATGTTA TGCCCAGCGT TTGATGGGTA GCAGAGAGGA CANANATCAC CACATGGCTA 300
TTTTTCCCNC TGAATNCTGT CTNGNATTGN GTACCTNTCA AGTGTTATTA GTGNATGCTT 360
TNGAAATGAA AAATTTGGGC NACCTTATGG GNAGGGNGTN GGAAA 405

配列番号：926
配列の長さ：405
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01054
配列：
GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTTTGT ATTTGTATTC TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60

AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTCATT TTCTTGATGT CACTATTTGT NGGAGAGTTA 120
AATGGTCTCT NCCCTTTGTG TATCTTACCT AGTGTTTACT CCTGGGCACC CTTAATCTTC 180
AGAGGTGCTA AATTGTCTGC CATTACACCA GAAGGATGCC TCTGATAGGA GGACAACCAT 240
GCAAATTGTG AAATAGTCCT GANGTTCTTG GATTACTTTA CACCTCAGTA TTGATTTGTC 300
CCAGAATTTN CTGGCCTTNC ATGGCANTGA AANTNTTNGG GGGAAAGATT TAANGTATTT 360
NANTTTTAAN GAGTGTGTTA TAANNATANT TGTACTGNNT NCTNN 405

配列番号：927
配列の長さ：404
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01055
配列：
GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTTGTTG TTTTTTGTTT GTTTTTAAAG 60
AATCACCCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG CGAATATTAG TGTTCCAATA 120
AGCATGTGAT TATATTAAGG TGGTGGTAGC GGGAAGATAA TTCTGATTCC ATTGGGAATC 180
TTAGGTTTTC GTAAATTTAT TGGGAAAATA GTTTTTCCTG TACTGCTGAA GTTTCTTTTT 240
GGTAAACAGT ATCTTTCTAA AAGAAAAAAG CATGAAGGGA GAAATTGAGG TGTGTATACA 300
TTTCCTCAAA TGACCAGCAT TGTATTCGTG AATACTGTGT ATCTTGCAGT GAACAGTGTG 360
GAAGCTGTTC ATTTTTCAAT CTGAAGTAAA ATACTTTCAA GAAA 404

配列番号：928
配列の長さ：399
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01057
配列：
GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60
TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA TTGCCTGCAT CTGGGAAATT 120
GCTGAATCGC ACAGCAGTCA TGTCATAATC AGAAAATTAC TGCCAAATAA TTGTAAAATT 180
TGTAAAGTAT AAAGTATATA AAGTAGATAC TAAATACAGN CACTTCANTA TTTTGTTGAA 240
GCTATTGACT GTACANTTAG ACATTTTCAN ANGGGTGTAA TTTATTTANN GTTGTCTCAT 300
TTTGGTAAAA TTTATGTGAA CTTTTAAAGC TAANTATTAA NCCTTAATAT GCTATGTAAA 360
TNTTTTCCNT NTATACCATT TNCTGGTGGT NTTTTTTTN 399

配列番号：929
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01061
配列：
GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60
CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC TGGGAGGCGG GCAAAGCCGG 120
CCTGGAGGAG TGTCTGGTGA CTGAAGTACA GGTCGTGCAG AAAACTTGAG ACTGGGGTTC 180
AGGGCTTGTG GGGGTCTGCC TCAATCTCCC TGGCCGGGCC AGGCGCCTGC ACAGACTGGC 240

TGCTGGACCT GCGCACGAGC CCAGGAATGG ACATTCCTAA TGGGTGGTGG GCATGGGAGA 300
TGCCTGTTTA ATTTCGTCCG AAGCTGCCAA GGAAGAAGAC CAGAACTTTG TGTGTTTATT 360
TCATGATAAA GTGATTTTTT TTTTTTTTNA ACCTAAA 397

配列番号：930
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1062
配列：
GATCCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60
AGTCACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC TTCAAGCGCA TCTCGGAGCA 120
GTTCACTGCC ATGTTCCGCC GGAAGGCTTC CTCCACTGGT ACACAGGCGA GGGCATGGAC 180
GAGATGGAGT TCACCGAGGC TGAGAGCAAC ATGAACGACC TCGTCTCTGA GTATCAGCAG 240
TACCAGGATG CCACCGCAGA AGAGGAGGAG GATTTCGGTG AGGAGGCCGA AGAGGAGGCC 300
TAAGGCAGAG CCCCCATCAC CTCAGGCTTC TCAGTTCCCT TAGCCGTCTT ACTTCAACTG 360
CCCCTTTNCT NGTCCNTCAA GAATTTNGTG TTTTGCTTGC CN 402

配列番号：931
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1063
配列：
GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60
CATTNTTTAC TCTCTTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA TGACAGTGGG CACCTTCCCC 120
CAGCCCTGGN TGGGCCCAGC GCCTNTTTTC TGTGTTAGAA AGGTTTTATA TATATATAAA 180
ATTACATATA TATGTAGAAA TATATGTAAT NTTGGGGGCC CTGTTCCTTG CACATTTTAC 240
AGTTACCTCA TTTTTNCCCA TGTATGTATT TGAGAAAATG CTAATATATA GNGAAAAAAA 300
TGGGTTCTTA AAGCTNAAAT GTGNGGTTTT TNCCATTCCA GGGGNTCACA TTNGGTTTGN 360
GGCATNGACN ATACCTNGTA TGTCGNNNTA TAAANN 396

配列番号：932
配列の長さ：394
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1064
配列：
GATCCGTGGA TTTTTGGTGC AATTCCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60
TTCTGTTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT TGGACTTAAG AGATATTCAT 120
TGGCAGCTCA AAGACTTCCA CCCTGGAGAC CACACTGCAC ACAGTGACTT CCTGGGGATG 180
TCATAGCCAA AGCCAGGCCT GACGCATTCT CGTATCCAAC CCAAGGACCT TTTGGAATGA 240
CTGGGGAGGN CTGCAGTCAC ATTGATGTAA GGNCTGTAAA CATCAGCAAG NCTTTATAAT 300
TCCTTNTGCC TAANTTGTAA AANGGGGGNC TGCATTCTTG TTGGAAGNAT GNACTNTNTT 360
TNNGGAAAAC CACATTTTTA AAANTTCCCG TAAA 394

配列番号：933
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01065
配列：
GATCCACAGG CTTTTGTACT CAACGCTGAC AACAACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT GCAGTCACTT GCCCAAGGTC 120
ACACAGGGCC AGGGGTTGGG CCAGGATTCG AAGCAGGCAG GCTGTCTCCT GGGTCTGAAC 180
TCTCAACTAC TACACCCTAA TCAAACAATC CCTCTGGTCA AATGTGAGTG ATAATAATAG 240
TACCCACCTC GTGGGTGTTG AGGGTGAGCC CAAGTTAGCA TTCAGCGTGG GCATGTGAAC 300
AATTATAGTC AATATTGANT GGAGACCTAT GATGCTTTTA TGAAGGTTTC TATTTTGGGT 360
TAAAAAATGC ATAAAATTTC TCCTGACCAG AAA 393

配列番号：934
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01066
配列：
GATCACCTTA AGTGAAATNA TTTNCCTTTA ATCTTTNATG TATTTATTCA CTTTTGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG AGCTCATATA TAATANTTCT 120
AATGTCCCAC CTATTTTCAC TTGTCCATTC CATGTACCAG CTTAGTTATG ATANNNNGTC 180
ACATAATTAT CTTTGATAAA GGTAGAGGCA CAAAGAGGCA AACTAAGCAA GTCAAATTCT 240
AATGTGTGTA CTTCATAATA ATTTTTTATC CATTTTCATC TTTATATTCT GTAACATGAA 300
NCTTACCTAA TCTTCAAATG TTAGCTTCCA TTTTTTACCT TTGAAATACT TAAATCTTTC 360
TGGANTAAAT ATAATGGGGC CTNTAAAANT AAA 393

配列番号：935
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01067
配列：
GATCCTGTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTTCATGG TTTTAATTTT 60
NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG CACTTGTTTA AAAGANTTAG 120
TGTATCCAGC CTTCACTCCA GCTGGTTAAA AATGTTGCAC TTATCAGCAA CCNNACCACT 180
TTCATCTGCT GAAAGGNCAA ATGTGCTTGG TTTTACTATT ATGTAATCAC AACTTTCTTT 240
TNTGCTTGTA GTTGCTTAAA ATTATGTATT TGGTCTNGGG CTGCAATTTG GTTTNATGCT 300
NTATNTGATT ATTACNGCAG TAGGTTGCCT NTCCNGTATG GGAAAAATAA AGTGGAATNG 360
CCCNAATTAA ACCNCCTCTN TCTTAAGGTA AA 392

配列番号：936
配列の長さ：391

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01068
配列：
GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
TGCCTGGACT GTCCCCTGTC CCCGCATCTC CCCTGGGACC AGCTGGAGGG CCACATGCAC 120
ACACAGCCTA GCTGCCCCCA GGGAGCTCTG CTGCCCTTGC TGGCCCTGCC CTTCCCACAG 180
GTGAGAAGGG TCCTGTCCAC CAGCACACTC AGTTCTNTTC CCTGCAGTGT TTCATTTNAT 240
TTTAGCAAAN ATTTTGCCTG TTNNTGTTNA AACATGATAG TTGATATGAG CTGAACCCCT 300
GGGTTNGGNG GGAATTGGTC AGAGTGGCAA CCTGGGACTG TGAGCCCTGT TCGGNACAGN 360
NTATGGATAT GAAAANTCTG NCCNNNGCNA N 391

配列番号：937
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01069
配列：
GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAAACTG CTGTCTCTTG TTTTNTTCGT TTTGGGGGTG 60
GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTTGTAAAGT GATGTGTGTC TCTGATTTAA CGGATTCACT 120
GTTTTCTCTG CTAATTGAGA GAGCGTTATT TACATTATTT ATTTGTTTTG ACACAAGTNC 180
TTTCAGTGTT TTATCCTAGC TAATGGCTTC TTAAAGGTAA TAAAACCCTT CCAACGTAAT 240
TGGTCAGATA AAACTTTTTT CCTTGTATGC TTAAATAAAG CAATTAGTGA AGCACTTCTA 300
TCCAAAATGA CTTTTTTGTC CTTTTTTAAA ACCAATTTAC TGTTACTGGA AACTTTGTAC 360
AATAAAGCAA ATCACGCAGA TTAANGGAAA 390

配列番号：938
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01070
配列：
GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNNGCA ATAAGTGTAC TAAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN CTGTCTACAG CTAGAAGCTG 120
TGCCCCAGTT CCACATTTGA TTACACATGT NAGATTTGCT GCTGTTGCAG TATAAACACT 180
AGGTATAATA GGATTTGAAA TTGCATTACA GTTCATAAAA NTNGAAAATG AGGAATTAAA 240
CCNGCAAGTG AACATTTGAA CGNTTATNCT NTCTACATAA GACATGGTTG GGACATCAGT 300
ACTNACAAGA TGGTTTANGT ATGGTACTAG NGNANTTAAG NTTTCTTTCT CTCTGGTTTA 360
TNGATNGGGT TATTTCCATT ATGTATTNN 389

配列番号：939
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01071

配列：
GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTCC TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60
ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA AAAACAAACA CAGAACTGTT 120
TCAAGTACTC AAGACTGACT TACAGACCAA CCAACCACCT TGCTGGAACC CTTGCTAGCA 180
GGCATTCTTA TAAAAGAAAC TTTCGAGCCT CCTTATATTG CTGGAAACTC AGCTGTGCTC 240
CAGACTAGAG CCTCCTTACC TATGCTATGG ATTTTTAATT TATTTTCTCT TATTTCATGT 300
ACACTGCTTT TTTTGGTTAC AGTGTATGAT GGATGTGTAT GAAAAAAATG TATCTTTGGG 360
GAACCAATTA CAGTTTTGTT AATTTGGAAA 390

配列番号：940
配列の長さ：543
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1072
配列：
GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGAGCAGAAA ACAAAACAGG TTAAGAAGAG 60
CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC ACAATAAATA GTGGCAATAT 120
ATATATAGTT TAAGAAGGCT CTCCATTTGG CATCGTTTAA TTTATATGTN ATGTTCTAAG 180
CACAGCTCTC TTCTCCTATT TTCATCCTGC AAGCAACTCA AAATATTTAA AATAAAGTTT 240
ACATTGTAGT TATTTTCAAA TCTTTGCTTG ATAAGTATTA AGAAATATTG GACTTGCTGC 300
CGTAATTTAA AGCTCTGTTG ATTTTGTTTC TGTTTGGATT TTTGGGGGAG GGGAGCACTG 360
TNGTTTATGC TGGAATATGA AGTCTGAGNC CTTCCGGTGC TGGGGACCAC ACANGNGTTN 420
GTTGNAAAGT TTGACCAAGN AGNCCTGCGC ATNNNCTCTG GATGCCTNTG GTATCCATTC 480
TTNGANGCAA TCCGCTCGGG NCCCGTGGGC CCAATAAANC NGGTATTTNT CCCAANGGGG 540
AAA 543

配列番号：941
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1073
配列：
GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATTT ACATGGCATT GTGGTGGAAC TAGTTAACAC 60
TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG ATTAAATGTT TCAAAAGATT 120
GTGTTCTTCA AA 132

配列番号：942
配列の長さ：387
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1074
配列：
GATCAGCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60
AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC ATTTAGTATG GCATTGAGTT 120
GTGATATAGT TTTACTTTGA TGTGCATTTT GAATTTCAGC TACACCTAGA TAGACGTAAA 180

ATGATAATTA AAATGCTGTA ACCAACTTAT CTAATAAAAT TGGCAACCAG CCACTATTTT 240
GTTGACTATG AGAAAGTTAA AAGTTTATGT TAATTTTTNG GGTCTGATAG AATATTTCAT 300
GTGTATTACA GTGGTATTCA TATGCTATGT CTCTAAACTT TATTTTCAAA AGCTTANGGC 360
CCANATACAA NCTTCTCTGG GNNTAAA 387

配列番号：943
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1075
配列：
GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60
TAAGTTTGCA TGAAAACTGC ACTTTATTGC AAGTNAGTGT TTCTAGCATT ATCCCATCCC 120
TTTGAGCCAT TCAGGGGTAC TTGTGCATTT AAAAACCAAC ACAAAAAGAT GTAAATACTT 180
AACACTCAAA TATTAACATT TTAGGTTTCT CTTGCAGATA TGAGAGATAG CACAGATGGA 240
CCAAAGGTTA TGCACAGGTG GGAGTCTTTT GTATATAGTT GTAAATATTG TCTTGGTTAT 300
GTAAAANTGG AATTTTTTAG ACACAGTAAT TGAACTGTAT TCCTGTTTTG TATATTTAAT 360
AAATTTCTTG GTTTTCATTC TTTAAA 386

配列番号：944
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1076
配列：
GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTCAC TGTTCACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60
GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT CACCAAAATT AAATTATGTT 120
TTTCCGCTAA AATGATGATA CAAGTTGAAG ACACATCACT CTGAAATTGG AAGACCTCAC 180
CACTTAAGGC TCCACAGTGG CTTACTCAGC TGAACTCTAG GTTACTACTC TTTACTTTGT 240
TCACCCATTG GGGGGTGCAG TTTTTTTAAA ATGTTGGGAG ATGGCCATTC TAACTACTGT 300
TGAATGTCTC TGTTTTGGGA AGGTATAACA NGAANTAAAA ANGNNTATAT ATGANGGGAG 360
AGNCTGGTTA TCTCCTCCCC AAA 383

配列番号：945
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1077
配列：
GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60
AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG AGCGACCTTT GGCTACGTGG 120
CTGGCCTTGT TATTTCACCA CTCTGGATAT ACTGGAATAG AAAGCAACTT ACATACAAGA 180
ACAATTAACT GGAGCAAAGG GAGATATTTC TTTGTGCAGA TTCTGTAAGG GCTGGGCAGA 240
AATGTGTATG GTCAAAGCCA AGCAGTTCCA TTTACAGCTC TGTTTTTTAC GTAGTTACAA 300
CATGATGTGA TTGTAGCTTT TTAAACTATG AAACCCCTGA GAGATTGTAC CTTCCTAGTT 360

GAAATAAAGT ATTTATAATA AA 382

配列番号：946
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1078
配列：
GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNNCAG ACGGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA GGGCTTTCNN TTTCCCNTTC 120
TTCCGGTAGG CCGCGTAGAG GCATGCACCG GGTAGGTTTC CGCGGTGACC CCGCGGCGGC 180
CTGAGGGACG CTCCCTGCCC CATCCCGGCT GTTGGGCTGG GCCGCTTTGC CTCTGCTTCG 240
NCCTGTGCTG TGTTCTCCAG CTTTGTAGCA GCAGCTTGAC AAACCCAGGC GCACTGTACC 300
AAGGCAATGT AACTTTTNAT TTTCGGTCAA TTTAAGTTCT TTTTGTCACC AAATATTAAT 360
AAACCAGTTT TGGACTTNAA A 381

配列番号：947
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1079
配列：
GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACTTT NCTTTCTGAA GGTTTTGGTG TACATTGAGC 120
CCCAGAAGGA AAGGAGAGTA TCTGTGAGTG GGGGCCTCCC TTGACCCCAG TACGAAGTCT 180
ATGCCCTGAA TCCCCAGAGT AGCCCTTCCT GGTGCCCAAC TGGCCTGGGG ACAANCAGCG 240
TCCACTACAT CTAGGCTGCC GGCTAAGTGG CACACTTCTT GACCTCCTAC CAGGACTTTG 300
GTAAAAGCTA GCTTTGGGGA GGGGTGGGTT AAATATGAGA GGTGGAGGNG CCANTGGTAG 360
AATAACATGG GTAGACTAAA 380

配列番号：948
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1080
配列：
GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTTN NNNNCAGAAT TAAAACTGCC 120
CTTAATTTTA ATATACCTTT CAATCGGCCA CTGGCCATTT TTTTCTAAGT ATTCAATTAA 180
GTGGGAATTT TCTGGAAGAT GGTCAGCTAT GAAGTAATAG AGTTTGCTTA ATCATTTGTA 240
ATTCAAACAT GCTATATTTT TTAAAATCAA TGTGAAAACA TAGACTTATT TTTAAATTGT 300
ACCAATCACA AGAAAATAAT GGCAATAATT ATCAAACCTT TTAAAATAGN TGCTCATATT 360
TTTAAAAATA AGGTTTTAAA 380

配列番号：949

配列の長さ：399
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1081
配列：
GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60
ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA TTGAATGTAT ATAAGTGGCA 120
AAACTAGATT TTTAAGGAAG TGTACATTAT AATATTGGAG CTCAGTACTG CATGANGAGA 180
CTTCATTAAA ACTAAGAAAN CATTTATTTG GGGAGAAATT TTAGGCATTT AAGANCTTGT 240
ATTTTTCTAT TTTAAAAAGT TAAATTATTC CGTAATTTGG ANGGAAGTTT CGTTGAATGT 300
AGGCCATAAC CGTTTGANGG GTTTTCCTTT GGANAACTTG GTGTNTTTNG GTGCCCTTAN 360
TATTTTGGTC CTTTTAATAA AAATGCNCCT GNATTTTCN 399

配列番号：950
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1082
配列：
GATCAGGCCC TGGGCCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60
GTGCTTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT TCCTCCTGGC TCTCTATATA 120
CCTGTGAATA TGTGAAATAG TGTAAATATG AAAGAACTTG TACCTATCAC TTCAACCCCT 180
GCCTTGTACA TAATACTATT CCATCCACAC AGTTTCCACC CTCACCTGCC CCNTCATACG 240
GAGTTGGATG GGGGCCGAGT NAGGTAACCA GGTGGCATCT ACCNNATGTT TTATAAGGAA 300
TTTTGTACAG TCTTNGTGAA ATAAAATAAC GTGCTTCATT TGNAAAAATN NNGTTNNNTT 360
TNTNTTTNNT NGNGGGTTN 379

配列番号：951
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1083
配列：
GATCTAGTAG AAACTAAGGG ATGGGAAAAA CCTTTTCATT TTTCATCTNC TTTCCAACAA 60
TATGAATTTC TTAGTTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG GGCTTTAGGA TTTAACATGT 120
AGTGATGAGT TCTGTGTGTA TTTTAATATT TNACTCAGGA TTCCTATTAA TTGAAAAAAA 180
TTTTTAACTT TTTTATTATA AATCTTTTTT TCAGGGAGGN GATATCACCA AACATGATGG 240
AACAGGCGGA CAGTCCATTT ATGGAGACAA ATTTGANGAT GAAAATTTTG ATGTGAACAT 300
ACTGGTCCTG GTTTACTATC CATGGCCANT CAAGGCCAGG ATTACCAATA ATTCNTCATT 360
TTTGTTATAC CACTGN 376

配列番号：952
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1084
配列：
GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
TGTAAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA GGGCAATAAT AAGGTGGAAT 120
TTNCAGGTCA GCCCAGGAAT TGGCAGAGGA AGTAGGTGTC TGATAACCCT TTGTGGAGAA 180
TGAGATTCCC CCCACCTGTG TGAGAAAAAT AAACAGCTCT GGAGTCTTGT NCCTGACTCC 240
AGAGGAACGA GAGCATTCCA GGAAAGAGAG ATTCCCTGGA AAATTGAAAA TGTGAATCCT 300
AGGGGGAAAT TGGGGATTGT NTCTTTCCCT GTTGAAAATG TTTNGNTGGG AATAAATATC 360
TTCAGGAACC ATAAA 375

配列番号：953
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1085
配列：
GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTTAACA GTGAGGTTGA 60
TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAAACA GAAAATTATT TGGTGTGGCC 120
ATCTTACCTG CTTATGTCTC CTACACAAAG CTAAATATTC TAGCAGTGAT GTAATGAAAA 180
ATTACATCTT ACTGTTGATA TATGTATGCN CTGGTACACA GATGTCATTT TNGTTGGTCA 240
CAGCACTACA GTGAAATACA CAAAAAATGA AATTCATATA ATGACTTAAA TGTATTATAT 300
GTTAGANTTG ACAACATAAA CTACTGTNGC TTNGAAATGA TGTATGCTTC AGTAAAATCA 360
TATTCAAATN TAAA 374

配列番号：954
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1086
配列：
GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCCTG 60
TATTGGAATA TNATGCTAAG GGGTTACTGG GGAGGACCAG CGTTTCTNCG CAAGTTGTTT 120
CATCTAGGNA TGAGTTAAGN ATGGCTCAGC ACTTGCTCAT CTTGGATGGC TTCTGGGCCA 180
AAACTGCAGT CACTGAATGA CCAAGAGCAG CACGAAGGAC TTGGAACCTA TCCTTGTAAA 240
GAGTTCCTTG ATGGGTAATG GTGACCAAAT GCCTCCCTTT TCAGTACCTT TGAACAGCAA 300
CCATGTGGGC TACTCATGAT GGGCTTGATT CTTTGGGAAT ANTAAATTGA AATANTACTT 360
TTNTTTTCTG AATAAA 376

配列番号：955
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1087
配列：
GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60

TGAACCCCCT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT GGCCCCTCAC TGCAGCTGCC 120
AGCACTTGGT CAGTCACTCT CAGCCATAGC ACTTTGTTCA CTGTCCTGTG TCAGAGCACT 180
GAGCTCCACC CTTTTCTGAG AGTTATTACA GCCAGAAAGT GTGGGCTGAA GATGGTTGGT 240
TTCATGTTTT TGTATTATGT ATCTTTTTGT ATGGTAAAGA CTATATTTNG TACTTAACCA 300
GATATATTTT TACCCCAGAT GGGGATATTC TTTGTAAAAA ATGAAAATNA NAGGTTTTTT 360
NAANTGGNAA A 371

配列番号：956
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01088
配列：
GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGGCA GGCACCCCCT GAAGTACTTC 60
CTTCAGGGTT TCCCCTTTGT NAGGGTGTCG AGTAGCCTCA CCGGCCTGTN TGGAGGAGCA 120
GCTGGCTCTG CTCTGAGAAA CTCTGGCAAG TGGACGCCAT TCTNTTGCCC TTAGGATTCA 180
CTGCTCTCTC CTACAGCCGC CAGNCCTGGG GTCCTGAAAG ACCTTGGGTG GTAAAGCTGT 240
ACTTGGTGGG AGTNAGGGCG TGGGGAGGAA CCATGCAAAT CGCCTTCCAT GGGTTTTTAA 300
NTGCAGTAAA TAACATTTCT GGATGAGACT NGTTTCCAAA NTAAACCNNG CTATTATCTG 360
TTTTGAAA 368

配列番号：957
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01089
配列：
GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAT GTCTCGCCCA GAGAACTGCC CAGAGGAGCT 60
CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAAA CCGTCCGGAG GAGCGGCCGA CCTTCGAATA 120
CATCCAGAGT GTGCTGGATG ACTTCTACAC GGCCACAGAG AGCCAGTACC AACAGCAGCC 180
ATGATAGGGA GGACCAGGGC AGGGCCAGGG GGTGCCCAGG TGGTGGCTGC AAGGTGGCTC 240
CAGCACCATN CGCCAGGGCC CACAACNCGN TTTNCTACTT TCCNAGACAA CNACCNTCGG 300
TTTCAGGCCA CAGTTTTCTT CATCTGTCCA GTTGGGGTAG GTTTGGGACT TGGNAAAATN 360
TTTTTTTTN 369

配列番号：958
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01090
配列：
GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60
AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC GATGAATAGC TAACTGTTCC 120
CAAGTGTTTG CTATGTGCAA CACACCGCGT GAGAGTGTTA CCTGCATTAT TACATTAGGC 180
TGAGAGGTAA AATAATTTGC CCGAAGACAT ACAGCTAGTG ACGAATGGAC TGATGGTTTG 240

AACTTAACGT CTATTTGACT TAAGGTCCTG CACCCTGCCA CTTGTAATTT TCAGANTCAC 300
TGATAATCTG AAATAATGCA GCTTAAACCA TGTTTTCTTA ATTAAAAGTA TAATTGGATG 360
GTGAAA 366

配列番号：959
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1091
配列：
GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60
AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG TAAGAAAACT GTAAAATTCG 120
AGCCATATAA ATAAAACCTG TACTGNTCTA GTTGTTTTAA TCTGTCTTTT TACATTGGCT 180
TTTGTTTTCT AAATGTTCTC CAAGCTATTG TATGTTTGGA TTGCAGAAGA ATTTGTAAGA 240
TGAATACTTN CCTTTAATGT GCATTATTAA AAATATTGAG TGAAGCTAAT TGTCAACTTT 300
ATTAAGGATT ACTTTGTCTG CCCACCACCT AGTGTAAAAT AAANTCAAGT AATACANTCT 360
TAAA 364

配列番号：960
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1092
配列：
GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60
CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG CCCAATGACA GGACCTGGAA 120
TGTACTGGCT GGGGTAGGCC TCANTNAGTC GGCCGGTCAG GGCCCGCAGC CTCGCCCCAT 180
CCACTCCGGT GCCTCCATTT AGCTGGCCAA TCAGCCCAGG AGGGGCAGGT TNCCCGGGGC 240
CGGCGCTAGG NTTTGCACTA ATGTTCCTNT CCCNGCGGGT GGGNGCGGGG AAATTCATAT 300
CCCCTGTTTC GTNTNATGTT GTGTCNNNCG NNCCCAAATT TAAAAAGGNA ATTTNAAAAN 360
GGTN 364

配列番号：961
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1093
配列：
GATCGAGGGG CGGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60
AAGCCTGGTT CTCTTTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG AGCTAAACAA GNCTTGGTGA 120
CTNTTGTTGA TTTGCCTCAA AAGTTTTAAG TCCTGGGTTT TCAGACTACT GTGTAGCAGC 180
TGTGTGTTTA ACATACTGTA GCTTTTTCTC CCTTGGGGGC ACATACAAAT AGGATGTGTT 240
GATGTGGACT CTAAACTGTA ATTTTCCTGT AACTATTTTG GAATGATGCA TATTTCTAAT 300
GTTTGTTATA CTTGTACAGA GTATTTGCTG TTGGTTGCTT TTTTTTTTTN TTCANNGGGA 360
AA 362

配列番号：962
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01094
配列：
GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACCTT TGCCCCTAAC 60
ACGAGGAACT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA TTTGCCACCT GGATGAAGGC 120
AGACATCAAC ATGGGTCAGC ACGTTNAGTT ACGGGAGTGG GAAATTACAT GAGGCCTGGN 180
CCTCTNCTTT CCCAAGCTGT GCGTTCTGGA CCAGCTACTG ANTTATTAAT CTCACTTAGC 240
GAAAGTNACG GATGAGCAGT AAGTAAGTAA GTNTGGGGNT TTAAACTTGA GGGGTTCCCT 300
CCTGACTAGC CTNTNTTACA GGANTTGTGG NAATATTAAN TGCAAATTTA CAACTGCAAA 360

配列番号：963
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01095
配列：
GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60
TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA TAGTACATCT GGACCTTCCC 120
TACCTGGGCT CTGGGGAGGC TGTGGGCCTG GAGAGGGAAA AGGAGGGAGG GGGTGTCTGC 180
ACCACCTGGG AAGATAGCAC AAGGCCTAAT GAGGTCACCC TGACTCCCCA CCCCAGCATT 240
TCATTCATAC CAGATAATAG CTGCATTACT GCCANCTGAC CTTATAACCC TCTGCACCTT 300
CAAAAAGGTT CATGGTTTTT AATTGCTGCT TTTTAATAAC ATTTTGTTNA AGNTTAAA 358

配列番号：964
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01096
配列：
GATCGGCCCT ACTAAGATGC AGAGACCCCG NCAGAGCTNG CATTGACTAC CAGATTTATT 60
TTTNAAACCA GAAAATNTTT TAAATTTATA ATTCCATATT TATAATGTTG GCCACAACAT 120
TATGATTATT CCTTGTCTGT ACTTTAGTAT TTTTNACCAT TTGTGAAGAA ACATTAAAAC 180
AAGTTAAATG GTAAA 195

配列番号：965
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01097
配列：
GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTTGAAAT GGTTGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60

AACCATGATT AGGAACTGAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA GGAGTTAATG TAACAAATTA 120
TTTTAGCTAC AAACCCCGGT AATAGAGCAC TTGGGGGATG GGATGGGGTG GGTTGGTGAG 180
ACAATCAGAA TGGTAAATTG ATTAAATGCT CCTAACCCTG TAATTTTGTG CATAGAGCAC 240
CCTATGCTGT GGAAATAACT GTTCTTAGAT TTCATTGTAA CTGGACTGTT CAGGTTGCCC 300
AGAGGGAAAG ACCATTCCTA ATTCTAATAA AATAACCTTT TATTTTGTTA TTCAAA 356

配列番号：966
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01098
配列：
GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AATATGGGGT 60
TGGTGTTCTC ATCTAATCAA TACCTACAAG TCATCATAAT TCAGCTCTTG AGAGCATNCT 120
GCTCTNCTTT AGATGGCTGT AAATCTATTG GCCATCTGGG CTTCACAGCT TGAGTTAACC 180
TTGCTTTTCC GGGAACAAAA TGATGTCATG TCAGCTCCGN CCCTTGAACA TGACCGTGGC 240
CCCAAATTTG CTATTCCCGT GCATTTTGTT TGTTTCTTCA CTTATCCTGT TCTCTGAAGA 300
TGTTTTGTGA CCAGGTTTGT GNTTTCTTAA AATAAAATGC AGNGACATGT TTTAAA 356

配列番号：967
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01099
配列：
GATCTTCCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60
ACAAGCTAGC TATTAGAGGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA TAAGATTTCA GGGTGTCTTC 120
CAACTGAAAT CTCAATGTTC TCAGTACGAA AAACCTGAAA TCACATGCCT ATGTAAGGAA 180
AGTGCTATTC ACCCAGTAAA CCCAAAAAAG CAAATGGATA ATGCTGGCCA TTTTGCCTTN 240
CTGACATTTC CTTGGGAATC TGCAAGAACC TCCCCTTTCC CTTCCCCCAN TAGGNCCATT 300
TAAGTGTGTG TTAAACANCT ACAGNATACT ANNTAANAAG TTTGGCCAAN NCCAAA 356

配列番号：968
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01100
配列：
GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTCAG ATGGTCATCT 60
GGATTCTCCC ACTTCTCTAC TCCATTATTT CTCTACTTTT CCTTCCAGCA NACCTGANNC 120
GTGAGGGAGA TGGATTAATG TGAGTAACAG GAATGTGTCT TTAAAAAGCT AGAGTGGTTA 180
CATTTAATCA GGCAGTAAGA TAATTTGGGT TCTTGAGTTG TTTTGGNGTA ATATCCCACA 240
ACTGGGGTAG GAAGCTCAGG ACTTTTTTNT TTAAAGCTAG TCATTTCAAA AGCATATTGT 300
ATTTTTTTGA NTGACTACAG TATGCCCAAN TTCAANANCC AAANCCCNCT TTGGGN 356

配列番号：969
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1101
配列：
GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TTACTTCCTT TCTTCTGGGC TGTGAACTCA AGTGCCTTGA 120
GGGCCAGCTA AGAGCTTTTT GGGATATTTG TCTAACTTAA TTGAACTGTT ACTGAAAGAT 180
AAATTAACAA AATGGTTCAG AGTTTTGGAT TAAGACCTTT GTAACTAACT GACCGTCAGC 240
ACAGGAGCTT CGGTTTCCTT CTCTGTAAAA CAGGGCTCCT CATTCCAATT CCACCTATCC 300
TGTAGCCTTG TGGGAATAAA AGGAGGCACC ACGTGGAGGT GCTTGGCAGG NTGAAA 356

配列番号：970
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1102
配列：
GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA GGCTGCTTCT TTTTATATGT 120
GCAGGGCCCG GGCGGGTGAA GGGTCAGAGA GACGGACACA AGGAGCCGGC AGGAGNGCGG 180
ANCGAGGATG TCCTTTCCCG GGAGACAAGT CGGGAAAGCC TGGCTGGACT GCCTCAGCCC 240
CGNGTGANTC CTGGNCTNAA GGNTTCCCCG TCCTGAGCTC GGGAGATNTT CAGAGTCACA 300
CTGNCGNCCT GTCTTGCCAC GGAGAGGTCA ACTTGCCACC GGNAGTNCNT GGTAN 355

配列番号：971
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1103
配列：
GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GGCGGTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATTNNTT TTTNCAATTT GGCTAATGAA GGGCAACCAC CCAGAACCCA 120
GAAAATNCAG ATTCACTCAG TTTAATCTTG AATGTGGAAA CAGTTCACCT CCTCCCTTCA 180
TCACGTCTCC GTGTGCTTAG AGCAGTTTCG TTTTCTCAGT TGGATGCCCT GTGTCTCTGT 240
GAGTGGGGTG GAGCAAAGGG AACCAATGCC GAAGACCGAG GGCAGGGGAG GGGAGGCGGG 300
GGTNGGACAG NGAGGCAGCT TGTGAATTTT TGTTTTACTG TTTAACTTTA TTAAA 355

配列番号：972
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1104
配列：

GATCNTAGGC TGGGGCCAAC TGGAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCCTCCGC 60
TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA CGAAATGCTT GCTCAGGCTC 120
AGAGGGACCT CACCCCTGAG CAGGCTGCAG AGAGACTAAG GGCACTTCCT GAGGTTCATT 180
ACCACCTGGG GCAGAAGGAC AGGGAGACAG CAACCATCGC CTGACCACGC CGACCACAGG 240
GCCTTGAATC CTTTTTTGTT TTCAACAGTC TTGCTGAATT AAGCAGAAAG GGCCTTGAAT 300
CCTGGCCTGG AATTTGGGCA GATATAGCAT TAATAAAACT GTGCATCTCA AA 352

配列番号：973
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01105
配列：
GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60
GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA TGAACACCCC TGACTCTGGA 120
GTGGTGTATA CTGCCACATC AGTGTTTGAG TCAGTCCCCA GAGGAGAGGG GAACCCTCCT 180
CCATCTTTTT TGCAACATCT CATTTCTNCC TTTTGCTGTT GCTTCCCNCN TCACACACTT 240
GGTTTTGTTC TATCCTACAT TTGAGATTTC TAATTTTATG TTGAACTTGC TGCTTTTNTT 300
TCATATTNGA AAAGATGACA TCGGCCCCAA GGNGCCAAAA NTAAAATGGG ANTTGAAA 358

配列番号：974
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01106
配列：
GATCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTTCATCTGT TCAGTCATCT 60
CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTTGT TGGGCAATAT GAAATTNTTA AAGGAGTAGA 120
ATACCAAATG ATAGAAACAG ACTGCCTGAA TTGAGAATTT TGATTTCTTA AAGTGTGTTT 180
CTTTCTAAAT TGCTGTTCCT TAATTTGATT AATTTAATTC ATGTATTATG ATTAAATCTG 240
AGGCAGATGA GCTTACAAGT ATTGAAATAA TTACTAATTA ATCACAAATG TGAAGGTTAT 300
GCATGATNGT AAAAAATACA AACATTCTAA ATTAAAGGCT TTTGCAACCA CAAA 354

配列番号：975
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01107
配列：
GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTTA AAANNANAAA TATTTTTAAC ATGGGTTTCC 60
TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT TAAGAATAAT TGAACAATAA 120
AGTTTGCTTT CAGATGCAGT TTTCAAATTA TAATCTCATT TCAATTTATA ACGTTCTCAG 180
TCCTTTGTTA TAATTTTCCT TTTTCATGTA AGTTTAATTA TCTGCATTTA TCTTTTTTCC 240
TAGTTTTTCT AATACTAATG TTATTTCTTA AAATTCAGTG AGATATAGGG NTAAAATAAT 300
GCTTTGAGGA GNATGTTTAA TAGGAAATTA AAATAACTTT TTCTGGCCAA A 351

配列番号：976
配列の長さ：420
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1108
配列：
GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTNA CTGTNTACAT 60
CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA AGAATAGAAC CTGTACCCAG 120
TTCTTCAGGC TGATTTCCCT GACCTCTTGG GCATTTGTAT TTGTAGTAAA GTATTGCAGA 180
GATTCCTAAG TNTTTTATAG CAGCCATCAA ATTTGGACTT TGTATTGTTT ATTCATAAAA 240
GACACTTGGT AATAGACTTC AGTGAACTCT GTATGAATGC AGTAGTGTGC GTGCAAAATC 300
CGCTTCCTGA GCGTAGGGTG CTGAGCTGGC GCTAGGGCTC GGTTGTTGAA ATACAGCGTA 360
GGTCAGCCCT TGCGCTNAGT GTAGAAACCC ACGGTCTTTA AGGTTCGGGC CTTGGTCCAN 420

配列番号：977
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1109
配列：
GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGGC TTTTCCATTG ATAGAAGCAG 120
TTTGGGATTT GTAGTTGCGA CTTCTTCGAT AGTTACCTGC ACGTCCATTG CTGGCAACTG 180
ACTTGTCATT AAAACCTGGC TCTTTGGTTA AGGGAGCTAC GCTGTGGTTT ATTCTTAAGT 240
TACGTGGATA AACTAACCTC TAACAGAAAT ATACTTTGGT TAATTTTGAA ATGTGTCATT 300
TTTAAACAAT CTTAAAAGTA ATACAGAATT GTGATTTATT AATTTTAAA 349

配列番号：978
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1110
配列：
GATCAGAGTG GGTTAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTTAAC CCCTTTTNCT TTTTGCTTTC 60
ATTTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC CCATGCTACG TGATTCTTTA 120
TGTTGTGTTG TTTTGTTTTG TAAATTGTAT AATTTTTAAA TATCTGAGTT TTAAAAAAAG 180
AAAAAAGTAC AAAAAAATCT TGTTATGGCC TTAAGAAGGG NNTAGTGCAT CTTTCAGGGG 240
TCACTCTGCC ATGGGGATAA AATAGCTGTT TCACAAACAG TTTTATTTAA AAAANCAANN 300
ACCANNAAAN ANTCAAAATN TCATGNAANN TNTTNAACCT TCATTTTNN 349

配列番号：979
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1111
配列：
GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAACGGC CTTCATTCTT GGTTGTNAGA TTTTATTTGA 60
TATGCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCCC GCTTTGGGCT GTGGTGCCTG TGTATCTTTG 120
CCCGTCTGGT CTCCAGTTGG TGGAATNACC TTTTTTGTAC TGCCACTTCT CAGCATCTTT 180
NAAATTTGAC ATAATGTTGC TTCATTTCAG TTTTTTAAGT TCTGTAATTT GTTGATTGTA 240
TTTAACTATG TNAGTTCTGT TGTNATGTTT ACTGTATTGT AAAGCACCTC ATTCATGTNA 300
TGAGTGCTCT ATAAATCAAT AAATGATGAC TTAGAGGGCT GTAAA 345

配列番号：980
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1112
配列：
GATCTGCTTG GNGTTTTCTN CCCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA GCCCTCCCNT ACCGACCTCT 120
GTCTGGAGAC GCAGCAGCCT GTGTCCTCCA GGGCCTCTGG TTTGTNGTAT TATAGTATAT 180
TTNGCTGTGG AAAATGTCAC GTTTAGTCAC CTTGGAGCCA CTCACCTGGT CCTGTTGTTT 240
TANCCCATCC CTTCTNTNGN GGGCTATTGA TTTNTTCTNA GGAGAGTACA NCGTCACTAT 300
TGTAGNGTAA CCCTGTACTC AATATTACCA TAGNNCGNTG NCGN 344

配列番号：981
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1115
配列：
GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCCAGGC CTGAGCTGCT TCACTAGGGA 120
ATCCTGCCAC CACCCTGTCT TCCTCTGCAA GTGCTCAGGG AAATGGCCTT NCCGCCGGAG 180
NCATNCTATC TGNCTGACAG GCTGTGACTC TTCTCTCAAC CTTGGCCTTC TCCCCTCTTC 240
TGAGCTAGTT GGTTGAATNN NNGTTAATGC TTAAGATTTG TTTTTCTCTT TTCACAGCAA 300
CATTTTCTTG AATTTTTTTC TGCACAGCTT TTCCAAAATA AAAACCTTCC AAACAAA 357

配列番号：982
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1116
配列：
GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTCATCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACTTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT GCATTGAGAA ATTAACCCTA 120
AAGGGTTTTC AATAGGGTGT AGACCTCCAG TACCTTTGTA ACTAAAGTCT GTCTAGTCAT 180
NGTAAATATT TATCTGTCAG TTTTGACAGA TTGGGGCCAG CTTGATGTTT TAAATCTTCA 240

GCCCGGTATG AAAACTTAAA GGTATATATT CANTTTTTTA CCATTTTATG GAAAATATTT 300
AAAATCTGTT TTTACAGGGT TTTTTTTTTT TTTTTTTTTN 340

配列番号：983
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1117
配列：
GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGGAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60
CTCCCCTCCC AGAAGCGCCT CTTCCCCTGG AAGCTGCACA TCACGCAGAA GGACAACTAC 120
AGGGTCTACA ACACGATGCC ATGAGCTGAC GGTGTCCCTG GAGCAGTGAG GGGACACCAG 180
CAAAAACCTT CAGCTCTCAG AGGAGATTGG GACCAGGAAA ACCTGGGAGG ATGGGCAGAC 240
TTCCTGTNTT TGAGGCTAAT GGACCCGTGG GGCTTGTAAT CTGTCTCTTT CTACTATTTA 300
CATCTGATTT AAATAAACCA TTCCATCTGA AAGGGGCAAA 340

配列番号：984
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1118
配列：
GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAACT 60
GGTACTTAAT GGGGGAAGCA AAATTAGCTG GGACTAAAAC GGACATGTTT TGTTTTGTGA 120
ATTCTACCTA AATGTCTCTC TATCCACAGA GAAACTAGTA TTACTTGAAG ATGTGAAAGT 180
TCCTGTGGTA GCCATACCTT GAAGCACAGT GTTTGTACAT AAGTAAATAT CTTGATTCTA 240
AATTAAATCC AGATTTATCT AATATATATN ATTTNATATC TTTGTTGTAT TAAANTGGTT 300
TAATANTCAC TANAANTANN ACATTTTGNA TGTTGGAAA 339

配列番号：985
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1119
配列：
GATCTCAGGA ATTTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60
GAAAGAAGCA GATATCCAAA GGGTGCAGCC CCTTTTGAAA GGGGTGTTTA CGAGCAGCTG 120
TGAGTNAGGG GACAAGGGGC AGGTCCCAGG AGCCACACAC TCCCTTCCTC ACTTTGGACT 180
GCTGCTTCTN TTAGCTCCTC TGCCTCTGAA AAGCTGCTCG GGGTTTTTNA TTTATAAAAC 240
CTCTCCCCAC CCNCCACCCN CCAACTTCCT GGGTTTTCTC ATTGTCTTTT TGCATCAGTA 300
CTTTGTATTG GGATATTAAA GAGATTTAAC TTGGGTAAA 339

配列番号：986
配列の長さ：339
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1120
配列：
GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTTCAAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60
TAATCTCTTT TCCGTAATAT TTCCTTTATT TCAATGATTC TCAGAAGGCC AATTCAAACA 120
AACCCACATT TAAGGTTCTT TAGGATTATA GAATAAATTG GCTTCTGAGT GTTAGCTCAG 180
TGAGCTAGGA AAGCACCAAT CGATATTTGT TTCCTTTAGG GATACTTTGT TCTCACCACT 240
GTCCCTATGT CATCAAATTT GGGAGAGATT TTTTAAAATA CCACAATCAT TTGAAGAAAT 300
GTATAAATAA ANTCTACTTT GAGGACTTTA CCAAGTAAA 339

配列番号：987
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1122
配列：
GATCCAAAGT GTTAAAAATG CTGAAGTCAT GTCAAGTACT GTCTGGAGGG TTTTTTTAAG 60
AAAAGGCATT TGGCATTTAA CTGTCTCTTG TTTTATTTTT AAGTTTTTGG AAACCTTTTG 120
ACATAAAATG CTGCCAAGTA TCTAAGAAAT GTATATACTG ACAGAAGATA TTTGAAAGTG 180
GAAAATTGGA AATGAAATAT GTTGCTGGGN GCGTTAATCA CCTCCGCCCA GGATTTAGTC 240
ACTTGCAGGA CCTCTTTATA GTCTAGGATG GCAGAGCAGA AGATTTTAAT ATGCTTTTAT 300
TAAGTGATGT AAAATAAATG CTTTTTGGAT TATCAAA 337

配列番号：988
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1123
配列：
GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
TGGGGGGGAC TGGGTTTGGG ACACCCACAC AGNGGGCCAG CTCCTTGCCG CTTCTCCTTC 120
TCTAACCCAG AGGACACTGG CTCTGTCAGT GGGAAGCTGA GGGGTATGAT TTGGGTGTGG 180
AGACCTCTCA GGTTGGGACT TCTTGTCAGC TTGGACCCCT GACCAGTGGG CTTTGGCTTC 240
TCCAGCCGCC TCCAGTGCTG CGTGATTTGA TTCTGTTGTA CCTTCAATTC TTCTGACCCG 300
CATTATAAAC ATTATAATTN NATTCTAAAA ATTGTAATTT TTTTTGCAAT TTTGGAAGTG 360
ACTGCTGCTG N 371

配列番号：989
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1126
配列：
GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60
CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTTAG AGGTGGGGAG AGAGATTCTC TTATCCAACA 120

TCAACATCTT GGCAGATTTG ACTCTCAATC TCTTCACTAA AGTTGTTAAG NTCNNCCGGT 180
GATAAGTACT TCAATTTCAA CTTGTAGNNT GGGGAAATTT AGAATTATGC AGNTTATGGA 240
ATTGTATATG ATGACATTTG CAATAGGTCT ATTCTCTATC ATTGTAAGAA GNTGTGTGTA 300
CTGGTATTTG NCCCAAGTAA TAANCTAACT GAAA 334

配列番号：990
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1127
配列：
GATCTGNCGT GCCCACCAAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60
GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT GGGCGTGTGG CAGCCATCTT 120
GGAGCTGGAC GCGCATCTCC AGAAAGATTT CATCATCTTT NAGGCTGCTC CCCAAGAGAC 180
ACGGGGCATC CCCTCCAAGA AGCCCGTGGC CGACTACTTC CTGTGACCCC GCCCGGCCCC 240
TGCCNNTTNC AACCCTTCTG GCCCTCGCAC CACTGTGACT CTGNCATCTT CCTNAGACGN 300
AGGNTGGGCG TGGGNGGGNN TGTNCTGGNT NTN 333

配列番号：991
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1128
配列：
GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60
NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC GAAAAGGGCG TGACTCAAGC 120
TGACGGGACT CCAGTAGGGA CTTTGAGAGC ACATTTTGTA AAAATATTTA TCTAGACGCA 180
AATGCTTATC CATGAATGTC CTCTTAGACC ATTTGGGGAT GAAGCCATCT TAATAATTAG 240
TAATAATTAA TTAGTAATAA TTAGTAAGCA TTTTCTCAAT GCTCTGATTC CATCATGTTT 300
TCTTAACATG ATAACTTAAA AAATTGAAA 329

配列番号：992
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1129
配列：
GATCCTCCTC AGAAACTACC GGACTTGTTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60
AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA TGTGGGATTC CAAAAGTGGA 120
AGAAATCAGA AGAAAATCAG CTAGCTGTAT TCCTAAACAA ATTGTTTCCT AAACAAATGT 180
GAAAATGTGA ACAGTGCTGA AAGGTTTTGT GAACTTTTTG CTATGTATAA NTGAAATTAC 240
CATTTTGAGA ACCATGGAAC CACAGGAAAG GAAATGGTGA AAAGTCATTG TTGTCTACAC 300
AAAATAAATG TATATGGAGA CCAAAGACCA AA 332

配列番号：993

配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1130
配列：
GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTTATTTA ATATCCATTC ATTTCATGTT AGTGGGACTA 60
TTAACTTGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTTC AAACAAAATT TAAAACTGTT TGTGGCCTAT 120
ATGTGTTTAA TCCTGGTTAA AGATAAAGCT TCATAATGCT GTTTTTATTC AACACATTAA 180
CCAGCTGTAA AACACAGACC TTTATCANGA GTNGGCAAAG TTTTCCAGGN TTCATATACA 240
GNTAGGCTAT NNGNCATGTA TTTTGAAACG CAGTGTTNCA TNATGAAAGN GCTCTCAAGT 300
NGCTTNAAAG NTANTTTATT AAANGGGTNN 330

配列番号：994
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1131
配列：
GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60
GGCGACTTGG NNAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC CTCCCGACAT TCACGCTTCG 120
CCCACGNTGC TCCGACTGGC TGCAGCGGAC ACTGCCCAAA GCAGAGGGGA GTCTCAGTGT 180
CCTGCNAGCC AGCCGAACAC TTCTCTCCGG AAGNAGGCTG GTTCGACTGT NAGGTGTTGA 240
CTAAACTGTT TCTCTGACTC GCCCANAGGT CGTGGCTAAA GGCACTTAGG CGNCTTAAAT 300
TTGTAAATAA AATGTTACTA CGGTTTTAAA 330

配列番号：995
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1132
配列：
GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60
CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT GGGACTAGGA TGTGGGTTTT 120
GTNACTCTNA ATCCCATGTC CTCAAACTAC GCTGCCTTCC GAAGTCTGGC ATTTGTNAGC 180
TCATGCTTCC TTGTAGTCCA GCTTCTTATG TGCCTGTAAT ATTCTCCAGT ANGATTGTAA 240
GCCCCTTAAG GGCAGGGACG TCTTTNCATC TCTAGCACTG CTATAGTGTT CTATCCTTAG 300
TTATGGACCT AGATAAATAA NTNGGTGGTG GCAACAAA 338

配列番号：996
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1133
配列：
GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTCNA CTAGTGGAAA 60

CTGTATAGCT GGTCATCTTT CCAGGACCCT TTTATCAAGA AACAATGCAG CTTCTACATT 120
TGTNCTGCTT CTACACCAAA ACAGCTGGAA TGTATATNGT ATGGTTCTGG ATGCTCTTGT 180
ATACCTNACT CTTCATTTCT NACCTAACCC ATGTGCTATG ATTTGAATGT TTCTCCCCTG 240
CAAAACTCAT GTTGAAATGT AATTGCCATG NTAACAGTAT TANTAGGTGG NNTATTTNAG 300
NGGTGNTTAG GGTGGGATTG GTGNTGTN 328

配列番号：997
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1134
配列：
GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60
AATAACTCCA CATTTATTTG TGTTTATNAC TCTGTGTTAT AAATATACAT TTGTNGGTCT 120
CTCTCTTGGA TTATTTTGTT TCTTTGTCCT GTAACTACCA CTGAAAGGGT GCAATACAGC 180
TTTCTTGAAA TGTGTATTGA ACGGATGAAT GTATAAATAA AANTTAAATT TTGTAAATTT 240
CTGCTTATNC TTAGAAAAAG AATCTAAATN GTGACAAATC AGAATTGAAA AANGTATTCT 300
AATAAAGANA AACANGCTTT TATAAA 326

配列番号：998
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1135
配列：
GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GGACCTAAGT GGCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60
CTCACAAACG GCTCGGTGGC CTCCCTGCAG TAACGAGTGA GTTCACACAC TATTAGCTCA 120
CATGAAACCT GGTTATTAAA GAGTCTGGGA CCTCCCTCCA TGCTCTCTCT CTTGCTCCTT 180
TCTCTCACCA CATCACACGT GGCTCCCCTT GCCTTCTGCC ATGAGTGAAA GCTTCCTGAG 240
GGCCTCACCA GACACAGATG CTGGTGTCAT GCTTTTTGTA CAGTCTGCAG AACCCCGAGT 300
CAAATAAACC TCTTTTCTTT ATAAA 325

配列番号：999
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1136
配列：
GATCACTTTC AATTGAAGTC AGGGTATTGT GCATAATAGA AAGTATTGGA CTGAGATATT 60
TGGTTACCAT GGAGGCCAAT GCTTTTTTCA TCTTATTAAA TGTGATGTGA CTTTTTNCTT 120
TGTACAGAAG AGTACTGTAT TTTTGAATAG CCTACTCCCA AGTAAGAGCA AATCTGTATG 180
ATAACATTTT TNCCNCTGGA CATAAGACAT AACAGTAACA CGATGTACAT TTACAAGCGG 240
CCTTATGTAC ATTTCCCAAC ANTCTTTTTA AGGCAAAATT GTGACCATAT GTGTATAATT 300
AAAATCGTTT TTAATCCNTA AA 322

配列番号：1000
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01137
配列：
GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAAACAAGA GCACTTTCTA AAATCACTTA AGACTGTAAA ACCGTCGTTA 120
AGTTGCAAGG ACTTGGCTTT ATATGAAANC TTATTTAAGA AAGANGGATT TTCTAACGTG 180
GAAGGTATTT AAAANTCACC TTAAACTCTT GTNCAGTTCA CATTAATTGA AATGTGAACT 240
TGCCTGTCGT TTGCAACTTC ACACTTTTAG AATTTGTGTT TATATTTCCT GTANGTGAAT 300
AAATANANCA NNNCAGNNCA AA 322

配列番号：1001
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01138
配列：
GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG AACTTTAAGA GTGGTGTGGA 120
TGCAGACTCT TCTTATTTNA AAATCTTTAA GACAAAACAT GACTGAAAAG AGCACCTGTA 180
CTTTTCAAGC CACTGGAGGG AGAAATGGAA AACATGAAAA CAGCAATCTT CTTATGCTTC 240
TGAATAATCA AAGACTAATT TGTGATTTTA CTTTTTAATA GATATGACTT TGCTTCCAAC 300
ATGGAATGAA ATAAAAAATA AATAATAAAA GATTGCCATG GANTCTTTGC AAA 353

配列番号：1002
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01139
配列：
GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT CGCCCCTAGC AACTCCACCA 120
TTGGGCACTG CCATGCAGAG ACGTGGCTGG CCCAGAATGG CCTGTTGCCA TAGCAACTGG 180
AGGCGATGGG GCAGTNAACA GANTAACAAC AGCAACAATG CCTTTGCAGG CAGCCTGCTC 240
CCCTGAGCGC TGGGCTGGTN ATGGCCGTTG GACTCTGTNA GATGGAGAGC CAATCTNACA 300
TTCANGTNTT CACCAACCNN 320

配列番号：1003
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01140
配列：

GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC 60
TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG ATGGGGCAGA GNCATCTAGA 120
ACAATGGGAA ACTTAGCTAT TTATATTAGG TACAGCTATT AAAACAAGGT AGGAATGAGG 180
CTAGACCTTT AACTTCCCTA AGGCATACTT TTCTAGCTAC CTTCTGCCCT GTGTCTGGCA 240
CCTACATCCT TGATGATTGT CCTCTTACCC ATTCTGGAAT TTTTTTTTTN GNNGATANNT 300
ACAGAAAGCA TNTTGAAA 318

配列番号：1004
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1141
配列：
GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTTN AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTAGT 60
TCAGTTCTTA ACCAATGACT TGGGGATGAT GCAAACAATT ACTGTCGTTG GGATTTAGAG 120
TGTATTAGTC ACGCATGTAT GGGGAAGTAG TCTCGGGTAT GCTGTTGTGA AATTGAAACT 180
GTAAAAGTAG ATGGTTGAAA GTACTGGTAT TGTTGCTCTG TATGGTAAGA NCTAATTCTG 240
TNNCGCCATG GTNCATAATT NCCTATNCAC CTTNCCTNCC CCTTTNCAGC CCAATTAAAG 300
GTTGGGGTCN TAACCTCAAA 320

配列番号：1005
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1142
配列：
GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGCC 60
AACGCTGACA TCGTCACCCT GCTACGACTG GCAAAGATGA GGGAGGCTGA AGCGGCCCAG 120
GGGCAGGCAG GAGATGAGAC GTATCTTGAC ATCTTCCGCG ACTTCTCCCT CATGGCGTCA 180
GACGACCCGG AGAAGCTGAG CCGTCGNAGT CATGACCTCC ACACGCTGTN ACCCGAGGCC 240
CACGGGGCCG CGCCTGCNTC CCTTCCCCGN NACCGNGCNN TCTGCCATTA AAGCCTCCGT 300
GCTTCGNTCT TCAAA 315

配列番号：1006
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1143
配列：
GATCCCTTGC NTGCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCAGC 60
CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCTCCTC AGGGCTTGGN TCTTCAACCT GTGGCGACAG 120
GAGGCAGGGC AGACTGTGGA GGACAGGATG CAGGTCAGGG AGAGGGAAGG CAGGGGTGGA 180
CCGCCATGAG CATGAAAAGC CCGAAGCAAG TTGACTCTTN AATTTGCAAC TGTTATGNTC 240
TGAAAATGAG AACGATGTAT CAANTTGATG CANTTTNGAT GTTGTACTTA CAATAANGTT 300
TTAATGTGTN TTAAA 315

配列番号：1007
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1144
配列：
GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GGGGAAGAAA 60
CGACTCATTA GAACTACACC TGTTACATAC CATTCGGTAA ATGNTTTAAG NGGGGAATGG 120
TGTGACAAAC CTTCAAAAAA NATGAACACC TTAATGTTCA GGACTGAAGC TAACTCCCTA 180
TGNTTAGGCA CAGCTTGATA CGAGCGGAGA CTTGGCAGTC AATTCCANGT CTTTTATACT 240
NATTACCTCA TCGTNACTGT NAGTGCAACT ATAGTCTGTT GTNGGAATTT GGNCATCCCT 300
TAGTNTCNGA TGGTN 315

配列番号：1008
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1145
配列：
GATCAGAAAA AACAGAAGCC AAACTCGGGG TCATCTTTGT TTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60
TGTCTGGCAC TCTGTGTATT TATGCGTTCC AGCATCTGGA ACCTCCCATC CCTGCCCTCC 120
TCCTGTGTAG CTGCCACCTC CCCGCTGGGC CCAGCATGGC TCACCTGTCC CGTGGGCTGT 180
GTTTCTTGTT GTTTTTCTCT TTGCAAAGAC ATAGCTAGGA AAGCGAATGA TAAGGGAAAA 240
GTTCTCAGGG AATTGAAGTG TTGTTGCTAT GGTGACGTCC TTTTGCTGTG AATAAAGGTG 300
CTCTTTGCAG CAAA 314

配列番号：1009
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1147
配列：
GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTGTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60
GCACGCTAAC AGCTGGGAGA TAAAAGCAGT GGAGAGGGCT GTTGGGGGAC ATGCCATGGA 120
AACTACCTAG GACCTGTTCC CTGAGTTAAC ATTCTAGCCT CATCTACTTG TNTTGCCCCT 180
GCAGCTCATA TACANACTGG CCCACCATTT ACGNACCATC CCCTCAAGTA ATCTTAAAGG 240
TTCTCAGCCC ANACANATTA ACTGTTCTGA CCCCACCTNC TTAATAAACA ATCCTGGGNT 300
CAGCCATNTG AAA 313

配列番号：1010
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1148

配列：
GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCACTGTAT CTATGAAATA 60
CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTTTCCTA ACTTTTNGTA TTTTCNTNGT ATAGCCACCT 120
AGAGAATTCT TCATAGATTA AGAACTACAG TTTTNACCAC TTAACATAAG TAAAACAAAG 180
TCCTTCATAA TTNAACCATT AGCATCTTTG GCCAAACCAA AATAAAGANA AGCATCTNCT 240
CCTAGTTGTG TGTGGGCAAC AGANACANGT TAAGGNAACA NAAATACTTA TATATACACN 300
GANCANANGT N 311

配列番号：1011
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1149
配列：
GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60
GNTTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTCAGTC TTCTGGATTT TTTTTNCTGT ATATTTNGGG 120
TACTGGAGCT TTTAAAAATG CTTGGNTTCA GGTATTTTNA TTCATGTGAA GTGTATATGA 180
TTCTNTTGAG ATAAGGTTTT AAGCTAAAAT GTNACTCCCT GNTTNAGCNT CTGAACCCTG 240
ACAGATTNAC AGGGACTTTG CTGGTGTAGG CTTTTTAAAG GGNTTANTAN TCCACTTTGA 300
GCCTNAAA 308

配列番号：1012
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1150
配列：
GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCACTT CTAAGGGCCC TGTTTTGAGA 60
TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG GGAGGGTGGG GCCGTGGTCC 120
CCTCAGCCTC CATGGGGAGG GAAGAAGGGG GAGCTCTTTT TTNACGTTGA TTTTTNTTTT 180
TCTACTCTGT TTTCCCTTTN TCCTTCCGNT CCATTTGGGG CCCNGGGGGT TTCAGTCATC 240
TCCCCATNTG GNCCCCGGGA CTGTCTTNGT TGATTCTAAC TNGGNNNGGA AAGAAANTAT 300
TATTCAAA 308

配列番号：1013
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1151
配列：
GATCCATGGG GCCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAAA GAGTGTTTCC 60
TTTTCTGATG TATTCTTTAA AGGATTCAAA TGGGGATTTG CTGCATTTGT GGTAGCTGTA 120
GGAGCTGAAT ATTACCTGGA GTCCCTGAAT AAAGATAAGA AGCATCACTG AAGATAATAC 180
CTGGAAGCAT CATAGTGGTT TCTTAACTCT CCAAAATAAG ATTTCTTCTC TGTAGCCTAC 240
TTGTCTGGTT TATCCCTTAC AGAATATTAG TAAGATTTAA TCAATTAAAA TATATATATA 300

TGCCAAA 307

配列番号：1014
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1152
配列：
GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC AAGAGAANNN NTTGTAAAAT 120
CGTCTTAAAG GCAAATTTAA TTTTNACTCC TGTTTATGGG ACATTCGTTC TATTAACTGT 180
CAGACACAAT TTCTGTTTTC ATCTGAGAGC CAGTTTTCCT TTATTTCTAC ATCTAAAATA 240
AGANCATATT GTACACTATT ATATAATACA GAATTGTCTT AAACTTTAAT AAATTCGCAT 300
TTTAAA 306

配列番号：1015
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1153
配列：
GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCAGTGTT GGGCAGGCCG GGTCTCCCAT CCCGAGGCCA 120
GCGTTCCTGT GCAGAGCCCC ATCCACTGGT TCTTGCCCTG AGCCACATAT GTCTGTNCCA 180
TGGGCTGAGT GCCACGACAG GCCCGTGTGA CAGCTGCTGC CCACGCATNT NGAAGCTAGG 240
TGGGACTCAT TCCTAATTCT GCCGTTGTAA TGAGACTTGA TTAAAACACC GCCACTTTTT 300
TGCAAA 306

配列番号：1016
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1154
配列：
GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCCACA GCTTTGCACC CCTTTCCTCC CCATACACAC 120
ACAAACCATT TTATTTTTTG GGCCATTACC CCATACCCCT TATTGCTGCC AAAACCACAT 180
GGGCTGGGGG CCAGGGCTGG ATGGACAGAC ACCTCCCNNT ACCNATATCC CTCCCGTGTG 240
TGGTTGGAAA ACTTTTGTTT TTTGGGGTTT TTTTTTTCTG AATAAAAAAG ATTCTACTAA 300
CAAA 304

配列番号：1017
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1155
配列：
GATCTAAAGC AGGTNGTGTT GTTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCCAAGGT TGGAAAGCAG GGGAATTTCC CAGTGTCCTA 120
GTTTTCCACC AGAGGAATAT GTGTAAGTAG CAAAGTATTT GCTGCTTACA TATAGTGTGT 180
ATGTATGTAT ATATGTAAAT NGTGTGTTAA AGAGCTGATA CTGATTTTCA TATGNCAATG 240
TTAAGGCAAA GGCCTCCCTG CATTTGANGA GCAGGTNTTC ATTTATATGT ATTTTNGGGA 300
TAAA 304

配列番号：1018
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1156
配列：
GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCTTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG TATACGAACA TTATTCACAA 120
TCCTTGGGCA ATCTCATTTT TTTTCCCTTC TCCCCTCCTC CCCTGCCCCC ATACATTTNT 180
ATCCTTAANG TAGTTTTGGA GGGGCAGGAT GTACTTAACA TCTCANAAGC TAGATTGGGA 240
ACATNTCANT ATAAGACTGA GTTTAAATTT ANGGTTAAAA TGNCATCAGA ANANTTGGGN 300
GGGN 304

配列番号：1019
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1157
配列：
GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTTGTT 60
CACTTNGGAA ATTTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT ATTGTGCAAA GATGTAAGGN 120
TTTTTGANAC TTGNNGTGCA TTAATAANTA GACGATTAAN TCAAGGAAA 169

配列番号：1020
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1158
配列：
GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA TCACTACGTG TTTTTGAGCT 120
TGCTCTTACG TTTTAAGAGG TGCCAGGGGT ACATTTTTGC ACTGAAATCT AAAGATGTTT 180
TAAAAAACAC TTTTCACAAA AATAGTCCTT TGTCATTACA TTATTTACTC ATGTGTTTGT 240
ACATTTTTGT ATGTTAATTT ATGAATGATT TTTTCAGTAA AAAATACATA TTCAAGAACC 300
AAA 303

配列番号：1021
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01159
配列：
GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTTAAAA AGACTAGACC CTCTCTAAAG 120
ACTGTTCCAT TTTAACATGT CCTGATTCTG CATCCGTGGG TTTTGTGAAA GAGAGCTAGC 180
TGGCGGTTAG AGCCTGGAAG AAGGAGGGAA GTGGCACCTC ACTAGCATTT ATCACTTTTT 240
TCCTTCTCTT TTTAAAAATA AAACCAGACT CTGTTCTGAA AATAAAAAAC TTGAGACTTG 300
AAA 303

配列番号：1022
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01160
配列：
GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
TTTTGCATAA GCTTGTTTAT GATTCAGTAA TGCAGGTGAG AGTGTCTAGC AGTTCTTGGT 120
AAGCTACTCT GGACATCTTT AAATTATTTA TCCTAATGGA TTCCATTCTG GTTTATGTAT 180
AATCGTTTCA AGACTTTGGG AGTCTTTTAT GAACAAATGC TCATTGCACT ATATTATATG 240
CAAATTGTNN NGCTGCTAGG TTTTCAAAAT TTGAATAATA AAGCCTTTTC ATGTTCTTTT 300
AAA 303

配列番号：1023
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01161
配列：
GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATGAAGTA AAGTTTCTNA TAGTAGTCTT 120
TAAAAGATAT AAGACTTAAT ATGTTTTATT CAGCTTCTAT AAGTGTGACC AGTTTTNATA 180
TTTATTTATG CTAATATTTT TAACAAGTCA TTTCAAAATA TGTGTATCTC AAATCCTCCC 240
NAAAGTGTTG TGGCCTTAAC TGTTCAGTAT TGCAATAAAA NATATATNTN NNTATGTGGT 300
AAA 303

配列番号：1024
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01162
配列：

GATCTATGGA AAACTGGGAA TGTAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60
TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA TACAGTTTTG TCCCTACACA 120
ATTGTATTTG CCAAGCTTAG TGCATTATGA TACCTTTATT TATTTGTTTT GGGCAGTATT 180
ACTATATATA TATAANCATA CAGTTACTGT TTTATATATT CTTAGGTCAT TCAAAGCCAT 240
GTATGCTGTA AATGTGCTAG TCTTTAGAAT GACACATAAT AAATAACTGA CAAGATATTA 300
AA 302

配列番号：1025
配列の長さ：435
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1163
配列：
GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTCACA 60
ACCAGTGCAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTTCACAGT GCACCATGTC ACTGTGCTAT 120
CCTACGAAAT CATTTGTTTC TAAGTTGTGT TTATTCCTGG AGTGACATGC CACCCCGAAT 180
GGCTCACTTT CACTGAGGAT GCTGTCCTCT GATTTAGCTG CTGCCTCCAG CCTCTGGCTT 240
GAGAACTTAC TAAAGGCACT TCCTTCCTGT TAAACCCCTG TTAACTCTCC ATAAATTTGG 300
TGATTCTCTG CTAGGCCTAA GATTTTGAGT TAACATCTCT TGAAGCCAAA CTCCACCTTC 360
TGTGCTTTTT TGCTTGGGGA TAATGGAGTT TTTTCTTTTA GGAAACCAGT GCCAAGGAAT 420
GNCAAAGGTN TTAAA 435

配列番号：1026
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1164
配列：
GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCCAC 60
AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT ATTAACATCA TCTTAGACTT 120
TGCAAGCAGA GAGTCGTGGA ATCAAATCTG TGCTCTTTCA TTTGCTAAGT GTATGATGTC 180
ACACAAGCTC CTTAACCTTC CATGTCTCCA TTTNCTTCTC TGTGAAGTAG GTATAAGAAG 240
TCCTATCTCA TAGGGATGCT GTGAGCATTA AATAAAGGTA CACATGGAAA ACACCAAA 298

配列番号：1027
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1165
配列：
GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAGAAG ACTGAACTGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60
CAGAAACAGT CAAGTGTTTT CCAATGTGGT TGTCCGGTTT CTATGGCCTT GCTGTGTACT 120
TTCCCTCTTT TTGACAGTAA ACTTCTGCCT ATGGCTTACA GTTTGACATT TAATTTATTA 180
GCGCTGCTCT GCACCCCTNC CTTGGGAGGG AGACTTCATG TGGTTTATTG CGAGTTTTTT 240
TGTTTACTTT TCAGGGTTNG TACCTACAAA GGTTTTAATA ATAAAAANCA AAGNTTTTTT 300

NGGCNATTNG TCTTGTCTTN GTGGGAAA 328

配列番号：1028
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1167
配列：
GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60
GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT TACAGAAAGA CCAAAGGGAA 120
GGATGACAAA TAAAGATTTT NTGATTGTCC AGAAGACATT TTTAACAACA AAAAAGAAAG 180
TCTGGGTTCC ACACATACAT AGAAAAAGAT TATTATGTTC TGAGAAAGCT TTACAGTGCT 240
ACTGTGCCTT CTATTTAATT CTTTCAGTCC TTCAATAAAA AGCTGCTTAT TGATAAA 297

配列番号：1029
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1168
配列：
GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60
TGTCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTTG GATTTGTTTT GAATATTTTT TNCTTTTTTC 120
CTTTTCCCTC CTTTATGACC TTTGGGACAT TGGGAATACC CAGCCAACTC TCCACCATCA 180
ATGTAACTCC ATGGACATTG CTGCTCTTGG TGGTGTTATC TAATTTTTGT GATAGGGAAA 240
CAAATTCTTT TGAATAAAAA TAAATAACAA AACAATAAAA GTTTATTGAG CCACAAA 297

配列番号：1030
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1169
配列：
GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTTTTGAAT TACTGTCAGA 60
ATTACATACA CAATTACAAC AAACTTTTTT TAAAAGACAT TTCATTGTAC TGCAAAAATC 120
TGAATATTTA TATTTCTNGT TTTTTTCTTT ATATGTTTTG CATTTTANTA TGTTGAGCCA 180
CTGGAAAATT TGTAACAGNT TANTTTGTTA TNGGCGTTTA ANTGTGTTGT CATTGNCTCC 240
ATTGTCTTTG TCCAGAGCCT ATTATTATGG AACCAATAAA NTTTAATGGG GTCAAA 296

配列番号：1031
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1170
配列：
GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TNTTTGGTCT 60

CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTNCTGTNT CTTGCCTGTC CCACCTGTGC CCTGCCCTCC 120
AGCTTGTATT TAAGTCCCTG GGCTGCCCCC TTGGGGTGCC CCCNGCTCCC AGGTTCCCCT 180
CTGGTGTNAT GTCAGGCATT TNGCAAGGAA AAGCCACTTG GGGAAAGATG GAAAAGGACA 240
AAAAAAATTA ATAAATTTCC ATTGGCCCTC GGGTGAGCTG AGGGTTTTTG CAAA 294

配列番号：1032
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1171
配列：
GATCTTCAAG AAGTGAAAGA GACCGAAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60
AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTGC AGCAGAAGAT TTCTTGATAA AAAAGGATTA 120
CCTTTCCTTG TAAAGAGGAT GCTGCCTTAA GANTTGCATG TNGTAAAANN NCTTTTTGGA 180
AAATACAGAC TGTTTGTTTA CCAGACATTC TNGTACTGNT NGCATAATNN GGTAAGAGTT 240
ATTNATCAAA ATNATGTGAG GTTCCAAAAT ATGTAAAANT GATATNATAA AAN 293

配列番号：1033
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1172
配列：
GATCAGCGGT TCTTTTTGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGCGTT 60
TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGGTTA CTACATGATT TGTTCCCAGA GGTTTGAAAC 120
ATTCAGTGAA ACTTTTTAAA ACTTTGATTG CATGATGTAT TTTTTTTTNA GAAAGTTATT 180
GTTTGAGAAT AATGTCTTTT TATACCAGGA AAATAGTTAT CCNGAATGAC GTTGAAAACT 240
CCCCCTCCCC TTNATTTTTN TTTAATCANT ACATGTGAAA GTNNCCANGC AAA 293

配列番号：1034
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1173
配列：
GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAATTGGC 60
GCTGGAATTT GGNCTGGGAA AAATCTTGTG GTTATTTCCT TTAAAAAGGA ACAAAACTTT 120
AGTATTTAAT TAGTTGATTT ATTTAATGTA ATTNCAAACA ATTAAATTAT GAATAATGCA 180
ATGTACAGTA GAATCACGTT TTGATTTTAT TAACACTGAC CAAGTTTAAC TCCATATGAN 240
GTGTAAGCTT GATATCGTTT ATGATGTCTA TCAACTGTAC CAAAAGTAAA ACATTTAAAA 300
NCANNAAA 308

配列番号：1035
配列の長さ：292
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1174
配列：
GATCTCAAGT GACCCGCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60
CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTTCCATC CAGAGTAAAT CCAACTAACA AGAATCCACC 120
CTTGGAGTTC ATGTAAAAAT ACATGACACA GGGTGATGAA AGTGCTTTGA AACTAGATAC 180
AGGCAGTGGT TCTATAGCAT GGTGAATGTA CTCAAGGCAA CTTCTTTACT TTAAAATCGT 240
TAATTTTATG CCATGTGAAT TGCATCTCAA TAAAAATTGT TTTCATTTTA AA 292

配列番号：1036
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1175
配列：
GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CCTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60
TTGGCTCCTG TGCCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA GTGCAAATGC ACCTCCTGCA 120
AGAAGAGCTG CTGCTCCTGC TGCCCTGTGG GTGTGCAAGT GTGCCCAGGG CTGCATCTGC 180
AAAGGGACGT CAGACAAGTG CAGCTGCTGT GCCTGATGCA GGACAGCTGT GCTCTCAGAT 240
GTAAATAGAG CAACCTATAT AAACCTGGAT TTTTTTTTTT TTTTTTTTNN AAAANCCCTG 300
NCCNNTTTGT AAAATTTTTT TTTNNNTGAA ATANGNAANG GNAATAATTN ATCNGGNNTN 360
TTN 363

配列番号：1037
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1176
配列：
GATCTTGGAA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60
TTTTAATTGC CAAGCAGGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA CTTTCCTGGG TGGTTCCCCA 120
TAGATTCACC ATTGCCTCTA ATGGTGTCTA CACCCGTCAT ACTACCAGCT GAGATGGTGG 180
TGGGCATAAG GAGAATTTGT GCCTATAACC CTTAGTGTGT TCTGGTTTTT TTTCTTTTAA 240
TTTTTAAATT GTCGTAAAAT ACTCATAAAA CATACTGTCT TCACCAAA 288

配列番号：1038
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1177
配列：
GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60
GTCACTTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG GTAGATTTGG AATCAGTCAC 120
CAGTCTTTCT GTACTGTCTT GGTTAGCTCT ATATAAGTAG GGGCAGCTTA GCCCTGAGGC 180
CCAGAGACCT GCTGTCCTTT TTCTCCTTGA GGGAGGAAAT AAAACTGCGG AATACAATGT 240

CCTTCCATAG CATGGGAAGA AGAAAATAAA CATCTCCTTT CCAACAAA 288

配列番号：1039
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1178
配列：
GATCCACCCT CCTGTAAATA TGGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTTGACTAC AGCATGGCCC CATGGCATCC 120
ACACCAAGAG GGTGTTGTGA TGAGGTGCCG GTGTGCAAAG GGAACTTTAG TTTTTCCACT 180
GGTTCTTATC TGCTAGCCTT TTACATACAT GTGTACTATA TTTGTTTATA GACTGTAGGT 240
GGATATATAA TTTAAAAGCT TGATTTAATA AACATTTAAC CCCNTAAA 288

配列番号：1040
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1179
配列：
GATCTTCAAG TATTTGCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC TGTGTATGCT ACAGTACAGA 120
CATTAATTCT ATAAACATGT TCATAGGTCT TCCCCCTCGC CCCGNCCGTC TTCTAAGGGC 180
ATTTCCTGTT TCTNTTNAGT GAGTTCATGN ATGTTTACCG GTTCTGGCGN AANGTTTCTT 240
GCATNCTGAG CATAAAAATA NTAAAACCNA CTGATANTTG CTTGAAA 287

配列番号：1041
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1180
配列：
GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGCGCAATGG ACTCTTTGGA GAAAGAAGAT 120
ATTTTAAAAC ATTTTTAGTG TGTCTGTAAA TGGTTCAGCG TGTATCAGAT GTTGTCATAG 180
GACTCACATT TCTCTCAGTT ATATTTAAAA CCGTTGTGTA CTTTGTACAA NGGAATACTA 240
GTCATACTTC TATAAACTTT NCACAATAAA ATTNTCATTC TGGGTTAAA 289

配列番号：1042
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1181
配列：
GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNAA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60

AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATTTT GGGNGGTAGA GGTGGGTGAA 120
TCACCTGAGG TCAGGAGTTC ANGCCCAGCC TGGCCAACAT GGCGAAACCC CATCTCTACT 180
AANTATACAN AANTTAGCCA GGTGTGGTGG CCTGCACCTG TAATCCCAGC TACTCAGGAG 240
GCTGAGGTAG CTTGANCCCN GGAGGCANAN NTTGCAGTTA NGCCAAN 287

配列番号：1043
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01182
配列：
GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60
GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT CCAGCTTCTC AAGCTTAGAA 120
GAGTTTTTNG AAGAGTCACT TTCAGCTCAT GCAGCTCTCA CAAGTGTGAA GGGAGTGGAT 180
TGGGGGTGTT TTCCTTGCCA TTTTCGAAAA GAAAAAAATT ACCTGGTGAT TGGTGGAAAG 240
ATACAACTGT CAAAAATGCA TGATTGAAGC AATTTAGGTT GGGAAA 286

配列番号：1044
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01183
配列：
GATCAATAAA TNATACCAAA TATATGTTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60
GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGGTTTT AATTATATCA CAGGAAAAAA 120
AAAGTGCATT TAAGTATTGT NATCGTGGAC TTTATAAAAG CAAAGGAAAT TGAAAGTAAC 180
TTTNGATTCT GTATCANGAA TCATATTTNC ATACAGTCAT AACTGTCTTN CTGTGACCCT 240
TTCACAGGGC ACTGTAGGAT GGATTAAAGG TGGCAATTTA CTGAAA 286

配列番号：1045
配列の長さ：439
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01184
配列：
GATCATACCG GTAAAGCAGG AATNACAAAG CTTGCTTTTC TGGTATGTNC TAGGTGTATT 60
GTGACTTTAA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT ATAGATTATA TATGTATAGT 120
GTTTCACAAA GCTTAGACCT TTACCTTCCA GCCACCCCAC AGTGCTTGAT ATTTCAGAGT 180
CAGTCATTGG TTATACATGT GTAGTTCCAA AGCACATAAG CTAGAAGAAG AAATATTTCT 240
NGGNGCACTA CCATCTGTTT TCAACATGAA ATGCCACACA CATAGANCTC CANCAGCATC 300
ANTTNCATTG CACAGACTGA CTGTNGTTAA TTTNGTCACA GNGTCTATGG ACTGANTCTA 360
ATGCTTCCNA AANTGTTGGT TTGTTTGCAN GTTTTCGANC CGTTGTTATG GCANGANGTT 420
NGTTTAGTTT CNGNTTGTN 439

配列番号：1046

配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1186
配列：
GATCTGGAAA CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG AAAGCTGAAG ATTCTATGGG 120
AATACACAGC TGAATTAACA GATTTGGAAG AGAACANCTG NTAATCCTTC AGGACTGTTA 180
TAGAGTTNAG ATGGGTAAAT TCTCCTANAA ATCAAGTCTT TTGAATTTNC AGAATCAGAN 240
TTAGAGCCNG CTCTACTAGA TTGNATAANT GNGGTCTAAC GGAAA 285

配列番号：1047
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1187
配列：
GATCCGGGNG GACCCCTTTG CCCTTCCCTC GGCTCCCAGC CCTACAGACT TGCTGTGTGA 60
CCTCAGGCCA GTGTGCCGAC CTCTCTGGGC CTCAGTTTTC CCAGCTATGA AAACAGCTAT 120
CTCACAAAGT TGTGTGAAGC AGAAGAGAAA AGCTGGAGGA AGGCCGTGGG CCAATGGGAG 180
AGCTCTTGTT ATTATTAATA TTGTTGCCGC TGTTGTGTTG TTGTTATTAA TTAATATTCA 240
TATTATTTAT NTAATACTTA CATAAAGATT TTGTACCAGT GGAAA 285

配列番号：1048
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1188
配列：
GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA AGACATGGGC ACCGGAGTAG 120
GTCCCGTGTA GCATGCGGGT GCTGTAGAGA AAATTCAGTG ACGTACATGG CTCTGGTTCT 180
GGACACAAAA TCTGTACTGG AGAGGAAATG ACTGCTGAAA TAAGGCGATT GTATGAATAT 240
TTAAAATGCC TGGAACACTA AAGTAAAGTA ATGATATTTC AAA 283

配列番号：1049
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1189
配列：
GATCCTCGCA GCTTCCTNCG AGCGGGGTGT CGCAGTCTTG TGCACAGAGT AAACTTTNCT 60
AGCTGCCCCT TTCTGTAATA GTGAAAGTTG GTATTTAACA TTTATNCATT TTTAAAATAT 120
TTGGAAGGTC TGANCTTGTG AAAAGAAAGT GGTTGGNCTG AGGTTGGAGG NAGCTGAATG 180
GAATCTNACG GTTGGNAGTG GTGGAAATTG GAAGGATACC AGGAGGTATT TGGGAAGGCC 240

AATGGCGTGG CTCCTTTGAG GAAATAAAAC ACTAAGCATG AAA 283

配列番号：1050
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1191
配列：
GATCCTTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60
AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC TTCAAAGAGT GAATGTTCAG 120
CCTGAGCTAG TGAGCTAGAT TCATTGAATT GAAAGTTGCA TAGTATAGTT TTGCCATTTT 180
AACATTTCTG TATTTNAAGT GCTTATCGAA TCTAAAAGTG ACTACTGTNA ATATTNNGTA 240
TATNGTGTNA AATTAATTNN ANTAAATNAT ATAATTNTAA A 281

配列番号：1051
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1192
配列：
GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60
TGGAAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG TTGGTTTTGA CTGGATATTC 120
ATATAAACTT TTTAAAGAGT TGAGTGATAG AGCTAACCCT TATCTGTAAG TTTTGAATTT 180
ATATTGTTTC ATCCCATGTA CAAAACCATT TTTNCCTACA AATAAA 226

配列番号：1052
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1193
配列：
GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60
CAGAGTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG GGTAACTAGC TATTGAGTAT 120
ATTGAGTACC TTCAAAGCAC TCAACTGACA GGTTTTACAG ACTGGAAATT ATAATACTTA 180
TGACATTTCT ACCTTTTATA TAACCAATAA TCTACCATAG AATGTAGTAT TTTTANAGCT 240
ATTAGCANGC AATATATTAN NNTANTANTG NATTAAA 277

配列番号：1053
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1194
配列：
GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTTCAC 60
ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGGAACCACA GGACTATTTG GATAAAAAAC 120

ATTATTTGCA AATTAATGCG CATAGGCCAT CTTACTTTTA TTGCAAAATG GCATGTGCTG 180
CCATCTATTA TTCATTTTTA AATGGTCATT TCTTATTCAG TGAGTGCTTT AGTGTTTTAA 240
ACTATATGGA TAAGAATGCA GGTAGGATAA TATTCTN 277

配列番号：1054
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1195
配列：
GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGGAATTTTT GTCCATGCTT CAAATAATTT TGAAAGAAAT 60
TTTCCCATAT NAAAAAAGGA GAGAACACTN GCATCTGTTG AAATTTGGAA NTTCTGAAAT 120
NATAGTATTT TTAAAAATTG CACTGAAGTG TATACACATA AAGCAGGTCT TTTATCCAGT 180
GAACAGGATG TTTTGCTTTA GCAGCAGTGA CATAAANTTC CATGTTAGAT AAGCATNTGT 240
TNACTTACCT NGTTATTAAA TATTTNTTGG AAAAGCAGTG AAA 283

配列番号：1055
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1196
配列：
GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60
GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC AACTGTGAAT TGTGAAATTG 120
AAGCTACTCT TTCGGTTTTA TTTTCTTTAG CATATTGAGT ATAGAAATCT GAAACTTATT 180
TAAAATTTAT ACTGCTTTTG TTGATGGCTC ATTTTGGCTG TGTATCCTCA CTTATGTACT 240
GATTTCTGAT AAAGGCTTGA CATTATTATA ACANAAA 277

配列番号：1056
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1197
配列：
GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60
TTACTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTTCAGCT GTN 103

配列番号：1057
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1198
配列：
GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCGCA TCCTCCAGGG GGCCCAGGGT 60
GCCTGCACTT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG GAGGTTGTGC ATGGAGGCCA 120

GTNAAAGCTG ACATCTGTAA AAGGCCTTCA AGGAAGAGAA ACCAGGCCCT GCGTCAGGCA 180
GTGTGAGTTT GCCGTTTGTC CTTAACTTTC TTTTTTTTTT TTTAAAAAAN GGAAANNTTT 240
AAAAAANCTC CCTTTAAAAC CAAANCATNT TTGNNTTTNN NCCAAGGGAA A 291

配列番号：1058
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01199
配列：
GATCCCGCTC TGTNTTTTCC AGGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60
GCAGAGCTGA TATCTCTTTA CCTGGGGAGT CAGCTTCACC AGCCACAGCT GCTGAAAGAA 120
TAGCTTGGAG ATTTCACCCA CTGCATTTCT GTNGCTCAAA CTTTTTGACC TTTGTGCTAT 180
TTGAGAAATC TTTGAAATGC TGAAGGTATG ATTCTCCTTC AGGGGGAACA TGCTTTGGGA 240
AAAACGCCCA CTTAATAAAA TGTATTTCNT TTCAAA 276

配列番号：1059
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01200
配列：
GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60
TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGGNCCCCAA AAGCTGGTGG TGAAATGAGA 120
GGNGCCAATT TAAGAAGACC CTTATGGAGA CCTGAGGCTG CAGAAACTGG TAGGTTTCAT 180
CAGGTGGTTA AAGTCGTCAA AGTTGTAAGT GACTAACCAA GATTATTTCA TTTTAAAACC 240
ACAGAATAAA AATGACACCT GAGCTTCTCT NTNAAA 276

配列番号：1060
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01201
配列：
GATCTAGTTC CCCTGGAAAA GCTGCTGTAT TTTTAATTTT TAATGGAATG TAGCTTTTNN 60
AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA GACCTTATAG CTGTACTTAA 120
AAGCCATTCA GTTCAGCTAT TGGGAGTTCA TGATGAATTA GCATATGCCA GAAAGGTTGC 180
TAACCTTAAC ATCTGAGAGC AGTAACACTG ATTTTATCTG CTGTATGAGA CTTTGTGCAT 240
TTTACTTTGA AATAAAGATT TTTTTCCACA CTGAAA 276

配列番号：1061
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01202

配列：
GATCCTGTTT CTNGCTCTGA GTNCTAGCTA GCCAGCTGTN TTCACACTGT AAACATTCAT 60
CAAGCTGTAC ATTTGGTGCA CTTTTCTGTG TCATACCACA ATAAAAAAAA NCCTATCATC 120
TTACAAAAAC AAGACACCCA AGTCCAGGCC CAAGGAGTAA GTACAAATAT TCCTGTTTCT 180
GANCCATTAC TGTAATTGGC TCTNAAGNCT TGAGGTANCC TTATAGGTTA CTCATAGGGC 240
ATATACAAAT AAACTNGTTT GTTTTCTTTT TNCAAA 276

配列番号：1062
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01203
配列：
GATCTTCAAC GGATACTAGA AAATGAAAAA GACTTGGAAG AAGCTGAGGA ATATAAAGAA 60
GCACGTTTAG TACTGGATTC AGTGAAGTTA GAAGCCTGAA ACTTTTCTCG TATGGGGTGG 120
TTTTTGCATT AAATCCTGGG GTCCATTTTA CAATCCATTA TTTTTGACCA CTGCTATGTG 180
TTCAAGTAGT ATGAGAATGT GATTGTTTTT ATCTGGTTAC ATATATATTT CTTTGTCTAA 240
TTTAATATGT CAAATAAATG AGTTCATCTA ATAAA 275

配列番号：1063
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01204
配列：
GATCTCACCT CTTCCTCAGG ATGGGGAGCT CACTCCGAGA ACAGGAGAAA TCAACATTGC 60
AGTAACAAGG TAGAATGGTT TTGAAGAAGA AAAAACCTGC TTTCTGACTG ATTTTGCCTT 120
GAAGGAAAAA AGAACCTATT TTTGTGCATC ATTTACCAAT CATGCCACAC ANGCATTTAT 180
TTTTAGTACA TTTTATTTTT TCATAAAATT GCTAATGCCA AAGCTTTGTA TTAAAAGAAA 240
TANATANTAN AATAAAAAGT CTGTGCTGTT GAAA 274

配列番号：1064
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01205
配列：
GATCCAAGTT CCTAGACCTC ATGGCTGTCC CCTCCCACCA GTCACCTCCA CTGCACAACT 60
CGGGCGGGGG TGTGACACCT CTCCCCCACC NCCGACTCCG TGGTTTCCGT ATCGTCAACC 120
CTTCAGCCGC CGACCCGGGA GGGGTCTGGC CTACACTGGT CTTCCCCTTC CCATCAACTC 180
TTTCTGCTTG ACAATGTAGC AACCCAGGCC CCCCACCCAC GGTCCTCCCC TTTTTCCTCT 240
CCCTGACAAT AAAGTCTGAA TTTGTTCTGC NAAA 274

配列番号：1065
配列の長さ：269

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01207
配列：
GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGACTGTGGT TCAACAGTAT TGCGTTGTCA 60
GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAAATGGTT TTAGTTTTGC TGAAGACTGG CCTTATTAAT 120
GGACAGCTTT CCTAACAAGA GATTATTAAC TTTTATCAGG TGTTAACATC TGTTTCAGGA 180
ACATGGCAGT ATGTTTACAT GTCAGAAGTT TTGTTTAATT CTATGGTATT TCTAAATTGA 240
CTTGTTTAAA TAAATTCAGC AAATGGAAA 269

配列番号：1066
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01208
配列：
GATCTGGTTG GCATTTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGGTTAC 60
TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC TTTCTAGGGG AGGGAGGTAG 120
AAAAGTATCT TTCAAACTTG GTTTTTNAGT TTGTNTCTTG TCTTAACTTT GTGTNGGCTC 180
TAACTNAAAC ATGCTGATAT GTGTTTNCAN GANTTTTGGT TTAAGGANGT ATTGTATGGA 240
NGTCCACANA TTGGNAGGTN GTTCATCTN 269

配列番号：1067
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01209
配列：
GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTTNTTTTT 60
TTTTTTCTTT GTCTTTTNAA CCTAAAGCTG TTTAAGTTGA AGCATTCTNA GATGTTTGGG 120
GGGAAACATC CTCTNAAAAT GGGNCCTTGT GCTTGCNTTC TGGGGAGGCG GTCCTGAGCA 180
GGTGANTCAT ANGGCATTTA TGCATATGTN ATATGNGGAC TGNACCCACC TTTCCCCCCN 240
AGCCTTTGCC TCTTGGGTTG TTGTNCTGN 269

配列番号：1068
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01210
配列：
GATCCTCTTT GTTTGTNCAA AGGACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCATG 60
TAAGNCCTAT GCCTTNAAAT ATCATGCACC ATGACCCACA GCCATCTGGT TATGTCTTAT 120
TTTTTTCCTA AAAGATAATG TTTATNNTTA AAAAGGAAGG ANGGAGCAAG TGAAGTTTCA 180
TTCTGCTCCA GCGGTGGGGG ANGCCGCTGA ATCCACCTGN TTCTCCTTTT GCAACCGNCA 240
GCANGCAGCT TTTCTCCGGG CNNCAGGN 268

配列番号：1069
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1211
配列：
GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTNATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTTGGT TAATAAATAC ATTTNAGTAT TTNCATTTCC 120
TACTGCCTGC AGAGTTTCAG GTGCTTGTNG TGTGAAAGTC CTGTAGATGT GTGCAAATTT 180
AACGAAATGA AATTGTATGT GTAAAANTGT ACGATTTTCC ACTGTGCAAC TGTAAATNAT 240
AAATAANANA TATTTTTNCT ATTCAAA 267

配列番号：1070
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1212
配列：
GATCCTAGTG ATTTCAGCCC ATGCATTAAA CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTTCTA AAGGGAACTT AAAAACTGCT GCTACATGTT ATGTACAAAA CTGGTTTATG 120
CCACATGGAC AGAGAATCAC ANGTTTGGTT TTGGTACTTT NNGTTCCTCT TTGTATTCAG 180
TTGTATAGAC CTNCCAAATT CAGAATGAGA NGAAAGCTGT CTGTATCAAA CCATTTANGC 240
ANTAATTGTT ATATNTNANA GCTAAA 266

配列番号：1071
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1213
配列：
GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAATT TTACATGTTC CAGATGGAAA 120
GGGAAGTCTA AGCNCTTTTT AAAACAATTT TTTTTTGTAT TTAATTAAGC AATTNCAGTT 180
ATCTGGGATT TTTGGGTCAG AATTTTAAAT TCTGTTTGAT TCTCCATATT CCAGTNAATA 240
AAATACAAAA GCATTGTNTT TTTAAA 266

配列番号：1072
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1214
配列：
GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60
TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT GTATATGCAA ATTGTGTTGT 120

TTCACTTGTA AAGGGAAAAG GCTTATTTTN CTTTATATTT CTGATAACTT GTTTTGCATA 180
TGACCAGCAC TGACTGAAAG GCATGTGTAG CTGCAAACAC TGTTGCTTTT TTTGTGAAAT 240
GNAAATAAAA GTATTTAAAT ACAAA 265

配列番号：1073
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01215
配列：
GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60
AAAAAAAATN AATTTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA TTATNATCCT CATTTTACAG 120
AGAAAGAAAC AGCCATAGAG AAAAATGACT TGCTCACAAC ACAGGCAACT TTGACTCTAG 180
AGATANCACT TATTACAGTA AAATCCCTCT TCAGNCACAA AATACATGAT TATCTTAAAC 240
ACATTCTTAA TAAAANTTTA NCAAA 265

配列番号：1074
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01216
配列：
GATCAAAGAT TGTAATAATA ATTTTGTAAA TTGTAAGCAA AAAGTTATTT TTATATTATA 60
TACAGTCTAA TTGTTCATCC TAATTGTTCC TGTTTTCATC TAGTCAGAGA TTCAGTAAGT 120
NCCTTGGAAC AATATTGAAT TCTCTTAGCT TGTGTGTGTT TCTTTAATAT TTGAACTCAA 180
GTGGGATTAG AAGACTATNA NNNTACATGT ATGTTTCAGG ATATTTGACC TGTCATTAAT 240
AAAAACAAAC AGTTTTACAG TGCCTAAA 268

配列番号：1075
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01217
配列：
GATCTCCATG TAGTCCATAT GAAACCTGCA GAGTGATTTT CCAGAGTGCT CGATACTGTT 60
AATTACATCT CCATTAGGGC TGAAAAGAAT GACCTACGTT TCTGTATACA GCTGTGTTGC 120
TTTTGATGTT GTGTTACTGT ACACAGAAGT GTGTGCACTG AGGCTCTGCG TGTGGTCCGT 180
ATGGAAAGCC TGGTAGCCCT GCGAGTTAAG TACTGCTTCC ATTCATTGTT TACGCTGGAA 240
TTTTTCTCCC CATGGAATGT AAGTAAAACT TAAGTGTTTG TCATCAATAA ATGGTAATTC 300
CTAAA 305

配列番号：1076
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1218
配列：
GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60
TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA AAAATGCAGA GGTTATTAAA 120
ATGTAAAGAA GTAACAATCT TTGGATTTGT CTATACATAT ATATATATAT ATATNGNTTT 180
GCCTTAATAT ACCCCCTTTT TTGTTTGTGA CTTTCAACTG TAATCAGTTA ATAAAGTATT 240
TATTCTCTGC ATTCAGGTTC AAA 263

配列番号：1077
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1219
配列：
GATCGACAGC AAGCAATCCT TAAGGGACTT TCAGAACTGA GACAGGGCCT TCTCCAGAAG 60
CAAAAGGAGT TGGAAAGTAG TCTCCTGCCT TTAGCTGAAA ATCAAGAAGA GAGTTTTGGT 120
TCTTCATTTT AAATGTAGAA AATCAAATCC TTCACATTTG ATTTGTGTCT TCCAAATTAT 180
AAAATGTGCT CACTGGCTCA ACTGTATTTT TCAAATAGCC TAGATTTACT TATTTTTTTA 240
ANNGNNCATT AAAAACTTGT ATACTATGTA GTAAAATGCT GTACTTGTNC TATACAATAA 300
ANCAGATACT TCTTTTGTAA AAGCTTAGTA GTAAAACNCC ACCNNNNNNN NNTN 354

配列番号：1078
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1220
配列：
GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60
TCTCTTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT GANTACATTT TATTTATAAC 120
AAACTGGTGA AAATTTTAGA CCAAACCATG TCTTTCTGGG TTGTAGTGAT TAAAAAATGG 180
TTAAGAGAAT GTTCCCTATA CAAGGCATAT GTTATTAANC ATGAAATTTA GGNTTAGTTT 240
TCTCTTTGAA NNTCCTTTTN 260

配列番号：1079
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1221
配列：
GATCCCGAGA CTTGTGTTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTNCGTGGC 60
CCATGANCTG GGATGGTCCT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG CCCCTCTNTC TCTGCACCAC 120
CTGTTTGCAT AAACACACTT TGCTACAATC TTGCTAGTNC GTTTTCTTAA AAGATAATCT 180
ATTTACTGTA AAAATAAATT GGACTTTGCA AAAGCTTTTA GAAGGAAAAG AAAGAGGATT 240
AAAGAGAATT GCTGGTGAAA 260

配列番号：1080
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1222
配列：
GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTTAC TTCTGCCTGA AACATTTTCT TTAACATTTT 60
TTATAGTGTT GTTTTACTGG TGATGATTTC TTTCAGGTTC TAAGTGCCTG AACAAAATCT 120
TTATTTCACC TACATCTTGA AAGATAGTTT CTCTGAGTCT ACAATTCCCA GCTGACAATG 180
TTTATCTTCC AGTACTTTAA AGATGTTGCT TCATTATCTG CTAATTTNNT TTGTTTCCAA 240
TAAAATGTTT GCTGGCAAA 259

配列番号：1081
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1223
配列：
GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGA TACCCGCCTG 60
CTGCTCCCAG GTGGCCTGCG GCATNGCTAT GCTCAAGGAC CTGGAAACCC ATGCTTCGAG 120
ACAACGTGAC TTTAATGGGA GGGTGGGTGG GCCGCAGACA GGCTGGCAGG GCAGGTGCTG 180
CGTGGGGCCC TCTCCAGCCC GTCCTACCCT GGGCTCACAT GGGGCCTGTG CCCACCCCTC 240
TTGAGTGTCT TGGGGACAGC TCTTTCCACC CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG 300
GTGGAGTGTT AGGAAA 316

配列番号：1082
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1224
配列：
GATCCAAATG GATTACCAGT GTGCTACAGA CTTCTTATTA TAGAACAGCA TTCTATTCTA 60
CATCAAAAAT AGTTTGTGTA AGTTAGTTTT GGTTACCATC TAAAATATTT TTAAATGTTC 120
TTTACATAAA AATTTATGTT GTGTTTTAAA ATCCTTAGGG GCTTTATCTA TTTTTCTAAG 180
TCAGTTAACT GTACTTCTAA AAAAAGTATT TTGTATCTAC TTTTGTAACT TCGTCAGAAT 240
AAAATATATT GAANGCAAA 259

配列番号：1083
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1225
配列：
GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60
ACAGCATTAA ATATCGAGAA TTTTGGGTGG GAGAGAGCAG TTCAATTTTC TTTACCAGCT 120

GAAGTTCATT TATGATACAA AAGAGATGAA ATGGAAGTGG CAATATAAGG GGATGAGGAG 180
GCATGCTGGC AACCCTTCTT TTAAGATGTG CTCAATTTGT ATAANTGGTG TTTCATGNAA 240
TAATCATCTT GGAGGAAA 258

配列番号：1084
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1226
配列：
GATCGCCGCC CAGGGTTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCACTGCTA 60
TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC TCCGCAGAAA TGATTCCANA 120
ACCCAGGGAG CAACCACTGG CCCTACCGTG GGACTTACTC CCTCCTCTCC TTTGAGAGGC 180
CCATGTGTCG CTGGGGAGGA AGTGACCNTT TGTGTAACTG TAACCGAAAG TTTTTTCAAA 240
AATCCTAGAT GCTGTTGTTT GAATGTTACA TACTTCTATT NNNGCCACAT CTCCCNTCCA 300
CTCCCNTGCT TAATAAACTC TAAAAATCCA CTTGTATTTA AA 342

配列番号：1085
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1227
配列：
GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60
TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT TATTTCAGTA ACTTTTCCCC 120
CTGTGTAAGT TACTATGGTT TGTGGTACAA CTTCATTCTA TAGAATATTA AGTGGAAGTG 180
GGTGAATTCT ACTTTTTATG TTGGAGTGGA CCAATGTCTA TCAAGAGTGA CAAATAAAGT 240
TAATGATGAT TCCAAATAAA 260

配列番号：1086
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1228
配列：
GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTTATT TTATCTTATA 60
ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG TTTGACTGTA CCATTGACTG 120
TTATGGAAGT TCAGCGTTGT ATGTCTCTCT CTACACTGTG GTGCACTTAA CTTGTGGNNT 180
TTTTATACTA AAAATGTAGA NTAAAGACTA TTTTGAAGAT TTGANTAAAG TGNNGNNGTT 240
TGCATTACAC CTCAAA 256

配列番号：1087
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1229
配列：
GATCTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60
GTTCAAAGAG TTGGATATCA ACACTGATGG TGCAGTTAAC TTCCAGGAGT TCCTCATTCT 120
GGTGATAAAG ATGGGCGTGG CAGCCCACAA AAAAAGCCAT GAAGAANGCC ACAAAGAGTA 180
GCTGAGTTAC TGGGCCCAGA GGCTGGGCCC CTGGACATGT ACCTGCAGAN TAATAAAGTC 240
ATCAATACCT CAAA 254

配列番号：1088
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1230
配列：
GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTGCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTN 60
ACGTTAACCA GATGACTTTG CCTGTAACCA AACCTCATGC ATCCACGTTT GCGTCTGGGG 120
AGGAATAAAA AGACATCGTT CCCGCTTCTN CGTTTTGTNA TTCCTACTGC CGCCATAGGA 180
ATTATTTCGT TGGCTGANCG TTACCAGCAC CCCGAGANCA CATTTTGATN GANTCAGAGT 240
AGAGGNCATG GCTGTNTTCT NAAAANGCCN CGCCATGNAA NTGCCAATCC CCTTTTN 297

配列番号：1089
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1231
配列：
GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGTG TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAACTGTTC ACAATGATAA CCCCCCAGGA 120
ATGGGATTGG AGGGGAGGGG GCTTCTGTGT TTGTNATGTA TGCTGGGTGG GANNTTGTGC 180
TTTTATTTCT ATATTGTTTG AATTTTTTTA CAGTATGTAT TATTTTTGTA ATAAAAATTT 240
TAAAAAATTC AAA 253

配列番号：1090
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1232
配列：
GATCTGCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATTCCTAAA ACACGATGAT AATAAACATC ATACATCAGA NTTTTGAGAT 120
ATAATTAAAG CAGTACTTAG AAGAAAATGT ATAGCCTTAA ATATTTAACA TCAGTAAAAN 180
TGANAGGNTG AAAATTGGGA TTTAAATTCC CAACTCAAAG AGCTAGAAAN NGANTTACAA 240
AGCAAGNNGA AA 252

配列番号：1091

配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1233
配列：
GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTTGTTCG TTTTTTTTTA AGACTTGAAA 60
CTTGTAACTG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG ATGTAAAGAT TTAAACCTGA 120
GAGACTTTTN CTTTGTTAGA TTATGAGAAG NACTAGATGC TTTAGGTTTC ATTTTCCCTT 180
AATTGCNATT CTTGTGCGCT NGTTGGGNGG GAACTGTTAT TTTCCNCAAT AAAAAGTAAG 240
TCTTATCGAA A 251

配列番号：1092
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1235
配列：
GATCATTAAA ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTCAGN CNCATACAGA ATCCAATACA 120
TTTTGACAAA CTGCCCATTC CTGCAAGTTA ATGCCCTTTT TGAAGCTTCA TTTCCTCTTG 180
TAAAGTACAG ATAGGAATCA TTATTTTGTG GAGTTGCTGT AAAGATTAAN TAAAGGTGAA 240
TGAAAATAAA 250

配列番号：1093
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1236
配列：
GATCCCAACA AAGATACAAG TGAAAACGCA GAAGGTCAAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC CCAATGTTCC TGTTGGTATA 120
GACTATGTGA TACCTAAAAC AGGGTTTTAC TGTAAGCTGT GTTCACTCTT TTATACANNN 180
CNAAGAAGTT GCAAAGANTA CTCATTGCAG CAGCCTTCCT CATTATCAGA AATTAAAGAA 240
ATTTCTGN 248

配列番号：1094
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1237
配列：
GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAAATGT TAGGCGATGA 60
ATTCCTGAGC ACCTTGTTTT TNTNCCAAGG TTCGTAGCTC CTCTNTGCCC TTCCAAGCCT 120
GTAACCTCGG AGGACTATCT TTTGTCCTTN ATCCTTTGTN TTGTTTGAGT GGGNCAGCCC 180
CAGAGGAACT GATAAGCAAA TGGCAAGTTT TTAAAGGAAG AGTGGAAAGN NCTGCAANTA 240

AAANNCCN 248

配列番号：1095
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1238
配列：
GATCTCCATG CGGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60
TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT GGGTTATAGG TGATTTTCCC 120
TTTCCGCATG ATAAATTTAT GTAATATTTG ACTGACTTGA CCGTAAGTAT GTTACTTGTA 180
TAATAAAAGG AAAAAAGGTA CTTCTATTTT GAAAAAATAA AAATAAAAGC CTTTGGGTTC 240
TTGAAA 246

配列番号：1096
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1239
配列：
GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60
CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG CTCCTCCTCC TGTCGTGGGC 120
TCATTGTGAC CACTGGCCTC TCTACAGCAC GGCCTGTGGC CTGTTCAAGG CAGAACCACG 180
ACCCTTGACT CCCGGGTNNN NNNGTGGCCA AGGATGCTGG AGCTGAATCA GACGCTGACA 240
GTTCTTCAGG CATTTCTATT TCACAATCGA ATTGAACACA TTGGNCAAAT AAAGTTGAAA 300
TTTTACCACN TGAAA 315

配列番号：1097
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1240
配列：
GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60
TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC GTGAACTCTG CCCGTGTGTT 120
CTCAAATTCC CCAGCTTGGG AAATAGCCCT TGGTGTGGGT TTTATCTCTG GTTTGTGTTC 180
TCCGTGGTGG AATTGACCGA AAGCTCTATG TTTTCGTTAA TAAAGGGCAA CTTAGCCAAG 240
TTAAA 245

配列番号：1098
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1241
配列：

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTNTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60
CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTTAAT AGCACTTTAT TGTACANCTA 120
CAAAAAAAAA TATATNCCTA GAATNGTNNC CAGTGTAATT CCTCTAATGT CCTGGTGCCT 180
TTTCATATAT TTCCAGNATT TTNATACTAT ATNGGTATTT CCTTTGTATA AATNGATNGA 240
TNAAN 245

配列番号：1099
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1242
配列：
GATCTTAGGC TTTTCACTTT TTTTGTTTTG TTTTGTTTTT GAAAGAAAGA AAAAAATACA 60
ATTAACAAGC CTCTTTTGTA AATGGGTTTC CTTTCTATGT ATAAAATCGT GGTGGTCCCT 120
TGTTTTTACA TGTTCATGCT GTGTAATTTT GAGATGTTAC TGAGATATGT TCTGAACATA 180
ATGTGCATTT TTTNCTGTAC AGATGAAATG GGAGANTTTA ATAAAGAGTT TGCAGGTTTT 240
TNCTTGTTAA A 251

配列番号：1100
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1243
配列：
GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60
CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA GCCTCAGGAG GGGCCAAGAA 120
CCAGGGGGCC ATCAAAAGCA TCGGGATTTG GCATTGGTTC CAGATGAGCT TTTAAAGCAA 180
ACATAGCAGT TGTTTGCCAT TTCTTGCACT CAGACCTGTG TAATATATGC TCCTGGAAAC 240
CATCAAA 247

配列番号：1101
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1244
配列：
GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCANATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTCGGG AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA TGGGCAAAGA AGTAATCATG 120
TAGTTGAAGT CTGTGGATGC AGCTGTTATG AAGATGGTTA AACTTGAANC AAACAATTTT 180
AAGANTTATT TNGTCTGAAN GATGTTTTAC TTTAAATAAA TGTCTCNTTG NAATGGCTGG 240
AGGTTTTTGG GNGCCAAACC NTTAAA 266

配列番号：1102
配列の長さ：256
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01245
配列：
GATCCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCCTT GTCCAGTNAT 60
GTAAATAATG TGCTTTTCCT CTCCCCGAGT CTTTTTTTTT AAAACCTACC GTGGTTCCTN 120
AGCTAACTGC ATTCCCTACC CAGGCAGAGA CTGTCCTATG CCTCGNGCTT CCAAACGAGA 180
CTCAGACCGC GACANAGCCA CCGTATTTAT GGATTGCCAA ANTAANTAAN GCCCAAANCC 240
ATCGGTCTCT GTGAAA 256

配列番号：1103
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01246
配列：
GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60
GTATGTGCCC TCTGTGCTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG GGCCTCCTTG CCCAGGCAGG 120
AGGCTGGGGT GCTGTGTGGG GGCCAATGCA CTGAACCTGG ACTTGGGGGA AAGAGCCGAG 180
TATCTTCCAG CCGCTGCCTC CTGACTGTAA TAATATTAAA CTTTTTTAAA AAACCATAAA 240

配列番号：1104
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01247
配列：
GATCTGGGCA GTNAGATAGT GCTCTATGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG NTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTAAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG CANGAAGGTA CAGCCATTCA 120
GATAAGTGGA ACTATTGAGT TACATAAAGA AAGTAGATTT GCANTNNTCN GGCAGACGTT 180
TATACANCAC CACGGTGCTT TTATACATTG TNCTNATTTT AATAAAACTG ANGTTCTATG 240
TGAAA 245

配列番号：1105
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01248
配列：
GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTC CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60
CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTTAAT GTCTATCTTC TGTCTCTTTA ATTTTGTATA 120
TCTGCTGTTT TGCTTTTGGA TACATTTTCT AATTAGAAGT CACATGATAA ATATAATCAG 180
TATAGTAATA ATACCATAAT GTGCACATAC TCAATAAATA AATGACTGCA TTGTTGTAAA 240

配列番号：1106
配列の長さ：240

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01249
配列：
GATCCATTTN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG GTCGGCTCTG CCCGCTGTTC 120
TGGGGTCGAC TGCCACGACT TTNNATTCAA GAAGCTTCCT CCAGGCGGNA GCGGCTATTT 180
TCCCTAAATN AGAATTGTTA CATTGCAAAT NGTTGAATAA AATATTTNGC GGTCCTTAAA 240

配列番号：1107
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01250
配列：
GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60
CAGAGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAA AGATGTATCT TTGTATATTA ATAGCTGTAA 120
TGTAGCTTCC TGATGCTTGA CTAATTGAGG TGTTAATTCT GACTTGAGAA TCTTTTTCAT 180
GAATGATTTT AAAGAAAAAT TTGGATTTTA AAGGTATTAA AATATTTTNG TTTTGTAAA 239

配列番号：1108
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01251
配列：
GATCCGCAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGTCTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC AGGAAGNATG TGGGCTCTGT 120
CAAGTTCACC GTCACCATCA AGCCACTGCT GTGGAAGAGT TTGNCAACAG GNCAGTGTCA 180
CAGCACANCT TCAGANGCAG CATCCGNGTG TCGTCCAACA GANGNCCTNG TCCGGTCAN 239

配列番号：1109
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01252
配列：
GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCCTC TCGAGTTTTG TCTCTAATAA AGGCCTTTTT 60
TGTTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTTGT ATTGACCTTA TTTCAACTGA 120
AGCGATTATT TCCAGCAGGT TTAATTTCGA CAATAAGATA TATTTNAATA GTTTTACCTT 180
TCGCTAGAAT TTTGTATTGT TTAAAACAGT AAATGAATAA NTTTGCTGAT GATTCAAA 238

配列番号：1110
配列の長さ：238
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1253
配列：
GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60
GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TTAAAACTAG AAAAACTATT CCTAATCAAC 120
ATGGAGTGGA GAGTTTATTC ACTGTCTTAT CTGCAGAAAT TTGCTGTCAA TATATAACCC 180
GCCTGCAGTG GAAAGTGTAT AGTGTTTTGT AATAAATGGC CTGATGCTAA TGTGTAAA 238

配列番号：1111
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1254
配列：
GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAAACTATAT TTTGAGTTCT 60
CTGCAGCAAG TGGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATTT ACAAAGATGA TACTGCTAAG 120
TCAGAGTCAC GTTTATTGCT AATATGATGG TGGAGTGTTG TCTTCATTCA TAATGAAGGG 180
AAATGTTATT TTTAATAGNG GTTAGTGAAA TAAAANTAAN CCTATTTTCT AANCAAA 237

配列番号：1112
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1256
配列：
GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTTATAGAA GAACATGCCA CAAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAGG AGGCAGACGC CCTGCGTGGC 120
CCATGGTCGG GGCGTCCACG CCGAGGCCGG CAACAAACGA CAGTATCTCG GATTCCTNTT 180
TTTTTTTTTT AAATTTTTNA AACTNNGGGG TTNCACTNCA NGNTCTGAAT ACTGANTANC 240
CATGAATNCC TGAATAGTTT AGNCCAGN 268

配列番号：1113
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1257
配列：
GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60
CCCCTCCATG TTCCCCACGT GGCCCGCCAA GAGCGAGCAG CAGCGTGTGA AGCGGGGCAC 120
CANCCCGAGG CCCCTGAGGG AGGCCTGGGC TACAGCCAGC TGGGTGACGA CGACCTGAAG 180
NAGACGGGCT TCCACCTTAC CACCACGAAC CAGGGGCCTC TNCNGCGGGN CCNGGN 236

配列番号：1114
配列の長さ：235
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1258
配列：
GATCTGTTGA CTTCCCTGGG TAGGACACTG CCACCTCTGG GCTCAGGTCC TNATGCCTCC 60
AAATGGCATC TAGAGTTTGA GCAGCCTTCT TGGCTGCAAG GCAGGCCTAG CCTGTGGCAG 120
CGGGCTAGGG CCCGCAGAGC ATTTGGTGCC CCTCCATGTT GCAATGCAAA CACCTTCACC 180
ACTGGGGCAG TGGGGAGAGA TGGCTATATT AATAAAATAA CGTGTGTCTT TCAAA 235

配列番号：1115
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1259
配列：
GATCATNATT TTTNCTGCGT AGTTGACAGA CTTAGCATAT TAGTTTTTNN TACTCCTACA 60
AGTGTAAATT GAAAAATCTT TATATTAAAA AAGTAAACTG TTATGAAGCT GCTATGTACT 120
AATAATACTT TGCTTGCCAA AGTGTTTGGN NTTTNTTGTN GTTTGTTTGT TTGTTTGTTT 180
TTGGTTCATG AACAACAGTN TCTAGAAACC CATTTTGAAA GNGGAAANTT ATTAN 235

配列番号：1116
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1260
配列：
GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAAGAGAA AATGAAAAAA ATACAACTAA AAGGAAGAAA 120
CACAACTTCA AAGATTTTTC AGTGATGAGA ATCCACATTT GTATTTCAAG ATAATGTAGT 180
TTAAAAAAAA AAAANGGNAA AAACNTTGTT GNAANTNCCN CCTTTNCCTC NGGN 234

配列番号：1117
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1261
配列：
GATCCCCCGN TCAGCNCCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60
CTTTACCTTT CTAAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA AGTTAATTTT TGAAAATNAC 120
ATATTTTTGT NTGATAGAAA GAATGGAGCA AGTNGTGCCT ATTTCCTCCA AGTCAGATAA 180
GGTTTCTAAA ATAAATAAAT TTCTAGCATA TAAAGGGTAG AGATAAACTC NNNN 234

配列番号：1118
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1262
配列：
GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60
CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA CTTCTGTCAT TCAGAACATT 120
TTATGTCAAA TGATGTAATG CAGAAATNCT TGTGCATATT TGTAACTGAA GGAAGCTTTT 180
TAGATTTATT TNNGTTTTTA ATAAAATTCA GATTCCTATT CTAAACTGGT AAA 233

配列番号：1119
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1263
配列：
GATCTNCTAT GCAGTTCTGC CATGCNTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTCTT TGTTACTTGG 60
GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCGTGCAT TCCATCTTTN ATGTTGTGTA AAGTTCTTCA 120
CTTTTTNNTC TGAGGGCTGG GGGTTGGGGG AGTCAGCATG ATTATATTTN AATGTAGAAA 180
ATGTGACATC TGGATATAAA ATGAAAATAA ATGTTAAATT AAATGGAAAA 230

配列番号：1120
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1264
配列：
GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60
ACTCTATAAT ACATTAAATT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA ATGTTTCTGA AACATTAAAC 120
TTGTATNTAT GTCACTAAAN TTCTAACACA AACTTAAAAA ATGTGTCTCA TACATATGCT 180
GTACTAGGCT TCATCATGCA TTNGTAAATT TGTGTATGAT TTGCNNNTNT GNNNGNN 237

配列番号：1121
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1265
配列：
GATCTGGCCA GTTGTACTTT TAGCTCCCAG AGGGAGAGTT GGTGGTATTA TGAGTTGAGT 60
AAAAACCATC CAGGGGAACT TGAGGGAGCA GTCTGTTGCC AGTAATGTTC CTTGTGTGCC 120
ATTAAACCAC CTCCAGATGA GTGGAGGAAC ATCACTTTTT AATTTTTTAA TTGTATTTGG 180
AATTGTTGCC GTGTACTAAG AACTTGACCT AAATAAAATC CCACAAAGTA TAAA 234

配列番号：1122
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1266

配列：
GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTCACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60
CCACCCCAGA GACCCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTTC CCGGCAGGTC TGGGAGTAGG 120
GAAGGGCTGA AGCCTTGTTT CCCTTGCAGG GGGGCCAGCC ATTGTCTCCC ACTTGGGGAG 180
TTTCTTCCTG GCATCATGCC TTCTGAATAA ATGCCGATTT TATCCATGGA AA 232

配列番号：1123
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1267
配列：
GATCAGGAGG CATCATTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCGTAA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60
TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT GCCCTTGACC TGTATTCCAC 120
TTACTCCACC TTCCATTCCT CGCCCTGTCC CCACAGCCGA GTCCTGCATC AGCCCTTTAT 180
CCTCACACGC TTTTCTACAA TGGCATTCAA TAAAGTGTAT ATGTTTCTGG TGAAA 235

配列番号：1124
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1268
配列：
GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTTCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60
TCGGAAGAAC TGCCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT TGCTCCTNAG GTCGTCACTA 120
TATCAACAGT CACAAACCCA ATGGCAATAA AGGCACTGAC GATAGCTGGC GCGCGCNACG 180
CCACACACCA TTTTNAGATG CCGTTGCAAT TAAATCTTGC CACACTGTCC TCCTGAAA 238

配列番号：1125
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1269
配列：
GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTTGACT 60
GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGGT AGCCTTTTAC CAGTTTCTAA ACANTNGTAA 120
TCATTTATTG ACTCAGCAAT TCCTCAGATA ACAGGTCAAA AGATGTACAG ATACATTCNN 180
NAGTTTTCTT GCTATTAAAG GCACAAGAGT TTCCTTGTAT TTTGACTGAA A 231

配列番号：1126
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1270
配列：

GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60
TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGGAAG AGCAGTCCAG GCTCAGGGAA 120
GGGAATGGAT AGGATGACAC AGTAAGTACA GAAACTGAAG CTGTCAATAG TGAAGGAAAA 180
AGGGGAATTC TTCGTTGCTT TGGCATTNAC ACATAAGTAC TTTGATTAAA 230

配列番号：1127
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1272
配列：
GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60
GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTTCTTT TGGGCCACAT CTAAGAAATC TTTGTCTAGC 120
CAAAAGCCAC AAATAATTTC TCATTTTTTG GCTTCTGGAA GATGTACAGT TAAATGTTAT 180
ATTTGGGACT GTTATCTAAT TTGATTAAAT TGCACTCTAC AATATGAAA 229

配列番号：1128
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1273
配列：
GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTNTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG CAGCAGTTTC AGCATCAGGG 120
CGGAAGCTTA AAGCAGCAGC GGGTGTGCCC AGGCACCCAG ATGATTCCTA TGGCACCAGC 180
CAGGAAAAAT GGCAGCTCTT AAAGGAGAAA ATGTTTNAGC CCAGTCAAA 229

配列番号：1129
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1274
配列：
GATCCTTACT ACTGGAATTA CCGGGTTAAA AGGAAATGCT TACCACTAAG ATGTCAGTAT 60
TCTCCTCATG GATATTTTCA ATCTCAATGT TGCCAGTCTA ATAGTATAGT ATGTGGTTGC 120
TTTACTGCTG TTCTCCCCAC CCCCGTGGAG TTGTGTCATT ATTTTAATGA ATGTGAGCTC 180
TTGACTTACT CTAGAATTCT AATACAGATA CTTTCTGCAC TAGTAAA 227

配列番号：1130
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1276
配列：
GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60

TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC CTGTCTTCTG GTCACTTCTC 120
ACTATGTCCC CTCAGCTCCT ATCTCTGTAT GGCCTGGTTT TTCCTAGGCT ATGATTATTG 180
AGTGAGGATT ATCATAATAT TGGAATAAAA AGTAATTGCT ACCCAAA 227

配列番号：1131
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01277
配列：
GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAAATAAG ANTAGGTCCT GTTTATTTTG ACATCTNTTT 60
ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC CTCTTGTTTA AAGTTTGGAA 120
ATTTTTATTG TTAAATGTAA CATTTTAATG GTTGTAATAA TTATTTGTAT AGATATGAAT 180
ATAGTATTTN ATTTAAGANA ATAAACTTTG CATTTTTGCA TNGTAAA 227

配列番号：1132
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01278
配列：
GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60
ACTGGAAATA TTTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT CATCTTTAAG CTGTTTAATT 120
AACCTAATAA AATAATNTGA TGGGGAAGGC ATTCTAATTG TTTCTGATTT TNNGAGTGGT 180
TCCTGCTAAN TCATCANTAT CANTACAGCT TGATTTGATT TAAGAAA 227

配列番号：1133
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01279
配列：
GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60
AATCTCCATA ATTTCAATTT GTAAACTTTG TTAAGACCTG TCTACATTGT TATATGTGTG 120
TGACTTGAGT AATGTTATCA ACGTTTTTGT AAATATTTAC TATGTTTTTC TATTAGCTAA 180
ATTCCAACAA TTTTGTACTT TAATAAAATG TTCTAAACAT TGCAAA 226

配列番号：1134
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01280
配列：
GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60
CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN TTCTCCTCAG TGTCCCTCTC 120

TGAGTGGTAA GAGTATGTTA ATAAGCCAGT NCTGAGACCG GAGCACGAGG CAACTGCTCA 180
ATGTTGGTCA TTGTCACTGT TATTAAATGT AACTTAAGGG NNAAA 225

配列番号：1135
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01281
配列：
GATCTGACTT AAAAACCCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60
GTTAACTCTC TGGGTGTTCA GGCTTCTATT TGACTGCTGT TGTNACCCTG TTTGCAAAAT 120
GAATATGACA CTCTGTGGAT TATTTNCTCT GTAAGGCACA AGTNCTTCTN ATGATTANTT 180
TGACGTTTCA NGAGCAAAAG CAAATTNANA CTCTCTTCAG CAAA 224

配列番号：1136
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01282
配列：
GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60
AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCCTAG GTTGGGACCC ACTCCAAATA 120
ATCTCCTCGG TGTGGGTNGT GGTTCTATAG AGGNATANAT GAATAATAAA CATTGTTAAA 180
NTATACGATA ATGNATAAAG TAATCCTTTC ATCANNTGTG AAA 223

配列番号：1137
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01283
配列：
GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60
CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCCACC TGTCCTGCAG TCTTTGACTT TTCCTTTCTT 120
TTTTGCCACC CTTTCAGGAA CCCTGTATGG TTTTNAGTTT AAATTAAAGG AGTCGTTATC 180
GTGGTGGGAA TATGAAATAA AGTAGAAGAA AAGGCCATGA AA 222

配列番号：1138
配列の長さ：432
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01284
配列：
GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60
GGCAGAGCTT CTGCCCACTG TTATCTTCAC TTTCTTTGTC CAGTCTTTTG TTTTTAATAA 120
GCAGTGACCC TCCCTACTCT TCTTTTTAAT GATTTTNGTA GTTGATTTGT CTGAACTGTG 180

GCNACTGTGC ATTCCTTGAA TAATCACTTG TAAAAATTGT CAGTGCTTGA NGCTGTTTCC 240
TTTACTCACA TTGAAGGGAC TTCGTTGGTT TTTNGGAGTC TTGGTTGTGA CNNCAAGAGC 300
AGAGTGAGGA AGACCCCCAA GCATAGACTC GGGTACTGTG ATGATGGCTG CAGTCCAGTT 360
TTTATGATTC TGCTTTTTAT GTGTCCCTTG ATACCAGTGG NCTTANCAAT TATACATTNC 420
CTCATANTTA AA 432

配列番号：1139
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1285
配列：
GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60
CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC AAAATCTGAA CAAAGTGAAA 120
AACAGCCTTT TGAGTCTTTC TGATACCTGA GTTTTTATGC TTATAATTTT TGTTCTTTGA 180
AAAAAAAGCC CTAAATCATA GTAAAACATT ATANNCTAAA 220

配列番号：1140
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1286
配列：
GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTTGTTTT 60
TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGGG CTATGTGGGA GANTCAGCTA TCTTGTNTGG 120
TTTTTTTGAG ACCTCAGATG TGTNTTCAGC AGGNCTGAAA NCTTTTNTNC TTTAATAATG 180
AGAAATGTAT ATTTTACTAA TAAATTATTN ACCGAGAAA 219

配列番号：1141
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1287
配列：
GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTCTTGGAA CAGGTAAAAT 60
GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAAACA GTATTTTATG TAACAGCTAT TCCCATATTC 120
TAGGAGTGGC CTAAGAAATG CGTGTTTCAG TGACTAGATT ATAAATATNC TCTATTGTGA 180
ATAGTTGAAT AAAACAGCTG TTTTTTTCTG CTTCCTAAA 219

配列番号：1142
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1288
配列：

GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60
TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA TTGCCAACAC ATACTTCTAC 120
TTTTAAATAA ACAACTTTGA TGATGTAACT TGACCTTCCA GAGTTATGGA AATTTTGTCC 180
CCATGTAATG AATAAATTGT ATGTATTTTT CTCTATAAA 219

配列番号：1143
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1289
配列：
GATCCCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TNCTGCCTGA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60
AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTNTT CAATCACACC ATGGTGTACG 120
ATGGCTTTGG GCCTGCTGAC CTGCGCCAGG CTTGTNCCGA GCTCTCCCTC TGGGACCATG 180
GGGCCCTGGG CAACCGNCAG NTNGGGAGGC ACACGCNTN 219

配列番号：1144
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1290
配列：
GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60
CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT AGCTTTTTGG AGAATAGCCA 120
TGATTAACTG CTATTCGTGG TGGGGGTGGG GGGGAACCCT ATGATTTACT ATGCAGATGA 180
AGAGGGTAGG AACTAAATAA AGGACTTTGT AAGCCAAA 218

配列番号：1145
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1291
配列：
GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAAGTCTGGA 60
TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA CAAATAGTTA GCTTCTTTTT 120
TTTTTCTTTT TATTAAANCT GNGATAGATT TTNTTACCAA GCAGCATTTG ATAAGAGGTC 180
CACTGGTTTT GGTAANCAAT AANCATTTTT ATACCAAA 218

配列番号：1146
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1292
配列：
GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCCTGTTC 60

TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC AAAGCCCAAA GTGGTATAGA 120
AATGCTGGTT TTTCAGTTTT CAGGAGTGGG TTGATTTCAG CACCTACAGT GTACAGTCTT 180
GTATTAAGTT GTTAATAAAA GTACATGTTA AACTTAAA 218

配列番号：1147
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1293
配列：
GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTTGCT TTGGGACTTT 60
GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA GTGTGATTGA TTGCTTTATC 120
TTTGGTAACT TTTACTTGAA TGGGATTTGC TGAATTAATG ACTATTGAAT TTAAAACTAA 180
TTATGAGTTG ACAAATAAAT AAAAGGTAGT GTTTAAA 217

配列番号：1148
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1294
配列：
GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTCAGGCT GTCATAGCCA 60
CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC AATNAGTGAC ATCCTGAGTC 120
TTTTATCTGT TNAGCTTGCT NTNCTNTTCT NTCATACATC AGGATATTGC CTGTAATGTG 180
GAGTGGACAG GATAAAAATA AGNATTTTAC TTTCAAA 217

配列番号：1149
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1295
配列：
GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCCT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCCTGTCC 60
TCCCCTGTCT CCTTTCCTCC TCCTGGGTTC ATGTTGTAAT AAAAGAAGAT TGTTGGTGTG 120
TAAA 124

配列番号：1150
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1296
配列：
GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60
AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT TTNATTTTTG TATTCCGTTT 120
TACGTTACTG GTCCCAGCAT CAAAACCCTT GTTTCCATGG CCTGTTTGTA TATTGTCTCA 180

ATAAAACTTG CATCAGCCGG TGGTGGCGGC AGAAA 215

配列番号：1151
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1297
配列：
GATCATAGTG TTTTGTAATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTTAAGGG TAATTTAGAC 60
CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAATTAA TGAATGANTN CTGGTAAAAA 120
TTCANNNNGG CACTCTGTGA GTAGAGAGTA TCATTTAAGC TTATTTNAGT CACATGTAGT 180
ATATATCTCC TTAAAGCTGT CACTCTCACT TTNCTTACCA TTCTCTTGAT TTNNTCAGAA 240
NCCATCTAGT CATCATCTTT ATACTCTACC TGCTTCTGCA ATTGTATATC ANATNGNGN 299

配列番号：1152
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1298
配列：
GATCAAAGTT TAATTGCTTC ATTTTTGTTT AAAAAGGGAT ACTGATGTCA GAAAATCTGT 60
AATATGTTTT ATTCAAAAGA TGTAAATAAT GTATACAGAC TTGTATGTGA TGGGATGGGA 120
AATATTTAAA TNCTAGGTGT TTTTTTTTTT TTNAANGNGG AACCNCAATG TTTATAGGAA 180
AAAANTGATT AANTNGTTCC GTTTGGCCNT GAAA 214

配列番号：1153
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1299
配列：
GATCCCTCTC CTCGCCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAACTACC CGAAGACTTA GGTGCTTTGT 120
GTACTTAACC CCAGGACCTN CTTACTTTTT AATATAAAGA GTGATGTTGT ATTTCGTGTT 180
CTGCACTTTT TAATATAAAG AGTGATGTTG TAAA 214

配列番号：1154
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1300
配列：
GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60
AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACTTTTT GTACATTTGC ATTCCTTCAA TAATGATTAC 120
CATTTGTNCA CATATTTGTT GACCATTGGA ATTGATTTTA GCACAGTGCC TAAAATATAG 180

TAGGTGCTCA ATAAATATTT GTTAATTGAA TAAA 214

配列番号：1155
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1301
配列：
GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60
TTGTGGAAAT CTCTTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG CTTTTATTAA GATTTNCTCA 120
GACTTACTTG GAGGTTAAAG CAAACCCAAA TGTGTATTAT TTTGTTACAG AGCTCTGCTT 180
TATAATTTTG TAATAAAGTT TCAATACAGA CAAA 214

配列番号：1156
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1302
配列：
GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGA GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60
CAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT CCACAAGGTA TGCTCCCCAC 120
GGTTTCTTCT CAATTTCAAA GGTNAAGATG TTTTTTTGTG GTGATATAAA ATTTATTGTG 180
AATACTTGGT CCATNAAATT GGTACTTGCT AAA 213

配列番号：1157
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1303
配列：
GATCTTGTTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCCC TTTAATACTG GGCATTTTAA 60
AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT TAAAATAATT TCAAAGATAT 120
CTGAGAAAAG CCGATATTTG CCATTCTTCC TATATCCTGG AATATATCTT GCATCCTGAG 180
TTTATAATAA TAAATAATAT TCTACCTTGG AAA 213

配列番号：1158
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1304
配列：
GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTTCTAAGT CTTTCCAGAA 60
AAAAACTATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC ACTTAGCTGA TAATCACAGT 120
AAGAAGACTT CTGGTATTAT CTCTCTATCA GATAAGATTT TGTTAATGTA CTATTTTACT 180
CTTCAATAAA TAAAACAGTT TATTATCTCA AA 212

配列番号：1159
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01305
配列：
GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60
CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTTGC TGAGACTTCC TGGATGGAGC CGCCTCACCG 120
CCGGGCCCGT GGCCTGCNCG GANTGTGTCC AATAAAGTTC TTGGATGTGA AAACTTAACA 180
ATTTTGTGTA ATAAAAATGG AGAAGCTCTA AA 212

配列番号：1160
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01306
配列：
GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCAGT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT NCTTTTTAGA TAAATATGTA 120
TATCAATATT TTAAATNCAT CTTTGCTTTT TTTAGAGGAG TTTGTAATCA CCTTATAACA 180
TGAAAATAAA CATTTCCTTT TTAACATCAA A 211

配列番号：1161
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01307
配列：
GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 60
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT ATTAATCCCC ATATTCTNNN 120
NCTGCCCTTA ACTCTGGTAT ACACCAAAAA GAAATCTTTA CTTTCCTTGT TTTATCATTA 180
TAAAAATAAA GTATTTTGCT AGTATGGAAA 210

配列番号：1162
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01308
配列：
GATCCGCCCA TGTNAGCCTC CCAAAGTGCT AGGGTTACAG GCATGAGCTA CCATGCCTGG 60
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTTT CCTAGGTAAC CCAAGGTCTA TTGAAATTNC 120
ATATAGCTTT CTTTNCTATT ACATATTTAA ATAGATTTNN CCTGATTTNA GAAAAGCTGT 180
AGATTTTNAT ATGTNAATCT TGTNTCCNTN 210

配列番号：1163
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1309
配列：
GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60
GGAAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCG CCTGCNTGGA GGACGAGCCA 120
GCNTCCTGCN CTGGATGAGG ACAGCGAGCA CCCGCCATNA TTCTNCGGAC TGACTGAACT 180
TNACCTGTGA CCTCTTACCN GTGGAGCAN 209

配列番号：1164
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1310
配列：
GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60
CTAAAAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GGCGTGTGCC TGCAATACCA GCTACTCAGA 120
AGGCTGNAGC AGGNTAATTG CTTGANCCTG GTAGGTGGAG GTTNCAGTGA GCTGANATCA 180
TGCCACTGNA CTCCAGCCTG GGTNACAGN 209

配列番号：1165
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1311
配列：
GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAAACT ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60
TGAGTTAACG TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG AGCGTGTCAC TTCCTCTGAA 120
CTGTTACTGC CTGAATGGAG TCCTGGACGA CATTGGGTTT TTCCTCTAGG AGAATACAAG 180
CCTTAATAAA CAATACTATT TAGCAAA 207

配列番号：1166
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1312
配列：
GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTNGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60
GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG ATAGCTGAAT GTGGTATATA 120
TAGGAACTCT GTGCTGAGTT TATAACTCCT CTGTATGTCT AAAACTATTT CAAAATAAAA 180
NGTTTAAAGG TAAAANAAAA GATTAAA 207

配列番号：1167

配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01313
配列：
GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA 60
TATGTGTGGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA CAGCCATGAA CCATGCACTT 120
ATGGATACCC AGCCTTTTAG GGCTACGTGA AATGCATCCT TGTANCATCA TTGTATTCTT 180
TCAATAAATA GCCTTCTGAG TTGAAA 206

配列番号：1168
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01314
配列：
GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCCGCCACA TGCTACTGTT GGCTATCCAG 60
GAGTGCTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG CCCAACTCCG TGGGGTTTTT 120
TTAACCATTG TTGGACCTGG GGAGGGGGGA GTTAAAAAAA GAACCAGAAA GAAATTGTCA 180
AAAACCAATA AATGAAATCC ACCAACTCAC AAA 213

配列番号：1169
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01315
配列：
GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAAC 60
AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT ACACAATTAA AAAACCTTTA 120
CACTATTTCT AGAAAGTCAG CATGTATTTT TGGCTCGNNG TTTCNCCNCG TGTTTTCTGT 180
GGAAGGAATA AAAATTTGAG TTTCAGTTGT GTAAA 215

配列番号：1170
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01316
配列：
GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCAT 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAAANTTGT TTACAGGATA TTCCTTTAGT GGTGGAATTA 120
AAATNTACGA NTACTTGCTT TTTCAAAAAA ATGTATTTTN TGTTAAAAGT TTAAAGATTT 180
TTGCTATATA TTATGGAAGA AAAATGTAAT CGTAAATATT AATTTTNTAC CTATATTGTG 240
CAATACTTGA AAAAAACGGT ATNGAAAGTA TTTTGAGTCA GTGTCTTACA TGTTAAGAGG 300
GACTGAAATA GTTTATATTA AGTTTGTATT AAANTTCTTT AAAATTAAA 349

配列番号：1171
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01317
配列：
GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTTAGT TTTTTAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA TTTGCATCAG CTGGTTTATA 120
TACTAAAGCA ACATGTTTTG ATGAGTTTCT TACATCCTTA TCGAGGAATT GGGTTAGGAA 180
AAAATACATA ATTGTAAAAC TGAAA 205

配列番号：1172
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01318
配列：
GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT NANGTTGAAA TAAAATCTTT 120
AAAATTTACT ATATTGCCAG TGGTTTCACA NCAGTTCTCT TGTATTTATT TATCAATTAA 180
ATCAAATAAA AATGATTATG TCAAA 205

配列番号：1173
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01319
配列：
GATCCCCTGA CCTGCATTAC CTTGGTAACC ATTTCATTTT TTAATTTAAT TTCATTTTTT 60
AATTTTGGTG TACAAGCTGT AACATTTCAT CTTTCAAAGT GTAACACGCT GATTTCCTCA 120
AATAGAGATA CCCCTTTGAG TGATAAATTT GCAAAATGCT GTCTTCATTT TCTGTATTAA 180
AATTCATTTC AGTTTTAAAA TAAA 204

配列番号：1174
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01320
配列：
GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTCAGG TGTTTTGCTG CTTTGGCAGA 120
GAGTGGTTGA GTGTNGAATC GTTCAGCTCT NAGGTTCTGT NCCCTGTGGT GGAGAGGACG 180
CAGCAGCNAN NTCTGGGNTC TNAN 204

配列番号：1175

配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1321
配列：
GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGNC ACATTCCTGT TGCATTAAGN 60
CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT GCTGNAAGTA TGTTACTATT 120
CTNAGTTTGT AAATTGTCCT TTTGATACCA TCATCTNGTT TTCTTTTTGT AGGTATAAAT 180
AAAANCACTG TTGNCANTAA GGAAA 205

配列番号：1176
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1322
配列：
GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60
TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT TCCTCGCAGG TCTCAGCCCG 120
GGACAGGGTC TTGCAAGCAG CCTCCTGGGC AGTCGTAAGG GTTGCGGCGT GATGTCTTCA 180
ATAAATTAAG TTTTATTTGG AAA 203

配列番号：1177
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1323
配列：
GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60
CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTTGAAGA TAACTGCTTT TAACCTCTCC TTACAAGATT 120
TTTGTTGTTG ATGTATTTAA TTTTAGCCCA TGTCTCAATT CTCATTTTCA AAGAATCAAT 180
ATATTAATAT ACCTTTGGTC AAA 203

配列番号：1178
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1324
配列：
GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60
AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGGAATGAGT TCTCTTTTAA GGCCTTCAAC GTAGTNNGAC 120
ATTTTCAAAT CAAAAAGTAC AGCAGGAGCC AGCCTTTATT TTGTCTGTGT ACACAATAAA 180
ATATTCCGCT TCTATAGGCA AA 202

配列番号：1179
配列の長さ：211

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1325
配列：
GATCAGCTGA AGGTTCATGG GTTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60
TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTCA CAGGTTTAAA AACCTCACAG 120
CTTGTATAAT GTAACCATTT GGGGTCCGCT TTTAACTTGG ACTAGTGTAA CTCCTTCATG 180
CAATAAACTG AAAAGAGCCA TGCTGTCTAA A 211

配列番号：1180
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1326
配列：
GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60
TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGGCTCTAA GAGAAAGGCC CATCTACTCA GGAAGAGGGC 120
CAGGNCCTTG GGTTCTGGGG ATTGGCCCCT GAGAGGGCTA GTCCTGTGGC TGAAAATAAA 180
GCATGTCCCG CCCNNTAAA 199

配列番号：1181
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1327
配列：
GATCTTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTTAAGTAG CAGTATGGGA 60
CAAGGCTTGT AAATGTTTTG TCTAATGTTC TATTGTCACC TTTTATGCAT TTATCACTTC 120
CAAATCTAAC TTTGCACAAG TAACCCATGT AAAAAAAAAT GTACATTTTT CAAAAGTTGT 180
AAATAAAAAT AACCTTAAA 199

配列番号：1182
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1328
配列：
GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60
ANGAAGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT ANGAATGGAG GTAAAGCGAA GGATTCAGCA 120
ANGACAGCAG AGGAAACTTC CANGCCAAAA GNTGACTAAA GNAGTACAGG TTANGGTATC 180
TGGTATCTGC ATGTAGANTC TTCAGCTGGT GGATGGTGAC TTTTGAAGTA CNAAAGGCTT 240
TGGCAACNGN AN 252

配列番号：1183
配列の長さ：197

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1329
配列：
GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCATCT 60
TTCCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA AAGAACTGAG GGTAATGCGA 120
ATNACTCTTG TTCATAGAGG CAAATGAATT TTGTCCCATG GAGATTTAAT TGATATTACT 180
CTGTGGATGT TGACAAA 197

配列番号：1184
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1330
配列：
GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTAACTGAC CACATCAGAC ATCATGCTAA 60
ATACCTGAAT GCATGAAAAA ACTCCAAATA AGAGAATCTC TTCAGGATTA TAAAAGTTGT 120
AAAATGCAAC TGTATTGCTG AGCAAA 146

配列番号：1185
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1331
配列：
GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60
CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC CCCTCACAGA CTCCTTGTGT 120
CCAACGGGAA TAGGAAGAAT TAGTTACTGA CTTCACCTGA GAAAAAAATA AATNCTCTAT 180
GGTGGTTTCA CAGGAAA 197

配列番号：1186
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1332
配列：
GATCTCTTTG TGAACTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAAACTTTA TAGAAGTACA GTATTAAAGT 120
CAGTGGTACA CAGACATTCT GTACATATCC TGTGAAACGT GCTGTCATAT GAAATAAATA 180
TATCTGTCTT TACAAA 196

配列番号：1187
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1333
配列：
GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60
TGTCCTCCGT CCCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC AGGGCCTGGG CCATCCCTGG 120
GACAAAGGTG CGTCCCTTCA GCTCTTCTCC GTGGAGCTCG GGGCTTTCTG TATTTATGTA 180
TTTGTACGAA TGTAAA 196

配列番号：1188
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1334
配列：
GATCTTCGGC CTCATTCTGA ATACCTNTTC TTTGGACAGT NTTTTTCCTT TGGTGCTCTC 60
TTGCCTTTAG CTACCTTCTC TAATATGTAT GCTACCATCA CTAATAAAGT GATGGGAATG 120
GGTTTGAGAG TCGTAATTTA TATTAAAAAG TTGTTGGACT TTTAAATACA TTTTTNCAAA 180
TAAAAAATTA AGCAAA 196

配列番号：1189
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1335
配列：
GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCCAC AAAATTTCAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60
TCTTTTTGCC TGTAAAATAT AACAAAGGGC ATCATTAAGT AGACCAGGTA ATTACTGCTT 120
GTNTCTCAAG GCTGCTGTCT TTATCAGCAC TAACTAAATA AATTTGTTGG TTCAGTTGTA 180
CTTGTCCTGC AAA 193

配列番号：1190
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1336
配列：
GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AGACTAATGC 60
TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC TCTTGTCCCA CCCTTCTTCT 120
CTTCCCCATT CCCAACTCCA GCTAAAATAT GGGAAGGGAG AACCCCCAAT AAAACTGCCA 180
TGGNCTTTTA AA 192

配列番号：1191
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1337

配列：
GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGGCTCTA 60
TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA CTGCTAAAAT TTACATGTTG 120
TGATGTAAAT TGTGTAGAAA ACCATTAAAT CATTCAAAAT AATAAACTAT TTTTATTAGA 180
GAATGTAAA 189

配列番号：1192
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1338
配列：
GATCAAATTT TTGTAAAATT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60
NATATTCCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT TTNATGATAG GNNAGATGCG 120
GNCATCACTG GGATATTTNC AAATCCCAAG GNCATCAGAG TGAAGTGTCA GTTGTCAGAT 180
GATTTNNAN 189

配列番号：1193
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1339
配列：
GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60
GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCCC GTGTTCCCCA TCCTCAGTTG AAGTTTGATG 120
AATTNANGTC GGGCCTCTAT GCCAACTGGT TCCTTTTGTT CTCAATAAAT GTTGGGTTTG 180
GTAATAAA 188

配列番号：1194
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1340
配列：
GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAATTGC 60
CTATAAATTG ACTCTACTAA AATAACAATG TTTCAGTCTG AAAATTTGAA TTGAAAAAAA 120
TGTATAATAT AAAATTGTAA TACACTCAAA TGATTATAAA AGTAAAAGTT GGTAATTTAG 180
GCAGAAA 187

配列番号：1195
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1341
配列：

GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60
TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGGTATGAC CTGACTGTCC AATTTTCAAG ATGAACCAGA 120
AATCCAGACC NTTATATAAA ATCTCCTGGA TTTTTAAATG TTGGCAATTA ATCAGAATGT 180
TTTTAAA 187

配列番号：1196
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1342
配列：
GATCACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCCC TCACTTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60
AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTACTGGAAT GAGTTGCAGG NAATGCAGCA NACTTGTTTC 120
NCCTAGATTT GAGTCAAACT CCTGNTCAAA GAATCGGTNG GGCATANAAG AAATNTTCTT 180
NTTAAA 186

配列番号：1197
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1343
配列：
GATCTTTTTA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60
ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC ATGTTTTGTA ATTTGAGGGT 120
CTTGATTTCA CCATTGTCGG TGAAGAAAAT TTTCAATAAA TATGTATTAC CCGTCTGAAG 180
CTTAAA 186

配列番号：1198
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1344
配列：
GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60
TTTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA TGGATAAGCT AATTAAGATA 120
TCCATCTTTG GTGGCTCTAA GTGTATTATT TGTNTTTAAA TAAAGTGTAC AAATATAGAT 180
AACAAA 186

配列番号：1199
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1345
配列：
GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60

ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC TCCAGGAATC GTGTTTCAAT 120
TGTAACCAAG AAATTTCCAT TTGTNCTTCA TGAAAAAAAA CTTCTGGTTT TTTTCATGTG 180
GAAA 184

配列番号：1200
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01346
配列：
GATCGCCCGC CCCAGCCCGG GGCCGCTCAG GTCTGCTTGG AGGATGCCTC CCCCAGGAGG 60
GCAGTGAGGG ATGCCGCAAC CTCGACTTCT CAGCCTCCTG GGGTTCCGCC GGCCAACACT 120
GTCTGTNTCA AATACTGTGC TGTGAGTTGT TTCAATAAAG GGGCCCCAAG GGCTGGGCTG 180
AAA 183

配列番号：1201
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01347
配列：
GATCTCTGCT CAGCTTCCCT TGCGTTTTAA GGCCTGCCCT AGCCAGGGTT CCCTCCTGCT 60
TCCAGTACCC TCTCATGGCA TAGGNTGCAA CCCAGCAGAG GGCAGCTAGA TGGACATTTC 120
CCCTGCTCGG AAGGGTTNGC CTGCCTGGCT GGGGNGGTCA GTAAACTTTG AATAGTAAGC 180
CAAA 184

配列番号：1202
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01348
配列：
GATCCCCTTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60
CTTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT TGAAAACACT TATTTTACAC 120
AGCAATTTTG TATCCATTTA AACTAACCTT TTATCAATAA AGCACTATTG TTTAGATATT 180
AAA 183

配列番号：1203
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01349
配列：
GATCTCATTC TCCCTTTTTA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCCT CTTTTGGGTA 60
TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT GTTTTTTTCC TTCCAGCTTA 120

AACAAATTAA AACTAAATAT CTAAACCTTG TATACAGACA TTAAAATTAG TGAGAGAAAC 180
AAA 183

配列番号：1204
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1350
配列：
GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA TCCTCTTAAA GACCCTTTGC TATGTAGTCT 60
CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACAA GGCATNCTGG CAGATTGCAG GGTTGAGATG 120
TGTTTTATCT GTTTTATATT TTAAAAGATT CTGCCAGAAA ATAAAACCAG ACCTTGTTCT 180
AAA 183

配列番号：1205
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1351
配列：
GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT CATTAGCCCA CATACCAGTA ACTTATACTT 60
AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT ATAATACAAT ATAATTGTTA AAGGCAAGGG 120
TTGACTCTTT GTTTTATTTT GACATGGCAT GTCCTGAAAT AAATATTGAT TCAATATGGC 180
AAA 183

配列番号：1206
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1352
配列：
GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT TACGGGAACT CTATAAAGCA GGAAGAAGCA 60
AGTTTATTCT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC CATGATGTGG TCGTATATTT ATGGGTCAAC 120
ATGTGTTGTG GGGATATCCC AAGTAACTTG TTATTAATAA AAGTTAAGTT GCAAAATTTA 180
AA 182

配列番号：1207
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1353
配列：
GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GATTGGTTGA GATTAACTGG TGTGGTGGTT 60
GGTGTATGTA TGTTTNATTT TNATGTCTTT GTATGTAGTT CTACATAATG CAAATTGTGC 120
TTTCTGATGG ACAAGACCTC ATAACTGTGA TTAATATCAA TAAAAAGGGG ATGTTGTGGA 180

AA 182

配列番号：1208
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1354
配列：
GATCCGTCAA TCTTGGGTGG AATNATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60
GTCAAGACCA AGATTCAGAA GCTGGGCAGG GCTATGCGGG AGATTGTCTA AAAGTGTTGG 120
TTTTCTGCCA TCAGTGAAAA TTCTTAAACT TGGAGCAACA ATAAANAGCT TCCAGAACAG 180
AAA 183

配列番号：1209
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1355
配列：
GATCATGTTA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTTNTTTT GACCTTTCTT CCCCTCCATC 60
CAGTATTTCG GTTGATTTCA TTTTCTCCCC TCTCTTCCCC TTCCACGAAC TGCAATACCA 120
GTAACCTTGG TATATATTTT TTGATACTGT ACACATGGAT GTNTTGTTTC TATGTGCAAA 180

配列番号：1210
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1356
配列：
GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAAACTNAG GCCAGAGGGA GGAGAGAATT 60
GCTCATGGCT CCANAACTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC TTAGGTTTAT TTTNAATATG 120
AAATATAAAA NCAGTTTCAA ATATCTNATT GAGGGAGANG TAAAACCTTA TTTAANCAAA 180

配列番号：1211
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1357
配列：
GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60
AGAAGATTTT ATTTCAGCTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC TGTTGTATGT TAGACATACT 120
ATGAACTACC TCTTCACTTA TTATGGGGAA GTTTCCTTAA TAAAAGTGTG ACGATTAAA 179

配列番号：1212
配列の長さ：179

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1358
配列：
GATCCAAGAC CAGGGNGGTT GGGACGGCCT CCTNTCCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60
GACCGTGACC ATCTTTTTGG CGGGAGTNCT CACCGCCTCA TTCACCATCT GGAAGAAGAT 120
GGGCTGAGGC CCCCAGCTGC NTTGGACTGT TTTTTNCCNC CATAAATNAN GGCATTTTN 179

配列番号：1213
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1359
配列：
GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60
NTTTTCCTTT TTCANATAGT CTGGGGCTAT TTACTTATTT NAAGTAAGCC AAGTCTACCA 120
TTTGAAAAAT GGTGCTTTAT TTCCATATCT GANGCCTGAN GTTATTTNNN AGTTTGTN 178

配列番号：1214
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1360
配列：
GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTACTCATCT CTATCTTTAC 60
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTGC TTTCCCATTG GTGGAATTGA 120
AATAATTAGT TTTNAATNAC ATAAGANGCC TGTTTGCTAT TNGGNGGAAG ATAGATGN 178

配列番号：1215
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1361
配列：
GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCATTCTG GGTCTGACTG 60
GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTTAATTTCA AAAGCCCTGC AGACATAGTA CCTGGTCAGA 120
ACTATGCCTC GGTTTATTTA TCATTTTGAA ATAAAATCAA AATTTCAACC TGTAAA 176

配列番号：1216
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1362
配列：
GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAACTGAAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60

NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA CCCTTTTGGA ATTAGAATTC 120
TTGTNCTGAA TGCTGAACTA TTTGGTAATA AAGTGCTTAT NTGCAGATAA CAGAAA 176

配列番号：1217
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1363
配列：
GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60
ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTTCACACT GTAGCCTCTT CCTTAAAATT TGTGGTGCTC 120
CTGTAACAGT AAGANCTAAT TCTGAAATAA AAGACATCTC CTAATGCTGT GCAAA 175

配列番号：1218
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1364
配列：
GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAATTTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAAAATA CAGTGAATTT CAAAATGCCT TTTTAATGAC 120
AATGTGTGAA CTTAATTTGT TTTAATAAAC CAAAATTGTT GTTATTGTGT TAAA 174

配列番号：1219
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1365
配列：
GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGTTA AAAATAATTT ATTTTTGCAG 60
TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATCTTATT TCTAATGTAT ACAACCACAT TTCACATAAA 120
AATATGCAAT TTATATGCCA GATAAAAATA AAACAAGTGA ATTTGCAAGT GAAA 174

配列番号：1220
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1366
配列：
GATCAACATG ATGGTGACTG GGAAAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTTCCCTCC 60
TTAATGTGAA AAATCAAGGG CTTACTGACA TAGGAACAAC AGAAATGCTC CTGGAACTTC 120
AAGTTGCTGA ATTATAAGTT TATTTTTNAT CAATAAATAT NNNNATACTN AAA 173

配列番号：1221
配列の長さ：216

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1367
配列：
GATCCATATT TAGTTTTATT AAGCTTTTCC CTGTTTTTAG TTTTGTTTTG GGTTTTTTGG 60
CTCATGAATT TNATTTCTGT TTGTCGATAA GAAATGTAAG AGTGGAATGT TAATAAATTT 120
CAGTTTAGTT CTGTAATGTC AAGAATTTAA GATTTAAAAA NCGGATTGGT TAAAAANTGC 180
TTCATATTTG AAAAAGCTGG GAATTGCTGT CTTAAA 216

配列番号：1222
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1368
配列：
GATCGNCTCT GAACCATCCC NTTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGGAAGCTCG CTGTGGAGCG 60
TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT CTAGGAAATT GCAATCGATT 120
TGTAATGCAC TTTCGCTAAT TGGGAGTTCA AAATTAAACT TTAATAAAGC AAA 173

配列番号：1223
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1369
配列：
GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTTG TACGCCTTAA TGTTCATTTT GATTTATTTT 60
AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC CAGGAGGCAT TGCTGTGAAA 120
GATAATNTCC TATTCTAAAA TATCAAATTT AAAATAAAGA TAATGAAAGA AAACATAAA 179

配列番号：1224
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1370
配列：
GATCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60
AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA ATGTGTTCCT TATTTNTTGT 120
TCCCAAACAG GATTAACTGT GAAGACTAAT TTATAAATGT GAACCTAAGA AA 172

配列番号：1225
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1371
配列：

GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60
CAGGAAACGA TTTGGGCCTC TGTCAGTTTC TTTTCCATGT ATGAGGAGGG GGAAATTTGT 120
ATATTAGAAA CTTATTCATC CCACTCAGGA CAATAAAAAC GAATGTACAA AAAGCCAAA 179

配列番号：1226
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1372
配列：
GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60
NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN GGCCTGTTAT GTCAAACTNT 120
CTTGGCTGTG GGNCTAGGGA CTGGGGCCAA ATAAAGTCTC TTCCTCCAAG TNAAA 175

配列番号：1227
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1373
配列：
GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TTAAAGTCTG ACTTGTTTTT 60
AAAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTGCCT GATGCTCAAA CTGCAGCTAA 120
AAGAGCTTCC AGAATTTATA ACACATGAGC CCCCAAAAAG CCGGGACTGG CAGCTTTAAG 180
AAGCAAAGGA ATTTCCTCTC AGGACCGTGC CGGGTTTATC ATTGCTTTGT TATTTGTAAG 240
GACTGAAATG TACAAAACCC TTCAATGGGA TGTGTGTTTT ATTAACTGCT TCACCAGTAA 300
ATTTTGCATG ATGGGCTN 318

配列番号：1228
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1374
配列：
GATCTGGAAG AGGCTTGTNA CCTGAACTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60
GTAATCTCCC TGGATTAAGG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT TGGCCTCTTT CACAAATNAG 120
GCCACGGCCT AAATAGGAAT NCCCTGGATT GTGGGNANGT GGGCGNAAGT N 171

配列番号：1229
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1375
配列：
GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTCTT TGCCTGCTGC 60
CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCCT TGCCATCTGC CATGATGTGA GGCTTCCCCA 120

GCCACGTGGA ACTGTAAGTC CAATTAAACC TCTTTTCTTT GTAAATTAAA 170

配列番号：1230
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1377
配列：
GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGGAACAG TTAACAGGGG AGGGATACTG GGGAGGGGCA 60
TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTCA TGAGTATTGT CAGTTTGTTT 120
CCAGACTCCC TGTTGGAGAT GTGGAAATAA AAACCACCTA ANCANGNAAA 170

配列番号：1231
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1378
配列：
GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGGAATA TAAACTTGGT 60
TTACTGTAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC ATCTTGTTTA TAGTCATCTT 120
TGTACTGTAA TTTGATGTAC ACAACATTAA AAGTACTGAC ACCTGAGAAA 170

配列番号：1232
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1379
配列：
GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCCTTTCAGC CTTCATTTCT CTCTCTCAGG 60
ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA CTGATGAAAT AAAGAAAAAT 120
GAGGGTTATT TATATACATT TCAATAAAAT CCAATTTGAT TTTTCAAA 168

配列番号：1233
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1380
配列：
GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAAACTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAAA ACACTTAGCT 60
GTAAGTGCTT TGACCTATTT TTTTTAAAAA AAAAAAAACC TGTNTTAATT CTGTGACTGN 120
ATTGNACCCT TCACCAGCAC TANGNGAAGT NGGANTGGAN GAAATTN 167

配列番号：1234
配列の長さ：167
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01381
配列：
GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
TTGCTGCCTC TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA CAGCAGGTCT CATGGGGGTG 120
ACAAGCTTTT TTTTTTTTTN TAAANGATTT TCNAAANNNA ANTNCCN 167

配列番号：1235
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01382
配列：
GATCTTTTGT CTTCCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGGT 60
TCTTCTCCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGGCCAC TGCTTTGTAT CAGGGTTTTT 120
CACGCTTTTG TAGAACTGAG GTTTCAATAA ACAGTTTCAG TTGCAAA 167

配列番号：1236
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01383
配列：
GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT TCTGTTCAGC TCTTTTCAGT 120
TAACAGATGA ACTGNNNNTA TCATTAAATA TTTTTGAAAA CATGAAA 167

配列番号：1237
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01384
配列：
GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAAACT GGTTTTTGGT TTTTTTTTTC CCCTTCAGTT TAAATGTNAT 120
GTGNAATGTA TTAAAACCCT TATTTAAATA AANCTTGTTT TCAGAAATAA A 171

配列番号：1238
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01385
配列：
GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA GTAAACTACT CTNTGGATGA 120

TTTCCAAACA TTCAAAGCCA ATAGCCTNGT NATNAACAAG ANATTN 166

配列番号：1239
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1386
配列：
GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60
TGGAAAGGAT GAATTTACAT CATTTGACAA GCCTATTTTC AAGTTATTTG TTGTTTGTTT 120
GCTTGTTTTT GTTTTTGCAG CTAAAATAAA AATTTCAAAT ACAAA 165

配列番号：1240
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1387
配列：
GATCTGTCTG TGTTGTTATA TATTCTTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60
CTGTCATTTC AATTGGATAA CATTTTGTCA AGTTTTTTTT TCCTGATTAT TTGATGTAGC 120
TGGATTCAAG AATGGATTGC CTNATCAATA AAGAATATTT AGAAA 165

配列番号：1241
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1388
配列：
GATCCTATTT TGGGCCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60
GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT TTTCTGTGTT ATTTCATAAA 120
ATTCTTTGAA GTCCAATAAA GCATGTAGGA GATTTTAACC ACTAAA 166

配列番号：1242
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1389
配列：
GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60
CTCACGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT TTATGTTAAA GCTTCCTGTC 120
GGGGCTGCTA GGTCAGCATT AAAGTAAGGC AACCAACAGT NAAA 164

配列番号：1243
配列の長さ：163
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01390
配列：
GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60
CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTTGTTTT GTTTTTTAAT CTTTTAGTGT 120
TTACTTCCTG CAGTGAATTT GAATAAATGA GAAAAAATGC AAA 163

配列番号：1244
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01391
配列：
GATCTGGATT TGCTTTACCT TGTTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60
GTTCTTCTCT CCCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGTTTA GTTGCATGGC TGTTCAGAAA 120
GGTATTAAGG GCTTAGGCCA AATCTTACTT TGAGTATGTT AAA 163

配列番号：1245
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01392
配列：
GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60
CAAGCGTAAC TGGTGGAAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG GTTCATAGAA GGTTCAAGGG 120
CCAGGTCTTG ATATGATGCC CAGCATTGGT TATAGGNGCA AA 162

配列番号：1246
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01393
配列：
GATCTGGAAG TGAACACAGT TTATGTACAG GGAAAAGGAT TTTATTATCC TTAGGAATGT 60
CATCCAAGAC GTAGAGCTTG AATGTGACGT TATTTAAAAA CAACAACAAA GAAGGCAGAG 120
CCAGGATATA ACTAGAAAAA GGATGTCTTT TTTTTTTTTT TNNCNCCCCC TNTAANCNCT 180
GNTGCTGCCT NANTTTN 197

配列番号：1247
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01394
配列：
GATCTCAATG CCAATCCTCC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60

TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTTCT CATGACGAGT TAATGCATGT CCGTGGTTGG 120
GTGCACCTGT AGTTCTGTTT ATTGGTCAGT GGAAATGAAA 160

配列番号：1248
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1395
配列：
GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60
TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT ATATATGTTT TATATGCTGC 120
TGGTGCTCCA TTAAAGTTTT ACTCTGTGTT GCACTATAAA 160

配列番号：1249
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1396
配列：
GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60
TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA AAGAGAACGA ACAGGTAGTT 120
TGGTGGAGCT GAGCTAGTGT ACAATACACT AGTTGTAAA 159

配列番号：1250
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1397
配列：
GATCTTGGAA TTCTTGTNTG GATTTNCACA GTTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60
CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC TGTTAAGCTG TGTGATTTTA 120
AACTTGAATC CCCAGTAAAN GGTTCACTGT TCTGTGAAA 159

配列番号：1251
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1398
配列：
GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60
GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT CCCCATATGN CTGTNTTTGT 120
TTGAGATTTT TAATAATAAA TAATAAATTT TTGAAGAAA 159

配列番号：1252
配列の長さ：158

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01400
配列：
GATCCTATTC TTGTAAAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
AGTGAACTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT GGTCTTTTTA CTTATATGTG 120
CATTTCTTTT TATAATAAAA ATGGGTTATA TGCCTAAA 158

配列番号：1253
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01401
配列：
GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
TAAAAGTTTC CTTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC AGCCACCAGC AGCCAGCTGC 120
CAGCCTAGCT TTTNCCCNTT TTTTTTTTTT NNNCNNTN 158

配列番号：1254
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01402
配列：
GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCACTCAGTC 60
TAGTGAAGAT GTTGTCATTA TGTACAATAC ATAACTAGTT TAATTAACTA TGTGATGTTA 120
ACTATTATTA ATAAATTTTA ACATTTTCCA AAATAAA 157

配列番号：1255
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01403
配列：
GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATTT CTTTTGTAAA 60
GTAGAAGTTG GGGGTGGGGT GGGTGCTGGC TGCAAAAATT TCTGGCTTCT CTTACCCCTA 120
TTGCCCCCGG CAATAAATTG TTTCTATATG CCAGAAA 157

配列番号：1256
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01404
配列：
GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTTAAATTTN 60

CTTTTTGTTT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTTT AAACGTTAAA AGTGTACAAG 120
TTGCTTTGTT ACAATAAAAC TAAATGTGTA CACAAAGAAA 160

配列番号：1257
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1405
配列：
GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTTT AATGTCATCT 60
TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTTNC ACAAGTATGT CTACACACTG 120
GTCATGATTT TNATAATAAA TAACGATAAA TCGAAA 156

配列番号：1258
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1406
配列：
GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60
AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT TGACTACCAG CCTGTGTTTT 120
TGTCTTTAAA TCTCTTAATT TCATTCCTCT GCAAA 155

配列番号：1259
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1407
配列：
GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60
AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTTAATTCTT GGATTTTCTT CACTGCAGGG 120
CTTTGGGTGG AGAAATAAAA CTCTTCAAAT GCAAA 155

配列番号：1260
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1408
配列：
GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60
GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTCACCTAG CTGTTCTGCC TGCCTGGGGC TGGGGTGGTC 120
GTGCTGAAGT CAACAGAGCC TTTACCCTGT GCAAA 155

配列番号：1261
配列の長さ：158

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1409
配列：
GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTTNTTCAGC TGACACCCCG TGAGCCTTGT 120
CAGTGTGTAA ATAAAGCTCT TTTGCCACCC CCAGGAAA 158

配列番号：1262
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1410
配列：
GATCCATCAT NGATGTAAAA GTTCACAATC ATGGTTCAAA TGTAACAGTG CAGAATTGAA 60
TATGGAGGCA TGCATAACCT TCCTCTTAGA AAATGGCAGG TGTTGTAATT TCAAATTTTT 120
GTGCAATTAG ATTAAATCAT AATGCAACAA A 151

配列番号：1263
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1411
配列：
GATCTGATGG GTTTATCAGG GGTTTCCACT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
ATGTAAGAAG TGCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG CCTCCCTAGC CATGTGGAAC 120
TGTAAGGCCA ATTAAACCTC TTTTTCTTCC CAAA 154

配列番号：1264
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1412
配列：
GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT TACGAAAGAA AGTCAATCTG 120
TATCCTAAGC ATTTTAATAA AAAGTTAAAA CAAA 154

配列番号：1265
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1413
配列：
GATCCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60

CATGATTTTN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTT TCCCCTCTCA TACATAAAAT 120
CGCTTTCAAA TTAAAATCGC TGTTTTCTGG AAA 153

配列番号：1266
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1414
配列：
GATCCGAGTG AAGCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTAG CCAGATGGTA CCAGCTTCGC 60
CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCCTGAN ACAGGGAGTT ACAGTCCCTT 120
TTTGGCCCTC ACATNCAATA AANGTGACTG ATANCACTGG AAA 163

配列番号：1267
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1415
配列：
GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTCT TGAGGAGGTA TAATTACTGT 60
ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTAA AGAAATNATG ATTAANCTGA 120
TAATGTTTTT NGGCTGAAAA TATAAAANNA AAN 153

配列番号：1268
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1416
配列：
GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGGA GAAGGCCAAG GACAGATATT 60
CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGAT TTTGGACTTC TGGCCTCAGA 120
ACTGTAAGAG AATAAATTTC TATTGTTTTA AA 152

配列番号：1269
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1417
配列：
GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTTT TNATTNTTAC CCTTTGCAGC 60
TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATNN GCGCTTAAAT NATTGAAATA 120
ATGCTGNCTT AGTAGCAACT AAAATGTGNC TN 152

配列番号：1270
配列の長さ：156

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01418
配列：
GATCCCCCCT ACCCACCCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGTT CCCATGCACA GGGCCATTCA GGAAGGGCTG GGGGAGTGTG 120
TGTGGCAATA AAGCTTGAAG GCACCGTGGG AGCAAA 156

配列番号：1271
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01419
配列：
GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60
GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT GATACTGGAC AGCTGAACTG 120
AATGGCTGCA AAATAAATAC CTCACATGAA A 151

配列番号：1272
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01420
配列：
GATCCTGGAG GACCCTGGGC CCCAGGCCAG CTCCCATCGC TGGGGGACGG TGAACGGCCA 60
TGTGTTAATG TTACGATGTT TTTAAAAGAC AAA 93

配列番号：1273
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01421
配列：
GATCCCCTTT GTCAGTGGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGGAG GAGCAGAAGC 60
CATCAAGATG GTCAAAGGGC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC CTTCCTCCCC CTCATTGAGG 120
ACTTAATAAA TTGGATTNAT GACACCAAA 149

配列番号：1274
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01422
配列：
GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60
ACAATAATGT GTGTGTGTGT ATATATGTAT ATGCTTACGT GTGTATGGAA AGTATCTCAG 120

CAGATACAAT AAAAACTTAA TTGTGATTAA A 151

配列番号：1275
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1423
配列：
GATCCTCCCT CTATTTTGCA AACAGTCTGT AAGTAACTNA TAAAACTTTA AAATATGCAA 60
ATTTTAAAAT TATATAGTTT GATTTACTCA TCAAATTATC ATGTATGCTG TTATTTAAGT 120
ATGAATAAAG GCTTTTTTAA ATNGGGAAA 149

配列番号：1276
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1424
配列：
GATCCTACTC CTTTGGAGTA AAACTAGTGC TTACCAGTTT CCAATTGTAT TTAGCTTCTG 60
GTTGGAATTT GAAAAAAAAA GAAAAAAAGA AAAAGAAAAC CTAAATAAAA TAGGTGAAAG 120
TTCCCTGACT ATTCAGGTGA ATACACAAAG TTTGAAGTGT TAACTTTTTC TTTCCATTTC 180
ACTGATGTTA CTGGTCACCT TAGAGAATTA TTTCATAGTC TGTGGCTAAA TAGTAAATTC 240
AGANGAAAAA TAAA 254

配列番号：1277
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1426
配列：
GATCCTACTG TTGAGTTAGG AAAATATGGT TAGACAGACT CACATTACTT TTTTTCAGAG 60
GTAAACTCTA GATTACTGTG TCAACCCAAT ACTATTTGGC CATAGATGTA AAAACTACCA 120
AATAAAAGTG GATTTTGTGG TCTACAAA 148

配列番号：1278
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1427
配列：
GATCCACAGT GGAGTCTCAG TAATTATATC TCCTTGATTT CTTCATTTNC TCTTCTGCTA 60
TAAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTNCT CATTTAGTGA ACCAATTGTN ATANTTCTGG 120
AAATCTNTTN TCTTTAAGTG TAAATANN 148

配列番号：1279

配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01428
配列：
GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60
ACATGAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT TTGCCTTATT GATTTTTTNC 120
CAAA 124

配列番号：1280
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01429
配列：
GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTTC TAAAGGGAGA 60
TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT AGACTGTTGT AAAGAAACTG 120
TTGAAAATAA AGAGAAGCAA TGTGAAA 147

配列番号：1281
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01430
配列：
GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTTCCAC CTTCAGTCAT 60
CAGCTACAGT TGGAATGAAT TTNAAAACGC TCGGGACCTG TTAATNTNTC CTGTAGNCTG 120
TATTATNTNA AAAATCTGGG CAACAAA 147

配列番号：1282
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01431
配列：
GATCTCGCTC CCCCCTTCGG TTCTTTCGAC CGGTCCCCCC TCCCTTTTTT GTTCTGTTTT 60
GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC TTGGTTCGCC CGGTTTTCTG 120
TTTTCAGTAA AGTCTCGTTA CGCCAAA 147

配列番号：1283
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01432
配列：

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTTG 60
GTGAGAAATC GTTGCTGACC CTTCCCCAGA CCATTTATGA GTCNAAGTTT ATTATTCAAT 120
AAAAGTGCTN TATGCGCTTT CTCAAA 146

配列番号：1284
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01433
配列：
GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60
TTGAAGATTC ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTNC CTTTTTAATT CCTAGTAGAT 120
TCTGTCATAT GCCTATCTNC AATTNN 146

配列番号：1285
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01434
配列：
GATCCCCATG CTAAGAAAAT GCCCAAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60
GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC TTCTATACAT TATTTAATAC 120
CTATTAAATA AAATNATTTT TGGAATAAAG CTTGTGGGAA CATTAAA 167

配列番号：1286
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01435
配列：
GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTGTTGGTTC ACNCTTGNGA CCGTGAAGAT 60
ACTTTGTATT GTCCTATTAG TGTTATATGN ACATNCAAAT GCATCTTNCA TGTGTTGTTC 120
TTGGCAACAA ATTTTGAAAA GTAATATTTA TTAAATNTTT TTGTATGCAA ACATGCAAA 179

配列番号：1287
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01436
配列：
GATCCGATGG GAGTGTAAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGGTTTAG 60
CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAAACTTGA AAATNATTTG TCATCATAAA AATGAAACAA 120
ATNAAAATAT TTATTGCCAG GCAAA 145

配列番号：1288

配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1437
配列：
GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TTAAAATAAA ATATCAGGAA 60
GCTATTTTTA GATTTCTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG GACCCTCATT GTNCTCTTAT 120
TAAAAAAAAT TATTTCCTGT GCAAA 145

配列番号：1289
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1438
配列：
GATCAGATTT TTTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60
GTGGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTTAGGAG TGTTATTTTT CACTATGTGT GGCACGGATA 120
CAATAAAAGA CTTTTACAAA CTAAA 145

配列番号：1290
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1439
配列：
GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GCCATTTTTT TTTTTGTNCA AATGATTTAA ATNATTGGAA TNCACAATTT TTTAAATATN 120
CAAATAAAAN GTTTAAAACC TTAAA 145

配列番号：1291
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1440
配列：
GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60
CATATTTTTA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT CTTCCATCAT CACTGTAAAG 120
ACAAATAAAT GATTATATTN ACAAA 145

配列番号：1292
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1441
配列：

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGCCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60
CGGGTGCCGA GGAGCGGGAA GAGTTGCTGG GGTAAGGGTC TGCGGCGACG CCGGCGCCCT 120
GTGCCGTGTC CACGGGTGCA TAAA 144

配列番号：1293
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1442
配列：
GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60
AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAACTAT GCTTACTTTA TGAAGTGATG TATAACACAA 120
TGAAATCTGT TTTACAACTA CAAA 144

配列番号：1294
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1443
配列：
GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60
ATTCACTTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC ATTTCTGCCC ACTCCCTCTC 120
CTCTCCTCTC TGGTAGGTTT AATTTTATGC TTTCCCTGAT TCCAGCTTTC TGCTTCCTGA 180
GGACTCCCGC TCCCNCCACC CCAAAGTTTG TCTGTGGGTG TTATAGTGGT AACTGCAGTT 240
CCCTCCTCTG GGAATNGTAG GCTGTAATAG GNTTAATAAA CTCNACNTNC TCTAATCNTT 300
GCTNAAAANG TGGGGGTAAN GGGGATGGCN TTGNCCCNGG GTGGGAAANT TAAANNTGGT 360
GTTTANGGNA AA 372

配列番号：1295
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1444
配列：
GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGGA GGGTCTTGTT CTCCCANTNT GTTTATTCTT 60
TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTTCTCCA ATNCTNTTGT ATGNTGTTAT 120
TAAAAGCGAG CTATTGCATT TCAAA 145

配列番号：1296
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1445
配列：
GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAAA 60

ATGTCCGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTATCA TGTCATCTGC ANATAAAGAC 120
ATTTACTTCT TTCTTTCCAA A 141

配列番号：1297
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1446
配列：
GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGATAT AGGTTAACTG AATGAAGCAT 60
ATTAATAACT GCATTTNCCT AACTTTGAAA AATTTTNCAA ATGTCTAGGT GATTTAAAAA 120
ATGAGATTGG GCTATTGCAA A 141

配列番号：1298
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1447
配列：
GATCTAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGTGTT CGGTGTGGAA AACAAAACAA 60
GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAATGAAA TCCTTTTGAA ATNTGTGTTA ATATCGTTTA 120
NTAAAATACC TAGTTTGAAA 140

配列番号：1299
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1448
配列：
GATCCATAGA AGGGCTTCCC AAACCTTGTT TTGCAACATC CCAAATTGTC TCCAGTTGAA 60
GGAAGGCCTT TATCAGATTC ATAGATGAGC TTTCATTGTA AAAATAAATG TACTTTGCAC 120
CACTTCATGA TGGAGGGAAA 140

配列番号：1300
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1449
配列：
GATCTGAGGT TTTTAGATTT TAAATATTTA TGTGGAATTA ATTAAAGGTA GTTGGCTATA 60
TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT ACTGGAAAAT AAGACTAATA 120
AATTGTTAAA AGTTTTTAAA 140

配列番号：1301
配列の長さ：139

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1450
配列：
GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACTGTGT TTTGTCAACG TGAAATTAAA TTGTAGTTAT 60
AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGGAACAATT GTATATNCAG TTTAACAGAA ATAAAAGAAT 120
ATTTGTCTTA AGATGCAAA 139

配列番号：1302
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1451
配列：
GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60
AAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA GTACATTTNA NTGCCTTATN 120
AAAACTTTCC CAATTAAA 138

配列番号：1303
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1452
配列：
GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAACTCACAT 60
ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT CTTGGAATTA CATTAAACTG 120
TTTGAAATCA CTGTAAA 137

配列番号：1304
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1453
配列：
GATCTTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTTGTGTCT AGAGAACTGA 60
TTTTTTCCTA CATACGCAAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA ATNTCAATAC ATTAAAAGCA 120
TTANCCTAAA ANCAAA 136

配列番号：1305
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1454
配列：
GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60

TTGAAGGAAA TTTTTTTTTG GTTTTGTTTT TTATAATTCA GTTTAATCAA TAAACATGTA 120
TTTATTGACT GTTAAA 136

配列番号：1306
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1455
配列：
GATCCCTTTA TGAGTTTTGC TATTTTGGCA TGCTACATGT AAGTTTTGCT TAATGTTTTT 60
ATGTAAAGCA TCTTCCTCCT TTTACTTCTT TTATTGTGAT AAAACTCATA TAAAATTGAC 120
CGTTTTGAAG TGTAAA 136

配列番号：1307
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1456
配列：
GATCTGGGCC CGACCCTCAC TACCCCTGAG ATATTAGTTC CCAGGCCTGT TTTCCCACAG 60
GATTGTGGGC TCTCTGCTTC CTTAGTCGGA AGTNTTTTCA ACTAATCAAA TAAATGAATG 120
AATGATGAAT AAGAAA 136

配列番号：1308
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1457
配列：
GATCCCAAAG ATATTAAATA TATGCAAATA TTCCAAAGTC TGAAAAAATC CAACATCCAA 60
AAACACTTCT GACCCAAGCA TTTCAGATAA GGGACCAGAA TTATTAGATT AAATAAGGTA 120
TATTATTAAG TTAAA 135

配列番号：1309
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1458
配列：
GATCAGGCCA AGAGGTTGCA CAGGGCATGA TACTGCACCC TGCCTGACCC AGCTGGGCTC 60
ACAGGTCAGG GGAGAGTTGG GGCAGGTGAA TGTCAGCATC AGGCTTCTNN TTTTAAACTT 120
TTAAANAAAT ACAAA 135

配列番号：1310
配列の長さ：135

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1459
配列：
GATCCTGCCT CAAAAAAAAC AAAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTTNA GTCTCTGCAG TCTCTNGTNT TGANTTAATA 120
CAACTTTNGT NAATN 135

配列番号：1311
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1460
配列：
GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCGGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA GAAATNTCCT TAATAAACAT 120
CCTTATTTTC NTNTTTAAA 139

配列番号：1312
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1461
配列：
GATCCTAGTA TGTTGATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60
CCCATGANCT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTTAACTCAG GTTGAATAAA AGCATCCATT 120
TCTTTTATAG GAAA 134

配列番号：1313
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1462
配列：
GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACTAG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACTTGGA 60
TGTTAACACT GTTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT CTTTGTGTAT TTTTTCTACA 120
GAGGATTTTC TCTGATTTTA TTTTCTTTGT TTCTGACTCT AATAATTAGT TGGAAACTCA 180
TATAAAATGA GCTTTCCTAA ATTAAATCTA TTTTAAATAA AGGTTATTAC TATTAAA 237

配列番号：1314
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1463
配列：

GATCTATAGG TTTATTAGAA NCCTNACCAC AGNATCCAGA TTATCTTCAG TATTCTNTCA 60
GTACAGCTCT CTGCAGCTTA AACTCGGTGG TACATAAAGA AGATGATGAA CCCAAAATGN 120
TGGNCACTGT ATAN 134

配列番号：1315
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1464
配列：
GATCAGAAAA TCCCTCTGAC ATCTCCACTG CCCCCAAAGA CCTCCGTTGA ACATTCTGTA 60
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA TCAGGTTCCC CAGATAGGCC CCCAAATAAA GACCTGTCTA 120
TGGCTCTCCC AAA 133

配列番号：1316
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1466
配列：
GATCTAGCTG GCTGTAGTAT TGCNTTGATA ATTTTTTTCT TTTAATTTAC CTAATATATA 60
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT ATTAAAATAG GTGTTAATTT TATCTATTTA CCAATAAATT 120
CATCTCTTTA AA 132

配列番号：1317
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1467
配列：
GATCCAGCCA TTCCTGAAGC CCACCCTGCA CCTCATTCCA ACTCCTACCG CGATACAGAC 60
CCACAGAGTG CCATCCCTGA GAGACCAGAC CGTTCCCCAA TACTCTCCTA AAATAAACAT 120
GAAGCACAAA 130

配列番号：1318
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1468
配列：
GATCTAAAAG CCAACTTTTT CTCAGTNTTA CTCAGTGGAA AGATAAACTA AGTTTTAATG 60
TTATNTTTTT AAATNTAAGC AAAATTTATT TCTGTNCTNT AATAAATAAG AAAATGTGGT 120
CCACTGCAAA 130

配列番号：1319

配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01469
配列：
GATCCCCTGC TCCTGTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTTGG CGAGACTGTA TTTTAGTAAC 60
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTTGA GAGGCGCCTG TCTGGATAAA GTTGTCTTGA 120
AATTTCAAA 129

配列番号：1320
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01470
配列：
GATCAGAATT TTTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTTTGTCT ACCCCTTTTA 60
CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGTCTCATCT CAACTTTTAA AAGAATAAAG AATATCTTGC 120
TGGGCAAA 128

配列番号：1321
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01471
配列：
GATCCTTGTC AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCCAATGTC TGGGGAGGGG 60
TATAGGTTTG AAAGGCTGTT TGAAAGAGGA ATGTTTAATA AAGGCTTTGA TTTAATCTTG 120
AAAAGAAA 128

配列番号：1322
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01472
配列：
GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACGATTCTCC 60
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT GTATGTAATA AATNTNTTAA 120
CGTCGAAA 128

配列番号：1323
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01473
配列：

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACT TTTAAACCTT GCCAGTNAGG 60
ACTTTTNCTA TTGCAAATAG AAAACCCAAC TCAACCTGCT TAAGCAGAAA ATAAATTTAT 120
TGATTCAAA 129

配列番号：1324
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1474
配列：
GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60
TGTATGTNTT TTTAAACCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT AATAAATAAG ATTGTTTCTT 120
CCCTAAA 127

配列番号：1325
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1475
配列：
GATCAGAGAG ATTTTTNTTT TAAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60
TTCCTTTGTA TGAATATGTG TAAATAATTT AAAAATAAAA CTGTAAAANA TTTGTNCGAA 120
GAATAAA 127

配列番号：1326
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1476
配列：
GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAAAATN CCAGTAATTA TCATTTTTGC AACGAATATG 60
GATACCACAT AGTACTTTGG TGTTACCTGC TTTTGAAAAA TAAAGTCTTT GGTTCACCCG 120
GTGAACTATT TATGAAA 137

配列番号：1327
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1477
配列：
GATCCTCAGC CTCCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60
ATTAAAACAG TGTCTCCAAT TTTAATAAAT TTTTGCCCAT TTCTTATTAA AAAAACTTGT 120
TGTAAA 126

配列番号：1328

配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1478
配列：
GATCCATCTG TGTAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTTAAATAG TTTGTAAATT 60
TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCNCTC GTGATTTTTT AATTAAAGCG TTTTAATTCC 120
TTTCTCAAA 129

配列番号：1329
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1479
配列：
GATCCATGCT TTACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60
ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA GAATAAAATT GTTAATCCAA 120
TCAAA 125

配列番号：1330
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1481
配列：
GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTTATC TGTNCGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60
CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGCGCGTATG ACATGGTGAA TAAACACAAC TCTCTCCACT 120
CAAA 124

配列番号：1331
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1482
配列：
GATCGTTGTA ATTNNTTGAC ATTCCTTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTTGTNCTTA 60
TGTAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGCACTGACT TCAATAAAGT CTATTTATAC 120
TAAA 124

配列番号：1332
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1483
配列：

GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60
ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC ATTAAANGTT TGAGANCTTA 120
AGTTGGAAA 129

配列番号：1333
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1484
配列：
GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60
ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT CCCATTGGTT TNATGTATTA 120
AA 122

配列番号：1334
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1485
配列：
GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60
CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG NTTCTTTCCC GTGGNCCCCT 120
NN 122

配列番号：1335
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1486
配列：
GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60
GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA AAAACAGTGT GACATATTAA 120
A 121

配列番号：1336
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1487
配列：
GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60
CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTTCTTTT TAATCNNGTT ACCAAATAAA 120

配列番号：1337
配列の長さ：119

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1488
配列：
GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60
GTTGTGTATA ATGAAAACTG TAAACTTTTT TAAATAAACN GTGTATATAC CTTGGCAAA 119

配列番号：1338
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1489
配列：
GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAAG GTTCAGTTAT GAGGCAACCC 60
TCTAGTAAGG CATTGTAAAA GTTACTGGAT TTGGTTTAAT AAAAGTTGAA ATAAAGTAAA 120

配列番号：1339
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1490
配列：
GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTC CCACTGACAA 60
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGCCAC CAGAGCACCT ACTAAGAGCA 120
GCGGGCCTGT CCAGGGGCTC CCCGNCCCAC CCCACGCCTT AGCTGCAGGC CCTTTTGGGC 180
AAAGGGGCCC ATCCTGGGCC ATCCATTCCA TTTTGTTCCA CATTTCCTTT CTACTCTTTC 240
TGCCAAGAGN CTGCCCCTGC ATTTGTCCTG GGAAACACGG TATTTAAGAG AGAACTATAT 300
TGGTATTAAA GNTGGTTTGT TN 322

配列番号：1340
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1491
配列：
GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60
GTCTTTGGGT TTTTGTAAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT TGCTACTTTC AATACAAA 118

配列番号：1341
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1492
配列：
GATCAGAATN AAATNTGTAT AGAGCAGAGT TTTAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60

NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA CTAAATAAAA AAAAANTN 118

配列番号：1342
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1493
配列：
GATCACAAAA TGTGCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCCTGT 60
AACCACTCTT TTTTTTCTTC GNNGTATTGA AAACTGGTTC AGTGTTAACC AGGCAAGN 118

配列番号：1343
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1494
配列：
GATCAATTCA CTTAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACNNATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60
TCANTTTTTA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGTGTGTC TGTTATATTC CATTAGAN 118

配列番号：1344
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1495
配列：
GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60
TTCTTTTGGT TCATTTCTGG CTTGACAACA AGAAATAAAC GTGGTATGTT CCTGAAA 117

配列番号：1345
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1496
配列：
GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60
CAAACTTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC TCATGTTTTC TCTGCTAAA 119

配列番号：1346
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1497
配列：
GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60

TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC TAACATCCAT GTCAAA 116

配列番号：1347
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01498
配列：
GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTTAT GAGCATTTTC AGCTTTTGCA 60
AATACAAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTTATNC TAATCTAAAT CTGAAA 116

配列番号：1348
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01499
配列：
GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60
GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC GGTTCTAAAA TTAAA 115

配列番号：1349
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01500
配列：
GATCTTTTTG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60
TTAAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTTNATTAAA AGATTTCTTT TTTTGAAA 118

配列番号：1350
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01501
配列：
GATCCTATTT GTTTCATTTT ATTGTAAATN CCCATTTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA GTGTTTTCAC AAAAGCCATT 120
TGCCTAGGCA GCAAAAAATA TTAATTTGTT AAAAAAAATT TTCCTTCGTG TCCATCCNCA 180
NAAANTNGNG NN 192

配列番号：1351
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01502

配列：
GATCTGTGGA CTTTCATCAN ATTATGAGAC TNNCTCAATT TCATGACTGT ACTACCTGAA 60
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTNN TAAGTCATCA AGATAAATCC TTAAN 115

配列番号：1352
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01503
配列：
GATCTTAGTT TGTAGCTTAT GACTTATTTA ATGAATGGAT GCCCAGCCAA GCTCAGAGTA 60
GGCGCCCAAA GCATTGTGGA TTATTTTCCT GTTTTGTCTT TTTTTTTTTT TTTTTTNAAG 120
CCATGNCANC CCNGANGGGG CCAGNGANTN 150

配列番号：1353
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01505
配列：
GATCGNNAAG AGGTTACCCA GACCACACAC AGTTTGAGAA AACATNCCCA TTATNACCCA 60
TCTAGCAAAG AGGCACCCTA AGTGGTCCAT GAAGAGTTTA ATTTTATNTT AAN 113

配列番号：1354
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01506
配列：
GATCGGGTTT AGACGNNAGN TCATTCAGTG AAGCAAGCCA AAAGCNCACA TTTGTATGCC 60
TTAGGTCTTC TTAAAATGGT ATCTGTAAAC ATGTGTCCAA TATAAAANCT ATN 113

配列番号：1355
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01507
配列：
GATCCTCCCT GCCCGCGAAG TGNACAGTTT ACAAAATTAT TTTCTGCAAA AAAGAAAAAA 60
AAGTTAGGTT AAAAACCAAA AAACTACATA TTTTATTATA GAAAAAGTAT TTTTTCTCCA 120
CCAGACAAAT GGAAAAAAAG AGGAAAGATT AACTATTTGC ACCGAAATGT CTTGTTTTGT 180
TGCGACATAG GAAAATAACC AAGCACAAAG TTATATTCCA TCCTTTTTAC TGATTTTTTT 240
TTCTTCTATC TGTTCCATCT GCTGTATTCA TTTNTCCAAT CTCATGTCCA TTTTGGTGTG 300
GGAGTCGGGG TAGGGGGTAC TCTTGTCAAA AGGCACATTG GTGCATGTGT GTTTGCTAGC 360
TCACTTGTCC ATGANAATAT TTTATGATAT TAAGGNAAAT CTTTTGAAAA A 411

配列番号：1356
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01508
配列：
GATCATGGTG TAATAAGACA TAACGTTTTT CCTTTAAAAA AATTTAAGTG CGTGTGTAGA 60
GTTAAGAAGC TGTTGTACAT TTATGATTTA ATAAAATAAT TCTAAAGGNA AA 112

配列番号：1357
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01509
配列：
GATCAAGTGC ATTTGACAGA AAAGTTCAGT TTCTTGGGAA GAAACACCTT TTAAGCTGAA 60
TGGAGAAAAT NCCAAAATAA ATTATATCAC CACAATGGTG TATACTCAGA AA 112

配列番号：1358
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01510
配列：
GATCTGGGAA AAAAACAAGA GACTCAATGG AGACAGAAGA AAATCCCAAG GTTCTAATAA 60
CTNCNTTCTN AAAAANTATC TACCCCATTT GGTGAAGTGA AAANCAGAAA AN 112

配列番号：1359
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01511
配列：
GATCCTGGTT GGAGTAAACA TTCCATGGGA ACTCGGGCTG TNAGAATNTC CTAACCACCT 60
GANTGCAGAA ACATCCTTAT CACATCCTNC TGGGAAAGNC CAACAGCCTG AN 112

配列番号：1360
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01512
配列：
GATCCATCAC CTGNGCAGCA TAACTGGCTT CNNCTCAGTC ATCCACACAA CACCAGGACT 60
TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT TATTTAAACT GN 112

配列番号：1361
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1513
配列：
GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC ACCCGGTGAA A 111

配列番号：1362
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1514
配列：
GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTTCC TNGTTTNCTT ACCACTTTAT TCTTTCANAG 60
TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATTT NAAAACTNGT N 111

配列番号：1363
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1515
配列：
GATCGGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTTGC GTGTAGCTAT 60
GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTG TGTCTTACGT N 111

配列番号：1364
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1516
配列：
GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60
TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC TNAAATAAAC TAACTTTAAA 110

配列番号：1365
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1517
配列：
GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNTNTGCAA CTGCCTTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60
ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT AAGACGAAA 109

配列番号：1366
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1518
配列：
GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60
GTACTNNAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT GTGTNCAAN 109

配列番号：1367
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1519
配列：
GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAAGCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT TTTTTATTTT TAATNATTTT 120
CTTTTTGTTA TTAATATTTT TCTCTGTTCC TTTGTTATTA CTTGCATGGT TTGGCGTCAG 180
AAGTCCTTAC CTCTTTATAT TGTTTGCAGG TTTAAATAAA ACAGTGTGGT GCCAAA 236

配列番号：1368
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1520
配列：
GATCTTGAAG TTATTTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAAC CCTTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA ANATTGTN 108

配列番号：1369
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1521
配列：
GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTTGAATT TTTTTGTCTG TTATTTAATT 60
ATATGGTGGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG ATTCAAA 107

配列番号：1370
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1522
配列：

GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTTAACTC GTACTNGAAG 60
GTGTGTCCTC AAGAAGAAAG TNTTCAAATT AAAAAAGCTG CTGCAAA 107

配列番号：1371
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01523
配列：
GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60
NATTACCATG ACATTTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA TGTNAAA 107

配列番号：1372
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01524
配列：
GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60
ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGGCTT TAAAAGTCAT TATTCCTGGG CTTGGTAAGT 120
GAATTTATGA GATTTACTGC TCTAGAAAGT ATAGATGGCG AAAGGACCGT TTTGTATTGC 180
TTCCTGATTA CCAGTCTGAT TATACCATGT GTGCTAATAT ACTTTTTTTG TTATAGATTG 240
TCTTAATGGT AGGTCAAGTA ATAAAAAAGA GATGAAATAA TTTAAA 286

配列番号：1373
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01525
配列：
GATCCGCGCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNCT GGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60
CCTTCTAATG TTTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCCAA GACTGTN 107

配列番号：1374
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01526
配列：
GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CCTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60
CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA GNNCTN 106

配列番号：1375
配列の長さ：106
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1527
配列：
GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAAA AGAGAAAGGN TTTATATACG GTACTTATTT 60
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAAAACA GTTAATNCNC TTCAAA 106

配列番号：1376
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1528
配列：
GATCCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60
TAAANGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA AGAGGCAAAA AAATAAA 117

配列番号：1377
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1529
配列：
GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTTAAGAAAA ATAATTTATA CTAAATTNAG TAAAATGGAC 60
TTCTTATTCA AAGCATCAAT AATTAAAAGA NTTATTTNAA TGAAA 105

配列番号：1378
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1530
配列：
GATCAGCAAA ATGAGATAAA TGTTTCTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60
ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA ATAAN 105

配列番号：1379
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1531
配列：
GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60
CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTTCC TCCANGAATC GTGTN 105

配列番号：1380
配列の長さ：105
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1532
配列：
GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGTACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60
GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT ATTTN 105

配列番号：1381
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1533
配列：
GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCCNT GGCTTGGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT TCTTTTTGGG GTGGNNNTTG 120
TCCTTCTGTC AGCTAAAATG GGAGCTCATG AGAGAAGGAC GTCAGGGAAA CGGGGTTGAG 180
GGTGGTCTCG GTGCAGAGAG AAGGGTGTCA GGGAAACGGG GGGTGAGGGT GGTCTTGGTG 240
CCAGACGTAG GGAATGGTGT TGGGAGTGGC CCGAGTGCCT GGCACAGTTG TCTNGTTCAT 300
TCATGTAACA TGATAATTTT TAAATCATTA AA 332

配列番号：1382
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1534
配列：
GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCCTCCC CCATTTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60
ATCATTGGTT TTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA TTTTATTCCT TTTATTTTCC 120
CCCTTTTCAC AGAGAAATAA AGGTCTAGAA GTAGAAA 157

配列番号：1383
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1535
配列：
GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60
AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAAATGCGT AAA 103

配列番号：1384
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1537
配列：
GATCCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60

TTTGTGAAAT GTTTGGGCTT TCTAAACGAC TAAAGGATTT GTNGGGTTTT TNCTTAAGTT 120
TTGAACCAAA TCCTAGAGCC AGCTGATAAT ATTTAATAAT CTAGAGGAGA GAATAATGAT 180
GTACCANTAA GTGGAGATTC CTCCTTATGA TGTATGCTAG GTTATGGAAG ATGTAAAATA 240
TTCAACTTTT TCCTNCGTTT TTTGGACTTT GTATTTTACT GNAN 284

配列番号：1385
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01538
配列：
GATCTGGAAC TCCTAAGCCA TCTACTCCTA CACCAACCNN TTCATCGAAC NCACACCCTN 60
CTNATGCTCA GAGCTCAACT CCTAGTACCC CTTCAGCCAC CCN 103

配列番号：1386
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01539
配列：
GATCGCCGTT CTGTTTNGCA TNNTCCCACC GGGAGTTGCC NGGCAGGAGC ATGGGGTGCT 60
TGGTTGTTTC CTTCCTAATA AAATAAACGC GGGTCGCCAT GAAA 104

配列番号：1387
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01540
配列：
GATCTTAGCC TTAGGGTAAG TAAAATGGGT CTTTTAATAT AANAGTGTGA AAACTATTTC 60
NATCTAATAG TACTCTTTTN AATAAAAGTC AGTAGTNGGA AA 102

配列番号：1388
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01541
配列：
GATCCTNGGT TTTTGTGGTT TGACTTCTAT GGNGTTTTAA AAAAACACAG ATTTTTAGTG 60
TTAATATTGT GTAAATGTAC TCACCTTAGG GATTCATTTG AATGATGGTN TTATACCATG 120
ATTGTNTACA GTTTGTGAAA TTGTTGCAAG GGCAAAGATA ACTCTTAAAA AACCGTCGAG 180
ATTACAATGC TCTAGAATCA GCATATAAGA AAATAAATGA TATCTNCATG TNGANTNNGG 240
GTGGATGGGG GGAGCACGCA TAATTTTTAA GTGTGAAGCT TTGCATCANA GAAATTATTA 300
AAANGCTTTT TTNCTCCNGT ATNTTCCTGT ATTAATCCTT AATGTTTATG GCAAATAAAA 360
TGTAAGGGGN ACATGAAA 378

配列番号：1389
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1542
配列：
GATCGTAACC GTAACCGTAA CCGNNAAGCA CAAACGGGGG GAGCGGGGCA GTGAGCGGGG 60
CAGGNATGAG NCCCGAGGTG GGGTCGGTGG CCAGNACAAC GN 102

配列番号：1390
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1543
配列：
GATCCAGAGG TCCNNGTCAC TTGGAGAAAG NCCAGTCCCT GNGACGGGGC AGCCCTCTNT 60
GTCCCTCGGG CAGCTCGTGT GAATCCTGGG ACCTCTTCCG GN 102

配列番号：1391
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1544
配列：
GATCTCAGCA ATTTGAACAC TAACCTCTCC CCTCCTGGCT CAAGAATTAC TCCGAAGTCA 60
GTCTGCAGAA AATAAATATT TAGTATGACA TGACACTTAA A 101

配列番号：1392
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1545
配列：
GATCTACTCA GGCAACNACC AATCTTCTAN TCTGTCACTA TAGATTAATT TGCATTNTTA 60
AAGAAATNNA CATACATGGA ACCATACATC ATCTATGCTT N 101

配列番号：1393
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1546
配列：
GATCCTAGGA AGTNTGTCCC TGTCCTCCCT GTGCAGGGTA TCCTGTAGGG TGACCTGGAA 60
TTCGAATTCT NTTTCCCTTG TAAAATATTN NTNTGTCTCT N 101

配列番号：1394
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1547
配列：
GATCCACGTG CCATTGTGGA GGAGAGAAAG AGAAGTGTTT ATATACGGTA CTTATTTATA 60
TCCCTTTTAA TTAGAATTAA AACAGTTAAT TTAATTCAAA 100

配列番号：1395
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1548
配列：
GATCTTAGGT TACATAAAGT TTCTAAAGTT TCAAAGAGTC TTGATACAAA ATCAGTTTAT 60
ATTCTGAAAA TATTTATAAT AAAGTATTCT AATTTCTAAA 100

配列番号：1396
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1549
配列：
GATCAATTCT TCAATTTGAT TGAACTGTTC AGCCTTTTCA AGATTTCTTT ATTTACAAAT 60
GATTACATTT AAATGAATGT ACATTCTTCT CACTGAAA 98

配列番号：1397
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1550
配列：
GATCTGTAAC ATTTGTTTCA AAATGCTGTT TCATTTTTAT AAAGTACCAG TGTTTAGCTG 60
CTTTTTATAC ATTAAATTAG CAATTTGAAA AACTCAAA 98

配列番号：1398
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1551
配列：
GATCCTCAGT GTCCTTACCC CCTCCTACCT CTTTTCTGTG CCACCTGCTG TGGGTCCAGC 60
AGGCNTTTAC TTGAGTACAA TAAAAAGTCT GAGTCAAA 98

配列番号：1399
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1552
配列：
GATCCAAGTG TAGTGGGACC CCCTACTAGG GTCAGGAAGT GGACACTAAC ATCTGTGCAG 60
GTGTTGACTT GAAAAATAAA GTGTTGATTG GCTAGAAA 98

配列番号：1400
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1553
配列：
GATCTCCAAA GTGGTGAGTT TATGTGTGAT TTTTATTTTG TTTATGCTCT TCTGTATTTT 60
CCGAATTTCA TACAATAAAT ATCTGTTACT TTTACAATAT GAAA 104

配列番号：1401
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1554
配列：
GATCCAGAGA GTTCAAGGGA TTGGGGAAAG AGAGGCGTCA AGTCATTTGC ACTTTGTACC 60
TGTAAGTTAG GTAATAAACT ATTATACTCG TAAA 94

配列番号：1402
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1555
配列：
GATCTAGTNT CTNGCATTTT TATTATGTTG CTATATACTT TTGTTATCCG TATACTAAAA 60
AAAAAGAATA AATAAATGTT TTGATTGTTA AA 92

配列番号：1403
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1556
配列：
GATCTNTACA TTCTTCAGAC TCATCGTGTG TTTGANACTT TTTATAATGA ACATATATCA 60
TTTTNNTTAG AAAAGAATAA AGTTTTTGAA AA 92

配列番号：1404
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1557
配列：
GATCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AAGCAAGGTC AAGAAATCCC ACAGTTTGAT 60
GTATTAAAGA AATNACTTAT TTCTACTCAA AATAAATGGC ATTGAAGTCT TTCTTTAAA 119

配列番号：1405
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1558
配列：
GATCTTGTGT CTCCTCTCCA TCTCTGCCTT TGTTACCAGT GTGCATGTGT TTGTGTGTTT 60
TTTAATAAAA TATTGACTCG GCCAGTTAAA 90

配列番号：1406
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1560
配列：
GATCTGTTAT GGCATTCACT TCCAGATTAA TTTTCCGTGT TTGAAGTATG TNCATATGTN 60
CTTTACAGAA TAAAACATCT GAATTTTAAA 90

配列番号：1407
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1561
配列：
GATCCATTTT CTTTCAAAAT TTTCTTTATT GTAAAGTATG CAAAATATAT ATTCATACGA 60
TTTATTAAAT CAGAATGTTT ATACAAA 87

配列番号：1408
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1562
配列：
GATCTGGAAT CCTTTTTCTG CATTGACAAG GACCACAGCT AAAGGACAAT AATATGAATG 60
ACTCATTAAA ATCTCAAAAC TTAAA 85

配列番号：1409
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1563
配列：
GATCCAAGTT ATNTTNAGAA GAAAAACCTA ATTGAACAGG TATGGGTTGG GAGCATAATA 60
AATGTGTTTT GAGAATTGTT CTAAA 85

配列番号：1410
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1564
配列：
GATCATTATT TCATGACTGG TGCGTTCCTA AACTCTGAAA TCAGCCTTGC ACAAGTACTT 60
GAGAATAAAT GAGCATTTTT TAAA 84

配列番号：1411
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1565
配列：
GATCTAAGCC CATGAGCACA GGGACTGGCT ATCCCAAGAC CTGGCAGATG TGGCTGCTCA 60
ATAAACACTT GTTGAACCAT CAAA 84

配列番号：1412
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1566
配列：
GATCACCCAA GGGTTTTTTT GTGTCGGACT ATGTAATTGT AAACTATACC TCTGGTTCCC 60
CATTAAAAGT NCCCATTTNA GTTAAA 86

配列番号：1413
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1567
配列：
GATCTGTGTT TGTATCCCTT TATGTAATGT AAAATTTAAG GGTATTTTGA TTCTAAATAT 60
GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA 83

配列番号：1414
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1568
配列：
GATCAGCAGT CCACCACAAA AGCTTCTGTT AAAAGACCCT ACACAAATGC ACAAATTCAG 60
ATTAAACAAG GAAAAGACGG AAA 83

配列番号：1415
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1569
配列：
GATCTTGGTG TTCAAAACAG AACTGTATTT TTGCCTTTAA AATTAAATAA TATAACGTGA 60
ATAAATGACC CTATCTTTGT AAA 83

配列番号：1416
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1570
配列：
GATCCTTCTG TAAAGGTTTT TGGAATTATG TCTGCTGAAT AATAAACTTT TTTGAAATAA 60
TAAATCTGGT AGAAAAATGA AA 82

配列番号：1417
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1571
配列：
GATCTGCATA TTTCTGTATA TTTGTCATGA CAGTGCTTGC ATCCTATTTG GTGTACTCAG 60
CAAATAAACT TTTCATTTTA AACAAA 86

配列番号：1418
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1572
配列：
GATCCCAACA TGGTCCTAGC ACTGCACACT CAGTTTTNCT CTAAGAAGCT GCAATAAAGT 60
TTTTTNAAGT CACTTTGTAA A 81

配列番号：1419
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1573
配列：
GATCTTCANT TAATCNCACT TTAAAAATGA CCAAAACATG TCTTTCTTGA ATTAACTTTG 60
AATAAAAGTT TGTATATTAA A 81

配列番号：1420
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1574
配列：
GATCAGAGCT CAGTTCCTGT AGAAAACGAA CTGTAAAAGA CCATGCAAGA GGCAAAATAA 60
AACTTGAAGT GAATGCTTAA A 81

配列番号：1421
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1575
配列：
GATCTTGGGT TTGGTCTACC CACCCAAGAG AAAAGACTGT TAACTGGAAG AAAAAATATA 60
TATATNNAAT TTTATGTAAA 80

配列番号：1422
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1576
配列：
GATCACAATT ACCTTTAGTT GTTTTTTTTG TAATAATTGT AGCCAAGTAA ATCTCCAATA 60
AAGTTATCGT CTGTACAAA 79

配列番号：1423
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1577
配列：
GATCCTTATG AATGACAGGT TACTGTTTTG CCTTATTGCT TAACTTAATG TAGTGAAATA 60
AAGCAGACAA AGCTTGAAA 79

配列番号：1424
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01578
配列：
GATCTTCTGC ATGAGACCTG GAGTTGGGGA AGCAAGGTTA CATTTGTATT NGTTTATCCT 60
ATGAATACTN TTCTTCAAA 79

配列番号：1425
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01579
配列：
GATCAGGCAG TCTGCTCAGA TACATTGAGT GGCGATTTTA AGTTTTGTTT TGAAAAAATA 60
AACAGATTAA CCTGCAAA 78

配列番号：1426
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01580
配列：
GATCTAAATT TCTAATGTGT TCTATGGGTT TCAATTCTGA AAAAAGAAAA TGAATAAAGA 60
TTTTAATAAA TATTGAAA 78

配列番号：1427
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01581
配列：
GATCTTCATT GTGCTGGGTG CCAGGNCAGT NATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA 60
GTTTTTTTTG TTNTTAAA 78

配列番号：1428
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01582
配列：
GATCTCCAGG CTTGGCCTCC AGAGCAGCCC ACACCAACNC CAAAATAAAA AAATGTATAT 60
ATTCCTTTAG CTCTAAA 77

配列番号：1429
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01583
配列：
GATCCCAGGG ACCTCAGTCG GCTTAATCAG AGTGTGGCAT AGAAGCTATT TAATGATTAA 60
AGTCATTTGC AGTAAA 76

配列番号：1430
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01584
配列：
GATCAAACTT TTNATGTTCT TAATAAGCTT GCAATTGANT AAAATAGAAT ATAAAATAAA 60
GGTGAAATAA TATAAA 76

配列番号：1431
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01585
配列：
GATCCCAAGT ACAATGAAAA GTTTGCACTG TATGCTGGAC GGCATTCCTG CTTATCAATA 60
AACCTGTTTG TTTTACAAA 79

配列番号：1432
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01586
配列：
GATCTCCAAC NTTGGAAAAT ATACATGATG TGAAACTGNG GGTNCTATGT TAAAAATAAA 60
TGTATGATAA CTAAA 75

配列番号：1433
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01587
配列：
GATCCAAACA TTTTTTTGTG TGTGTATGGC ATTGATGCAG AATAGAATAA AATTATACTT 60
AAGTTCTTTT TAAA 74

配列番号：1434
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01588
配列：
GATCCCGGCG CGGGAAAGTC ACAGAGCTGC CTGGGCTTGT ACCTGGNCAC ATAAAGCCCC 60
ANTTTAAAGC AAA 73

配列番号：1435
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01589
配列：
GATCCCANAG CNATAAAATA AAATTTTATT CCAAAATAAC AAAACAAATT NATCTACTGT 60
ACACAATCTG AAA 73

配列番号：1436
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01590
配列：
GATCCCAGGC TTCTGCGGAC CGACGATACG TTTAAATGTT GTTCTAGTAA AGTTTTCGAT 60
ATGTTTCTGA AA 72

配列番号：1437
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01591
配列：
GATCCCTTGG NGGNCTAGTT CGTATTTTTG TNTTAAACTA TTTGTTAGAA TAAAGTAATT 60
TTGCTAATAA A 71

配列番号：1438
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01592
配列：
GATCTTAAGT ATAAAAATTT TGTAATTGGG CCTTTACTCT CTCAATAATA AAGTATTTTG 60
TTTATATAAA 70

配列番号：1439
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1593
配列：
GATCTGTATT TTCTAAGTCC CCAGTTCTCC TGGCTCTCCT TTCTGAAATA AAGGATTGAA 60
AACNGAAA 68

配列番号：1440
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1594
配列：
GATCTGTTTT TAAAAATCAT AAACTGTGTG CAGACTCAAT AAAATCATGT ACATTTCTGA 60
AATGAAA 67

配列番号：1441
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1595
配列：
GATCAACAGT TACTGTNACT GAGTCGGCCC ATTCTGTTTA GAAATATATT TNAAATGTTT 60
AGTAATTGAA A 71

配列番号：1442
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1596
配列：
GATCTGCCAT TTCATGCCNT GTGACTACNN ATCATTGGCC CTGCAATAAA ATCATTTATT 60
TTTAAA 66

配列番号：1443
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1597
配列：
GATCCTGCAT GCTACTCTTA GATAGAAGAT GGCAAAACCA TGGTATTAAA ATATGAATGA 60
TAAA 64

配列番号：1444
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1598
配列：
GATCAAGTCA CTNTTGACAA CATCCAGGNG AATATAAAAA CTTAATAAAG CTGTGGAAAG 60
GAAA 64

配列番号：1445
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1599
配列：
GATCAATTGG TTTAACTTCT TTTATGTAAG TATGGTATAT AAATTTCAAG ACGAACACTA 60
AA 62

配列番号：1446
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1600
配列：
GATCACTTTT CACTTTTTGG AATGTTTTGT ATTGAAACTT AATAAAACTT TAACATGGCA 60
AA 62

配列番号：1447
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1601
配列：
GATCGNTCTC AGGCCCTCCC CCCGGAGTAC TTCAGAATGC AATAAATCAA AATAATGGCA 60
AA 62

配列番号：1448
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1602
配列：
GATCTGTATG TGTTCTATTC AGCACAAGGA AATAAAATTT TAGTTGAGGA TTCAGCACTA 60
AA 62

配列番号：1449
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01603
配列：
GATCCCCATT CTTTTCAAAA ACAAAATAAA ACAATAAAGA CTGCAAGGAA GACTGANGGA 60
AA 62

配列番号：1450
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01604
配列：
GATCCAGTCT GGAATAACAT TTTGTAAAAA AAAAATATAT ATATATATAT ATATNGCTGA 60
AA 62

配列番号：1451
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01605
配列：
GATCGGGGGC ACCAGAGGGG CAGAGGCACC AACATCTGAA TAAAGCCATT GTTCTCCCAA 60
A 61

配列番号：1452
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01606
配列：
GATCTTGGAC NTCTCGCATT CAGAACTGTG AGAAATAAAT ATCTATTATT TACAAATTAA 60
A 61

配列番号：1453
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01607
配列：
GATCTCCGTC TTGTATGGCT GAATGTTGGC CTAAAATAAA GATTACTGTT GTAAAATAAA 60

配列番号：1454
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1608
配列：
GATCTGTGGA GAATGTACAC AGTTTAAACA CATCAATAAA TACTTTAACT TCCACCGAGA AA 60 62

配列番号：1455
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1609
配列：
GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCAAAA AAAAAAACCA AA 60 72

配列番号：1456
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1610
配列：
GATCTAGATG TTTCTTTAAC CAAGATGAAT TAAAATATAG TAGAGTTCCA CTGTNCAAA 59

配列番号：1457
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1611
配列：
GATCAAATTG TACCTTTTTA GAGAAAAGGA CCAAAATAAA AGAAAAATGA ATTATGAACT AAA 60 63

配列番号：1458
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1612
配列：
GATCAGCAGT CTTGGATGGN AGGNAACAAA GCTAAATAAA TGTTAGTTTG GTGAGCAAA 59

配列番号：1459
配列の長さ：65

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1614
配列：
GATCTCCCTT ATATTCTTAT GATGAGGCTA AATAAAAGTC TAATAAAAAT GTTAAATATG 60
TGAAA 65

配列番号：1460
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1615
配列：
GATCAAAATC AAGTTTTAAG TTTTTTTGAC CAGATAAATT TAATGATTTT GGCAAA 56

配列番号：1461
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1616
配列：
GATCTTAATT ACTTTCAGAA TATTTTCAAA ATAGATATAT TTTNAAAATC CTTACAAA 58

配列番号：1462
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1617
配列：
GATCGTTCTT CTCTCCGTAT TGGGGAGTGA GAGGGAGAGA ACGCGGTCTG AGAAA 55

配列番号：1463
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1618
配列：
GATCCCTGAG ACGGGGTAAG TTATAATAAA CAGAAATGTA TTGGCTCAGA AGAAA 55

配列番号：1464
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1619
配列：

GATCTGTTAT GTATTTCAAC ATAATCATGT TTCATAAAGA TTTAGTCTTC TGAAA 55

配列番号：1465
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1620
配列：
GATCCCACCT TTGCTCCTGA CAACCCTCAT TTCAATAAAG ACCAGTGAAG ACCAAA 56

配列番号：1466
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1621
配列：
GATCAGAATC CTGCTCCACT AAGAACGGTG TAAAGTAAAT TAGTTATAAG CAAA 54

配列番号：1467
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1622
配列：
GATCTTGAGC CTTAACTGGA CATGAGGGGC ATGAAAATAA AGCTGAACTG CAGCCTCCTG 60
AAA 63

配列番号：1468
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1623
配列：
GATCTTTTCT AAATGTTATT ACTTGTAAAT AAAGTCTATT TTTCTCCCGT GAAA 54

配列番号：1469
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1624
配列：
GATCTGTATA TTTTTTTCTA AGAGAAAATG TAAATAAAGG ATTTCTAGAT GAAA 54

配列番号：1470
配列の長さ：54

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1625
配列：
GATCTGCGCA TATATATATA TGTATAAAAA ATAATAAAAT AATGGAAGNT GAAA 54

配列番号：1471
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1626
配列：
GATCCTAAAT NCACGCACCC CGTGGGAGCN CAATAAAGAT TTACTGAATT GAAA 54

配列番号：1472
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1627
配列：
GATCCGCCAT CTGTAATGTC CTTGGCACAA TAAAACCAAA TGTCAGTTTC AAA 53

配列番号：1473
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1628
配列：
GATCCCTAGT GATTACAGCC CTGAAGAAAA TTAAATCTGA ATTAATTTTA AA 52

配列番号：1474
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1629
配列：
GATCCAGTGT GGATTCTTNG AGTAATAACG TTGGTTTTAT TTATCATATA AA 52

配列番号：1475
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1630
配列：
GATCTTCAAT GTTTATTTTA AAATAAAATA AAATAAGTTC TTGACTTTTA AA 52

配列番号：1476
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1632
配列：
GATCTTGAAT GAAAGTCTTC TCAGGCTGTA GGGTGGTTCC TACAACCACA GCCAAA 56

配列番号：1477
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1633
配列：
GATCTCATCT GAATCCCCAA CACCCAATAA AGTTCCTTTT TAACACACAA A 51

配列番号：1478
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1642
配列：
GATCAAAATC CTATTTAGAA AAAATAAAAC TACTTTCTGT TTATCTCTTT AGAAA 55

配列番号：1479
配列の長さ：34
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1671
配列：
GATCCAAAAA CATCCGTGAA CCTCTGTCTG TAAA 34

配列番号：1480
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1673
配列：
GATCAAAATA AAGGATGATA ATAGATATTA TTTTTNCTTA TGACAGAAGC AAATGATGTG 60
ATTTATAGAA AAACTGGGAA ATACAGGTAC CCAAAGAGTA AATCAACATC TGTATACCCC 120
CTTCCCAGGG GTAAGCACTG TTACCAATTT AGCATATGTC CTTGCAGAAT TTTTTTTCT 180
ATATATACAT ATATATTTTT AACCAAAATG AATCATTACT CTATGTTGTT TTACTATTTG 240
TTTGACATAT CAGTATATCT GAAACACCTT TTCATGTCAA TAAATGTTCT TCTCTAACAT 300
TTAAA 305

配列番号：1481
配列の長さ：734
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01686
配列：
GATCCAGCCC ATTCTCTACT CTTACTCCTT TCATGGGCCA CCAGAGCCAG TACTCTTGGA 60
TAGCAGCAGC ATTCTAGCTG ACAGAATTTT GCTGATGGAT ACTTTCTTTC AAATTGTCAT 120
TTATCTTGGT GAGACCATAG CCCAGTGGCG TAAAGCTGGC TACCAGGACA TGCCCGAGTA 180
TGAAAACTTC AAGCACCTTC TGCAGGCACC ACTGGATGAT GCTCAAGAAA TTCTGCAAGC 240
ACGCTTCCNG ATGCCACGTT ACATCAACAC GGAGCATGGA GGCAGTCAGG CTCGATTCCT 300
TTTGTCCAAA GTGAACCCAT CTCAGACACA CAATAACCTG TATGCTTGGG GACAGGAAAC 360
TGGAGCACCC ATCCTAACTG ATGATGTTAG CCTGCAGGTG TTCATGGACC ATTTGAANGA 420
AGCTGGCTGT CTTCCAGTGG CCTGTTAAAG CTGAGGATAC AACCAGGGAA ATGCAAACGG 480
TNTCAAGATT TGGTGGTTCA AAATTGTCTA GAAAGGGTTT GATAACCATT CCNGGTTACT 540
TTTTCTTNGG ANGTTTTAAC CAAATAATCA ANGGCNATTT TATTATGGAA CCTCTTTAGG 600
TTATAATTNA TTNGGAATNC CGNCNTTGGC CTTTTCTTGN CCTTTAAATT TTAAGGGAAN 660
AAANNTTTGG GCNTNAGGNG GTTNNGGNTT TTTGGNNCNA ACTTTNGGGN TTAATAAANC 720
NGGGGNNTNT TAAA 734

配列番号：1482
配列の長さ：731
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01687
配列：
GATCAACCGG AGCGCTTCCG AGCCATCCTT GCATCGGGCA GCCCACACTG AGGATATCAA 60
TGCTTGCACG CTGACCACGT CCCCGAGGCT GCCTGTNTTC TAGTTGACTT TGCACCTGTN 120
TTCAGGCTGC CAGGGGAGGA GGAGAAGCCA GCAGGCACCA CTTTTCTGCT CCCTTTCTCC 180
AGAGGCAGAA CACATGTTTT CAGAGAAGCT GCTGCTAAGG ACCTTCTAGA CTGCTCACAG 240
GGCCTTAACT TCATGTTGCC TTCTTTTCTA TCCCTTTGGG CCCTGGGAGA AGGAAGCCAT 300
TTGCAGTGCT GGTGTGTCCT GCTCCCTCCC CACATTCCCC ATGCTCAAGG CCCAGCCTTC 360
TGTAGATGCG CAAGTGGGAT GTTGATGGTA GTACAAAAAG CAGGGGCCCA GCCCAGCTGT 420
TGGCTACATG AGTATTTAGN GGGAAGTAAG GTAGCAGGCA GTCCAGCCCT GANNTTGGAG 480
ACACATGGGG TTTTTGGAAA TAAGNTTCTT GNGGGATGAA TGTAACAGGN GGGNTTTCTT 540
CANGGAGTGG TNCAGCNCAG ACATTTNNAC ATAAGGACCA AACAGCCCAG NNTNCCGNAT 600
TTTGNCNCCC AAGNGCCTTT TTTGGACTTG GANCTTTNTT NGGGGAAAGC CNCTTNAANG 660
TTTAAGNGCC AGNATNGGTG TTTCNGNAAG NATTGCCATC CGATTTAGCC TTTANGGGAN 720
GTTCCANAAG N 731

配列番号：1483
配列の長さ：687
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1688
配列：
GATCGGTGGC TCCATCCTGG CCTCACTGTC CACCTTCCAG CAGATGTGGA TTAGCAAGCA 60
GGAGTACGAC GAGTCGGGCC CCTCCATCGT CCACCGCAAA TGCTTCTAAA CGGACTCAGC 120
AGATGCGTAN ATTNTGCTGC ATGGGTTAAT TGAGAATAGA AATTTGCCCC TGGCAAATGC 180
ACACACCTCA TGCTAGCCTC ACGAAACTGG AATAAGCCTT CGAAAAGAAA TTGTCCTTGA 240
AGCTTGTATC TGATATCAGC ACTGGATTGT AGAACTTGTT GCTGATTTTN ACTTTGTATT 300
GAAGTTAACT GTTCCCCTTG GTATTAACGT GTCAGGGCTG AGTGTTCTGG GATTTCTCTA 360
GAGGCTGGCA AGAACCAGTT GTTTTGTCTT GCGGGGTCTT GTCAGGGTTG GAAAAGTCCA 420
AGCCGTAGGA CCCCAGTTTC CTTTCTTAAG CTGATGTCTT TTGGCCAGAA CACCGTGGGC 480
TNGTTAATTG CTTTTAAGTT GGGAAGCGGT TTGCAATTAC GGCNCTAAAA NGTATTCATC 540
CTNAATTNAA GGAAAGGGTT TTTTTTGTAC CGAAANNNCG ATTCTTTGAA GNGNTGNCAC 600
CAAATTTTGG GTTTTCANCC GGTAAGGGGN GACATTAGGN CCCAGNACAA GGNATTNTGA 660
AAGGGAANAN AANGGCNNCC GAAAAAN 687

配列番号：1484
配列の長さ：649
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1689
配列：
GATCAAACTG TATTGCCCAG GCCAGCTCCT GAAGAACTGT GAACTATGAA CGTCTCAGCC 60
TAGAAGGATA ATGTGACCTT CAATTTGCAC ACCATCCATT GTCTCTTTCA AACTAAGAGC 120
CTCTCTAAGC TAGATAGGCC AAGGATTATT TTTTTAACTT TTATTTTAGG TTCAGGGGTA 180
CATATACAGG TTTGTTACAT AGGTAACCTC ATGTCATGAG GGATTTTGTA TAGATTATTT 240
GGTGACCCAG GTACTAAACC TAGTACCCAT TAGTTGTTTT TNCTGCTCCT CTCCCTCCTC 300
TCACCCTCCA CCCTCAGTTA GTTCCCAGTG TGTGTTGTTT CCCCACATCT ATCCATGTGT 360
TCTTATTATT TAAGCTCCCA CTTATAAGTA AGAACATGCA GTGTTTGGTT TTCTGTTCCC 420
GATTAGGTAA TGCTGAGGGA TAATGGCTTC CAATTNCCAT CCATNGTTTC TGCAAAGGAN 480
CATGNNCTCA TTNCTTTAAA TATGGGCTNG CATAGNNGTT CCATGGGNGG TGAATGTACC 540
ACATTTTCCT TTNANCCAGG TCTNATCAAT TGGNGGGCCA TTGNGGGTGA TTCCAAGGCT 600
TNGGTAATGG TGAANAGGGC ACAATAANCC AGTACCATGG GGCATGAAA 649

配列番号：1485
配列の長さ：549
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1691
配列：
GATCCTCTGA TGGGAGCTGA AAGGATGAGA GGTGGGCATC TAGATTTAGG GAGGCTGTTC 60
AGGCTTTGCA GGTCCCTTAC CTGAACACAT AGAAACCCTG GAGCTGTGAC TGTGTCCATG 120
TGTGTGTGTT TGTCTGTGTG TGTTGCGGGG GATGGGCACC TGCATGAATG TGGTAGAGAA 180
AATGGCTCTG CTCAGAGGGA AGATACGCAT AGCAAGGCAG GGACCAGAGG AATCACAGGC 240
GCCTGGAGAG CAGCCGGGCA ACGNCTCCAG GGACCTGCCG GCTTCCCTCA GTCCTCCAGG 300
GGCCCAGCAC TCTTCCTTTA GGCCCTGTGA GCGTCCCTTG TCAGGATACA TTCTCTCATT 360

TTGCTGAAGC TGATTTGATT GGGTGTCTGT TTCTCGCAGC CAAAAGAGCT CTGAAATGAG 420
GAAAGTGCTT CTGTGCTAAC TCCCCGGGTC TCCTGAATTT CAGTCATTCA TGTACCCGCC 480
TCGAAATTTT TTGCAATATC TGTGTACCCA ATGTCCATTT AATTAATAAA GAAGTTTTCT 540
TAAATTAAA 549

配列番号：1486
配列の長さ：543
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1692
配列：
GATCGANGTT TACCTTGTGT CAGGAAAAAA TGTGGGGTAT GCCAAGTATG CCGATAGAAT 60
AAGTNCTAAT GATGCCACTN GCCACTCTAC ATNGAAAGAT TCTGAATGGG GTGAGACTTA 120
AAGTTATGCT GGCAGATTCG CCAAGAGAAG AATCTAACAA ACGGCAAAGA ACTTACTGAT 180
TCTTGAGAAC ACCCGACTAA ATAATGACAT ANTCCTCAGC TGACTGACTG AAAATGTGAC 240
TGGACGCATT CCCTGTGGAC AGTTGACAGC TTTTTTTTTT TCCATATACC TGNTAGTCTG 300
TGTCCAGCAT TGTTTTGTCT GGGAAGCAGG GTTTGCTGNC ATGTATTTTN NATTCCATAC 360
ATTANTGCTA AACCGNTTAT AGTAGTTGTN CCTTAGNGCA NTATGTTGTT ACGTGTAGCA 420
GAANTAAAGT TTTCTTTGCT TTANCTAAAT CATGNCTTTA TTTNTGNGAA GGCCAGGACC 480
GGGAAATTTT ATTNGNCAGT CTTTGGNTTT TGCCTAATGN CATTGNCATG NNTTTGGGGT 540
NCN 543

配列番号：1487
配列の長さ：533
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1693
配列：
GATCCAGAGT TGCATACAGA CCAATTTCTG CATCAGTGTT ATCTCGACCA GAGGCTAGTA 60
GGACTGGAGA GGGCTCTACG GTATTTAATG GGGCCCAGAA TGGTGTGTCT CAGCTAATCC 120
AAAGGGAGTT TCAGACCAGT GCAATCAGCA GAGACATTGA TACTGCTGCC AAATTTATTG 180
GTGCAGGTGC TGCAACAGTA GGAGTGGCTG GTTCTGGTGC TGGTATTGGA ACAGTCTTTG 240
GCAGCCTTAT CATTGGTTAT GCCAGAAACC CTTCGCTGAA GCAGCAGCTG TTCTCATATG 300
CTATCCTGGG ATTTGCCTTG TCTGAAGCTA TGGGTCTCTN TTGTTTGATG GTTGCTTTCT 360
TGATTTTNTT TGCCATGTAA CAAATTACTG CTTGACATGT TGGCATNCAT ATTAATTACG 420
GATGNAATCC TGGGNANCTA CCTGTNCCTC CGAAAACCTG TAGGTANTTG GGGGTCANGG 480
GGAATTGNNC GGTAATTCCC AAAGCCATTT NATTAAAGGN GGAAACCTTT AAA 533

配列番号：1488
配列の長さ：531
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1694
配列：
GATCCAAAAG ANCTGCTTTC TGAAGCAAGT TTCCAAGANG CTCTTCAGGA AAGCATTCCT 60

GACATTCAAG CGCACGAGTG GGTGCCGCTG TGGCTACTGC GGTATTCGGT CATTGTGAAA 120
AGTAGAGGAA TTATCAAATC AAAAGGCTAC ATTTTACAAG CTAAAAGAAG GGGTTCTTAA 180
CTGACTTAGG AGCATAACTT ACCTGTAATT TCCTTCAATA TGAGAGAAAA TTGAGATGTG 240
TAAAANTCTA GTTACTGCCT GTAAATGGTG TCATTGAGGC AGATATTCTT TCGTCATATT 300
TGACAGTATG TTGTCTGTCA AGTTTTAAAT ACTTATCTNG CCTCCATATC AATCCATTCT 360
CATGAACCTC TGTATTGCTT TCCTTAAACT ATTGNTTTTC TAATTGANAT TGTCTATANG 420
GANATNCTTG CAATATATTT NNNCNTTANT TTTTATGNCT AATATNAATN CAGGNNAATT 480
TGTTGTTTGG TATTTTTGGG CNNGGGTTCC GGGGAATGNT TNTNCANTTT N 531

配列番号：1489
配列の長さ：526
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01695
配列：
GATCGGCGTG ACCANCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTCA AGCACCTGTN TGCCAGCCAG 60
AAGGCACTGA NAGGAGAAGG AGAAGGCCTC CTGGAGCAGC CTCTCCATGG ATGAGAAAGT 120
CGAGTTGTAT CGCATTAAGT TCAAGGAGAG CTTTGCTGAG ATGAACAGGG GCTCGAACGA 180
GTGGAAGACG GTTGTGGGCG GTGCCATGTT CTTCATCGGT TTCACCGCGC TCGTTATCAT 240
GTGGCAGAAG CACTATGTGT ACGGCCCCCT CCCGCAAAGC TTTGACAAAG AGTGGGTGGC 300
CAAGCAGACC AAGAGGATGC TGGACATGAA GGTGAACCCC ATCCAGGGCT TAGCCTCCAA 360
GTGGGACTAC GAAAAGAACG AGTGGAAGAA GTGAGAGATG CTTGGCCTNC GGCTTCAACT 420
TGCGGCTGGC TCTTTCACCG CCATGCAAAC TCCATGCCTA TTTACTNGGA AACCTGTTAT 480
NCCAAACAGT TGTNCNCTGC TAATAAATTG NCCAGTTTAC CTGAAA 526

配列番号：1490
配列の長さ：525
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01696
配列：
GATCAGCAGA GGNATCAAAC CAACACCTTC TTTGGCTCCC CTCCCGCAGC CACAGAGGCA 60
ACCCACGTTG TCAGCACCAT CCCTGAGTCA TTACAATAGC ACCCTGCAGC TATGCTGGAA 120
AACTGAGCGT GGGACCCTGC CAGACTGAAG AGCAGGTGAG CAAAATGCTG CTTTCTGCCT 180
TGGTGGCAGG CAGAGAACTG TCTCGTACTA GAATTCAAGG AGAAAAGAAG AAGAAATAAA 240
AGAAGCTGCT CCATTTTTCA TCATCTACCC ATCTATTTGG AAAGCACTGG AATTCAGATG 300
CAAGAGAACA ATGTTTCTTC AGTGGCAAAT GTAGCCCTGC ATCCTCCAGT GTTACCTGGT 360
GTAGATTTTT TTTTCTGTAC CTTTCTAAAC CTCTCTTCCC TCTGTGATGG TTTTGTGTTT 420
AAACAGTCAT CTNCTTTTAA ATAATATCCA CCTNTCCTTT TTGCCATTTC ACTTATTGGN 480
TCCATAANGT GAATTTTAAT TTAAGGTTAT GCCACACATG CATGN 525

配列番号：1491
配列の長さ：522
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1697
配列：
GATCAGCTGT TTGTCATAGG GCAGTTGGAA ACGGCCTCCT AGGGAAAAGT TCATAGGGTC 60
TCTTCAGGTT CTTAGTGTCA CTTACCTAGA TTTACAGCCT CACTTGAATG TGTCACTACT 120
CACAGTCTCT TTAATCTTCA GTTTTATCTT TAATCTCCTC TTTTATCTTG GACTGACATT 180
TAGCGTAGTA AGGTGAAAAG GTCATAGCTG AGATTCCTGG TTCGGGTGTT ACGCACACGT 240
ACTTAAATGA AAGCATGTGG CATGTTCATC GTATAACACA ATATGAATAC AGGGCATGCA 300
TTTTGCAGCA GTGAGTCTCT TCAGAAAACC CTTTTCTACA GTTAGGGTTG AGTTACTTCC 360
TATCAAGCCA GTACGTGCTA ACAGGCTCAA TATTCCTGAA TGAAATATCA GNCTAGTNGN 420
CAAGCTCCTG GTCTTGAGAT GTCTTCTCGT TAAGGAGATG GGCCTTTTGG GGGTAAAGGN 480
TAAAATGGAT GAGGTCTGNC ATGNTTCACT ATTCTAGGAC TN 522

配列番号：1492
配列の長さ：509
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1698
配列：
GATCCCAACA ATATTCCCAA GGCCTCAATG ACAAGTGGTT TGGTTCAGCA GTTCCAACAC 60
ACAGTCCTTC CCTCAGTGAC TCCCTTGGNN CCCTCATCTG CACACTGATT GCCATATTGC 120
CCTCTATTTT CTGTCTTTGG TTTAAACCCC AAGGGCCCAG AGGCTTTCTC CGATGTCTAA 180
CTCTTTGTGC CTTGAGCTCC TTTATGTTTG GGTGGCATGT TCATGAAAAA GCCATACTTC 240
TAGCAATTCT CCCAATGAGC CTTTTGTCTG TGGGAAAAGC AGGAGACGCT TCGATTTTTC 300
TGATTCTGAC CACAACAGGA CATTATTCCC TCTTTCCTCT GCTCTTCACT GCACCAGAAC 360
TTCCCATTAA AATCTTACTC ATGTTACTAT TCACCATATA TAGTATTTCG TCACTGAAGG 420
ACTTTATTCA GAAAAGGAAA AACCTCTTTT TTAATTGGGA TGGGAACTTT CTANCCTGCT 480
TTGGNCNGGG GGCCTCTGGG AAGGNCTTN 509

配列番号：1493
配列の長さ：497
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1699
配列：
GATCCTGTCA AAATAGTCCG ATGCCATGAA CATATAGAAT CCTTACAGTA AATGGAGAAT 60
TACTCTTTTT TAGACAAAGA GAAGGGCCTT TTTATCCAAC CCTAAGATTA CTTCACAAAT 120
ATCCTTTTAT CCTGCCACAC CAGCAGGTTG ATAAAGGAGC CATCAAATTT GTACTCAGTG 180
GAGCAAATAT CATGTGTCCA GGCTTAACTT CTCCTGGAGC TAAGCTTTAC CCTGCTGCAG 240
TAGATACCAT TGTTGCTATC ATGGCAGAAG GAAAACAGCC TGCTCTATGT GTTGGAGTCA 300
TGAGATGTCT GCAGAGNCAT TGNGAAGTCA CCAAAGGATT GGCATTGAAA ATATCCATTA 360
TTTAAATGAT GGGCTGTGGN TATGAGGCAT ATAAATGNGC TCAGAGGGAT GCACTTGGGT 420
NAATATGGNT ATTGTGCTGT ATCTGTGTTG TGNCTGTGTG TGCANCTGAG GTATGCCTGT 480
GGTNTGCTGA TAAATCN 497

配列番号：1494

配列の長さ：472
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1700
配列：
GATCAAAATA TCATGGATTG AACCTCATCA ATTGATAGCA GTGAGTGACT GANGCTTCCA 60
AATCAAGAAA AGCCGGCACC AAGAACTTCC ATTCTAATCT AGAGCTGACC AGTTTGAGCT 120
GATTCTNTCT TTGAAGAGTC CTTCTTGATT GCAGTGCAGT ACTGGCATTT CTGAATGGAT 180
GTANGNGGAG TATTTTAGTC TAAAGGCTTT TCAAATTACT TGAATTTTTT TAAAAATTGA 240
GGAGCTTTAT TTCTATTTAC CCTTCCATTT TTGTATATCA AATTTCCATN GTCATTAAAA 300
ACTGTATCTT GAAACTTTGT GAACTGACTT GCTGTATTTG CACTTTGAGC TCTTGAAATA 360
ANTGTGATTT TNGTGTGATT ATCTGGTTTC CNGTTTTAAC CATTACCTGT CACCNTTNAT 420
CCTTAACCTT GAAAGTCCAG AAACCATNNN ATTATTAAGG TNGTCCAATA AA 472

配列番号：1495
配列の長さ：496
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1701
配列：
GATCTGTGTG GATGGCAAAC TCCCCAGGCC ATTCTGGGAC CTAAGTTTAA GAAGTGCCGT 60
CCTCGAACTT NCTGACTCTA AGCTCCTGAG CGGGAGTNAG ACTTAGCCCT GAGCCTGCAC 120
TTCCTGTTCA GGTGCAGACA CTGAACAGGG TCTCAAACAC CTTCAGCATG TNTNTTGTGT 180
GCTCACGTGC CACACAGTGT CTCATGCACA CAACCCAGTG TACACACCAC CTACATGCAC 240
ACAGCGTCCT TNCACACTGT GTATGTGAAC AGCTTGGGCC CTGCAACACA ACCATCTACA 300
CACATCTACA ACCNNNAGGA CACACACATG GGTCCGTGCC ATGTCACCTC CNTAGGGGAN 360
GGNTTTCTTT CCAAGGTGTN GCCAGGCCAG GCAAGCCTTC CAGGCCATGA ATTCCTTACT 420
TAGGTACCTN GGGGTTTGGG GTGGGNGNCC CAGNCAAAAT TCTNGGGTTN CGTNCNCTTT 480
GGTTNNGNCC AGNTTN 496

配列番号：1496
配列の長さ：492
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1702
配列：
GATCCTGTAC AGCCAGTGTG GGGATGTGAT GAGGGCCCTG GGCCAGAACC CTACCAACGC 60
CGAGGTGCTC AAGGTCCTGG GGAACCCCAA GAGTGATGAG ATGAATGTNA AGGTGCTGGA 120
CTTTGAGCAC TTTCTGCCCA TGCTGCAGAC AGTGGCCAAG AACAAGGACC AGGGCACCTA 180
TGAGGATTAT GTCGAAGGAC TTCGGGTGTT TGACAAGGAA GGAAATGGCA CCGTCATGGG 240
TGCTGAAATC CGGCATGTTC TTGTCACACT GGGTGAGAAG ATGACAGAGG AAGAAGTAGA 300
GATGCTGGTG GCAGGGCATG AGGACAGCAA TGGTTTGTAT CAACTATGAA GAGCTCGTCC 360
GNATGGGTGC TGAATGGCTG ANGGACCTTT CCCAGTNTTC CCCAGATTNC CGTTGCCTTT 420
CCNTNGTGTG AATTTTGGTN ATCTAAGCCT AAAAGTTTTC CCTAAGGCTT TCTTGTCTTC 480
AAGCAACTTT CN 492

配列番号：1497
配列の長さ：490
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01703
配列：
GATCCAAATA CACAGAATCA AGGGAAGGAG TTGCTTCTTC TAAGAGTGAT GCTTAATCTT 60
TTGGGTCATG GATGAATTGA AGATTTGATT AAAGTTACAA TAAAAAGAGN CCCCNTCAAA 120
GCACGTACAN NCTGTATCAC GAACGGTGCC TGGCCTACTT TTTCCTTTTC TACCCACCCC 180
ACCCCAACCC CCCCTGTCTC AGTGAAAACC TGGTTGTTAC TAAAGTGAAA CTTTAATAAG 240
GATATTGCCT AGGGAAGATT AGTTGTTTTC CTTGTCATTC AAGTTCATTC TGGACCTCTT 300
CCTCTGAGCT GTTAATCAGT GTTGCTAAAC AGACAGGGAA AGACAAGGGA GAGAAAAATG 360
CTGATTCATT CTTCAGAACT TTTAACCNTT TTAACCNCTA ATTCTTCTCC TTGAGAAGCT 420
ATTCTTTGAT TGTGAAAGCT TTGTTGTTCA GGGNAATATG GGGTAATAAA AATAGCTAAC 480
CATTTTTAAA 490

配列番号：1498
配列の長さ：477
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01704
配列：
GATCAAACTT CCATATTTGC CTTGGGAATA ATGGACAAAG GGAAATACTC TTAATTCATG 60
AATAAAAACT TTGCAGAAAA TTAGACAGTG TTTAATTTTC GAAAACTTCC CTCTCTAGAC 120
AGTAGATACC ACCTACTGAT GGTTACATAT ACTAGGGAAA TTTTAAAATT AGGAAATGCT 180
GATAGCTCAT ATTATAAATT TCTAAATCCT AGGAAGAAAC GCTTGGAGTG CTTCTGAATA 240
TACAGAAGTT CCATTTAAGG GCAAGTTTCC CCGTAGATGT ATCAAAATAC TACCAACTGT 300
AAATTGAGGT TTAATTCCCA AATGTATTCT ACTTGTTCTA AAACAATCTG TCCNCAAATA 360
TANAACTATA AAGTAATAAA TTGTTATTTT CCGCACCAAT GGGGNATCTC TAATGGTGGA 420
AAATGGTAAT CCTATGGAAA ATTAATTTTT TTTAANTAAA ANGGTNATTT TAATAAA 477

配列番号：1499
配列の長さ：476
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01705
配列：
GATCCCCGAG TCTTCACAAA TNCTCACTGA AGAAAATTCC TGGAACAATT CAGGGTCCTT 60
TCATAACCTC TACTCTGAGG TGTTANTAAA AAACCTTAGT AACTTAAAAA AAATGAGCTG 120
TACACAAATA CTGAACAATA ATGCTNCNTA TGTTAAGTAT GTANGAAAAA TATATACTTT 180
GACATANATA AGAAACGGTG AGTTGATAAT TGGATAGAAT GGTGGATAGA GTGATAGATA 240
TGTAGTAAAG CAAATATAAC AAAATGATAA TTGTACAATC TAAGTGGTTG GACTATAAAT 300
ATGCACTTCC CACAACNTTT TTATATGNTT AAACAGTTTT ATAATACCAT ATTANGGGAA 360
ACTGTTTGTC TCAAGGAAAT AGAGNTTGTG ATATGTTCTA GTNCAATGNA GGTGTAATCA 420

TGGTNAAATT AAAAGCTTTT ACTTCCTGGG CAATTAAAGG TAATCCTGGT AGGAAA 476

配列番号：1500
配列の長さ：488
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1706
配列：
GATCCTGACT GCTGTCATGG CGTGCCCTCT GGAGAAGGCN CTGGATGTGA TGGTGTCCAC 60
CTTCNANAAG TACTCGGGCA AAGAGGGTGA CAAGTTCAAG NTCAACAAGT CAGAACTAAA 120
GGAGCTGCTG ACCCGGGAGC TGCCCAGCTT CTTGGGGAAA AGGACAGATG AAGCTGCTTT 180
CCAGAAGCTG ATGAGCAACT TGGACAGCAA CAGGGACAAC GAGGTGGACT TCCAAGAGTA 240
CTGTGTCTTC CTGTCCTGCA TCGCCATGNG GTNTAACGAA TTCTTTGAAG GCTTCCCAGA 300
TAAGCAGCCC AGGANGGAAA TGAAAACTCC TCTGATGTGG TTTNGGGGGG TCTGCCAGCT 360
GGGGGCCCTT CTGNGTNGNC CANTGGGGNA CTTTTTTTTT TTTTCCCACC NTGGGNTCCT 420
TTNANGANAA NGGGCTTNGA TTGCTTGAGC AAAGTTTCAA ATAAAAGNTT TNTNGGGAAG 480
NTTTTAAA 488

配列番号：1501
配列の長さ：472
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1707
配列：
GATCCAGAAG CTGATGGATG TGGGTCTGAT TGCAATTCGG TGATGACTTG TTCATACCCC 60
CTTCCCTTCG CCCTCATGTG GAAAGAGGAG CTGGGACCGC GGCGAGCAGC ACGGAGCGGA 120
AGGGAGAGCA GGGGAGAGAA GGCCTCATNT CTCTATATTT ATACATAACC CCGGGGAAGA 180
CACAGAGACT CGTACCTGCG CTGTTTGTGC CGCCGCTGCC TCTGGGCCCT CCCAGCACAC 240
GCATGGTCTC TTCACCGCTG CCCTCGAGTT CCATGTCTCT TTCCCCTGCC CCTAGTTGCT 300
GTCTCGGCTG CTCTCCCATA GTTGGTTTTT TTTTTNATTT GGGGCAGTGG GCATGTTAAT 360
GGGGGAGGGG AGGGGGTTCT TCCAGCCTNA GGTCCCAGTT GGTCTNACGT NGTTTAATTC 420
TTGGGTCCCC TTTTTCCAAT TAAAACAAGC CANTNGGGGC GTGGGTTNTA AA 472

配列番号：1502
配列の長さ：469
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1708
配列：
GATCGCAAAT TGCTNGAGCT GTTGTGGAAT AAATACTGGG TGAATACGTT GAGTTCTTCT 60
AGCTTGCTTA CTAATGCAGA CTATACCACT GGTCAGGTCT TTGATTTGTC TGAAAAGTTA 120
GAGCAGTCAG AAGCCCAGCT GGGACGAGGG AGTTTCATGT TGGGTTTAGA AACGCATGAC 180
CGAAAATCAG AAGACAAACT TGCCAAAGCT ACAAGAGACA GCTGTAAAAC TACCATAGAA 240
GCTATCCATG GATTGATGTC TCAGGTTAAT TAAGGATAAA CTGTTTAATC AAATTAACAT 300
CTCTTCCACA GTCTCTGAGA AGGGCTNTAC CTGAAAGACA GTATGNGGGA AAATATTCAA 360

GGTAACACTT TTAAANCCAG TTNCCNAAAA TCTGATTAGG ANGTNTANGG TTCTCTGAAG 420
TGGTCCTAAA TATTANTATC CCTGTAATAA ANGCTCTTTA AANTGGAAA 469

配列番号：1503
配列の長さ：466
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01709
配列：
GATCTGCAGT GGCTGTTTGA CCAGACCACA AAGTTCACAT CTCCTGAGCT TAGTGTCCGT 60
GGCTGTCCAC CTCCCAGCCA TACTTGACTG TCCCCAAACT CTCCCTGCAG CCACATGTTT 120
CCCATGACCT GTGGGCTCTG CAGATGGACC TCTCTCCGCT AGAGATGCCC TTCTCCCAAA 180
TGGCTTCCCT CCTGGAAGGC CCAGCCTGAG TCCTCGTCTC CTTTCCAGTG CTTCTGCCAG 240
AAGCATCCCC ATGATGTTGT GACCGCACAG CACTTTGTGT CTTGCTTTGA GCACTTGCCA 300
CTCTGGCTGG TGCTGCTGCC ACTGATTGTG TACTGTCTTG CTGCCCTTTC TAGACTGTGA 360
GCTCCTCGTG GGCAGGGACC GCCTGTGTTC TCTGTATTTC CCACGGAGCC TAAGNACAGT 420
GCCTTGCACT TGATAAGGTG CTTAATAAAT GTCTGNTCAA CTGAAA 466

配列番号：1504
配列の長さ：465
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01710
配列：
GATCACTGTG TTCAGTGTTG TTGGAATGGA TTCAGACTGG CTAATGGGGG AAAGGGGAAA 60
CCAGAAGGGC AAGGTGCCAA TTACCTACTT AGAACTGCTC AATTAAGTAG GTGGACTATG 120
GAAAGGTTGC CCATCATGAC TTTGTATTTA TATACAATTA ACTCTAAATA AAGCAGGTTA 180
AGTATCTTCC ATGTTAATGT GTTAAGAGAC TGAAAATACC AGCCATCAGA AACTGGCCTT 240
TCTGCCAATA AAGTTGCATG GTAAATATTT CATTACAGAA TTTATGTTAG AGCTTTCATG 300
CCAAGAATGT TTTCTTACAA AATTCTCTTT TTATTGAGGT TTCACTAATA AGCAGCTTCT 360
ACTTTTGAGC CTCAACTTAA AGCAGANCTG TTTTCTACTG GGATTTTTCA TTAACAGCAA 420
GCCTTTTCCT TTTATGTAAA ATTAAATCTA TTGTGGAATT TGAAA 465

配列番号：1505
配列の長さ：462
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01711
配列：
GATCTTGTCT TTAAAACATG ATAGTCCTTT CAGTATAATG TCTTAGATTA AAGACGTTGC 60
CTTTAATATC TGTTGGGAAG GAAATGTCCA GACTTTTCAA ATCTCTTATT ATATGTTTCC 120
TTTTNTTGTT TACATAGGGA ACAATGTTTA TAGTCGTGTG TACAGTGGGG GTCTACANCN 180
NGAAGTGTAT ATTTTCAAAC AATTTTTTAA NGATTTAACA ATTTTTGTAA ATCATTTTCA 240
GGCTTCTGCA GCTGTAGATT CTCACTGTGA ATCCCTTGCT TGCTCATGCA TAAGTGTATT 300
TGCAATACCA NATATACAGG TTTAGTATTT TTGCCTGTTA GTNGATTGTT TCACATGNGT 360

AACGTNTTGG GTGAGATGTT ANATGGTTGG NCGAGGTACT GTGGANGTGA ATGTGGGNAG 420
TAATTTTAAN NCATATGNAA TTGGTCACCA GGGCCNAATT TN 462

配列番号：1506
配列の長さ：459
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1713
配列：
GATCCCAAGC AGGCTCACAA ATTTAAATGA GGGCTTTGTG TGCAGAAAGA GGAATAAGTA 60
CAGATTATTT TCCTACCACT AGATTTTTGG GGAGAGTCAC CATGGAATGT TGACAATTAC 120
TTAAAATATT TTAAGCTCCC TTGCTGAATT CCTGTCCTGT CCCTGAGGAA TCAGATGGTC 180
ATACAGCCAT AGGCACCCAC CCGAAATTTC CCTAGGAGTT GGAGTAATGC TAGAATTGAA 240
GACCTTCTGA GTAAAGGGCT TCTCTGCCTT CTCAGAGGCA GGAGAATTTG CACTGGTTGT 300
GTTAAATGTA TAAAAAGCTA TATGTTCACC AGTTTACTCA TTTCCAATGT GTAGATGAAT 360
AAAATGTAGT GTACAAATTA TTTGAAAATC CCAGAAGGGA AGGTACTTTT CAAANACAGT 420
ATTTTTTTTA ACAAATAAAC TTACGNTTTT TACAGCAAA 459

配列番号：1507
配列の長さ：454
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1714
配列：
GATCTCCTGT CCATCAGCCA GGACAGTCAG CTCTCTCCTT TNAGGGCCAA TCCCCAGCCC 60
TTTTNTNGAG CCAGGCCTCT CTCACCTCTC CTACTCACTT AAAGCCCGCC TGACAGAAAC 120
CACGGCCACA TTTGGTTCTA AGAAACCCTC TGTCATTCGC TCCCACATTC TGATGAGCAA 180
CCGCTTCCCT ATTTATTNAT TTATTTGTTT GTTTGTTTTA TTCATTGGTC TAATTTATTC 240
AAAGGGGGCA AGAAGTAGCA GTGTCTGTAA AAGAGCCTAG TTTTTAATAG CTATGGAATC 300
AATTCAATTT GGACTGGTGT GCTCTCTTTA AATCAAGTCC TTTANTTAAC ACTGAAAATA 360
TATAAGCTCA GATTATTTTA ANTGGGNATA TTTATAANTG NGCAAATATC ATACTGTTCA 420
NTGGGTTCTG GAATAAACTT CACTGGAGGG NAAA 454

配列番号：1508
配列の長さ：453
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1715
配列：
GATCGAGCAG TGTGACTACC CCCCACTCCC CGGGGAGCAC TACTCCGAGA AGTTACGAGA 60
ACTGGTCAGC ATGTGCATCT GCCCTGACCC CCACCAGAGA CCTGACATCG GATACGTGCA 120
CCAGGTGGCC AAGCAGATGC ACATNTGGAT GTCCAGCACC TGAGCGTGGA TGCACCGTGC 180
CTTATCAAAG CCAGCACCAC TTTGCCTTAC TTGAGTCGTC TTCTCTTCGA GTGGCCACCT 240
GGTAGCCTAG AACAGCTAAG ACCACAGGGT TCAGCAGGTT CCCCAAAAGG CTGCCCAGNC 300
TTACAGCAGA TGCTGAAGGA GAGCAGCTGA GGGAGGNGGN GCTGGCCACA TGTCACTGNT 360

GGGTCAGNTT CCAAAGTCCT TTNNTTANCA CTGTTGTGGA CAATNTNANN TNGGGTCAAN 420
TNAAGGGCAG GTNGGTTNAA GNGGNGCCNN GGN 453

配列番号：1509
配列の長さ：450
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1718
配列：
GATCCTGGGG AAGGTGGGGA ACATGCTTGC AGTATCTNTC CCTGTNTGTN TGCTCACATA 60
AGCATTCCGT CCATCTGAGC TCATCGTGCT ACTGGTATGT GTATGTNCAG TTACACAGTT 120
TTNTGTATCA TAGATTCTAG TGTGTTTATA CAAGGNGACA TCTGTGGTTT CCCCAACCGT 180
TCCAAAAGGC TATTTCAAAG GAACCAGCCA ACGTATGAGA AATGANTGTA ACACTGTGGA 240
CATTGACTTC CCGCATAAGG CAGGGTGACC CCCTGAACTC CAGATGTNTG CACAGTATCT 300
NATGTGTTGT TTTCCGTTGT GACGAATGTG NATTGGAACA TTTGGGGGAG CACCCAGAGG 360
GATTTNTNAG TGGGAAGCAT TACACTTTGC TAAATCANGT ATTTNNTTCC TGNTTAAACC 420
AACCTANTTA ANTNTTTANC CCTTGGCAAA 450

配列番号：1510
配列の長さ：449
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1719
配列：
GATCCATGGA TGTAGTGGGG AGTGGAAAAT GGCACAATAT CAAGTGTGAG ANAGGNGATA 60
NACTTCGACT CTNCTGCCTT CAACTGAGAN CAGTTGACCG CAAGCTGAAA CTGGTGTGTG 120
GNAGTCACAG CTTCATCAAG GTCATCAAGG CCAAGAAAAA CAAGGAAGGA CCAATGAATG 180
TTAATTGAAA TATGAAAGCT GAAATGCAAC AAACAACTTC CGCTTAAAAC AATTAAGTTG 240
TTAATAACTG TGATTTTGTA AATTTCAGTA ATTCATTTAA ATGATGTTTC AGTAGATATA 300
TTCTAGCATA TTANGAGCTT TTATAACTGA GTTATAGATT AGTTTGCTTT CTGGAATAAA 360
ATTTTCTTCT TATACTCTTC CTTTTTTTTA GATATNACAT TTTGCTTTTA TGNCATTCAC 420
GGGGGCAAAA ANTAAAATAT CTTTTTTTN 449

配列番号：1511
配列の長さ：464
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1720
配列：
GATCAGAATC ATGGTCTCCC GCAGTGAAGT GGACATGTTG AAAATNAGGT CTGAATTCAA 60
GAGAAAGTAC GGCAAGTCCC TGTACTATTA TATCCAGCAA GACACTAAGG GCGACTACCA 120
GAAAGCGCTG CTGTACCTGT GTGGTGGAGA TGACTGAAGC CCGACACGGC CTGAGCGTCC 180
AGAAATGGTG CTCACCATGC TTCCAGCTAA CAGGTCTAGA AAACCAGCTT GCGAATAACA 240
GTCCCCGTGG CCATCCCTGT NAGGGTGACG TTAGCATTAC CCCCAACCTC ATTTTAGTTG 300
CCTAAGCATT NCCTGGCCTT CCTGTCTAGT CTCTCCTGTA AGCCAAAGAA ATGANCATTN 360

CAAGGGAGTT TGGAAGTNAA GTCTATGANT GTGAAACAAC TTTTNNCCTC CTGTNGTNCT 420
GTGTTAATAA ANCAGGTGNA TTAAACTGGN TTTNGTACTT TAAA 464

配列番号：1512
配列の長さ：445
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1721
配列：
GATCTTGCCA TGGAAGATAC TAGCCCAGCC TAGCAGAAAA GTGCAATATG TATAGCATAC 60
TTTGACATTT TAAACATGAT AGTCCATAAC CATTTTGAAA TGCTGGGCAA ACTACATGAA 120
GTTATTTATA ATTAATTCAC AGCTAATCAG GCATTTTGAA AGCTTAATTG GATTCAAAAA 180
CCATAATGTT GGAATTTGGT AAAATTTTAA TGTTGATTTT TACTGTGAAA AGGTTTTTAT 240
AAGATATACA CACCCTAGTT TAATGTTGTG TCTTGGTGTG GATTTACAGA TTTACTACAG 300
GTATTCTGAA CCAGGAACAC ANTCAGGTTT TCAGGCCAGT TTGAATACTG GCTGGCCTTA 360
AATTCTAATT ATNNGGAGTA GGGACATCAT ACCTAAATNT TTATGTCAGT GGGGNCTGTA 420
CTTGTCTGTG GGANCTTAGC AAATN 445

配列番号：1513
配列の長さ：435
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1722
配列：
GATCAATCGG ATTGAGAAGA ACATCCTGAG CTCAGCGGAC TACGTGGAAC GTGGGCAGGA 60
GCACGTCAAG ACGGCCCTGG AGAACCAGAA GAAGGCGAGG AAGAAGAAAG TCTTGATTGC 120
CATCTGTGTG TCCATCACCG TCGTCCTCCT AGCAGTCATC ATTGGCGTCA CAGTGGTTGG 180
ATAATGTCGC ACATTGTTGG CACTAGGAGC ACCAGGAACC CAGGGCCTGG CCTTCTCTCC 240
CAGCAGCCTG GGGGCAGGGC AGAGCCTCCA GTCGGACCCC TTCCTCACAC TGGCCCCTAT 300
GCAGANGGTN AGACAGTTCT TCTGGGGGTTG GNAGCTGCTC ATTCATGATG GCCTNCTCCT 360
TNAGGCCTCA ATGCCTGGGG GGANGGCTGC ACTGTCCTAT TTGGNCGGGA CANACGGTTT 420
TNTAAAAATT TTAAA 435

配列番号：1514
配列の長さ：434
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1724
配列：
GATCTAACCT AGACTAAAAT TGGGAACTTA TTTGCAATTT TTGACCCNGN CCACTAACTA 60
GTGATTCTNC TCCAAAATTG AGAAAGACAG CACCCATTGA AGCAGATATG TGTGTGAAAG 120
TATATTTTTC AATTCCAGAT TTTTAATTTT AAGGCTCCAG GAAAGAAAGG AGAGTAGAAC 180
ATTTTTCCTC ATTTTATCAA ATCCTCTCTT GCCCTCCCTC AATTCCCCTG TAACATTCCT 240
GAAGCTGTTC CCACTCCCAG ATGGTTTTAT CAATAGCCTA GAGGTAAAGA ACTGTCTTTT 300
TCTCTGATTC TTTAATAAAT TATCTTTATA GGAATATGCA CAAGTTTTTT TTACACTCAG 360

TGTTAAAAGT ATTTATTAAT NGGGAAGTCA ACTTAATGTT TTGAAATAAA NTATATGNCT 420
CTGGTTAATG CAAA 434

配列番号：1515
配列の長さ：423
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1726
配列：
GATCCAGTGA TTCANTCACT TAAATNAAGT CTTTTGGTCA GAAATNACCT TTTTGACACA 60
AGCCTACTGA ATGCTGTGTA TATATTTATA TATAAATATA TCTATTTGAG TGAAACCTTG 120
TGAACTCTTT AATTAGAGTT TNCTTGTATA GTGGCAGAGA TGTCTATTTC TGCATTCAAA 180
AGTGTAATGA TGTACTTATT CATGCTAAAC TTTTTATAAA AGTTTAGTTG TAAACTTAAC 240
CCTTTTATAC AAAATAAATC ANGTGTGTTT ATTGAATGGT GATTGCCTGC TTTATTTCAG 300
AGGACCAGTG CTTTGATTTT GATTATGCTA TGTNATAACT GACCCNAAAT AAATNCAAGT 360
NCAAATTTAT GTNGNCTGTA TAAGGTTTGT AATAANCCAT GNCTGAGGNC AAAAAAGGGN 420
AAA 423

配列番号：1516
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1727
配列：
GATCTGTAAT CTCCACTGCT TGGATGTCTG CCCTCTACCC CAGAGGAATT TACAGAAACT 60
TGCCCTGTGC CTGTGTCCCC CATGCTAGGG GCGGAGGGGT CTTTTCCTTC TTCTTTCCTA 120
CCTACCCCTT TTCTCTTGGC CAGGGGCCTC GTATCCTACC TTTCCTTGTC CCCTGGGCTG 180
GCTGCACAGA GGATTGCCCC TTCTCTTTTC AGAGCTGGCC CTCGATGCCA AATTAGCATT 240
TAGTATTTTG CACAAAGTCT AAGGGACCAT GGCTGCCTGC CTTGGGGAGG AACCATAGCT 300
CCNTCTGGGC CGCTTCTGGC CTCTTGGAGC CATGGGCCAA AGGCAAGGGG ATGGGCAGAG 360
GTCTGTGTTT GGTCTGGCCC AGTTCCNCAT CATTAAACTC AGCCTGACTG CTGCCTAAA 419

配列番号：1517
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1728
配列：
GATCCTCAGT AGANCAGTCC AGAAGCCTGA NAGACAGTGG CCCCTTGATA ATCTGGGTCT 60
CACGGGNCCA GCTAGGGGTC CAGGTTTCAN TCAGTAAATA AGAGTGGTCC ACGTCCTAAA 120
GACACCTCTC CTNNACAAAG ACTTGTGATG CTCTGGGGNT TCTNTGGCCA AGCCCCACCC 180
TTTCCTGGTC ATGGTACCCG TACAGCGTTG ATGGCCACAG CTCGAAGGGG GGCTTTCGTG 240
TCCCCCTGTG CGGTCAGTGT TTTCAGTACC ACCTCTCTCC CGTGCCCACT TGGCTATTTA 300
CTTATTTATT TATTGTGTGC CAGTNATGGT GGGTGGGGGC TGGGCCTTCC CCGCCACCTN 360
CANCCCTGTT GTGACCTGTC CTTCCGTACT TAATAAAGTG CGCGTGNGGA GTTGTTAAA 419

配列番号：1518
配列の長さ：418
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01729
配列：
GATCTNAGCC CTCCGGTTCC TGGGCAGAGA GAAAGGCTAC AGGTTCATTT NCCTGACGAC 60
AGCAGTCACA AACAGCGCTC GCNTTATGGA GGCCATNAGT GAGGTGAAAG CCTGATGTTT 120
TTCCCGGCCA NTNTTGACAT CTTCCCTGAA CACATTCCTC AGTGAGATGC AGGCATCTGG 180
CACCCAGCTG CTATAACCAA GTGTCCACCA ACTACCTGCT AAGAGCCGGG AGCATGGAAC 240
GTGTTGGGAT TTAGAGAACA TTATCTGAGA AAAGAGTTCA CTTCCTGCTC CCAGGATATT 300
TCTCTTTTCT GTTTATGAAG TACAACCCAT GCTGCTAAGA TGCGAGCAGG AAGAGGCATC 360
CTTTGCTAAA TCCTGTTTGA ATGTCATTGT AAATAAAGCC TCTGCTCTCA GATGTAAA 418

配列番号：1519
配列の長さ：404
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01730
配列：
GATCCAATTT ACAGAAATCA GAGTTAGCTA CAGCTAGGAC TCGTTTGGTT GGGGTTTTTT 60
AGTTTGTCTT TCTAAAGTCA TGTGGACCTT AATTTAATTA CAAAAGTCTA CCCTGGTGGT 120
CATAAAATAG GCAGGCCTAT GAAGAAAGGC CTTTTACTCT TCCATCTCGT CCCAGCCCCG 180
AGTTGACCCA CGTTGCTGCT CCTCACACCA TGGTGATGCA GGTCTCGTAG TGTGGGCACA 240
GGCCTGGCTA CCTCATCTTT TTAGTGCCTC TCTCCTCTTC CACAGGATGG GGTCCCACAG 300
CTGCAGCAGC TGGCCCGGTA GTTGAGCATG TGTGGTTATC CTGTAGAGCT TTTCCCAAGA 360
AGGGTGTTTG AACTTAGAGT CTTAATAAAA TCTTACCAAA TAAA 404

配列番号：1520
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01731
配列：
GATCTACAGA TACGTGATAT TNTGGTATAA CTAGAATCTT GATTTCTTTC ATAAAGTTCT 60
GCCATGTTCT ATTTCTTTCC TTAATGTTTT TTTCTTCCCT ACTGTTTTAT CCTCCCTTTG 120
CTTTGGAAGG ATATTNCTGC ATATCGAGCT AAAGGAAAGC CTGATGCAGC AAAAAAGGGA 180
GTTGTCAAGG CTGAAAAAAG CAAGAAAAAG AAGGAAGAGG AGGAAGATGA GGAAGATGAA 240
GAGGATGAGG AGGAGGAGGA AGATGAAGAA GATGAAGATG AAGAAGAAGA TGATGATGAT 300
GAATAAGTTG GTTCTAGCGC AGTTCTTTTT NNCTTGTCTA TAAAGCATTT AACCCCCCTG 360
TACACAACTC ACTCCTTTTA NNGAAAAAAA TTGAAATNTA AA 402

配列番号：1521
配列の長さ：407

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1732
配列：
GATCTCAGCT GAACAAATTA GATGTTTCAG TTGCTCTTGG GTCAACTGGC TTACAGATTT 60
ACATGTGCAC ACACACACAA ATTTCTTATC ACATTTTCGC CTTCTTCACT TGACCTAACT 120
GATTATGCGA AATACCCAAG ATTCATGCTA CTGTACCACA GATTTGTTTT CACAGCAATA 180
AATCTTCAGT TCTTTGTTTA TGATTCCACT TAACAAAAGG CCTGCAGAAG TGATTTATTA 240
TTTGGGTATT TGGAGATAAT ACATTTGATG GTTTTTTGGG AAACCTTTTT CACTCCATAC 300
TCAGATATGC TTCATTGTCA AATGCATATT TAGGNTAGGT TAATNGAATT GTAATGTTTA 360
ACCTGCTGCT TNTTTTTTAA ATAAAAATTT GACTGAAAAT GGTTAAA 407

配列番号：1522
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1733
配列：
GATCTAGTAG CCACGCTAAA AAACAAGTAA AATTAATTTT AATATATTTA ACTCAATACA 60
TTGGAGATAT TATTTCAGAA CGATATTTTT CATTCTTATG AAACTAAGTC TGTCTGGTTT 120
GCATATCTCA GTTGAGACAC TAAAGTTTTA CTGATAATAC TTAATCCATN NATTAGATTT 180
CATAAAATCT AAATTTGCAA AGTAAATTTA CATACCCATG TNGGTCTAAA TGTGCTTAAA 240
AGTTTTCCAA TAACTGAAAT GAGTATCAGT TTTAAATTTA AAAATTTGTT ACTTGGTTAC 300
TCCATATTTC AGGTATTAGT GGCTACCATA TTGGTCAGAG CAGATTCATA GGGATGATTT 360
CCCAGGTTTG AAGTGTGTGT ATATTGCTGG TATTATN 397

配列番号：1523
配列の長さ：395
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1734
配列：
GATCTGTACG AAATGTGAAA TNTTTAGGGA CATCTCCATG CTGTCACTTG TNATTTGCCC 60
TCTNATGTAT TTNGGTCATA TTGCCAACTG GAAAGTCAAA ATTTCCTAAC AACTTTAAGT 120
AAGTCCTTTN AAGACTNAGT GCTGTTTTNA ATCCAGTTTA GAAAGTAACT TAATTTTAAT 180
ACCGCTACTA AAAATNCGAA AATTTCTCCT TTAATCACAT TCAATATGGT TAAANGAACA 240
ACACTAATTG ACATTGCGTG GGCTTTTCCT CCCTTTGTTT AAANANGTCA TTTTGTTGAG 300
CAAGNGGTTG TATAGTATTA TCTACTNNCT TGAGGCTGTT AAATTTNCNA TTCCAGNGGT 360
TTTGTAAATG TATCCCGGGG CCNTGNTGCA TTGGN 395

配列番号：1524
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1735

配列：
GATCTCAATG ACCTGGCGAA GACTGGAAAA TACAACTCCC ATCACCAGCA GAGTTGCTAG 60
GCTGCTGCTG TATGGGTACA GAGAAGGGTT TGACAAAATT GACCTGACTG TGGAAGAACT 120
TCCAGCAGTT TACACAGGAC TGTTTTATAA ACTCTATCAT AAGGAACTGC CAGAGAATTA 180
TAAAACTATG AAAGGAATTG ATTAAATTCA CATTTATATG TTTAGAAACA TGTAGACTAA 240
CGAATGACAT AAGAAATAGT GGACATTTTG GATTGATTAA ACATCTGACT GTGATTTTCT 300
AATGTATATG ATTTCCATGA AGAAATTTTG TTTCTAAACA TGCACATTTT AAAAGCCTCT 360
TTTCGAATAA AGCAAATGCG TGAAAANGAA A 391

配列番号：1525
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1736
配列：
GATCCGGCGC CACAAGACCA CCATCTTCAC GGACGCCAAG GAGTCCAGCA CGGTGTTCGA 60
ACTGAAGCGC ATCGTCGAGG GCATCCTCAA GCGGCCTCCT GACGAGCAGC GGCTGTACAA 120
GGATGACCAA CTCTTGGATG ATGGCAAGAC ACTGGGCGAG TNTGGCTTCA CCAGTCAAAC 180
AGCACGGCCA CAGGCCCAGC CACAGTGGGG CTGGCCTTCC GGGCAGATGA CACCTTTGAG 240
GCCCTGTGCA TCGAGCCGTT TTCCAGCCCG CCAGAGCTGC CCGATGTGAT GAAGCNCCAG 300
GACTCGGGAA GCAGTGCCAA TGAACAAGCC GTGCAGTGAG ACCCCCAAGA GGCCCATTTC 360
CCCCAATAAA AGAGATTTGG GAGTCAAA 388

配列番号：1526
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1737
配列：
GATCTTATTT CTTCTACTCA ATTGTATATT TATACCCATT AATCAACTTC TGTTCTTGCT 60
CTCTCCGTGC TACCCTTCTG GCCTTTGGTA ATCGCCAATC AATCTACTCT CTATCTTCAT 120
GAGACCAGCG TATTTTAGCT CCCACATATG AATGAAAACA TATAATATTT GTCTTTCTGT 180
GCTTGACTTA TTTTACTTAA CATAATGACC TCCAATTCCA TCCATCTTGT GGCACTGACA 240
GTATTTCATT CATTTTTGTG TGAATTATAT TTCGTTGTGA ATATACATTA CATTTTCTTT 300
ATCCATTCAT CACTGATGTG CACTTAGGTT GATTCCATAT TTGGGCTATT GTGAATAGTG 360
TGTTAATAAA CATGAGAGTG CAGTTAAA 388

配列番号：1527
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1738
配列：
GATCTTCCTG GTCAGCGCTC TCTCTAGCAT ACTCTTCCTC TATTTGGCTC ACAAACAGGC 60
ACCAGAGAAG CAAATGGCAC CTTGAACTTA AGCCTACTAC AGACTGTTAG AGGTGATACT 120

ATGACCATGA GTAGCATCAG CCAGAACATG AGAGGGAGAA CTAACTCAAG ACAATACTCA 180
GCAGAGAGCA TCCCGTGTGG ATATGAGGCT GGTGTAGAGG CGGAGAGGAG CCAAGAAACT 240
AAAGGTGAAA AATACACTGG AACTCTGGGG CAAGAGATGT CTATGGTAGC TGAGCCAAAC 300
ACGTAGGATT TCCGTTTTAA GGTTCACATG GAAAAGGTTA TAGCTTTGCC TTGAGATTGG 360
CCTCATTAAA ATCAGNGACT GTAAA 385

配列番号：1528
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1739
配列：
GATCCGTACT CAGAACGTCC AGGAGAGACG CATGGCCCGA AGTCAAAGTG CTGGAATTTT 60
CCAAAACAGC CTGTTCTCTC CTCTCTCCTC CCCAGAGCAC CCCCTGCCAT CAGGGGGGTT 120
GAAATCCCTC TCCCCCAGGA GCCCTGCTGC TTTGCTTGGT GGTAGGGCAG GAGAGCAAAC 180
AAACAGTCAT GGTCTAAAAC CCACATAGCA CTTTGCTCTT AGTTACATGT AAAATTTTAG 240
ATTTCTAAAA CAGGTGGGCA ATCATTTTGA ATACTGTTCT GTGACCCTGA CTGCTAGTTC 300
TGAGGACACT GGTGGCTGTG CTATNGTGTG GCCATGCTCC NTTGTCCCCG TNCCTGTTGG 360
CTGCTTCTGT TTAGGTN 377

配列番号：1529
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1740
配列：
GATCCAAGGC CTGTGGTAAA CGGGAGANCT TGTNTTTTTC AAGTGGAAAA AAACCCAAGA 60
GTTTGTNCAG ACATCCTGTC TTCCCAGAGA AGGTGGACAC TCTTGGNCTC ATTGTAAAGT 120
GCCTGCTGNA TCAATAAAGC TCTTGGCTTA TTAGTCTATA AAACAAA 167

配列番号：1530
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1741
配列：
GATCCACACG TTCCGGGACT ACCTGCACTA CCACATCAAG TGCTCTAAGG CCTATATTCA 60
CACACGTATG CGGGCGAAAA CGTCTGANTT CCTCAAGGTG CTGAACCGCG CACGACCAGA 120
TGCCGAGAAA AAAGAAATGA AAACAATCAC GGGGAAGACG TTTTCATCCC GCTAATCTTG 180
GGAATAAGAG GAGGAAGCGG CTGGCAACTG AAGGCTGGAA CACTTGCTAC TGGATAATCG 240
TAGCTTTTAA TGTTGCGCCT CTTCAGGTTC TTAAGGGATT CTCCGTTTTG GTTCCATTTT 300
GTACACGTTT GGAAAATAAT CTGCAGAAAC GAGCTGTGCT TGCAAAGACT TTCATAGTTC 360
CCAAGANTTA AA 372

配列番号：1531

配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1742
配列：
GATCCACTGT TGGGGCCTCG ACGAGTTCCT GTCCTGGGAA AGGAGTACAC CGAGAAGACC 60
CCCATTTCTG AGCATGCTGT TTTCAATGTG GACCTCATGA GCAAGAAAAT TCATCTGACT 120
GAGAATGGGA TAAGGGTGGA TATTGGCGAT ACAATAATCT ATCTGGTTCA TTAAACTCAT 180
GCACATTGGA GATTTATCCT GGTTTCTTAG GAATACTACT ACTCTGATTG TGTCTACTGA 240
TTGGCTATCA GAACCTTAGG CTGGACCTAA ATAGATTGAT TTCATTTCTA ACCATCCAAT 300
TCTGCATGTA TTCATAATTC TATCAAGTCA TCTTTGATTC CTGGACCTAA TAAATTTTTT 360
TTCCCTTTCA AA 372

配列番号：1532
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1745
配列：
GATCCCAGTC ACAATTATCA CCGGGTATTT AGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA 60
TATTTTGACA GAGCAACATA GTAAAAGAGT AGCGGTCATT TTAAATGAAT CTGGGGAAGG 120
AAGTCCGCTG GAGAAATCCT TAGCTGTCAG CCAAGGTGGA GAGCTCTATG AAGAGTGGCT 180
GGAACTTAGA AACGGTTGCC TCTNCTGTTC AGTGAAGTGA GGAATGTGTT TACTGTGTAC 240
ATGGTTTACT AGAAATGTTT ATTGATTATA TTTCCAGCTT TAATTTTCTT GAGTAATTTA 300
ACTGAATTTA CACAGTTTGC TTCATTGTAT TTTCAAACAA ATAGAAAATA AACTTATTAG 360
GAAGCAAA 368

配列番号：1533
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1746
配列：
GATCGTCCCC GTATGATGAT TGTNAGAAGA CAGGACTAAG TAGCAGAGAA TAGCTAAGAG 60
ATAAATTGGG CTGGGGAAAC TTGTCAGAAA GCACTGAACA ATTAAGAAAT TTTCCAAGAA 120
AATGTGCAGT ATTCTCTGCT ACTTCTGAAT CTGTTTTGTC TTCCTAATCT ATCACAATTG 180
CCACCCATCG GGTTTTGGGT GTGTGTTTTC ATAGCGTGGT TACTTTCTAT AATGCTGTAC 240
CCAGATTCTA AGAACCTGGA GAAGGATTAG CAGTTCTTAG TAAGTTTACT GTGTATAGGA 300
ACGGTTTGTA TTTCATTACA GCTATTCATC TTTTCTACAT TAAAAATATT TTTCTCTAAA 360
GAAA 364

配列番号：1534
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1747
配列：
GATCTGTGCC ATAAAATTTC AGTGTAATAA GACTTCTTCA ATACATCTTC CAATAAGGGG 60
TGCTTCTTTG TGACAGTATT TTTATTTCTG ACATTCATTT TATTTGGGTA CATAGTGTGG 120
TTGTTGATAC CTTGCAATAG TATTGCTTCT GAAAGTAATA AAAAATTTTA GGAGAATTTG 180
AGAAGTTTAC AGAATTACTT ATTCATTGTT TTCTTAGTAA GTCAGTTTAA TGTTTATTTT 240
TCTCATTATT TCATCACTGC AATAAAGAAT AAGGGTGTTT GAGCTCACCT CCATGCAAAG 300
ACTTCAGTTT TAAAACATTA TTTGCCTAAA ATTAGCATTG TGATGCTTTC TGAAAGAAAT 360
AN 362

配列番号：1535
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1748
配列：
GATCCACCTC TCCTGTGCTA AGATTAAGAN GACCAACGTC CCCGANTTCT TTNATTGCCA 60
GAAATGCAAG GAACTGAGGC CAGAGGCCNN GCGGTTAGGG GGGCCTCCCA AATCTGGAGA 120
GCCCTGATGG CACCAACTTT AGCCTGGAAC TTCCAAATNA CAACATGATT TGGGAACTGA 180
GCCTCAGGGT CCTCAGCCTA TCCCCTGGAG CTTGGATACT GTCTGCACTT CAAGGCAGGA 240
ATTCTCAAGG GAGACTTGTT TGAAAATNAG TGTCTCACTT TCCCACCCTA TCCTTCCTCC 300
CCACTCTGTG GACTTGAAAT TGAATCCATT ACGGTTGGGG ATGGGAGGCT GTCTGTGTCC 360
N 361

配列番号：1536
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1749
配列：
GATCGATTCT CTCTATGAAG GAATCGACTT CTATACNTCC ATTACCNGTG CCCGATTNNA 60
AGAACTGAAT GCTGACCTGT TCCGTGGCAC CCTGGACCCA GTAGAGAAAG CCCTTCGAGA 120
TGCCAAACTA GACAAGTCAC AGATTAATGA TATTNTCCTG GTTGGTGGTT CTACTCGTAT 180
CCCCAAGATT CAGANGCTTC TCCANGACTT CTTCAATGGA AAAGAACTGA ATANGAGCAT 240
CAACCCTGAT GAAGCTGTTG CTTATGGTGC AGCTGTCCAG GCAGCCATCT TNNNTGGAGA 300
CAAGTNTNNG AATGTTCAAG ATTNGCTGGC TCTTAGGNTG TCACTACTCT TTTCCCTTAN 360

配列番号：1537
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1750
配列：
GATCCCAGTG AATCCTGGGT CCAGGAGTAC GTGTATGACC TGGAACTGAN CTGAGCTGCT 60
CAGAGACAGG AAGTCTTCAG GGGAGGTCAC CTGAGCCCGG ATGCTTCTCC ATGAGACACA 120

TCTCCTCCAT ACTCAGGACT CCTCTCCGCA GTTCCTGTCC CTTCTCTTAA TTTAATCTTT 180
TTTATGTGCC GTGTTATTGT ATTAGGTGTC ATTTCCATTA TTTATATTAG TTTAGCCAAA 240
GGATAAGTGT CCCCTATGGG GATGGTCCAC TGTCACTGTT TCTCTGCTGT TGCAAATACA 300
TGGATAACAC ATTTGATTCT GTGTGTTTTC ATAATAAAAC TTTAAAATAA AATGCAAA 358

配列番号：1538
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1751
配列：
GATCCCTCCT CTAGGGGCCT GGGGACTTTN ACTGATGCTC TTCCTGATTC TAGAGCAAAG 60
GTGTGGGAAG GGGAAATGGA GGAATGCCCT CCTGTCTGTN TCGTTCTCTG TGCCACAGCT 120
ACAGATGCAG AAGGTTTCTC TGGATAGCAC ACCTCTGANT GTAAATCATG ATAAAATGGA 180
TATTTGGAAA CTTACTCCTA AGCTGTGATT TAGGGTGTAT TTCTACTTCT GGACTGCCTC 240
AATATCAAGG GCTGAGACTT TTGAATTTTG AATATTCGTT GGGTTTCATG TTAAGANGCC 300
TGTGGTCTAG GAGTGCTATT CAGTGTTTCT TTTCCTGATA AACACTTTGA ATAN 354

配列番号：1539
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1752
配列：
GATCTCAGTA TGGACAGTGT AACAACAAAA CCAAAATGGC TGGACAGACT TCTTGTGTTT 60
TGTAAATATA AACTAGGACA GTTCTGTAGG TTTGTTCAGT GTGCTAGTGG AGTATTTCCT 120
TAATGTAAAA CTTCACTTAA CAGAGAGATT CTTTGTTTAG CAAGCTTGGN GTGATGATAN 180
AGNGGTAAGA AATAATATAA ATGTTGAAGA AAGCATCACA ACAGAACTAT AGGAGTCTAA 240
ATTTAATAAA TCTTTAAAAA AAACCAGTGT CTAGAATATA TACCATGTTT TATTATTTAA 300
AATCATTGTC TTAAATTTTT GTTCAAAAAA TAAAAATTTG AATACAATCA AA 352

配列番号：1540
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1753
配列：
GATCAGACAA GCCCAAACTG AGAGACACTC TACAAAATAA CTGGCCAGTA CGTTTTNCAA 60
GTNCCAAGGC CGTGAACAAT AAGGAAAGAC TGAGGAACAG TCATGGACTG GAAGAGAGTA 120
AAGAAATATG ATAACTAACT GCATTGTGAG ATACCGATTT AGATGTTGGA TTAGAAAAAG 180
GACCAGAAAT AAGATTTCAT CAATGTCAAT TATTTGGTTT TGATAATTGT ACTGTGGTTA 240
TGTAAGATGT TAACATTAGT AAGAGCTGGG TGAAGGGTAC ATGGAAACTA TTATTTTTGC 300
CACCCTTTGA AAGTCTAACT TTTTTCAAAA TAAAAAGTTT TAAAAAATAA A 351

配列番号：1541

配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1754
配列：
GATCCCAGAT GCAGTGACTG GTTACTACCT GAACCGTGCT GGCTTTGAGG CCTCAGACCC 60
ACGCATAATT GGGCTCATCT CCTTAGCTGC CCAGAAATTC ATCTCAGATA TTGCCAATGA 120
TGCCCTACAG CACTGCAAAA TGAAGGGCAC GGCCTCCGGC AGCTCCCGGA GCAAGAGCAA 180
GGACCGCAAG TACACTCTAA CCATGGAGGA CTTGACCCCT GCCCTCAGCG AGTATGGCAT 240
CAATGTGAAG AAGCCGCACT ACTTNACCTG AGCCACCCAA CCTAAATGGT ACTTATCTGT 300
NCCCATGTNC NTACACCAGC CTGTTTTNAT AATAAACTTT ATTGGTGGTA GGGNAAA 357

配列番号：1542
配列の長さ：412
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1755
配列：
GATCAGGGCA GTAGGCATAA TTCAGCAACA AACAATCTTC CTTTGGGAGA AACCTNTTCA 60
TTCCAATCTT CTAATTACAG TGGTTCCTAT CTCAGGGATA CTGGACTTTN TGACGCAGAT 120
GAACAATTAA GGGGAAAAGC TTCCCTTTTC CCTCTGTGGC AGTTACGATT TTNACTTCAG 180
TCCTGAGAAA AACTTCAGGT TTTGAAAATC AGATGATGTC TTCTCCTTTT CCAANCACCA 240
CACGTTGAAA GCNTTTATAA ATCCAAGTCT GAAACTCTGC GCTCTAGTAC TGCTGTTAAG 300
NTACACAACT TGTTTTCTNN GTTCATATAA TCTNGGGGTA CNCACNCACA CACNCNTGTA 360
TGGGGGGGGG GGNNTGGCGN TTNCCACCGC GCGTTCCNTT TTTGNNGGGT CN 412

配列番号：1543
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1756
配列：
GATCCCAAAA TGCTGCGGGG CAATGACAGC TCAGTTCCCA GAAATAAAAA TCCATTCCAA 60
GAGGCCATTG TTTTTGTGGT GGGAGGAGGC AACTACATTG AATATCAGAA TCTTGTTGAC 120
TACATAAAGG GGAAACAAGG CAAACACATT TTATATGGCT GCAGTGAGCT TTTTAATGCT 180
ACACAGTTCA TAAAACAGTT GTCACAACTT GGACAAAAGT AACACAGAAG AACCTTACTA 240
TGATAATCTA CTTGGAATGT GGATAAATGT AAAANGNAGA AAAGTTAGAA NGNGCANTAT 300
GTTTCCTTCT CTGTAACAGT GTCCTAACAG TGAAAATTCA GGN 343

配列番号：1544
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1758
配列：

GATCGANCTT NCTATGGACT CAAGCAGGTG NNGAAGGCCA ATNAAGCCAT GGCAATTGAC 60
ACATTGCTCA TCAGCGATGA GCTCTTCAGG CATCAGGATG TAGCCACACG GAGCCGGTAT 120
GTNAGGCTGG TGGACAGTGT GAAAGAGAAT NCAGGCACCG TTAGGATATN CTCTAGTCTT 180
CACGTTTCTG GGGAACAGNT CAGCCAGTTG ACTGGGGGTAG CTGCCATTCT CCGCTTCCCT 240
GTTCCCGAAC TTTCTGACCA AGAGGGTGAT TCCAGTTCTG AAGAGGATTA NTGATTGAAA 300
CTTAAAATTT GNGACAATCT TTGTGTTTTC CTAAACTGTN 340

配列番号：1545
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01759
配列：
GATCTGCTTT CATTAACTGG AATTCTGTAG GAGATACTGG TGACCTAAGC TAAGTTGCAC 60
TCAGCATACT CAGTGTCAAG CTAATGAGGT TCTATTATAA AGGTTCTACT TTTAATCTGA 120
GGGAAAACAT GTTCAGGGCT TCTAGAACAC TAAAAAATTN GGNTTAAACC AGTGTNCAGT 180
CTGGTGCCAA ACTTCGAATG GAATACAAAT NNACATAATC TGANCTTTGT NCACAGGTTA 240
TCCTAATAGA GTAATTCTCC ACTTTGCTCT ATTGAACTGT CTTAAGGGAT TTGTTTAAAC 300
AGCTAAGTTA CTTGATTAAA ATAATGATAA AATTGTAAA 339

配列番号：1546
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01760
配列：
GATCTGGTAG AAGGTACCAG CTTCCTTTCC AGCTGGAGAG GCCCCAACAC TGGATGGTTC 60
TGTAGGGAGC CTAGGGAGCC TGGTCATCAA CTTGCAATAC CTCACAGAGC CAGTTCACAT 120
CCCACTCTGA GCTCCCACGA GAAACACTGC TTCTCCAGGC CCGGGGTTGT TGGGGAGAGA 180
GGCAGAGGCA GCTGGAGCGC CGTTCTCTCC TGCTGGGACA CCGCTTGGGC TTTGGTATTG 240
ACTGAGTGGC TGACAGTTAT CTTCCAACCC CAACTGGCTT GGGGGCAGGA CAAGGGCTTA 300
GGCTTGATGG TGGNCAGGCT TGNCTGCTCC CCACCTGNGA TGCCCCTGCT CTGGGACCTC 360
TN 362

配列番号：1547
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01761
配列：
GATCCTTTCA GAAAAGAAAC ACTGGGTCCC ATAGCTAAAT TCTCAACCGC CANGCACCTT 60
CAGAAGAATC CAGCCTAATA CTGGAATTTG TGCTATTATC TTCCTCTCCA GCCCCCCAAC 120
TCCATCCCTC ACCACAGTTG TCTAGGAAAT GACATGAATT CAATATCTAA TGTCAACCAA 180
TGGGGAGAGC CACAACTCCA GGAGAGGTTC CTGAGCTGAG TCCCTTAATT TCTGGATGAA 240
GAAGACCAAC AAGTTTTGTC CAATGTATTT GTTTCTCAGA CCTTGCCTAG GCACTAAAAA 300

TAAAATACTA GGTCATTGGA GGCTAATGTG GGAAA 335

配列番号：1548
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01763
配列：
GATCATTAAG GAAGGCGATG TAGATGTTTC AGATTCTGAT GATGAAGATG ATAATCTTCC 60
TGCAAATNTT GACACATATC ACAGAGCCTT GCAAATAATA GCAAGATATG TACCATCATG 120
AGTATACTGN TCCTTATTTT GAATGTTTAA TTCTCAAGAA AATTGTAATC AATTAGTAAA 180
AATTATAAAA TGTTAATAGT ATTAAAGCTT GAGTCTTACA TTGCATTTTT TTTTTTNGNA 240
NCCACTTGGG GAACCATTCC ATNCTCCAAA ANGGGGCATT CCCATTTCCT NTTNATCCCC 300
TNNAATGGTT TTNCAAAGTN NGTNTGCNGN 330

配列番号：1549
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01764
配列：
GATCATGGTG GATGAGGAAG CCTCAACGTA GATTCCTGAA CTCAAGGTAC CAGCAAGANT 60
GCNTTCTCCC AGTGTGCTCT CCCCAACATC CTAGGCACAG CTTTCATAAC CCAGTTTCTT 120
AGGTGTAAGA AACTGTTTTN ATCTCATTTA TTAAGTCTCA GAACTTAACA GAAAAGGAAG 180
CCTTTTAAAT ATTCTTTTTA ATNTTATTTT AGATTAACAG TTTTGNACTT TACATTTTTT 240
TATACAACCA NCCAGTTTCT TTNCTAGCCA ATCATCTCTG ANGAGTTGCT GTTTCTTACT 300
GACAATAAAA NNTGTNCTCT TGGTTCGAAA 330

配列番号：1550
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01765
配列：
GATCAACATC TTTCCTTGCC TCTGTCCCCT TCTCTCATCT CTTAGCTCCC CTCCAACCTG 60
GGGGGCAGTG GTGTGGAGAA GCCACAGGCC TGAGATTTCA TCTGCTCTCC TTCCTGGAGC 120
CCAGAGGAGG GCAGCAGAAG GGGGTGGTGT CTCCAACCCC CCAGCACTGA GGAAGAACGG 180
GGCTCTTCTC ATTTCACCCC TCCCTTTCTC CCCTGCCCCC AGGACTGGGC CACTTNTGGG 240
TGGGGCAGTG GGTCCCAGAT TGGCTCACAC TGAGAATGTA AGAACTACAA ACAAAATTTC 300
TATTAAATTA AAATTTNTGT GTCTCCAAA 329

配列番号：1551
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01766
配列：
GATCCCAACT GCTCCCTNCC CTCGCCGGTG ACTCCTGCAC CTGCGCCGGC TCCTGCAAAT 60
GCAAAGAGTG CAAATNCACC TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGCT 120
GTGCCAAGTG TGCCCAGGGC TGCATCTGCA AAGGGGCGTC GGACAAGTGC AGCTGCTGCG 180
CCTGATGCTG GGACAGCCCC GCTCCCAGAT GTAAAGAACG CGACTTCCAC AAACCTGGAT 240
TTTTTATGTA CAACCNTGAC CGTGACCGTT TGCTATATTC CTTTTTCTAT GAAATAATGT 300
GAATGNTAAT AAAACAGCTT TNACTTGAAA CAAA 334

配列番号：1552
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01767
配列：
GATCTGTTTG GACTATGTTT TCTTTTCTTC TCCCACTTGC TCAGCAGCTT GGGCTTCCAT 60
TCTAGTTCTT TTACCAAGAT TTTTGTGTGA CCATGTTGAC TTCATTTGGA TTGCCCTCTT 120
TCAATTTCCT TGTGAAAACA CCCTTAACTT TCTCTTTACC CTTAGCTGAA ATGTTTACAT 180
AGCTTCTGGT GATATCTTTN CATGATTTTA TATCTCTTAA AATGGTGATG GATGTGACAC 240
CTCATAAAAG TGAGCTTTGA ACTGTAGATA ACTCTTAAAG AAAATGTCAT TTTAGACAAT 300
TAAAATATTT GTGCTCAACT GCTTGAAA 328

配列番号：1553
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01768
配列：
GATCGAAATG TTAACACCGG GAGCTCTNCA GGACACTCAC CCAGCGACGC TCGTGGGGGA 60
AACATACTAA ACGGACAGAC TCCAAGANCT GCCACCGCTG GGCCTGCACT GCGGCCCCCC 120
ACGTGAACTC GGTTGTAACG GGCCNGGGAA GAAAAGCAGA GAGAGAATTG CAGAGAATCA 180
GACTCCTTTT CCAGGGCCTC AGCTCCCTCC AGTGGTGGCC GCCCTGTACT CCCTGACGAT 240
TCCACTGTAA CTACCAATCT TCTACTTGGT TAAGACAGTT TTGTATCATT TTGCTAAAAA 300
TTATTGGCTT AAATCTGTGT AAAGAAA 327

配列番号：1554
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01769
配列：
GATCAGCAGA CCACGTATTT AAAATTCTGA ATCTTCTGGG ACAGGGTTGT AACTCAGCCT 60
TCCAAAGGGA AGAGTGCAGG GGGACGGGGC CATGATATGG GGAAATGGTG TAAACTAATG 120
TATTTNTTTA TTGGCTGTTA TTCTGTATAA CACTCATATC TTTGCCAAAG TTCAATTTTA 180
TATTTAGGCA ACTGATGGTC CTTTTGCATT TAGGATTTTN GTTGTTGTTA CCTTATACCT 240

CATGATATAA GGAATGGGCT CATGTGTCTT CCGTCTTTTG GAAGGAGGTT GACATATTTT 300
AAATAAATGC TTTTAAATAC AGTAAA 326

配列番号：1555
配列の長さ：387
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1770
配列：
GATCAAAAAG AACAGAACCC TCTCCAGCCT GCTGACCCGA ACCCAACCAC ACAATGGTTT 60
GTCTCAATCT GACCCAGCGG CTGGACCCTC CGTAAATTGT TGACGCTCTT CCCCCTTCCC 120
GAGGTCCCGC AGGAGCCTAG CGCCTGGCTG TGTGTGCGGC CGCTCCTCCA GGCCTGGCCG 180
TGCCCGCTCA GGACCTGCTC CACTGTTTAA CACTAAACCA AGGTCATGAG CATTCGTGCT 240
AAGATAACAG ACTCCAGCTC CTGGTCCACC CGGCATGTCA GTCAGCACTC TGGCCTTCAT 300
CACGAGAGCT CCGCAGCCGT GGCTAGGATT CCACTTCCTG TGTCATGACC TCAGGAAATA 360
AACGTCCTTG ACTTTATAAA AGCCAAA 387

配列番号：1556
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1771
配列：
GATCACAGAT GGATNTTGTT ATAAGCATCA ATGTGACACT TGCAGGNCAC TACAACGTGG 60
NACATTGTTT GTTTCTTCCA TATTTGGAAG ATAAATTTAT GTGTAGACTT TTTTGTAAGA 120
TACGGTTAAT AACTAAAATT TATTGAAATG GTCTTGCAAT GACTCGTATT CAGATGCTTA 180
AAGAAAGCAT TGCTGCTACA AATATTTCTA TTTTAAGAAA GGGTTTTTAT GGACCAATGC 240
CCCAGTTGTC AGTCAGAGCC GTTGGTGTTT TTCATTGTTT AAAATGTCAC CTGTAAAATG 300
GGCATTATTT ATGTTTTTTT TTTTN 325

配列番号：1557
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1772
配列：
GATCTGTAAT TCATAGTCAC ATCAAGGTCA TCAAGACCAG GAAAAACAAG AAAGACATAC 60
TCAATCCTGA TTCAAGTATG GAAACTTCAC CAGACTTTTC CTTCTAAAAT CTGGATGTCA 120
TTGACGATAA TGTTTATGGN GATAAGGTCT AAGTGCCTAA NAAAATGTAC ATATACCTGG 180
TTGAAATACA ACACTATACA TACACACCAC CATATATNCT AGCTGTTAAT CCTATGGAAT 240
GGGGTATTGG GAGTNCTTTT TTAATTTNCC ATAGTTTTTT TTAATAAAAT GGCATATTTN 300
GCATCTACAA CTTCTATAAT TN 322

配列番号：1558
配列の長さ：319

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01773
配列：
GATCTTTCTT TAATAGTGAA CCCCTGGGCC ACTGAAGAGT AACATGGCTC CACTGGACAC 60
AAAAGAGGGA TGGAATCAAC AGGCAGGGGG CCTTTTATAA GCCTTAGGAA AAGAAAATGA 120
AACTATTTCA TCTTTGGACT TTTCAATACT ATTGGAGTGA TTTTTTTTTT TCTAAACAGG 180
GAAAATAATG TTACAAAAGC ATCTTTTTTG TNATTTGTTT GCATCCCTCC CCCACACCCT 240
GGTGTTTTAA ANTGANGAAA AAAANCCATC ACCTTTTGTA CAAAANCTCT TAATGNTTAA 300
CAAACAAACA AANCAGAAA 319

配列番号：1559
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01774
配列：
GATCTGGCTG CGCTATGACT CCGGGAGCGN CACCCACAAC ATGTACCGGG AATACCGGGA 60
CCTGACCACC GCAGCGCTGT CACCCAGTGC TACCGAGACA TGGGTGCCCG GCACGCGCCC 120
GAGCCCACTC CATTCANATC TNACAGCAGT GTTCTTGCAA TATGAGGAGA CAGTTACAGC 180
CACATTATGG CTCTCATTGA ACAGTACGCA GCACCCCTGC CCCCAGCCGT NTTTTTGGGG 240
CTTGCGCGAA AATCTACAAG CGGGAANGTG ACCTNGGATT CAAGGGCGGG GAGAGANGCT 300
TNAATAAATA ATCGTN 316

配列番号：1560
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01775
配列：
GATCTAGAGG GTCGGACCCA CATATTTAAG ATTCACGNTC GTTCAATGAG TGTTGAAAGA 60
GATATCAGAT TTGAACTGTT AGCACGACTG TGNCCAAATA GCACTGGTGC TGAGATTAGA 120
AGCGTCTGCA CAGAGGCTGG TATGTTTGCC ATCAGAGCAC GGCGAAAAAT TGCTACCGAG 180
AAGGATTTCT TGGAAGCTGT AAATAAGGTC ATTAAGTCTT ATGCCAAATT CAGTGCTACT 240
CCTCGTTACA TGACATACAA CTGAACCCTG ANGGCTTTCA AGTGAAAACT TTAAATTGGA 300
ATCCTAACCN TATATAGACT TGTTAATAAC CAATTCATAA ACAAATAAAT GGCTTCAAAA 360
TTGAAAAAAA NNNGANNNNN NNNNAGNNNN 390

配列番号：1561
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01776
配列：
GATCTGCTTA GAGTGGATTT TCACTCAAGT CCTTAGTAAG TGGATTTTGG GGAAAAAAGC 60

ACCTGGGCTT CTGGTTCTTT TTGATAATAT ATAAAATTAT TCATTATGAG GTTGCAGTTG 120
TTTGCAAAGG AGAGGCACTC AAATTTGAAA GGTTATTTTA ATGTGATAAT TTGGAAGACT 180
TACTCAGATG TTGGTCATTG ACCACTCTGT GCATATATTT CTGCAGAGCT CTGTGAAGGC 240
AATGAGTGTC ACTTCCCTCT GCTCTAATAA AGCAATAAAT AATAGCTAAA GGGCTGACTT 300
TCACTTCGAA A 311

配列番号：1562
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01777
配列：
GATCTTTCTA CAACATTTAT CCTGGTTGTT AAGCCCTCCT TACAACATTC TTCTCTCTTT 60
GTTTTTATAG CTCCATCTCT CCTGCTTCTT TAACTTGATA ATGCATACTT GATTTTCCTA 120
TTTGTNATTT CATAAACCAA TTAATACACA GATAAAATGA CTGTATATCA AACCATGTTT 180
GTATAGAAAA ANTGGATTTN GGATGCCTCT CATATGTAAT TAGTTCTATT AAACATATTA 240
ATNGTATTGT TTAATTNGTC AGGTTTTTGA CAGANTTTTG TTTACAGGTA ATAAANNTNT 300
TATCTCCAAA 310

配列番号：1563
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01778
配列：
GATCGAAAAA AAAATCCAGA ACCTTGGGAA ACTGTGGACC CTACTGTACC TCAAAAGCTT 60
ATAACAATCA ACCAACAATG GAAACCCATT GAAGAGTTGC AAAATGTCCA AAGGGTGACC 120
AAATGACGAG CCCTCGCCTC TTTCTTCTGA AGAGTACTCT ATAAATCTAG TGGAAACATT 180
TCTGCACAAA CTAGATTCTG GACACCAGTG TGCGGAAATG CTTCTGCTAC ATTTTTAGGG 240
TTTGTCTACA TTTTTNGGGC TCTGGATAAG GAATTAAAGG AGTGCAGCAA TAACTGCACT 300
GTCTAAA 307

配列番号：1564
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01779
配列：
GATCCTGTGG TTGGCCACTG GCCATAGCTG CTGCCCAGCT CTACCCCTCC CAGGGACCTA 60
CCCCTCCCAG GGACCGACCC CTGGCCCAAG CTCCCCTTGC TGGCGGGCGC TGCGTGGGCC 120
CTGCACTTGC TGAGGTTCCC CATCATGGGC AAGGAAGGGA ATTCCCACAG CCCTCCAGTG 180
NACTGAGGGT ACTGGCCTAG CCATGTGGAA TTCCCTACNC TGACTCCTTC CCCAAACCCA 240
GGGAAAANAG CTCTCAATTT TTNATTTTTA ATTTTTGTTT GAAATAAAGT CCTTAGTTAG 300
CNAAA 305

配列番号：1565
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1780
配列：
GATCACAGCT AGAGAATTGA GAATTAACTA TACTACTAGC CATTTTAGGG CACCAAAACT 60
TGGGATTAAA CACTTCCTAC TTCCCACTCC CAACTCCTGA AATGAAGTCT TGCTATCTGT 120
GACTAGTTTT ATTTTTGTGC TTTTAATAGT CCGAGCAGTC TTACCTTGTT TACACATGTA 180
TTGACACCAT TTGCTTCAGG CCATGGAGCA CTGTTTCTCC CNTTTTACTA TTTATAGGAT 240
TCCGTTTTTT CACAAGACTT TTAATAAAAA GAAATTGTAG AAATAAACAC ATTAAAATTT 300
GAAA 304

配列番号：1566
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1781
配列：
GATCTGCTTT CTCGTAATTA TAGATTGGTT TGCATTTTCT AGAAATTTTT AAATAAATGG 60
AAACATATAG TGAGTACTCT TCTTGGGGTG GAAGGAAGTG TGTGTGGCTT TTTTCACTCA 120
AGCATAATTA ATTTGATACT CATCCAGATT ATGCATGTAT CAATAGTTTA TTCCTTTTTT 180
ATTGCAGAGT AGTAGTTANN NNCCTGGGTA TNCACAATTT GTTACCTGTT CATCTATTGA 240
TGGNCAATTG GGGTATTTCC AGTTTTAGCT ATTACAAATA AACCTGCTGT GACATCATGN 300
CAAA 304

配列番号：1567
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1782
配列：
GATCTGCTAT AGCTGTCCAT CAGAGAGAAT ACACGTGGCT ATAACATCTA TAACAAAACG 60
ACGATTCCTC TACAAGAGGC TGTTTCTNAC TGCTAACGTT GGTGTTTCTG GCGTGGGAAG 120
AAATGCACAG GCGTGCATGG CATGCACGTN CAGACAGCTG CATTGTAAGA NTNCTGTCAT 180
GCAGTCTGAA AAGGGAAGAA ACAGGATGGC TTTCTGTAGC CACACCTGTG AGGCGTGATG 240
ATTGTNGTAT TATTAGATTA CTGATTTTCC TTTTCTGAAA ATACATTTGN NTTTTAATCA 300
CAAA 304

配列番号：1568
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1783
配列：

GATCTGCTGT TGCTGAGAGT NTGAGCGTGG ACTTGATGCA GTNATGACAA ATCATTGCTT 60
AGAATTAATG TTTTCAAATG TGCAACTCTA GTTTTTAAAA CAAAATTTGG TTCTTTACAT 120
TCATTATTTC GTTTTTGTTT CCCTTTAGTA TTTAATGGTC TTTGGAGAAA AAATAATAAA 180
ACAGAGTGTT ATATATATAT TTTTTGGTGC AAGATAAGAT TTTCTGTTTT TTGAAATAAG 240
TCTGTAGCAT AAAAGGTTAA ACTATTTTAA GGACANANTA AAAATAGGAG TGTATTTAAA 300
CAAA 304

配列番号：1569
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01784
配列：
GATCCAGGGA TGAGGATAGA GTGGCCTGAG AGCAGTGCTT GGATTCAGCC TCCTGCTGGG 60
TCCTTCTGCT GGATACAGGC ACCAAGAGGC GGGGGTGGAG CAGGGAGCTG CGCCTTCCTG 120
GGGTGCCNGG TGGTGTGTAG AGAAAAGCTG CTTGTTTACT CCTTAAGTCA ATGTATTGGT 180
GACTGTTGAT TTGTTGAACA ATTCAGGAAT CAAGGGCTGT GGAGAAACTC CCTCATGTTG 240
TTGGCAACAG GTGAATGAAC CTAGAGCGGT GACATGAAAA TAAAGCTCAC TGTTACTCGC 300
AAA 303

配列番号：1570
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01785
配列：
GATCCCCCGA CGACGTGCTC GAGTTCCTGA AGGTGTATGA GANGCACTCT GCCCAGTGAG 60
CACCTGCCCT GCCTGCATCC GGAGAATTGC CTCTACCTGG ACCTTTTGTC TCACACAGCA 120
GTACCCTGAC CTGCTGTGCA CCTTACATTC CTAGAGAGCA GAAATAAAAA GCATGACTAT 180
TTCCACCATC AAATGCTGTA GAATGCTTGG CACTCCCTAA CCAAATGCTG TCTCCATAAT 240
GCCACTGGTG TTAAGATATA TTTTGAGTGG ATGGAGGAGA AATAAACTTA TTCCTCCTTA 300
AA 302

配列番号：1571
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01786
配列：
GATCCATTTT GCTTACACTG TTGCATCACA AGGGACTCAC CCAGGGACCA TGACCTGCTG 60
GTGTGTGTGT ATATTTACAA AAACAAAACA AACAAACCAC CCATTGGGAT ATAAGGTAGC 120
AATCACAAAC TAAAGACTGC GGCTTGTTGA GGTGCAATAC CCTGACTCCC AAAGTTAGTT 180
ACAGTGGGTT TTATTGTTTT TGTGACTGAA GGATTTATTC AGACTGCTGT ACTCTTCATT 240
TGATGTAACA AAATGCTATT AATCTAAATA TTTGTAAATA AAGTACCTGT ATCTAGATTA 300
AATTAAA 307

配列番号：1572
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1787
配列：
GATCCATTAC CTAGGGTAAA ATTCTCCTGA ATGTCAAACA AAGAGATAAA CTACATTTGG 60
GTTTTGGGAA GTCCCCTGTA ATGATGAATC AAGAATCCTC AAGTCTGTCT TGCCACCCAT 120
TTAATACGTA TTTTTGTTAA GGCTGAAGTT TAGAGTTAGA ATCAGGACAT TTTGGCCTAT 180
TGAGAGGTTC TGAATTCCAA CAGAAGATGC CATGTAAATC AGTGAATTTN ATTCTTTTAA 240
AAGCAACTTA CAAAATTTAC AAGATGTATT CAATAAAGCA GTTTAGCTTT GGTATATCAA 300
A 301

配列番号：1573
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1788
配列：
GATCCTCAGT GTGCTCACGG GGCTGCTGTT CGGCAGCNAT GGCTACTACG TGGCGCTGGC 60
CTGGACCTCA TCGGCGCTCA TGTACTTNAT TGTGCGCTCT TTGCGGACAG CAGCCCTGGG 120
CCCCGACAGC ATGGGGGGCC CCGTCCCCCG GNAGCGTCTC CAGCTCTACC TGACTCTGGG 180
AGCTGCAGCC TTTNCAGCCC CTCATNATAT ACTGGCTGAC TTTCCACCTG GTCCGGTGAC 240
GTCTNGCCCC AGATGGNAAT NAGTTTTTTA ATTTCATTGN AAGGATTTTG AANTTCCTTG 300
AAA 303

配列番号：1574
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1789
配列：
GATCTGTGTT CGAATCCTCC CCACCCCTTT CTTTGTGGAG TTTCCTAACC TGCTGCTGAA 60
GCACAATGTT TTGGTGCTTT CTTTTCTCNN TTGTTAAAGG CAGTGTCCAA AAGCCATTCC 120
AGATGCCAAG ACCAGGGGCT TATTTCTAGG GAAGGTAGGT CGGTTTCCAT GTTTCCCTCC 180
CGTTATTTTT ATTTTTNACT TTTTGCCTGA GACAAGCCGA GTATGAGGTG GTTTGATTTA 240
AGAAAAATCA ATGAAATTGT TTACTACTGT TTTAAAATAA AACCGTAAAC TCTGAAA 297

配列番号：1575
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1790
配列：

GATCAGGCCG TTNCTGAGCT CAACGGGACC CAGGTGGAGT CTGTACAGCT CAAAGTCAAC 60
ATAGCCCGAA AACAGCCCAT GCTGGATGCC GCTACTGGCA AGTTTGTNTG GGGCTCCCTC 120
GCTGTCCAGA ACAGCCCTAA GGNTTGCCAC CGGGACAAGA GGACCCAGAT TGTTTACAGT 180
GATGACGTCT ACAAGGAAAA CCTTGTGGAT GGCTTCTAGG GAACAGNGCT GGATTCCTTG 240
TGCCTCATAT GCCCCAAATG CTGGTTTTCA GTAAANCACT TGAGGGTGGA AGCTTNAAA 299

配列番号：1576
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01791
配列：
GATCCAAGAT AAAGAAGGCA TCCCCCCCGA CCAGCAGAGG CTCATCTTTG CAGGCAAGCA 60
GCTGGAAGAT GGCCGCACTC TTTCTGACTA CAACATCCAG AAAGAGTCGA CCCTGCACCT 120
GGTCCTGCGC CTGAGGNGGT GGCTGTTAAT TCTNCAGTCA TGGCATTCGC AGTGCCCAGT 180
GATGGCATTA CTCTGCACTA TAGCCATTTG NCCCAACTTA AGTTTAGAAA TTACAGGTTT 240
CAGTAATAGC TNGAACCTGT TCAAAATGTT AATANAGGTT TCGTTGNATG GGAGCATAAA 300

配列番号：1577
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01792
配列：
GATCTGGCTT CTTTCCCAAG GNGGGGGTGG GGTGTNCCTN GCGTCCCTGT CCTTGANGGA 60
CCTCCTTCCC CCAGCCTCAT CACCGTGCTC TTCTCAGCGC CACCCTCAGC AGCCAGATTG 120
CAACACCAGG GAGAGGCGGA TGCAGAGCCC CACCGGTGGG AAAGTTGCCT GTGGAAGGGA 180
GCCTTTTGCT ACAATTTGTA ACTTATTTNC TAAAGTCTAT TTTGTAACAA TTTATTTAAG 240
TTTAAAAAAA GGAAAACTGC TGCCCNCCAA AAAAAGAAAT TTTCAAAACA AGAAA 295

配列番号：1578
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01793
配列：
GATCTAAAGT TCTGGCTGTC CATTAACCTC CAACTATGGT CTTTATTTCT TGTGGTAATA 60
TGATGTGCCT TTCCTTGCCT AAATCCCTTC CTGGTGTGTA TCAACATTAT TTAATGTCTT 120
CTAATTCAGT CATTTTTTTA TAAGTATGTC TATAAACATT GAACTTTAAA AAACTTATTT 180
ATTTATTCCA CTACTGTAGC AATTGACAGA TTAAAAAAAT GTAACTTCAT AATTTCTTAC 240
CATAACCTCA ATGNCTNNTT TTAAAANATA AAAATTAAAA ATGAAAAGNG NTANAAA 297

配列番号：1579
配列の長さ：289
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01794
配列：
GATCTCTCTT GTCCNCTNCT GCTCTTTNCT TGGTGCTCTT TTTNCTCGGT GGGGTGTGGG 60
TAATAGAACA GCCGTGGGCT TTTGGGGACC TTTAACTTTT TTTNCTCTCT TTTGTTTATA 120
AAAAACACTA AACATTCAAT TCCAGAGAAC CAAAAATCCC ACCTTCCCAC CGAACACTAC 180
TAAGGGGCTT GTGTTCTGCN CCATACCTTT NCTCTTTNCT TTCTGTCTTG TTAATGCTTT 240
TAAAAACAAA TGAGTTTTTT ATATAAATAA AGTTTTTAAA GTGTGTAAA 289

配列番号：1580
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01795
配列：
GATCCCATCC GCATGGAGTT TGAAAATAAG GAAGACTTGT CGGGAACACA GGCAGGGCTC 60
AACGTCATTA AAGAGGCAGA GGCGCACNCC NGGTGGGCAG CCAAGGAGCT GAGAAGANCG 120
AAGAAGCTTT CAGACTACGT GGGGAAGANT GAAAAANCCA AAATTATCGC CAAGNTTCAG 180
CAAAGGGGAC AGGGAGCTCC AGCCCGAGAG CCTATTATTA GCAGTNAGGA GCAGAAGCAG 240
CTGATGCTGT ACTATCACAG AAGNCANGAG GNGCTCANGA GATTGGN 287

配列番号：1581
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01796
配列：
GATCTATTGG CATATTCGGG AGCTTCTTAG AGGGATGAGG TTCTTTGAAC ACAGTGAAAA 60
TTTAAATTAG TAACTTTTTT GCAAGCAGTT TATTGACTGT TATTGCTAAG AAGAAGTAAG 120
AAAGAAAAAG CCTGTTGGCA ATCTTGGTTA TTTCTTTAAG ATTTCTGGCA GTGTGGGATG 180
GATGAATGAA GTGGAATGTG AACTTTGGGC AAGTTAAATG GGACAGCCTT CCATGTTCAT 240
TTGTCTACCT CTTAACTGAA TAAAAAAGCC TACAGTTTTT AGAAA 285

配列番号：1582
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01797
配列：
GATCCTCCCC TTTTGAAATG GCCCTGCTGT GTCAGTTTCC CTGTGGCCTT TTGAACTGTA 60
CATCTCACAT GTTGGGAAAC GCTGGCCACT GGGAAATCAT TAGAAAGGAG GCTGTAGAAT 120
ATTTGCCGAG CCTCTACTGT ATACCAGGGG CTAACTCACC AAGCACATTC TAGGAATTGG 180
GCCCTGCTCA TGAGGAGCCT TAGTGGAGAT TCCAGGTGAA TATTTATGAA AAAGTCAACA 240
TTAGAACTGA AAATGGAAAT AAACTGCTTG AAAAGACAAA 280

配列番号：1583
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01798
配列：
GATCAGAATG GACTTCTNCC ACTGAGCATG ACANGCACTC GAAAGGCTAA ATCAACCAGA 60
AACATCGAAA CAAAAGCTCA GGTTGTCCCC CCGGCACGCT CCACANCTGG TGACCCGACA 120
GTTCCTGGCT CCTTGTTCAG ACAGCTTGTC AGTNAAGAAG ACANCACGTC TGCACCTNCA 180
TTATTCAAAC TTGGCTGGCT CTCTAGTATG ACTACGNACA TGGAACACAT CTGTCTCTCC 240
CTAAATAANT ACTACCACAT TATTNCTTCT AAA 273

配列番号：1584
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01799
配列：
GATCCATATT TGTTTTGTGT TCTGCTTAAA TCAGCAAGAA TGATAAATTT GATGGTGTGA 60
AATTGGAAGT ATCAAGGGCT TTCTTTGGTG ATTGAGGGAA ATAATGTCTC TACTTGTAAT 120
TTATTGTGAC CCTTTTTCAC TGTATATGCT TTGTATGTCT AATATTTATT TCAATGCAAA 180
TTCAATTNNC CCTTCATCTG TATTGTTATA TCTAAGATTT TATTGATGTT AAAATCTAAT 240
TGTGGAATAA AAATCTCTCT GGAATTTAAA 270

配列番号：1585
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01800
配列：
GATCTGCTTG ACAGTGATTA AATCCTTAGC TCACATCCAT TCCCATCTTT NGGGCTCCTT 60
AGGCCCAAGG ATGGCATGTG ACTGGTCCCT GCAAGGTCCT TTCTTTGTCA CCAGCCAAGG 120
CATTGATAAC CAAGTAGCCA TTTTCCTCTT AAGGTTTCCT CTACAACCCC AAGGACTTTC 180
ATGATTATCC TCAGGGACAG GATTGGAGGC ATTGAGCGTG TTTATTAACA AATTGTTTTT 240
GGTAATAAAA TAAATGCTTG GACTCTTAAA 270

配列番号：1586
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01801
配列：
GATCTNGTAA ACTCTCTGTA TATCTTCCTA CCTTTCAAAA TCGTTCTTAG GGTTAGTCAA 60
GTCTGGAATA TAATTGCTGA CTATAAAGTT AGCAATTATG CTTTTAAGGT GTTGTCACAT 120
CAACCTAAAG AGAACCATCT ATGGAAGGTA TGGTTGAAAC ATCTGTAGGA ACACAGAACT 180

GGGATTTCAC TGAGTTTACC ANNTCAACTG TGTGAACTGT TTCTGCACTG CTTGCTAATG 240
GCTTCATCTA ATAAATGTTT ACTTATAAA 269

配列番号：1587
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1802
配列：
GATCTAGGGA AGTCAACACA TAGTGTAAAA TAATTACATG CCTAATGAAA AGAAGATGTC 60
ATTTCCTAAT TTTNATATCT CATTTTCGGC ATTTTTTAAA ATGTAAAAGG AAAACCTCTT 120
GTGTTCACAC AGATTGCTGA ATTGATTTCT CCATATTTGT TAATAATTTA CTATTATTTA 180
CAAAGATTCA AATGCTTTTA TGACTAATGT AAAATGAAAA GAGGCTTACA TTTTAAATGT 240
TATTAAAATT ATGTACTTAA ATCTAAA 267

配列番号：1588
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1803
配列：
GATCGCTTTG AGGTCAATAT TAGTGAGCTG CCTGATGAGA TAGACATCTC CTCCTACATT 60
GAACAGACAC GGTAGAAGAC TCGCCCATTT TGGAATGTGA CCGTCTNTCC TTCAGGNGAG 120
GACACCAGGN TGGGGGTGAA GGAGACACTA CTGCCCCCAC CCCTGACAGC CCCCACCCCA 180
TGGCTTNCAT CTTTTGCATN ACCANCACTC CTGAACCCCN ATTTCTNATT TGTCAGAATT 240
TTTTTNNTTA ACAAAACTAG AAATGNANCA CATGGGGTCT GTGGTAAA 288

配列番号：1589
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1804
配列：
GATCTTGCCT GTTTCACAAT GTAACAAGAC TCTACCTGGG TCCCCTGGTG ATGAGTTTCA 60
GCATAGAATA ATGTTCAAGG AAAAGAAAAC GAAAACAGTT TAAATCTCTA CCACAGCCTC 120
ACAAGCAAAT GCTAAGGGGA ACATACATGT AAAANGCCAG CAAACTATCT TCAAACTCTT 180
CCGTCCTTAA TGTCTTCCAT GGCTATTGCC CCCACAATGG TCTCTTTNNT CCCTGCTCCC 240
TTATTAANGA ACTCTTTCTG AAGAAA 266

配列番号：1590
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1805
配列：

GATCTATGAC TCCAACCGTA TGATTTTNTT GCCTCCCCAG TTTTCATCCC AGTGGTAACG 60
CCTGATTTTT GGTAGCTATG CCATCTTCTG CTGAGGATTA CCATTACTGG GTGTATCACC 120
CCAGTACTTC CAAATNCCTC TCCTCTATTG ATTCAGTTGT TATTGCAGTG TCTGCTTCAT 180
CCGTGGAACT TGAGGCTCAG ATGCCCCCTG CTCTGTAACC CTGGGGAATG TCAGAGGCAG 240
GTAATAAAGG TTGTTTAAAC AATAAA 266

配列番号：1591
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01806
配列：
GATCAGGAGA CTTTGAATTN ATATATTTTA ATCCTNATTA AGCTTAAATA GGAAAGTTTC 60
TTCAACAGGA TTACAGTGTA GCTACCTACA TGCTGAAAAA TATAGCCTTT AAATCATTTT 120
NATATTATAA CTCTGTATAA TAGAGATAAG TCCATTTTTT AAAAATGTTT TCCCCAAACC 180
ATAAAACCCT ATACAAGTTG TTCTAGTAAC AATACATGAG ANAGATGTCT ATGTAGCTGA 240
AAATAAAATG ACGTCACAGG GCAAA 265

配列番号：1592
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01807
配列：
GATCTGAGAG AAGCCCTGTC CTCCACTCAC CTCACCCGCC GCTGCCACCA TCTCCTCTGT 60
GCCAACTCCT TGTGGACCGC AAGAAAGCAT GACTTTGAAA AAGGGAAGCC ATTCCGAGAT 120
TTTAAAATGT TCATGGACTA TTCCATATTA AAAGCTGTTT TTGTTGTACA AAATTCACTG 180
ATGTTCAGTT CTATTTTATT TTGCCTTCAG AAAAGAAGAA AGTCAAAAAT AAAACTTTTG 240
TGTATTACAG CAAA 254

配列番号：1593
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01808
配列：
GATCCTGGAG GATTTCCTAC CCCCGTCCTC TTCGAGNCCC CAGTCGTGAT GTGGAGGAAG 60
AGCCACCTGC AAGATGGACA CGAGCCACAA GCTGCACTGT GAACCTGGGC ACTCCGCGCC 120
GATGCCACCG GCCTGTGGGT CTCTGAAGGG ACCCCCCCCC AATCGGACTG CCAAATTCTC 180
CGGTTTGCCC CGGGATATAA TAGAAAATTA TTTNTATGAA TAATGNAAAT AAAACACACC 240
TNGTGGCATG GCAAA 255

配列番号：1594
配列の長さ：282
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1809
配列：
GATCCATGAA GGAGGGCTGT GTGGAGAAGA TTGGGGACTG GCTGAGGAAA AATGTGCTGG 60
TGGTAGCTGC AGCAGCCCTN GNGAATTNCT TTTGTCGAGG TTTTGGGAAT TGTCTTTNCC 120
TGCTGCCTCG TGAAGAGTAT CAGAAGTGGC TACGAGGTGA TGTAGGGGTC TNGGCTCCTC 180
AGCCTNCTCA TCTGGGGGAG TGGAATAGTA TCCTCCAGGT TTTTCAATTA AACGGATTAT 240
TTTTTCAGNC CGAAAAGNGA TGGTCTGAGT TTNTCTTAGA AA 282

配列番号：1595
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1810
配列：
GATCAAATAA ACCAGTGTAG GATATTAAGA CTATCAATTG GTGGGATTAG GCTTGACATT 60
TTATTTTTAT AAATATATAT TTNTCCTGAA TGTGTCTGAG TCCAAGAGTG GGCAAAAAAT 120
AATTTNCTAC TTTGGACTAA TCTATAGAGG TTTTTGAAAG TCTGCATTAC TAACTTGTTG 180
AATTCATGAT ATTCTGCCTA TGGCACAAAT TGTAAACCTT TGTTTTNCTA AAATAANGTA 240
ATTGAAAACC TGNAAA 256

配列番号：1596
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1811
配列：
GATCTGCGCT TCCAGAGCGC ACTAATNCGG TGCTTTGCAG GAGGCAAGTG AGGCCTATCT 60
GGTTGGCCTT TTTGAAGACA CCAACCTGTG TGCTATCCAT GCCAAACGTG TAACAATTAT 120
GCCAAAAGAC ATCCAGCTAG CACGCCGCAT ACGTGGAGAA CGTGCTTAAG AATCCACTAT 180
GATGGGAAAC ATTTCATTCT CAAA 204

配列番号：1597
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1812
配列：
GATCATTATT ATATATAGGT ATTGATTGCT ACCCTGACCA CAGTGCTTTG GACTATGAGA 60
AACTTCTTAG ATTTTNATAT GTAAATNCTG TGGACCACTG GGAGCACAAT GCCCACATCA 120
TCTTAAGNNG AGTTTATGTG CAGCATTTAA ATCACTGTGT TTTCCTTGTT AACTAAAACA 180
GACATGGGCT TTGATTTTTT TCATACTATT AGACCATATC TCATAAAACC TTTTGAATTA 240
ATGAAA 246

配列番号：1598

配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1813
配列：
GATCACGCAC ACACAATAAG TCTTTCTCTC CGAAACCGGA AGTAAATCTA TATCTGTTAG 60
AAATAATGTA GCCAAAAGAA TGTAAATTTG AGGATTTTTT TGCCAATAGT TTATAGAAAA 120
TATATGANCC AAAGTGATTT GAGTTTGTAA AAATGTAAAA TAGTATGANC AAAATTTGCA 180
CTCTACCAGA TTTGAACATC TAGTGAGGTT CACATTCATA CTAAGTTTTC AACATTGTGT 240
TCTTTTTGCA TTCATTTTTT ACTTTTATTA ANGGNTCAAA CCCGN 285

配列番号：1599
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1814
配列：
GATCTAACTA TGTTTCCCCC CTTTCAAGAA TAGAACTATT GGGGTGAGGA TAAGGGGTGG 60
GGGAGAAAAA ATCACTGTTT GTTTTTAAAA AGCAAATCTT TCTGTAAACA GAATAAAAGT 120
NCCTCTCCCT TCCCTTCCCT CACCCCTGAC ATGTACCCCC TTTNCCCTTC TGGCTGTTCC 180
CCTGCTCTGT TGCCTCTCTA AGGTAACATT TATAGAAGAN NTGGAATGAA TCTCCANGAA 240
A 241

配列番号：1600
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1815
配列：
GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGATG TGGAAGCGTT TGCCAAAGCC 60
ATGCAGAACA ACGCCAAGCC CGAGCAGAAA GAGGGCGACA CGAAGGACAA GAAGGACGAA 120
GAGGAGGACA TGAGCCTGGA CTGAGCCACG CGCCGTCCTC CGAGGAACTG GGCGCTTGCA 180
GTGCGTTGCA CACCCTCACC TCCCACCCAC TGATTATTAA TAAAGTCTTT TCTTTTAAA 239

配列番号：1601
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1816
配列：
GATCCAAAGT AATATGTAGG TTCAATATTT TGTAGGTTTT ATAATCAAAT GTCTCCCTAA 60
AGAGATGACA TAGGGAAGAA AAGCCTAATG TATCATCTTA ATGGATTCAG TTTTTATTAT 120
GCACAAATAA CTGGGCTTGT AACCTAGGAA TATGATTAGA GCGTGATGCT GGCTTAAAAA 180
ATAGGACTNG TGAATCACAG TTTGTNNNTA ATAAACTACT GGTTGGAAAT ATTAAA 236

配列番号：1602
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1817
配列：
GATCTCCCCG CCGCAGCCTC CTCAGAAGAC ATCGAGCGGT CCTGAGAGCC TCCTGGGCAC 60
GTTTGTCTGT GTGCTGTAAC CTGAAGTCAA ACCTTAAGAT AATGGATAAT CTTCGGCCAA 120
TTTATGCAGA GTCAGCCATT CCTGTTCTCT TTGCCTTGAT GTTGTGTTGT TATCATTTAA 180
GATTTTTTTT TTTTGGNAAT NATTTTGAGT GGCAAANTAA NGATTAGCAN TTAAA 235

配列番号：1603
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1818
配列：
GATCTGCCCA GGTGCGCCAG ACTTCCTAGC ACACGTGCGC GGGAGCAGCT GCTTTGAGTG 60
CACACACTAC CAATCGTTCC TGGAATACAG GGAGGTGGTG GACGGCCTGG AGAAGGCCAT 120
CTACAAGGGC CCAGGCAGCG AAGAGGGCCC TGACTGCCCC CCCCGGCCCC CCTCTCGGGC 180
TCTCTCACCC AGCCTGGTAC TGAAGGTGCC AGACGTGNTC CTGCTGACCT TCTGCGGCTC 240
CGGGCTGTGT CCTAAATGCA AAGCACACCT CGGCCGAGGN CTGCGNCCTG ACANGGNNAC 300
CTCTCTGAAC TGCAACACTT GGAN 324

配列番号：1604
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1819
配列：
GATCAAAAAG CAAGCAGAAA TGAATCCACA TTCTAGTCCT TTATGCAGTA TACAAGGAGA 60
ACTGTCCTGT AGGATATTCT CTTCCTGATG GTGCAGAACC CAGAATTAGA AGTTTGTGGT 120
TACAGCATAC TCTGTCCTTC AGAAAGGCGT GATTCTAGCT GTTGACCCCT TGCAGCTGTT 180
GGAATCTCTG CAAGAACCTC TGTATTCTTC TAATAAATTC CCTCTTTTAT TTAAA 235

配列番号：1605
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1820
配列：
GATCCCAACA ATGAAGCCAT TCGAAATGCT ATGGGCTCCC TGGCCTCCNA GGCCACCAAG 60
GACGGCAAGA AGGACAAGAA GGAGGAAGAC AAGAAGTGAG ACTGGAGGGA AAGGGTAGCT 120
GAGTCTGCTT AGGGGACTGC ATGGNAAGCA CGGAATATAG GGTTAGATGT GTGTNATCTG 180
TAACCATTAC AGCCTAAATA AAGCTTGGCA ACTTTTTTCC CTTTTTTGCT TCAAA 235

配列番号：1606
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1821
配列：
GATCAAAAAG AGAGTGGTTG TGGAACCTGT TGGCCCAGTT GGTTTCAAGC CAGAGACATT 60
CAGAAAGTTT TTAGCTCTAT ATTTGCATGG TGCTGCGTGA NGGAGGACCC CTCTGAATCC 120
TGAAACCCCT CTTGCCTCTC TTCCACGGAA GAGGGCCTGG GCCCCGTGGA GCCTCAGTGC 180
CCGTTTGGCC TGCTGCTCTC GCTGACAATA AAGAGCCCTT GCGTTGCACT GAAA 234

配列番号：1607
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1822
配列：
GATCTGGAAC CTCAGCCTGG CCAGACACAG GCCCTCCCTG TTCCCCAGAG AAAGGGGAGC 60
CCACTGTCCT GGGCCTGCAG AATTTGGGTT CTGCCTGCCA GCTGCACTGA TGCTGCCCCT 120
CATCTCTCTG CCCAACCCTT CCCTCACCTT GGCACCAGAC ACCCAGGACT TATTTAAACT 180
CTGTTGCAAG TGCAATAAAT CTGACCCAGT GCCCCCACTG ACCAGAACTA GAAA 234

配列番号：1608
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1823
配列：
GATCACATAA AACAGATTTG CATAAAATTA CCATGATTGC TTTATGTTTA TATTTAACTT 60
GTATTTTTGT ACAAACAAGA TTGTGTAAGA TATATTTGAA GTTTCAGTGA TTTAACAGTC 120
TTTCCAACTT TTCATGATTT TNATGAGCAC AGACTTTCAA GAAAATACTT GAAAATAAAT 180
TACATTGCCT TTTGTCCATT AATCAGCAAA TAAAACATGG CCTTAACAAA GTTGTTTGTG 240
TTATTGTACA ATTTGAAAAT TATGTCGGGA CATACCCTAT AGAATTACTA ACCTTACTGC 300
CCCTTGTAGA ATATGTATTA ATCATTCTAC ATTAAAGAAA ATAATGGGTT CTTAAA 356

配列番号：1609
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1824
配列：
GATCACCTAT GCCAAGAAAT AACATTTGGG ATAGTCGTCT TTAAAAGACT TGGTGTTATT 60
TACAGTGTTT GTTTTGATAA CATTTGGCTG GGTCATTTTA ATAGTTAGAG ATGAGGAGGA 120
GTAAAAGTGA AATTTTTGTG AAGGACTTAA ATTATCCAGT GTTTCTTTAG CCTTGGTGAA 180

CTATGAAATA CGAAGNCCTT AATTTTGTAC AATAAACTTT TATTTGTAAA 230

配列番号：1610
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1825
配列：
GATCTGTTGA ATATTTGCTA AAGACCAGTT CTTTAAGCTA AGACATGTAA AAAATCCCAA 60
ATGGCAGTAC CTCATTGTTT ACTTAGCTTT TGTACTTATA TTTTTCAGAG GAAAAAACAC 120
TACTGTAAAT TGTGAATAGC CAATACATAA CTGTATTGTA TGCAAATCTG TGATTGTTGG 180
CAGTGTCATC TCTGAGAAAC AGATAAATAA AGTTTATTTA CTATAAA 227

配列番号：1611
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1826
配列：
GATCTAGCCA AGGCTGGTCT GCAGTATCAG ATGTCCAAAC TCATCTACTA TTAGCCATAT 60
TTTGTGAGTC GTTTGTCTAA ACTTTGTCAA AAATGCCTTT GCCATGATTT TGTTGCTATC 120
TGGATTTCAA ACATGGACAG TTAGGAAGAT GTGCATTGAA GTAGGAAAAT TTTGTTCAGA 180
TTTGCTGTTA TTTATTTTTT AAATTAAAAA TGGAAATGTA TTTTAAAGTT TAAA 234

配列番号：1612
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1827
配列：
GATCTGTTGG GTTCTCTATT AATTTATTTC ATACATTATA GATTCTGGGT TGATAAATTC 60
TGCTCAATTT GAAAAATTTT ATATTTTGTC TCAAATCTGT TACAATTTAT ATTGGTGGGN 120
GCAAAAGTAA TTGCGGTTTT TGCCGTAGAC AGTAATGGCA AAAACTGACA ATTGCTTTTG 180
CACCACCCTA ATAATATTAA NTATAATCAT GACTTTAAAC ATCAAA 226

配列番号：1613
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1828
配列：
GATCGGGAAC TGGCTCCGTT GTGCTGAGGT CATCTTTGGT CATCAGCCTC CAGCATNTGG 60
AAACACCTCC AACGCAATGT GGCTTTTACA TTTCTTTCTT TCTTTCTTTT TTTTTCCTGG 120
TACTGGGAAT ACACAACACC AGCTGTTTTA TTATTATTTG GGGAGGGGGT TGTGATTTTA 180
TTATTNGTTT TTTTAAAATG AAAAATAAAA NGTTATATAT TAAA 224

配列番号：1614
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01829
配列：
GATCAGCAGA TACATGTCAG TGCAGAGGTT CTCTGCCCTC CAGAAGCCCT CGTCTGGGAA 60
TTCGAGAGAG GAGGAGGACC CAGGGCCAAA GGAATCCTCA AACTTCCCTC CAAGGGAGAT 120
ATTGTAAGGG GAAAACAAAG TGTTTATTTC CCCAAAACAA CCCAGCTTCA CCCCATGTCC 180
CTTCTACACG CTTACTCACT GAGGGTGAGT GGGAACGNTA AA 222

配列番号：1615
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01830
配列：
GATCAGAATA TGTATGCAGT TCTTTCTTTA ACCCTTTTTT CTCCTATGTA CTGTGAACAT 60
TTAAAAAGTA CTTTTAAATA TTCTTTGGAA ACTTAGCTTT TAGTAACTAC TTGGTTGTAT 120
CATAATTNAT TAACTANTGN NTTATTGGTA AACATTGGCT TGCCTCCCAT GACTTGCCAT 180
TATAATTAAA ACTGTGACTA CTATCTGTCT CCATTNCATA AA 222

配列番号：1616
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01831
配列：
GATCCCNTTC CCACCCTCTC TGTTGGCCTC AGAGTCACTC CTGCCCCCTC TCCCTGACTT 60
GGTGCTCACA TGCACCTCAC TAGGGTTTGT GACCAGGGTC TGGATGAGCT TGAATTTGAA 120
TGAATTGAGT TTGTATTTNT AGAACCCTGG GTTTTTACAT GTTTGGTCTT TTTTNGTTTT 180
GGTTTGTCAC CNTCGATAAA GGAAGTATAT TCATCCAAA 219

配列番号：1617
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01832
配列：
GATCGCGGCG GANTNGGCCC CGCCGCCTGG TACTCAAGCC CGCGGGGACA TTGGGAAGGG 60
GACCCCCGCC CCCTGCCCTC CCCTCTCTGC ACCGTACTGT GGAAAAGAAA CACGCACTTA 120
GTCTCTAAAG AGTTTATTTT AAGACGTGTT TGTGTTTGTN TGTGTTTGTN CTTTTNATTG 180
AATCTATTTA AGTAAAAAAA AAAATTGGTT CTTTATTAAA 220

配列番号：1618
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01833
配列：
GATCANGGCA CTTCAACTCA TTTGGAAAAT NTGAACACTG ATGACATGGT ATAGGAGTGG 60
GNGGGGTGTT GAGCCACCCA TCANACCCTC TTTAGCTGTG CAAGATAAAA GCAGCCTGGG 120
TCACCCAGGG CCACAAGGCC ATGGTTAATT NTTANCGGCA AGGCAAATCC ATNGTTGNGA 180
AGTGCANTGG GCATAGTAAA NGTGCATGAT TTTAAN 216

配列番号：1619
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01834
配列：
GATCATAGAA AATAAATAGA AGAGACAGTG AAGCAAGTAA AAAGAAAAGC ATTGTTTTAA 60
TTTGTTTGCA TTAATTTTTT TCATTTGTCA AAATGCTTCT TTTGTTGCCA CAGTAAAGAA 120
CAGTTTTTAT TGTTTTGTAA GTAAAATTAC GTAGCTGATT TTGTATGTAA AGATTAATTT 180
CCATAATAAA AATTATTGTA TGTTTACTGT GAAA 214

配列番号：1620
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01835
配列：
GATCAGAGTG GCCCACAGAC ATTGCTTTCT TATCACCTAT CATGTGAATT CTACCTGTAT 60
TCCTGGGCTG GACCACTTGA TAACTTCCAG TGTCCTGGCA GCTTTTGGAA TNACAGCAGT 120
GGTATGGGGT TTATNATGCT ATAAAACAAT GTCTGAAAAG TTGCCTAGAA TATATTTTGT 180
TACAAACTTG AAATAAACCA AATTTGATGT TAAA 214

配列番号：1621
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01836
配列：
GATCTGTGTC ATAAGTGACT CCGGATGCAT CAGTGTCCAC CAGTTGGAAG CAATGACAAG 60
GATGGCTGGC TGGTGTTTTT CAGCCTTCCG GTTTATAGAC TGTATTTATC TAGTGGATTC 120
CTGCAGGCCC CATACTGAGC CTGGACTGAA AGTATCCACT CGGACCATCT GTTATCTCTC 180
TACACTGAAA ATAAAACCTC TTCCACCCAA A 211

配列番号：1622

配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01837
配列：
GATCTGAGAT GGAAGAGTTT CATCCCAAAA CCATCTCCCC CTGACCCCCA GTCCATGGAA 60
AAATTGTCTT CCACAAAACC GGTCCCTGGT GCCAAAAAGG TTGGGGAACT GCTGGTCGGT 120
ACAAAAGTAA TTGTGGTTTT TGCACNGTTG GAATTTGTCA TNTGATATTG GAATACATTC 180
TTAAATAAAT GTGGTTATGT TATACATCAA A 211

配列番号：1623
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01838
配列：
GATCAGCGAG GTTCTCCAGG ACCTTAGGTT TGATGCGGAA TCTGCCGAGT GATGGCGGCT 60
CCCCAGGGAT GCCGCCGAGG GAGATGGGAA ACGGGGCGGA TGGCGCCCAG CCCAGCCCTA 120
ACTGCCAGCT GGCTGGGGTC GCGCCCCACT GCGCTGCTGA CCTTCCTGCA GTTCCAGACA 180
CCTCCCACAA TAAAGAGCTC CTCCTCTGTA AA 212

配列番号：1624
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01839
配列：
GATCTATGAC AATGTATAGT CAATAAATGA TAGCAATTAT TTTTAATTAT CAAAATAAAT 60
TGTTAGAGAT TCAAGTTAGC ATACAAAATG GAAATACATT GACAATCTAA AAACTATACT 120
AAAACATAAA CTCAAGACTT TATTCCTCTT CCTGTTCTAT CAAAATTGTG CCAAGTAAAA 180
AANTAAAANT TGTTCTTTTT ATTTCAAA 208

配列番号：1625
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01840
配列：
GATCTAGATG GCAGATAGGA ACTTTNTTGT CACAAAAATA CTGGAGGAAA ATNTTGTAAA 60
AATAGACTTT TGGACACACA GCTGTTGGGG CTGCACTGAG CTGCAATTTT TAACATGGAT 120
TTATAACTTA ATGTTTCTGT TTATAAAATA CTAATGATTT GCAATGTATT TTACTGGCCA 180
ATTAAAACAG ATGTTTTATT CTTTCTGAAA 210

配列番号：1626
配列の長さ：208

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01841
配列：
GATCCAGGAT TCTGGGAGGC TTCAGTTACC GCTGGCCGAG CTGAAGAACT GGGTATGAGG 60
CTGGGNCGGG GCTGGAGGTG GCGCCCCCTG GTGGGACAAC AAAGAGGACA CCATTTTTCC 120
AGAGCTGCAG AGAGCACCTG GTGGGGAGGA AGAAGTGTAA CTCACCAGCC TCTGCTCTTA 180
TCTTTGTAAT AAATGTTAAA GCCAGAAA 208

配列番号：1627
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01842
配列：
GATCTCACAG CCACGAATTT AGAACTTCCT CCTATAGCAT TTTCTATCTT TTTTATGGCA 60
TTTATTTTAT TCTATCTTGT TATGATTACA TAATCTGTTT AATCCCCAAT TATATATTGT 120
AAATACCTTG AAGGAAAGGA GTCTTTATTA TCTTTGGTGC CTGGTGTTTA GTTTTAATAT 180
TTTATTAAAT ACATCCAAGG AAA 203

配列番号：1628
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01843
配列：
GATCCACTGT TCAATCTGCA CAAGATTNGG GNNCCAGACA TGGGAGACTT CAGCTGCCTC 60
AGAGGACCGT GGACAGGGAA GGCAGCCTCG CATCCCTCTG TCCATGCCTG GNNTGACTTT 120
AATAACCAAG AGTTTTATTT TTGAATTTGT AGCTGTCGTT CACTTTTTAC CCACCCATTC 180
AATAAACCTT ACAGAATTGC AAA 203

配列番号：1629
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01844
配列：
GATCCAAGTA ACAGTGACTG CAGTTAGGGT CGAGAGCTTC TCCGAAGCAG CGGTCATGCA 60
GGCTTTTGTG TGGCTGACGC TTCCCTTTTT CACAACAGTA AAAAGCTATC AATGGGAAAT 120
TGTGGACTTT TCCCACCAGG GACTCAATGG GGACTCAATG TGCAATATTC AGTCAACATA 180
AAACTCTTTA AGAACTCCAA A 201

配列番号：1630
配列の長さ：201
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1845
配列：
GATCACAGAC CACGAGTGCC TTTCCCGGAC CTGGACGTTG CCTCCAGAGC AGGCACCANC 60
TCTTTCCCTC TCTAGACAGA AATATTTTTG TAAGGTTCTG GGGCAGGGAG GGAGCATGAA 120
GTACGAGGAA AACTTGAATT CCAGATTTTN AATGCAAAGT ATTTATCATT TCTACCAGAA 180
ATAAACGTTT TAAGTTTTAA A 201

配列番号：1631
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1846
配列：
GATCTTGAGG TCACTTCGTT TAGGTCATTN TCTCAACCCA ACCTCCCCAA ACTCTGGTTT 60
GAGCCAATAT GTGTTCTATT GTTCTCAGAG CACCAGCCGA CTGTACAACA ATTGTTATAA 120
AAATGTTTAT TGTTTACCAA AACCAGTGGA CCTCTTATCA AATGCTGCTT GGTAACAAAA 180
TCTATCACAG TTTTAATAAA AAGAAAAAAA AAGGAAA 217

配列番号：1632
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1847
配列：
GATCTGTTTT NNTTAAACAC TAACAGAATA ATTCTTTATA AATAGGTAAG CCTTACACTT 60
GTTAAAGAAA TTTACCTCTA ATTTCAGTCT CACTAATGTA AAATACTGGG ACTTAAGTAT 120
ACAATTCAGT CACTAACTGT ACAGTTTTAT GTGGGGAACA ATTCATGCAG GCTACTGGAA 180
AATTAAATCT TATTACCAAA 200

配列番号：1633
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1848
配列：
GATCCNGGGC ATTTNCTCTG GGGAGACAGG CCTGAGGCCA GCTCGGNAGC CAAGCAGATT 60
CCAAACCACT ACAACCCTTG CCAAACACAG CCCACTCCAT TTNANACCGC CTTCCTGAGG 120
AGAAAATGCA GACTCAGGGT TCCAGTAACC AGTGATGGAT TCACCCCATC TCCCAAATAA 180
TGGTTTACTT GTTTTACAAA 200

配列番号：1634
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01849
配列：
GATCTTCTAA GAATTTTGCA AAATTCTAAA CAAATATAGA GATGGTATAT AGAATTCATA 60
TCTAGAAAAC TTTGATTTTA ATGTGAGCTT ATCAAATTTG TNCTGGCTTT TTTGGCACTA 120
AGGCAAAAAC ATGTTAACCA GAAATAATTT ATTCTTCATG TATGTAAAAT ATTTGAGAAT 180
GTTTAGCCTT TTATTAGAAT TTTATTTGGA AAATATTTAT CTTTCTACAC ATTTTACACT 240
TATGTNCCTT TGCTTATAAC CCAATTTCTT AACTTTTTTG TTACTTAAGC AAATATCAAT 300
NATGTTTTAT TATCTAATAA AGTGTAAGAT TCN 333

配列番号：1635
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01850
配列：
GATCGAATGG CTTTTTGCAG CTAACTACTA TGTGTAGACA GGTTTTATAT TATAAAGTAT 60
GCATTCTTAT CACCTAGTAT ATAGTTAGTT TGTAGAGTGA TTTCCCCCCA GTTTCTTGAA 120
CATGGTATCT TCACATCTTG GACCTTGGTC AGTTGTGCTA TTCATTATTA AACACTAAAA 180
CTTTGGCGGT TCTTGCAAA 199

配列番号：1636
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01851
配列：
GATCTGGATG TTGAAAAGAG TCTGGCACCT CCTCCNTCTC TCTTGCTCAC ACTCTCACCA 60
CGTGATATGC TGCCTCCTCC TGTGCCTTCC ACCATGAGTA NAAGCTTCCT TANNCTCTTN 120
TNAGAAGCAG ATGCTGGCAG CATGATTCTT GTACAGTCTG CAGAACAGTG AGCCAAATAA 180
ACCTCTTTTC TCTAAA 196

配列番号：1637
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01852
配列：
GATCCAAGTA TTTCTNCATC AAGCAGTTTT TAAAAGGAAA ACGATAATAA TCAGTAGGCT 60
CCATGGAAGC CTTTNCCTTA ATAGCTATGT GCCAAATACT TTNATCTNGT GTGACAGTCA 120
TGTCAGAGTG AAATCTCTCA GGAAAAGTGT AACTAGTAGT TACAAAGTAA ATAAAGGATT 180
TCATTTTAAG GTGAAA 196

配列番号：1638
配列の長さ：195
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1853
配列：
GATCCTCCTG CAGGGCTAGG CGGATTGTTC TGGATTTCCT TTTGTTTTTC CTTTTAGTTT 60
TCCATCTTTT CCCTCCCTGG TGCTCATTGG AATCTGAGTA GAGTCTGGGG GAGGGTCCCC 120
ACCTTCCTGT ACCTCCTCCC CACAGCTTGC TTTTGTTGTA CCGTCTTTCA ATAAAAAGAA 180
GCTGTTTGGT CTAAA 195

配列番号：1639
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1854
配列：
GATCTTAGCT TTGATAAATG ACTGANGCTG GAGAAGCCGT GGTTGAAGTC AGCCTACACT 60
ACAGTGCACA GTTGAGGAGC CAGAGACTTC TTAAATCATC CTTAGAACCG TGACCATAGC 120
AGTATATATT TCCCTCTTGG AACAAAAAAC TATTTTTCCT GTATTTTTAC CATATAAAGT 180
ATTTAAAAAA CAAA 194

配列番号：1640
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1855
配列：
GATCTGAGTA ATTAGCAGGT ATGATGCTGG GACTGGAAAA TAGAAAGTAA TAACTAAAGG 60
GTTAATGTGC AACGTTATTT TTTGGCCTTG TTCATAATTT TATGTTTTCA GTGGCNTGTG 120
TACATATAGA ATTGTTAAAG TTGTCATTTC CAATATTTAT ATTAGAAAAA TTATTTAGAT 180
ACTTTATAAT TTTAACCGGC ATTTTTAATA ATGACACTTG CATTTATTGT ATTGTAATAA 240
ATTTCACTTT TAACTTTAAA AGTTTAAA 268

配列番号：1641
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1856
配列：
GATCTCTGCT CAGAGAAGTG CAGGGGGAGC CTTCCAGCTC ACTCTCCCTG AGGACTGGCT 60
TGACAGGGGC TATGGGTTTG CTTTGGTGTT GTTTTTAAAA AAAGAAAATA TATTTTTTTG 120
AAAAAACGAC TGCCCATCCC GGGTCCTTTC CCTGATGGGT TGGGGCAGTT ACCTGGTTGC 180
TGTTTTAATT AAA 193

配列番号：1642
配列の長さ：193
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01857
配列：
GATCACATCA CTCCACCCCT GCCAGGCCCC AGGTTAGGAA TAGTGGTGGG AGGAAGGGGA 60
AAGGGCTGGG CCTCACCGCT CCCAGCAACT GAAAGGACAA CACTATCTGG AGCCACCCAC 120
TGAAAGGGCT GCAGGCATGG GCTGTACCCA AGCTGATTTC TCATCTGGTC AATAAAGCTG 180
TTTAGACCAG AAA 193

配列番号：1643
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01858
配列：
GATCCTTAGT ACAACATGTG AAAGAAGATA TGTTGTCTTT ACTCACAGTG GAGGCATTTT 60
TCTAGCTGTG TTTGATTTGG CTTCCCTATA GATTCAGGAC CCATAACTCT TGTTCTCACT 120
CATCTGCTAT GCTGCTGATA AGGACTTTCA GGTCAACAGC TGTAACTGCT AAATGAAGTT 180
AATACTCTGG AAA 193

配列番号：1644
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01859
配列：
GATCTAGGCA AACCTTTATA AAGTTGCAGT ACCTAATCTG TTATTCCCAC TTCTCTGTTA 60
TTTTTGTGTG TCTTTTTTAA TATATAATAT ATATCAAGAT TTTCAAATTA TTTAGAAGCA 120
GATTTNCCTG TAGAAAAACT AATTTTNCTG CCTTTTACCA AAAATAAACT CTTGGGGGAA 180
GAAAAGTGGA AA 192

配列番号：1645
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01860
配列：
GATCTGTCTG TTGCTTGTTT AATATATTTC TTTTATGACA TTACTTAAAG TTTAAAAGGG 60
TTTTNTATCC ACTGTCAATT TCAATTGGAT AACATTTTGT CAAGNTTTTT TTTTCCTGAT 120
TATTTGATGC TAGCTGGAAT TCAAGAAATG GCATTGACCT TATTCAAATA AAGAAATATT 180
TTAGTAAA 188

配列番号：1646
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1861
配列：
GATCAAAAAC TAATTTGGGA TATGTATGGG TAGGGTAAAT CAGTAAGAGG TGTTATTTGG 60
AACCTTGTTT TGGACAGTTT ACCAGTTGCC TTTTATCCCA AAGTTGTTGT AACCTGCTGT 120
GATACGATGC TTCAAGAGAA AATGCGGTTA TAAAAAATGG TTCAGAATTA AACTTTTAAT 180
TCATTCGAAA 190

配列番号：1647
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1862
配列：
GATCAGTTGG GTGCTATGTG CTCAGCTTTC CTACTGCAGC TTCATTTAAT GCAGAGTGGT 60
GTTTGAATTT GGCTTAGATG GGCTGGCAGG CATGATTTTA AAAAATGTAA TCATCAGTAA 120
GAAGTACTTC CATGTTAAAG ATGCAAAAAA AAAAGTCTTC ATTAAAATTN CTATTTAANG 180
AAA 183

配列番号：1648
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1863
配列：
GATCCAAACA AATACACATT CTGTNTTTTA GCTCAGTGTT TTCTAAAAAA AGAAACTGCC 60
ACACAGCAAA AAATTGTTTA CTTTGTTGGA CAAACCAAAT CAGTTCTCAA AAAATNACCG 120
GTGCTTATAA AAAGTTATAA ATATCGAGTA GCTCTAAAAC AAACCACCTG ACCAAGAGGG 180
AAGTGAGCTT GTGCTTAGTA TTTACATTGG ATGCCAGTTT TGTAATCACT GACTTATGTG 240
CAAACTGGTG CAGAAATTCT ATAAACTCTT TGCTGTTTTT GATACCTGCT TTTNGTTTCA 300
TTTTGTTTTG TTTTGTAAAA ATGGTAAANC TTCAGAAAAT AAAATGTCAG TGTTGNNTAA 360
A 361

配列番号：1649
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1864
配列：
GATCAGGACC TGGGGGCCTA CAGTTCTGCC AGGAAGTGCC TGGCCAAACA GAGGCAGAGG 60
ATGCTGCAAG AGAGAAAAGC TGCAAAANAG GCCGCCGCTG CCACCTCCTG AGGCAGNTGT 120
GGGTGCCCCT GCTGTGTGGC TCTGTATGAC TGTTGCTGAA ATATAAAGCC CTGCAACCTG 180
AAA 183

配列番号：1650
配列の長さ：178

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01865
配列：
GATCTCAGCA CAAGCAGGGG AGCAGCTGGG GGAACACAGC TTTATGTAAT TACCTCTGTT 60
CAATATTTAG CAAGTTGCAT TGTAACATTG TAACTGTTTG TTTCTCCTTG GATGATGAGC 120
TACCCCCAAG AAGGGGTCAT ATCAGATTGG GTCTCATTAA AATGTCTGAT GAATGAAA 178

配列番号：1651
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01866
配列：
GATCTATGGC TTAAAAAATT TGTTTCTGTG ACAATNTTTG TAAATCTAGC CAATAGAGTC 60
ATTTACAGAA GAAAAATNAG CATGTAATAA TACAAGAACT GTTTCCCCCT CAAAACCTGA 120
ACCTGAATTA TTTGTAAAAA CTGAAATTTA ATGATTAAAG AGAAGCCAGA ATTGTAAA 178

配列番号：1652
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01867
配列：
GATCTGGAGC TAATAATGAC TGAGATGGAG ATATCTCGAG CAGCAGCAGA ACGCAGTTTG 60
CGGGAACACA TGGGCAACGT GGTAGAGGCG CTTATTGCCC TAACCAACTG ATGCGTGCTT 120
TCTCAAATAT ACCTACTGGA TTAATTTATG GCAATAAAAT TTTTTTTTGT CTTTTTCAGT 180
TTTATCAAA 189

配列番号：1653
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01868
配列：
GATCTCTGCT CTGCCCTCTC CCAGATTGGT GGGGAGGGAG GGCGGGAGGT AGATATAGGC 60
CTGTCCTTTT TAGCAATGTG ATTCTTGTTG TTGATTCTCT CTCTGGAGTT CATGTGCTGC 120
CTCANNNGAC TCTGATTTTA TATTTNAGAA AAATAAAGGC GTTCAATCTG CAAA 174

配列番号：1654
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01869
配列：

GATCAGGCTC ATCTCATCTG CACCAACTGC TCTACCTGTT AGATGGAGAC CTTGCNTCAT 60
GAATTTCTCG AAATGCTCCT GGAACTTATT TATATGCCTC AAAATCCTCT AAACTCATTT 120
ATAGTAACCC ATAGTTTTAA TTTTATAAAT AAACGTATTT ATTAAATCTT AAA 173

配列番号：1655
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1870
配列：
GATCTCTAAT TTAAAGAAAC AGTTTTTATA TACCTAGAAT GAAGATTCTG TTTAAAGCGG 60
TTTTGGTTAA CTTGGTTCTT GACATTTGCC TAAAATNTTN TTGGATTGGG ACTAAAATGT 120
NCTATTAGCC AATGAATAAC GTCCAAGTAA ATTTNTGTTT TATTTTGGGA AA 172

配列番号：1656
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1871
配列：
GATCTCAAAG GAGTCTGAAA TATCATATTT CTGTGTGTGT CTCTCTCAGC CCCTGCCCAG 60
GCTAGAGGGA AACAGCTACT GATAATCGAA AACTGCTGTT TGTGGCAGGA ACCCCTGGCT 120
GTGCAAATAA ATGGGGCTGA GGCCCCTGTG TGATATTGAA AGGGTAAGAA A 171

配列番号：1657
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1872
配列：
GATCGNCATT ATCCCCAGNA AAAAGCTCCG CAACAAGATA GCAGNTAATG TCACGCATCT 60
GATGAAGCGA ATTCAGAGAG GCCCAGTAAG AGGTATCTCC ATCAAGCTGA NCGAGGAGGA 120
GAGAGAAAGG AGAGACAATT ATGTTCCTGA GGTCTCAGCC TTGGNNCCNN N 171

配列番号：1658
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1873
配列：
GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCNNCTGG TAGCTGACCC TCGTCGNTGC 60
GAGTCCAAAA AGTTNGGAGT CCTGTGCCCG AGTTCGTACC AGAATCCACC GTAAGCCATC 120
GGNCTAAAAC TTACTTNATA ATAACAGTTT TGAGGGATTT AAAAGTTCAA A 171

配列番号：1659

配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1874
配列：
GATCAAAAAT CCAAGGAGAA TGGTGCCAGT GTATGATAAA ATCCATGTAG TGATGAGGAA 60
TGGTGTTAAA TAATGTAATA TATAANANTC ATGATATANG ANTGTTTGAA GGTGATGCAT 120
GTTTGATTTT NGTAGTATAA NTGTATTTNA GTTCAAATGA TGTATAANGN 170

配列番号：1660
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1875
配列：
GATCCTCGCT CCGTTGCACG GGCGCCNTAA GTTATTGGAC TATCTAATAT CTATGTATTT 60
ATNTCGCTGG TTCTTTGTAG TCACATATTT AATAGTCTTA ATATCTTGTT TTTGCATCAC 120
TGTGCCCATT GCAAATAAAT CACTTGGCCA GTTTGCTTTT CTACAAA 167

配列番号：1661
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1876
配列：
GATCTGGGCG ATTCTGAAGC CATGCCATTT TTAACCTTAT GTCTGCTAGA AAGTGTTGTA 60
GTTGATTGAC CAAACCAGTT CATAAGGGGA ATTTTTTTTA AAAAACAACA AAAAAAAAAC 120
CATCCAAGGN NGGGTTTNTG ATTAAATTTT GTGGNGTTAC CAGTAAA 167

配列番号：1662
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1877
配列：
GATCTTCCCC AAGAGGGACT GGGGTTTCTG GGGTCCATTC TCTGAGTCAG TGGTTATTTG 60
AAAATTTGAT TTTGATTTTA TTTTTTCTCT GTAAACTTCC AAGCTGGCTT TTCCCATTTC 120
AATTCCTGTG ATTTATGCCA ATAAAGTTTG CCCATGATTT TCAAA 165

配列番号：1663
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1878
配列：

GATCCCTNCC TTGGTGGGCA GTTCTGCCTT CCAAGGAAGA AGGGGAAGAA AAGGACCTGT 60
GGGTGGCTCA GGNCNAAGCA GACCCCGGGC TCCACCCCAG CCCCGNCCAG GNTGCTGCCA 120
GTNCACACTT TTACAAATTT AATATAAAGC AAGTCCAGTN TTAAA 165

配列番号：1664
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1880
配列：
GATCAGGCTG CTGAGGGAAT AAATTTAATC AAGGTCTTTG CAAAAACAGA AGCACAGAAG 60
GGAGCCTATA TAGAACTAAC ACTGCAGACT TATCAAGAAG CACTCAGTCG CCATTCTGCA 120
GCTTCCTAAA AATATTTTAA AAATACATTT ATTTTACTAA A 161

配列番号：1665
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1881
配列：
GATCAGTCCA TCCCAGAGGG ACCGGAGTTA TGACAAGCTT TCCAAATATT TTGCTTTATC 60
AGCCGATATC AACACTTGTA TCTGGCCTCT GTGCCCCAGC AGTGCCTTGT GCAATGTGAA 120
TGTGCGCGTC TCTGCTAAAC CACCATTTTA TTTGGAAA 158

配列番号：1666
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1882
配列：
GATCGTGTAT TGAGATTTCT TAAATAATGC TTCAGATATT ATTGCTTTAT TGCTTTTTTG 60
TATTGGTTAA AACTGTACAT TTAAAATTGC TATGTTACTA TTTTNTACAA TTAATAGTTT 120
GTCTATTTTA AAATAAATTA GTTGTTAAGA GTCTTAAA 158

配列番号：1667
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1883
配列：
GATCTTTGTT AGTTGCATAT TATATTTCAG TGTTTATCTT CTTGGTGAAT TGACCCTTTT 60
ATCATTATGT AATTCCCCTA TATTTATATC TTTATATTTA ANATAGGTTT CCTTAACATT 120
TGAGAAGTAA AANTAAAATA AAATGTAATA GCAAA 155

配列番号：1668

配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1884
配列：
GATCACTCTG GGCTCACTTG CCTGCCTAAT GGTCATCTCC CCAGTAGACT GTAAGCTCCT 60
TGAGGGCAAG GATTGTGTTG GAATTTTTGT ATTAACAGTG CCTGGCTTGG TGCCTGGCAC 120
CTAGAAAGCA CTCAATAAAT GTTTGTTTAA TGAAA 155

配列番号：1669
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1885
配列：
GATCAGATGC TTGAAATTTA ACACTTTTCA CTTGGTTCTT ATACTGAATG CCGACTCTGC 60
TCTGTGTTAG AGATATGAAA TGGTGTTTGA TACTGTTTGA GACATTATGG AGAGATTTAA 120
TTATTTGTAA TAAANGNTTT GCTGCAGTCT GAAAACTGAA A 161

配列番号：1670
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1886
配列：
GATCTATTGT AATGTGTTAT TTNGGCTGAN GTATGTNAAG AAAATACTAC CTTACAAAGN 60
TATGTATTNT CAAAAGGAAA TACATATCAG AAAGTTTAAC AGGGCCAGTG GGTGATACTG 120
AAGTTGTCGG GATGGATGGT GTCTATCTGG NNN 153

配列番号：1671
配列の長さ：444
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1887
配列：
GATCTAGAAG TTTTACTTTT ATAAAGATGG TGTCCGGAAG ATGTTGCTAA TGTATTTTAC 60
TTCAACATAG GGAACAAACT TTTTAAGTAT ATTAATAAAC CTGTATGGTT AGTTTTTAAC 120
AGTTTTTTAA AATAAACTAT GGATATGACA AATATTCTGT GTTTTACTAA GTGCTTGGAT 180
AGGCTTTCTA ATTTNGTATA CGTGCTAGAG TTAATTATTG ANCATTTTTA TCCAAATTTA 240
GTTGTAACTC TGTTTATACT ACTGATTGCT CATTCGTTTA AATGATATTN TNNNGTAAAA 300
GTCATAACCA ACATATGANC AGACAGATTT ATGTCTTTAA ACACAGATTG TNAGCTATAG 360
GTTTAATCTG ATACCAGTTG CTGGAAGGTT GCCATTTGGT TTTTCTNAAA ACCTATACCN 420
CTAAAACTTT CTTTNAAGGT TAAA 444

配列番号：1672

配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01888
配列：
GATCAGCAGC CCTCGCAATG TGCTCAGCGA GTACCAGCAG AGGCCGC
CTACTTCATC AAGAAGAACT GAGCAAGGCC TGAGCGCTGC CTGAACTCCG
TGATGCTTTC CATTAAAAAN NATTGTCCAA A

配列番号：1673
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01889
配列：
GATCCAGATG ATAAACCAGT GAACTATGTC AAAAGCACTC TCAATATTAC ATTTGACAAA 60
AAGTTTTGTA CTTTNCACAT AGCTTGTTGC CCCGTAAAAG GGTTAACAGC ACAATTTTTT 120
AAAAATAAAT TAAGANGTAT TTATNGGAAA 150

配列番号：1674
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01890
配列：
GATCCGNCCG TCTCTGCCTT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC ATCTGCCCGG 60
CTTATTTTTC TTTATGTTTT TNCTTCGTAA GAGGTTCTGT TGAGCAGTGA TTTGCAACTC 120
TTGCTGACGT TGCTGGGGAA GCTTTAAA 148

配列番号：1675
配列の長さ：568
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01891
配列：
GATCTACCCC AGGGAGAATC TGAGACATCT TGCCTACTTT TCTTTATTAG CTTTCTCCTC 60
ATTCATTTCT TTTATACCTT TCCTTTTTGG GGAGTTGTTA TGCCATGATT TTTGGTATTT 120
ATGTAAAAGG ATTATTACTA ATTCTATTTC TCTATGTTTA TTCTAGTTAA GGAAATGTTG 180
AGGGCAAGCC ACCAAATTAC CTAGGCTGAG GTTAGAGAGA TTGGCCAGCA AAAACTGTGG 240
GAAGATGAAC TTTGTCATTA TGATTTCATT ATCACATGAT TATAGAAGGC TGTCTTAGTG 300
CAAAAAACAT ACTTACATTT CAGACATATC CAAAGGGAAT ACTCACATTT TGTTAAGAAG 360
TTGAACTATG ACTGGAGTAA ACCATGTATT CCCTTATCTT TTACTTTTTT TCTGTGACAT 420
TTATGGTCTC ATGTAATTTG CATTACTCTG GTGGATTGTN CTAGTACTGT ATTGGGCTTC 480
TCGGTAATAG GTTATTTCCA TATACTATAA TTGGNAATAT TTTTGTACCA ATGGTTATAA 540
CNCTAGGGGT NTAAAAACCA GGTTCTGN 568

配列番号：1676
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01892
配列：
GATCTCTAAG GTATTATGTT TGCCTTCTCT TAGTTATTTC TGGGTTGTCA CAAAGC[illegible]
TATCATGGTT TGACAGAAGC AGTTATGTGA ACTTTTATGT TAGGACATTA CTAAATAAAG 140
AATTCCCTAG CTGCTTATAA AGTAAA

配列番号：1677
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01893
配列：
GATCCATTCT CCNTTTANTT CCCCCACCCT CCTCTCTNGG ATATGGTTGG NTTTGGCTCA 60
TTTCACAATC AGCCCAAGGC TGGGAAAGCT GGAATGGGAT GGGAACCCCT CCGCCGTGCA 120
TCTNAATTTN AGGGGTCATG CNCN 144

配列番号：1678
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01895
配列：
GATCGAGATG AGCTTTAAAA ACTTGAAAAA CAGTTTGTAA GCCTTTCAAC AGCAGCATCA 60
ACCTACGTGG TGGAAATAGT AAACCTATAT TTTCATAATT CTATGTGTAT TTTTATTTTG 120
AATAAACAGA AAGAAATTTT GGGTTTTTAA A 151

配列番号：1679
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01896
配列：
GATCTTGATG GTCGCTGCAG AGTAACTTCA GCGCTGAGTT CGTTTGAAAC CTTCGGTTTG 60
TTAAGATTCA GAATAACCAA TTGCTTTGTC TGTTAAATCT CCCGATTTCT GTTAGGAAAA 120
TAAAAGCCTC ATTTCTTAAA 140

配列番号：1680
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1897
配列：
GATCACTATG TAGGCAATGC TGGATACTGG NCTGTTATTT ACACATTTGT ATCACCTTTT 60
ATTTCATAAG ATAGCATTGT CAGANTAATT TAGTATTTCA ACATAATCAA CAAGTAAAAT 120
AAAATTAATG AGAATGAAA 139

配列番号：1681
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1898
配列：
GATCTCCACA TTCAGGTTTC CTGATGCACT TTNCGACTCT TTGGGCAACC TCTGGACTCC 60
TTGTNCCCAG GGTCCACATT TAGTTTTATC TTTACTGCAT TGCTTTTATG AAAAAGAATA 120
AAATTGGATG AAACAGAAA 139

配列番号：1682
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1899
配列：
GATCAGTTAA TTTGTATGTA GCAGTGTATG CTCTCATATA CAATNACTGA CCTATGCTCT 60
AAAACATGAA TGCTTTGTTA CAGACCCAAG CTGTCCATTT CTGTGATGGG TTTTGAATAA 120
AGTATTCCCT GTCTTAAATG AAA 143

配列番号：1683
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1900
配列：
GATCGAATCA CCTGAATGTT CTATGTANTG TAAAATATTC TTTTCTTGCT TTCTTGTGTT 60
AAGGTATATA TTCTATTTGT ATGGAATTCT TATTCAAATA CAGTTCTATT AAAGAGTATA 120
CTCCTATTGG ATGAAA 136

配列番号：1684
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1901
配列：
GATCTCAGCG GCATTAAGCT GTGCCTGAGC GAGTTTGTAG TGACTCACTG CACAGCACCN 60
CCAGACTAGC ATGTGGTTCT ATATTTGTAA AGTTATTGGG ATAAGAAACA ATTAAACAGT 120
TTGTAGTAAA CACAAA 136

配列番号：1685
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1902
配列：
GATCTTCTAC TTCCCTNTGG GGAGGGGAGT GACAGGTCCA CACACCACAC TGGGTCACCC 60
TGTCCTGGAT GCCTCTGAAG AGAGGGACAG ACCGTCAGAA ACTGGAGAGT TTCTATTAAA 120
GGTCATTTAA ACCAAA 136

配列番号：1686
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1903
配列：
GATCTTTAAA AAAATTTTCC ATATGTCAAA GTGTAGAGAT GTTTCTAGCA GCATTTATCT 60
TGTCATCTAT AGATTGAACA AAAAGTGGTA GCTGTNAAAT TGTGATTTAT AATAAATACA 120
TATTTGGTCT TCAAA 135

配列番号：1687
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1904
配列：
GATCAGCAGT TCCAGCCCCT ACGCTNGCTG GGGGCGCAAC CACCCCTTCC TTAGGTTGAT 60
GTGCTTGGNA AAGCTCCCTC CCCCTCCTTC CCCAAGAGAG GAAATAAAAG CCACCTTCGC 120
CCTAGGGCCA AGAAA 135

配列番号：1688
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1905
配列：
GATCTTCATC TGTAGCCAAG AAGAGAGCAT TAAACCCAAG ANCATTGTGG AGAAGATTGA 60
CTTTGACAGT GTGTCCAGCA TCATGGCCTC CTCCCAGTAA CTTCAGGTGT TTAATAAAGA 120
TGTGTTGACT CAGAAA 136

配列番号：1689
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01906
配列：
GATCTTAATG TTTCAAAGGA GTGCAGCCCT TCACAGCCAT [illegible]TC 60
TGTCTGGTGT TGTAGCCATC TCAAGAACAA ATCAACAGCA ACA[illegible] 120
TTTTAAAATT TAAA 134

配列番号：1690
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01907
配列：
GATCTGTGAC CCTGGGCGCT GAAAATGGGA CCCAGGAATC CCCCCCGTCA ATATCTTGGC 60
CTCAGATGGC TCCCCAAGGT CATTCATATC TCGGTTTGAG CTCATATCTT ATAATAACAC 120
AAAGTAGCCA CAAA 134

配列番号：1691
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01908
配列：
GATCTCTACT ACCACAAGGA AAATAGTTTA GGAGAAACCA GCTTTTACTG TTTTTNAAAA 60
ATTACAGCTT CACCCTGTCA AGTTAACAAG GAATGCCTGT GCCAATAAAA GGTTTCTCCA 120
ACTTGAAGTC TAAA 134

配列番号：1692
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01909
配列：
GATCAGTGTG GAGGACCCGC CCCAGCGCAC GGCCGGCGTC AAGGTGGAGA CCACTGAGGA 60
CCTGGTGGCC AAGCTGAAGG AGATTGGGCG GATTTGAGCC CCTCCCAGAG ATGGCAATAA 120
AACTGACTCT CAACATCAAA 140

配列番号：1693
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01910
配列：
GATCTAACCT TTGANGCTTT AAAAAAGGAG AAAGAGGGTA GGGGTGGGAA ACTGGCATAC 60
TGTGTGTATA GCACTGCCGA TTGGCTAGGC CACTGTGTCT CTGCTACAAA TTAAAGAAAT 120
CCTAAAAGTT AAA 133

配列番号：1694
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01911
配列：
GATCGCGAAT AAAAATCAAC AAATGTGAAA GCCCAGAAAA ATATATTCGT ATT
TTGCTGGATT TTTACATTTT TATATAATAA AAATGNTATT TTGAAATAAA GATTATG
ACTCAAATGC AAA

配列番号：1695
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01912
配列：
GATCTATTGC AGATATTTGA TGTAGTTTTC TCTTTTAAAT TAATCAGAAA CCCCACTTCC 60
ATTGTATTGT CTGACACATG CTCTCAATAT ATAATAAATG GGAAATGTCG ATTTTCAATA 120
ATAGACTTAA A 131

配列番号：1696
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01913
配列：
GATCCGCCCG GCTCAGCAGA ATTCACGCTC CTGTATGCCT CAGCCCCTCG ATATAACTCC 60
ATCGGATTCT AGCAGCCTGG TATTCTAGCA ATAAAACCCA AGGCCTGAGA AACAGGGGCC 120
ATCCTGCAAA 130

配列番号：1697
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01914
配列：
GATCAGACTG TCACTTTATA GTTTTTCTAT ATAAAGATTA TATAGTTGCA AACAAAGGTT 60
GTGAAATTTC CCTTTTGTTG TTTTTNACTT TTAATTAATA AAAGTACATT GTTTTCATAG 120
CAAACTTAAA 130

配列番号：1698
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01915
配列：
GATCGAAGCT ACCGTAATGT GTTCTTGAGG TCAACATG
GCCCCNTTAT GTCAATTACC TATTATAAAC CGAGAGAAAT
TTGAATTAAA

60
120

配列番号：1699
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01916
配列：
GATCCCTTGT AAACATGAAA TCATTCCATG GATGGCTGCC TTATAATTTT GTCTCTTTCC 60
ACTTTAATTG TGAATGGTTA AAAAAATGCT GTTTTCTGAT ATTAAATTTT TATTAGTGCA 120
TACCTTAAA 129

配列番号：1700
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01917
配列：
GATCTGTACC TAGTACCCCT CCCATCTACT GATTTGTTTG TTTTTGTAAC CAAACACATT 60
TTCAGATAGA AGGAGCCTTA AA 82

配列番号：1701
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01918
配列：
GATCCCCTAT TCCCTCCACA ATAACAGAAA CACTCCCAGG GACTCTGGGG AGAGGCTGAG 60
GACAAATACC TGCTGTCACT CCAGAGGACA TTTTTTTTAG CAATAAAATT GAGTGTCAAC 120
TATTTAAA 128

配列番号：1702
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01919
配列：
GATCTACAAT NAAGCCCTCA AGGGCTGAAA ATAAATAGGG AAGATGGAGA CACCCTCTGG 60
GGGTCCTCTC TGAGTCAAAT CCAGTGGTGG GTAATTGTAC AATAAATTTT TTTTGGTCAA 120
ATTTAAAAAA AAATAAA 137

配列番号：1703
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01920
配列：
GATCTGAGGA GGAAATGTGA CGCCGGACGC TTCCNTGTNT TTGACCTTTT NAAAGGANGA 60
GGAAGTTCAC CGACANTACC CATCACCCAC AAAAGTCTCA CTTCTTGGAA GATTTGTGTT 120
AGGCTGNN 128

配列番号：1704
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01921
配列：
GATCTGGCGT NCTACTATGA GGCTTCTTTT GACCTCATTN NTGTGGTNGC CGGCGTAGCC 60
AGACCATCCT ATACTGTGAC TACTTCTACT NGTACATTAC AAAAGTACTC AAGGGAAAGA 120
AGCTCNN 127

配列番号：1705
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01922
配列：
GATCATAGCT ACACTGTATG TTTAGGTGGT GTGAAATNAT TTATAATCAC AGCTTGAACT 60
GTGTTTGCTT GGTACTGTCA TAGTGATTAC AAATTTCATG GAATGCGAAG AGCAACAATA 120
AATAAAAAAT ACCACTCACC CTCAAA 146

配列番号：1706
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01923
配列：
GATCAAAAAG GACTGAACCC CCACTATCAT AATCCATACA TTCATTTCCA TGTTGTTTGA 60
CTAGCAGTGC ATATATGAAT GAATATGGTA ATTAATCTTA CCTATAAGAA CCAAATACTT 120
TAATTATATT AAGATAGTGA ATAAAGATGT ATAATATTTT NATTAATACC TTGAATATAT 180
TCAGTGGATT GAATGTGACT TCATAACTGT ACTACGATTG TATTAAAATA TTTCTGGAAA 240

配列番号：1707
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO1924
配列：
GATCTTATGA AGGAAGATTT GTGACCCTAC GTATATATAT ACACACACAT ACATATATAT 60
ATATATCCCG AACCAACANC GGGACTTTGT TTATATTGCA AATAAATATT ATTTTTCCTT 120
TAAA 124

配列番号：1708
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1925
配列：
GATCCCCTTT CTCTATGTCG GGACACTCAT TAGCAAGAAC TTTNCTGCTC TACTNGAGGN 60
ACATGACATT TTTGTTCCAG AGGATGATGA TGATGATGAC TAACAGGAAT TACAGAANGN 120
NGAN 124

配列番号：1709
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1926
配列：
GATCCGAGCA GTCCTCTGCC CGCCTCCCGT GAAGAAGAGG AAGAGAAAAT GCCTGCTGTT 60
GTAAATGTCT CAGCCCCTCG TTCTTGGTCC TGTCCCTTGG AACCTTTGTA CGCTTTGCTC 120
AAAAAAAAAC AAAAAAAAAA AACAAA 146

配列番号：1710
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1927
配列：
GATCCTGTGT AGAAGCTGTT CTCATTAAAC ACCAAACAGT TAAGTCCATT CTCTGGTACT 60
AGCTACAAAT TCGGTTTCAT ATTCTACTTA ACAATTTAAA TAAACTGAAA TATTTCTAAA 120

配列番号：1711
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1928
配列：
GATCTGCGCC TCTCAGTGCC TTTTGAGGGG TTCCCATCAT CCCTCCCTGA TATTGTATTG 60
AAAATATTAT GCACACTGTT CATGCTTCTA CTAATCAATA AACGCTTTAT TTAAAGCCAA 120
A 121

配列番号：1712
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1929
配列：
GATCGGGGCA AGAGAAGGCT GAGTACGGAT GGGAAACTAT TGTGCACAAG TCTTTCCAGA 60
GGAGTTTCTT AATNAGATAT TTGTATTTAT TTCCAGACCA ATAAATTTGT AACTTTGCAG 120
CGAAA 125

配列番号：1713
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1930
配列：
GATCAGCCCA TCTCAGCTTG CTGTTTCAAT CACAATGGAA ACATATTTGC ATACGCTTCC 60
AGCTACGACT GGTCAAAGGG ACATGAATTT NATAATCCCC AGAAAAAAAN TTACATTTNC 120
CTGCGTAATG CAGCCGAAGA GCTAAAGCCC AGGAATAAGA AGTAGTGGCT GGAGACTCTG 180
GCTCAGCCAG AGTTGTTTCT CTCCANTCTG CCTCATCTCT GTACGANTTT GGGTCCCAGC 240
CTTGTTGGGT TGTCAGCCAT GGACATGGAT TTCAACCCCT GGAGAAAACG NTGTCATTGT 300
TCAGCAGCTG AGNGCCCCAG GCGTCCGNGG CGNCTTTN 338

配列番号：1714
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1931
配列：
GATCCCATAT CTATTACCGT GTCCATAGGA ATAATAGGTA AGGGCTCTGT CTCTGTCAAG 60
CCATGTAACA AAGGACACTG TTAAA 85

配列番号：1715
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1932
配列：
GATCCAGCCC TGGTTCTGGC TGTGGTCAGC AGATGCCAGT NAAGGGTTTT GTGTGTTTAG 60
GCCTCATTTC TTTGTCTTTT TCCTACTCCG TTCCTGGCAT TTGCTGATTT CTAGTGTATA 120
CTCTGTAGTC TCAGTTCGTG TTTGATTCCA TTCCATGGAA ATAAAAAGTA TGTTGTACAT 180
ACTGCCGAAG AATTGTCTTG CAAGTNAAGG CTTCCCCCTT TACTATAAGA CTATAAATAA 240
AANCTTATTT NATCCNNAAA 260

配列番号：1716

配列の長さ：430
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01933
配列：
GATCTTGTGC TGTGCTATCC GCAGAACCGC GAGATGGTCT AGAGTCAGCT
AGCAGGAAAG TTTACCCATG AAGATTGGTG GGATTTTTTG TTTGTTTGTT TTG
TGTTGTTTGT TGTTTGTTTT TTTGCCACTA ATTTTAGTAT TCATTCTGCA TTGCTA
AAAGCTGAAG TTACTTTATG TTTGTCTTTT AATGCTTCAT TCAATATTGA CATTTGTAG
TGAGCGGGGG GTTTGGTTTG CTTTGGTTTA TATTTTTNCA GTTGTTTGTT TTTGCTTGTN 3
ATATTAAGCA GAAATCCTGC AATGAAAGGT ACTATATTTG CTAGACTCTA GACAAGATAT 360
TGTACATAAA AGAATTTTTT TGNCTTTAAA TAGATACAAA TGTCTANCAC CTTTAATCAA 420
GTTGTACCTN 430

配列番号：1717
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01934
配列：
GATCGAGCCA CTGCGCTCCG GCCTGGGTGA CAGGAGACTC CATCTCAAAA AATAAAATTA 60
AAAAAAAAAC TACTACAATA AATTATCACC TTGGACTGTA TAAAACAACT TTNAAACTAG 120
TCTTTTNAAA AAGTACACTT AAATAAAAAT CTAANCATAA GNGANTGTAA A 171

配列番号：1718
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01935
配列：
GATCGCTCAG AAAATGGGAA CCCAGGGCAA ATTGTATGTG CTCCTTACTG GGTTTATTAT 60
AAGTGTCACA TGTTTTTTAT AATAAAACAT AGGTGATTTC ACCTTAATGG ACAAA 115

配列番号：1719
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01936
配列：
GATCCTCCCA CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGACCATAG GCTCACAACA CCACACCTGG 60
CAAATTTGAT TTTTTTTTTT TTTCCAGAGA NGGGGTNTTG NANCATTGCC CAGNN 115

配列番号：1720
配列の長さ：115
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01937
配列：
GATCTAGCAC TTTACAAAGT AAGTTTTTCT GTNACTTAGA
AGAGTTACGC TTTTATAAGT ATTTNANGTT TCANAAATNA TGC

60

配列番号：1721
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01938
配列：
GATCATTTAG TTCTATCTAT TTAGAAATAT GTAAAACTGG ATTTTTTTTT AAGTAATATG 60
TGACCAAAGT TAATTTTGTC CCAAAGGTCT AAATAAAGAG CAGTTTCCCA TAAA 114

配列番号：1722
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01939
配列：
GATCGCCACA GCCCTTCTTG GAAGAAAGGC GTCTGTGTTT CAGGTTCCAC GCGAGTCACC 60
TCTTTCGTCT TAATGTTCAC CGTCCACAGC TTTGGAATAA ACCATCCTGG GAAGTTAAA 119

配列番号：1723
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01940
配列：
GATCTTTGAC TGTATCATGC ATTGTACAAT TGATTTCATA TTTTATGAAA TGCCTTAATT 60
TTCCTACTAT AACATAAAGA CAATGATGAA TAAAGTTTAT GTGTATGATT AAA 113

配列番号：1724
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01941
配列：
GATCAGAAAC ATACATACCC TNCCTAGGGA TTTAGAAAGT GGGTTGGCAG TCTTTCCTCA 60
CGTCCATCAC GCANTTGGNA CCTACTNCAG TGTATTGTAA ACTTTTTTCT CNN 113

配列番号：1725
配列の長さ：111
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1943
配列：
GATCCCAGAG GTCANGACCA AANCCAATCA GTGAAAATTC AACTNTAGCT GTGAAAACAT 60
TGCACTAACA GGAGCTATCC AACAATGGAC CAGAATGTTG ACAATAAAGT N 111

配列番号：1726
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1944
配列：
GATCCCGCAG GTGGCACGTG ACAGCTAGGG TTCAAAACGT TCTCACCAAA TCCAATGCTC 60
CTCACATATT AATTTTATAA CCAGACAAAT AAATATTAGA GACAACCACC AAA 113

配列番号：1727
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1945
配列：
GATCTCAAAA TTCCAGAATT CCCTGTACAT CTNTCCACGT GCTTGTGCTC CAGGTGTGAC 60
TTGTAAACTG TCTAGTGTTT GCNTTAAATA AAATGGCACC GAGCATAAA 109

配列番号：1728
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1946
配列：
GATCCGTATC GGTTTAAGAA GCGGACGGAG CTGTTCATTG CCGCCGAGGG CATTCACACG 60
GGCCAGTTTG TGTATTGCGG CAAGAAGGCC CAGCTCAACA TTGGCAATTT GCTCCCTGTG 120
GGCACCATGC CTGAGGGTAC AATCGTGTGC TGCCTGGAGG AGAAGCCTGG AGACCGTGGN 180
AAGCTGGCCC GGGCATCAGG GAACTATGCC ACCGTTATCT CCNACAACCC TGAGACCANG 240
ANGACCCGTG TGNAGNTGCC CTCCGANTCC AAGANGGTTA TNTCCTNAGN CATCAGNGCT 300
GTGGTTGGTG TGGTGGCTGG NGNTNGNCN 329

配列番号：1729
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1947
配列：
GATCTGTCAA TTTCTTTGTN CAGAATGATT TGAAGTATTG TATTCAGTTT ACATGCATTA 60
TTGGNTTATA ATNAATATCT AATGAAAATA CATGTTGTTA TATTGTAAA 109

配列番号：1730
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01948
配列：
GATCAGCTGA TGGAGCTCCT GATTTGACAA AGGAGCTTNC CTCCTTTGAA TGACCTAGAG 60
CACAGGGAGG AACTTGTCCA GTAGTTTGGA ATTGTGTTCT TCGTAAAGAC TGAGGCAAGC 120
AAGTGCTGTG AAATAACATC ATCTTAGTCC CTTGGTGTGT GGGNNNTTTG TTTTTTTTTT 180
ATATTTTGAG AATAAAACTT CATATAAAAT TGAAA 215

配列番号：1731
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01949
配列：
GATCGCACCG CCCCTCGCAG AGAGTGTATC ANCTGTTTTA TTTTTGTAAA AACAAAGTGC 60
TAAATAATAT TNATNACTTG GTTTGGTTNC AAAANCGGAT TAAATGN 107

配列番号：1732
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01950
配列：
GATCACTGTG GTNTTCATAT TTCTAAAATA AATGAATTAA AAANTTTAAN GNCTTAGATG 60
CTTATCTCTA TCATAGCTCA GAATGCAACT NCAATACCCC CATTCTN 107

配列番号：1733
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01951
配列：
GATCAACTGT ACGCCTTTGG TATCTGACCA TAAAGTCTTT TGCTCCGCTG ACATTTGGGT 60
GATGTCTTCA CATGGAAATA TAATAAAAAT AAAAATCTAG TTTAAA 106

配列番号：1734
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01952
配列：

GATCGAGGCT TCAGTGAGAT ATGGCTGAGA CACTGCTCTC AGCCTGGATG ACAGAGTGAG 60
AACCTGTCTC AAACAAGAGA AAAAAATAAA TCAAANNCTA TTCAAA 106

配列番号：1735
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1953
配列：
GATCTGAGGA GGCTTCGTGG GCTTTTGGGT CCTCTAACTA GGACTCCCTC ATTCCTAGAA 60
ATTTAACCTT AATGAAATCC CTAATAAAAC TCAGTGCTGT GTTATTTGTG CCTCATTTCC 120
CCAGGAATAG TCACTGCCTT GAGGAACCAA A 151

配列番号：1736
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1954
配列：
GATCCACCCA CCTNAGGCCT CCCAAAGTGC TGGGANNACA GNCGTGANAA CCACGGCTTC 60
GCCAACAATG GATTTTTAAA TTATTTCCAC GCTCACAAAA AACCTN 106

配列番号：1737
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1955
配列：
GATCNANCCT CAACACCTAG TGCAATTCTT TTTACACATT AGGNACTTAG TAATTNGGGT 60
TGAATTGTGT TGAACTAACC TGGCGGTATA GGCAAAANTT GGAAGN 106

配列番号：1738
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1956
配列：
GATCTCCCAT TTCTAGGAAC CCCAGTCCTG CTTCTCCGCA ATGGCACATG CTTCCACTCC 60
ATCCATACTG GCATCCTCAA ATAAACAGAT ATGTATACAT ATAAA 105

配列番号：1739
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1957

配列：
GATCCAAGAG ATATATTTGG CAACTTTTTC
CATTCTTGAG TTTTTTGGG TTTTTTTTTT TTT

配列番号：1740
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01958
配列：
GATCCAGCTG GAAAGCTGAA GTATTTCGAT AAACTGAATT GAGAAATACT TCTTCAAGTT 60
ATGATGCTTG AAAGTTCTCA ATAAAGTTCA CGGTTTCATT ACCNAAA 107

配列番号：1741
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01959
配列：
GATCTTAAGG TATCAGTATT TCAGAATCCT GCGACGATTT TATTTCTAAA TTCATGTACT 60
GTATGTCCAT AAGTGAAAAT AAAATNTCAT ATTCTTTTCT ATNATTGGTA TCATTCAAA 119

配列番号：1742
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01960
配列：
GATCCTTAGC TCTTTGCTCT ATGGCCCTTC CTCATCAGGG GACCGTTTCC CCCCTCTTCC 60
TTCACAGTAT TTAAGAAATA AAAGTCGGAT TTTNCTGGCT GCTTTCTCTC TAAA 114

配列番号：1743
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01961
配列：
GATCGCCCCA TTGCACTNCA ANCTGGACAG CAAGAGCAAA ACTCCGTNTC AAAAAACAAA 60
AACAAAANCA AACAAAAAAN TTCCCCTGAG AGAAAACCTA TN 102

配列番号：1744
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01962

配列：
GATCACACAC TAAGAGAACG TTGATTGCCT CGGCTATTGT G
ACTTTTGAAG CATGTTAATA AATGTCACTG ATTAAAACAA A 60
101

配列番号：1745
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1963
配列：
GATCCAAGTT TGAAAACAAT TTTAGGCTAC TAGATATGAA CAACATCTTG ATTATGTAGT 60
TGAAGGAAAT TAAAGATGAA TGGTTTAATT AAAAATTAAA 100

配列番号：1746
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1964
配列：
GATCAAATTA AATAATTCAA GCCCTGCCTT CAAAATGAAA TTTTTTTTTT AGTATTATTT 60
AGCAAAANCA ATAAAACCCA AATTTTTTTA ACCATCAAA 99

配列番号：1747
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1965
配列：
GATCACTTCA AGCAAGCCCC CATGATGGTT CTCAGTCCTG CTTCTCTGTG GGTACGTGCC 60
CCTCTGTTTA AAAATAAACT GAATATGGAT GTTTAAA 97

配列番号：1748
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1966
配列：
GATCAAAATG AAAACCTGTT GATGTGAATT CAGTTATTGA ACTTGTTACT TGTTTTTGCC 60
AGAAATGTTA TTAATAAATG TCAATGTGGG AGATAATAAA 100

配列番号：1749
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1967

配列：
GATCTGATGT TCCTTTTATT TATAACAATG TTAAATGCAA TTGTCTTGTA CCTTGAGTTG 60
AGTATTACAC ATTAAAGTAA AGTACAAGCT GTAAA 95

配列番号：1750
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01968
配列：
GATCCAGAAG TAAATGTATC TNCAAGCTGA TTTAAATTGT AGATTTNNTC TTCATTGCAT 60
ATTTNCTGAT GTTGAATAAA GTCTGAGTAT TAAA 94

配列番号：1751
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01969
配列：
GATCCAAAGT ATATTTTTAC TGAGAATATA TCTGAAAAAA TTTGAATTGA GATTAAATTT 60
TTAAATGAAA TATATTTACT TTTTTTAAA 89

配列番号：1752
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01970
配列：
GATCCTGGCC CCTCAACCTC CTGTGGAACC CAGCAGTTCT GTTATATCCC CTGCTACCCT 60
AGATGAATTA AGACGGTTAA ATACTGAAA 89

配列番号：1753
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01972
配列：
GATCTGTCTT GCTTATTGTT GCCCCCTGCG NCTAGCACAA TTCTGACACA CAATTGGAAC 60
TTACTAAAAA TTTNTTTTTA CTGTTTAAA 89

配列番号：1754
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS01973

配列：
GATCATATGG TAGTTTTGTT TTACTAATCT AAGGGTACTA GCATCTACAA TNATATAGAC 60
AAAATAAAAT ATTTCTTTAA TGGCAAA 87

配列番号：1755
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1974
配列：
GATCTGTTTT CTCTAAAATC TTACCATATT GTCTGTATAT GGTTGTAAAT NCAAATGGAA 60
AGTAAAACGT TTTGGCCCTG ATAAA 85

配列番号：1756
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1975
配列：
GATCCTGCTG GAAACCACGG CAACCTGTAT CCACTATTAG GAGGTAAAAA TCAATAAAAT 60
GGCCCATTCA TTTGTGTTGT AGCTCAAA 88

配列番号：1757
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1976
配列：
GATCTACAAC ATATAAAATT GTGTATTTTC NTTTGGTTGT CCCTATTAAC AAAAAAGTAT 60
TTNAATAAAA ANTTGAAATG NAAA 84

配列番号：1758
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1977
配列：
GATCCCACTG TAAAATTGGA AATGGGCAGT TCTGAATTTT CACGTTTGAA ATGTAAAATA 60
TAAACTTCAG TCAATATCCA AA 82

配列番号：1759
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1978

配列：
GATCTGGACG TTCACGTGCA CTCTCTTCCT GTACAGTATT TATTGTTCCT GGCACTTTAT 60
TTAAAGATAT TTGACCCTCA AA 82

配列番号：1760
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1979
配列：
GATCCTTACT CCTGCATTGT TCTTTGCCAG NGNCCTATTT AAAAATTTTA AAATTCTCAT 60
TAAAGTCAGC TTGGGTTTAA A 81

配列番号：1761
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1981
配列：
GATCTAAAGA GAAAAGGGAG AAGAGGGAAA AAGGAAACAA AGGAGAAGAA AGAGGGAAAG 60
GAAAAAAAAG AAAAAGAAA 79

配列番号：1762
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1982
配列：
GATCATGAAA GGTGATAAGC TCTTCTATGA TAGGGGAAGT AGCGTCTTGT AGACCTACTT 60
GCGCTGTTGT ACTCTGAAA 79

配列番号：1763
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1983
配列：
GATCAAATAT TTTGCCTTTN ACTNAAATCA GCCAGCCCAT NACCCCCAAT AAAGGGCAGC 60
TGCCTCTGCT CCCTCTGAAA 80

配列番号：1764
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1984

配列：
GATCAAATTT CTTAAAGCAA ACAACAAAAA TGTACATTTC TGTTTTTCCT TTTAATAAAC 60
AGGTGTACTC TTTATCAAA 79

配列番号：1765
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1985
配列：
GATCTAGTGT CCTTTTTGTA CACTAAACAG GTGAATGCTG ACTTTTTTCA TTCTCCAATA 60
AATNTCACTG AACTGAAA 78

配列番号：1766
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1986
配列：
GATCTTTGTT TAGTTTCAAG TCTTTTTATA ACTAAATCTG CTGGCATTAG ACAATAAATA 60
CATTTTCAAA ATAAA 75

配列番号：1767
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1987
配列：
GATCATATAT ACTTGCATAA TATCATCCCT TCCCTTGATT TCTTTCAATC TAAAAATAAA 60
TATGAGAAAA ACAAA 75

配列番号：1768
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1988
配列：
GATCGATATT AATGTATCCA ATGAAATAAT CGACTTGTNC TTGATAGCCT CATTAAAGCA 60
TTTGGTTTTN CACATAAA 78

配列番号：1769
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1989

配列：
GATCTGAGCC CCCAAGATGG AGAATGGGGA GGAGCTTTTT ATGGCGGACT GATTAAAACT 60
CTTAAGCATT TAAA 74

配列番号：1770
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1990
配列：
GATCTGCTTG GCCTTGATAA GCTATGTTGT TGCACTTTAA ACATTTAAAT TATACAATCA 60
TCAACCCCCA AA 72

配列番号：1771
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1991
配列：
GATCCTCCCC TTCAAATGAC TGTAATTAAC AACACTTAAA AAACTTGAAT AAAATATTGA 60
AACCTCAAA 69

配列番号：1772
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1992
配列：
GATCTATTCT GAAGCTGTTC ATTTTTAACA AATAAAATGT TACAGGTTTC ACATGATTTA 60
TTCTCAAA 68

配列番号：1773
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1994
配列：
GATCCGTAAC TNCGGGATAA GGATTGGCTC TAAGGGCTGG AGAAGGAATG AATAAAAAAA 60
AAGAAA 66

配列番号：1774
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1995

配列：
GATCCCATGT CTCTGCCAGG ACCAAGGCNG ATGTTTCCCC ACTAATAAAG TGCCGGGTGT 60
CAGCAAA 67

配列番号：1775
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1996
配列：
GATCCTTTTT AATACCACAG CATTTGTACT GTTCCTTTTT AATATACTGA AAATATAAAA 60
GGAAA 65

配列番号：1776
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1997
配列：
GATCCGATTA TTTCTGCCAG TNTATTTTGG NCACTTTATA ATCATTAAAG CACTTTCTTG 60
GCAGGCNCAA A 71

配列番号：1777
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1998
配列：
GATCTTACAA TAATGTTCCA CTCTGCAAAT TTTTAAGGTT CAAATAAAGT TTAATTGTTT 60
GCAAACTGTA AA 72

配列番号：1778
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO1999
配列：
GATCATTGCA CCATGTCAGA CTTTTGTATA TNCCTTGAAA ATAAATGAAA GTNAGAATCN 60
TCAAA 65

配列番号：1779
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2000

配列：
GATCCTGTCC TGATTCTCAA AAATTATTTT CTCTGTATGA TTAAAAGTTT ATTCCATTTA 60
AA 62

配列番号：1780
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2001
配列：
GATCCCTTCA TTTGAATATT AATGGCTTTT TCCATTAAAG AATAAAATAT TTTGGACAAT 60
GCCAAA 66

配列番号：1781
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2002
配列：
GATCAAATTT ATAAGTTATT ATTTTTAATT TTCTAAATTA AATAAAAGAA AGAATGCAAA 60
CCAGGAAA 68

配列番号：1782
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2003
配列：
GATCAATAAA GAGTAATTTC TTGCTAAATA AATAAAAGAA ACCTTGTTGA AAAACTAAA 59

配列番号：1783
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2005
配列：
GATCTGAATN ATGCACCCCA CCCCCACCCC AATAAAGAAA TAACAGAAAA CCCTCGAAA 59

配列番号：1784
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2006
配列：
GATCTTCATT TTTTTTTTTA AACTTGGCGT TTTTTGAATA AAAACCTTTT GTCTTAAA 58

配列番号：1785
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2007
配列：
GATCTCAGTT GTAAATAGAA AAATCTAATT CAATAAACTC TGTATCAGCC CCCAACAAA 59

配列番号：1786
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2010
配列：
GATCCAAAGT CATGTGTCCA CACATTCATA AATAAAAATT TTACCTATGA AA 52

配列番号：1787
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2011
配列：
GATCCAGTGA AGCCAGAAGC CAAATAAACT CAAAAGCTGT CTCCCCACAA A 51

配列番号：1788
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2012
配列：
GATCCTAATT TATGCCTATG CAAAAAATAA ATAACGCCCA AGAGCTGTGG GAAA 54

配列番号：1789
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2013
配列：
GATCGCCTAG TATGTTCTGT GAACACAAAT AAAATTGATT TACTGTCTGC AAA 53

配列番号：1790
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2025
配列：
GATCCGTAGT AATAAATTCT CAGAGGACTC AGCCTTTCCT GCGGGTCTGG AGCTCAAA 58

配列番号：1791
配列の長さ：597
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2039
配列：
GATCAGAGTC TCTTGGGCAT TTTATATTTT GCATTCTGAT GTACCTAGGA GTTTTGTTAA 60
ACAGATGATG TATGTNAGTA TTTATCCCAT TTTATGCAAT TAACCAAATC AACCAAAAAA 120
AGTGACCATG AAGTCCTGTA TTTGTNTTTT TACTACATGT AGGAACTCTC ATGTGAATGA 180
GTACTGTAGT AATCCATTCT ATGGGAGCCT TATTTCAGAA ATATTTCAAA CTGGTGCAAA 240
TGGAAAAGAC TTTCTCTTTT CCTTTAAAGC TAAAGACAAG AATATCATGC TATACAGGTG 300
CAACTCAATC CCCGTTAATA AAAACCAATG TAGGTATAGG CATTCTACCC TTTGAAATAG 360
CTGTGTCCCA ACCTGTTGCC ATTGATTTTT TGGGAATGGC TTTAGGAAAT ATCCAAGTTG 420
TCCTTGGAAT TGTCTAACCA TGGNCATAAA CAGTTGTCTC CCTTCTACTT GTGTAGAATA 480
CTTTGGNCTT AATTTTCCTN CCAGATACAG GGGGGTACCT GCCTGTTTTT CNAAGGGTTT 540
ATTACTGGNG GTACCATTTG GTAGGATTGT TTTAAATAAA AAAACCTGGT TTTTAAA 597

配列番号：1792
配列の長さ：518
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2040
配列：
GATCCAAAAC TGGACCCTTG GAGCCGTCGA CTCACAGATG GATGACATGG ACATGGACTT 60
AGACAAGGAA AAAANNCAGG ACTTGAAGGA GCTCAAGGTG CTAGTGGCTG ACAAGGACCT 120
TCTGGACCTG CACAAGAGCC TGGTGTGCAC TGCTCTCCGG GGAAAGCTGG GCGTCTTCTC 180
TGAGATGGAA GCCAACTTCA AGAACCTGTC CCGGGGGCTG GTGAACGTGG CCGCCAAGCT 240
GACCCACAAT AANGATGTCA GAGACCTGTT TGTGGACCTC GTGGAGAAGT TTGTGGAACC 300
CTGCCGCTCC GACCACTGGC CACTCAGCGA CGTGCGGTTC TTCCTGAATC AGTATTCAGC 360
GTCTGTCCAC TCCCTCGATG GCTTCCGACA ACAAGGCCCT CTGGGACCGC TACATGGGCA 420
CCNTTCCGNG GCTGNCTNCT GCGGCCTGTN ATCATGACTG AGGTGGCCTN CCAAANGTTN 480
CGCCCAAGGT TGACAATAAA GTTGCTCTGA GTTTGAAA 518

配列番号：1793
配列の長さ：513
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2041
配列：
GATCTGTAAT TTTAATTTTC ACCCTCTGTA CCCCATGACC TTATCCTTCC TCTCCTTCCT 60
TGTTACCCAT GAAAAACTGG CAACATTCCA AGAATAGCAT CTGTACAAAG GGGAAAGAAC 120

ATAAAGGTAA AACAAAACAA AACAACATTT TGAGAACAAA GATGACCATA ACCACTGAAG 180
GGAATCACAT CTTTTAAGAC AAATTCATAT TCTTTTATTT GTTATGGCAG ATGACAAGAT 240
GGTACAACCT TTATTCTTTT NCAAAATAAA ACAAAGGGCA CAGCATCTGT AGTCAGCCGA 300
CAACTATTNC GGCCTTTTGG GGGTNGGTCT NGCCGTACTT GTGATTTCGA TGGTACGTGA 360
CCNTNTTCTG GAAGGCTTGC CCCNTTGCCC GTGTACATAG GTGCATTGGT TNCTNTGGGA 420
GGGGCCCAAG NACTTTTNGG CNANNGTTGT ACTGGTATTG TNATGAAATT TNCGGTTGGN 480
CCTCTTGNNA NTTTTTTNTG CANGAANGNN GGN 513

配列番号：1794
配列の長さ：499
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2042
配列：
GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTCATGTAT GTCACCCGAC TTCGCAACAC TGGGGTTCAG 60
GTGACTCATA ACCATGTTGA GGATGGATTC CATGGAGCAT TTTCATTTCT GGGACTTAAA 120
ATTAGTCACA GACTTATAAA TCAGTATATT GAGTGGCTAA AGGAAAATCT ATAGTAAAAC 180
ATGTAGCTAT AACATATTTT AAAAATAAAA TCTGAAAACC TCAGAAAATT TGCATTAGAA 240
ATTGGTCTTT CTTAGAATGG TCTAGTTAAG TTCCACATGT AGCATAATTC TTAAATAGGC 300
ACTTTTCTGT TTTTTTTTNC TNACTGTGGG ATTTCATNNC AATTTTCTAC ATTGTCTATC 360
TGCTTTTNCT GNGATTTTCC NCTTACACTG TTAATCTNAT TTTAAAAAAA TGTACATNCC 420
NNGNANACNT TAANTTTGGG GAGTTNGGCT ACNANTTNAC GGTTGCCAGG GGGNTTAAAT 480
GGTGGGGCCA ATTTTTAAA 499

配列番号：1795
配列の長さ：483
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2043
配列：
GATCAAAGCG CCACTGCCCT GCACTTCCTG GGCCGCGTGG CAACCCGCTG NGCACAGCAT 60
GAGGCCAGGG NCCCAGAACA CAGTGCCTGG CAAGGCCTCT GCCCNTGGCC TTTGAAANAA 120
AGGCCAGCAG CAGATAACAA CCCCGGACAA ATCAGCGATG TGTCACCCCC AGTCTCCCAC 180
CTTTTCTTCT AATGAGTCGA CTTTNNGCTG GAAAGCAGCC GTTTCTCCTT GGTCTAAGTG 240
TGCTGCATGG AGTGAGCAGT AGAAGCCTGC AGCGGCACAA ATGCACCTCC CAGTTTGCTG 300
GGGTTATTTT AGAGAATGGG GGTGGGGAGG CAAAGAACCA GTGTTTAGCG CGGGACTACT 360
GTTCCAAAAA GANTTNCAAC CGNCCAGNTT GTTTGTGAAA CAAAAAAGTG TTNCCTTTTT 420
CAAGTTTGAG AACAAAAATT GGGGTTTTAA AATTAAAGTA TACCATTTTT TGCATTTGNC 480
AAA 483

配列番号：1796
配列の長さ：481
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2044

配列：
GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATT ACCTGCCCAT TCGTCAGGAC ACCCACCCAC 60
CCAGTGTTAT ATTCTGCCTC GCCGGAGTGG GTGTTCCCGG GGGCACTTGC CGACCAGCCC 120
CTTGCGTCCC CAGGTNNNNA GCTCTCCCCT GGGCCACTAA CCATCCTGGC CCGGGCTGCC 180
TNGTCTGACC TCCGTGCCTA GTCGTGGCTC TCCATCTTGT CTCCTCCCCG TGTCCCCAAT 240
GTCTTCAGTG GGGGGCCCCC TCTTGGGTCC CNTCCTCTGN CATCANCTGA AGACCCCCAC 300
GGCAAACACT GAATGTCACC TGTGNCTGCN GNCTCGGTCC ACCTTGCGGG CCGTGTTTGA 360
CTAAACTTNA ACTTCTTTTA ACGGTAATAT TTCCGGCAAA AATCCAATGG TTTGGGTTTT 420
GGTCTTTTAA CNTTGTAAAC GGTTGCAAAT CCAAATAAAA GCAATTAAAA AGTCAATGAA 480
A 481

配列番号：1797
配列の長さ：462
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2045
配列：
GATCTAAAAG GGTTTTCTTA GAAAGGGCAA TATTGTCCAA TGAAGTAAGC AGAAGGACTC 60
TGGGTTAGAA GCATCTGCAC AAAAACTGGT GAGACCTACT CTCCACTGCT CTGCAGCTGG 120
ATGGCTGATG GCAGGCTGAG CAGTGGGGAA GCAGGTTTTA ACAACAGGGA GTCCTTCCAG 180
GTCACTGTAT ATTGNGAAGA AACATAAAAC TATTGTCTGT TACATTCCGA GGTCAGCCTT 240
CTNCTTAACG TTTTATAATA TGCAAATNCC AGCTTCTGGA AAGCANGTAT CATCATGTAC 300
CAAATGCTTT ATACACCATC ACATTCATGA NTTTTTNAGC ATGGTCAGAN CTTGTGTAAA 360
TATGTCTCTT AGGATGATTT TGGGGGAGGA TGTGATTTAT TTTCCATAAT TTCCAAANTN 420
GCATTTTCCA TTTCAAAATA AGGNTAATCT NTTGGGGCCA AA 462

配列番号：1798
配列の長さ：448
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2046
配列：
GATCAGCCTG CAGCCATCCC CCGACCCTGC TGCTAGGCCA CGGTCTGCGC CCTGGGGCCT 60
CATCTCCCCC AGCCCACTTG TTTTCCCCCC TTTTATTCCC TAGGCCCTTT TCAGACTCCT 120
GGGCCCTTGG NNNCTCTTCT CCCATCTCCC TTCACAGGAT GACACCCTCC CATACCCCAT 180
AGCTGGGGCC AGCAGGTTCT GCTGAGGGTG GGGCTGGTGT AGGGACCCCC AAGAGACCCC 240
TGTCCTGTCC CTTCACCAGT CCTGGGGAGG CTGGGACTCC CCCTGCCACA AGCCTGGGCC 300
ACAGTTCACA TTCCACTGCT GGGAGAAGAA ACAGGCCGAG GCCCAANAGT GGCCTGCCCC 360
CGGGAGCCAA AGACCCNAGT GGCCACANTG GGATTAGGGT NGGGGAGGNT TGGNAGCGCT 420
NTTTTTATAA ATATTATACA TAAGGAAA 448

配列番号：1799
配列の長さ：448
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02047
配列：
GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTCACG CTGGCCATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
GTGGCACTTA CTCAAAAGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA TAATGGCATT ATTTGGGCCA 120
CTTGGAAAAC CCGGTGGTAT TCCATGAAGA AAACCACTAT GAAGATAATC CCATTCANCA 180
GACTCACAAT TGGAGAAGGA CAGCAACACC ACCTGGGGGG AGCCAAACAG GCTGGAGACG 240
TTTAAAAGAC CGTTTCAAAA GAGATTTACT TTTTTAAAGG ACTTTATCTG AACAGAGAGA 300
TATAATATTT TTCCTATTGG ACAATGGACT TGCAAAGCTT CACTTCATTT NNNNGAGCAA 360
AAGACCCCAT GTTGGAAAAC TCCATACCAG TTTTATGCTG ATTGATAATT TATCTACATG 420
CATTTCAATA AACCTTTTGT TTCCTAAA 448

配列番号：1800
配列の長さ：432
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02048
配列：
GATCTGAATT ATCTGGCACC CTCCTGAATG GAACCCCAGA GTACCTCCTG TGTGGAAGGG 60
TCCTGGATTT TCCCTAACAC CCACCCTCTC CCCCTTCAGC CATGCTGATG GCAGAGAAGA 120
TAAGAACTTG GAGCCCATTT CTCACTGGAG AGGAAAACTT GTCATCTGGC TTTGCGGAGA 180
AGGTTCCACC TTACGCTCGT AGTACATTAT CTTTACTATG TGCTAGGATA TCATATTTAA 240
AAGGACAAAA AAATGTAAAA TACTTGAATG AGCTTGTATT ATANCATTAA TATTATNNNG 300
NGTATCTGCT TTCCAGGCTG AAGTGATTCA TTCATTATTC TAGTCCTGCT TTAGTCCTTT 360
GTAATTTGTG GTAATTATGC TTTTCTTTTT AATACAAAAA AATGTATAAA ATTAAACACT 420
TGAAAAGGCA AA 432

配列番号：1801
配列の長さ：430
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02049
配列：
GATCCGNGCG AGGGCAACAG CGGNTCACCT ACAGCGCACT GTCGATGGCT GCACGAGTCA 60
CACCGGAGCC TGGGGCAAGA CAGTGATTGA ATACAAAACC ACCAAGACCT CCCGCCTGCC 120
CATCATCGAT GTGGCCCCCT TGGACGTTGG TGCCCCAGAC CAGGAATTCG GCTTCGACGT 180
TGGCCCTGTC TGCTTCCTGT AAACTCCCTC CATCCCAACC TGGCTCCCTN CNACCCAACC 240
AACTTTNCCC CCAACCNGGG AAACAGACAA GCAACCCAAA CTGAACCNNN TCAAAAGCCA 300
AAAANTNGGG AGACAATTTC ACATGGACTT TGGAAAAATA TTNTTTTCCT TTGCATTCAT 360
NTNTCAANCT TAGTNTTNTA TCTTTGANCA ACCGGANCAT GGCCAAAAAN CAAAAGGTGC 420
ATTCANCCTN 430

配列番号：1802
配列の長さ：428
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2050
配列：
GATCCCAAGG GAAAGATGAT TTGTATGTTA AAGTGACTGC ACAAGTAAAA GTCCAATGTT 60
GTGTGCATGA AAAGGATTCC TTGGTTATGT GCAGGGAATC ATCTCACATG CTGTTTTTCC 120
TATTTGGTTT GAGAAACAGG CTGACACTAT TCTCTTTGAT TAGAAAATAA ACTCATAAAA 180
CTCATAATGT TGATATAATC AAGATGTAAC CACTATAAAT ATGTAGAAGA GGNCGTTTTA 240
AAAGACCTTA AGCTGGCATT GTGAAGGAAC ACCATGGTAG ACTCTTTTTG TAAATGTATT 300
TTGTATTTAA TGAAATGCAG TATAAAGGTT GGTGANGTGT AATATANTTG TGTAAACAAA 360
TCCTGTTAAT AGAGAGATGT ACAGAATCGT TTTTGGTACT GTATCTTGGA AACCTTTGTG 420
AAAATAAN 428

配列番号：1803
配列の長さ：401
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2051
配列：
GATCAAAACC AAACTGTTCA ATGTGACAGT CTGAAAATTA TATACTCTAC TTCATTCATG 60
TTACACTTTT TTCTACTCCT TACCTGCTTT TACTAATGCA TTTATCCCCA AGAAAACATC 120
CAACAATATG GGACTAATTT GGAACAATAT CCAGCAATTG GTATTTAAAT AATTTACTGG 180
TTACAAAACA ATATTATGAC CAGACTCCAT TTTAGAAAAA ATTAAATCTG CATCGAAAAG 240
GGCCTTAAAA AATAGATTTC TAAAATCAAA ATCATGGTTG GCTCATGGGT GGGATTATTA 300
GTGTTCCTTA TAGTAGTTTG TCTGGATGTA CTTTCTGATT CTCCTGTAAT AAGCATGCAT 360
TGCTTTTGTA ATGNGGGAAT AATANACCAA TAAAAAGGAA A 401

配列番号：1804
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2052
配列：
GATCCGGCTG CAAAATTCAT ACCAACCAAC AAATAAAGGA AGATACAAAG TCTTATAGAC 60
ATCCGGAAAA AAGATTTTTA CCTGTGCTGG TCTATGATGT ATGTGGCAGT TGCTGTCTGC 120
AGTTTACAAT GTATTGTAAA TGAAGATTTT TTAAATTCTA TCTTGCTGNT TNNNNTNNAA 180
ATATAAGAAA CTGGTACTTG GTAAAGAAAT CTGTCCGTAA GTACCCCCAC AATCAGTCAA 240
ACTATATTTA AAGCCAGCCT GTTTTCAGAG TATGATGTCC TTTAATGTAA ACTCAAATAT 300
CAATATTTTA AATGTCCGGA TAATATTCTA GAGGTTTAAA AAATGGAAAT ATTTGANCTT 360
TCTATTGAAG ACAATAAAGG TACACAAGTC GTTAAA 396

配列番号：1805
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2053
配列：

GATCAAGAGC AGTGCTTCTC CATTTGTTTT GCAGAGAAAT GTTTTTCATT TCCCGTGTGT 60
TTCCATTTCC TTCTGAAATT CTGATTTTAT CCATTTTTTT AAGGCTCCTC CCCATCTCCT 120
TTCTTAAGGC ACTGTTGCTA TGGCACTTTT CTATAACCTT TTCATTCCTG TGTACAGTAG 180
CTTAAAATTG CAGTGATTGA GCATAACCTA CTTGTTTGTA TAAATTATTG AAATCCATTT 240
GCACCCTGTA AGAATGGACT TAAAAGTACT GCTGGACAGG CATGTGTGCT CAAAGTACAT 300
TGATTGCTCA AATATAAGGA AATGGCCCAA TGAACGTGGT TGTGGGAGGG GAAAGAGGAA 360
ACAGAGCTAG TCAGATGTGA ATTGTATCTG TN 392

配列番号：1806
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2054
配列：
GATCCTATTT GGTATGTTTT TGTCCACTGT TATGATTCAT CATGTATCTT ACAAGAGCCA 60
CTCAAGCAAG ACTCTGCTTC TATGTATGGT GAGGCCTTGT TGTTCTAGGC TAGAATAAAC 120
TCTTTGTATG CCTCAGTGAA TATGCCAGGT AAAATATATG CAGTCAAGAA TGAATTATTT 180
TTCTGACTAA AGTGTGTAGC AGTAAGTTCA AAATNGTGCC CTTGTTTTAA CAGTTTCTGT 240
CAACATCTTC TCATTTTTCC CTACAAAAAC ACCAGGGTGT ATTATAAGTA CTGCCTGTGA 300
GAATTTGCAC TTTATGTATT TGTGTGTGGG ATTTCTTGTG GTTTTAGCCA AATGAAGTGT 360
TATCNNTAAT AACCAGGTCT CTTCATAAA 389

配列番号：1807
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2055
配列：
GATCCAATTG ATGTATATGT TTATATACTG GGTTCTTGTT TTATATACCT GGCTTTTACT 60
TTATTAATAT GAGTTACTGA AGGTGATGGA GGTATTTGAA AATTTTACTT CCATAGGACA 120
TACTGCATGT AAGCCAAGTC ATGGAGAATC TGCTGCATAG CTCTATTTTA AAGTAAAAGT 180
CTACCACCGA ATCCCTAGTC CCCCTGTTTT CTGTTTCTTC TTGTGATTGC TGCCATAATT 240
CTAAGTTATT TACTTTTACC ACTATTTAAG TTATCAACTT TAGCTAGTAT CTTCAAACTT 300
TCACTTTGAA AAATGAGAAT TTTATATTCT AAGCCAGTTT TCATTTTGGT TTTGTGGTTT 360
TGGGTTAATA AAACAATACT CAAATAAA 388

配列番号：1808
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2056
配列：
GATCTTTTCC ACCAGCACCC AGAGTGTCCT CTTTCTGGGC AAGGTCGTCG ACCCCACGAA 60
ACCATAGCCC TCCCAGGGCT GCTCATCTGT TCCAAGCAGG AGGATGTGGC AGGGGAGGGC 120
TGGGAGTGAG TAGCTCTGTG TTTAGAGTTG GGGACAAGGA TGACACCGAA GTCCAGGAGT 180

CCAGGACAGC AGGTGCTGGC CGGTGGGGAG CGGGGAGGGG CACTGAGATG GGCAGGGCCT 240
GGACATTCCA CACCCTGGTG CTGTGCAGCC TCTGGCAGAG CATCCGACCT CTTGGAGCAA 300
GTTTCTGCCT CTGGAAAGGG GGCGGGCCCT TTTCACAACA GGCTGGTTTG TACCGAGTAA 360
ACAACACGNT GCCATGAAA 379

配列番号：1809
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2057
配列：
GATCCTAGGG GGTTTTGTTT GGTTTTNAAT TGTGAGGAAT AAAAAATNTT CTGCCCACAC 60
TGGCATTTTA AGGTGACTGA GGTCAAACGT TGTTTCCTTA GGTTGAAATA GCAGCCAAAA 120
CATTCTTNAC GCAGGGGCTT GGGATATGGC TGCTGGCAAC ACATTTTGTT GTGGGCTCCT 180
TAATTTAATG ATAAAATTTA AGCTAAACAC AAGCCAAAAA TGAATAGGTT TTTTNAATTT 240
TNATTTTTCA CTAAACAGGC AATTGAAATA CATGGTACAA AAATAAGTGG TAAGATAATT 300
GTAAAATGGA AATGGGCAGA NTATTCAATT TTCCATCTAT GNAAATTTTC NCATTAAAAC 360
TCATAGNTTT CTTTGNAAA 379

配列番号：1810
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2058
配列：
GATCNGTTCA GCCCTGAAAA GTCCAAACTC CCAGGTATTG TTGCAGAAGG NCGAGATGAC 60
CTCTATAAAT CAGATGCATT CCATAAGGCA TTTNTTGAGG TAAATGAAGA AGGCAGTGAA 120
GCAGCTGCAA GTACCGCTGT TGTGATTGCT GGCCGTTCGC TAAACCCCAA CAGGGTGACT 180
TTCAAGGCCN CCNGGCTTNA AAAAGTTTTT ATAAGAGAAG TTCCTCTGAA CACTATTATC 240
TTCATGGGCA GAGTAGCCAA CCCTTGTGTT AAGTAAAATG TTCTTATTCT TTGCACCTCT 300
TCCTATTTTN GGTTTGTGAA CAGAAGTAAA AATAAATACA AACTNNTNNC ATCTCAAA 358

配列番号：1811
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2059
配列：
GATCGTTTCT NATCTCNAAG TNCCTCATTG AGNTCGGTGC ATCTGGCCAN TGAGTCTGCT 60
GAGACTCTTG ACAGCACCTC CAGCTCTGCT GCTTTCAACA ACAGTGACTT GCTCTCCAAT 120
GGTATCCAGT GATTCGTTGA AGAGGAGGTG CTCTGTAGCA GAAACTGAGC TCCGGGTGGC 180
TGGTTCTCAG TGGTTGTCTC ATGTCTCTTT TTCTGTCTTA GGTGGTTTCA TTAAATGCAG 240
CACTTGGTTA GCAGATGTTT AATTTTTTTT TTAACAACAT TAACTTGTGG CCTCTTTCTA 300
CACCTGGAAA TTTACTCTTN GAATAAATAA AAACTCGTTT GNCTTTGNCT TCTGCAAA 358

配列番号：1812
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02060
配列：
GATCTATACT AGATAATCCT AGATGAAATG TTAGAGATGC TATATGATAC AACTGTGGCC 60
ATGACTGAGG AAAGGAGCTC ACGCCCAGAG ACTGGGCTGC TCTCCCGGAG GCCAAACCCA 120
AGAAGGTCTG GCAGNNNTCA GGCTCAGGGA GACTCTGCCC TGCTGCAGAC CTCGGTGTGG 180
ACACACGCTG CATAGAGCTC TCCTTGAAAA CAGAGGGGTC TCAAGACATT CTGCCTACCT 240
ATTAGCTTTN CTTTATTTTT TTAACTTTTT GGGGGGAAAA GTATTTTTAA GAAGTTTGTC 300
TTGCAATGTA TTTATAAATA GTAAATAAAG TTTTTACCAT TAAA 344

配列番号：1813
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02062
配列：
GATCCAGTAG TAGAGACATC ATCGGTCCAA AAGACTTTGC ATCTCATTAG TTGTCCATAG 60
TGACTACCAG GAGGTGGCTG GCATCTATAA CGTGTGGGAC GTTTTTATGT AAAGAACTGC 120
CTGTGTTTTT TTTTTNAACC AAAGACACTG NCCATAGATT GACTTATACT TTTATAAGTC 180
TAATTGAAAT ACTTGGGGTA CTATGAAAGG NCTGTNCCTT GNGTGGCTAC GATTAGAAAA 240
TCAGGNCTAA CAAACTTTTC TTTGTCTGGA NGCATATATA TTTGTGATAT AATTTNAATA 300
TGTATAATTT TGGTTTAATA AATCAAATCT ATGCCAAA 338

配列番号：1814
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02063
配列：
GATCCATAGA ATGGATACTG GGAGACAATT AGTAGACTTT GCTACAGGTA GCCAATAGCC 60
CAGCCTGCAG AGTCACGTCA GATATGAAAT CCCAAAGTTC CTCCTGACTA TTGGCAACAA 120
CAATCACTAA CTGCTACTAC AAAAAGGTAA AACAAAAATG AACTTACACT TTCAAAATAT 180
CATTCATGTA TATTAAACAA ATACTTCTTG AGTGTCTACC CAGTGCCAGA CAGTGGTCTA 240
GGTTCTGGGA GGTACAGCAT CGTGGGCCAC ATGGTTAGAA GCTGAGTGTT CCTAACAAGG 300
AGGCTGATTT TGCTGCTCTA CTTTGCACTG GTTAAA 336

配列番号：1815
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02064
配列：

GATCTGGATG TGGATGATGC GCCTGGAAAC AGTCAGCAGG CAACTCCGAA GACAACGAGA 60
TAAGCACCTT TCACAACCTC GGGAACGTTC ATTCCCCGCT GAAGCTTCTC ACCAGCATGG 120
CCATCTCGGT GGTGTGCTTC TTCTTCCTGG TGCACTGACT GCCTGGTGCC CAGCACATGT 180
GCTGCCCTAC AGCACCCTGT GGTCTTCCTC GATAAAGGGA ACCACTTTCT TATTTTTTTC 240
TATTTTTTTT TTTTNGTAAN CCGGNANACC TCCTCCAGCC ATGAGGNNGG GGNNTANCCA 300
NGTGTNATGT TTNGGAAANN NAAATGGNAT CTTTN 335

配列番号：1816
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2065
配列：
GATCCATGTG TAATATCACA AGAAATTATG GAAAAATATA ACATAAAATT AAAGTGGACA 60
AACCAACAAA AGCTTTATTC AAGAACAGGT GACATAGTTG AATTTGTTTG TAAATCTGGA 120
TATCATCCAA CAAAATCTCA TTCATTTCGA GCAATGTGTC AGAATGGGAA ACTGGTATAT 180
CCCAGTTGTG AAGAAAAATA GAATCAATGG CATTACTATT AGTAAAATGC ACACCTTTTT 240
CTGAATTTAC TATTATATTT GTTTTCAATT TCATTTTTCA AGTACTGTTT TACTCATTTT 300
TATTCATAAA TAAAGTTTTG TGTTGATTTG TGAAA 335

配列番号：1817
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2066
配列：
GATCTTGATG CGGGACTTCA GTCCTAGTGG CATTTTCGGA GCGTTTCAAA GAGGTTACTA 60
CCGNNACTAC AACAAGTACA TCAATGTGAA GAAGGGGAGC ATCTCGGGGA TTACCATGGT 120
GCTGGCATGC TACGTGCTCT TTAGCTACTC CTTTTCCTAC AAGCATCTCA AGCACGANCG 180
GCTCCGCAAA TACCACTGAA GAGGACACAC TCTGCACCCC CCCACCCCAC GACCTTGGCC 240
CGAGCCCCTC CGGNNGGAAC ACAATCTCAA TCGTTGCTGA ATCCTTTCAT ATCCTAATAG 300
GAATTAACCT CCAAATAAAA CATGACTTGG TAAA 334

配列番号：1818
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2067
配列：
GATCCAAACA TGAAAGCTGG AGCTACAAGT GAAGGCGTTC TGGCAAATTT CTTCAACAGT 60
TTGTTGAGTA AAAAGACTGG CTCTCCAGGA GGCCCTGGTG TGAGTGGTGG TAGCCCTGCA 120
GGTGGGGCTG GAGGTGGAAG CAGTGGTTTA CCACCATCCA CCAAAAAGTC AGGCCAGAAG 180
CCTGTCTTAG ATGTTCATGC AGAACTAGAC AGAATTACAC GAAAACCAGT TACAGTTTCT 240
CCCACAACAC CTACATCTCC TACGGAAGGA GAAGCTTCTT GAAGATACCA AATAAAGCCA 300
TTTATTCTGT TTTCTGGGNT AATGTAAA 328

配列番号：1819
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2068
配列：
GATCGGGGCT GCTTATGCCT TTCGTTTATC CTTGGGGTTT GAGAGCGCTG TATTTGGGAG 60
AGAGTTTAAA AATACATTAG GAGAGAGAAA CCATTAAAAG TTTCACTGTC AGAGATATTG 120
TAGGTGCTAA TACTGGATTT CGTCTCANAT TTAATTTCTT TNATGGGTCT GTTAGTCATT 180
CANCAAATCC CATAAGTATG TGTTAATATT TNAATTGTGT AAAACTCATT TGTTACTTTA 240
CAGCCTGTAA TAGTGTGTCT GCATTTNCAA CCTGTTGCAA TAACTTTNCT GAAATATTAA 300
CACATTAATA AAACTTTTCT TAAACAAA 328

配列番号：1820
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2069
配列：
GATCAGAGAA GAGGCTACTG GGGGAGAATT CAGTGCCCCC TTCGCCCTCT AGGGNGCAGA 60
CCTCCACTGC CATTGTCCTG TNAGCCGCCA AANACCCCAC GGGGTGCCCG CATGTCCCTG 120
TCTANNNGCA GCCCAGGGCC CCCACTCCTG GCTCCTNACA CTTGCCTCCC CTATGGCCGC 180
TCTCCAGACC CTCCTCCTTT CTTCTCCCCA CATCCGCACC TGCTGTTCCC ACTCTGGGGT 240
TCTCAAGTCC ATGAACAGAT ATTGTTGCAT TTTCCACAAT GCTGATTAAA CATAATAAAC 300
AATCCAGAAA AGCAGTTTTG CCCAGAAA 328

配列番号：1821
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2070
配列：
GATCCAAAAG CCAGTCTCAG GAGTTTACCC CTGGGATGGG GGATGCATCT NCACCTGACT 60
TTGGGGCCAC GTGCCCTGTG GCACCCCAGC TCACTGGGAG TCTCAGGAGG GATAACCGGA 120
TTTNTGCTCT TTCCCCTGTC ACTCCCACAT CACACAGAAA AATGGCATTC CTCTCTGTCT 180
CTCCCTGGCA TGGAGAGGGC AGACTGTGCA CATTTCACTA GGGTCCAAAT ACAGAAGGGC 240
CCAGGGCCCA GGGGCTTGCA GCTTCGTGAG GGGTCTCTGG CCCAGTTTCC AATGAATAAA 300
GTTCTCTTGA CAGCTCAAA 319

配列番号：1822
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2071

配列：
GATCATCAGA TGGTCGAGTA CTCTTGGAAT GTCTCTTTGC TGTTTACTGT GGCCTCTTTA 60
CAATGGTGAG ACTTATTTCT ACCCTCTACT TTCCACTATT ATTNTTTTCC CCTATTGGAT 120
AATACTAGTC TGAGCAGCCC TAATACTAGA TGTACCTAAA CAGAGATACA AGCCAAGTCA 180
TTGTTCAGTG TAGTCATTTC TTAGTATCTG TTTATATTTT GTCACACATC AGAATGTATA 240
TTTTATAGAG CATGTGTTTG TCTACTNGTT TGTCTACTAT AATATGTCTT TAATAAAGCT 300
AAAANCATTC TGAAA 315

配列番号：1823
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2072
配列：
GATCGCTTTT TTGCCGCTCA TATTTGAATG CATTGGGTTT CCTGGACCAG CTATTTGCAC 60
AAGACTAGGG GGAGGTTGAG GGTTGGCATA GCAGGCAGGG GCTGGGATAG ACATTCAACC 120
TAGCTNNNNT TCATGCTCTT AAGGCTTTAT TTTTCTAGAA TGCCAAGAAA CCAACTTTCT 180
TTAAACATGA CTCATCTCTT CGATTTTCTT GTATAGGTCT TCCTCCCACC CCAAATCTAC 240
ACTTGTTAGA AACAGAATAA TTACCTTTGC TTACTCCATT ATCAACACTT GGAGATAGAG 300
ACTTTACACT TCAGN 315

配列番号：1824
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2073
配列：
GATCGAAAAG GGACCCTGCT TCCAATTTCC CTCTTCCATT CCTCGAGCTA CTCCAGGGCT 60
TAGAAGAATG CTCTTGGTCT GTGGGTCCAG TGTTGTCTGT CATCCATTTA AGTGTTCCCA 120
CTTTCAAGTG ACAATCCTCT CCTTGGCCCT GCCATAGGGC AGAGCATGTN TGGCATAGCA 180
GCCTGACTTT NATGCCCTAA TCTTGAGTTG AGGAAATATA TGCACAGGAG TCAAAGAGAT 240
GTCTTTATAT CTGACTGTAT ATAAATGAAG TTTTTTNGTT TTTTTNGTTT TCCTTTTTGG 300
TGCAATAAAG TTTGTTTTGG CAGAAGGAGA AA 332

配列番号：1825
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2074
配列：
GATCAAGGCG CGGACGCTAT CTACGACCAC ATCAACGAGG GGAAGCTGTG GAAACACATC 60
AAGCACAAGT ATGAGAACAA GTAGTTCCTT GGAGGCCCCC ATCCAGGCCA GAAGGACCAG 120
GTCCACCCAG CAGCTGTTTG CCCAGAGCTG GAGCCTCAGC TTGAAGATGA TGCTCAAGGT 180
ACTCTTCATG GACCACCATT CGCTGTTGGC AAGAAACGGC TTTACTTACA AAACAGACTC 240
TTTACCTTCT GCTGTGTTTG AAGTATGTTT AGTCAGCATG CTCAGGAAAT AAATGTGAAT 300

TGCCCTTGAA A 311

配列番号：1826
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2075
配列：
GATCTAGTGT TTGGAACGGA CGTTACCTGC TGGTTTGTGC ACAACAGTGG AAAAGGATTC 60
ATTGACGGGC ATTACAAGGA TTACTTCGTG CCTNAGCTCT ACAGCTTTCT CAAACGGCCT 120
TAAAGGTTTA TAGTTTGGGA AATTATATAT TATTATACAT CTTTCCCCTG TCACTTTTGC 180
AGATATTCTT CGGTNCCNAT AATTAAAATG AACCAGATAT CAGGGTGGTT AATTAAAATG 240
AACCAGATAT CAGGGTGGTT TATAAAGCCT GTAAACACAC CTNAGAAAAT ANACATTTTA 300
CANATGAAA 309

配列番号：1827
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2076
配列：
GATCATGAAT AACTGATTAG TAAGTCTTGC CTATATTTTC CTGATAGCAT ATGACAAATG 60
TTTCTAAGGT AACAAGATGA GAACAGATAA AGATTGTGTG GTGTTTTGGA TTTGGAGAGA 120
AATATTTTAA TTTTTAAATG CAGTTACAAA TTATAATGTA TTCATATTTG TACTTTCTGT 180
TAAAATGCAT GATTGCAGAA TTGTTTAGAT TTTGTGTTTA TTCTTGATGA AAAGCTTTGT 240
TTGTTCTTGT TTTTAAGTTT GCACTCAAAT CTTAAGAAAT AAATCCACCC ATGTTATCAA 300
A 301

配列番号：1828
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2077
配列：
GATCAGTGAA CTCTGGTTTT AAGATAATCT GAAACAAGGT CCTTGGGAGT AATAAAATTG 60
GTCACATTCT GTAAAGCACA TTCTGTTTAG GAATCAACTT ATCTCAAATA GTAACTCGGG 120
GCCTAACTAT ATGAGATGGC TGAAAAAATA CCACATCGTC TGTTTTCACT AGGTGATGCC 180
AAAATATTTT GCTTTATGTA TATTACAGTT CTTTTTAAAA CACTGGAAGA CTCATGTTAA 240
ACTCTAATTG TGAAGGCAGA ATCTNTGCTA ATTTTTCAGA TTAAAATTCT CTTTGAAA 298

配列番号：1829
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2078

配列：
GATCCCTTAT CCAACATGGT TCTAACCTTC AGTACTAAAG AAGATGCAGT TTCCTTTGCA 60
GAAAAAAATG GATGGAGCTA TGNCATTGAA GAGAGGAAGG TTCCAAAACC CAAGTCCAAG 120
TCTTATGGTG CAAACTTTTC TTGGAACAAA AGAACAAGAG TATCCACAAA ATAGGTTGGC 180
ACTGACTATA TCTCTGCTTG ACTGTGAATA AAGTCAGCTG TNCAGTATTT ATAGTCCATG 240
TATAATAAAT ACATCTCTTA ATCTCCTAAT AAATTGGACC TTTAAACTAC AAA 293

配列番号：1830
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2079
配列：
GATCANNATT TGAAAAGGNT TTCTAGAAAT TNGGGGTAAG AAGTACTACC AAAATGTAAC 60
TNCTAATCAA GGGTGATGCA CAGCAAAAGC AATGGACCCC ATCCCTCTAA AGCCTGCCCT 120
CCTTTGCCTT CAACTGTATA TGCTGGGTAT TTCATTTGTN TTTTTATTTT GGAGAAAGCG 180
NTTTTAACTG CAACTTTCTA TAATGCCAAA NTGACACATC TGTGCAATAG AATGATGTCT 240
GCTCTAGGGA AACCTTCAAA NGCANTAAAA ATGCTGTNTT GAAATGCCAA A 291

配列番号：1831
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2080
配列：
GATCTGGGCC TGAATAAGGG TTATCGAATG GTGGTGAATG AAGGTTCAGA TGGTGGACAG 60
TCTGTCTATC ACGTTCATCT CCATGTTCTN GGAGGTCGGC AAATGCATTG GCCTCCTGGT 120
TAAGCACGTT TTGGGGATAA TTTTCTCTTC TTTAGGCAAT GATTAAGTTA GGCAATTTCC 180
AGTATGTTAA GTAACACACT TATTTTTGCC TGTNTATGGA GAGATTCAAG AAATAATTTT 240
AAAACCGCAT ACATAATAAA AGACATTGTT GCATGGCTTA TAGTCAAA 288

配列番号：1832
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2081
配列：
GATCCAGCCT TAATNTTTTT CTGACATCCT AGTAATAGCA GACCCTGCAC AAAGTGGATA 60
TCAGACTTAA TACTGTNAGG AGACAAAATA ATGAGAATAG TTTTACCAAA GATAATNAAA 120
TCTCGCATCA TGTCTGCATT TTACCATAGA TTGGAGTGCA TCCTTAGGAA ACTGAATGTA 180
ACAAAAACCC AGGACATTTT TGGAAATTGT ATGCTCTCTA GCAACTTTGT GTGAATTTTT 240
ATACAAACAC TGTTCTATGA GTTATATAAA ATGTTATAAA ACTAGAAA 288

配列番号：1833
配列の長さ：285

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2082
配列：
GATCCTGAGA ACTTCAGGCT CCTGGGCAAC GTGCTGGTCT GTGTGCTGGC CNNNCACTTT 60
GGCAAAGAAT TCACCCCACC AGTGCAGGCT GCCTATNAGA AAGTGGTGGC TGGTGTGGCT 120
AATGCCCTGG CCCACAAGTA TCACTAAGCT CGCTTTCTTG CTGTCCAATT TCTATTAAAG 180
GTTCCTTTGT TCCCTAAGTC CAACTACTAA ACTGGGGGAT ATTATGAAGG GCCTTGAGCA 240
TCTGGATTCT GCCTAATAAA AAACATTTAT TTTCATTGCA AGAAA 285

配列番号：1834
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2084
配列：
GATCTCATGG GCTTTCCCTG GAGGAAAGGT TTTTTTTGTT GTTTTTTTTT NAAGAACTTG 60
AAACTTGTAA ACAAGAGATG TCTGTAGCTT TTTTNCCCAT CTGTAGTGTA TGTNAAGATT 120
NCAAAACCTG AGAGCACTTT TCCTTTGTTT AGAATTATGA GAAAGGCACT AGATGACTTN 180
AGGATTTNCA TTTTNCCCTT TATTGCCTCA TTTCTTGTGA CGCCTTGTTG GGGAGGGAAA 240
TCTGTTTATT TTTNCCTACA AATAAAAAGC TAAGATTCTA AA 282

配列番号：1835
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2085
配列：
GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTGCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TGAAGGTGAC 60
TTCCATCCAG GACTGGGTTC AGAAGACCAT AGCTGAGAAC TAATGCAAGG CTGGCCGGAA 120
GCCCTTGCCT GAAAGCAAGN CTTCAGCCTG GAAGAGGGCA AAGTGGACGG GAGTGGACAG 180
GAGTNGATGC GATAAGATNN GGTTTGAAGC TGATGGGTGC CAGCCCTGCA TTGCTGAGTC 240
AATCAATAAA GAGCTTTCTT TTGACCCAAA AAAANTAAA 279

配列番号：1836
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2086
配列：
GATCCATAGT GCTACCTGCA CCTCTGGATT CTGGATTCAC AGACCAAGTC CAAGCCCGTT 60
CTTACGTCGC CATAAAGGCC CCCGAACGGC ATTCTCGGTA CTTCTGTTTG TTTTTGTACA 120
TTTNATTAGA AAGGACTGTA AAATAGCCAC TTAGACACTT TACCTCTTCA GTATGCAAAT 180
GTAAATAAAT TGTAATATAG GAAATCTTTT GTTTTAATAT AAGAATGAGC CTGTCCAATT 240
TCTGCTGTAC ATTATTAAAA GTTTTTATTC ACAAA 275

配列番号：1837
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02087
配列：
GATCCGAAGA GGAACTCCTG GTCATCTTTA ACAAGAAAAT CAGCAAGAAC CCTACCTTTA 60
AGTTATTAAA GGACAAAGTC AAGCTTGTGA AATGAACATT TGTGTATTTA AAANTTGAAT 120
CCATTCTGCT GACTTCTTAC TTTCACTGCT GTTTATAAAA TGTGTAATGA ATTCTAACAA 180
CTCAAATTTT GCTTTTTGAC GCNGTATTTT TANGTTANGN AAATATATTT NTGGTATAAC 240
TTTTATGCGA NAAATAAAAT ATATTCTGN 269

配列番号：1838
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02088
配列：
GATCTCATTG TTTATTAACC TGTATTCTGT TTACATGTCT TTAAAACAGT GGTTCTTAAA 60
TTGTAAGCTC AGGTTCAAAG TGTTGGTAAT GCCTGATTCA CAACTTTGAG AAGGTAGCAC 120
TGGAGAGAAT TGGAATGGGT GGCGGTAATT GGTGATACTT CTTTGAATGT AGATTTCCAA 180
TCACATCTTT AGTGTCTGAA TATATCCAAA TGTTTTAGGA TGTATGTTAC TTCTTAGAGA 240
GAAATAAAGC ATTTTTGGGA AGAATAAA 268

配列番号：1839
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02089
配列：
GATCTATCTA AATATATTAA GTAAAATTAC ACCATTCACT TGTTGGGAAA ATAATCTTTG 60
GTTTGGAAGA TATTAACATA ATGGGCATCT TAGAATCATA AATCACATGA AATGAGAGAC 120
AATGCAATAT TGTATAATTC CTGGATGATG CAATTGTTTT AATTGANTTT TCAAGTGCCA 180
TTATAAAGTT TTAAAAATTA TCAATATGAG TTGGTGCCTA ATTTTTNNTT TCCTAAAAAT 240
AAAATTTTTC CTTTTTATGA GTAAA 265

配列番号：1840
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02090
配列：
GATCATAAAA CCTTCATTCC ATAGGTACCC TTTATCCTCA CAGATACAGA GACACCAAGA 60
AGAATCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGTT CTCCACAGTT TATTACCATT AGATTATGTC 120

CTTTTGTNCT CTGATTATAC TTCTGCATAA GACTGTACAT AAAANTACAC AAGTTTTCCT 180
ATTTNTTTTT TGTCTTCATT TCTGAAGATT CCTGTCATGT AAAACTTACA GTAAATAAAT 240
GTGTGTGCTT TTNTCAATAA A 261

配列番号：1841
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2091
配列：
GATCAGGTTA GGGCGAGCGC TACCTCTCCA GCCTCAGCTC TCAGTTGCAG CCCTGCTNAT 60
GCCTGCTTGG ACTTGGCCCC TGCCACCTCC NGCCTCAGGT GTCCGCTATC CACCAAAAGG 120
GCTCCCTGAG GGTCTGGGCA AGGGACCTGC TTCTATTAGC CCTTCTCCAT GGCCCTGCCA 180
TGCTCTCCAA ACCACTTTTT GCAGCTTTTT CTAGTTCAAG TTCACCAGAC TCTATAAATA 240
AAACCNGACA GACCATGAAC AAA 263

配列番号：1842
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2092
配列：
GATCAGAAAG AAACCTTTTG TAGCAATATC AAGAATCTAG TTTCATCTGA GAACTTCTGA 60
TTAGCTCTCA GTCTTCAGCT CTATTTATCT TAGGAGTTTA ATTTGCCCTT CTCTCCCCAT 120
CTTCCCTCAG TTCCCATAAA ACCTTCATTA CACATAAAGA TACACGTGGG GGTCAGTGAA 180
TCTGCTTNAN NATCCTGAAA GTTTCTGGGG CTTAAGATTC CAGACTCTGA TTCATTAAAC 240
TATAGTCACC CGTGTCCTGT GAAA 264

配列番号：1843
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2093
配列：
GATCAAATGT CACACAGCAG TTTCCTTGCA ACACTTTCAG CTCCCCATGC TCCAGAATAC 60
CCACCCAAGA AAATAATAGG CTTTAAAACA ATATCGGCTC CTCATCCAAA GAACAACTGC 120
TGATTGAAAC ACCTCATTAG CTGAGTGTAG AGAAGTGCAT CTTATGAAAC AGTCTTAGCA 180
GTGGTAGGTT GGGAAGGAGA TAGCTGCAAC CAAAAAAGAA ATANATATTC TATAAACCTT 240
CAGAAA 246

配列番号：1844
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2094

配列：
GATCTGTGTG CATGTNTGTG TTTGTGTATA TATACATATC TAGGGCTAGT ACTTAGTTTC 60
ACACCCGGGA GCTGGGAGAA AAAACCTGTA CAGTTGTCTT TCTCTNATTT TNAATAAAAT 120
AGAAAAATCG CGCACTTGCG GTCCCCCCCC CACCCCCTTT TTTAAACAAG TGTTACTNNN 180
NCCGGGAAAA TTTTNCTGTC TTTGTAATTT TAAAACTTTA AAATAAATTG GAAAAGGGAG 240
AAA 243

配列番号：1845
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2095
配列：
GATCTAGTGA ACATTCGACC TCCATTACGG AGAGTTTCCT ATGTTTCACT GTGCAAATAT 60
ATCTGCTATT CTCCATACTC TGTAACAGTT GCATTGACTG TCACATAATG CTCATACTTA 120
TCTAATGTTG AGTTATTAAT ATGTTATTAT TAAATAGAGA AATATGATTT GTGTATTATA 180
ATTCAAAGGC ATTTCTTTTC TGCATGTTCT AAATAAAAAG CATTATTATT TGCTGAGAAA 240

配列番号：1846
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2096
配列：
GATCTAAGCA GCGTTCCCAC AGCCCCCTCT AGATTCTTGG AGTTCCGCAG AGCTTACTAT 60
ACGCGGTCTG TCCTAATCTT TGTGGTGTTC GCTATCTCTT GTGTCAAATC TGGTGAACGC 120
TACGCTTACA TATATTGTCT TTGTGCTGCT GTNTGACAAA CGCAATGCAA AAACAATCCT 180
CTTTCTCTCT CTTAATGCAT GATACAGAAT AATAATAAGA NTTTCATCTT TAAATGAAA 239

配列番号：1847
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2097
配列：
GATCCATCCT CTCTCCTAGC TGAGTAAATC CGGGTCTCTA GGATGCCAGA GCAGCGCACA 60
CAAGCTGGGA AATCCTCAGG GCTCCTACCA GCAGGACTGC CTCGCTGCCC CACCTCCCGC 120
TCCTTGGCCT GTCCCCAGAT TCCTTCCCTG GTTGACTTGA CTCATGCTTG TTTCACTTTC 180
ACATGGAATT TCCCAGTTAT GAAATTAATA AAAATCAATG GTTTCCACAA A 231

配列番号：1848
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2098

配列：
GATCCAAAAT GCTGACAGGT TCAAACAAAA TTGGAATTGA AAATCAGAGT GCGTTCAAGA 60
GTATCAAACA ATACTATCTT GTTACTTGCT TATTACCTTA GTAGACTGGA AGCAACACTT 120
CACACAAAAA AAGGGTTTGG ATGTAATTTC GGATAAGAAG AGATGTTTCT GTAAAGTCTT 180
TCCTGAGANG CATATTATTT GAGAAAAACA CATATTTCTG TTTTTAGTAA A 231

配列番号：1849
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2099
配列：
GATCTACCAT GTAAAATGTT GTAGAGATAG AGCCATATAA CGTCACGTTT CAAAACTAGC 60
TCTACAGTTT TGCTTCTCCT ATTAGCCATA TGATAATTGG GCTATGTAGT ATCAATATTT 120
ACTTTAATCA CAAAGGATGG TTTCTTGAAA TAATTTGTAT TGATTGAGGC CTATGAACTG 180
ACCTGAATTG GAAAGGATGT GATTAATATA AATAATAGCA GATATAAA 228

配列番号：1850
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2100
配列：
GATCTACCGG CCCCGCTGGG GTGCCCTTGG GGACTACCTC TCCTTCACCA TACCCCTGGG 60
CACCCCCTGA CAACTTCTGC ACATACTGGG GCCCTGCTTA TTNTCCCAGG ACAGGCTCCT 120
TAAAGCAGAG GAGCCNGTNC TGGGAGCCCC TTCTCAAACT CCTAAGACTT GTTTTCATGT 180
CCCACGTTCT CTGCTGACAT CCCCCAATAA AGGACCCTAA CTTTNGGNNN TNNAAA 236

配列番号：1851
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2101
配列：
GATCTATGGT TTCTGCCTAC CCAGGATAGT CTTGTCTCTA GACAATGTAT TGATGATGCA 60
AATGTTCTGG AACTAAATAG TGGTGATGGT GGCACAACAC TGTGAATGTA CTAAATGTCA 120
CTGATTTGTA CGTATTTAAT ATGAATTAAA TGTTAAAATG GTGAATTATA TTTATGTATA 180
TTTNACCATA ATAAAAATAT GCATTGGAAG ATGCATTTTT TGTGAAA 227

配列番号：1852
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2102
配列：

GATCTTTGGA CCAGTTTCTA GCAAAGTTGT GTTTGAAAGA TACTCTATTA AAGAAGACTG 60
TGGAATCTTT TTATCGGTGC CCATTATATC CTTAAGTTTG GATATTTAGC TGACCTTCGC 120
TTTAACATAG GTCTAATTTA TTTGCCGTGT CATTTTCCAT ACAAATCAGT TGATTTAAAA 180
AAGTTCATTT CTCATACTGT GCATTAAAAT AAAAATTTGA ACAATTAAA 229

配列番号：1853
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2103
配列：
GATCTCCTGT TTTTTTCAGG CTCCTAAAGT AACATCAGCC ATNTTTNAGA TTGGTTCTGT 60
TTTCGTACCT TCCCACTGGC CTCAAGTGAG CCAAGAAACA CTGCCTGCCC TCTGTCTGTC 120
TTCTGCTAAT TCTGCAGGTG GAGGTTGCTA GTCTAGTTTC CTTTTTGAGA TACTATTTTC 180
ATTTTTGTGA GCCTCTTTGT AATAAAATGG TACATTTCTA TAAA 224

配列番号：1854
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2104
配列：
GATCAAGGCC GGACCCCACT GCCCCACTGC CCAACTGATA GCCACGCTGA NNGAATGGAA 60
GGAAAATTTG CTTGGACCTG CAAGCCCCGC TGTACAAGAA AATAATTAAG AAACTTTTGG 120
AGAGTTAGCT ACTAGCTGCC TACGTGTGTN CATTTGCTAT ATAGCATACT TCTTTTTTCC 180
AGTTTCAATC TAACTGTGAA AGAACTTCTG ATATTTTGTG TTN 223

配列番号：1855
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2105
配列：
GATCCTAGTA ATTGCCTAGA AATATCTTTC TCTTACCTGT TATTTATCAA TTTTTCCCAG 60
TATTTTTATA CGGAAAAAAT TGTATTGAAA ACACTTAGTA TGCAGTTGAT AAGAGGAATT 120
TGGTATAATT ATGGTGGGTG ATTATTTTTT ATACTGTATG TGCCAAAGCT TTACTACTGT 180
GGAAAGACAA CTGTTTTAAT AAAAGATTTA CATTCCAAAA AAACAAA 227

配列番号：1856
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2106
配列：
GATCTATACA AAGTCTTTGA GAGGTGTTAA ATATGGTTAT TTATGCACTG TGGGATGTGT 60

TCTTCTTTCT CTGTATTCCG ATACAAAGTG TTGTATCAAA GTGTGATATA CAANGTGTAC 120
CAACATAAGT GTTGGTAGCA CNTAAGACTT ATACTTGCCT TCTGATAGTA TTCCTTTATA 180
CACAGTGGAT TGATTATAAA TAAATAGATG TGTCTTAAA 219

配列番号：1857
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2107
配列：
GATCAAGAAA GACAAAAAGC CAGCCTGCAG CAAGCACTTT GGAGAGCAAA TCTGNAAAGA 60
GAGTAACGCG GAGTGTCAAG AGGTGTGCAG AAAATCCAAA GAAGGCTGAG GACAATGTGT 120
GTGTCAAGAA AATAAGAACC AGAAGTCATA GGGACAGTGA AGATATTTGA CAGAAAAATC 180
GAACTGGGAA AAATATAATA AAGTTAGTTT TGTGATAAA 219

配列番号：1858
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2108
配列：
GATCTGTCGG AACCAGGACA CAAAAGCAGC AAGAAGCGGG GAGAGAGAGG GATAGAAAAC 60
AAGCGCAGGA GAGCCTGCGA ACGCAAAANT GAATGAGGGC TTTTTGTGGC TGGGGATGGG 120
TTTTGGTTTT GGGGTTTTTT TTTTNAAATT GTTTTGACTT CGTACAGGGT ACTTTTTCCC 180
AACCTCATCT NTCAGAAATC CATGTGGGNT TCCTGGAAA 219

配列番号：1859
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2110
配列：
GATCTGAAGA AATTACCAAA CATTAAAATG AGANAAATTT GCGCTAATGA TGCAATTCCC 60
AAGACGTGCA AGAGGAAAAC TATTATAACT GTAGACCAAG ATTTGGGGGA ATTGGAACTA 120
AACGATGAAT CAAGTGATTC AGATGAGGAA ATGACTGCAG TGGCCTAATT GTCTTCACTT 180
GAATTGAAAA TAAATAATTT GAGAGCTTCA AATTAAA 217

配列番号：1860
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2111
配列：
GATCCATTTC TTTAAAATAC TGACATATAG AGTTGTACCT TATATAGAAT ATAGTTGTAT 60
CTTGAAGTCA ACATATTAAA TTATTCTCAA AATTATGTAT TTNCAGATTG TACTTGTAAG 120

TTTCAAAGAA AAATTACCGT CTTTTCATAT TGACCTGGAA ACTAAATAGG ATGTGATTCA 180
GCTACATTAA TTTCTTAATA CAATCTAGGA AAGAAA 216

配列番号：1861
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2112
配列：
GATCCTTTTC TTGAAAGAAT AACAGAAAAT GTGTCATCCA TTTTTCAGAA TATAACCACT 60
CAAGCTACTG GCACATAGTG AAAGATTACT TCTGACATTC CATTNCTCTT CTTTTGAAAA 120
TTAGTATNGT AATTAAATGT ACTTTTTGAA AATTAATAGA ATTATTTAAA TTACAGTATA 180
TGTNGCAAAA TATATCACTT TTGATACAAT AAA 213

配列番号：1862
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2113
配列：
GATCTATCTC ATCAAACAAC ACAATGAAGA TATTTTAGAG TACAAAAGAA GAAATGGGCT 60
GGAATAAACT TTTGAAACAC TAATGTAGTA TGCTCCGTAT AGTGATTGTA GCTGTTCCTC 120
TGGATTCACC ATCTGTTGAG TTGTAAATGT GNGANAAAAA GTTATATGTG AATATATATC 180
AAGCCAGCAT TTGTATTTTG CATCATTAAA 210

配列番号：1863
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2115
配列：
GATCGGGGCT GCCAGAGGGN TAGAAGCGAG GGCACCAGCA GTTGTGGGTG GGGAGCAANG 60
GAAGAGAGAA ACTCTTCAGC GAATCCTTCT AGTACTAGTG GAGAGTTTGA CTGTGAATTA 120
ATTTTATGCC ATAAAAGACC AACCCAGTTC TGTTTNNNNC TGTAGCATCT TGAAAAGAAA 180
AATTATAATA AAGCCCCAAA ATTAAGAAA 209

配列番号：1864
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2116
配列：
GATCTGGAGC AACAGCTAGG AAATATCATT AATTCTGCTC TTCAGAGATG TTAAAAATAA 60
ATTACACGTG GGAGCTTTCC AAAGAAATGG AAATTGATGG GAAATTATTT GTCAAGCAAA 120
TGTTTAAAAT CCAAATGAGA ACTAAATAAA GTGTTGAACA TCAACTGGGG AATTGAAGCC 180

AATAAACCTT CCTTCTTAAC CATTCAAA 208

配列番号：1865
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02117
配列：
GATCTATACT TAGAATGCAA TGTNGACAGA GGGCAGTTAA AATATCCAAG ATGTATTCCA 60
AGACAAAGCA AACAAACAAC TGGAAGTGGT AATCAATTCA ACAGGCCTTC TGAATTNTCT 120
GAAGCNAAAG CAACGTTTGC CATNNGATAT TTGTGACACT TTGGCAAATG GAAAAATAAA 180
CCAATTTATA CGTGCAATAA A 201

配列番号：1866
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02118
配列：
GATCATGAAG GTATCCACAC TTCCCCTTGC ATTTCCTTCT TAACTCTCTG TTACACGTCA 60
TTGAAACTAC ACTTTTTTGG TCTGTTTTTG TGCTAGACTG TAAGTTCCTT GGGGGCAGGG 120
CCTTTGTCTG TCTCATCTCT GTATTCCCAA ATGCCTAACA GTACAGAGCC ATGACTCAAT 180
AAATACATGT TAAATGGAAA 200

配列番号：1867
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02119
配列：
GATCACATTT TGAAATGCCT AAAAGACTTT ATTGTTCTAA TTATCCAGAT GTACCTTTGT 60
AAAATAGCTC TTTTATGAAT TAGCTGATAA GGCTGTATGT TTCTGGAACA AAATATTGGT 120
CATCTAAAAN CTTTCTGTTT NCTGGGGTCT GGGAAAATAG AAAATAAGAT TTCAAATATT 180
AAATAAGCTT AANGGCACCA AA 202

配列番号：1868
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02120
配列：
GATCAGGCCC TTCTTCCCAC AGCAATAGTC CCCAATACGT AGATTTTTGC TCTTCTGTAT 60
GTGACAACAT TTTTGTACAT TATGTTATTG GAATTTNCTT TCATACATTA TATTCCTCTA 120
AAACTCTCAA GCAGACGTGA GTGTGACTTT TTGAAAAAAG TATAGGATAA ATTACATTAA 180
AATAGCACAT GATTTTCAAA 200

配列番号：1869
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2121
配列：
GATCTNTNTG TTCATTGTAT TCTTTTTNTC TCAAGAGTTC CATTTAATGG AAATAAAACG 60
GTATAATTAA TAATTGTCTA GGGGGGAAAA ATGAAGCAAA TNTCATTGGA TATTTTTAAA 120
GGTCTCCACA GAGTTTATGC CATATTGGAA TTTTGTTGTA TAATTGTCAA ATAAATATTT 180
TGGTGANGCA TAAA 194

配列番号：1870
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2122
配列：
GATCCAATAC TATTTAGTTT ATTATTGAAA TTGGAAGGAT TCATTGAGCA GCATAGAAGT 60
TTGTTTACAT GTTACTTTGA GATGCTAGGT ATTTGTGGAA TTAAAAAGAA TCAGGCTCTT 120
TTGTACTNAN TTTTTAAATC TGTGATGCTT NTCAAATTTA ATTCATAATA AATTGATGCA 180
ATTTCATAAA 190

配列番号：1871
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2123
配列：
GATCGAACAG TTTTGAAGCT ACTGTGTGTG TGAATGAACA CTCTTGCTTT ATTCCAGAAT 60
GCTGTACATC TATTTTGGAT TGTATATTGT GTTTGTGTAT TTACGCTTTG ATTCANNAGT 120
AACTTCTTAT GGAATTNATT TGCATTGAAC ACAAACTGTA AATAAAAAGA AATGGCTGAA 180
AGAGCAAA 188

配列番号：1872
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2124
配列：
GATCCTATTT ATTTGTTTAG GCCATCTTTA ATTTCTTTCA GCAGTGTTTT GTAGTTTCCA 60
TTAGAGATTT TCCATGTCNT TTGTTAAGTT TATTCCTAGG TATTTTATTT TTTATGGTAT 120
TNTATTATAA TCCTNNGATG TCTATTATAT AGAAATATAA TTNATTTTNG TTATTGACTG 180
NNNN 184

配列番号：1873
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2126
配列：
GATCCAAGTN CTGACTTTTC CCCCTGACAG CTGTGTGACC TTCGTGAAGT CGCCAAACCT 60
CAAATGAGCC CCAGTCATTG CTAGTAAGAC CTGCCTTTGA GTTGGTATGA TGTTCAAGTT 120
AGATAACAAA ATGTTTATAC CCATTAGAAC AGAGAATAAA TAGAACTACA TTTCTTGCAA 180
A 181

配列番号：1874
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2127
配列：
GATCTTAAAT TTTCTCATCT CAAAAAAATA TGTAAAGTGA TAGATATGTT AAATAGCTNN 60
TATGTATTTC GCAATGTGTA GTGTATATAT ATAAACATCA CACAGTACAC CATAAATATA 120
TTTAATTTTT GTCAATTACT CTTTAAACCT TAATAAAGTT GATAAAACAT TCTTTTTTAA 180
A 181

配列番号：1875
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2128
配列：
GATCAGGTTA GCAAATGATG TAAAAGAAGC TTTATTGTCT AGTTGTTTTT TTTCCCCCAA 60
GACAAAGGCA AGTTTCCCTA AGTTTGAGTT GATAGTTATT AAAAAGAAAA CAAAACAAAA 120
AAAAGGCAAG GCACAACAAA AAAATATCCT GGGCAATAAA AAAANTATTT TAAACCAAA 179

配列番号：1876
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2129
配列：
GATCCGGGAG CACACCGTTT CCTGATTGCT CAGGGACTCA TCTTTCCCTC CTTGGTGATT 60
CCGCAGTGAG AGAGTGGCTG GGGCATGGAA GGCAAGATTG TGTCCCATTC CCCCAGTGCG 120
GCCAGCTCCG CGCCAGGATG GCGANGGAAC TCAATAAAGT GCTTTGAAAA TGCTGAAA 178

配列番号：1877
配列の長さ：175
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2130
配列：
GATCATTCTC CGAAAGCAAC TCCTGACAAT TAAGCATTTT TTTCTCCAAA TACAAAGTAT 60
ATTCTCTTTA TTGGAAAATA AATTAATAAA TATATTCTGT ATTTTNNCTC TCCGTGAAAA 120
ACAAAAGAGC CTCTGACATT ACTGTCTCTC AGTGTTGGTT CAGATTGAGG CTTTN 175

配列番号：1878
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2131
配列：
GATCAATCCT TCTTATGTTT GCTTTAATGT GTATTGAAGA AAAGCACTTT TTAAAAAGTA 60
CTCTTTAAGA GTGAAATAAT TAAAAACCAC TGAACATTTG CTTTGTTTTC TAAAGTTGTT 120
CACATATATG TAATTTAGCA GTCCAAAGAA CAAGAAATTG TTTCTTTTCA AA 172

配列番号：1879
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2132
配列：
GATCTGATTG TTTAAAAGTA CACAGCACCT CCCTCCCCAC TCTCTCTTGC TCCTGCTTTC 60
ATCAAGTGAA AACTCCCTGA GGCCTCCTCA GAAGCTGAGT AGAGGCCAGC ACTATGCTTC 120
CTGTACAGCC TGTGGAACCA TGAGGCAATT AAACCTCTTT TCTTTATAAA 170

配列番号：1880
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2133
配列：
GATCAGAAAA ATTCATCTTT TTTAACCCTG CCCTAATTTT TCTTGAGGAA TTAAATAGAG 60
CAAACTATTT TCAGGTTATG CTTACAATAA AATATACTTA AGAAAATGAC TGAAGATGTA 120
TGTTTTTGAA TGTTTTGATT AAATAAATGT ACACATTTAG AACACAAA 168

配列番号：1881
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2134
配列：
GATCAGCCTC CCTGTAAGCC AGTTATCAGT ATCCAAGTGC TTTAACACAG GCTTCTCAGA 60
AGAAATCATT TTTATTCCTA CCATTATTTC ATACCAAAGC ATCATTATGT GCTACAGTTC 120

CAATTTCTTA CACAAGAATG AAAAGGGTTA CCAATGCAGC AAGTTAAA 168

配列番号：1882
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2135
配列：
GATCTTACTG TAAGTTGAAG GGAGTTTTGC CCTAACTCAT GGATTGTGCA AGAATGAACT 60
GCTGTTGGGT TTGACTGACT GTCGATGGAT TGTGGTGTGG TGTATCTNAA GGCTATTGAA 120
TGCAACTTAC AATGCTTAGG TAAAAATCTT TATNCTTTTA GTATAAA 167

配列番号：1883
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2136
配列：
GATCCTTGAT GAGCCAACAT TGCACTGTGG ATACATATCT ATGTTTACGC GCTATTAGAA 60
CAGAAGGCGC TGTATATAGA AATGTTGCTT TGAAGCAATA TTTGCAAAAC ACNCAGACTN 120
CAGNATCTGT ATTTGGAAAA AATAAAACAG GTTCTTGTTG CTAAA 165

配列番号：1884
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2137
配列：
GATCTGACCT CCACGGAGCC GCTGTCCCCG NCCCCCTTGC TTCCCGTCTG TCTGTCCTGT 60
CTGATTCTNT TAGGTGTCAT GTTCTTTTTT CTGTCTTGTC TTCAACTTTT TTTAAAACTA 120
GATTGCTTTG AAAACATGAC TCAATAAAAG TTTCCTGNCC AATTTAAA 168

配列番号：1885
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2138
配列：
GATCACGATG GCTTCACAAG CCAGCTGTTG GGTTTGCTAT GTCACTGTGG CTCAGTCACA 60
TCCCTGCGTG TATACTGTCT GCGGGGCACA TATGTATCCA TTTAGAGCTA AAGGAATCAG 120
TGTACACTAC AGCTAATCCT AATAAATCCG ATGTTTTCGG AAA 163

配列番号：1886
配列の長さ：159
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2139
配列：
GATCTAGCAG CATGCAAACA CATCACCTAA ACTACAAAAG AAAGGTCCTC ACTGTCTCTA 60
AAAAATAAAC TCATTAACTT TGAGTTATTT GCAGACAGCC AAATCACCCA GGGCAACTTT 120
AAAGAGTCAG AAAATAAAAC TTTCCCGTTG TATGACAAA 159

配列番号：1887
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2140
配列：
GATCATGGAG GAAAAAGGTA CTGGATAAAA GTAAACTTCA AACCTTAGGG CGGGANACTA 60
AAACCAAAAT ACATGTATTA TTTATAGAAA ATATTTTCTG TTTTAATCTT TTCTNTTTAA 120
ACAAGGACTC ATACTTAAAA AAATGTTTAG CAAA 154

配列番号：1888
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2141
配列：
GATCTCTGAT GACCTAACCT AAGCAAAACC ACTGAGCTTC TGGGAAGACA ACTAGGATAC 60
TTTCTACTTT TTCTAGCTAC AATATCTTCA TACAATGACA AGTATGATGA TTTGCTATCA 120
AAATAAATTG AAATATAATG CAAACCATAA A 151

配列番号：1889
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2142
配列：
GATCTATATT CTTCTTAATT TTTATGGCTA TATTTAATGT TTTCCATCAT TGTGCCTTTA 60
AAAAGTATAT GTACATGTAT GCATAAATTT ATGTGAAGTT ATATATANGN NTCCGTTATT 120
CCAGATTAAA GTTTATCTTT AGTAATCAAA 150

配列番号：1890
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2143
配列：
GATCAAAAAT ATGTGACCTT AATGAGATTT TTATGATTTC TAAAGTAACA ATAAAAGCAG 60
TTTTTAGAGT TGAGTTCCAG AGAGGGCAGG GCAATGGCAG TNACATGTTT GTCATTTTAA 120

TAATAAATAA CATCTATTGA GTNCTTAAA 149

配列番号：1891
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2144
配列：
GATCCGCGGG GACCCTGCCG AGGGGGCTGT CATGCGGTTT CCAAGGTGCA CATTTNCCAC 60
GGAAACAGAA CTCGATGCAC TGANCTGCTC CGCCAGGANA GTGAGCGTGT AGGTNCCTGA 120
GGAATAAAAT GTTCCGATGA TGTGGAAA 148

配列番号：1892
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2145
配列：
GATCCCCGTT CTTCAAGCTT CTCTGCTCAG TGTCTACTAA CGACCGACAT TTGCTAATGT 60
AAATAATAGT AAATNATTGA GAATTCTAAT TCTTTTACAC AGTCTGTTTT TAATCTATTT 120
TAATTAAATA AAATCTATGA CTCTAAA 147

配列番号：1893
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2146
配列：
GATCTGGGAG TAAACTTAAC ATTCACTGTG TCTCTGCTCT GCATCCGCCA TTTGTGTGTG 60
TTTCTGGACT GTGGGCTGTG TGTACCTTGG TTGGTGACTC AGTGAGAAGA AGCAGGAATN 120
CCAAAGATAC TGTGAATNTT CTGAAA 146

配列番号：1894
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2147
配列：
GATCTAAATG TCTAGTTTTG TATTCTTTTG TGTGTGTTCA CTGTTTCTCA GTATTACCAC 60
TTGAATAATT CTCTGTACAG GGGGGTTTGT GCTATACACT GGGATGTCTA ATTGCAGCAA 120
TAAAGCCTTT CTTTAAAAAG GAAA 144

配列番号：1895
配列の長さ：141
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2148
配列：
GATCTTGGAA ATGCTTGAAG ACCACAAGGC TGAAAAGTGC TTTGCTGGAG TCCTGTTCTC 60
AGAGCTCCAC AGAAGACACG TGTTTTTGTA TCTTTAAAGA CTTGATGAAT AAACACTTTT 120
TCTGGTCAAT GTCAAANNAA A 141

配列番号：1896
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2149
配列：
GATCCAGATA AACTTTCCTG TCATGTGTTA GAACTTTATT ATTATTAATA TTGTTAAACT 60
TCTGTGCTGT TCCTGTGAAT CTCCAAATTT TGTACCTTGT TCTAAGCTAA TATATAGCAA 120
TTAAAAAGAG AGAAAGAGGA AA 142

配列番号：1897
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2150
配列：
GATCAAAGTG TGGGATGNGC TGCAAGACGT AGAACCTACC TGCCCTGCCC CCGTCCCCNC 60
CCTTCCTTAT TTATTCCTGC TGCCCCAGAA CATAGGTCTT GGAATAAAAT GGCTGGTTCT 120
TTTGTTTTCC AAA 133

配列番号：1898
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2151
配列：
GATCTAAGTT GCATCTTTAA TCCTGGTGGT CTTGCCTTCT GATTTTTAAT TTGTATCCTT 60
TTCTATTAAG ATATATTTGT CATTTTCTCT TGAATATGTA TTAAAATATC CCAAGCAATC 120
CAGTAACAAA 130

配列番号：1899
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2152
配列：
GATCGAGGAG ATGCCCTCTG AACGCCTGTC CCGGAGCACC CGCCAGCGGG CAGCCTGTGC 60
CCAGCTCAAC GACTTCCTCC AGGAGTATGG CACTCAGGGG TGCCAGGTCN TNAGGGCTGC 120

CCTCCCACNN CCGCTGGGAG GAACCTNAAC CTGGGAACCA TGAAGCTGGA AGCACTGCTG 180
TGTCCGCTTT NATGAACACA GCCTGGGACC AGGGCATATN AAAGGCTTTT GGCAGCAAAG 240
TGTCAAA 247

配列番号：1900
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2153
配列：
GATCTTCCTG CTACCCTCTT GGATTCTAAG TGGTTCCAAG CTTAACTTGA GACCTTCCCT 60
TCAAATCTAA AATTGGCAAA AAGTCACTTA AAATAGTGGA CTTCTGTAAT AAAGGTTGCC 120
TAAAATAACA AA 132

配列番号：1901
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2154
配列：
GATCTACAGG TTNCAATTCA ACCTGTTTCT AGGTTTTTTT GTAAATTTAG TTTTGATTAA 60
GCATTATAAG CATTTGAGTC TATAAACTTT ATAGTAGCAT CTTTCAGAAT AAACATTTTT 120
AATTGAAA 128

配列番号：1902
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2155
配列：
GATCCATGAG TTTGCCCTGG TTTCACTGGC CCAAGTGGTT TGTGCTAACC ACGTCTGTCT 60
TCACAGCTCT GTGTTGCCAT GTGTGCTGAA CAAAAAATAA AAATTATTAT TGATTTTATA 120
TTTCAGGGGA AA 132

配列番号：1903
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2156
配列：
GATCCAAGAC AGAATAATGA ATGGACTCAA ACTGCCTTGG CTTCAGGGGA GTCCCGTCAG 60
GNCGTTGAGG ACTTTTCGAC CAATTCAACC CTTTGCCCCA CCTTTATTAA AATCTTAAAC 120
AACGGAAA 128

配列番号：1904

配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2157
配列：
GATCCACAGG GGTGGTGTCA AATGCTATTG AAATTGTGTT GAATTGTATG CTTTTTCACT 60
TTTGATAAAT AAACATGTAA AAATGTTTCA AAAAAATAAT AAAATAAATA AATATGAAAC 120
CTTAAA 126

配列番号：1905
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2158
配列：
GATCTACAGA TGAATATTTA ACTCAATAGA AAAATTATTT TAGAACACAT TGTATTGGTA 60
TTACAACCAG ATTATATTCT TGACGTTGAC TTCATTAAAA TTATCTACAA TTTCCTAATA 120
AA 122

配列番号：1906
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2159
配列：
GATCTCATGG ATACAAACAG GTGACCTTGC CAATTGGTGC TTTTTGTGTG TTTAAGAAAA 60
GAACAGTAGT AACCTTGCTC CCTGGNTACC AATAAAAAAT CTATTATTTT TTTAAAAGAA 120
A 121

配列番号：1907
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2160
配列：
GATCTGACCC CTGTCAGATG NAAATGATTC ACAGCTCTGG CAGTTCCCAA GTCTGGGGAG 60
GGGTATAGGT TTGAAAGGCT GTTTGAAAGA GGAATGTTTA ATAAAGGCTT TGATTTAAA 119

配列番号：1908
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2161
配列：
GATCCCAGCT GGCCCCTATG TTGTGTTCTG NGACTGAGGC CTTTGCTGTG AACTGCAGTG 60

TTTCATACGA ACCATCTTTC CTAGTGCATG AGAAATAAAG ATTATTTAAG TAATGAGGAA 120
A 121

配列番号：1909
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2162
配列：
GATCTCACTT TTCAGGAAAC TTAAAATTTA CCCATTATTG GGAAGCTTAA ATGAATTGAA 60
GCTATGCAAG TCTTTTATAT TATTAAATAT TTAAAAGTAA ACCTGTACTA ATCAAA 116

配列番号：1910
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2163
配列：
GATCGATATG CTCATAAAAG TGCTCAATTA TATTTNCTGT ATTTTGTATG NTGTATTTTC 60
CAAGACGTAT ATTATTTTAC TATTAAAGAA AAAAATCATT TTTTTTCCC GAGAAA 116

配列番号：1911
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2164
配列：
GATCCGGGCA TGGGAGACCC CACTTTAGAA AGGGTCGTCA CTCCTTTAAT CCTCTACTCA 60
ACAATGTACT CTTTTACTTT TATATTAAAA AAAATAAAAT AAATATGTGC CTAAAACCTC 120
CAAA 124

配列番号：1912
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2165
配列：
GATCCACTTC TACTTAATGA GTAGTAAATA TATTTCNTTT TCCTTATGAT TTTCTTACTA 60
TTTNCTTTAG CTTGCTTTAT TATAAGANTA TAGCATATAA TATAAATAAA ATAAA 115

配列番号：1913
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2166

配列：
GATCCAGAAA TTGTGAACAA TGTTTGATTT AGTAGCGTGA CTTGCCTTTC CCTTTAAAAA 60
CATCTTTTAC AAATCTGTCT TGGAATAAAG TCTATTTTCT GCCTTTTGGA AA 112

配列番号：1914
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2167
配列：
GATCCTAATT GCCTAGAAAT ATCTTTCTCT TACCTGTTAT TTATCAATTT TNCCCAGTAT 60
TTTTATACGG AAAAAATTGT ATTGAAAACA CTTAGTATGC AGTTGANNNN GN 112

配列番号：1915
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2168
配列：
GATCAACCGT GAAGCGTAAC AAATTCTGTA TTTAGTTTTT TTTTCTGTTG TGGTGGTTTT 60
TGTTTTGTTT TTTGTTTTTG TAAGATTCTA AATAAATNAA ATACGAGTCA AA 112

配列番号：1916
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2169
配列：
GATCAAGACT NCAGTTTGGG AATGCATGGA CACCGGATTT GTTTCTTATT CCTTCACTTT 60
TGGGGAAAAT CTCNCCNTNT TTAAAAAGTG ATAAATTTGG TGTTAGGTCA AA 112

配列番号：1917
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2170
配列：
GATCAACGCG ACTGTATTTT GAAACATTCC AGGAAGGTTA CTTCTTGTCA AACTTGCCTG 60
GCAGTGTTTG TTCAAANCTT GTATTTAATA AATGANCATC TGACTTTACA AA 112

配列番号：1918
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2171

配列：
GATCTATCTT AAGAAGTGAC CAGGAAAGAG GTTCATTGAA ATAATCATGC ATGAAGCGCC 60
AAAGATGCAC CATGTAGAAT TTTCACTTTG TACTGGCAGG CTCGTTTTAC CTGATTCTAG 120
AATATTTAAG AATCTAAAAA TAAAGGGCAA CTCTGACTTA AA 162

配列番号：1919
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2172
配列：
GATCAGGGAA CTAAGCATTA TGTGAATTCA CCAGCAAGAT GTACAGNACG CCTGTNTTTA 60
CATTGTTTTT ATGGAACTAG CAGAATAAAN CATCTATTTT AAAAATGCAA A 111

配列番号：1920
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2173
配列：
GATCTGCGAG GAAGCCGCCT ACTCCAACCC CAGCCTACCT NTGGTGCACA NATCCGTCCC 60
ATAGCAAAGC CCCTGCACAG ACTCCAGCCG AGCCCACACC TGGNTATNAG GTGGGCCAGC 120
GGAAGCGCCT CATCTCCTCG GTGGAGGACT TCACCGAGTT TNTNTGAGGC CGGGGCCCTC 180
CCTCCTGCAC TGGCCTTGGA CGGTATTGCC TGTCAGTGAA ATAAATAAAG TCCTGACCCT 240
AGTGCACAGA CATAGAGGCA CAGATTGCAG TCAAA 275

配列番号：1921
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2174
配列：
GATCAGGACA GAGACTTGGG GGCCATCCTG CCCCTCCAAC CCGGACATGT GTACCTCAGC 60
TTTTTCCCTC ACGTTGCATC AATAAAGCTT CTGTGTTTGG AACAGNTAAA CAAA 114

配列番号：1922
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2175
配列：
GATCCCAAGC NTCCCGTCCC TTGGAAAGTN CAGCCAGAAT CTNCGTCCTG ACCCCCGACA 60
GCCCAGCCTA GCCCACTTGT CATCCATAAA GCAAGCTCAA CCTTGAAA 108

配列番号：1923

配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2176
配列：
GATCCCCCAG GTTCAGACTG AGCTCCCCCT TCCCAGTAGC TCTTGCATCC TCCTCCCAAC 60
TCTAGCCTGA NTNCTTTNCA ATAAAAAATA CAATTCAAGT TGCTTCTCAT GGATGGCACT 120
GCTTTCCTGA GGACTCAAGG TGCCAAGATG GAGGGGCTGA CTCAGTCCAG CCAACNTTTA 180
ATGAGNACCT ANNNGGTGTA TGGAGCTCTA ACCCATGGGT CCATGGGAAT AAAGCAGTGA 240
ATAGTAACAA TAAATAATTG TAACAGCANA AA 272

配列番号：1924
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2177
配列：
GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTTTTTTTTT TAATTTNAAG GAACACTTAT 60
GAAGCCCTGC CATNCCCCTC CCGNGTCTAA TAAAACGTAT AATCACAAA 109

配列番号：1925
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2178
配列：
GATCAACTTG TGCTTGCCAG AGGACGCCAA TGAAGTTTGA AACACCAACA ATCAGAGATT 60
TTGTTTCTGT TCCTCATTAA ATCATGAGCT TTTGTGCCGA GAAA 104

配列番号：1926
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2179
配列：
GATCGTGTGT GTAGGTGGTG TTGTGTGGTT TTCCTTTGTG AAGGAGAGAG GGAAACTATN 60
TGTAGCTTGT TTTATAAAAA ATAAAAAATG GGTAAATCTT GAAA 104

配列番号：1927
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2180
配列：
GATCCTCCCA CTTCCACCTC CCAAGTAGCT GTGGCTACAG GTGTGTGCCA CCATGTCCAG 60

CTGATTTTNG TATTTTNAGT AGGGACAGTA TTTCTCCATG AAA 103

配列番号：1928
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2181
配列：
GATCTAAATC TCATTTTATG CTGTATTTTA TATCTNAGTT GTNTTTGAAA ACGTTTTGAT 60
TTTTGGAAAC ACATCAAAAT AAATAATGGC GTTTNTTGTA TGCAAA 106

配列番号：1929
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2182
配列：
GATCTGGACG AATGATACCA AACGTTTCTT TCTAACATTG TATTTTATAA CTCTGGCCTA 60
TGATTGTNTT GTGTCTTGCA TTAAAAAAAA AAATTTGAGA GTGGTAGAAT TACTTCTGTT 120
ATCTGAAATA CCTGAGATGC ACTTTAAACT GTTGAAATGT AAGCNCTGAG GGCAGGGNCC 180
GTATCTNATT TACTGTTAGT ATCCGTTGCA TCTAGTGTGG TGCACCTGGC ACACAGTAGG 240
CACTCAATAA ATATGTATTG ATTAAAANCA AA 272

配列番号：1930
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2183
配列：
GATCTACAGC TCCTGGATAA TTGCTTGATT CTCGCCAGAG ACTGTCAATA TTTNATTCAT 60
TGCCATTACC AATAAATCAT TGCTTTTGTT NAGATGGTAT CACTAGTGTT TCCATTGTAA 120
TCTTGACACA TGCAATTGTA AATAAAAGTC ACCACTTTTG CCAAGCTTAA A 171

配列番号：1931
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2184
配列：
GATCATACCA CTGCACTCTA GTCTGGGTGA CAGAGCGAGA CCCTGTCTTG AAAAAAATAA 60
ATAAAAATAA ATAAAATAAA AACTGGCACT ACGTTTAAA 99

配列番号：1932
配列の長さ：99
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2185
配列：
GATCTGTGTC TTAAAACTTA CTGGAATGGA AATCTATGAA TTATTGCAAA TTGTAATGCT 60
GGAAACAAAA AATAAATCCT TGGTTAAAGG GTTTGTAAA 99

配列番号：1933
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2186
配列：
GATCCTGACA CTCTANCACT CGACTCTGCT GCTCATGGGA AGAACAGAAT TNCTCCTGCA 60
TGCAACTAAT TCAATAAAAC TGTCTTGTGA GCTGATAAA 99

配列番号：1934
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2187
配列：
GATCTTGACT TATATTCTGT ACCACATACA CTTCTGTGGA CTTTTAGCAT TTGTGGGTAG 60
ACTTAATAAA GCATGTATAA AAGTGGCAAA 90

配列番号：1935
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2188
配列：
GATCAGGNTG CGGATAGACT TGTAAGGGTG TTTGCTGCAT ACAGTGTAAG CATTGTGACC 60
GCCAATAANC TTCAATGGTT TCTACTGNAA A 91

配列番号：1936
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2189
配列：
GATCTTTCGT NTTTCTAAGC GACTCTACTT TCATTGTTTG CCAGCNTAGC TCGTTGCTGT 60
TGCCCAATAA AGCTNGTGTA CGTNCTGCAA A 91

配列番号：1937
配列の長さ：86
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2191
配列：
GATCTTACAT CTGCAGCTCT TTCTTCTTTG AATTTCCTAT CTGTATGTCT GCCTAATTAA 60
AAAAATATAT ATTGTATTAT GCTAAA 86

配列番号：1938
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2192
配列：
GATCATCAGT GTTCCTTTTT ACTTATAAAG TTGGATTCTT TTTTAGAATT TGTAATAAAT 60
AAAAACTGCT GCTTTACCAC TGTAAA 86

配列番号：1939
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2193
配列：
GATCTACCCT GCCTGTACTA CTCTAGGGAG TATGCTGGAG GCAGAGGGCA AGGGAGGGGT 60
GGTATTAAAC AAGTCAATTC TGTGTNGTAA A 91

配列番号：1940
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2194
配列：
GATCATGAGT GACCCAGCTG TCTCACGTTG TTTATTCTGC GTCCCCTTCT CCAATAAAAC 60
AAGCCAGTTG GGCGTNGTTA TAAA 84

配列番号：1941
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2195
配列：
GATCCCCATG CCTAGCAGAG TGCTGGCACT TAGTAGGTCC TCAATAAATA TTTATTAAAT 60
GATGAGATGA TGGAGCAAA 79

配列番号：1942
配列の長さ：78
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2196
配列：
GATCCAATCC CATAGACAGC TCTGGGCCTC TTGCATTTGA GTTTTTTAGA ATTAAACTGC 60
AGTATTTTGG AAAGCAAA 78

配列番号：1943
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2197
配列：
GATCCACTAA GGAAATGTTT TAACAGCTAG AGACCACTGC TTGCCTGAAA GGGCGTTCTT 60
AAATTTGGTG CAGCAAA 77

配列番号：1944
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2198
配列：
GATCCACTTC AAGAATTGCT TGCTTTCAGG AAGAGAGATG TGTTTCAACA AGCCAACTAA 60
AATATATTGC TGCAAA 76

配列番号：1945
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2199
配列：
GATCGACTTT GTGTCTCTGT TGTCTAAAAT AGGTTTTCCC TGTTCTGGAC ATTTCATATA 60
AATGGAATCA CACAAA 76

配列番号：1946
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2200
配列：
GATCATAGAT TTCTGATTTT ATGTAAAATT TTGCCTAATA CATTAAAGCA GTCACTTTTC 60
CTGTGCTGTT TCAAA 75

配列番号：1947
配列の長さ：74
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2202
配列：
GATCTGTCAA AGAAAACTTC CAAAAAGATT TATTAATTAA ACCAGACTCT GTTGCAATAA 60
AAATCCTACA GAAA 74

配列番号：1948
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2203
配列：
GATCCACTTT AGCAAACCCT GCTGCAGAGG ACTGTAAAAA CAAATAACTA AAAATAAACT 60
TAGAAAATAC AAA 73

配列番号：1949
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2204
配列：
GATCGTAATG TTTATCATGT TACTTCCCCA CCCCTACATT TTTTGAAATA AAATAAGGAA 60
TTTTATTCTC AAA 73

配列番号：1950
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2205
配列：
GATCNCTGCA ACTAAGNTTA AAGCAGTGTG ACTGTGTTGC TNAAATATCA AGTATTGTTT 60
ATAACCACCA AA 72

配列番号：1951
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2206
配列：
GATCTCAGCT ATTAAGATGC AAGTCTGCCA ATGCTCCTGG CCAAATAAAC CTCTTCCTTC 60
TTTAAA 66

配列番号：1952
配列の長さ：65
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2207
配列：
GATCCTCTTG TACTGGGAGA GGTGCCTTTT GTATCCCCAA TTAAAGGTAG AAAACCACCC 60
TGAAA 65

配列番号：1953
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2208
配列：
GATCTCGAAG AAAAAAGGGG GAGACCAAAG AATAAAAGAA GGGTTTCCCC ACTAAAATGA 60
AA 62

配列番号：1954
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2209
配列：
GATCCAGCTG TNCTTAAGAG CCAGTAATGT CTTAATAAAC ATGTGGCAGC TTTNNTTTGA 60
AA 62

配列番号：1955
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2210
配列：
GATCTCACAT TTCACCCCAG GCTCAACTGA GGATGTGGCT TATTAAACAC GGAAGTGCAA 60
A 61

配列番号：1956
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2211
配列：
GATCAGCCAT GTNTATCTTT TTAAAAAATA AACAGGTTGC TTTATTTCTT AGCTTCAAA 59

配列番号：1957
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2212
配列：
GATCAGATGA GATTTAATGA AGACCCAGTG TAAAGAATAA ATGANTCTTA CTCCTTAAA 59

配列番号：1958
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2213
配列：
GATCTACACC TGGACTGCCC AGGTCTATAA GCCAATAAAG CCCCTGTTTA CTTGAAA 57

配列番号：1959
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2214
配列：
GATCGAAGAA AAAGGGGNGN CAAAGAATAA AAGAAGGGTT TCCCACTAAA ATGAAA 56

配列番号：1960
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2215
配列：
GATCAGAAAT GTTGANTGTG CATTGAGTAT TAAAAAATTA GATGTATATT ATNCATTGTC 60
CTTTACTCAT GAGTACCTTA TAATANTANT ANTGTATTCT TTGTTAACAA A 111

配列番号：1961
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2216
配列：
GATCTATTCC CCATCCCAAG GCAAGCATGA ATAAAATTAG GTTAAACGTA GCATGTGGCA 60
TCGCAGTCTC TTAGAATTTG TTTCATCTAT TTNATTTTAT TGAATACTGT CTGTATCTTT 120
GGTTATCCTG TTTGAAGAAA AAGGACAAAT AAAACATGGC CAGCAAA 167

配列番号：1962
配列の長さ：516
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2237
配列：

GATCCTCATT CTCACCCATT TGGCTAATCC AGGAATATTG TTATCCCTNA NCCATTATAT 60
TNAAGTTGAG AAATGTGACA GAGGCATTTA GAGTATGGAC TTTCCTTTCC TTTTNCTTTT 120
NCTTTTTTCC TTTTTGAGAT GGAGTCACAC TCTCCAGGCT GGAGTNCAGT GGCACAATCT 180
CGGCTCACTG CAATTNCCGT CTCCCAAGTT CAAGCGATTC TCCTGCTTTA GACTATGGAT 240
TTCTTTAAGG AATACTGGTT TGCAGTTTTG TTTTCTGGAC TATATCAGCA GATGGTAGAC 300
AGTGTTTATG TAGATGTGTT GTTGTTTTTA TCATTGGGAT TTTAACTTGG NCCGAGTNAA 360
ATAATCAGGT TTTTGTCATT CACACTCTCC CCCAGTTTTT GGGAATAACT TTGGAAGGTA 420
AGGTTCANTN CCCTAAGGCC GGTGGGGTTN CTGTTGGACC TATGGGGGGN CCACAACTGN 480
ACTATTTAAT TCCNCCCCAC TGTAAGGGGC AAAGGN 516

配列番号：1963
配列の長さ：483
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2238
配列：
GATCTTTCCA GATGACTTGT CCAAGGTCAC ACAGGAGTCA GATGGCCTTT CCACTACCCC 60
ACAACACAGA TGCATAGTTA CTCTGTGGGC TAATACAATT CAGAATTCAG AGCTCTGCCC 120
ATGGTCACCG GTGGAATCCA CCAGCCATCT CCCTGACCTT GCTCTCCTCT GTTCTCCTCG 180
TCTCCAGGGT CCCATGATTC AGGGCGAGCT GGCTTCAGGA TGTGGGCAAG AGGGGTTTTA 240
GATGGAAGGG TTTTCCTCCA GGACAGAATG TTAAGCCAAG CCTGGACTTA ATTGTTCCAA 300
GATGTCGTTA GAATTGGTGG ACAATTTTTT TTTAATGATT AGCAAAGGAC AAGGCTTTTG 360
GTGGTCATTA GTATTGTTCA TCAAATATTC CAGTTCTCCA CAATTCTGGG GTACCATGGT 420
ANGGATGAAC CTTCCCTGTC TTTTCAGGGT TAAGTTTAGC TCTNGTGATG TGCTTTTGTC 480
AAA 483

配列番号：1964
配列の長さ：452
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2239
配列：
GATCGCTGGA GCTGTGGTCG CTGCTGTGAT GTGGAGGAGG AAGAGCTCAG ATAGAAAAGG 60
AGGGAGCTAC TCTCAGGCTG CAAGCAGTGA CAGTGCCCAG GGCTCTGATA TGTCTCTCAC 120
AGCTTGTAAA GTGTGAGACA GCTGCCTTGT GTGGGACTGA GAGGCAAGAT TTGTTCCTGC 180
CCTTCCCTTT GTGACTTGAA GAACCCTGAC TTTGTTTCTG CAAAGGCACC TGCATGTGTC 240
TGTGTTCTTG TAGGCATAAT GTGAGGAGGT GGGGNGACCA CCCCACCCNN ATGTCCACCA 300
TGACCCTCTT CCCACGNTGA CCTGTGCTCC CTCCCCAATC ATCTNTCCTG TTCCAGAGAG 360
GTGGGGCTGA GGTGTCTCCA TCTCTGCCTC AACTTCATGG TGCACTGAGC TGTAACTNTT 420
TCCTGNNTAT TAAAATAAGA CCTGAGTTTA AA 452

配列番号：1965
配列の長さ：433
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2240
配列：
GATCAGACAC CAGAGGGTTG GGCATTCTTG CAATACCTTA ACAGTGCTGA AATCTGCAGC 60
ATGGTACTAA GGAAGTTAAA GTTTGAATGT AACCACTTTA TTTAAAAGGT TTTTTTCTTT 120
AATTTAAATG AAATGGTGGT TGAAGTGAAC ATGATTTTGT TGACCATGTT CGTGAATTAC 180
AGATGCAACA TGCATTGGTA GAATCGTGTG ATGGTCTTTT GTGATACTTA ATTTTTACAT 240
ATCCCAGTCT CTGTATGTAT CTGCATAGAC AAAGAAAAAA CAAACTCCTG CTTTGCTTTT 300
ATTGAANGGG TTTCCAGGAC TGCGTGTCTG CTCCTGAGCT CTGTTTTAAG TATGTGTATC 360
CTTTGCTTGT ATTTTGTAAT TAAAAAAATA AGGAAAAGGA NGCCTTTATT TGTTGGNGCA 420
TGTTGGCATT GTN 433

配列番号：1966
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2241
配列：
GATCTGCAAA GAAAGCTTTT CTTNCGTCGC TGCCTCAGNC TCCTCCCTAT GCCTCTNGCA 60
CCTGCGCAGA AGTGCTGGCT GTGCTGANGT CACCATCATC TTCCTCTCCC CCAGCCTCCC 120
AGGCTGGATG GCATGGACTG TTTGCTGACC TCTGTTCTCT TAGGGCATGG GAGGTGGGAG 180
GATATCAAAT TCTNTAGCCC TTTCCTCCTA TTCTCCCAAG NAGAGAGNTT CCCATTTCTC 240
CTCGGCCATT GTACCTAGCT CTTGTCCCTA GCTGCATTTC AGTGGACCAT GGATAGAGGG 300
ACTGAGNGTT AGACGGGGAA GACTGGCAGN GAGGCACGCA GGTACTGTGA AAATCCTNNC 360
CTTTGACCTC CNCCAGTGGG AGAGGGGNGT TGGGGTTTTC AATGTGAGAA CAGNAACAAA 420
TAAN 424

配列番号：1967
配列の長さ：418
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2242
配列：
GATCNCCTGC TCTCCAAGCA TGGCATCTAT GTGCAGGCCA TCAACTACCC AACTGTCCCC 60
CGGGGTGAAG AGCTCCTGCG CTTGGCACCC TCCCCCCACC ACAGCCCTCA GATGATGGAA 120
GATTTTGTGG AGANGNTGCT GCTGGCTTGG ACTGCGGTGG GGCTGCCCCT CCAGGATGTG 180
TCTGTGGCTG CCTGCAATTT CTGTCGCCGT CCTGTACACT TTGAGCTCAT GAGTGAGTNG 240
GAACGTTCCT ACTTCGGGAA CATGGGGCCC CAGTATGTCA CCACCTATGC CTGAGAAGCC 300
AGNTGCCTAG GATTCACACC CCACCTGCGN TTAACTTGGG TCCAGGCCTA CTCCTGTCTT 360
CTGCTTTGTT GTGTGCCTCT AGCTGAATTG AGCCTAAAAA TAAAGNACAA ACCACAAA 418

配列番号：1968
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2243

配列：
GATCATTGAA TAAAACGGGT GTAGAGTACA GGAATGGGGC AGACGCGATT CAGGTGAACA 60
GCACANGNAG AATATGAGGT GGTTCCTAGG AGCAACACTT TCGACCTCCA GTTCTCCNTG 120
ATGACAGTAG CTGTCTCCNN GNGAAAAATC CTCACTTATT AACTCTCTTT TCTTGCATCT 180
CATTTTTATA GAGCTACTCA TCCTTATTTG GAAAAACCAA CAACAAAAAA GGCTTTTAGA 240
AAATGGTTGT AAATCTGACT TCTTTGCAAG TAACTATGTA TATTGTAAAT AGGATATAAA 300
AAGGCCTTTT TTCTAAATAA GGCCTTAACT GCCTGTAACA TGAAACTTCA AACTAAACCA 360
CTTAACTCAN TGNACTACCT TATGGGTTTG TCTGACATCC CTCAACTTAC CAN 413

配列番号：1969
配列の長さ：412
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2244
配列：
GATCCCACCG AGAAGAACCA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTNA GAGGACCCAN 60
NNCTTTGTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCCAGC CCTGATTGCC CTGCGCTACC 120
AGCTACAGCG TGGGGTTGTG GTCCTGGCCA AGAGCTACAA TNAGCAGCGC ATCAGACAGA 180
ACGTGCAGGT GTTTGAATTC CAGTTGACTT CAGAGGAGAT GAAAGCCATA GATGGCCTAA 240
ACAGAAATGT GCGATATTTG ACCCTTGNTA TTTTTGCTGG NCCCCCTAAT TATCCATTTT 300
CTGATGAATA TTAACATGGA GGGCATTGCA TGNGGGTCTA CCAGAAGNNC NTNGGGTNTT 360
GGANTGGTNG CANAAGNGGG TNGGTTCTTA TGGCTGGGGG NACTTGGGCA AN 412

配列番号：1970
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2245
配列：
GATCCAAAGT TCATACATTT TATGTACAAG ATACATTAGA CTTACAATAN AGTCTAATTA 60
TTAGACTTTT ATGTCAGTGG ATTGTGCTTG CAGAAATACA GAAGTAACAT ACTGACCCTA 120
GGTGAGGAGT TTCTTACATG GTTAACTGGA TTGACCCAAT TGGAGTAAAA GATTTTTGCT 180
GTTACCTCGA TGCTCCTGCA GTTGTTACCT CAGCATGCCA CTGTAGTCCT TGACTCTCAC 240
ATTAAAACTA ACTTTGGCTA GGTACTGGTG GCTCACACCT GTANGTAATC CCAGTACTTT 300
AGGAGGCTGA GACTGGAGGA TTACTTGAGT CCAGGAGTTG GAGACCAGCC TGGCCAATAT 360
AGACTGTCCC TACAAAGGAA AATAAANTTT GTTTCATCTT TCNAAA 406

配列番号：1971
配列の長さ：401
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2246
配列：
GATCAAATAT GGCATCAACA ATATCCGGGA GCTGGTGGGC CACAAGGTGA ACCTGCAGAT 60
GGTGTATGAC AGTCCCCTGT NCCGCCTGGA TGCCGAGCCG AGGCCCCCTC CCACACAGGA 120

GGCTGCGTGA CATGGGCCAC TCTAGGACAG GTCATCCTCC CCGAGTCCCT GCTGCTGCGC 180
TCCTTTGCAT CCCTGGCCAG TNACCTTGTA TTTATGAGGC CTCTGTNAGG CAGCCCCCAC 240
CTTCCTCTTT CCCACCTGTC CCAGGACCAG AATCCCAGGG ACAGAGGACT GGGTAGCAGG 300
TTCCTTCTGT TGTCCTGTGT GGTGTGTCTA CTGTGAGGGT GGGCCCTGAG GAGACCTGTG 360
GGCCANCTAT TGTCTAATAA AGTGGGGCAG TTGCCCCCAA A 401

配列番号：1972
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2247
配列：
GATCTTTNAT GTTGTTNATT TTGGAGAGAA GCACAAGGAG TATTCTCTTT CTAGGGAAAG 60
TTGTGAACCC AACGGAAGCG TAGTTGGGAA AAAGGCCATT GGCTAATTNC ACGTGTGTAT 120
TGCAATGGGA AATAAATAAA TAATATAGCC TGGTGTGATT GATGTGAGCT TGGNCTTGCA 180
TTCCCTTATG ATGGGATGAA GATTGACCCC TGGCTGACCT TTNTTGGCTG TGGAAGAGGN 240
CAATCCTATG GCAGAGCATT CAGAATGTCA ATGCGTAATT CATTATTATC CAAAGCATAG 300
GAAGGCTCTA TGTNTGTATA TNNCCCTNTG TCGGAATACC CCCTTANCTC ATTTTCCNCT 360
TAATAAATTT CACTGGGTTG NAAA 384

配列番号：1973
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2248
配列：
GATCCTGCTT CTCCCCTGGG GTCTTCTTGG TTCCCTGAAG CCCCTCTTCC GGAGTCCCTG 60
CCCTCTATCG GCTCTGCCTC CTGCTTCTTT TCTGTATTGC CATGATTTTT GCTAAGGATA 120
AAGGACAACT TCATTGGCTT CTTTGGGAAA CTTGCAATCT CCCCAAACAG GCCCCTCTGA 180
GATTTCTCCT TTTGCCACCT TCGATATTTT CTCCAGTTTC CTTGATTCCT TTGATACGTC 240
CCCATTCAGG CCACTCTGGC CTTCCATCCA ACCTGCCAGA ACTTTTTCCA CTTCAGCACT 300
TCAGTCACTT AAACATTAGG GCTCCCTGCC CTAAAGGGAC TCAAAATCCT GCAAAANCAA 360
CCACNNAAGG ATAAAAAAAT AAA 383

配列番号：1974
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2249
配列：
GATCAACAGG AAGAACATGG TGGTCTCCTT TGGAGATGGG GTTACCTTCG TGGTCGTCCT 60
ACACCAGGTG TGGAAGAAAC ATCCTGTCCA CCGTGACTTT CTAGGCTTCT ACGTGGTGGA 120
CAGTCACCGG ATGTCAGCAC AGACGCATGG GCTGNTGGGG CAATTCTTCC AACCCTTTGA 180
CTTTAAAGTG TCTGACATCN GGCCAGGCTC TNACCCCACA AAGCCAGATG CCACATTGGT 240
GGTGAAGAAC CATCANGNTG ATTNTNACCA GGGGCTCCCN GAAAGANTAC AGNAAAGGNA 300

TGCCANGCAT CGGCACGAAN GGTTGTCTTC TTGGTTCGNN CACANCAACG GGGAATGTTG 360
TTGNTTGANT GGTGN 375

配列番号：1975
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2250
配列：
GATCTATGTG CACACACCCN CATCACATGG AATGGGCTGG TCTAGGCTGT GGCCTGNCAC 60
CTTCCTTAGA GTGAATAGGG CGGACACTCC TCTCTTTTCC TGTAGCGTGT GGACCGGTCC 120
ACGCAATTCT TTATCCTGTG AACTCATCTG AGTGGGAGGT GGTGGACACT GGGGTTTCCT 180
TCCCTCTCTC CGTAGCATCC GTTGGTCTTT CTCTCCATCT CTGTTGGTTT GTCTGTCTCT 240
GTCTTGCTCC CAATCCCTAG GGGAAGGGGG CATTTGGCTA GGGGGTGCCC CTGTGAGCCT 300
NGACCTTGCC CCCTCGTCCN TCTCCCCAGT GTTTCCAGGA CCCCCAATAA ACCTTGTCCT 360
GTCAGTCAAA 370

配列番号：1976
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2252
配列：
GATCGATACA GGGGAGGGGG GAGGTGGAAA CAAACAACAA AACTGTACAT TTTTTTTAAA 60
GTTTGTTGAA AAGAATATTG TCTTATTCTA TAAAACATTT CAAACCTAGT TAGAGATTTG 120
TAATCAAAAA ACATTTGCGC AGAAAGCAGC ACTTAGGGCT GCCTGTTCTA TACCCTACAG 180
TCAGACAGGA AAAGANCTGA AAATGGCACC CTTCTGACAT TCTGNGGCAG CTGGNCTNGC 240
AGCCANGTAA NGGNGAGTTT ATGAGGTGGT GTGGGGAGGG TGGGGGAGGC NGCGTGGGGG 300
NTTCTCTCCA CAGCAGGTGG GNGCAGGCAA GNNTTTGGNG GCCAGANGGN GNGCTTTGTN 360
CNTGGGN 367

配列番号：1977
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2254
配列：
GATCTCCAGC CTTACCGCGG CTCGAAATGG ACCCCAACTG CTCCTGCACC ACTGGTGTCT 60
CCTGCGCCTG CACCGGCTCC TGCAAGTGCA AAGAGTGCAA ATGCACCTCC TGCAAGAAGA 120
GCTGCTGCTC CTGCTGCCCC GTGGGCTGTG CCAAGTGTGC CCACGGCTGT GTCTGCAAAG 180
GGACGTTGGA GAACTGCAGC TGCTGTGCCT GATGTGGGAA CAGCTCTTCT CCCAGATGTT 240
AATAGAACAA GCTGCACAAC CTGGATTTTT TTTTCAATAC GATACTGAGC CATTTGNNGC 300
ATTTCTTTTT ATGTTAAATA TGTGAGTGAC AATAAAACAA TTTTGACTTG AAA 353

配列番号：1978

配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2255
配列：
GATCTNACCT GAGGTGCTGG GTGAGAAATC TTAGGGACCA GATGGAAGAG GGCCTGTNTA 60
TANNGACATT AGGAAGGAGG TTTGGGAAGG TTTGGGAGGG CAGCCTGACT TGTCTCCAGA 120
GAAAGTTAGA ACTGGTTGAC TTAGCAACCA AGGGNCACTG GGTCAAAGAC GAGGANTCAG 180
GACGTCGGTG CCTAGTGACT GAGCGCCANC CAGCCCATTT CTNTACATTG CCATGGGCTA 240
AACCCAGTGT GCTGTAAACT CTTGCAGTTC CTTGNGGTTA TGGGATTTTG NTATCTTGNC 300
NGTGTTTCCT CAANTAAAGG NNCTTGTTTG TAAAAATTGG GNAANAAGAA A 351

配列番号：1979
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2256
配列：
GATCTGTTTC CTACAGACTT CAAATTTGAC ACCCCAGTGG ACAAACTACC ACAGCTATAA 60
ATTGAGGCAG CTAACGTCAA ATTCTTGAAT ACAAAACTTT GCCTGTTGTA CATAGCCTAT 120
ACAAAATGCT GGGTTGAGCC TTTCATGAGG AAAAACAAAA GACATGGTAC GCATTCCAGG 180
GCTGAATACT ATTGCTTGGC ATNNNGTATG TATATACTAG TGAAACATAT TTAATGATTT 240
AAATTTCTTA TCAAATTTCT TTTGTAGCAA TCTAGGAAAC TGTATTTTGG AAGATATTTG 300
AAATTATGTA ATTCTTGAAT AAAACATTTT TCAAAACTCA AA 342

配列番号：1980
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2257
配列：
GATCAGCATG ACCAGCACTC GTTGGNGGAA AGGTGTCTNT NAGGAGACGT CTGGAGCTTA 60
TGAGAAAACA GATACTGATG GGAAGTTTCT CTATCACAAA TCCAAATGGA ACATAACCAT 120
GGCGTCCTAT GTGGTCCACA CCAACTATGA TGAGTATGCC ATTTTCCTGA CCAAGAAATT 180
CAGCCGCCAT CATNGACCCA CCATTACTGC GGTGTCCCTG GTGATGGNGA TGAGGAGCTN 240
CTGCGCTTCT CCAACTGACA ACTGGCCGNT CTGCANGTCA GAGGATGGNC AGTGTCTGTC 300
CNGGGGTACT GTGGCAGNCA GCGACAAGCA ACCTGNGTCN 340

配列番号：1981
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2258
配列：
GATCNTNTCG NCTCTGAAGA AGACATGGTG ACTGTGGTGG AGGACTGGAT GANNTTCTAC 60

ATCAACTATT ACAGGCAGCA GGTGACAGGG GAGCCCCAAG AGCGAGACAA GGCTCTGCAG 120
GAGCTTCGGC AAGAGCTGAA CACTCTGGCC AACCCTTTCC TGGCCAAGTA CAGGGACTTC 180
CTGAAGTCTC ATGAGCTCCC GAGTCACCCA CCGCCCTCCT CCTAGCTCAG GGACCCAGCC 240
CCTCCTCTCT GAGAAACTCT GACCTTCATG TCCTTAGGCT GTGCTCCTGC CACTCTACCC 300
TGACACCTCA ATAAAGACCA GTGCTGGTTT TGTTGGAAA 339

配列番号：1982
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2259
配列：
GATCCTTNCG TGCTGAATAT CTGAAAAGAG AAATTTTTCC TACAAAATCT CTTGGGTCAA 60
GAAAGTTCTA GAATTTNAAT TGATAAACAT GGTGGGTTGG CTNAGGGNAA GAGTATATGA 120
GGAACCTTTT AAACGACAAC AATACTGCTA GCTTTCAGGA TGATTTTTAA AAAATAGATT 180
CAAATGTGTT ATCCTCTCTC TGAAACGCTT CCTATAACTC GAGTTTATAG GGGAAGAAAA 240
AGCTATTGTT TACAATTATA TCACCATTAA GGCAACTGCT ACACCCTGCT TTGTATTCTG 300
GGCTAAGATN CATTAAAAAC TAGCTGCNCT TAAA 334

配列番号：1983
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2260
配列：
GATCTTGTGC CAAGCTNAGG GTGTAGCGCT GCAAACGATG AAGCAAGAGT TTCTCATTAA 60
CCTTGTGAAG CAAAAGCCAC AAATAACANA GGAACAACTT GAGGCTGTCA TTGCANATTT 120
CTCAGGCTNT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC AGGACAGGAG TCTGCTTTGT GAGAGGGCAA 180
AAACTGATTT CAAAAACTCG CCTGCTTTGG GNTTTAAATT ACTTCAGGGN AGANAGCAAA 240
CAGNNCTTTC ATTCGGTGTN ACTTTTCTCT NNAATTTTAA CTNNTTTAAC ACTTTTTGTC 300
GATTAATGNA ATGATAAACG CTTTTATCGC NN 332

配列番号：1984
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2261
配列：
GATCCTGTGT GTGTGTACTA CCATAGAATG GGCCCCAAGA TGCATGATNA AGTGAGGAAA 60
AAAGCCCATG GTATCCTAAT GTTTGGAATG GAGAAAGTGT GTAGATGTAT GTGTGTGCAT 120
ATGTTTTCAC ACAGACGTAT ACACGTGTAT ATCATATGTC CACCTGCATA TGCCTAGGAT 180
GTCTCTGGGA GGATATCTAG CAGCCCGGCA GCCTGAATTG CCTCTGGGAA GAGGGGTGGG 240
AATGACTTTT CAATGTACAC CTTTTGTACC TTTTGAATTT TCGTACCATG TACATGTATT 300
ATCTATTAAA AAATAGTTCT TAATTTTTAA A 331

配列番号：1985
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2262
配列：
GATCACCCGG CAAGTTCAGG CTGAATTCTG AAGGCAAACT TGAGCAGACG GTCTCCATGG 60
CAACCCGAGC TTCAGAGGCC GAGGATGCCT CCCTTCTCAG CTTCATGCAG GGCTACATGA 120
AGCACGCCAC CAAGACCGCC AAGGATGCAC TGAGCAGCGT GCAGGAGTCC CAGGTGGCCC 180
AGCAGGCCAG GGGCTGGGTG ACCGATGGCT TCAGTTCCCT GAAAGACTAC TGGAGCACCG 240
TTAAGGACAA GTTCTCTGAG TTCTGGGATT TGGACCCTGA GGTCAGACCA ACTTCAGCCG 300
TGGCTGCCTG AGGACCTCAA TACCCN 326

配列番号：1986
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2263
配列：
GATCCTTACA TCTGCATCTA GTTATCAGTA ATTTAGATAT TGAGCTATTT TGATTTATAT 60
TTAAGAAATT AATACATTAG CACTGAAAGT TAAATAGTGT GTTTAAGGTA GTTAATTTCA 120
GGTTGAATGG GTTTTTTTTA ATGAAGTGTA AATAATACCA ATGTATAAGN GTATATTATN 180
ATATTAAATA TTATAGTAAA AAGGAATGTG TGGTATTTNC TNCAGCAAAA CTATTTTTGT 240
GATNTTTTNA TTCTCANCTT TNTATTTAAA AAATGTTACA TCTGCAGAAA AGTTGAAAGT 300
ATAATAAACT CTTCAGTTAA A 321

配列番号：1987
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2264
配列：
GATCTGCGCT GTGGCTGTCC CTGGACGTGC TGCAGCCCTC CTGTCCCTTC CCCCCAGTCA 60
GTATTACCCT GTGAAGCCCC TTCCCTCCTT TATTATTCAG GAGGGCTGGG GGGGCTCCCT 120
GGTTCTNAGC ATCATCCTTT CCCCTCCCCT CTCTTCCTCC CCTCTGCACT TTGTTTACTT 180
GTTTTGCACA GACGTGGGCC TGGGCCTTCT CAGCAGCCGC CTTCTAGTTG GGGGCTAGTC 240
GCCGAATTCT ACAATCCCGC TGGGGCGGCC GGGGCGGGAG AGAAAGGTGG TGCTGCAGTG 300
GTGGCCCTGG GGGGCCATTC N 321

配列番号：1988
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2266
配列：

GATCAAAAAT TTCTATCTGG AGAACCTCTG CGGACAAACC GAGTGCTTCC TGCAATTCCA 60
AGTCAACGAA GACACAGCAC AGCAGCAGAA GAGAGTGAAC ATTCTGCCAA CCCCACCAGT 120
GATGAAAATT AACTGTGGGC CACTCGCTGC AGAAATGTAG ATGAATATGT ATTTTCAACT 180
CTCAAAGGAC AAGATTACTC CAGTTTGTAA GAACGAAGAC CAATTTAGTA AGCTGCATTC 240
TATAAGCCAT CAGTTTTATA ACTCGAAATT CTTTATTCCA AATAAAGATA CTCCCTAAAT 300
AAGCACTTAG ANAAA 315

配列番号：1989
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2268
配列：
GATCAAAGCT GGGGCTGGAG GGTGGAGGTG TCAAGCCAGG CCAGGCAAAG GGAGATTTGA 60
AGCCAGAGCA GGTGGGCGCA TCTCCCAGGA AACCCTGCAT CATTCTTTCC TGGTGATTCT 120
TTCCTTCTTT GTTATGGTTC ACATGAGTCT ATGGAGTGCT CATTCTACAT TCTCCGTTCT 180
TATCTTCATC CTATGCAACT TTAGACCGCT ACTGTTTTTT AAAAGTGATT TGATTTGNGG 240
CTGTAACCTT TTTTTATTGT TGTTAGCTTT GACTTTGAAA TGTGTAATAA AGATTCAAGT 300
GAGCATTAGA AA 312

配列番号：1990
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2269
配列：
GATCTTGGGG TCCCCCGACG ACGTGCTCGA GTTCCTGAAG GTGTATGAGA AGCACTCNGC 60
CCAGTGAGCA CCTGCCCTGC CTGCATCTGG AGAATTGCCT CTACCTGGAC CTTTTGTCTC 120
ACACAGCAGT ACCCTGACCT GCTGTGCACC TTACATTCCT AGAGAGCAGA AATAAAAAGC 180
ATGACTATTT CCACCATCAA ATGCTGTAGA ATGCTTGGCA CTCCCTAACC AAATGCTGTC 240
TCCATAATGC CACTGGTGTT AAGATATATT TTGAGTGGAT GGAGGAGAAA TAAACTTATT 300
CCTCCTTAAA 310

配列番号：1991
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2270
配列：
GATCCGAGTG AATGCAGTAA ACCCCACAGT GGTGATGACG TCCATGGGCC AGGCCACCTG 60
GAGTGACCCC CACAAGGCCA AGACTATGCT GAACCGAATC CCACTTGGCA AGTTTGCTGA 120
GGTAGAGCAC GTGGTGAACG CCATCCTCTT TCTGCTGAGT GACCGAAGTG GCATGACCAC 180
GGGTTCCACT TTGCCGNTGG AAGGGGGCTT CTGGGCCTGC TGAGCTCCCT CCACACACCT 240
NAAGCCCCAT GGGCGTGCTC ATCCTACCCC CAATCCNTCC AATAAACCTG ATTCTGCTGG 300
CCAAA 305

配列番号：1992
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2271
配列：
GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCTCT GACGTCCTGC CCAAGTGAAC 60
AGCTGCGGCA GCCCTCCCAG CCTACCCCTC CTGCGCTGCC CCAGNNNCTG GGAAGGAGGC 120
CGCTATGCAG GGTAGCACTG GGAACAGGAG ACCCACCTGA GGCTCAGCCC TAGCCCTCAG 180
CCCACCTGGG GAGTTTACTA CCTGGGGACC CCCCTTGCCC ATGCNTCCAG CTACAAAACA 240
ATTCAATTGC TTTTTTTTTT TGGTCCAAAN TAAAACNTCA GTTAGCTNTG CCAATTTNAA 300
A 301

配列番号：1993
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2272

配列：
GATCTGAACT CCAGCTGCCC TACAAACTCC GTCACAGCTT TTNTTCTCAC TTCATGTGAA 60
AACTACCCCA GTGGCTGACT GAATTGCTGA CCCTTCAAGC TCTGTCCTTA TCCATTACCT 120
TAAAGCAGTC ATTCCTTAGT AAAGTTTCCA ACAAATAGAA ATTAATGAAT AAATGTTGAC 180
ACTTTGATAG CACTGATATG GAGATTATCC TTTCATTGAG CCTTTTATCC TCTGGTCTTC 240
TTTGAAGAAC CCCTCACTGT CACCTTCCTG AGAATACTCT AAGACCAATA AATACTTCAG 300
TATTTCAGAA A 311

配列番号：1994
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2274
配列：
GATCTAAAAC TNAAGAACAA ATTCTATTTA TTTATTATTG GAAAATNAAA AGCAACTCAA 60
AACAACTTCA ACCTGGAGGT GCATTTATAA TTCATTCTGC ATTTATTCTG TAAAAAGGTG 120
ACTGTTTTAT AAATNCTTTT AATTTATGTT CAATATATAT AAAAAGTGCA TCTNTTTTNT 180
TTTTCCCTTT TTTCTCCATA ATTTTAAGAA ATGAATNNGN TTGTTGTCAA CACATTTGTG 240
AAGTCTTGTG CTATAAAGGG GAACTTCCCC TAATAAAAGG GCCTTGGAAA CCTCAAA 297

配列番号：1995
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2275
配列：
GATCTAGGAG AGGCGGCTCT GAACGATTAC CTGCGGGTCA AGACAGTNAC CTTCGAATAC 60
TGAAGAAAGG TCTTTTTAAG AAGAAAGTCC CTGCCCCTCC CTCGTGGCTG GGGCCCCCTC 120
CCTNTTAAGC CTGGNTGCAC AGCACCTCCC ACCTGGGGGG CTAGTGGAAG CCCTCCTGCN 180
TGCACACCAT GTTTGCNTCT TGGACGCCCT CTTTCCAGTN ANAAGCAGCC CTTGGNTGGN 240
TNAGGTGTGC CCCTCCCAGG NAGAATAAAG CTTCTAAAGA NAGACCGTCC AAA 293

配列番号：1996
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2276
配列：
GATCAGGAGG AAGTGAGCAG TCGCCTGCCT GCAGCAGGNA GCTTTCTACT CCTGCCTCAT 60
GCGTACGTCC CACAAATGCA GGTGTCCTGA GCACCACACC CAGTGGGAAG AGTGTGGGGG 120
AGGCGCACAG TGTGAGCCCG CCCCCACGTC GTGGGTTAAC ATCTGTTATC AAACTGCTGT 180
CGTTGTTGTG GGTTTGGTCC TTGAACAAGA TGTGGGCCTT GCAAGATGGG AGAGTAAACC 240
TTGAAGGGCT TTATTAAAGA AATAAAAAAG NACTTNTTGT ATCTTTTAAA 290

配列番号：1997

配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2277
配列：
GATCCTGAAG AGGATGGTGT GGGAATGCAC TTTGAGAAAT GNCTATCTAA CCTTTNGAAA 60
CTTAAAGTGT TCCCAGTCCC CATTATACTT TTTAAAACCA CAATAGTCAC ATAAGGAAAT 120
AATCTAGCAG CTCATCCCTT TGCATCCAAT GTTTGAACTA TTTTTAGAAA GTGCTCTNGT 180
TCTGTCAAAG AACCTTCAAC ACAGAAAAAT ACANAAATGA GGGAAATGTA TAATTCCTGC 240
AGGAGAGAAG TGTTGTTAAC ATGTCAATAN ATGTTCTTAG ANAGTTAAA 289

配列番号：1998
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2278
配列：
GATCAGAGAA GCTAGGAGAG CTCCAGCAGG GGCACAGAGG ATTGGNNGCA GGAGGAGTCT 60
GGAACACAGC CTTCATGCCC CCTGACCCCA GGCCGACCCT CCCCACACCC TAGGGTACCC 120
CAGTCGTATC CTCTGTCCGC ATGTGTGGCC AGGTCTGACA AACACCTGTA GATGACTGNT 180
GGCCNAACCT GGGNCCTGNN CAGGAGGTTG GAGCAGNAAG GGCTCTCCCT AGGGGTGGTG 240
TNTCTCCTCT AGGGTATTGG GNTGCATGTN NTGCACTNN 279

配列番号：1999
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2279
配列：
GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGAGGT 60
ATCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT TGCATTTCCT TCTTAACTCT 120
CTGTTACACG TCATTGAAAC TACACTTTTT TGGTCTNTTT TTNTGCTAGA CTGTAAGTTC 180
CTTGGGGNCA GGGCCTTTGN CTGNCTCATC TCTGTATTCC CAAATGCCTA ACAGTACAGA 240
GCCATGACTC AATAAATACA TGNTAAATGG NAAA 274

配列番号：2000
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2280
配列：
GATCTTAACA AAATTCGTAG CAGTGGAACC TTGAAATGCA TGTGGCTAGA TTTATGCTAA 60
AATGATTCTC AGTTAGCATT TTAGTAACAC TTCAAAGGTT TTTTTTTGTT TGTTTTCTAG 120
ACTTAATAAA AGCTTAGGAT TAATTAGAAG AAGCAATCTA GTTAAATTTC CCATTTGTAT 180
TTNATTTNCT TGAATACTTT TTNCATAGTT ATTTGTTTAA AANGATTTAA AAATCATTGC 240

ACTTTGGTCA GAAAAATAAT AAATATATCT NATAAACAAA 280

配列番号：2001
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2281
配列：
GATCTGCATG TTCTCTCTTT GGGTTCAAGC ATTTCCTTAC AGAAGAGCCA CCGTGGAAGT 60
CATGGGTAAA TATGTGTTGA ATTGGTAACT CCCTCTTGGA GAATTTCTTG TGAATTACAC 120
AGCAATAGGG GAACTCATTT AACTGGAGAC ATAATCTCAA TTTGTAAAGT GTGGCCCATT 180
TTCTAACATT TTNANNTTGC ATACCCTCCC CTCTCTTCTC GATTGATGAA ACTAACAAAG 240
AGGTTAATAA AAGCCCATCT CGTCATGTAA A 271

配列番号：2002
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2282
配列：
GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGAAGCT 60
CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC TGTCCTGTGT TGGTTTTACT 120
AAAAAACGCA NCAATCAGAT ACGGAAGACC TCTTATGCTC AGCACCCNCA AGGTNCGNCN 180
AATNCGGGAG AAGATGATGG GNAATCATTG GCCCCGTGAG GGTTCAAGGC AAANTTTGCT 240
TTTGAANGNA AGGGGGGNNA ATAAATTNGN 270

配列番号：2003
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2283
配列：
GATCCCAACA GAAGAACATC GGAGACCAGA GAGAGGAACT CAAAGGGGCG CTGCCTCCGG 60
GTCTGGGGTC CTGGCCTGCG TGGCCTNTTG GCACGTGTTT CTCTTCCCCG CCCGGCCTCC 120
AGTTGTGTGC TCTCACACAG GCTTCCTTCT CGACCGGCAG GGGCTGGCTG GCTTGCAGGC 180
CACGAGNGTN GGCTCTACCC NACACTGGCT TTGCTGTGTA TACGCTTNTT GCCCTTAAAT 240
AAATATGCAC ATTTTATCCA TTAAA 265

配列番号：2004
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2285
配列：
GATCCACATT GTTAGGTGCT GACCTAGACA GAGATGAACT GAGGTCCTTG TTTTGTTTTG 60

TTCATAATAC AAAGGTGCTA ATTAATAGTA TTTCAGATAC TTGAAGAATG TTGATGGTGC 120
TAGAAGAATT TGAGAAGAAA TACTCCTGTA TTGAGTTGTA TCGTGTGGTG TATTTTTTAA 180
AAAATTTGAT TTAGCATTCA TATTTTCCAT CTTATTCCCA ATTAAAAGTA TGCAGATTAT 240
TTGCCCAAA 249

配列番号：2005
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02287
配列：
GATCAGGAGC AAACAGACCC TGCAAGGTCC TCCAGGCCTG GGGACAGGAA AGCCACTGAC 60
CCAGCCCGGG AGGCAGAACC AGGCAGCCTC CNTGGCCCCA GGCAGCCCTT TTCCCTCCAG 120
TGGCACCTCC TGGAAACAGT CCACTTGGGC GCAAAACCCA GTGCCTTCCA AATGAGCTGC 180
AGTCCCCAGG CCATGAGCCT CCCGGGAATG TTTAATAAAG GGCCTGGCCA CCTCTCCTCA 240
AA 242

配列番号：2006
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02288
配列：
GATCTAAGTT TGATAAGAGC CTGTGTGGTG AGTATGGTGT GTATGTGAAG GTGACTTCCA 60
TCCAGGACTG GGTTCAGAAG CCATAGCTGA GACTAATGCA AGGCTGGCGA AGCCTTGCTG 120
AAAGAAGATT TCAGCTGGAG AGGCAAAGTG GCGGGAGTGG CAGAGTGGTG CGTAAGTGTG 180
GTTAAGTNTG GGTCCANCCT GCATTCTGAG CAATCAATAA AGTNTTTCTT TTNCCCAAA 239

配列番号：2007
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02289
配列：
GATCCTGAAG GTAATACAAT CAGCAACATT AAAACATTTC TTTCATTTTC TGTTACTGAA 60
GTAAAATAAG CATTCCACAT TTATAAACAA CAGGTTATTT CAGGAAGATA TTTTCATATC 120
TTACAGCGAA AAGTCTTTTC AAACAGAAGC ACCTAATATT TAATATATTA TTTTGTAAAT 180
TATTGACTAA CAAAATGATG ACTCGACTGG CGAAATAAAA TACAGTTTTT AAATCAAA 238

配列番号：2008
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02290
配列：

GATCCTGAGA NCTTCAAGCT CCTGGNNAAT GTNCTGGTGA CCGTTTTGGC AATCCATTTC 60
GGCAAAGAAT TCACCCCTGA GGTGCAGGCT TCCTGGCAGA AGATGGTGAC TGGAGTGGCC 120
AGTNCCCTGT CCTCCAGATA CCACTGAGCT CACTGCCCAT NATGCAGAGC TTTCAAGGAT 180
AGGCTTTATT CTGCAAGCAA TCAAATAATA AATNTATTCT GCTANGNNAA AACAAA 236

配列番号：2009
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2291
配列：
GATCATTACC ATTACAGGAA CACAGGACCA GATACAGAAT GCACAGTATT TGCTGCAGAA 60
CAGTGTGAAG CAGTATGCAG ATGTTGAAGG ATTCTAATGC AAGATATTTT TCCTTTTTTA 120
TAGTGTGAAG CAGTATTCTG GAAAGTTTTT CTAAGACTAG TGAAGAACTG AAGGAGTCCT 180
GCATCTTTTN NNGTTTAANC TGCTTCTGTT NAAAANGCCA NCATTCCTCT GTTTN 235

配列番号：2010
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2292
配列：
GATCCTGAAG AACTTCAAGC TCCTGGGAAA TATGCTGGTG ACCGTTTTGG CAANNNGTTT 60
CGGCAAAGAN TTCACCCCTG AGGTGCAGGC TTCCTGGCAG AAGATGGTGA CTGGAGTGGC 120
CAGTGCCCTG TCCTCCANAT ACCACTGAGC TCACTGCCCA TAATGCAGAG CTTTCAAGGA 180
TAGGCTTTAT NCTGCAAGCA ATACAAATAA TAANTCTNTC CTCCTAAGAG AAA 233

配列番号：2011
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2293
配列：
GATCCTTGAC GAGGAGAGAG AGCTTGAAAA GCTGTTTCAG CTGGGCCCCG CTTCACCTGT 60
GAAGATGCCC TCTCCACCAT GGGAATCCAA TCTGTTGCAG TCTCCTTCAA GCATTCTGTC 120
GACCCTGGAT GTTGAATTGC CACCTGTTTG CTGTGACATA GATATTTAAA TTTCTTAGTG 180
CTTCAGAGTT TGTGTGTATT TGTATTAATA AAGCATTCTT TAACAGAAA 229

配列番号：2012
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2294
配列：
GATCTGGCAT AAATAAATTN AATAAATATT TTAATGCTCC ATTTTTTAAT GTTGCTTTTC 60

ATACTAAAGA ATGGTGTAGA CTTGTTTTGC AACTNTAAGG TACCCAGTTA TCAATTTAAT 120
CAATGTTTTA GAGNAGGAAA TNATTTTTTN GGTAGAAATT GTTCANGAAC CTTAATTGAA 180
TGCATTAAAT GATGGTGGCA AAATAAACCT ATTAGAAATT AAA 223

配列番号：2013
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2295
配列：
GATCAATGCC CTCATCTGCA ATGTAGGGGC CGGTGGACCT GCTCCAGCAG CTGGTGCTGC 60
ACCANAGGAG GTCCTGCCCC CTCCACTNCT GCTGCTCCAG CTGAGGAGAA GAAAGTGGAA 120
GCAAAGAAAG AAGAATCCGA GGAGTCTGAT GATGACATGG GCTTTGGTCT TTTTGACTAA 180
ACCTCTTTTA TAACATGTTC AATAAAAAGC TGAACTTTAA A 221

配列番号：2014
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2296
配列：
GATCTGTAGT GTCATGGGTG CTGCCGCAGA CGNAAGTTGA NCTGGGGGTG CCTGCAGCCT 60
TCCACTCCTG CCCCGCCTCA CCCCACATGC TCCCTGTTTC TAATGCTTTC TCTAACTTCC 120
TCACCCCTTA ACCAAAAAGG TGTGTTTNCT TTTGTNCATA TAGCCATTCT NAAATATNAG 180
TAATGTAAAC CTNACTTTAT TAAAAAATTA TCCAGCAAA 219

配列番号：2015
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2297
配列：
GATCAGGTTT GTTGAGTTTT TTAGCCTAAT TCCAAAGCAT GGAAGAGTGC TCTAGGTAGG 60
AAAGAAAGCT TTTTCTTACG ATTTGTAGCT ACCTACTGTG CCTGACTTGG TGCCTGTGTG 120
AGGATTAAGC CCTTAGTCTG CTCTTGCAAT TATTCAAATG ACAAATTAAA TTTGCTTTTG 180
TAATAACAAT AAAAGTTGTC ATCTTCCCTT TTGAAA 216

配列番号：2016
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2298
配列：
GATCCTGCCA TCACTGCTGC AAAGAGAACA CGAGACTCAA GGAAACTCCT CCTCCACCGC 60
AGCCCAACTG TGCCTGCTAG TNTCCCCGTG CACACAGGCA GCTCCAGGGG GCTCTGGTTG 120

CCAACAAACA GCATTTGTAA ATGGTCTATT AGCCTTCATT TATACTGCCT AACAATTATT 180
TGAAGGAATA AATTGATGTC AATGGCTAAA 210

配列番号：2017
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2299
配列：
GATCTAGCCT GATTCCTGCG TGTCCGAAAG AACTTAACGT TTTAAAGGTN ATTGTNAAGT 60
AACTGTGTGG GGTTCTAATG CCAGTTTCCT AATTCCATCT CACTGGAGAT GTTTAAAGTT 120
GGCCTCTATC CTAATGACTC AAAACTTGGT TCTTAACTAC CATGATTGCT TTTNAGGGCC 180
CGGAATTATA AATATATATN ATATTTAANT TGTTTGAAA 219

配列番号：2018
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2300
配列：
GATCCGGGGC ACAAAGAGGG TGGGGAACAT GGGGGCTATA CTGGGGAAAG CAGCCATGCT 60
CCCCCCNACC TCCAGCCGAG CATCCTTCAT NAGCCTGCAG AACTGCTTTC CTATGTTTAC 120
CCAGGGGACC TCCTTTCANA TGAACTGGGA AGAGATGAAA TGTTTTTCCA TATTTAAATA 180
AATAAGAACA TTAAAAAGCA ACCCCAAA 208

配列番号：2019
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2301
配列：
GATCTCAAGG CTGCCGTACT GGAGGCCATG ACTGCCTTCC GCAGAGCAGG TGCTGACATC 60
ATCATCACCN ACTACACACC GCAGCTGCTG CAGTGGCTGA AGGAGGAATG ATGGAGACAG 120
TGCCAGGCCC AAGAACTAGA ACTTTAAAAC GTTCCCGGGG CCTCAGACAA GTGAAAACCA 180
AAGTAAATGC TGCTTTTAGA AA 202

配列番号：2020
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2302
配列：
GATCTTCTTT GAGACAAGGC AGGCTGTGGC CATGTAGCCC CATCACACTG TGTTTGTNAT 60
TGTCTGTGTG TCTGTCTCCC CCACCAGACT GTGAGCTCCA TGAGGGCAGG GACCGTGTCT 120
TGTCCGTTCT CTGTATCCCC AGTGCTTGGA ACAGAGCGAG TGCTCACTGT GTATTTAATA 180

AATGGACAAA GAGAGAGGAT GACCCTCACG GGGAGACAGA GAAA 224

配列番号：2021
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02303
配列：
GATCGGCAAA TGCATTGGCC TCCTGGTTAA GCACGTTTTG GGGATAATTT TCTCTTCTTT 60
AGGCAATGAT TAAGTTAGGC AATTTCCAGT ATGTTAAGTA ACACACTTAT TTTTGCCTGT 120
GTATGGAGAG ATTCAAGAAA TAATTTTAAA ACCGCATACA TAATAAAAGA CATTGTTGCA 180
TGGCTTATAG TCAAA 195

配列番号：2022
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02304
配列：
GATCTGTGCC GTGGTCCTGA GGCAGTTGTC TCCACACAAG TACCTCTAGA ACAATCCCCT 60
TTTTTCCATC AAGCTGTAGC CTGCAGAGAA TGGAAACGTG GGAAAGGAAT GGTATGTGGG 120
GGAAATGCAT CCCCTCAGAG GACTGAGGCA TAGTCTCTCA TCTGCTATTG AATAAAGACC 180
TTCTATCTTG AAA 193

配列番号：2023
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02305
配列：
GATCTNCCCT GCATCCTGAC CAAGACCCCA ACCGTGCCCC CAACAGACTC CCCCTGGGAG 60
ATTCAGCCTA TTCACTGATG AGGAAAGTGA AGCCGGGTCT CCTGTCTCCC CAAATTCATT 120
GCACCTACGA TATAGTCCAG GATTGGGTAG CAAGATTAAA CACAAGCGCT TCAAATTGAT 180
GAAAACCACA AA 192

配列番号：2024
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02306
配列：
GATCCCTAAC TACCAACCCC CTGAAGGCAG GTACAATGAC ATCACCAAGG TGTACACACA 60
AGTGGAGTTT AAGAGATAGA CTTGCAGGCT GCTATCCTTA ACATGCTGCC CCTGAGAGTA 120
GGAATGACCA GGGTTCAAGT CTGCTTTCCA CAGAATCAGG CATNCTGTTA ATAAATACTG 180
GTTTAATCAA A 191

配列番号：2025
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02307
配列：
GATCGTATTT CAGTTTTTTG GGTCAATATA TGAACAATGT GTGAACCAGA ACGTATGGTA 60
TTTGACATCA AAGCTATGTC TTGGCATATG TTTATGTTGA TATACTTGAA TTCATTTAAA 120
ATGGAATGTT AATTACATCG ACTTCTTACT ATAAAAAATA AAAAGTTATT GTCCAGTGCA 180
CAGAAA 186

配列番号：2026
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02308
配列：
GATCCATTGA GAAAGAGATG ATGTAATAAA TAATTAAGAT TAGTAATAAT ATTATCAGGG 60
GTGATTATGA CCAGTTGAAT AATCTCTTTC CCTTGAATTA TTTAGCTAAC AAATTAACTC 120
TCCCAAATAT NTAAANTAAT GTAAANTCAT ATTTNACTGC CCATTATTAA CTAAAATATT 180
TNTGTNTGAC TTTGAGCACC AACTGGTAAT ACTAGTAAAT ACCCATGTCA TGCAGATGGC 240
TGGGCGAATA AGAGATGTCT AAAAATATGC ACTGGTCTTG GGAAACATGG CACAAGTAAG 300
GNTATCATAT ATGANGTCTG GTTTATTTTA TGTCTGATTT CTTTTTGANT GAGTAGTTNG 360
GGACTCCANT TCTAAGGNTN 380

配列番号：2027
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02309
配列：
GATCTCTCCA CAGGGCTTGT TTTCCAAAGA AAAGTATTGT TTGGAGGAGC AAAGTTAAAA 60
GCCTACCTAA GCATATCGTA AAGCTGTTCA AAAATAACTC AGACCCAGTC TTGTGGATGG 120
AAATGTAGTG CTCGAGTCAC ATTCTGCTTA AAGTTGTAAC AAATACAGAT GAGTTAAAAG 180
AAA 183

配列番号：2028
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02310
配列：
GATCTGCAGC TGCCTTGGGA CTTGAATCCA TGCAATGTTT AGAGTGTGAA GTCAGTTACT 60
TGTTGATGTT TTCTTACTGT ATCAATGAAA TACATATTGT NATGTCAGTN CTTGCCAGGA 120

ACTTCTCAAC AAAATGGAAT TTNNTTTTNC AGTATTTCAA TAAATATTGA TATGCCCAGC 180
CTGNTAAA 188

配列番号：2029
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2311
配列：
GATCCATGCT GATTTTTATT GCACAAGAAT TAGGTTTGAA CTCTTGAGCT GGAACCTCAG 60
CAAACTAGAG TATATATTGT TCAGTATNNC TTTGGAAACA TTTCATTAAT GTACTTGTCT 120
TACANAAATT TCTGAACTTT AGTAAAAAAA AAATAAAGTT AAACTTTTAA AACTCAAA 178

配列番号：2030
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2312
配列：
GATCGGTATG TTTTGAAAAG AGTAATTTAA CTTTTGGGTG CCAGGAAATG GGTTTTCTCA 60
AAGTCCATTG CCGGCAATGG GCAGGCCTGC AAATACTGGC ACAGAGCATT AATCATACAC 120
CTTATTAACG GTGAGGTGAA TAACTTTGAA ATAAAGTTTT AGAGAAATGT TTCAAA 176

配列番号：2031
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2313
配列：
GATCCGCCTG GCAGCCATTG CAGAGTCAGG GGTAGAGCGG CAAGTACTTT TGGGAGACCA 60
GATACCCAAA TTCGCCGTTG CCACTTTACC ACCCGCCTGA ATCCTGGGAT TCTAGTATGC 120
AATAAGAGAT GCCCTGTACT GATGCAAAAT TTAATAAAGT TTGTCACAGA GAAA 174

配列番号：2032
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2314
配列：
GATCCAGAAG TTATGGTGGC TTTCCAGGAT GTGGCTCAGA ACCCAGCAAA TATGTCAAAA 60
TACCAGAGCA ACCCAAAGGT TATGAATCTC ATCAGTAAAT TNTCAGCCAA ATTTGGAGGT 120
CAAGCGTAAT GTCCTTCTGA TAAATAAAGC CCTTNCTGAA GGAAAAGCAA CN 172

配列番号：2033
配列の長さ：170

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2315
配列：
GATCTCAGGA CCTCTTTACA CTTTTCAAAG TTACTTAAGA CTCTGAAGAG CTTTTCTTTA 60
TGAGGTTATA TCAATATTTA CTACATTAAA AATTAAAACA GAAAATTTAA AGTAGGTATT 120
TATTGATTTA TTTAAACAAT AAAAATAATA AAGTATTACA TGCTAACAAA 170

配列番号：2034
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2316
配列：
GATCCGTTTG CTGTGAACCC TATGTTATTT CCATGTGTCA AGTGGGTCTT GTGTTGCCAG 60
CTTCTATTTG AAGATTGCGT TTGCACTCAG TGTAAGTTTC TGTCAGCAGT AGTTTCACCC 120
ATTTGCATGG AAAAATTTAA AGCTAATAAA GCAATTTAAA AAGCACAAA 169

配列番号：2035
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2317
配列：
GATCCCACAG TCTCAGCCCT GCTTACTAGT GAGAAAGACT GGCAAGGTTT CCTAGAGCTC 60
TACTTACAGA ACAGCCCTGA GNCCTGTAAC TATGGGCTCT GAAGGGGGCA GGAGTCAGCA 120
ATAAAGCTAT GTCTGATATT TTCCTTCACT AATATGAAA 159

配列番号：2036
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2318
配列：
GATCCGGGGN AGCTAGGATG GGGAACCTGC CACAGCCAGA ACTGAGGGGC TGGCCCCAGG 60
CAGCTCCCAG GGGGTAGAAC GGCCCTGTGC TTAAGACACT CCTGCTGCCC CGTCTTGAGG 120
GTGGCGATTA AAGTTGCTTC ACATCNTCAA A 151

配列番号：2037
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2319
配列：
GATCTAACAT CAAACTAACA GCTTTCAGAA AGGAGACTNT TGNCATCTTT TCACCAAGGA 60

GTATATTTGT AGAGTAATAT ATGTGTGGAA NTTTNAAATT ATATCATTTG ACATGATTTA 120
TGAGGCTTAT TTAAGCTGGA GTNNNCCN 148

配列番号：2038
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2321
配列：
GATCTGGTCT AGTTAACCTA GAAGTATTTT TGTCTCTTAG AAATACTTGT GATTTTTATA 60
ATACAAAAGG GTCTTGACTC TAAATGCAGT TTTAAGAATT GTTTTTGAAT TTAAATAAAG 120
TTACTTGAAT TTCAAACATC AAA 143

配列番号：2039
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2322
配列：
GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGGACCT GCTTCTATTA GCCCTTCTCC ATGGCCCTGC 60
CATGCTCTCC AAACCACTTT TTGCAGCTTT CTCTAGTTCA AGTTCACCAG ACTCTATAAA 120
TAAAACCTGA CAGACCATGA AA 142

配列番号：2040
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2323
配列：
GATCGAAAGA AGAACATCAT GAAAAANAAA TNAACTTTGC TTAGTGGATT AGACTCCTTT 60
GCTGAAGTCA GTTATTCATC AAGAATGCAA TTAGACTAAT TGTGAATAAA TGATTGAATG 120
AAGATATAAT AAATAAAAGC TATAATTATA GATAAA 156

配列番号：2041
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2324
配列：
GATCTCTCCT TCAGTCTGCT CTGTTTAATT CTGCTGTCTG CTCTTCTCTA ATGCTGCGTC 60
CCTAATTGTA CACAGTTTAG TGATATCTAG GAGTATAAAG TTGTCGCCCA TCAATAAAAA 120
TCACAAAGTT GGTTTAAA 138

配列番号：2042
配列の長さ：137

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2325
配列：
GATCCACAGG CAGAGCCAAG GGAAGGTGTG ATTCTNTGAG GAAAGAGTGA TTCTGATATA 60
TGTACTTGTC ACATTGGTGT TGGACACATT TGCGCCAAAA GTATGGTAAT NCTATTATNA 120
AATAATTCTC TGAGAAA 137

配列番号：2043
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2326
配列：
GATCCAAACT GGAANCAGCT CAAATNTCCA TCAATAGCAG AAAGATAAAC AAATGTNGGG 60
ATGTNCAGAG CTTGAAATAT GACACANTAT AAAAGGACAA ACTATTAAAA CTCACAACAG 120
CATGGATAAN TCTN 134

配列番号：2044
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2327
配列：
GATCCAAGCA GGCCTTGAAT GCAATNGCAA GTGGTTTATA GTCCCTTGCT CTTACAACTT 60
GCAGGGACAT GTGGTTATTT AGAAATTGTG ACTGAGCGGA CCCAAGAATN TAAATAATAT 120
TCATAAACCT AAA 133

配列番号：2045
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2328
配列：
GATCACCTGT AGGGAAATGA AGTGTNCCCT GGAACAAGGA GGTGGGGGCA NTGTGGCCCC 60
TTCCCCAACT GGGGGTGGAC AGCTGTNTCC TGGGGTGGGT TGGTATTAAA GAGGAAAGCN 120
ATTTTTTGGA AA 132

配列番号：2046
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2329
配列：
GATCCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTCT GTGTCTCCCA GCCCATTTCC ACTCCTAGTT 60

TGTCATGGAT AATNTTTGTT GTTCCCTGTG TGATTTTTGC CATCAAAATA AAAATTTGAG 120
ACTCGTTAAA 130

配列番号：2047
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2330
配列：
GATCCAAGGT CAAAAAAACA AATNCATCAA TTCAGCACAC CACCAACTNA NAGGCTAAGC 60
ATCTTACTGC TAATTCATTG ANGCTGCCAT TTGTCAAGTG CCAAATTGAN TTATTGATTT 120
GTCAATANTN 130

配列番号：2048
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2331
配列：
GATCAGATAT ACAAAAATAA AGTTTTTNAT TTCATTAAAT ATTTAATTAA AACTGCTAAG 60
TTTGAAAATT TTTACCAAGA AATANTTTTN ANAAATTTTN CTAACTTGAT AAAGGCTTTT 120
AAGCAATAAA 130

配列番号：2049
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2332
配列：
GATCTATATT CCCTTATTGC ATTTTCCTTA TGTATAATTT TCCAGATGGT GATGTTACTT 60
TTCAGTGTAC TCATATGTCT CATTTTCATC TAAAATTAAA TGGCAGGAAA CAAGGACTGC 120
ATAGAGAAA 129

配列番号：2050
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2333
配列：
GATCAAAAGC TTATTCNTTT TTTTTTTTTT TTCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
AAANANATAA TTTTTTTTAA TCATTTTGCN TCTTTTTTTT TTGCTTCATT NAATAAAAAN 120
TGGAAAGAN 129

配列番号：2051
配列の長さ：148

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2334
配列：
GATCTGAACA CCACAGCCCC TGTACTTGGG TTGCCTCTTG TCCCTGAACT TCGTTGTACC 60
AGTGCATGGA GAGAAAATTT TGTCCTCTTG TCTTAGAGTT GTGTGTAAAT CAAGGAAGCC 120
ATCATTAAAT TGTTTTATTT CTCTCAAA 148

配列番号：2052
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2336
配列：
GATCCANCTN TNTCAACCTC CCAAGTAGGA TTACAAGCAT ACGCCGACGA TGCCCAGAAT 60
CCAGAACTTT GTCTATNACT CTCCCCAACA ACCTAGATGT GAAAACAGAA TAAACTTCAC 120
CCAGAAAACA AA 132

配列番号：2053
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2337
配列：
GATCCATCCT TCCTGCCTCC AAGGAGGATA CACAGAGAAT GGCTTCCTGT TGTTTTGTTT 60
ATTTTCTTAA CGTGTACAGA TGGAAACTTC ATTTAAAAAT AAAAACAAAA CAACTCAAAA 120
AGGAAA 126

配列番号：2054
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2338
配列：
GATCAAAAAA GCTCACGTCG TATTTCTTCT TTTCCTTTCT CTTTTCTAGA AATTGGGTGT 60
TTGTACCAGA ATGGAATTTT GCTTCTCGGT TATCCTGTGC TTCAGATGAT TATAATCTAA 120
CCCAAA 126

配列番号：2055
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2339
配列：
GATCAAATCT TACAGTTCAT CACAGAATCC ATGTTGGTGA TAAATNCTAT AAAAGTAATA 60

GGGGTGGTAA GAACATCAGA GANTCCACAC AGGAAAAAAA ATCTATAAAA NGATTCTTTG 120
TGAAA 125

配列番号：2056
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02340
配列：
GATCCCACAG AAATGTTTTG GAGAGCGGGA GGTTTCCCCC AATCTCCTCC AAGTTCTTCT 60
CCCTCCAACC AGAGTTGTGT CTAACTTTAG GCATCTTTTA ATAAATNTNA TTGCGACTCT 120
GAAA 124

配列番号：2057
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02341
配列：
GATCACTTCT GAATAAGCAG TTTGCCTTTA TAAAAACTTG CTGCCTGNCT AAAGATTAAC 60
AGGTTATAGT TTAAATNTGT AATTAATGCT ACCATCTTGC AATAAAGTGA CAATTGAATG 120
NAACAGGGTT TTTCAAGTTG TATAATTCTC TGAAATACTC AGCTTTTGTC ATATGGGTAA 180
AANTTAAAGA TGTCATTGGN CTACAAA 207

配列番号：2058
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02342
配列：
GATCTTTACT CTTGAGAAAT GAATAAGCTT TCTCTCAGAA ATGCTGTCCC TATACACTAG 60
ACAAAACTGA GCCTGTATAA GGAATAAATG GGAGCGCCGA AAAGCTCCNT AAAAAGCAAA 120

配列番号：2059
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02343
配列：
GATCCAAGGT ATCCNTAACA NTGGAGCAGC CAAGTTTNTT TTCAGGCACA ATGACCCTGA 60
CCACCTAAAG AAACTTNTAG AGAAGTNTAA CCCTAAGATA CCCAAAATTT TGGCCTTTN 119

配列番号：2060
配列の長さ：127
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2345
配列：
GATCCCCTCT TCTCAGACAG CGCCAGGCCG GGGTGGGGCC GGGGTTGGGG CCGAGCCCCA 60
CAGCTGCCCC CCTCCCNTCC CNTTTTGTAT AATTTAATAA AGAAATGGTC GCGCTTCTGT 120
TTTTAAA 127

配列番号：2061
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2346
配列：
GATCGAGGTG GAGAAGATGC GGCGGGCGGA GNCTTATNAC CGNNTAGAGA ACAGCCCACA 60
GNTGGATGGG AGCCCCCCAG GGCTCGAGGG TCTGCTGGGG GGCATTGGGG AGAAAGN 117

配列番号：2062
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2347
配列：
GATCTGCTGA GGACACATGC GCTTTTGTAG AATTTAACAT CTGGTGTTTT TCTGAAAAAA 60
TATATATACA TATATTGCTT TATTTGAAAC AAATNAAAAT ATGCTGCATT TGAAA 115

配列番号：2063
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2348
配列：
GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGTGCTG CCCGCTGGGC CTCCCAACGG GCCCTCCTCC 60
CCTCCTTGCA CCGGCCCTTC CTGGTCTTTG AATAAAGTCT GAGTGGGCGG CAAA 114

配列番号：2064
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2349
配列：
GATCCAAAGT ATCAGGTCTG TTAGTGGCCA TCAGCACTTT AATATTGCCT CGAGGAGGAT 60
TTCTTGGNCN CNNNAAATAA GGTCATTAAG TCTTATGCCA AATTCAGTGC TCCN 114

配列番号：2065
配列の長さ：113

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2350
配列：
GATCCTAGAT AAGCAGGTGA AATTTAGGCT TCAGAATATA TCCGAGAGGT GGGGAGGGTC 60
CCTTGGAAGC TGGTGAAGTC CTGTTCTTAT TATGAATCCA TTCATTCAAG AAA 113

配列番号：2066
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2351
配列：
GATCTACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTNTAG ANATCCACCT GTTAGAACGC 60
CTAGGGGTCT GAACCGGGCT GGNCTGANNC TATCACCTCT TATGCACAN 109

配列番号：2067
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2352
配列：
GATCCCAAGG CCTAGCCTGT GAAGGTCTCC TATCGGAAGA NTACCCCCAT NNAATGGGAA 60
GTGGAATTCC TGGTCAANTT GGTCTTNATG CTCTGGAAGA CGTAAGAN 108

配列番号：2068
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2353
配列：
GATCTTAAGC AAAAATACTC ACTGAAATAG TATGTGGATG AATTCACCTA CTTACAATTT 60
TATGGTTTCT TTGTAAATAA TAAATGTGAA TCTCAATTCT GCTTTAAA 108

配列番号：2069
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2354
配列：
GATCCTNGGC TCCACCTGGG TGGCCCTGAC CACGGGAGCC TTGGGCCTAG AGCTGCCCTT 60
GTCCTNCCAG GACCCCCNCC TGGCCACTGC CCGCCTACTN NCTN 104

配列番号：2070
配列の長さ：408

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2355
配列：
GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGC GTGTGGTTTA GGTGTTAGCC TTCTTACATG 60
GATGTNAGGA GAGCTGCTGC CCTCTTGGCG TGAGTTGCGT ATTCAGGCTG CTTTTGCTGC 120
CTTTGGCCAG AGAGCTGGTT GAAGATGTTT GTAATCGTTT TCAGTCTCCT GCAGGTTTCT 180
GTGCCCCTGT GGTGGAAGAG GGCACGACAG TNCANGCGCA NGTTCCTGGG CTCCTCAGTC 240
GCAGGGGTGG GATGTGAGTC ATGCGGATTA TCCACTCGCC ACAGTTATCA GCTGCCATTG 300
CTCCCTGTCC TGTTTCCCCA CTCTCTTATT TGTGCATTCG GTTTGGTTTC CTGTAGTTTT 360
AATTTTTTAA TAAAGTTGAN TAAAANTATA AAAANAAGAG NNGGCGNN 408

配列番号：2071
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2356
配列：
GATCAAAAGC TTATTCATCT TTTTTCTTTT TCCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
AAAANCATAA TTTCNTTAAN CNATTTTCCC TCTTTCTCNT N 101

配列番号：2072
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2357
配列：
GATCAAAAAA AGAGTTTGAA GCTAATTTTG GCAAAATTCA GGCCAAAAAA GTAAGGCCAT 60
TATTTAACCC TGTGGCACCA TTAAATGTTG AAGAATGACA AA 102

配列番号：2073
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2358
配列：
GATCTTTTTT GTCAGTTTGT TTGTATGAAA CTAAAGCCNT TATTTGTTAA TAGTTCCTGC 60
TAAAACAATG AATAAAAACT CAAGGAGCAA CTAAA 95

配列番号：2074
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2359
配列：

GATCGTCTCT AGGATGATAT GCATGTTTCA AGTGGTATTG AAAGCCGCAC TGATGGATAT 60
GTAATAATAA ACATATCTGT TATTAATATA AA 92

配列番号：2075
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02360
配列：
GATCTAAGTT AGGAAAGACG ATGGAGGTGG AATCCTTTAA GATTATNTCC AGTTATTTGC 60
TTTAATAAAG AAGAAGTTAC CCTTGTCAAA ATCAGAACAA A 101

配列番号：2076
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02361
配列：
GATCTTCATT TATTTTAATG GTAATGGTTT TAAAATATGT TCCTGATTGT ACATATTNTA 60
AAATAAACAT GTTTTTTAAC ATGCAAA 87

配列番号：2077
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02362
配列：
GATCACAAAC ATTCAACAAA AAAGTTAACT TATGTGACTT GGCAGTTATT CTATACCATT 60
TCCTGTCCAT TAAAATTTTT AAAGGAAA 88

配列番号：2078
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02363
配列：
GATCCCATTT AATATTTAAA AAAATCAGTA GCACAAATAT ATNTNAATTG TCAACTTACA 60
AAATAAAATA CATTTACAGT CTAAA 85

配列番号：2079
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02364
配列：

GATCATCAAA AAAGAGGTAA TCTACGTTAT TTCCTATTCT AATGTCTTTT CCTAATAAAA 60
AACTTCAACT TTCTAAGTTA AA 82

配列番号：2080
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02365
配列：
GATCCTTTCG GAATTGCACT TTTACATGTT GGGCGAATTT GTGTCCGTGC TGAAGTTTAT 60
TAAAGGAAAA TAGATGGAAA 80

配列番号：2081
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02366
配列：
GATCAAGCCT TGCTTGAGAT TGGCCTTACC TCTGGNCNTT TTTTGTTATA TGAGCTAATA 60
AATNCTGTTT ATTGTTTAAA 80

配列番号：2082
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02367
配列：
GATCCATGAA GTNATTCAGT GGAAANATGC ACGTTNATAC TATTTNAGAG CACAAATAAA 60
CTCACTATAC AATGGTCAAA 80

配列番号：2083
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02368
配列：
GATCAAACCT CAAAGCAGCT TTNACTTGGA ATTTAAAAAT AAACAGTTCA AAGATACTCT 60
ACATTATCAC CNTAAA 76

配列番号：2084
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02369
配列：

GATCCATTTC ATGCAGGATT GTGTTGTTTT AACTGTTGTT GAGGAAACTA ATAAATAATT 60
AAATTGTAAA 70

配列番号：2085
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02370
配列：
GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CTGGGAAGTT TACTCAATAA AGCTGGCTTT CCCCTGCCCT 60
CAAA 64

配列番号：2086
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02371
配列：
GATCCGTTGT AATGATGTGA ACATTTTATG AGTTTAAATA AAGTCATCTT ATGGTGTCAT 60
TAAA 64

配列番号：2087
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02372
配列：
GATCTTAAAA TCAGTGATTA TCTTTTTCTA AATAAAATAT CACCAGAATT CATCAGTTAA 60
A 61

配列番号：2088
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02373
配列：
GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CAGGAAGTTT ACTCAATAAA GTGGCTTTCC CTGCCANAAA 60

配列番号：2089
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02374
配列：
GATCTCCGGG CAGCCACCAC CTCCTCGGTC TGCCCCCTCA TTAAAATTCA CGTTCCCACC 60

CTGAAA 66

配列番号：2090
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2375
配列：
GATCATGCAA AGAAAACTTC CAAAAAGATT TATTAACTTA AACCAGCCTC TNTNGCAAA 59

配列番号：2091
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2376
配列：
GATCTCAAAT TGCCTCTGAA CCTTTTATAA GACAGTTTAT CTTCAAATAA ATTTATTTTG 60
CAATACCACG CAAA 74

配列番号：2092
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2377
配列：
GATCAAAGTC TATTTTGCAT AAAATGTCCA ATAATTAAAT ATTGTTATAA AATAAA 56

配列番号：2093
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2378
配列：
GATCGGCAGT TGGGAGGGGC GCTCTGAGAT TAAAGAGTTT TACCTCTGAG ATAAA 55

配列番号：2094
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2379
配列：
GATCCANTCT TTGACAAACT GAAAAGAACT GAAAATAAAC ATTGCTCTTT CAAA 54

配列番号：2095
配列の長さ：52

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2380
配列：
GATCCCTGCC CCTCCCCACT GGGACGGAAT AAATGCTCTG CAGACCTGGA AA 52

配列番号：2096
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2382
配列：
GATCTGCTTA TAGAGCAGGA AGAATAAAGC CACCAACTTT TACCTAGCCC GGCTAATCAT 60
GGAAGTGTGN CCAGGCTTCA AGTAACTTGA GTTTTAATTT TTTTTTTTTC TTGGNAGAGT 120
AATGTAAAAT TTAAATGGGG AAAGATATTT AANATTTAAT ACTAAGCTTT AAAAAGAAAC 180
CTGCTATCAT TGCTATGTAT CTTGATGCAA AGACTATGAT GTTAATAAAA GAAAGTACAG 240
ANGACACTTG GCATTCAAAG NTTAAA 266

配列番号：2097
配列の長さ：451
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2399
配列：
GATCTAGAGA GTGCTCAGAA TTAGGGCCTG GCATTTGGAA TCACAGGANA TATCATCACA 60
GAAACAACTG TTTTAAGATT AGTTCCATCA CTCTCATCCT GTATTTTNAT AAGAAACACA 120
AGAGTGCATA CCAGAATTGA ATATACCATA TGGGATTGGN GAAAGACAAA TGTGGAAGAA 180
ATCANNGNGC TGGAGACTAC TTTTGTGCTT TACAAAACTG TGAAGGATTG TGGTCACCTG 240
GAACAGTCTC CAATCTATGT TAGCACTATG TGGCTCAGCC TCTGTTACCC CTTGGNTTAT 300
ATATCAACCT GTAAACATGT GCCTGTAACT TACTTCCAAA ATCAAANTCA TACTTATTNG 360
AGGAANATTC TGATTTTNTA GANAAAANNT NGAGCNAGGN GATTATANCN TGTTTGCAAG 420
TCATGTGGTT TCTTTCTCAA TNGGGGGNNA N 451

配列番号：2098
配列の長さ：441
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2400
配列：
GATCCCAAAC TGTTCCCTTT TTCATTTCTT GAAATGTTAC CACTACAGAC ATTTTTTNAA 60
GGTGAATAAA CAGTTGTNAT GTGCTGTACC TAAAATCATG TTTAATCGTA TAAGGAAACA 120
TTTCAATACA CTTATACAGG AAGAAAACTA TAGATGAAGT ACATGTGTGT GATTCAGTCT 180
GATTCACAGA ATTCTGAGAG TAATATGGAA TAAAACAACT CCACTTAGAT GATAACTGAA 240
GCATTTCCTG CCTTGTGAAA ATTTGGNTTT TAAATTGCTG TTAGAATGGG NAATTTGGAC 300
ACTTTATATC ATTGTATANT TNCAGACTTT AGNTTCTGTA TCTNTTGGGA ACCATGGTTA 360

TAGCAAAACC NTTGGNAATA ATCCTGTTTC CNANACCNCC CTNNATGTAA ACCTGGTATG 420
CTTGGCTGGT AACNCCTAAG N 441

配列番号：2099
配列の長さ：440
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02401
配列：
GATCTATGTC TNCTGCCTGG CTCCTAGATG GCTCTCCGGG CAGGTNCTGG CCAAGGACAT 60
CATCTAGGCA GGGGGAGAGC CTGGNCTGAA CAGCTGTNAC CAAAACTCCC TTCTNCCCCA 120
CCCTGCCCCC TCCACTTCCT GCCCTCTGTT CCATCTTCCC CCTTCCCAAA GGCCACAGCC 180
TTTATTCCAG GCCCAGGGAT GTAGGAGGGG GAAGGAGGAA ACAGGAAGCC CAGAGAGGGC 240
AAAGGGCCTA CCTCGGGGCG CGAACCATGC CCCANACTAT TATCTCAGGG CTTTCTGGGC 300
ACTNGCACTT CAGCGTGGCC CACCTGCCCA TGCCCTGAGG CCAGTTNGCG AGGGGTGGCT 360
CCTGAGGGTT TTTATAACCT TTGTTTGNTA ATGTTTAATT TTTGCATCAT AATTTCTACA 420
TTGTCCCTGG AGTGTAAGAN 440

配列番号：2100
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02402
配列：
GATCAAAAGG CTGAAAGGTT TGCTCACCCA GCACGGCATC CCCTACACGA GGCCCACAGA 60
AACTTCCAAC TTGGAGCACT TGGGCCACGA GACGCCCAGA GCCAAGTCTC CAGAGCAGCT 120
GCGGGGTGAC CCAGGACTGC GTGGGAGTTT GTGACCTTGT GGTGGGAGAG CAGAGGTGGA 180
CGNGGCCGAG AGCCCTACAG AGAAGCTGGC TGGTAGGACC CGCAGGACCA GCTGACCAGG 240
CTTGTGCTCA GAGAAGCAGA CAAAACAAAG ATTCAAGGTT TTAATTAATT CCCATACTGA 300
TAAAAATAAC TCCATGAATT CTGTAAACCA TTGCATAAAT GCTATAGTGT AAANAAATTT 360
AACCAAGTGT TACTTTAAAC AGTTCGTACA AGTAATGNTT ATAATTCTAA A 411

配列番号：2101
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02403
配列：
GATCTGGAAA GCTTGAGCCT CCTTGGGTTC GTCTACAAAT TGGAAGGAAA TATGAATGAA 60
GCCCTGGAGT ACTATGAGCG GGCCCTGAGA CTGGCTGCTG ACTTTGAGAA CTCTGTGAGA 120
CAAGGTCCTT AGGCACCCAG ATATCAGCCA CTTTCACATT TCATTTCATT TTATGCTAAC 180
ATTTACTAAT CATCTTTTCT GCTTACTGTT TTCAGAAACA TTATAATTCA CTGTAATGAT 240
GTAATTCTTG AATAATAAAT CTGACAAAAT ATTAGTTGTG TTCAACAATT AGTGAAACAG 300
AATGTGTGTA TGCATGTAAG AANGAGAAAT CATTTGTATG AGTGCTATGT AGTAGAGAAA 360
AAATGTTAGT TAACTTTGTA GGAAATAAAA CATTGGACTT ACACTAAA 408

配列番号：2102
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02404
配列：
GATCCGAGAG GTGGCCAACA AAGTCAAGGT CCCCCTGCTG GATTTAGGCA GCCCCCAACT 60
GGCCATGCAC TCTATCCGGN AGATGGCCTG CACCACAGGA GTCCTCCANA CCCTNACCCT 120
CTTCAAGGGC TTCTTTAAGC TGTTCCCTTC TCTAAGCCAT AATCTCTNAG TGGATTGAGC 180
CCTCTTGGAA AGACTTCTCT GCCATCCCTT TGCACCTGAN AGGGGAAGTT CTCAGCTGAG 240
CTGAAGCTGG ATTATTAAAG TGGATTGTAA CTCAGACTCT CCGTGCTACG CTTATTTGGA 300
GACTAGAGGA GTGGGAGTTG AGCCTGGCTT GAACCTTTGG AACCAGAAAA GTTGGGGAGC 360
AGGTGGAGGA GGCCACACTC CTGGGAGCTT GATGGTN 397

配列番号：2103
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02406
配列：
GATCAGCCCT TTTTCCCATC CTGCCCTATG GTTCTCTAGC CACCTGTGCA TGCATGTGTA 60
TTTCTGCCTN GTTCTATGGT GTGTGGATGT GTGTGCATGA ATCTGTCATA TAGAGGGGGT 120
CCGAGCTGGA ATCCTAGAGC ATTGCTGCCC TGGGGCCTGA TGTTCTTGGC TTCCTCAGAG 180
CATGTAACAG GAAATTAAAT GGGATGAGTG TTTGGTAAA 219

配列番号：2104
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02408
配列：
GATCCTACCT CCAACTCCTG ACTCTATAGG TCTCACTCTT TTTTTATTGT CCTANNNNTA 60
CATAACATAA AATTTATAAA TTTAATATTC TAGGGTATAG TTCAGTGGTA TTAAGTACAT 120
TCACACTGAT GTGCAACCAT CATTATCATC CATTCCCAAA ACTTTTCATC ACCGCAAATA 180
GAAAAGCTGT ACCCATGAAA CAATAACTTC CATTGCCTCC CCCTCAGCCT TTGGTAACCT 240
CTATTCTACT TTCTGTTTCT ATGAATTTGA CTGTTCTAGG TACCTCATAT AAGTGGAATC 300
ACACAATATT TGTCCCTTTG TGTCTAACTT ATTTCACTTA GCATGTTTTC AAGATTTATC 360
TGTACTGTAC CATGTATCAN 380

配列番号：2105
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02409

配列：
GATCTGTGCT CTCCTAGCCC AAGAGACCCC TGGAGGGGCT GGAGTTTTAT CCAGCGNCTC 60
GTCGTATGTT TGGCTGAGCA CCTGTGGCCT GGGTGCAGGT TAACTTCTTG TTATCAGGAG 120
CCCACTATGC AGAGGCCAAA GGTCGGCAGC CAGCGAGGCT ATGAATTGGA CCTTTTTGGT 180
ATCTGTGTNA CTGNTCTGTG NCCATNCTTA GNCAACTTGC TGGCGTGACA AGTGCCCACA 240
AGTAACACAC CAGGTACCCA GAGNAGGGTG GACAGGAGAG ACCTGAATNA CAGCAGTANG 300
GAATTCCTCA ANGNTGTGNC CTCGCCCATG AANTTGTTCC AANTTGAAGG TNANNAGGGN 360
CACCAATCAG GGTTGAGN 378

配列番号：2106
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2411
配列：
GATCCAGAAG TACAAGGTGG TCCTGGCCCC GGAGACGGNG GAGTTGAAGA GTGTGGCCCG 60
CATTGTCCTG GTTCCCAATA AGAAAGTGGG CCTGCAGTTC CTGCAGAGAC AGTGCTGAGC 120
TGAGTCTCCG CCTTGCTGGG GCTTGTCCTA GAGGCTCCAG CTCTGGCACA GTGGTTCCTG 180
GCTGCTGCCA TGTCTCANAT GAGGAGGGAG AGAAGGAGGC CGCCAGACTC GAGAGGTGGG 240
AGGAACTCCT TGCACACACC CTGAGCTTTT GCCACTTCTA TCATTTTTGA GAACTCCCTC 300
TCAGCTAAAA GGCCACCCTT TTATCGAATG CTGTCCTTGG GAAGATATAA AATAAAGGGC 360
TNTTATTTCT TAAA 374

配列番号：2107
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2412
配列：
GATCCAGCCC GACCTGCGAG ANTGATGGAG ACCATGCACC GCATGAGCCA CCTCCCACCC 60
GACTTTGAGG GCCGCCAGAC GGTCAGCCAG TGGCTGCAGA CCCTGAGCGG ATGTCGGCGT 120
CAGATGAGCT GGACGACTCA CAGGTGCGTC AGATGCTGTT CGCCTGGAGT CAGCCTACAN 180
CGCCTTCANC CGCTTCCTNA TGCCTGAGCC CGGGGANTAG CCTTGNACAG CCGGGAGAGT 240
CTGAGGCNTG GTCCTGGTCC CTGTCCGCAN AGAGGCCGTG NNATCACANA GCTANTGTCT 300
GAGTGGCTGT CTGGNTCTGC TTTGGGTAAG ACTTTGGGGC CGGCCTCCCA NAATAAGGTG 360
TCTCGGAAA 369

配列番号：2108
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2413
配列：
GATCAGAGCC AAGAAGCGTC TGCGGCAGAG TGGGGAAGAG TTGCCGCCAA CCTCCTAGGC 60
GCCCCGCCCA GCTCCCTTTG ACCCCTGGGG CAGGGCAGGG GGCAGGGAGA GACAAGGCTG 120

CTGCTATTAG AGCCCATCCT GGAGCCCCAC CTCTGAACCA CCTCCTACCA GCTGTCCCTC 180
AGGCTGGGGG AAAACAGGTG TTTNATTTGT NACCGTTGGA GCTTGGATAT GTNCGTGGCA 240
TGTGTGTGTN TGTGTNANAG TGTGAATGCA CAGGTGGGTA TTTAATCTGT ATTATTCCCC 300
GTTNTTGGAA TTGNNTTCCC CNATGGGNCT GGGGTACTTT ACATTCAATA AATACTGTTT 360
AACCCAAA 368

配列番号：2109
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2414
配列：
GATCACAGGA AGTGGAGGAG CCAGAGGTGC CTTTGTGGAG GACAGCAGTG GCTGCTGGGA 60
GAGGGCTGTG GAGGAAGGAG CTTCTCGGAG CCCCCTCTCA GGCTTACCTG GGCCCCTCCT 120
CTAGAGAAGA GCTCAACTCT CTCCCAACCT CACCATGGAA AGAAAATAAT TATGAATGCC 180
ACTGAGGCAC TNAGGCCCTA CCTCATGCCA AACAAAGGGT TCAAGGCTGG GTCTAGCGAG 240
GATGCTTGAA GGAAGGGAGG TATGAGACCG TAGGNANAAN GGCACCATCC TCGTACTGTT 300
GTCACTATGA GCTTAAGAAA TTTGATACCA TAAAATGGTA AAGACTTGAA AAAAGTANAA 360
NATGTTTN 368

配列番号：2110
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2415
配列：
GATCTTGGTT TTGATGTGGA CATAGGCCCT CTTTTCCAGA CTCCTCGTGA AGTGGCCCAG 60
CAGGCTGTGG ATGCGGATGT GCATGCTGTG GGCGTAANAC CCTCGCTGCT GGTCATAAAA 120
CCCTAGTTCC TGAACTCATC AAAGAACTTA ACTCCCTTGG ACGGCCAGAT ATTCTTGTCA 180
TGTGTGGAGG GGTGATACCA CCNTCAGGAT TATNAATTTC TGTTTGAAGT TGGTGTTTCC 240
AATGTATTTG GTCCTGGGAC TCGAATTCCA AAGGCTGCCG TTCAGGTGCT TNATGATATT 300
GAGAAGTGTT TNGAAAAGAA GCAGCAATCT GTATAAAATA AAAATATCAC AAGAGAACAC 360
CTGTACTN 368

配列番号：2111
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2416
配列：
GATCGAAAGA AATCTAAGTG ATACGGCCCA ATGAAGCTAA AATATAGCCT TCTGTTAAGC 60
AAATAGTATT TCCTTTCCCC AAGTAGTTCA TTTTCTAGAT GCTTGTCAAA TGAATTAATG 120
TCCTCTGATG AAGAGTGTCC TTCCGTTTCT AAGGTCTTCT CAATCTCAGC AATAGAGCTT 180
CCCAGCAGCG TTCAAGACAC ATCATTTATA CACAGGCACA GGGGCCTTCC TGAAATGGGT 240
GCATTTTTAC CAACTACAAT CATGTAATTT TTTTGGAAAT TTTTTAAAAT TTTCGNTNCT 300

TTACATTACA ATTGGGTGAA ACACATTTTA CAGCTCTCAA TAAATGTTTG CTGGTCGCTC 360
TGAAA 365

配列番号：2112
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2417
配列：
GATCAACGAT TACGTGGAGA AGGGTACTCA AGGGAAAATT GTGGATTTGG TCAAGGAGCT 60
TGACAGAGAC ACAGTTTTTN CTCTGGTGAA TTACATCTNC TTTAAAGGCA AATGGGAGAG 120
ACCCTTTGAA GTCAAGGACA CCGAGGAAGA GGACTTCCAC GTGGACCAGG TGACCACCGT 180
GAAGGTGCCT ATNATGAAGC GTTTAGGCAT GTTTAACATC CAGCACTGTA AGANGCTGTC 240
CAGCTGGGTG CTGCTGATGA AATACCTGGG CAATGCCACC GCCATCTTCT TCCTGCCTGA 300
TGAGGGGAAA CTACAGCACC TGGAAAATGA TTGACCAAAA TACCAAGTCT CCCCTTCTTC 360
ATN 363

配列番号：2113
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2418
配列：
GATCCCAGTC GCATACCAGG TGTCCTCCTC CAGGTCGTGA ACGGCAAAGG CACTGCCCGC 60
ATCGCCATAG CAGGTGTCTT CTTGGTACTT AGACATGCCA GCACAGAAGG TGTGTTCATT 120
CAGTATGGGC TGCACCCCTA CAGGGCTCTT CGGTGTCTTC CATCCAGGAC TGGGTTCAGA 180
AGACCATAGC TGAGAACTAA TGCAAGGCTG GCCGGAAGCC CTTGCCTGAA AGCAAGATTT 240
CAGCCTGGAA GAGGGCAAAG TGGACGGGAG TGGACAGGAG TNGATGCGAT AAGATGTGGT 300
TTGAAGCTTG ATGGGTGCCA GCCTGCATTG CTGAGTCAAT CAATAAAGAG CTTTTCTTTT 360
GN 362

配列番号：2114
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2419
配列：
GATCNGACAG GCACCAGCAA TGACACAGCA TAAACTGTTG GGCACAGGAA AGAGGCTTGA 60
CACCACCAGC CCACCAGGAA ATGCAGTTCA GCCACCACGA GGACACGAGG AACCTGCACC 120
ACAGCCGCAG TCAAGAGAAT GCTGGTGGTG CCAAGNTGCA GGGTGTGGCC TGCTGGAATG 180
GAAGCGCATG GTGGTNNCTA TAAAGTCAAT GNCACAGCAC ATGCCCAGCA ATCCACTGTG 240
GGATTNGNGA TGANACTANG CNCATAAAAC TGTNCGAATT TTNCTGTGCT TTTCATATCN 300
TCAATNTGAA TCAANTGCTT CATTGGGTAC TGTAACTGTG GNTACTTNAG TGAATCTCTN 360
TN 362

配列番号：2115
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2420
配列：
GATCATATAG TAGGTTTAGG TTTAACTTTT TAAGAAATTG CCAAGCTTTT CCAAAGTGGC 60
TGTCCCTCTT TACATTTCCA CCAGCAATGT ATAATGAATG GTTCAGGTTC CTCCACATTC 120
TTGTCGGCAC TTGGACTTTT CTGTTTTGTT GTAGCCATTC TAGTGGATGC AAAGTGGCAT 180
CTCATTATGG TTCATTTGCA TTTCTCTGAC AACTAATGAT TTTGAGCATC TTCATGCGAT 240
TGTTAACCAT TTGTATATCT TTAGTGAAAT ATCTATTCAA TTATTGCCCA TTTTTAAATT 300
GGNTCACATG GCTNATTAAT GNATTGTAAG AAAGGTTTAC ATATTCCTGG ATACN 355

配列番号：2116
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2421
配列：
GATCATGATT TTGTAGTACA GGAAGACTTC ATGAAAGCAG TCAGAAAAGT GGCTGATTCT 60
AAGAAGCTGG AGTCTAAATT GGACTACAAA CCTGTGTAAT TTACTGTAAG ATTTTTGATG 120
GCTGCATGAC AGANGTTGGC TTATTGTAAA AATAAAGTTA AAGAAAATAA TGTATGTATT 180
GGTAATGATG TCATTAAAAG TATATGANTA AAAATATGAG TAACATCATA AAAATTAGTA 240
ATTCAACTTT TAAGATACAG AAGAAATTTG TATGTTTGTT AAAGTNGCAT TTATTGCAGC 300
ANGTTACAAA GGGGAAGTGT TGAAGCTTTT CATATTTGCT GCGTGACATN 350

配列番号：2117
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2422
配列：
GATCCGCAGN CAGAAGCTCT GCCCTTCTGT ATCCTATGTA TGCAGTGTNN TTTTNCTTGC 60
CAGCTTGGGC CATTCTTGCT TAGACAGTCA GCATTTGTNT CCTCCTTTAA CTGAGTCATC 120
ATCTTAGTCC AACTAATGCA GTCGATACAA TGCGTAGATA GAAGAAGCCC CACGGGAGCC 180
AGGATGGGAC TGGTCGTGTT TGTNCTTTTN TCCAAGTCAG CACCCAAAGG TCAATGCACA 240
GAGACCCCGG GTGGGTGAGC GCTGGCTTCT CAAACGGCCG AAGTTGCCTC TTTTAGGAAT 300
CTCTTTGGAA TTGGGAGCAC GNTGNNCTCT TGAGTTTGGA GCTTTTAAAA GTACTTTNTT 360
TACCACATTT GGAAA 375

配列番号：2118
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2423

配列：
GATCTCTAAC CAGAAATAAA CAGGAAGACT CAGTNGTTTA CAAAAGACAT TTTAGTTTTA 60
CACGTACAGA AAATTCTACC CNGGCATTAC AGAATTCTTA GACTTCTTAA ATTCCTGATT 120
TTCCTTGGTA TTTACATTTT GATAAGGGAG CCAATGGTTC TTCAAACATT TGAAAAGAAC 180
ACATACACAC TGGACAATTT CAAACGNTAC AAACAAACGC AACTGTCCTT CTTTCTCATT 240
CCTGTCCTTC AGCCACCCAG TTTCTTCTCC CCTGAGGGAA TCAGTTATCA TTNGCTGGGT 300
CATACTTCCA GATTATCCTG TGCCTATGTA AGTGTGTGN 339

配列番号：2119
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02424
配列：
GATCTGGGAC GTNCACGAGT NAGGGGCTGG CCACCCAGCC CACAGCCTTG CCTGACCACC 60
CTCCAGCAGA TAGACGCCGG CACCCCTTCC TCTTCCTAGG GTGGAAGGGG CCCTGGTNCN 120
NGCCTGTAGA CCTATCGGNT CTCATCCCTT GGGATAAGCC CCAGTCCAGG TCCAGGAGGC 180
TCCNTCCCTG CCCAGCGAGT CTTCCAGAAG GGGTGAAAGG GTTNCAGGTC CCGACCACTG 240
ACCNTTCCCG GGTGNCCTCC CTCCCCANCT TACACCTNAA GCCCAGCACG NAGTAGNCTT 300
TGAACAGAGG GAGGGAAGGA CCCATGGGTC TCCN 334

配列番号：2120
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02425
配列：
GATCAAAGAG AAAATAAAAA ATCGCTACTT CCCTGCCTTT GAAAAAGTCT TAAAGAGCCA 60
TGGACAAGAC TACCTTGTTG GCAACAAGCT GAGCCGGGCT GACATTCATC TGGTGGAACT 120
NCTCTACTAC GTCGAGGAGC TTGACTCCAG TCTTATCTCC AGCTTCCCTC TGCTGAAGCT 180
CTCCAGGACA CTGGCCCCCC ACACTGTATC TCTCACTGAG AAAAGGTGGT CCCATGGCCC 240
TGAAAACCAG AATNAGCAAC CTGNCCCACA GTGAAGAAGT TTCTACAGCC TNGGCAGCCC 300
AAGGAAAGCC TCCCATTGGA TGAGAAATCN 330

配列番号：2121
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02426
配列：
GATCGAAGTA AAATAGAAAT GGGACTNGCT TTCCACAGGA AGTAAACTGC TTCAGAGCCC 60
ACAGTCCCCT GCTCAGTGTC CGGAAAGAAG TCAGTCATCC CTGTTGGCAG TAAATCTTCC 120
CACAGGCCGT CCATTAGAGA TTTAACTAGA TATGTTCAAT AGAAAGAGTC TGAGGCAAGT 180
GGAAATGAGG NNCGGAAACT TAGGTTGGGA GAATATTTTT NTTNTATTCA TTCTGTTTGC 240
TTAATTCAGA GTACAGTTTG TGCTATTTCA TATCTGTACT CCAGGCAGAA ATATAACTTG 300

AAAATACTGT GTCTAAAGAA ATTTCAN 327

配列番号：2122
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02427
配列：
GATCCTCGTC ATCAAGGATG GCTGCATCGT GGAGAGGGGA CGACACGAGG CTCTGTTGTC 60
CCGAGGTGGG GTGTATGCTG ACATGTGGCA GCTGCAGCAG GGACAGGAAG AAACCTCTGA 120
AGACACTAAG CCTCAGACCA TGGAACGGTG ACAAAAGTTT GGCCACTTCC CTCTCAAAGA 180
CTAACCCAGA AGGGAATAAG ATGTGTCTCC TTTCCCTGGC TTATTTCATC CTGGTCTTGG 240
GGTATGGTGC TAGCTATGGT AAGGGAAAGG GACCTTTCCG AAAAACATCT TTTNGGGGAA 300
ATAAAAATGT GGACTGGTGC GAGN 324

配列番号：2123
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02428
配列：
GATCTGAACA TTCAAAAGAA AGCTTTGGAA AAAAAGAGCT GGCTGGCCTA AAAACCTAAA 60
TATATGATGA AGATTGTAGG ACTGTCTTCC CAAGCCCCAT GTTCATGGTG GNNCNNTGGT 120
TATTTGGTTA TTTTACTCAA TTGGTTACTC TCATTTGAAA TGAGGGAGGG ACATACAGAA 180
TAGGAACAGG TGTTTGCTCT CCTAAGAGCC TTCATGCACA CCCCTGAACC ACGAGGAAAC 240
AGTACAGTCG CTAGTCAAGT GGTTTTTAAA GTAAAGTATA TTCATAAGGT AACAGTTATT 300
CTGTTGTTAT AAAACTATAC CCACTGCAAA AGTAGTAGTC AAGTGTCTAG GTCTN 355

配列番号：2124
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02429
配列：
GATCTCAGAA CTGAAGGCCG CCCTGACATG AAGACTGAGC TCTTTTCCAG CTCATGCCCA 60
GGTGGAATCA TGCTGAATGA GACAGGCCAG GGTTACCAGC GCTTTCTCCT CTACAATCGC 120
TCACCACATC CTCCCGAAAA GTGTGTGGAG GAATTCAAGT CCCTGACTTC CTGCCTGGAC 180
TCCAAAGCCT NCTTATTGAC TCCTAGGGAA TCAAGAGGCC TGTGAGCTGT CCAATAACTG 240
ACCTGTAACT TCATCTAAGT CCCCAGATGG GGNACANTGG GGAGNTNGAG TTGTTGGAGG 300
GAGGAAGCTT GGAGACTTCC CAGN 324

配列番号：2125
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2430
配列：
GATCCATCTT CATCCATTGC ATTGGAAACT NCTTTATGCT GCTGCAGTCT GCAAAGTCTA 60
GAGCTTTTAT CAGGCCATGT CATACCCAAG AAAGCACCTA TTTAAAGAAA AAACAATTCC 120
CTGAGCTCTC AACTCCAAGT TGTAGATTTG GTGTCTTCCT TGTCCTTACT TTAAAAAGTC 180
ATGTGTTAAT TTTNNTCCTG CCTGTATTTG TATGCAAAAT GTCCTCTATC TGCTATNAAA 240
GAAAAGCTAC GTAAACCACT ACATTGTANC CTTCTAAGTN ATTNTTAATT AGNAGGGNAT 300
TATNTTGCAG TACCANTTGG GAAA 324

配列番号：2126
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2431
配列：
GATCGTGAAG ACCTGCTGAG CCAGCCTGTT CTCCGGGCCT GAATGTCTGG GGTGCTTGTG 60
CCTTTTCTGA GAAGCGTTGT GACTGCTCAA CATCCCCATC AAGGTTTGAG TCCACAAAAG 120
TGGACCTCCC TATCATGCTT CCCCTTCCCT CTAGCATGTG GGAAGGGACT GCTGTGAAGA 180
ATGNCAGATG TGGGGCCTCT GCCAAGTTCT TGCATTGCTA AATAAGGGCT TCCTCTGCCT 240
TCTACCTACA GTGCATTTGA ACTGCCTTCT GAAAGAGGTC CAGGGAGGGA TTTAGGAAAT 300
AAAGNTTCTA CCTATTTGAA A 321

配列番号：2127
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2432
配列：
GATCCTAAGC GAAGATGGAT TTCAGTTCAT CAAATCATCA TTAATGACTT TATGTATTAT 60
TTGCACAGGG AGAATTGAAA CTGAGTATAA TCAATAAGCT AGATACGAAA TCAGTTTCTC 120
AAACTGAGCT TCAGAAAGGG GCATTTTGTA CTCTTGTTTT TGCATAACTG GTTTTGTTTT 180
TTTGCAGAAT TAACTATAAC ANTCACTGGC TACCGAAGTA AACTGATGTA CTGAATTCCA 240
TAATACATAA CATTCAATTT TTACCACTNC TGTTTAGCGA ACTTGTATAC TTATTTCCTG 300
TTCAGNTTAA AAAAAGAAA 319

配列番号：2128
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2433
配列：
GATCACACCT GAAAGCAGTG GTCCCAGCTC TGTGCTGTGG GACATCACAG GTCCTAAACA 60
GTGATAGAGA AAGGGCTGGG GAGTGGCAGC TGGAATCTCT GCTTCCGTCT GAACATCTGG 120
ACACACATGT CAGAGAATCT TTGCATTAAA TGGACTGCCC AATCTATTTG GTGATTAAAT 180
GGCTGTGCGG TGAGGGGAGA ACCCTGGGCA GTCTGGAGAC TGAGGTGCCA TTCTCGGCTA 240

GAGACACCAC CCAAAGAAGA GATGGGCTGG CTACTAAAGA CAAGTNTCAG TTGAATAAAT 300
GTCTTTAAAC CTAAA 315

配列番号：2129
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02434
配列：
GATCATTGTC CCTACAGACA CCCAGAACAT CTTCTTCATG AGCAAAGTCA CCAATCCCAA 60
GCAAGCCTAG AGCTTGCCAT CAAGCAGTGG GGCTCTCAGT AAGGAACTTG GAATGCAAGC 120
TGGATGCCTG GGTCTCTGGG CACAGCCTGG CCCCTGTGCA CCGAGTGGCC ATGGCATGTN 180
TGGCCCTGTC TGCTTATCCT TGGAAGGTGA CAGCGATTCC CTGTGTAGCT CTCACATGCA 240
CAGGGGCCCA TGGACTCTTC AGTCTGGAGG GTCCTGGGNC TNCTGACAGN AATAAATAAT 300
TTCGTTGGAA A 311

配列番号：2130
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02435
配列：
GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCAAAT GCAAAGAGTG CAAATGCACC 60
TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGTT GTGCCAAGTG TGCCCAGGGC 120
TGCATCTGCA AAGGGGCGTC GGACAAGTGC AGCTGCTGCG CCTGATGCTG GGACAGCCCG 180
CTCCCAGATG TAAAGAACGC GACTTCCACA AACCTGGATT TTTTATGTAC AACCCTGACC 240
GTGACCTTTT GCTATATTCC TTTTTCTATG AAATAATGTG AATGATAATA AAACAGCTTT 300
GACTTGAAA 309

配列番号：2131
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02436
配列：
GATCCTGGCC TCGCAGTTCC TATCCCNTGA CCCAGAACAG CTCACCAAGG AGCTGCAGCA 60
GCATGTGAAG TCAGTGCAGC CCATACAAGT CCCAAANAAG ATAGAGTTTG TNTTGAACCT 120
GCCAAAGCTG TCACAGGGAA ATTCAACAGA CCAAACTTCG NGNCAAGGAG TGGAAGATGT 180
CCGGAAAAGC CCGTNCGAGT GAGNCGTCTA GGAGCATTCA TTTGGATTCC CTCTTCTTTC 240
TCTTTCTTTT CCCTTTGGGC CTTGGCTTAC TATNATGATA TGAGTCCTTT ATGAAGACAT 300
GATGAAA 307

配列番号：2132
配列の長さ：306
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2437
配列：
GATCCTGGTG GCGACCATGG AGAGGAAACT GGAGGGCAGG GATGGAGCTG AAANCTTGGC 60
GGCCCAGAGA GAGGTCCACC CCAAGCAGCC TGAGCCCTCA GCCACCCCCC AGCTCCCTGG 120
CAGCTCCCCT CCACCTGCCA ATGTCAGCGC CACACTGGTG TCTGAAAGGA ATAAGGAGAA 180
CAGGACAGAC TAACTTTTTA AATGATATGA AGAAATCAGA GGTGAAAATT GTACATTGGG 240
AATATATTTA TGCAAATTTT ATTGAAATTT ATTGTAAATA AAGATTTTCT CAGTGGTCTA 300
GANAAA 306

配列番号：2133
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2438
配列：
GATCTGGGCT GGTCCCTTTC CCATAAAATN AGGTCCCTGG TTGTATGTTC CCATAGCACC 60
CCATACTTCC TCTCTNAGAA TAATCATTTC CCTTGTAATG CTCAGCATCC GCATCCTGCT 120
TGACTGCAAA CTTGCTGAAG GTAGGGACTG TTTGTCTTGG ACTTCGCTGC CAGTCCTTAG 180
AACAGTGTCT GGGACACAGT GTGTTCTCAA ATATTTGTTG CTGGAATAAA TGAATGACCT 240
AAATCAGTCT TTTAGGGATT TACTGTTAAC CACCATGGGA AAATTAAATA AATGCGGGGA 300
AGGAAA 306

配列番号：2134
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2439
配列：
GATCTGACCC CACAGCCTTT GGCCTGCTCA CCCGACCAGC CTGGGCCGCA TTCCCTGCAG 60
GACCTCCCGG GTCAGGCAGG GCGGCCCCCT GCTCCACACA CTGCTGCATC TTGGGTCTCA 120
GGGACCCAGA CAGATGGACT TACATGGAGC TGGGCACTGC CCTGCCTCAA CAGGGTCCAT 180
TGCCTCCTCG CCTCCAGAAC TTGGAGCAGG GAAGTGGGCA CCCTGAGGCC TCCAGCACCA 240
GTTCCGTCAT TCTCGTTCCT GGGGAACCCC CACTCTGACC TGTTATTAAA GTTCACATTT 300
TGAAA 305

配列番号：2135
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2441
配列：
GATCAACCTG AGAAAAATTG CTGAGCTCAT GCCAGGAGCA TCAGGGGCTG AAGTGAAGGG 60
CGTGTGCACA GAAGCTGGCA TGTATGCCCT GCGAGAACGG CGNGTCCATG TCACTCAGGA 120
GGACTTTGAG ATGGCAGTAG CCANGGTCAT GCAGAAGGNC AGTGAGAAAA ACATGTCCAT 180

CAAGCANTTA TGGANGTGAG TGGACAGCCT TTGTGTGTAT CTCTCCAATA CAGCTCTGTG 240
GGCCAAGTAA A 251

配列番号：2136
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2442
配列：
GATCTGCATC CCCAAAAGTA TCACTCCTTC TCGAATCCTT CAGAACATCA AGGTGTTTGA 60
CTTCACCTTT AGCCCAGAAG AGATGAAGCA GCTAAATGCC CTGAACAAAA ATTGGAGATA 120
TATTGTGCCT ATGCTTACGG TGGATGGGAA GAGAGTCCCA AGGGATGCAG GGCATCCTCT 180
GTACCCCTTT AATGACCCGT ACTGAGACCA CAGCTTCTTG GCCTCCCTTC CAGCTCTGCA 240
GCTAATGAGG TCCTGCCACA ACGGAAAGAG GNAGTTAATA ANNGCCATTG GANGCATNAA 300
A 301

配列番号：2137
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2443
配列：
GATCCGAGAG GGCATGGCCG CCCTGCAGTC TGACCCCTGG CAGCAAGAGC TCTACCGCAA 60
CTTCAAAAGC ATCTCCAAGG CCTTGGTGGA GCGGGGTGGT GTGGTCACCA GCAACCCACT 120
TGGCTTCTGA ATACTCCCGG CCAGGGCCTG TCCCAGTTAT GTGCCTTCCC TCAAGCCAAA 180
GCCGAAGCCC CTTTCCTTAA GGCCCTGGTT TGTCCCGAAG GGCCCTAGTG TTCCCAGCAC 240
TGTGCCTGCT CTCAAGAGCA CTTACTGCCT CGNAAATAAT AAAAATTTCT AGCCAGGTCA 300
AA 302

配列番号：2138
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2444
配列：
GATCATCCAG AAGGAGCCCG TTGAAGTGGC CCCAAGCCAG CTCTCTGCAT TTCGTACTCT 60
CCTGTTTTCT GCACTTGGTG AAGAGGAGAA GATGATGGTG AACAACTATC GCCCACTTCA 120
ACCCTTGATG AACCGGAAGG TCTGGGCGTC CTTCCAGGCC ACTAATGAGG GCACAAGGTC 180
CTAGAGACAT TAGGTCCACA TGAATAGCAG AACTGACTTT GAAGGAAGGA AGCGTTGTTT 240
CCCAAGTTTC ACAATGTGAT TGTACATGAC TTCTGAAATT AAAAAGAGAG CATGAAA 297

配列番号：2139
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2445
配列：
GATCTATGCC AGCAAAACAT CATTTTGAGA CAAACATTTT TGTGGCAGAT GTTTTTCCTA 60
AAAAGTACTA TATCATCCAA GAAATATTTG AGTAAAATCC CTTGTTCTTT TGGGTGACAT 120
TAACTGACAT TTGCTTTTTT TCAAGACCTA ATAGAAAATA AGAAAGCCCA TAATGTATTT 180
AGAAACAGGA ATCCTCAGAG CAATTCTCTG TATTCTCATA TAATTTCAAT GTAAAACAGA 240
AAACATATTG ATGTGTTGGT GATAGGCTTG AATTATTAAA AACTTCAAAA ACAAA 295

配列番号：2140
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2446
配列：
GATCGAGGCT GCAGGATATG CTCAGACTCT AGAGGCGTGG ACCAAGGGGC ATGGAGCTTC 60
ACTCCTTGCT GGCCAGGGAG TTGGGGACTC AGAGGGACCA CTTGGGGCCA GCCAGACTGG 120
CCTCAATGGC GGACTCAGTC ACATTGACTG ACGGGGACCA GGGCTTGTTT GGGTCGAGAG 180
CGCCCTCATG GTGCTGGTNC TGTTGTGTGT AGGTCCCCTG GGGACACAAG CAGGCGCCAA 240
TGGTATCTGG GCGGANTCAC AGAGTTCTTG GAATAAAAGC AACCTCAGAN CAAA 294

配列番号：2141
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2447
配列：
GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTCACG CTGGACATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
GTGGCACTTA CTCANANGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA TAATGGCATT ATTTGGGCCA 120
CTTGGANAAC CCGGTGGTAT TCCATGAAGA ANCCACTATG AAGATAATCC CATCAACAGA 180
CTCACAATTG GAGATGACAG CAACACCACC TGGGGGGAGC ANACAGGTGG AGACGTTAAA 240
NGCCGTTCAN TGNGTTTTCT NTTTAAAGNC TTTATCTGAC CNGGGGTANN GN 292

配列番号：2142
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2448
配列：
GATCGGAAAA AAATTCTTGA ACGCAAAGCC AAGTCTCGAC AAGTTGGAAA AGAGAAAGGC 60
AAATATAAAG AAGAACTTAT TGAGAAAATG CAGGAATAAA TAGAACCTGT TGTGCAACCA 120
CGGTTTAACC GGAGATTTTG AGGCTAGGGT GTGTTTCTTT CGAACTTTTC GGAATGTCTG 180
GAACATTTCA TTTCCTGTTT TGTTACCTGT GCCTCTGTAA ATCTACTTTT GCAATTTTAA 240
GTAATAATTT TATGAATAAN AATGGGAAAT GCTTCCTAAA 280

配列番号：2143

配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02449
配列：
GATCCCATAA CAGGCTACCC CTTGGCCTCA TGCTGGAGTT GTGTGTGTCT GTCTTCATCC 60
CAGGCTGAGC TCCTTGAGGT GAGGATGTTG TGCTGTTTGC CTCCCTCACA GTGCCTTGGT 120
CTTAGTGGAT GCCCAGTTGT CTTGTGAATG ACTTTTAAGA AGTGTACTTA AGAGAAAAAT 180
CCTACCNTAT NNNNNGTAAT TACAAGTCAT GTTTTTGTNG CTTAAAGGTG ATAAATCAGT 240
GTATATNATN NGNTAATGTC CATTAAAGCC AGTTTTTAAA 280

配列番号：2144
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02450
配列：
GATCCTAGAG CCTGACGTTC AGTGAACCCA TGTTTCTGGG TGGGTGAAAG GGGCCCAACC 60
CTGCCCACTT CAGCCCAGCC CGCCCAAGGG GACTTGTGCC AGCAGAACAT GTNGGAGGAA 120
GAAGCCCCGT TTCCAGGGCA TCCGCAGCCC AGGGTAGGGA GAAATATTCT CTCCACTTTG 180
GGGGAGAGTT CTTGCTCTCG ACCTAGTGGT TTCTACTCTC ACCGACTTAT TCTGATTTCA 240
GAAATAAAAT GAAATGTCTT ATTTTTGGGA AAGTTAAA 278

配列番号：2145
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02452
配列：
GATCCCACTG GGGCCTNTGG GAAGGNGACA GACTTATNAC TAGATGATTC GCTGGTGTCC 60
ATCTTTGGGA ATCGACGTCT CAAAAGGTTA TCCATGGTGG TACAGGATGG CATAGTGAAG 120
GCCCTGAATG TGGAACCAGA TGGCACAGGC CTCACCTGCA GCCTGGCACC CAATATCATC 180
TCACAGNTCT GAGGCCCTGG GCCAGATTAC TTCCTCCACC NNTCCNTATC TNACCTGCCC 240
AGCCCTGTGC TGGGGCCCTG CAATTGGAAT GTTGGCCAGA TTTCTGCAAT AAACACTTGT 300
GGTTTGCGGG TCAAA 315

配列番号：2146
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02453
配列：
GATCCCAGGA CCATTTGGCT AGTGTGCCTA GGTGACCACA TGATTGCTGT TTTACCAGGA 60
ATGCAGCATC CCATTGACAA AACAAGTGCT CTGAGAAGGT TTAAAATACT ACAGNGAATA 120
TGGGANCACA GNCCTTGAAA TTTAGCTGAG TTGTAACAGC TGAAACTCCA AGAGGTGTCT 180

TCCTTGTTTN GAGGTGNACT AGTGTTGCTT CCAGAGGGCA GCTTGAAACC CGTAAAGCCT 240
GTTTTGGGGA ATCCTTTTTT GNCTTGCTTT GNTTN 275

配列番号：2147
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2454
配列：
GATCATCAAT GATTTATTGG CACGTTCTAT TGGGATGGTC GAAGTTAATA CAGTAGACAA 60
ATACCAAGAT AAGGGACAAA AGTATTGTCC TAGTATCTTT TGTTAGAAGT AATAAGGATG 120
GAACTGTTGG TGAACTCTTG AAAGATTGGC GACGTCTTAA TGTTGCTATA ACCAGAGCCA 180
AACATAAACT GATTCTTCTG GGGTGTGTGC CCTCACTAAA TTGCTATCCT CCTTTGGAGA 240
AGCTGCTTAA TCATTTAAAC TCAGAAAAAT TAAA 274

配列番号：2148
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2455
配列：
GATCGCAGAG AAGGCAGCTG ACATTATCAA GGGGCAGCCT GCACTCTGGG ACAAAGATGT 60
CCCTGTCTAC AAGCCCAGGA CGCTGGCCAC CCAGCGCTAA GACAGTTGCT GCTGGAGGAT 120
GACCAGGGAA GCCCCCTGAT AAGCCAAGAG GGCCAGCACA GCCCTTGCTC CCAGGCTCCT 180
GCCTGAAACT ATCTAGCACA CTAGGACCCA GGTGGTACCC TACTCAGTGG CTGAGAATTG 240
GATAAAGTCT TGGGAAATGA GACAAA 266

配列番号：2149
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2456
配列：
GATCTTTAAC AAATGTTTTA AGCAATTTTA AAAAGGCAGG ATGTTATTGA CATTATACAC 60
TGAAGTCTTA ACATTTTAAC ATTTATAGTG CTTATTTGCA AAATTGTATA ATTAGGAATT 120
ATTTCAGAGA CAATGTTTTC TTTTTCAGGT GAGTAGTTGC CGCGTAATAT CATTGGAGTA 180
CATTCTTTAT ACTGTTTGTG AAATTAATAC TAGCATATTA AGTGTACAAA TAGATTTAGA 240
AAACAATAAA AAATTGCATG CTAAA 265

配列番号：2150
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2457
配列：

GATCCTAGTG TTTTAATTAC CTGTGTGCAG CTATTTTAAA TAGCATTTTA CTTGAATAAT 60
ATGTATGTTG TCATTGTTTC ATGCTATACT TTGTGGGATA AAACTTGGGA ATGAGTGTGG 120
TAAGAAATTT ATAAAGTTTT GCTTTTAAAA CGTGGACATA ACTCATTTTT CTAGTTTTTG 180
ACAATTGTGT GTTTTAGTGT CTAGTCTGCA GAGAGCTGTG TGATTAATAA ACGTGGAATT 240
AACAGAATTT CCTCTCCCTG TAAA 264

配列番号：2151
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2458
配列：
GATCCTGGGC TCATAGGCAG TCCCTTTCAC TTCCTTGTCT TGCTCCCTGC TATGCTGGAG 60
ATGAATGTGA CTAAAAGGGC CATCTTGCTG GCTTAATGTG TGGCTGGAGA GACCAGCCTG 120
GAGACAATGT GGCAAAATGG GGCGCTTCAT CCAGTCTGTC TAAGCCCTGT CGACTTGGGG 180
AGGTGATTTC TTTCCTGGTT CTATATGTNA AGCAAAATAA ATGTTTTAAA ATTAAAAGCA 240
NNAAAGCAGA ATGTGAGTN 259

配列番号：2152
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2459
配列：
GATCAAAGCT GGACTGGAAA TTGTATCGTG TAATTATTTT TGTGTTCTTA ATGTTATTTG 60
GTACTCAAGT TGTAAATAAC GTCTACTACT GTTTATNCCA GTGTCTACTA CCTCAGGTGT 120
CCTATAGATT TTCCTTCTAC CAAAGTTCAC TTTCACANTG AAATTATATT TGCTGTGTGA 180
CTATGATTCC TAAGATTTCC AGGGCTTAAG GGCTAACTTC TATTAGCACC TTACTGTGTA 240
AGCAAATGTT ACAAA 255

配列番号：2153
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2461
配列：
GATCTGTGCA GCAAAGCACC ATGGTACATG TNNTACCTAT GTAACAAACC TGCACATCCT 60
GCACATGTAC CCTGGAACTT AATAAAAGTT GGAAATTTTT AAAAAGAATG AATAAGACCT 120
GGTATTTGAT AGCACAACAG GGAGACTATA GTCAACAGCA ATTTAATTGT ATATTTTAAT 180
ATGACTAAAA GAGTATAATG GNTTGTTTGT AACACAANTA AATGCTTGAG GGGATGGNCA 240
CCCCNAAA 248

配列番号：2154
配列の長さ：245
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2462
配列：
GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTCCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TNAAGGTGCT 60
TCCATCCAGG CTGGGTTCAG AAGCCATAGC TGNGACTAAT GCAAGCTGGC CGAAGCCTTG 120
CTGAAAGAAG CTTTAGCTGG AGAGGCAAAG TGGCGGGAGT GGCAGGAGTG GATNNGATAA 180
GATGTGGTTT AAGTNATGGG TNCAGCCTGA TTCTGAGCAA TAATAAAGAN TTTCTTTTGC 240
CCAAA 245

配列番号：2155
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2463
配列：
GATCCAGGAA GCTCCCAAAC CAGAGTGTGA GAAGGCACTT CTTGCCTTTC AGGAGAGTAA 60
GAACCTCTGC GAANCATGGA GAACTTTATG CAACAATTAA AGGAAAGTGG CATGACAATG 120
GAGGAGCTAA AATATTCTCT GGAGCTGAAG AAAGCTGAGT TGAAGGCAAA ATTGTTGTAA 180
CACTACAGCT GAGCAGATGT AATAGAAATA AACCTATGAA TAAATTTNCT TCTTGGTTCT 240
GAAA 244

配列番号：2156
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2464
配列：
GATCCTATAT CTTGGTNAAT ATGCTCCCAG ATACTTTAAA CATGGCAACC TTTTGGCCTA 60
AGAGAATGTT TGTTCATGGA AAAAAGCTTT TGAGATGAGA GGGTGTCTTA CTTTCTTGTG 120
GCAATTGATT TTCTGTTTTA ACACCCTTTG GGTAAAATCT TGCAAAGAGC TTTTATAATT 180
NGTTTTACTG AATTGTATGG AGATTGTATA CCAAGTAAAG CTCTTTTAAA TTACAAA 237

配列番号：2157
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2465
配列：
GATCCACGCT GGGCCGAGGA TGGGACGTTT TTCTTCTTGG GCCCGGTCCA CAGGTCCANT 60
GACACCCTCC CTCCAGGGTC CTCTCTTCCA CAGTGGCGGG CCCACTCAGC CCCGAGACCA 120
CCCAACCTCA CCCTCCTGAC CCCCATGTAA ATATTGTTCT GCTGTCTGGG ACTCCTGTCT 180
AGGTGCCCCT GATGATGGGA TGCNCTTTAA ATAATAAAGA TGGTTTTGAT TAAA 234

配列番号：2158
配列の長さ：233

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02466
配列：
GATCCCTAAG CTGTAGAACA TTTTAACGTT GATGCCACAA CGCAGATTGA TGCCTTGTAG 60
ATGGAGCTTG CAGATGGAGC CCCGTGACCT CTCACCTACC CACCTGTTTG CCTGCCTTCT 120
TGTGCGTTTC TCGGAGAAGT TCTTAGCCTG ATGAAATAAC TTGGGGCGTT GAAGAGCTGT 180
TTAATTTTAA ATGCCTTAGA CTGGGGATAT ATTAGAGGAA GCAGATTGTC AAA 233

配列番号：2159
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02467
配列：
GATCTGTGCA CACTTTCTAA ACAGCTTGTN ATGCAAGTNT GAGCCTATTG TGTTACTTGA 60
CCTTATTTTG GAAGTTTTGA ATTGGCCTAG GAGGAAACCC AGAAATGAAC CAGGGGTATG 120
TNATCACTTT TTTNATATCA AGTCCTCACC CTCCTNCCAC ATAATGCTCT ATCCGGCTAA 180
GGTTGGAACT CTGAAGTTGG AGAAGGTGGA ATAAAGTTAC ACCTGGAAA 229

配列番号：2160
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02468
配列：
GATCCCTGCG AATTACGAAA ACTACTACAT CCATGATTGC CCCAACCCCC TTGGGGTGGG 60
GCAGAAGGTG AAGCATCCCA ACTGACTAGA GACTCAGGCC CTGCAGGNCC TTATAGAACC 120
TGTGGCCATC CCTGAGCACC CTGCCACCAG GTGACCTCGG CCATACTCAC TGCCCCCCTT 180
GGGCACCCAC TCACCNTAGA ATAAACTTAA CAGTGTCCCG TGGTAAA 227

配列番号：2161
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02469
配列：
GATCTTACGA TGCCCTCTGT ACTGACCTGA AGGAGACCTA AGAGTCCTTT CCCTTTTTGA 60
GTTTGAATCA TAGCCTTGAT GTGGTCTCTT GTTTTATGTC CTTGTTCCTA ATGTAAAAGT 120
GCTTAACTGC TTCTTGGTTG TATTGGGTAG CATTGGGATA AGATTTTAAC TGGGTATTCT 180
TGAATTGCTT TTACAATAAA CCAATTTTAT AATCTTTAAA TTTAAA 226

配列番号：2162
配列の長さ：224
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2471
配列：
GATCTGCCTT GCTCACTATT TGCCTATTGG CATATATGAT TACTTTGCTA AAAGACATTT 60
TGGCCAAGAC AAGCCCATNT CCAGAGCTCT AAGAATGCCT AACTACAAGA AAAAGGCCAC 120
CTAGGCAATG GAAGCCCTCA AAGAAGTCGG AATGTCATAG TCTTGAAATG AAAGGGAAAC 180
TGGGAAACTG GGTTTCTCAT TAAAGTTGTT TCCCACTCTN TAAA 224

配列番号：2163
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2472
配列：
GATCTAATTT GATAAACAAC ATGGCTTGTG TGAAAACTGA GCAGGTGTTT GTTTACCCAT 60
AGTGTTCTGT GTAGTTATTG CTTANTCTGC AGAAAATAAT GACTTAGATG AGATGTCTGA 120
CTTGCTTTCA CTTATTAAAC ATGTTCACCA TGGGATGATG TCTGTAACAT CAGATATTGT 180
TCAACTAGAC TAGGATTTAA TAAAAATTGT GAAAGCTTAA A 221

配列番号：2164
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2473
配列：
GATCTTAATT TACAGTTCCA TGGGATTAAA ACAAGTTTGC ATTTATGTAA TTTGCATTAC 60
TTTAAAAATT ACAACAACAT AATCTCTGAA ACTTACTTCA ATCAATTCAC ATCCCTACAA 120
CTGTTAAGAT TTATTTTGTG ATTAGNATCT TATAGTGGGT ATTCTTTTNA GTGCTGATAT 180
TTCTATTCAT TAAAATCCTG TGNACACAAA 210

配列番号：2165
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2474
配列：
GATCCTGCAT TAAATTTTTA TTTGTGAAAA TTTGAAAATT ATGAGCTATA ACTTATAAAG 60
TTTGCCTTCT TATGNCTAAA ATCTTTTAAA GGATTATTTG CATTTATGTA AAACTGGAAA 120
TGAAGTTATA TATGAGTGCA AAGAAATTGA CTTCTGCTCA AATATGTGTT GATACCCTAC 180
AGTAAATTGA ATTAAATTTT TATCCCAAA 209

配列番号：2166
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02475
配列：
GATCAGTCAA TTTTCCGTCG TCCGTAACCA GCGGGCCCCT GGTCAAGTNC TGGCTCTGCT 60
GTCCTTGCCT TCCATTTCCC CTCTGCACCC AGAACAGTGG TGGCAACATT CATTGCCAAG 120
GGCCCAAAGA AAGAGCTACC TGGACCTTTT GTTTTCTGTT TGACAACATG TTTAATAAAT 180
AAAAATGTCT TGATATCAGT AAA 203

配列番号：2167
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02476
配列：
GATCTGGACT TCGAAACTTT CCTCATGGAT TCTGAATAAA AGAAACACTC TACACCTCTT 60
AAATCAAGGT CATGTAGATA ATGACTTTGT TATAAATGCT ACAGCTGTGA GAGCTTGTTT 120
CTGATTTCAT TGTTCGCTTC TGTAATTCTG AAAAACTTTA AACTGGTAGA ACTTGGAATA 180
AATAATTNGT TTTAATTAAA 200

配列番号：2168
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02477
配列：
GATCTTAAGT GTCTCCTTGC TCTGGTAAAA GATAGATTTG TAGCTCACTT GATGATGGTG 60
CTGGTGAATT GCTCTGCTCT GTCTGAGATT TTTAAAAATC AGCTTAATGA GAGTAATCTG 120
CAGACAATTG ATAATAACAT TTTGAAAATT GGAAAGATGG TATACTGTTT TTAGAGGAAT 180
AAACGTATTT GTGGTTTAAA 200

配列番号：2169
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02478
配列：
GATCCAAATC CCAGCTCTAC TGTCTCGTCC GAATTAGCCT TGGGAAAATC ATTTATATGC 60
TAAATAATTT ACCTTTTTAT CTAGGAGATG AAAAGAGGAT AATGTTTCCT TCCATAAAGA 120
AAGTTCTTGT AAGAATCAAA AGAAATGGTG AGCTTTAAGT GGTTTGTAAA CCATAAAACA 180
CATCATAAAA GTTCAAA 197

配列番号：2170
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02479

配列：
GATCCATGNC ATCTCTCTCT TGCCTGAGGG GAAAGAGAGA TGGGCCAGGC AGAGAACAGA 60
ACTGGAGGCA GTCCATCTAG GGAANNNNAC TGTGAGGCCA TACTTGTGAA ACGTCTGGAC 120
TGCTATTCTA GAGCTTTTAT TTGNGTGTGT TCGTTGCACA NCTTGTTTTA AATGTTTAAT 180
AAAAGCTTTA TAAACTTTAA A 201

配列番号：2171
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2480
配列：
GATCCCCCAA GTACAGGCGC TAATTNTTGT GATAATTTGT AATNGTGACT TGTACTCCCC 60
GGCTGGCAGC GTAGTGGGGC TGCCAGGCCC CAGCTTTGTT CCCTGGTCCC CCTGAAGCCT 120
GCAAACGTTG TCATTGGCAG GGAAGGGTGG GGGGCAGCTG CGGTGGGGNG CTATAAAANT 180
GACAATTAAA CGNGACANTN GTNTTTTATT TCCTNAAA 218

配列番号：2172
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2481
配列：
GATCCTTGCA GGGAGCTTGG AACCTTAGTG CACCTACTTC AGTTCAGAAC ACTTAGCACC 60
CCACTGACTC CACTGACAAT TGACTAAAAG ATGCAGGTGC TCGTATCTCG ACATTCATTC 120
CCACCCCCNT CTTATTTAAA TAGCTACCAA AGTACTTCTT TTTTAATAAA AAAATAAAGA 180
TTTTTATTAG GTAAA 195

配列番号：2173
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2482
配列：
GATCCGGCAA CATCAACCCG AGTCATTCGT TCTGTGGAGG GACAAGTGGA CTCAGGGCAG 60
CGCAGGCTGA CCACAGCACA GCCAACACGC ACCTGCCTCA GGACTGCGAC GAAACCGGTG 120
GGGCTGGTTC TGTAATTGTG TGTGATGTGA AGCCAATTCA GACAGGCAAA TAAAAGTGAC 180
CTTTTACACT GAAA 194

配列番号：2174
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2483
配列：

GATCAAATGG AAAGGAGAGG AAAGAACTCA GTGCTGCCTA TTAGTAGTTA ATTCTGTCAC 60
TCACCACTAC ATCACTTGAG ACAAATCTAT GCCACTCAGA ATCTCCTTCT TTCCTGGACT 120
TAACTCTAAT TCTAGAGTCT CTGTTACTGC TTGGGCTATA CCTGGGCATA CTAATAAAGT 180
ATGGTATTGA AA 192

配列番号：2175
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2484
配列：
GATCAGAACT GTTACCAAAA AACAACTGTC AGTTTTATTG AGATGGGAAA AATGTAAACT 60
CGANNNTTAT TACTTAAGAC TTTATGGGAG AGATTAGACA CTGGAGGTTT TTAACAGAAC 120
GTGTATTTAT TAATGTTCAA AACACTGGAA TTACAAATGA GAAGAGTCTA CAATAAATTA 180
AGATTTTTGA AA 192

配列番号：2176
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2486
配列：
GATCGTCTTG GAAGGGAGTG GTTTTCAGAG ACATTTCAGA AAGTGAAGGA GAAACTCAAG 60
ATTGACTCAT GAGGACCTGA AGGGTGACAT CCCAGGAGGG GCCTCTGAAA TTTCCCACAC 120
CCCAGCGCCT GTNCTGAGGA CTCCCTCCAT GTGGCCCCAG GTGCCACCAA TAAAAATCCT 180
ACAGAAA 187

配列番号：2177
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2487
配列：
GATCATTGAA ATGCTGAAAA TTTTAACAGT CTTCTTAAAA GTATTGAGGG GGCAAAAATT 60
ACCAATTATG GTATACAAAA ATAAGCCTAT AAATGTNTTT CACATTGCTA ACTTGAGTTT 120
CAGTTGATTC AGTTTGTAAT AACTAGTAAT GAGCTTCTGT TTACAATAAA AATNCTGTAA 180
ATTGAAA 187

配列番号：2178
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2488
配列：
GATCAGTTGC TTATAGATAA TGTTCAATGA CCTCAAGACA TATATTTTTG AGAAATTATC 60

ATTTTAAAAA ATTTGGTCTA TACTGATTGT TTTCACTGAT TCCAATATTA TTACTTATAA 120
CACTGACCTC TGGAAAATAT TTTGTNCACA AGAAATAATA AAGTATAATG ATTTGTNGCA 180
NNNAAA 186

配列番号：2179
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2489
配列：
GATCCACAAG GCCTGAGGAG CAGTGTGGGG GGACAGACAG GAGGTGGATT TGGAGACCGA 60
AGACTGGGAT GCCTGTCTTG AGTAGACTTG GACCCAAAAA ATCATCTCAC CTTGAGCCCA 120
CCCCCACCNC NTTGTCTAAT CTGTAGAAGC TAATAAATAA TCATCCNTNC TTGCCTAAA 179

配列番号：2180
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2490
配列：
GATCCAATGG AGCCTGGNGA GGTGTGCCCA GAAAGCTTGT CTGTAGCGGG TTTTNTGAGA 60
GTNAACACTT TCCACTTTTT GACACCTTAT CCTGATGTAT GGTTCCAGGA TTTGGATTTT 120
AATTTTCCAA ATGTAGCTTG AAATTTCAAT AAACTTTGCT CTGTTTTTCT AAAAATAAA 179

配列番号：2181
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2491
配列：
GATCTGTCCA CTCCTGGTCA TTGGTGGATG TTAAACCCAT ATTCCTTTCA ACTGCTGCCT 60
GCTAGGGAAA ACTGCTCCTC ATTATCATCA CTATTATTGC TCACCACTGT ATCCCCTCTA 120
CTGGGCAAGT GCTTGTCAAG TTCTAGTTGT TCAATAAATT TGTTAATAAT GCTGAAA 177

配列番号：2182
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2493
配列：
GATCAAAAAA CCACAGGGCT TTTGGGCACT GCCTCCTTGG GAAGTTAGTG GCCACAGAAG 60
AGAGATGAAA CCTGTAAGAA GTCTGGAGTC TTTTGGAACT TCAGCCATTT CCCCAGGTTG 120
TTACTTTCTT AGTATGTACA GTCTTCTCAG GATGAGCAGT AAAACCTTTG AACAAA 176

配列番号：2183

配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2494
配列：
GATCCTAAAC TCTCTAGCTT AAGTGTAAAT GAAGTACAGT AGTTTCCCTA CTGAACCCTA 60
CCTCTTGTGT CCCTGGAACC TTCTAGAACA CCTGCCTTCT ACCCTCTGGT TGGGAGATGC 120
AGCCACCACA TCCCTTCATA TCATACTGTT TTGAATAAAT TTTCAAATCC TTAAA 175

配列番号：2184
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2495
配列：
GATCCGGAGG GCCCAGGAGA ACCGGAGCGT GCTTCAGGGT GCCCGCAGAA CAGGAGCTGC 60
TCAGCCAAGA ACTGTGGCGG CGGCTGCTGC CAGGATGCCG AAGATACCCC ACTAGCACCC 120
CTNAGGGGGT CATGTGGTCA ATAAAAGTCC TTAGCTGCTG CCTAAA 166

配列番号：2185
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2496
配列：
GATCAAAATC AAGAAATCCG GGCATCACAG AGAAGTTGGG TTTAGGACAG CAGGTGCTGT 60
TCCGAGACTC AGTCCTAAAG GGTTTTTTTT CCCACTAAGC AAGGGGCCCT GACCTCGGGA 120
TGAGATAACA AATTGTAATA AAGTAACTTC TCTTTTCTTC TAAA 164

配列番号：2186
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2497
配列：
GATCAGCCCC TTAAAATNAG TTCTAGAGCA GGTCTTCTGT TCCAGAAGGG GAGAAGCATA 60
GAGGGCCTGT GAGCTCACGT GTGTTCTTTG TCATAGGGGT GAAAAACTAA CTTCAAGTGT 120
CCCTTGTTTG AAATAAACTT AGCAGAGTCA CTTTCTATCT TAAA 164

配列番号：2187
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2498
配列：

GATCTAATGG TTTTATAAAT NAAAGTTCCC CTGGACAAGT TCTCTTGCCT GCCACCATGT 60
AAGATGTACC TTTGCTACTC ATTCACCTTC TGTCATGATG GTGAGGCCTT CCCAGCAATG 120
TGGAACTGTG AGTCCATTAA ACCTCTTTCC TTTATAAATT AAA 163

配列番号：2188
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02499
配列：
GATCCTAACC AGGTAACCTG GTCCTNTGAA TTGAAGCTTA TCATATACCC AAAGCCTTGA 60
CTAGAAATAC CTAAATAGAA TACCATGGTC ATTGGAAAAA ATAGATAGTN TTNTAAAGTA 120
TTATTTNAAT AAATCCTAAA GTNTGTCTNT CTTCTCCTCA AA 162

配列番号：2189
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02500
配列：
GATCCTGGCC ATGAATGAAA AGGATAAGAA GAAAGAGAAG AAATGAAGTG ACCATCCAGC 60
CTTTCCCAAT NAGACTTCCT CTCCTTCCAC CCCTCATTTC CTTTTTGCAC ACATTACAGG 120
TGGTGTGTTC TGTGATAATG AAAAGCATCA GAAA 154

配列番号：2190
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02501
配列：
GATCAAAGCC AGCNACCCCC ACCCCAACAC ACTCGGTGTC CCANTCATAC TAGGGCCTGT 60
GTAAATCCCA GCCTGGCCAT ACCCTCAACC TCAGTGGGCT GGAAATNACA GTGGGCCCTA 120
TAGCAGTGGC AGAATAAACT CAGNTGTGTT CAAA 154

配列番号：2191
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02502
配列：
GATCGCCCCA CTGCAATCCA GCCTGGGAGA CATAATTCAA ATCTATTTTG GTCTTATATC 60
TTCTTATGTT TGTGTTATTT CATGTGTGCC AGTTTCTCTT TTTTTCACAA CAATTTATCA 120
ATTTGTGGCA ATAAAAATNA TTTACCTTTT AAA 153

配列番号：2192

配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2503
配列：
GATCATGGTG ATTTTACTGC TGCTTGTGGC TATCGTGGTT GTTGCAGTCT GGCCGACCAC 60
CAGCAGTNAC ACCTGCCAAT NACAGATGCA AGCCCAACAC CCTTTTGGTA CGCAAAACCT 120
GCTCTCAATA AATTCCCCCA AAGCTCTGAA A 151

配列番号：2193
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2504
配列：
GATCCCAGGA ACCTTCCTNC TCCAGGGCAG CACAGGACTC AGCCATGTNT GGACCGGCCC 60
TGCTGAGGCT ACAGTCACTC TGGAAGCTCT GCGCTTCATC AGGNGGCAGG ACTGTGGCGG 120
GAGGGGTCCT TGAAGATGGG TGTGGGGAGC AGTGGGTCAG GAAGTGGGAG CCAGAGGTTT 180
GACTCACTTT GCTTTATTTT TCAGGCTACA ATACAGGTCA GAGACAATGG CTTATAAAGG 240
TTTAGTGTGG TCTCAGGATG TGACAGGCAG TCCAGCCTGA CCTTTCTGCA CACTCCAGAC 300
AAACTTCCCA GACAAGCTCC TTTGTGCCTC TACGTGGAGA GGGTGTGGGA AAGTTATCAC 360
ATTAAAAGGT N 371

配列番号：2194
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2505
配列：
GATCAAGAAA GAGATGGAGG AGGAGGACTG AGCCCAGAAT TCACTAGGTT CGAATCCAGA 60
NAGCAGTGTG GAAAAAAAAA ACCAAAAANC AACTGNCCAG TTGTTGATAA CCACTAAGAG 120
TCTCTATTAA AATTACTGAT GCAGAAA 147

配列番号：2195
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2506
配列：
GATCTGTGTC ATTNCCCATG AGGGGCCGGG GCAGGTGGCT GGGTGGGGGC ACAGGCTGGA 60
GTATTCTNAG TTCTACTGGT TCTACACTGT GAGGTGGCAA TGGGATTTGC TCAGATGCCA 120
CCCAATAAAA TGCCTGTAAC TTAAA 145

配列番号：2196
配列の長さ：144

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02507
配列：
GATCGCTACT CTTAAGAATA TACATGTATG TATTCATAGG AACATTTTTT CTCAATATTT 60
GTATGATTCG CTTACTGTTA TTGTGCTGAG TGAGCTCCTG TGTGCTTCAG ACAAAAATAA 120
ATGAGACTTT GTGTTTACGT TAAA 144

配列番号：2197
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02508
配列：
GATCAGCTGG AAGCTCACTA GTCATCTCCT GCCCAATCCC CAGAAACCCT GATTCAGGTC 60
TGCAGGCTCC TGCGGGCTCA CCACGGCTGC TGGCTCCGGT ACCATGTAAN NCCTAGGAAG 120
GTAAAGGNGC AGGCAACCTC AAA 143

配列番号：2198
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02509
配列：
GATCCAGTGA GATAGAATAC ATGTAAGTNT GGTTTTGTAA TTTAAAAAGT GCTATACTAA 60
GGGAAAGAAT TGAGGAATTA ACTGCATACG TTTTGGTGTT GCTTTTCAAA TGTTTGAAAA 120
TAAAAAAAAT GTTANGANAA A 141

配列番号：2199
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02510
配列：
GATCCCTTGT GGCTATGCAG ATACCTACCT CACAGAGTTG TTGTAGAAGA CTGGTGGTTT 60
GGTTCAAACC TTGTGATTAA AGAGTTTGTC AAGCATTTTA TTCTTTTGAA TAAAAGCAAC 120
ATATCNAAAA CATTAAA 137

配列番号：2200
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02511
配列：
GATCCCTGTT TAACTCCAAA TTACAGTCGG ACTTGGATAC ATCATTTGTA ACATTGTAGG 60

AAAGAAAAAA GTCTTGGTTN TGAAAAACGA TTTGCATTTG GGTAAAATAA AGTGACCATG 120
CTTTTGTTCT GTAAA 135

配列番号：2201
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2512
配列：
GATCCAGCTC AAGTGCCATC CTGCCAGTGG CCCCCAGACT GTGGGGTTGG GACGCCTGGC 60
CTCTGTGTCC TAGAAGGGAC CCTCCTGTGG TCTTTGTCTT GATTTTNCTT AATAAACGGT 120
GCTATCCCCG CCAAA 135

配列番号：2202
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2513
配列：
GATCACTACT GCTCTTGGAG TTCCTTCTCC TAAAGCTAAG GCCAGCCTCC ATCACAAATG 60
CCCATAAAAT CTGGCTCGTC TTTGATGAAC AATAAATATT TNTTGAACAA ATAAATAACT 120
GCCCTGCATT AAA 133

配列番号：2203
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2514
配列：
GATCCTCCCG CTGGCTTCCA GACAGACCTG GGATTTTGGC AGTCATGCCG GGTGATGGTG 60
TTCCTGCGGA GACCCTCAGT TGTCCTATTC CTTCCTAGCT TCCCTGCAAT AAAATCAAGC 120
TGCTTTTGTT GGAATAAA 138

配列番号：2204
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2515
配列：
GATCATTTCA CCTGATGTTT TTAAAGCATC CTAAGTACAG TAGAGTAGAA AACTNATTTC 60
TTTGTTAATT GTACACTGAA TAATGCCTTT AAAAAATCAA AATAAAATTA ACAAATAATG 120
GTGAATGAAA 130

配列番号：2205
配列の長さ：176

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2516
配列：
GATCTCCTAT GTTACCAATG TGTATCGTCT CCTTCTCCCT AAAGTGTACT TAATCTTTGC 60
TTTCTTTGCA CAATGTCTTT GGTTGCAAGT CATAAGCCTG AGGCAAATAA AATTCCAGTA 120
ATTTCGAAGA ATGTGGTGTT GGTGCTTTCC TAATAAAGAA ATAATTTAGC TTGAAA 176

配列番号：2206
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2517
配列：
GATCATGTTA TGAATTTGTA ACATTCACAC AACACCTCAC TTTTNAATCT ATAAAAGAAT 60
TGCACGTATG ANAAACCTAT ATTTNAATAC TGCTGAAACA GACATGAAAT AAAGAATTTA 120
AAGAATGAAA 130

配列番号：2207
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2518
配列：
GATCTAGCTT CTGGCTCTGT GTGTTTATTG ACCAGTGGTG TGCCTTGAGA AACCAGAACT 60
CTCTGAATTT CAGTTTTGTC TCTNTNTAAA TGAAGAAGGT TGTAATAAAA AAAATCTCAA 120
GTTTCAAA 128

配列番号：2208
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2519
配列：
GATCCGTCAT GGNCAACGAG AAGCACAGCA AGAACATCAC CCAGCGCGGC ATACGTCGCC 60
AAGACCTCGA GAAATGCCCC CGAAGAGAAG GCGTCTGTAG GCCCTGGTTA TTGGCTCTCT 120
TCACTTTTGT NGTCTGTGGT TCTGCAATTT TCCAGATTAT TCAAAGTATC AGGATGGGCA 180
NNTGAAGTGA CTGACCTTAA NTGTTTCCAT TCTNCTNTGA ATTTAACTTA ACTCATTCCT 240
GATGTTTGAN CCCTGGTTNA ACAATTCAGT AAANATCTGC TAGAATNCTT NCTATCATNT 300
TCATGTGCAT TCAAGNTTCT CATNGCATCC ANGTTCTAGN CAACACAGN 349

配列番号：2209
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO2520
配列：
GATCACCAGG CAGCGACCTC CGCNCACCCC AGCAGTCGCG AGCCTCGGCC CAGCCANAGG 60
AAGCGNTGCC GNCGGACCTG ACTGACTTCC CAGTGGAACT GCCTTCTTNG GCTGGGACAG 120
CCNTTTN 127

配列番号：2210
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2521
配列：
GATCTGGGCC ACTTCCCTCC TTCCAGTCAT GAGTAATCAT CAAGGAGCAA GTTGGAGTGT 60
TTCAGGTGTA TATTTTGTAG AACCCAAAAG ATTGGAGCCT TAACAATAAA CATCAGCACT 120
AAGAAA 126

配列番号：2211
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2522
配列：
GATCTTTCAT AAAGCAGAAT GGTACGTATC GGATTGTTTT AATGTTATAT ATTGGATTGT 60
ATTCGTTGTT ACAAAACCAA TATTCTATGG AGAATGAAAA AAATAAAGGA CTAAATTAAC 120
TGGAAA 126

配列番号：2212
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2523
配列：
GATCTCGCAA AGTTATTCTT CCACCATGGC CAACAACGAA GGACTTTTCT CCCTGGTGGC 60
GAGGAAGCTG AGCAGACCCC TGTGATGCCT GTNACCTCAA TNAAAGCAAT TCCTTTGACC 120
TGTCAAA 127

配列番号：2213
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2524
配列：
GATCAATGTA CTTTTTATAA ACTTGCCATA GATATCTCAG ATTTGAAACC TCAAGACAGA 60
TTTATTATTC TTAAATGCTG TATGATAATG AAGAAAAATA AAAATTTATT TCTTGCAAAG 120
TTAAA 125

配列番号：2214
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2525
配列：
GATCAGTTTG GAGAGTAGGG GGCCACTCAT ATTCTGGGCT CCTGGAACCA ATCCCGTGAA 60
AGAATTATTT TTGTGTTTCT AAAACTATGG TTCCCAATAA AAGTGACTCT CAGCGAGCAA 120
A 121

配列番号：2215
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2526
配列：
GATCCCCGCA TGGTGTTGGG GGTGCTGGTG TGTCTTGGTG CCTGGACTTG AGTCTCACCC 60
TACAGATGAG AGGTGGCTGA GGCACCAGGG CTAAGCAATT AAACCAGTTA AGTCTCCCAG 120
GAAA 124

配列番号：2216
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2527
配列：
GATCAAAAAG GGGTCTGAGG TTGCATCAGG GAGACAACTG TAATGATATA AGCAATAGTT 60
GAGAACCTGA CAGCAAGTAA TAAGACAGGA AGAATAAAAC TAGAAGAAGT CAGAATGAAA 120

配列番号：2217
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2528
配列：
GATCTGAGTT CTGAGCAAGT CAGACTCCTT CCTTTTGGCC TCCAAAGCCA CAGATGTTGG 60
CCGGCCCACC TGTTTAACTC TGTATTTATT TCCCAATAAA GAAGGGCTTC CAAAGGCAAA 120

配列番号：2218
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2529
配列：

GATCGGAACT GTAAAGCTAT AATCCCCAGA ATTAAAGTTT TTATTATTTT TTATACATTG 60
TAAAACATAG ACGTTTATTT ATGTGATTAA NTTCTATTAA AATTTACATG CTAAANTAAA 120

配列番号：2219
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2531
配列：
GATCCAGTTT TTCTTGGGAG GTTGTATCTG GTCATAAGGT AAACATTCTA TATATTCTAT 60
GCCTGCTCTA GAATTGAAAG ACTTCAGCAG TATTAAAGCA TTTTTTAATC TTAAA 115

配列番号：2220
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2532
配列：
GATCTGTATT TGTATATGCT GATGCAATGA TAAAAATCAC TGTAATAGNT TCATTGTGTT 60
GTACTGGATG CAAAGCTAGA AAATATTGCA ATANNTGAGA CCGATGAAAG ACTTCTCTGA 120
AA 122

配列番号：2221
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2534
配列：
GATCTTGGGC AAGTTAATCT CTGGGAACTT TGGGTTTCTT ATCCTCAAAA AAGGCGATGG 60
AAGGNCTGGG NCNCGTGATT AAATAAAAGC AACGCAAGAA AAATGCCAAA 110

配列番号：2222
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2535
配列：
GATCGATGGT ACTTTTTGAA AATGCTTTAT TGCAAAAAAG TGGCTAGGGT TTTACAAGGN 60
CTATGAAGAA ACATATTAAG GTTAATAAAG CTTTTTATTG AGTGTTAAA 109

配列番号：2223
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2537

配列：
GATCCTCCCT TAGAGCATTT GGAAGAGTGT GGCCCTGCCA ACACCTTGAC TTCAAACTTC 60
TGGCCTCCAT AACTATGAAA TAAATNCTTG TTGTTTTAAG CCAAA 105

配列番号：2224
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02538
配列：
GATCTGTCCA CTTCTGGTGT CAAAGATTTT ACTCATCTTC TTAGTACATT CTATGTATTT 60
NATATGTATA ATTTTATACA ATTAAAAATA GATTTTNGTC TAGTGAAA 108

配列番号：2225
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02540
配列：
GATCTTATAT CATTACAGTA GCCTTTTTGT AGAATCCATC CTATTTTCCA CATGGATAAT 60
CATGTCATGA AGAATAAAGA CAGTTTTACT TCTTTCCTTA AA 102

配列番号：2226
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02542
配列：
GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCCTCCCACC CCAAGNCATC AAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
AATAAACCCT CAATAAATAT TCTCATTGGT CAATCAGAAA 100

配列番号：2227
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02543
配列：
GATCTGCTGC TTCCAAGTTG TGTGACCTTG GCTAAGTCAC TTAACCTTTC TGATTGTCAT 60
TTCGCTTTTT AATAAAGTGG GTCTGGTGAA CAAGAAA 97

配列番号：2228
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02544

配列：
GATCCCACTG TATGGCTATA CGGTATTTTA TCAGTGCATC CACTGTCGGG TTTTTCCCCT 60
TGTGGACTAT TATGAATAGT GGACGCTTGT GTGCAAA 97

配列番号：2229
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2545
配列：
GATCAGGTGA GCTGTGTCCA GAAAACCAAC GAGAAGGAGT GGAAGGAGGA ATGAACGTTT 60
CATTCTCGTT AATAAAGGCA TTATCCTAAT TAAA 94

配列番号：2230
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2546
配列：
GATCTAATCT ATTCCTGGGG CCATAACTCA TGGGAAAACA GAATTATCCC CTAGGACTCC 60
TTTCTAAGCC CCTAATAAAA TGTCTGAGGG TGTCTCATGA AA 102

配列番号：2231
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2547
配列：
GATCATATAT TTGTGGCATA CAGTGTGATG TTTTGACATG NATATAATTT TGTATACAAT 60
GTGGAATGAT TAAAACAAGC TAATTAACAT AAA 93

配列番号：2232
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2548
配列：
GATCTGCACT TCCTCCCCTT TCACCTACCT GTACACCTAA CCTGGCCTTA GACTGAGCTT 60
TATTTAAGAA TAAAATCGTG GTGGTGGTCA AA 92

配列番号：2233
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2549

配列：
GATCAGTGGC TGCTGGGTGG CGGGTACCCT TNCTCAGATG CCTGGCAGGN CTGGNTGGCG 60
ATTCATAAAG ACCTCGTGTT GATTCCCCAA A 91

配列番号：2234
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2551
配列：
GATCTAACCC CTTACCCATC TNTCTACTGC TGGACTGTGG AGGGTCACCA GGTTGGGAAC 60
ATGCTGGAAA TAAAACAGCT GCAACCAAA 89

配列番号：2235
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2552
配列：
GATCTTTTTG AGAGAAACAA ATGAGGATTG TAAAGTTTGG GGACTTACCT CTGTAGCATT 60
GTGAAAATAA ACTTTGATTA AGCTGAAA 88

配列番号：2236
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2553
配列：
GATCACCTCG GCGTCTGTTT TGTATGCTCT TTACCTATGG ACTAGTTTGT GGACGGCTAA 60
GAAATACAGC CTCAGCATTG ATTTGAAA 88

配列番号：2237
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2554
配列：
GATCTTAAGG AGTGTAATTT GCAATCTAAT TTTATCCTCT TACTCTGTGT TGTTAAACCA 60
TATACAATAA ACGGTGTTTA TGGAGAAA 88

配列番号：2238
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2555

配列：
GATCTGGCTG TGAGGCCCTC AGGGCAGGGA TACAAAGCGG GGAGAGGGTA CACAATGGGT 60
ATCTAATAAA TACTTAAGAG GTGGAATTTG TGGAAA 96

配列番号：2239
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2556
配列：
GATCCGGGGA CCAGGGGCTG ACCTCCATTC GTACCCCACT GCTTTGGAGN TGATGGGACT 60
ATCAATAAGA ACTCTGTTCA CGCAAA 86

配列番号：2240
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2557
配列：
GATCAAACCA TTTNACCTGG AGTTTGGTAC TGGTTTTAAC TTCTCTNAAT CTGTATAAGA 60
AAAATGAAGA CAATTGAACT TTCAAACAAA 90

配列番号：2241
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2559
配列：
GATCCAAGTT TTGCGGGGTC TAAAGCTGTG TGTGTTGAGG GGGATACTAA GTTTATGAAA 60
AAGAATAAAA AACACAACCA CGAAA 85

配列番号：2242
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2560
配列：
GATCTCGCCA CTNTTCTCCA ACCTGGGCAA TAAAGCAAGA NCCTGTCTTC AAACAAGCAA 60
ATAAAAACTT CCTTATCCTG CAAA 84

配列番号：2243
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2562

配列：
GATCCTGTTA GCTTTCTGAA TGTTCTGTGG TTGAATGTGT TTTTGCTTAA ATAAAGCTTT 60
TGGTATTTGT TTAAATTAAA 80

配列番号：2244
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2563
配列：
GATCCCAACC GTTTGGCACA GCTTTGGCCA CAGCCAGGCC CCTCTGGAAT TGTCCTTATT 60
AAACCAGTTT CCCGAGAAA 79

配列番号：2245
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2564
配列：
GATCCGGGTC AATGCTTCGT TTTCTAAAGG ATGCTGCTGT TGAAGCTTTG AATTTTACAA 60
TAAACTTTTT GAAACAAA 78

配列番号：2246
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2565
配列：
GATCTTGGTT TTCCATGAAT ACAGCATGTA TAATAAAAAT TTTAAGAAAT AAATGTTATT 60
CTACTTTATT AACAAA 76

配列番号：2247
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2567
配列：
GATCTTCTGC CGGGCGTGCC CCAGAGGACA GTGGGTGGAG TGGTCCTACT TATTAAATGT 60
CTCAGCCCCT CAAA 74

配列番号：2248
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2568

配列：
GATCTCACCT TTGCAAAGTT GGATAGTCAA TTTGTTTTTA GAGGAAATAA AACACTTATT 60
CTGTGATTTT AAA 73

配列番号：2249
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2569
配列：
GATCTGGAGA GAAAAACATT CAAACCATTG CATCATACAA AAAAAAGGCT ATTAAAAATT 60
GGATTATAGC AAA 73

配列番号：2250
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2570
配列：
GATCAGAGTA AGAATGTCTT AAGAAGAGGT TTGTAAGGTC TTCATAACAA AGTGGTGTTT 60
GTTATTTACA AA 72

配列番号：2251
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2571
配列：
GATCAAATCT GTACAGTTTC TATTGTTCCA GATTTTTTTA AGTTTGTATT AAAAGCATGA 60
TACATAATAG TAAA 74

配列番号：2252
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2572
配列：
GATCTTTTCA GTGTTTTTTC ACTTTAGCTA TGTGGATTAG CTAGAATGCA CACCAAAAAA 60
ATACTTGAGC N 71

配列番号：2253
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2573

配列：
GATCCAGGAG GGAGCCACCC CCAAGGACCC TGCCAGCCAC AGACCTCCAA TAAAGACAGC 60
ATGGAAACAA A 71

配列番号：2254
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2574
配列：
GATCTGATGT GAATTCAGAT TTCCAATCTT CTCCTAGCCA ACCATTTTCC TGGAATNAAA 60
AATTCAGTAA A 71

配列番号：2255
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2575
配列：
GATCCAGAAG TTCTAAATCC AGGATTTTAA TTAGTAACTC AAATAAAATG CCACACATTT 60
TCATACAAA 69

配列番号：2256
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2576
配列：
GATCATAGTA GTGCCGCTGT TGAGTGATAA AGCAACTTGT CATTAAAGAT GTGTGTNCAG 60
ACATGGAAA 69

配列番号：2257
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2577
配列：
GATCCCAGCC CAAATNNGCC CATTCACACA ATCAGGAGCN AAATAAATTA CTGTTGTCTT 60
AACACTAAA 69

配列番号：2258
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2578

配列：
GATCTTCAGC TGTTTGCCCG TNCTTATTAC ATAAACTGAA AACAGGATAA AAACGGAGTG 60
CAATGAAA 68

配列番号：2259
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2580
配列：
GATCTGTCAA AGATATGAAC ATGAAAGAAC AGCTTATTTC AATAAACCCA CTTTACATAC 60
AAA 63

配列番号：2260
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2581
配列：
GATCAAAAGT AAATGTTCTC TTTGCCATTT TAGATGGAAA AATAAAAAAA ATTAAAAAGT 60
AAA 63

配列番号：2261
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2582
配列：
GATCTACATG AAGGAACTGT AGATGATGTA TTTTTTTCAT CTTTTTTGTT AACTGATTTG 60
CAATAAAAAT GATACTGATG GTGAAA 86

配列番号：2262
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2583
配列：
GATCCCTTTT TTATTTTGTG GTTTTTTAAT ATAGTATAAA AATCCTTTTA AAAAAACAAA 60

配列番号：2263
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2585
配列：

GATCAAAACA GGATTCCATT GACCTAATTA TATTAAGCTA ATAAACTAAT TTTTTGAATT 60
TTTGAAA 67

配列番号：2264
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2586
配列：
GATCAATATT TATTGACTTG TAGTAACTGC CACCAATAAA GCAGTCTTTA CCATGAAA 58

配列番号：2265
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2588
配列：
GATCAATAGA CTGTACTTAT TTTCCAATAA AATTTTCAAA CTTTGTACTG TTAAA 55

配列番号：2266
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2589
配列：
GATCATTCTC AGTATCCACT GTCTATGTAC AATAAAGGAT GTTTATAAGC AAA 53

配列番号：2267
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2590
配列：
GATCCATTTN TTTTGTGAAT GTGCTAAATA AAAAGTGTTA TNAATTGCTG AAA 53

配列番号：2268
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2591
配列：
GATCCTGCAT CCCACTCCCT GGGAGCCAAT AAAGTGCATT TTCACAGGCA AA 52

配列番号：2269
配列の長さ：50

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2592
配列：
GATCACAAAG TCAAAAACCC ATAAGAAAAA TTGAAAAAGC TACAAGCAAA 50

配列番号：2270
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2593
配列：
GATCATATTT TCTATTAAAG TGGCTAACAC CTGGCTACTC TTACTGTAAA 50

配列番号：2271
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2612
配列：
GATCTGTAAA TAAAATCAGT GCACTGTGAA TCACACCCAG CCCCTTTCCC TGCTGTGTGG 60
ATTAGGTGTC AAGACACCTA GTTCTTTCTG GGGCCACCCG GCTGGCCTCA CTGCTTATAT 120
TAAGGCTCCT CCCAACTCTC ATTTTCCTTT GGAAAACAAG ACTTTTTTCC CCATGGTTAC 180
CGCTGAGATA CTGGGGCTGT AGTAGTATAA AAGCTCACAG TTCCTTCTGA GTGCTGAAAA 240
GAGTGCATGA GTTGCTTCGA AATAAAAGGG TCAAGCATTC CTACCTGAAA 290

配列番号：2272
配列の長さ：556
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2627
配列：
GATCTGTGCT TCCNACTCAC ATGTNAGGCC ACGCCATCCT CTTGCTGAAN CCCTATTGAT 60
GCTTTCTAAC AGGTTCTCGT GTCTCTCCCT GACCAGGCCC TCTTACAGAC TGCAGAATTA 120
CCATCCACAG TGTACATTGG ATGAGAATGT GTCACCACCA TGCTTAGAAC CACTCCTATC 180
ACTGACAGGT CAATATCTGA GCTCCTTGGC ACAACACACA TGTCCAGGGA GTGGCCAGTA 240
ATTAGTTGTG CCTGGAGTAT TGAGAGCATC AGTGGCCGGG AACATCAGGC AAGATGTGAT 300
GTTTTAAAGA GCCTTGAATG CCATGCTAAG GACTTNGAAC TGCATTGCAC AGCCCATGGG 360
GAGCTCTGGA AGGTTTAAAA GCAGNGAAGA NCCTTGCCTT TGTCTAAATT CTGTAAGTCT 420
CAAGCACTTC TGCTTTCCTT CATAGNACTT TGTAAATTAT TTCAATTGGC TTGGTTNATT 480
TTTTNCNNNA TTTTCCCCTT AAATTTCAAN GTTTTTGGGC GGGATTAAAT NNTGGCTTTT 540
TTGNTCNCNT TTTAAA 556

配列番号：2273
配列の長さ：527

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2628
配列：
GATCTGAACA TCTGGCCCAA GTGAAGCATG GCATATAGTG CCCTTGGAAG AAAATTAGGC 60
CTCAAATGAC AGTAGCATTG AAGTGTTTGC TGCAGAGTTG AGGGAAACCC CCAGCCACCC 120
TCCCGGAATC CGAGATAGGG TGGCACATCT GTCCTGACAG ACGAGGAGTG TAACTNAACC 180
AGGAATATTT CCTCCATTCC TGCTCTCCCA CTGCACACAG GGTGGTGGCA CATTATCCCT 240
CTGGGGGGTG GGGACGCCTG TTGTTTTGGC TCAATTTGGG TTTGTTGGTC ACATGGAGCT 300
CTTCCATTTC GTTTAGCTGA ATAATGAGTT GTTCCTAGAG GAGACAGCCT GTCTCTCCTT 360
GTTNNCCNCA AAGCCCATGN CCTGNCGTGG TGGANCTGGG GCTTTTGGNT GGGGAGGGGN 420
CCCAACAATG GATNTTNTTN CCTTNCTCCG AATTCCAACG GANTNNAATG TNCAAAGGCC 480
CTTTNGAAAC TTGGNGGGAA ANTTAATTNC TNTNCCCTNG NNGTGGN 527

配列番号：2274
配列の長さ：458
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2629
配列：
GATCAGCAGC CAATATGGGT TTGTTTGGTT TTTTTAATTC TTAAAAACAN CCTNTAGAGG 60
AATAGAAACA AATTTTTATG AGCATAACCC TATATAAAGA CAAAATGAAT TTCTGACCTT 120
ACCATATATA CCATTAGGCC TTGCCATTGC TTTAATGTAG ACTCATAGTT GAANTTAGTG 180
CAGAAAGANC TCAGATGTAC TAGATTTTCA TTGTTCATTG ATATGCTCAG TATGCTGCCA 240
CATAAGATGA ATTTAATNNN NNNCAGCCAA AGCAATATAC TCTTACATGA TTTCTAGGCC 300
CCATGACCCA GTGTCTAGAG ACATTAATTC TAACCAGTTG TTTTGCTTNT AAATGAGTGA 360
TTTCCATTTT GGGGAACAGG TTTCAAATGG ANTATATNTA CATGGGTAAA ATTCCCCTGT 420
GCTAGTGTAG GNCTTTCCTN GGGGAATGTT TTATGGGN 458

配列番号：2275
配列の長さ：452
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2630
配列：
GATCGACTAC AAGCCAGCCC CTANGCACCT GCTGCTACAT CATGAAGNTA NCTCCAGAGA 60
GCATCCCCAG TCTTGAGGNT CTCAATAGAA AAGTCCACAA CTTCCAGGCC AAGCCCGCAG 120
TGCCTACGTC TAAGCTGGGC CAGGCAGAGG GNCGAGATGC AGGCTCAGCA CCCTCCGGAG 180
GGGACCCGGC CTTCCTGGGN NTNGCCGTNA NCACCCTGTG TGGCGAGGTG CCGCTCTACT 240
ACATCTAGGA CGNCTCCGGT GAGCAGGGTC AGTGGAAGCC CCAACGGGAA AGGAAACGCC 300
CCGGGCAAAG GGTCTTTTGC AGCTTTTGCA GACGNGCAAG AAGCTGCTTT CTTCCCACAA 360
CCGNAGGACC AAAACCCTTG GAGAAANTGN GNAGNTTGGN GGAGATGGAT TTGGGAGTTT 420
GGCAANAGGG TTGGACCCNA NGNGGGCCCG GN 452

配列番号：2276

配列の長さ：451
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2631
配列：
GATCTTGTTT ACTTTTGGAC ATCAAGCCCA TCACTGCCAG CCAGTNAAGA AGGATTCCAG 60
CCTATGCCCT CAATCACAAT AAGACCACCA GATGACCAAC ATCTTCCTAC TGCAAATACT 120
TGCATTTCTC GACTTTACGT CCCACTCTAT TCCTCTAAAC AGATTCTCAA ACAGAAATTG 180
TTACTCGCCA TTAAGACCAA GAATNTTGGC NNNGTGTAGA GTATAAAAAG TGTGTATTGC 240
TGTGTAATAT TACTAGCAAA TTTTGTAGAT TTTTNTCCAT TTGTCTATAA AAGTTTATGG 300
AAGTTAATGC TGTCATACCC CCCTGGTGGT ACCTTAAAGA GATAAANTGC AGACATTCCT 360
TGCTGAGTTT ATAGCTTAAA AGGCCTAAGG GAGCACTAGC AANCATTTTG GGCTATATTT 420
GGGTTTGCTA GGTCACCAAC TTTCCTGGGG N 451

配列番号：2277
配列の長さ：446
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2632
配列：
GATCCAGCCA GGCATCTCGG CGCTTTGGCA CCATGAGTTC TATGTCTGGG GCCGACGACA 60
CTGTGTACAT GGAGTACCAC TCATCGCGGA NAAGGCGCCC AGCAAACATG TACACCCGCT 120
CTTCAAGCGC TTTAGGAAAT NATNCTTAGG CAGGGTACTT CGTTCAAGAC CGGCGCTTGG 180
CACCCTTGTT GGAAAGGGNT TTTCAGCATA ACATTTTCCT TCCACCTCTT TGACCTTCCC 240
TCCAGCGTTG GCCAAATTGT GCTGAGGAAG ATGCATCAAG NGNTTGGCTG TGCCTTCATA 300
GGTCATCTAG GGTTTTATAA AGGAGGAGGA GACAATATTT NTTCAAACTT TTTTGGGAGT 360
GGGGTCATTT TCTGTATATA AANAATGTTA ATATTTAAGG TGTAGTTTAT GTTACCGTTC 420
TGAATAAACA GATTNGGCCA TTNAAA 446

配列番号：2278
配列の長さ：425
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2633
配列：
GATCCACACC TGACCCTGTT GGGTCGAGTT AGGNTGGGCC TTGGTCTGCA CTGTAGCACC 60
TNTGTTCTTT GAGTTCACAT CATGAATGTG GTGACTTNCC AGNTACCATA TCAGGCTTAA 120
CCTAGCACAT CCTATTTCTT TNCTTCTATG ATATCCAAAT TGGACTGACC TCACTTCAAA 180
GTTGCTGTCC CATTTTGTCA CCCTATCTTA TCTCGGGGAA ATTGCAGACT GATGGCCAGA 240
CCAACTCTGT TGAAATTCTT GCATAGAGCA AACCTGTGCT CATTTTTAAG TGGCATGGGA 300
GAGGCCCCCA GCCTAGTAAA GCCTAGTCTG TGTCTTCACA GTGCTGGTAG NATGNGTTTT 360
GTGTGTATAA ATATATGATA TAGGATTGAT AATATGTTNN CTAACGGCCA TATTATTGAA 420
GGGCN 425

配列番号：2279

配列の長さ：414
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2634
配列：
GATCTGCCTT AACTCCAACT TACATGTTTT GGTCACTATT ACAAACTGTC ATCCCAGAAT 60
GATGCTGCAG AGGCTAGGGC TAGGACACAG ACCAGTGTTT CCATGTGGGA ATTCCCTCCC 120
AGTATTTCTT AGGAANNNTA TGTTTTTTGA ATCCATAATC CCTAGAAAAA TCAGTTGAGG 180
AAATGAGAAG TATTGTAATT ATNCTGTGAA TAGTAACACT TACCATTATG GAGACATCAC 240
TAGTTTGAAA GANTCCAACT TCATCAAATN TTAACGTACC GAGTTGAAGG NTACAAGANC 300
TGAGACAGGA GCATAGCAGA GGAGAAACGG TCACCATCTC ATTAGCCCTA TTTTTTGGNT 360
TGNTGTGATG CCATTACATC TGNAATAATC TGGGCCATNT CAGCTGCTAA TGGN 414

配列番号：2280
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2635
配列：
GATCTCACCT TCCTTCGAAT TCGCTCCAAG AAAAATGAAA TTATGGTTGC ACCAGATAAA 60
GACTATTTCC TGATTGTAAT TCAGAATCCA ACCGAATAAG CCACTCTCTT GGCTCCCTGT 120
GTCATTCCTT AATTTAATGC CCCCCAAGAA TGTTAATGTC ANNNNNGTCA GTGGACTAGC 180
ACATGGCAGT CGCTTGGAAC CCACTCACAC CAATCCAGTG ACCGTGTGTG GGCTGGNGGC 240
TCTNTNTCCC NCNCCAACGG AACCCCNGTG TGCACCAACC TTTNNCNCAG AGN 293

配列番号：2281
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2637
配列：
GATCTGGCAG GGCACCACAG CGCCCCCTAC TGAACCATCA GCATGTCAGT GGCATTTAAA 60
GCCATGCAGC TGGAGGGGCC ACTGAGATTG TCTCTGAGTA TTACTGAGAA GCAACAGAAA 120
AGAGCCATGG ATGGAGCCCT TGGGCTCTCT GGGAAATGGG AAATCAGCCA AAGGACTGAG 180
AAGGAGTTAC CTTAAGGTCA GAGAAAACCA AGAGAGTGTG GTGTTCTGGA AGCTGAGCTT 240
TCTTTATTCA ACCTCATTCC CTTCTCCAAA TAAGCCACTT GTGTAGTTGG GCCCCTCCAG 300
GGTTGAAGGC AAGAGGAGAA AGGCACAGCG TTTGGGAAAC AAGACTTTTC CTGCAATAGC 360
CTGGGGAAGG AATAAAANGG ATAGAGGTGT TTGGGGGAAA 400

配列番号：2282
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2638
配列：

GATCTGTCCA ACGCCTGCAG CGTGGATGTG GAGGCGGACT AATCAACNAG TGCTCTGTTA 60
TTATTTCTAC CCATCCCTTT TCTCCATGCT AATTTGCTTA GAACTTTAAC ATTGAATGGA 120
CAGCAAATGT CATGTTCTGT TTAATTATCA CTCCTTGACC ATTATGTTAA TTTCTTTCCC 180
TAACAAGGTG ACGCATTGTT TTAAGTAACA ATGACCAACT CATCTACTCT TCTTCCAAAT 240
TGTGTAAATT GAANGGGTAA AATGTGGGAA AACGCTAAAT TTGAATGCTA AATTTGAACA 300
TTTCACACAA CCAATAATTT TGAAATGCTT CTTNGCAATA TTATNGCGGT TTCGGNACCA 360
GGTTAAAAAT NNCTTTCATT TTCAGGNCAT TTTGGTCAAA 400

配列番号：2283
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2639
配列：
GATCGATAAT ATAATTTATA ATGAAATTGC TTTATCAGCT ATTAATGTTA ACTACATCAT 60
CTTCATATAG CNTTATAACT CATTTGTGCT ATTCCATTTT CCTCTGTTCC TTTTATTTTC 120
ACTTCCCTTG TAATGTTAGT CTCTTTGTAC TGATTTCTGA AGAGTTCATT TATGATTAAA 180
CATGTTAACA TTTTGTCTAG AATTGCAAAT ATGTTTTTCC TCATTCATTT TACTATGGTG 240
TTTTATTTTT GGGTTATACA GAAGTNGTAT ATTGAAATAT AATCTNGTNC TGTTTTATGA 300
CTTTGGAGTT TTGTGGTTTT TTNAAACCAN GTTTACAGTG GNATCCNTNN ATTNGGTATT 360
GCCGTCNTAN TNCCNGCAGT TAGGTN 386

配列番号：2284
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2640
配列：
GATCTNNTCA AACAGCAAAC GCCCACAGAN GGCCCAGAGG NGGTGGTAAT CAGGGTGTGT 60
GGGTGNTTTT AGGGTTCTTT AGTGTTGTTT CTTTCACCCA GGCGGTGGTG GTCCCAGCCA 120
GTTTGGTGCT GACGGTGAGA GGAAATNAGA ATCTGTTTGC AAATTGTCCA ACCCACCCCC 180
TCAACATGAG GGGCTTCCAT TTTNTGTGTT TTGTAAGGGA ACTGTTTCCT TCATGCCGCC 240
ATGTTCCTGA TATTAGTTCT GATTTCTTTT TAACAAATGT TATCATGATT ANGAAAATTT 300
CCAGCACTTT AATGGCCAAT TAACTGAGAA TGTAAGAAAA TTGATGCTGT ACAAGGCAAA 360
TAAAGCTGTT TATTAACCTT GAAA 384

配列番号：2285
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2641
配列：
GATCTTTTCT ATAATATCCT ACTACTTTGG TTTTCCTAGC TCCATACCAC ACACCTAAAC 60
CTGTATTATG AATTACATAT TACAAAGTCA TAAATNTGCC ATATGGATAT ACAGTACATT 120
CTAGTTGGAA TCGTTTACTC TGCTAGAATT TAGGTGTGAG ATTTTTTGTT TCCCAGGTAT 180

AGCAGGCTTA TGTTTGGTGG CATTAAATTG GTTTCTTTAA AATGCTTTGG TGGCACTTTT 240
GTAAACAGAT TGCTTCTAGA TTGTTACAAA CCAAGCCTAA GACACATCTG TGAATACTTA 300
GGATTTGTAG CTTAATCACA TTCTAGACTT GTGAGTTGAA TGACAAAGCA GTTGGACCAA 360
AAANTTTATG GGCATTTAAA GGN 383

配列番号：2286
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2642
配列：
GATCTAAAAT ACCTGGTGGC TTTTNACAAA AAGCAGATTT TNTTCATGTA CTGTNATGTC 60
TGATGCAATG CATCCTAGAA CAAACTGGCC ATTTGCNAGT TTACTCTAAA GACTAAACAT 120
AGTCTTGGTG TGTGTGGTCT TACTCATCTN CTAGTACCTT TAAGGACAAA TCCTAAGGAC 180
TTGGACACTT GCAATAAAGA AATTTTATTT TANACCCAAG TCTCCCTGGA TTGATAATAT 240
ATACACATTT GTCAGCATTT CCGGTCGTGG TGAGAGGCAG CTGTTTGAGC TCCAATGTGT 300
GCAGCTTTGA ACTAGGGCTG GGGTTGTGGG TGCCTCTTCT GAAAGGTCTA ACCATTATTG 360
GATAACTGGC TTTTTTCTTC CTCTTTGGAA TGTACCATTA NAAATAATTT TTTGAACCAT 420
CAAA 424

配列番号：2287
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2643
配列：
GATCCGAAGA GGAAGGGCGG TCCGGGCTCC ACACTTAGCT TCGTGGGCAA ACGCAGAGGC 60
GGGAACAAAC TAGCCCTNAA GACGGGAATA GTAGCCAAGA AGCAGAAGNC GGAGGATGAG 120
GTATTAACAA GTAAAGGTGA CGCGTGGGCC AAGTNCNNGG CAGAAGTGAA AAAGTACAAA 180
GCTCACCAGT GCGGTGACGA TGATAAAACT CGGCCCCTGG TGAAATNACG CCCCTCCCCC 240
ACCTGCCCAT GGCCTGGGAC TCTCTGCGAT GTACATAACT ATTTAATGCA GCGGCANGTC 300
GACAGCTTTC CCTGAGAGGA CTTAAAAGCA GAAGGAAACC GAGATGCTTC CCGNAAGCCG 360
TGGACGATTC TCCAAGGN 378

配列番号：2288
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2644
配列：
GATCTTCTTG ACTATGCCAG TTGTAGTACC AGCTTCTGTA TCTGCACTGA ATTCTGNCTC 60
AGTAATATGC CTTTGTTTAA AATTTAAATA TTTTTTCATT TTTTTAACCT AGAAAATAAT 120
TATAATGAAN NNNNTAAGTA TCTCATTTTA GGATTCTGAT TTACATAGGT ATCACTGTAA 180
CTTGTGCTGT TTGCATAGGT ATACTCTATC TTGTGCTATC TGCATAAAAT ATCCAAGTAA 240
ACACATTGTG ATTTTACATC CGTGCATAGA AAAAAAAATC ATCTGAACTC AAATCAATCT 300

GTTGATACTG ACTAGATTGG TGACGTGTTT ATGTGTACCA CTAGTGATAA TGCACGGTCC 360
TGTACAAGCN 370

配列番号：2289
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2645
配列：
GATCACAGGA ACAGCAGGTG ACAGGCCTAG CTATAGTTAG GAATACACAA GCCGTAAAAT 60
CGAGTCCTTA CAGCCATACC ACAAGGTACG TCCANNTGGA CTACAAGAAG AGCTTCCTTT 120
AAAGTTCCTA TTTCAGCATA AAGAGGCTGT CCTTTTTTTT NAGGAATAGT TTGGACCTTG 180
TGCCTCCTGT GGGAGGCTGA GGACTGCAAG AGGAGAGCTA GCAGATATGC CTGTTCACCC 240
CTCTCTGGTA CTTGTGGCTT GCTAGTATGT TTTNATGATA ATCTCGGGCA TTGTTTGCAT 300
TTGTGTTTAT TAATAGGGTT TTTGTTTTTT GTTGTTTCCT NTTTTNACAG TAANGGCTGA 360
ATTACATAAA 370

配列番号：2290
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2646
配列：
GATCTGAAAG GAATGCTAGA AGTGTTTAGA GAGCTGACAG ATGTCCGACG CTACTGGGGG 60
CATGCNACAG GGGGAATGGC TCGCTTCAGT GCCCTGCTGC TCAAAGCTCT AGGGNAGAAT 120
GCAGTCGGGT AGNCTGTGGG GCTCTAACCC CACAGCAACC TCTAGGGATG ACGTCACTAA 180
AAACCGATGA AGCCTCCATA ACATTGGTTC CTTACTGACG CTGAGGAGCA NGGCAATCTT 240
CACACCTTAA CCAATGCTAT TCATGTAGGA TGACCAAGAA ATGAATGTTT CTTACTGAAA 300
TAATACATAT TTTTGGCATC TTTTGGTTAC CCATAGACTA ATTAAANCTA ATCCNNGGNT 360
TTATAAA 367

配列番号：2291
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2648
配列：
GATCCTGACA GAGCCCTGAA CAGATTATAT CACTCGGCTA GAGGCACTGC AAAGACGACT 60
TGGAACTATA CAGTCAGGTT CAACTACTCA ATTTCATGCT GGCATGAGAA GATAATCCTT 120
TGAAACATCA TTAATTGAAG TGATTTTAAA TAGATTTCCT TTTGTAAATC AATGGTTCTT 180
TTGTGCTTTN GNNNNNNCGA ATATTCAATG GGACCAATAT GAACACAGCT TATGATTGTA 240
TACAAATCCC TTGCCAGCAC ATGAAANCAA ACTGGANTTT GTATATATAA GCATTGTGTA 300
TGTATTCATG CACAATAATT ATNGANTTAC CTGTATATTT GTGGGAATGC TAATTTAAN 359

配列番号：2292

配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2650
配列：
GATCTGTGGG TCCGGCTGNA GGAGAGTGAC ATAGTCCCGC AACTCCANNT TGCCTGTCCT 60
GGACAGGCAC ATCTCCACTG AACTGCGGCT CCNTCGCCGT GGGCATTCCC ACCACAGCCA 120
GATGGTGGCC AGCAGTGCCT GCCTGTNTCT CTGGACTCCT GTGTTCTGGG TGCTGGTGCT 180
GGCTTTCCAA ACAGAGACAC CGCTCCTGTA ACGACTGGAA GCACCAGGCT AAGNACCTNA 240
CCCCTCGNAC TTNGAAGGAA TGGGCATTNC NGTACTTCAA CATTCTGGGT CTAGGCCTTG 300
TTGGGGCCAA TTCAAGAAGN GGCCTTGTTN TTNGAAAAAA GTGGGCCNNG TTTTNAN 357

配列番号：2293
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2651
配列：
GATCCTTCTT TTTGGTTTTG GAAATATAAT CATTGTTAAT GTTTTCCCTC CAAATAGAAT 60
ACTGTTTTAT CCATACAAAT CATAACAGCA TCTATCCCAT GCTAGGGTTG GAAACTGATA 120
TTGGTATTAC TTGTGTTTTT CCTTAGTGTG TTTTATTTCC CAGTTTCATC TNCTTTTAAA 180
AATGAAAATA TGGTGCCTTC CCTCCCTCCA GGAAGACTGG CAAATATTNC CTTTTATTTA 240
CTGCTGCTGT GGAGTGATGA GATATGCACT TTACTCTTTA AGATTCAGCA AAAAGCTTTT 300
CACTTCTCAG TATATCCAGA ATACATCATA TCTGGGACTT AGGAAAATTT GCCAN 355

配列番号：2294
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2652
配列：
GATCTTTTAC ACCACATCAC AGTGANCACA CTGGGGAGAC GTGCTTTTTT GGNAAACTCA 60
AAGGTGCTAG CTCCCTGATT CAAAGAAATA TTTCTCATGT TTGTTCATTC TAGTTTATAT 120
TTNCATTTAA AATCCTTTAG GTTAAGTTTA AGCTTTTTAA AAGTTAGTTT TGAGAATTGA 180
GACACAATAC TAATACTGTA GGAATTGGTG AGGCTTGACT TAAAACTTTC TTTGTACTGT 240
GATTTCCTTT TGGGTGTATT TTGCTAAGTG AACCTTGTTA AATNTTTNGT TAACTAAATN 300
TTTTCCTTAA AATAAAGACT TTTTCACAAA 330

配列番号：2295
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2653
配列：
GATCCTATGG ATTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTACTNTACA ACATTCANAG CCCACATCCA 60

TCTGTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC TTCCCTGCTG TATGACATGC 120
ATTTGGGAAG TTGGAAAGAA ATGACAAAAT CAGGGAGAAA ACATCCAAGC TTCTTACCTG 180
TAGATAGAAT CAGCCCTCAC TTGGTGCTTA TTACCAGTTA TTCANGGACA ATAACAACAA 240
CAAAATTAGT AGACATNCAT GANGCACATN TTTAGGNCCA AAGGNTAGCA TCAACTTGTA 300
TTTNGAAGGG ACTGTAGTTT TCGGCATTTT ATGGCNATTT TTTATNAAAG TN 352

配列番号：2296
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2654
配列：
GATCGCAGCC GCTTCGCACG CCGCATCACC CAGGCCCAGG AGGAGCTGAG CCCCTGCCTC 60
ACCCCTGCTG CCCGGGCCAG AGCCTGGGCA CGCCTCAGGA ACCCACCTTT AGCCCCCATC 120
CCTGCCCTCA CCCAGACCTT GNCTTCCTCC TCTGTCCCTT CGTCCCCAGT NCAGACCACG 180
CCCTTGAGCC AAGCTGTGGC CACACCTTCC CGCTCGTNTG CTGCTGCAGC GGCTGCCCTG 240
GACCTCAGTG GGAGGCGTGG CTGAGACCAA CTGGTTTGCC TATAATTTAT TAACTATTTA 300
TTTTTTCTAA GTGTGGGTTT ATATAAGGAA TAAAGGCTTT TGATTTGTAA A 351

配列番号：2297
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2656
配列：
GATCCCCGTT CCTGACATCA CAGCAGCCTC CAACACAAGG CTCCAAGACC TAGGCTCATG 60
GACGAGATGG GAAGGCACAG GGAGAAGGGA TAACCCTACA CCCAGACCCC AGGCTGGACA 120
TGCTGACTGT CCTNTCGNGT NCAGCCNGTG GCCTTGGCTT TTCTAGCCTA TTTACCTGCA 180
GGCTGAGCCA CTNTCTTCCC TTTCCCCAGC ATCACTCCCC AAGGAAGAGC CAATGTTTTN 240
CACCNATAAT NCTNTCTGCC GANCCCTAGT TCCCTCTGCT CAGCCAAGGT TTGTTATCAG 300
GTTTTCAGGG GCCATGGGTT CACATTAAGG ATTTAAAAGG GTAGTAATTT GGGGAAA 357

配列番号：2298
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2657
配列：
GATCAAATTT NAGTGGCTTT GGACAGAAAA GAAGGCTCTG GATTTAAGCG GGTGGTCACC 60
TGTGAGACCA GGTCTACCTT GGGACTGTTA TTTAACTGAA TCAGTTATTT CCTTGAAATT 120
TCACAGTAGT GGGTGGGCCT GTTTTAAGGC TCTGACAGAT ACCACGAAAC ATGANGCNCG 180
NNGAACTACA AGACCCCCGG GGTCTTTCTG AGTGCAAGGC TGAAATGGAC AAGGGCTCCT 240
CACGGGGGTG GAGGGAGCCG GAGCCTGCCT TGTGTTCCTT TTTTGACTTG TGACATTTTT 300
CAAACACATA ATTAAAAGGA CTTATGCTCT GCTGTCTCAG GAAA 344

配列番号：2299
配列の長さ：462
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2658
配列：
GATCTGGTCC CTGAGAAACA TATTGTGATG AAGTGGAGGT TTAAATCTTG GCCAGAGGGA 60
CACTTTGCCA CCATCACCTT GACCTTCATC GACAAGAACG GAGAGACTNA GCTGTGCATG 120
GANGGTCGAG GCATCCCTGC TCCTGAGGAA GAGCGGACAC GACAGGGCTG GCAGCGGTAC 180
TACTTTGAGG GCATTAAACA GACCTTTGGC TATGGCGCAC GCTTATTTTA GGGCCAGCGG 240
CAGGGGACTC CAGCCTGCTG GACACTTCAN GTCCAGCTCT CTCCTGACTG GGGCTTNCGA 300
CTCACAGGAT TGCATCGNCC CAGCTGCTAA CTTNGGGCCG GGGGCCCNTC CCTTNCACAA 360
TATACCTTGG GTTTNTGCAT GTTTTCCTNN CTGGGTTGGG GTTCAGAGGG GCAATTTCNN 420
CTTTTAATGG TGTACATATN NCTANATANN CATAATTTTA AA 462

配列番号：2300
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2659
配列：
GATCAACTTC CCACAAACTG AGGAATGAAT TCCACGAGCC TGTTCTGAAA ATNTGGACGT 60
AAGACAAACA CGTGCTCGTC CTTTAATGGA GTTCACCAGC ACACTTGTTA ACCAGTCCTG 120
TTTGCTTTCG TCTTTTTTTG TGCGTAATAA AGTCAACTGA CCAAGTGACC ATGAAAAGGG 180
GCTGTCTGGG GCTCCTGTTT TTNAGCTGCT GTTCTTCAGC TCCGACCATG TTGCTGTGTG 240
ATTATCTCAA TTGGNTTTAA TTGAGGCAGA AACTGAAGCT CTACCAATGA ACTGTTAGAA 300
ACAAGACACA CTNTNGTATT AAAATTGCTT GCAGTAACAA A 341

配列番号：2301
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2660
配列：
GATCNGTGGC AAAACCAAGT GTGGTCTTTC AGCTTCAGTG TGTTAGCATC CCAGCACCTG 60
GGATGGGGTT TGTGGGCAAG TTGATTTTGC CACACTGTAG GGCCCAGGTN NNCCCATTGC 120
CACCGTGAAG CCAAATNCTA GCCCAAGTCT GGTAGAGCAG TCGGGCAGCT AGTTTTCCGG 180
GGAGGATGAT GTGGTGGGAC AGAGGACCTC AGTGGCCTAT TACGGAGCCC TCTTCCCAGA 240
CTAAATTCAT AGCCGAGAGC TCGGGGGGAT GGTAGAGTTA AAATTTAAAA TAATTTTCTA 300
AATTCTGTAT TTGGATATTA GTGTTTAAGT GGTAATTTN 339

配列番号：2302
配列の長さ：441
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02661
配列：
GATCCAGGGG CTGCCTCTGG CCTCTTAGGG AGCAGAGAGC AGAACTCCGC AGCCCAGCCC 60
AGAGGAGTGT CACCTCCCAC CTTTGGAGAG GAATCCTTCC CTCCCCTGGA CAAAGTTGCT 120
GACAAGCCCC TGAAGTGGCC TCTCCATATT CCAGCTGAGC CTGAATCTGA CTCTTGAGGG 180
TTGGGGCTGC ACTTATTTAT TGCGGGGAGA CAGCTCTCTC TCCCACCTNC TCCCCAGATG 240
GGAGGAGAGC CTGAGGCCCA AGCAGGACCC GGGGGTTCCA GCCCCTAGCT GCTCTGGAGT 300
GGGGGAGGTT GGTGGACCAT GGGAGTNCCT GGTGCTGCCC CTNAAGGTGG GACCCAGGCG 360
TTNTCAAGCT GTACCCTTTT NCCGATGGAA TTTGTGTTTT TGAANATNNG TGTCTNNTAC 420
TANTTNTTTT AAATAAAAAA N 441

配列番号：2303
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02662
配列：
GATCATGGCA TCCAAGACCA GAGTCTCAGA ACTCATTAAG AAACAGTTTA CTTGGAATGG 60
AGAATACCCA TCTGTAATAC AGGTCCTGTC ATTTCATTCA TCTCAAATTA TTTTGAATTC 120
TTCCCAAATG GCTGCTGGAT TTAGGTGGTA ATAGGGGCTG TGGGCCATAA ATCTGAAGCC 180
TTGAGGAACC TTGGGTCTGG AGAGCCATGA AGAGGGAAGG AAAAGAGGGC AAGTCCTGAA 240
CCTAACCAAT GACCTGATGG ATTGCTCGAC CAAGNCACAG AAGTGAAGTC TGTGTCTGTG 300
CACTTTCCAC AGACTGGNGT TTTTGGTNCT GAATAN 336

配列番号：2304
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02663
配列：
GATCAAGTNA CTTCTGCCCA CCTGGACACA ACACCAAAAA GGCTTCTAAA NACGGGTGTN 60
AGTCTTTTNA GCAACCCGGT CCAGTACTGG GAGATACAGC CATCCACCTT CANATGTGTC 120
TACGTGCGCT CTGCCATTCA ACTCGGAAAC TATAAGTAAT TCTNAAGAAA GCCCTCATTT 180
TTATAACCTG GCAAAATCTT GTTAATGTCA TTGCTAAAAA ATAAATAAAA GCTAGATACT 240
GGNAACCTAA CTGCAATGTG GATGTTTTAC CCACATGGCT TTATTATGCA TAANGCCAAT 300
ATTTCCTGTT TTAAGTAATN GCCTTCAATT NNNAAGNTAA TTTTGGCCTG NCCCANAAAT 360
AAA 363

配列番号：2305
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02664
配列：
GATCAGAGTT CCTCCTACTT ACAACCCAGG GTGTGAACAT GTNCTCCATT TTCAAGCTGG 60

AAGAAGTGAG CAGTGTTGGA GTGAGGGCTG TAAGGCAGGC CCATTCAGAG CTATGGTGCT 120
TGCTGGTGNC TGCCACCTTC AAGTTCTGGA CCTGGGCATG ACATCCTTTN TTTTAATGAT 180
GCCATGGCAA CTTAGAGATT GCATTTTTAT TAAAGCATTT CCTACCAGCA AA 232

配列番号：2306
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2665
配列：
GATCTTAAGT ATAATTACAA GGAAGAAGTG AAGAAGAATA TTCTCTTAGA AGAGAAGGTA 60
AAAAAACTTT CAGAACAATT GGGAGTTGAA TTAACTAGCC CTGTTGCTGC TTCTGAAGAG 120
TTTGAAGATG AAGAAGAAAG NNCTGTTAAT TTCCCCATTT ACTAAAGGTC ACCTATAAAC 180
TTTGTTTCAT TTAACTATTT ATTAACTTTA TAAGTTAAAT ATACTTGGAA ATAAGCAGTT 240
CTCCGAACTG TAGTATTTCC TTCTCACTAC CTTGGTACCT TTATACTTAG ATTGGAATTC 300
TTAATAAATA GAATTATATG AAATTTTCAN 330

配列番号：2307
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2666
配列：
GATCGACTTA CTCAACATGA GACAATTCAT ACTGGTGTGA ACCACANAAA TGCAAAGAAT 60
GTGGTAAGGC CTTTAGTCAT TGCTATCAAC TTAGTCAACA TCAAAGATTT CACCATGGTG 120
AGAGACTCTT AATGTAATGA GAGGGAAAGC CTTTAGCCAT GGAACATTTT TACTGTTGTC 180
ACTATTATNA TGCTATAGTG AAGATTAAAC TAGTTAATAT AGAATATAAA TACTTGGAAA 240
GGCATCTGGC ACATCGTATT TGCTTACTAA ATACATTATT TTTATGATAA TTGTTAGAAT 300
TACTAAAAAT AAATCTTATA GAAGGAAA 328

配列番号：2308
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2667
配列：
GATCTCAGGT ATCAGACCAC TGAGCAACCC ACCGCCAGNC TGCAGGCTTT CAGAGGCCCA 60
CCTGGGCCCA GCGTGGCCTG CCCCAGGGTG GGCTCCCAGC GCAACTGCAG GCATCCTCTA 120
GTGGGGCCTC TGGTAACCCT AGCAGATGGT GGTGACCCCC CTGAGATGAG GAAGCTGGTG 180
ACCTNNGACT GAGCAGCAGC CTATGGGCTC CGGGTCAAGT GCTATTCCCA GCGGATGCCC 240
TTCCCCTTGC GNCAGTCCCT CCTTTNCTGA GTGTCCAGGC GCNANTGNAA AACAGNAACC 300
CTAGGGTCTG GAAACTACTT TTTTTTN 327

配列番号：2309
配列の長さ：326

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2668
配列：
GATCCAGTTG TTATAGTGAA CTCATGGTAA TGGTTTGTGA GAACAATAGA GATTTTNATT 60
TCTATGTAGA TGAGTTGGTA TGAGAATATA TGGAATTTTT AAGGGACTGT TTAAATCTTT 120
GATTTGTAGA CTATTAAATA TACCGTATGC ATAAAGTAAG CCTTTAGCTC TAAGGTAAAG 180
ACGACACGTT TTCGGTTTGT GACTACAAAT AGGTTAAAAA TAGATTTTAA TTTTATTAAA 240
AATATAATTT AATGCAGGTT GTTTGAAGCA TCTGTCTTCA TATGATGGCA TTAGAACACC 300
TTGGTATAAT AAAAAGTTAC CGTAAA 326

配列番号：2310
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2669
配列：
GATCAAGAAG GAGCTAGAGA CCATTTCAAA GAAAAAAAAT GCTTTATAGA GTTTTAAGTA 60
TGACTTAGAT GGGTCCAGGC AAATAAACTA AAAAGAAGTG AAGGCAACAT GTATCGTCTG 120
GCAGAACTAA ATCTTGGAGT GGGGTGAGGG ATGAAAGACT ACATATTGGG TACAGTGTAC 180
ACTGCTCGGG TGATGGGTGC GCTAAAGTCG CAGAAATCAC TAAAGAACTC ATCCATGTAA 240
CCAAACACCA CCTGTACCCC AAAAACGAAA TAAAAAAACA AAACCTTGGG GCCCATTCCC 300
CCTAGGAATG GACTACTGTA AA 322

配列番号：2311
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2670
配列：
GATCTAAATT ACCTTGGGTT TCGCATATGT CTATGAAATN CTGTGATAAN GTTTTTCAAT 60
ACATTGNTTC ACTGGCGTCT GTTTTCANTT TATACTTTTA ATAACTCATC ACTGGTGGTA 120
CTTTATCTTG AAAAGTAATA TTTTTNATAT TTTANCATTG GACAGTGTTA GCCAGTTGTA 180
ATGATGTATC AGANGTAAAG AAAAACCCAT TAAAGTTATA GCTAATAGAT GCTGTTGGGG 240
GTTAAATTAA TAGTAAANTA ATCCAATATA GCACTNTNNA TGATTTNTTA TATAAANGTC 300
AACTGGTACA TTTCATTCAG N 321

配列番号：2312
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2672
配列：
GATCGAAGGG TTTTTAGAGA ATGTNTTTCA AAACCATGCC TGGTATTTTC AACCATAAAA 60
GAAGTTTCAG TTGTCCTTAA ATTTGTATAA CGGTTTAATT CTGTCTTGTT CATTTTGAGT 120

ATTTTTAAAA AATATGTCGT AGAATTCCTT CGAAAGGCCT TCAGACACAT GCTATGTTCT 180
GTCTTCCCAA ACCCAGTCTC CTCTCCATTT TAGCCCAGTG TTTTCTTTGA GGACCCCTTA 240
ATCTTGCTTT CTTTAGAATT TTTACCCAAT TGGATTGGAA TGCAGAGGTC TCCAAACTGA 300
TTAAATATTT GAAGGGAAA 319

配列番号：2313
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2673
配列：
GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60
CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120
TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180
CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240
GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300
CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327

配列番号：2314
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2675
配列：
GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60
GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120
TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180
GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240
ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300
AAANCTGTAT AAN 313

配列番号：2315
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2676
配列：
GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60
NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120
GTAGAGCTGC TGCTCCAGTC TGGTGCTGAC CCCACTCTCC GAGACCAGGA TGGCTGCCTG 180
CCAGAGGAGG TGACAGGCTG CAAAACAGTT TCTTTGGTGC TGCAGCGGCA CACAACTGGC 240
AAGGCTTAAT CAAAAGACTG GAAAACTGCA GTCTGTAATA GCATAAGGCT TCCATTATGA 300
AAGAAAACTA CAGAAATAAT ACTTCTTTTC CACCCGTCTT TGGTATGTAT TGGCTTATAA 360
AATTN 365

配列番号：2316
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2677
配列：
GATCCTGGAG CTGGCTGGCA ACGCGTGCGT NACAACAAGA AGACCAGGAT AATTCCCCGC 60
CACCTGCAGC TCGCCATCCG CAACGACGAG GAGTTAAACA AGCTGCTGGG CAAAGTGACC 120
ATCGCTTAGG GCGGCGTCCT GCCCAACATC CAGGCCGTGC TGCTGCCCAA GAAGACGGAG 180
AGTCAGAAGA CGAAGAGCAA ATNACCCTGA CGCCGNCCTC AGGGAGCTGN CTNCGNCANA 240
TAAGGCCCTT TTNATGGTCG TCCCGCAATG CTTTTGAATG TGCTGGNTGT CATGGAGGGC 300
CGGTGACN 308

配列番号：2317
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2678
配列：
GATCTAGATA ACTCATGACA TTTTATTTGA CCAACATAGC ACATGATGAG ATATCAAGGT 60
AATTAAAATA GCATGCTTGA AAAAAAAATA CGTAATCTGT TTCACCTGTA ACTGTTTAAG 120
CCAATAAACT TTTCAAAATT TATGTAATGT GGGGCTTTTA TGTAGCACTT TACGTTTTCA 180
TGCTGCTTAT TGTTTTATTC TACTGAAAAA AATGANNTTC AAGATTCTCA ACTTTNTTAA 240
TTTCAAAAAT NGTTTATGGT TTTGACTATA GGAATACAAA ANTTCCTATT TNGGGNGAAT 300
AAGAAA 306

配列番号：2318
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2679
配列：
GATCCCCTGG CTCCCCAGCA CACATTCCTT TGAAATAAGG TTTCAATATA CATCTACATA 60
CTATATATAT ATTTGGCAAC TTGTATTTGT GTGTATGTAT ATATATATAT GTTTATGTAT 120
ATATGTGATT CTGATAAAAT AGACATTGCT ATTCTGTTTT TTATATGTAA AAACAAAACA 180
AGAAAAAATA GAGAATTCTA CATACTAAAT CTCTCTCCTT TTTTAATTTT AATATTTGTN 240
ATCATTTATT TATTGGTGCT ACTGTTTATC CGTAATAATT GTGGGGAAAA GATATTAACA 300
TCAAA 305

配列番号：2319
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2680
配列：

GATCGAAATC ACTATAATTT TAACCCTNGT GATTGGAATG AATATGGTTT GTGCTGGAAG 60
CTCCGAGGTG GAAGAGACTC GTGCAATGGA GATTCTGGAA GCCCTTTGTT GTGCGAGGGT 120
GTTTTCCGAG GGGTCACTTC CTTTGGCCTT GAAAATAAAT GCGGAGACCC TCGTGGGCCT 180
GGTGTCTATA TTCTTCTCTC AAAGAAACAC CTCAACTGGA TAATTATGAC TATCAAGGGA 240
GCAGTTTAAA TAACCGTTTC CTNTCATTTA CTGTGGCTTC TTAATCTTTT CACAAATAAA 300
ATN 303

配列番号：2320
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02681
配列：
GATCCCTGCT GAATCCACAG GCCAAAATAG TCAATGTAAC TGCAAATCTA ATTTCATCCT 60
CCTTTCCTGA GGCCAACTCA GGAAATNAAA GGACGATTCT AATTTCCACT GCGGTTACTT 120
TTGTGGATGT GTCTGCACCT GCAGAGGCAG GCTTCANAGC TCCACCAGCC ATCAATGCCA 180
GGCTGCCCTT TAACTTCTTC TTCCCGTTTG TTTGACAATG CTCAGATGCA TCAGTTCCTT 240
AATATACACG TGAAATTTGA AAACTGTACA TTCGGTGAGA TTAAATTTTA TATACAACTA 300
AA 302

配列番号：2321
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02682
配列：
GATCCAATTA AAAAAAATTA AAACCAATTT AAAAAAAAAA AGANCACAGG AGATTCCAGT 60
CTACTTGAGT TAGCATAATA CAGAAGTCCC CTCTACTTNA ACTTTTACAA AAAAGTAACC 120
TGANCTAATC TGATGTNAAC CAATGTATTN ATTTCTGTGG TTCTGTTTCC TTGTNCCAAT 180
TTGACAAAAC CCACTGTTCT TGTATTGTAT TGCCCAGGGG GAGCTATCAC TGTACTTGTA 240
GAGTGGTGCT GCTTTAATTC ATAAATCACA ANTAAAAGCC AATTAGCTCT ATAACTANAA 300
A 301

配列番号：2322
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02684
配列：
GATCAAGCGG AAAGAGTTTA AGTGTCTAAC AAACTTAAAG CTACTGTAGT ACCTAAAAAG 60
TCAGTGTTGT ACATAGCATA AAAACTCTGC AGAGAAGTAT TCCCAATAAG GAAATAGCAT 120
TGAAATGTTA AATACAATTN CTGAAAGTAA TGTTTTTTTN CTATCATCTG GTATACCATT 180
GCTTTATTTT NATAAATNAT TTCCTCATTG CCATTGGAAT AGATATCTCA GATTGTGTAG 240
ATATGCTATT TAAATAATTT ANCAGGAAAT ACTGCCTGTA GAGTTAGTAT TTCTATTTNN 300
ATATAANGTT TGCACACTGA ATTGAAGAAT TGTTGGTTTT TTCCN 345

配列番号：2323
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2685
配列：
GATCTTTTCT AATATGGTAT TACAATGAAA AGAATAAAGA GAAGATTTGA ATTTNCAGTT 60
TCATTTTCAA AAACTATTTA CCAAAACAAA TGGAGAAGAA ACATCCAAAA GCACATTTCA 120
TTTCTCCAAA CTGTGTGTTT TAAATTATAG TTATAAATNG TAAGGTAATT TTAAATTGTC 180
CCTCGTATTA TTNCTCCACG CCTGTTTTAG TNTNNGGTCT CCTAAGCTTT TCTCTCATAG 240
CGTAGACCTA GGGAAGGGAT GGGAAGATTG CCCAGTCCCC GATGGCTGCG CACACAGGN 299

配列番号：2324
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2686
配列：
GATCCCTCTG TACAGGCTGG ATGGAAGGGG CCCTCCACAC TTCCTGGGAG GTCAGAGACA 60
AACTGTTTCA GAGAGTCAGA TGGACTTCCC AAGACTTGTT GAGAGATGTG ACATGGTTCT 120
TGGATTTCCT CTGTAGCAGC CTCCTGGACT TCCTGAGGAC TCGACATTGT CCACAGATGT 180
ACTGGCCATT ACATGAAACA AGAAACCAAG CATCTTTGCT GTTGTTAATT ATTATATGTG 240
CCATTGTTAC AGGAGATTAT AGGCTAGTCT GTAATAAATT ATCTTATAGC AGCCAAA 297

配列番号：2325
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2687
配列：
GATCAGCAGC CGAGAAAAGT ACATCAACAA TCAGCTTGAG AATTTGGTTC AAGAATATCG 60
TGCAGCTCAA GCCCAGCTGA GTGAGGCAAA GNAGCGATAC CAGCAGGGAA ATGGAGGNGT 120
GACGGAAAGA ACCAGACTCC TCTCTGAGGT TNNGGAAGAA TTAGAAAAGG TAAAACAAGA 180
AATGGAAGAA AAGGGCAGCA GCATGACTGA TGGTGCTCCT TTGGTGAAGA TTAANCNNNG 240
CTTNNCANAA CTGAAGCAAG AANCTGTAGN GATGGACATT AGANTTGGCA TTGTGGN 297

配列番号：2326
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2688
配列：
GATCCNACTT TAGAAGCCTA CTTTNTAACC AAGGAGCTCA ATTTTTTTTT TAAAGCTTTA 60
CTAATCTACC ANAGCATTGT AGATATTTTT TTTTAACATC TATTGTTTAA AATAGATNAT 120

TATAACGGGG CAGAGAACTT TNTTTTCTCT GCAAGAATGT TACATATTGT ATAGATAAAT 180
NAGTGNCATT TCATACCATG TATATATAGA GATGTNCTAT AAGTGTGAGA AAGTATATNC 240
TTTAATAGAT ACTGTAATTA TAAGATATTT TAAATTAAAT ATTTTTTTGT AAATAAA 297

配列番号：2327
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2689
配列：
GATCCTATGT CTGTCTGTCC ACCACGAGAT GGGAGGAGGA GAAAAAGCGG TACGATGCCT 60
TCCTGACCTC ACCGGCCTCC CCAAGGGTGC CGGCACTCTG GGTGGACTCA CGGCTGCTGG 120
GCCCCACGTC AAAGGTCAAG TAAGACGTAG GTCAAGTCCT ACGTCGGGGC CCAGACATCC 180
TGGGGTCCTG GTCTGTNAGA CAGGCTGCCC TAGAGCCCCA CCCAGTCCGG GGGGGNTGGN 240
GAGCAGTTCC AAGACCACCN CACCNCTTTT TGTAAATNTT GTTCATTNTA ANTCAAATAC 300
AGCGTNTTTT TCANTTCTGG GAAA 324

配列番号：2328
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2690
配列：
GATCTGCAGG GGTCTGGGAG TCAGGCCCGG CCTATTGCTT GGGTCTCTCT CTATTTATAT 60
ATCTAAGTTC ACAGTGTTTC TTATTCCCCC TAAGCTTCTA GAGGCTCATG GCCCTGTAGT 120
TAGGCCTGGC TCATTCTGCA CCTTTCCAGG GAGGTGGAAG GACCCTGTGC CCTCCTTCCC 180
AATCTTCTTT TTCAGGCTCG CCAAGGCCTA GGACCTATGT TGTAATTTTA CTTTTTATTT 240
CTAAAGTTGT AGTGAAGCTC TCACCCATAA TAAAGGTTGT GAATGTTCAA A 291

配列番号：2329
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2691
配列：
GATCTAGAAT CTCTTTATGT TCTCCAGAGG AAGGTGGAAG AAACCATGGG CAGGAGTAGG 60
AATTGAGTGA TAAACAATTG GGCTAATGAA GAAAACTTCT CTTATTGTTC AGTTCATCCA 120
GATTATAACT TCAATGGGAC ACTTTAGACC ATTAGACAAT TGACACTGGA TTAAACAAAT 180
TCACATAATG CCAAATACAC AATGTATTTA TAGCAACGTA TANTTTGCAA AGATGGNCTT 240
TANAAGATGC TGTGTAGCTA ANCTGAANTA ATTCATTTAC TTATTATTTN 290

配列番号：2330
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02692
配列：
GATCACTCCG CCTTNTCCTG GGCTCCCGTA GCACACTATA ACATCTGCTG AAGTGTTGCT 60
GTTGCACCAT ACTTTCTTGT ACATTTGTGT CTCCCTTCCC AACTAGACTG TAAGTGCCTT 120
GCGGTCAGGG ACTGAATCTT GCCCGTTTAT GTATGCTCCA TGNNNGGNCC ATCATCCTGC 180
TTGGNGCAAG TAGGCAGGNG CTCAATAAAT GTTTGTTGCA TGNNGGGNAA A 231

配列番号：2331
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02693
配列：
GATCGCCTAC AAGCCAGCCC CTGGCACCTG CTGCTACATC ATGAAGATAG CTGCAGAGAG 60
CATCCCCAGT CTTGAGGCTC TCAATAGAAA AGNCCACAAC TTCCAGATNG AATGCTCTCT 120
GCAGGCCAAG CCCGCAGTGC CTACGTCTAA GCTGGGCCAG GCAGAGGGGC GAGATGCAGG 180
CTCAGCACCC TCCGGAGGGG ACCCGGNCTT CCTGGGCATG GCCGTGAACA CCCTGTNTGG 240
CGAGGTGCCG CTCTACTACA TCTAGGACGN CTCCGGGTCA TGTGN 285

配列番号：2332
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02694
配列：
GATCTAGAGG TTCCANTGCT ATNCTCTCTT CTTGTCTGAG AGCCAGGACC CTGGGGGAAA 60
TAACGGGCAA AAAAGCACTT TNAAGACAGA TATAGTGGGA ATTNATAAAC GACTTGATAG 120
AAACAGAAAT GAACTGTTTT ATTTNATNCT CTGAGGACTC TGCTCATCAC CCANTAGTAC 180
CATTTCTTTT CTCAGAATGG ATTCTTTCCC CTATCTATCT AATCATTAGA GATGTAGCTA 240
NGAAATTACA TGTATGCATA TGTNTAATAT GTATATGTNT ATGTN 285

配列番号：2333
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02695
配列：
GATCTTAAAG CTTTGAGCAC CTGCCATTTT GCCTTGCATC GTTTCCCTCG TCATGCATTT 60
CCACATATCC ACAAACACAG AACGACTTTA GACAAGCACA TGTTACACCT GTGTTGCCAC 120
AAGCAGTCAT TCTTGACGGC TCCAGTTTTT ATTTGACACT TGAGTTTAGT TTTCTCTTTT 180
ATAAACCCAG TGAACTCCTG CACTGGCATT TGGATGTGTG TTAATGCTAT TTGTTTTGTC 240
TTAAAAGTAA AACCTTTCTC AGTTTGAACT TGTATTCTCT AAA 283

配列番号：2334
配列の長さ：283

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2696
配列：
GATCTATTAA AAAGGTTAAG AGGCCAGGTT ACCCACCANT CCTTGCACTG TNCTGACACT 60
TTCCCCAGGA GGAAAACAAG TACAAAGGTT ACGGTGGAGG CATAAGTAGA AGAGATTGTN 120
AAGAAGGGTA ATTCATGTNT CTTTGCTCTT NCTGCTTTAT GCCTCANTTT GGTTTAAAAA 180
CTTCTNTACT GGCAAATGGT GGTATTCAGT GTGGGATAGT GTCATAACTA ATTTGACAAT 240
TTATTAATGA TAAAATAACA ATAAATGTCT AGCTTTTACA AAA 283

配列番号：2335
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2697
配列：
GATCACAAAA AAATCAGTCT TTAAGCATTT GCTTGGTAAG GTTTCTTAAN ATNAGGTTTA 60
TAATACAACC ATCTGTAATG TATCTNTCGN TTGANCTTGT GGGCCATACA ATTCATTAAC 120
TAGATGNATA CATTGTGGAC AGCATCCTCA CTACCCCTCT CTACTCACTC ACAAAGAACC 180
ATGATACACT GGAATGTTTT TNTNTGGAAT CCTCTTTCTA CTCTTGTATT AAAATTTTNC 240
CCCACTTCAT GATTATATNC AAAATAAACA ACTACATCAT AAA 283

配列番号：2336
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2698
配列：
GATCAGCTTG CAGAGTCTTG CTTTTAGGTT AGATACAAAC AAAGTAAATC ATAGTTGGTG 60
TAAATCCAGC AAAAAACAGC TGGCTTTGGA ATGGAGAACA CTACAATTCA AATTTGAAGT 120
ATATTCAGAA GAAAACTTTG GAATTAGCTT TACATTTGTT TGTAAATCTA AACAAATNTG 180
CAAAATTGGT CAAAATGTAA GTNTATNGCA TTTTTAAAGA TTANTGGTTC CTTTTATGTG 240
CTGATTTCTT TGTATTCTGT TCTCTGCATT CATCATTCAG GN 282

配列番号：2337
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2699
配列：
GATCTGTACC ACACCTTCCG GCCAGCTGTC CTCCTGCTGA TGTTCCTCAG TGTCTACAAG 60
GCCTTTGTTA TGGAGACCTT CGTCCACCTC TGCTCGCTGG GCAGTTGGGC AGCTCTACTG 120
GCCCGAGCAG TGGTAACGGG GCTGCTGGCC CTCAGCACTT TGGCCCTGTA TGTCGCCGTT 180
GTCAATGTGC ACTCCTAGGC TTGGTGTCTC AGACATTTGA TGTACCTTTT CCCTGNCTCG 240
NTCCAGGTTT TTAGTGAAGT AAACAGGTAT TTTGGAAAGT TAAA 284

配列番号：2338
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02700
配列：
GATCAACGAC AGCCTCCAGT TTCCACTTNG TGAGAGAACA AAGGAACCGG GGCATGCTCA 60
NCTATGGCTG CAAGCCNTTC AAGTGAAGCT GGGCACTTAC CCCCTTNATT CCATTCTCCT 120
CAGGATAACA GATTAAAATT CCAGAAGTGT GCACCTGTNG TNTATTCAGG AGATTNTCGT 180
TNTGCATAAA GAGACCACTT GAGGCCCTGT AAGCAAAGAC TAATTNGGTC TNAGTCAAAA 240
TCTTGGGAAT CTGATNAACT AACACACTCA AATGAAACTN 280

配列番号：2339
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02701
配列：
GATCTGGAGC AGGAAGGCCT CGAGGCACAC AGGGGCTGCT GGCCGGCGAG TGGGCCCCAC 60
CCCTCTGGGA GCTGGGCAGC CTCTTCCAGG CCTTCGTGAA GAGGGAGAGC CAGGCTTATG 120
CGTAANTTCA TAGCTTCTNC TGGCCTGGGG TGGACCCAGG ACCCCTGGGG CCTGGGTGCC 180
CTGAGTGGTG GTAAAGTGGA GCAATCCCTT NACGCTCCTT GNCCATGTTC TNAGCGGNCA 240
GNTTGGNTTT NNCCTTNAAT AAATNTGCTT TATTTNCTCT TCAAA 285

配列番号：2340
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02702
配列：
GATCGTAAAC TTGTTGATAA AGAAGATATC GACACTAGCA GCAAAGNAGG CTGTGTCCAA 60
CAGGCTACTG GCTGGAGGAA AGGGACAGGC CTGGNATATG GCCATCCTGG ATTGGCTTCA 120
TCAGAGGAGG CTGAAGGCCG GATGAGGGGC CCCAGTGTTG GAGCCTCAGG AAGAACCAGC 180
AAAAGACAGT CCAACGAGAC TTATCGAGAT GCTGTTCGAA GAGTCATGTT TNCTCGATAT 240
AAAGAACTCG ATTAAGNAAG GNGNCAAGTT CCATGGGATA CAACCTACCT CTTGTTTTGT 300
TTGTCTCTCC TTTTCTTTTN 320

配列番号：2341
配列の長さ：519
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02703
配列：
GATCTGAAAG GAGCAAGGAA CAGCAAGGAA TTATTTTCCA GAATGACACC CGCAGCAGAA 60

TGTTGGAGTG GAAATGATGG CTGGCTATGA AGAGGAGGTC AACGTGTGTG GTCTCCTCAG 120
TCTCTGTCAG AGGGGTGGGG AGGTGGGAAA CAGGAATCCT CTGCAAAGCC CAATCTGCAG 180
AGTCGAGACC CCTGGTGCTC TCTGCCCCGC TGCCTGGCAC TGGTCCTTTG CAGCCAGCCA 240
CCAACGGCCC CCTTGCCCTT NCAGAGGCAG AAGCCTNCGT CTNAACCTGC ACCTCTGACC 300
GTTTNAGCAC CNTTGGGTTN TTACCANGTC CTANAACTCT GANATTTNTT NGTTCTAAAA 360
GGGGTTTCTA TTTCAACTTG NTGAGTTTGT NTTTTGGGNC CTTCCAATTT GGGNTACCTT 420
GNTATNTTTN ATGGTTTTAT AAATCCTTNA CTCTTGGNAN GTTTTAATTN TTTACAAAAT 480
CAGGGATAAC TTTNGTTTNA ANACTGGTTT GAAGGAATN 519

配列番号：2342
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2704
配列：
GATCCCAACT AATTTTACCG AACCTAAAAC CCACAAAGAG GTTGTTTGTG TTATTGTTCA 60
ATCTTCAGTT GTAAGAGTAA TTCTCTATTT TNATATTGAA ACATAATTAC TTGATAGCTC 120
AGGGTCTACA TTTCATTCAA CTTTTTACAC CAAATTCTGC AGAGTGGTCA AAATGGAATA 180
TTGGGGGCTG TTGTAAACAG AGGCTTAATT TTATTAGAAG TAGCCAGTTA TTTATTAAAG 240
CATGATGTTA ATAAAATAGG CATATTCTGA AA 272

配列番号：2343
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2705
配列：
GATCTGACAT GATTCCTTCC TGTTCTGAAC TGTGGGGTGT GCACATCTCT ACTTGAGTCA 60
GGTTTNAGTA GAGGCTTAGA GACAGTTAGG TGAGAACAAC CAAAATCTTA TCATGGTCTC 120
AGTCANNATC ATTAGGGGGA ACTCTAGCCA AATNGTTTAA CTTCTGCCTG TGGAACTGGG 180
GATTGGGTGG GCAGGAAAAG GTGATATCCA TTCTTTCTGA TAACTAGATG GTGCTGAGAA 240
GCTTTTGAAT AAAAACTTTG CTAAATGAGA AA 272

配列番号：2344
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2706
配列：
GATCTTTCCC AGGCCGCACC ATTTCTNTCA CTCACATGGA CCCAAGATAN AAGAATGGCC 60
AAACCCTCAC AACCCCTGAT GTTTGAAGAG TTCCAAGTTG AAGGGAAACA AAGAAGTGTT 120
TGATGGTGCC AGAGAGGGGC TGCTCTCCAG AAAGCTAAAA TTTAATTTCT TTTTTCCTCT 180
GAGTTCTGTA CTTCAACCAG CCTACAAGCT GGCACTNGCT AACAAATCAG AAATATGACA 240
ATTTAATGAT TAAAGACTGT GATTGCCACC AAA 273

配列番号：2345
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2707
配列：
GATCCATGAA GCTGCCCTGC CCACGCCTCC CCTCCCTGTA GCAACACCTC TGGGTGTTTG 60
GAGTTTAGCT TTTGTGGGTT TGCTCTCCCT ATCCCATCTC CTGTACTACA CAGTTCATGG 120
CAGGGTGGGG AGNNGTGGGG TTGGTTCGGG TGGGTGAGGG TCTTTTTCCT CTGTGTGCGA 180
TGTTGTTATC TGACAGNTCT CCGTCCCTAC TGGCCTTTCT CCTCGTCTTC ATATTTGTAC 240
GGTACAAGCA ATAAAGACAC TCATTTCAGA CCAGAAA 277

配列番号：2346
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2708
配列：
GATCTTNCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCCCT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
CCATCCNTCC CCANTTCATT GCACTTTNAT TAGCAGCGGA ACAAGGAGTC AGACATTTNA 120
AGATGGTGGC AGTAGAGGCT ATGGACAGGG CATGCCACGT GGGCTCATAT GGGGCTGGGA 180
GTAGTTGTTT TTCCTGGCAC TAACGTTGAG CCCCTGGAGG CACTGAAGTG CTTAGTGTAC 240
TTGGAGTATT GGGGTCTGAC CCCAAACACC TTCCAGCTCC TGTAACATAC TGGCCTGGAC 300
TGTTTTNTCT CGGCTCCCCA TGTNGTCCTG GTNNCGGTTT TNTCCACCTA NGACTGTAAA 360
CCTCTTCGAG GGCAAGGGAC CACACCCTGT AACTGTTCTG TGNCTTTTAA CAGGTTCCTN 420
CCATTAATGC N 431

配列番号：2347
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2709
配列：
GATCTTTTGT GTCTGGTTCC TTTCACGTTG AACGCTATTT TTAAGGTTCG TGCCTGTTGT 60
AGACCACAGT CACACACTGC TGTAGTCTTA CCCCATCCTC ATTCCCAGCT GCCTCCTCCT 120
ACTGTTTCCC TCTATCANNN NGCCTCCTTG GCGCAGGTTC CCTGAGCTGT GGGATTCTGC 180
ACTGGTGCTT TGGATTCCCT GATATGTTCC TTCAAATCCA CTGAGNATTA AATAAACATC 240
GNTAAAAGAA TGACCTTCCC AAGGNAAA 268

配列番号：2348
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2710
配列：

GATCAGAAAC CAGTCTCCTT CCCCGTAGTC TGGACTGGGT ATCCCCTCTT AAATNTTTCC 60
AAAGCAACAC AAATTTAATT CCGTCACAGA ACTTGCCACT CTGTGCTGTG TCCTCTGTTT 120
CCTTGCCATC TTCCTCAATN AGCTGGAAGC CCATTGGCAG CAGGGACTGT TTCTTGTTCA 180
CAGCTGCACC TCAGTGCTAA GCATAGTGCC TGGTAGGTAA TAGACTCCTT AAGTATTTGT 240
TGAATTAATA AAGGATGNNT TTTTTAAA 268

配列番号：2349
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2711
配列：
GATCAGAAGC CATTTNATTT GGTAGGTGTG TCAGAAGGGA GAATGATGGN AGACGAACTG 60
CTGGAAGAGG TCAGAAGATA GCCATGCTAA AATGCAATTA TATCCTCATG TTTATCCCAA 120
ACTAATCTTG GACTTTTCCA CTCATTAGCT TTGTTNTGCC CTTGTTTCCC TTGAAGGTTT 180
AAGTTCAACC ATATTCTGTC AACTGTTCAG TTTCAGTGGA ATCTTGTATT TCTGGTTCAT 240
TATAACAAAC TGTTCGCTTA AATCCAAA 268

配列番号：2350
配列の長さ：398
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2712
配列：
GATCCGAGAA CGCTCTAAGC CTGTCCACGA GCTCAATAGG GAAGCCTGTA ATGACTACAG 60
ACTTTGCGAA CGCTACGCCA TGGTTTATGG ATACAATNCT GCCTATAATC GCTACTTCAG 120
GAAGCGCCGA GGGGCCAAAT NAGACTGAGG GAAGAAAAAA AATCTCTTTT TTTCTGGAGG 180
CTGGCACCTG ATTTTGTATC CCCCTGTAGC AGCATTACTG AAATACATAG GCTTATATAC 240
AATGCTTCTT TCCTGTATAT TCTCTTGTCT GGCTGCACCC CTTTTTCCNG NCCCCAGATT 300
GNTAAGTAAT NGAAAGTGCA CTGCAGTGAG GGTCAAAGGN GAGGCAACAT ATTNTNNTTT 360
TCCATAATAA AACTTTCTTG GGGGNNATAC TTTTCAAA 398

配列番号：2351
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2713
配列：
GATCTGCAAG CATTTGCTCT TGTTTCCACA TCACCTCTGG GATATTTCAG CTGTTGTTTC 60
CAAATGGCAA ATCATCAACT AAANGCACTT GTTTCAAGTT TTGTTCTGCA CTCCCACGAC 120
TGAAGTTGTA GATTGAGCTG AATAACCATG GGAAGTGANC AAGCAAAGAC ACTCGATTGG 180
AGTCAGTTGA ATATTTGTAC CCTCAGTGGA GCCCTTCTGG TCTTTTCTTC CACTTCTGCA 240
GAATTTCCTC TAGCAAATAC TTCTTTCTCC TTGCTTGCCT CCACCATGAT ATTTGAATAA 300
GAGATGGCCA GAGGATAACA CTTGTCTCTT AAAAACTAAG CTAAAAAGGA CCTAGGAACC 360
TTCAATTTGA GCAGTTGGTT N 381

配列番号：2352
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2714
配列：
GATCTGCCCG CCTTGGCCTC TCAAAGTGTT GGGATTGCAG GCGTGACACG TGCTCCTGGC 60
TTGAATTTTC TTATAATCCC ATGAAACCAT CATCAGAGTC ACAATAATNA ATTTATCTAA 120
TCTATCACCT TTGTATTCAC CTGGAGCCTT TATAAAGTTT TTNTCTATGC AGACAACCAT 180
TGATTTACTC TGCTGTATAA TACTTTCCAT TTTCTAGAAT TTTCTGACTG ATGTAATAAA 240
GTGTTTCCTC TTATAATCCC TGAAA 265

配列番号：2353
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2715
配列：
GATCGGGGGC TTGAACCCAG GTGGTCAGGC TCTGGAGCCC ACAATTGTNT TACCCACTAT 60
GCCCCTCTCT AGTCATGGTC CCCAAGAGGG GCTTGGAGAC CCACTTAGCA GGTGAAAGCA 120
ATGGCAGCCT TCCTTATTTG ATTATGCACC TAAGAATAAA TGGTATTTGG GCATGTATTC 180
CCAATATGTG TATATTTATT TATAAATATA TACAGATACT ATNATCTGTA TGTNAGTAAT 240
AAAGCTTAAA TTATTCCATT TTAAA 265

配列番号：2354
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2716
配列：
GATCGGCGGA CGCCCATCAC CGTGGTGAAG CAAGGCTTTG AGCCTCCCTC CTTTGTGGGC 60
TGGTTCCTTG GCTGGGATGA TGATTACTGG TCTGTGGACC CCTTGGACAG GGCCATGGCT 120
GAGCTGGCTG CCTGAGGAGG GGCAGGGCCC ACCCATGTCA CCGGTCAGTG CCTTTTGGAA 180
CTGTCCTTCC CTCAAAGAGG CCTTAGAGCG AGCAGAGCAG CTCTGCTATG AGTGTGTGTG 240
TGTGTGTGTG TTGTTTCTTT TTTTTNTTTN NNNAGTNTCC AAAAANAGCC CTNAAAAAAT 300
TCAGGGNCCT TGAAAAATTN TNTAAAATGC CAGNNTTTGG GGAAATNAAA CCCANTAAAA 360
ACNTTTTGAG GGGTGNAAA 379

配列番号：2355
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2717
配列：

GATCACAAAA CAATTCTAAA ACCTAACTGT TTTTACCATT GAAATTTAAA TTGTGATAAT 60
AGGTTTTAAA TGTCTAGAAT GCAACTGATA GGCTTTTCTT GAACTGTTAG TTTTTTTGAA 120
GTAGTTTTTT CATGTTTANN NNGTATTTGT AAAAAAACAA AAAGCAAAAA AATTCCCAAA 180
ACCCAGATAA CAACCAGAGC AAAACTGTTG TGCCTTCTAT TTATCTTTGA TTTCAGTCTT 240
GGCAATTGTT TAAAAAAAAA N 261

配列番号：2356
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2718
配列：
GATCATTGGA GAGAGAATTG CACAGAAAGT CCTGAAGTTT AAAACACTTT ATGACCAGCT 60
TTGGCTCGGG AGAGTGGGGC TGCTTGTAGA ACTGGAAGTG AATAACTTTT TCAAGCAATA 120
TCAGTGAGTG GGTCCCATCG ACAGGGTTCC AGGACCTGGA ACACTTTAAC AGAAGGAAAT 180
GCCGAAGCAG CTTGCACAGT NGCTTGACAG ACTTCCAAGN NGGCTGATTC TGGCTTCAAG 240
ATGGAGCCTT GGAGTTGGN 259

配列番号：2357
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2719
配列：
GATCTGGGAG TACACCAGGC AGCAGCTGCT CTCGNACGGA GATACCAAGC CATGATGTGC 60
CNNNNTTAGT GAACTGCTGC TGCTGTTCAG ACTTTTTTAA AAAAAACTAT TTGGACTAAA 120
GAAACAGATT CTGAAATTTA TTGTGATAAT TTGTATTTCT TTTTTCTTGC AATTTAATGC 180
CAAAAGTTTG CCATGTGCCT TAAACATATT ACTATATATT TNCCCCTTTA ATAAACACTT 240
TTNGTTAAAT TGTATTCTTC CTTTAATAAA ATATTTTAAG CAATTGTGGA AATAAA 296

配列番号：2358
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2721
配列：
GATCAGAATA CATGATGGAT GAAATTCTTT ACATGTTTTA GCAGAATNAA TTTGTTTAAT 60
ATAATAAAGT TTGCTACTTA TCTGTATGTA GGTTGCTAAA AANGATTTTC TTAACTCAGA 120
TTTTAAGCCA AATAACCATT TAACACTAGT ATTTGTTAAA TGGGTTATTT TNCTGTATTT 180
GTATGTTTCA CTATAATAAG GGAATTAAGG ATAATGTGCA TTGAGAATAT TTTGAAAANT 240
AATTGACTCA AATN 254

配列番号：2359
配列の長さ：253
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2722
配列：
GATCAGTTAT AAGTAGCAGG CCAAGTCAGG CCCTTATTTT CAAGAAACTG AGGAATTTTC 60
TTTGTGTAGC TTTGCTCTTT GGTAGAAAAG GCTAGGTACA CAGCTCTAGA CACTGCCACA 120
CAGGGTCTGC AAGGTCTTTG GTTCAGCTAA GCTAGGAATG AAATCCTGCT TCAGTGTATG 180
GNAATAAATG TATCATAGNA ATGTAACTTT TTGTAAGNCA AAGGTTTTCC TCTTCTATTT 240
TGTAAACTCA AAN 253

配列番号：2360
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2723
配列：
GATCAATCCC AAGAATCCAT CAGCAACCTC AGACCAACCC AAGAAGATAA TTTAAATCTA 60
TACTGCTTAT TGGTCAATAT ATTTGGTTCT AGTATTAATA AAGAAAAATG TTATTAAAAT 120
AGCATACATA GTAGTAAAAT AAANTACANA AAGTGTGTTG ATTTATAGCT GTTTGAGATG 180
ATAAAAGTGN AGCAAAGCCT GTTAAATCAT TGGAAGACTT GGANANTTAT TTTAAATAAN 240
CAATTACATG TAN 253

配列番号：2361
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2724
配列：
GATCTGCATA AACAGGGTTC CTGACCTCAC CGAAAAGACT AATGTGCCTT AGAACAAGCA 60
TTTGCTGTGT TTTGTTAGCA CCTGGTTCCA GGACAGACCC TCAGCTTCCC AAGAGGATAC 120
TGCTGCCAAG AAGTTGCTCT GAAGTCAGTT TCTATCGTTC TGCTCTTTGA TTCAAAGCAC 180
TGTTTCTNTC ACTGGGCCTC CAACCATGTT CCCTTCTTCT TAGCACCACA AATAATCAAA 240
ACCCNACATA AA 252

配列番号：2362
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2725
配列：
GATCTTCTCA GCCAGGAGAA GAGGGTGGTG TTTTCACGCG GGCAACTGCT CGCCGGCCTA 60
CATGGGGTTA ATTCAAGTCT GCTGCGAGCA CGACTCCGCC CTTGGCACTG GCCTCCAGCA 120
AGCCCTGTTC TCTTTGGGGT ACAGGGGAAC GGGATGGTTT AGACTTTCCT GCTCAGTGTG 180
TAAAAAATGT AGCTAAAGCC ACTATTTTTG CTCTCCTTAA GCTGTTCAAT AAACCGGTTC 240
CTCATTTTAA A 251

配列番号：2363
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2727
配列：
GATCTGGAAC ACTCCCCTGA CCCCTTCACA CCTGGCCCTC CCTGGGCTTA AAGCTCCTGA 60
TATTCCTCAT CCCCTTCCTT GTTTTCCAGA ATCGGTCGAG GTGGACGGTT TGGCCGTAAA 120
GGTGTGGCTA TTAACATGGT GACAGAAGAA GACAAGAGGA CTCTTCGAGA CATTGAGACC 180
TTCTACAACA CCTCCATTGA GGAAATGCCC CTCAATGTTG CTGACCTCAT CTGAGGGGCT 240
GTNCTGCCAC CNAGCCNCAG NCAGGGCTCA ATCTCTGGGG GGCTGAGGGA GCAGCAGGGA 300
GGGGTGGN 308

配列番号：2364
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2728
配列：
GATCGTAGAT TTTTAACAAT CTGTATCTTT AACAATTCTG GGTGCNAGTG TNAGAGTGTG 60
AGCAGGGCTT GCTCCTGCCA ACCACAATTC AATGAATCCC CGACCCCCCT ACCCCATGCT 120
GTACTTGTGG TTCTCTTTTT GTATTTTGCA TCTNACCCCG GGGGGCTGGG ACAGATTGGC 180
AATGGGCCGT CCCCTCTCCC CTTGGTTCTG CACTGTTGCC AATAAAAAGC TCTTAAAAAC 240
GCAAA 245

配列番号：2365
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2729
配列：
GATCTAACCA ACTCAACTGA TAGAAAGCTG AATTGTTCCC AGTGGACAAG TGGTATTTGA 60
TGTTTAGCAG GTTTTTTTGT TGTTATTTTT TTGGTAAACT CTGTGGTAAA ATCTAAAATA 120
ATGTTAAAAC CCTAAAAGTA ACTATTGANT ATNCTGTAAT CTTAGACATG TATTTTTCAA 180
GCTAACCCTT TGAAGAAATG TGTTCAAGGT AGGAAAATAT AAAATTTTTT GGTTATTTGT 240
AAATTTAAA 249

配列番号：2366
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2730
配列：
GATCATGCAT TGTTGAGGTG GTCTGAATGT TCTGACATTA ACAGTTTTCC ATGAAAACGT 60
TTTATTGTGT TTTTAATTTA TTTATTAAGA TGGATTCTCA GATATTTATA TTTTAATTTN 120

ATTTTTTTCT ACCTTGAGGT CTTTTGACAT GTGGAAAGTG AATTTGAATG AAAAATTTAA 180
GCATTGTTTG CTTATTGTTC CAAGACATTG TCAATAAAAG CATTTAAGTT GAATGCGAAA 240

配列番号：2367
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2731
配列：
GATCTATACT GTGTGGTCAT GAGTTGTGTA TAGTTCCATA ACACTGTATT TTNCTNCTGT 60
CAGTACCCTT AGGATACACT NTAAAACACC TTAAGGTCTG ATGTTATGGC AACAAACTAC 120
TTNTTCAAAC CTAAATAGGA ACCATGTAAT TNCTCAAAAG TGATTGAACA GTTTGCCCAC 180
ACTTAGTTTG TTGGTCTTAT GTAAAACATT GGCTCAAAAT AAAGNNCACA CTGATTTATT 240
TNACTGNNAA A 251

配列番号：2368
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2732
配列：
GATCTGAAAA TTTATTTCAC CCAGCTTTCA CAATTAAGTC TGTATAAAAT GTGGTACCTT 60
TTNGTACCTA TCCAGAGAAA CCTGTACATA TTCAATGTTA TCTAGATGTG ATTGGATAAT 120
GGAGAAAATN TATTTATAAT GATTTTNCAA TGGCATCAAT AACATTTAAA TGATTTTGAA 180
GAAGTATTAT TTTACTACCC TATAAAATGA ATCGAAAATA ATAAAGTTCT TAACATAAA 239

配列番号：2369
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2733
配列：
GATCAAATTA TCTTCAGCAT GTATATCTGG GGAAAAAAGG TCCGAATTTT CACATTTATA 60
TTTAAANTTC AATTTTTTAT ATTTAAANTT CAATTTTTTA GCAACAGCTG AATAGCTTTG 120
CGGAGGAGTT TAATAGTTAC ACATTCATGC TAATATACAT TNCCTTTAAA CATCCACAAA 180
TTCTTAAAAA GATTGAATCA GTANATTTCA TTTCAGCTAA AAATGGAGTC TAATATATN 239

配列番号：2370
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2734
配列：
GATCCACCCG CCTTGGCCTC CCAGAGTGCT GTGATTACAG CTGTGAGCCT CCGTGCCCAG 60
GCCAGTGTTC TCTCTTAAAT GTGTTTCAAT ATGGTGGACA TTTATTGAGC ACTTGTGTTG 120

GGCGTTTCAA CAGGAGGCAC TGGTACGAAA AGTAGCTTGT TCTAGTTCAT ATATCATTTG 180
CACTTTGCTT AACTTGTATA AGTACTTTTT ACTGTTTAAT AAATATTTTA TTAGAAA 237

配列番号：2371
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2735
配列：
GATCAAAAGA GCAAACAATA CTTTCTATGG CTTATCAGCA GGAGTGTTTA CCAAAGACAT 60
TGATAAANCC ATAACAATCT CCTCTGCTCT GCAGGCAGGA ACANTNTGGG NGAATTGCTA 120
TGGCGTGGTA AGTNCCCAGT GCCCCTTTGG TGGATTCAAG ATGTCTGGAA ATGGNAGAGA 180
ACTGGGAGAG TACGGTTTCC ATGAATATAC AGNGGTCAAA ACAGTCACAG TGAAAN 236

配列番号：2372
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2736
配列：
GATCCNATTC CCGTTGCCTC AAAGCACCAG CTCTCTCGCT CCATCCTCCC AAGAGCCTCC 60
AAGGCGCCAT TGGCTTCCTG GGACTCTGAG TCTGCCGGCC TCTTTTCCTG ACTCCAGTTT 120
CTTCTGGCCT GAGCCAATGG GGCATGTTCT GTGACTGCAT TTGCATCTCG GATTGTGTTT 180
TTAAACCCAT TTTCTCCCAT ATTTGCCTGA AAAATATATA GAAACTGATA TACAAA 236

配列番号：2373
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2737
配列：
GATCAGGCTG GTACAGGATG CCTTAAGGTG ATGAGAGGTG AGGGTGCATG AAGAATAATG 60
AGCACAGGGA AGAGAGAAGC AGGACAAAGT AGCAGATAAA ATGCCGGCAA AGCACAGATG 120
ANTGTTTTCA AGAAGCTCTT GTATTTNTNT GCACAGTGTA AATATCCTTG CTATTTCAGG 180
ATGGCGGCTG GCCTGCTCAG TAACATACAT GTTCCAAATA AAGATTTTGC ATGAAAGTAC 240
CTAAA 245

配列番号：2374
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2738
配列：
GATCTGACTG CCTCCTTTCT CTGGCCTCTN CCCCCTNCCC TCTTCTCTTC AGCTAGGCTA 60
GCTGGTTTGG AGTAGAATGG CAACTAATTC TAATTTTAAT TTATTAAATA TTTGGGGTTT 120

TGGTTTTAAA GCCAGAATTA CGGCTAGCAC CTAGCATTTC AGCAGAGGGA CCATTTTAGA 180
CCAAAATGTA CTGTTAATGG GTTTTTTTTT AAAATTAAAN GATTAAATAA A 231

配列番号：2375
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2739
配列：
GATCCACTGT GAGCACCAAC CTGCTGCAGT CTCTTGGGCC CCTGCTGGCA GCTCTGCCAC 60
GTCACCGNCT GCCTGGCTCC CACACAGCCA TGCATTGTCA CTCTGCCTCC GGGACCCNAG 120
CTTNGGAGCN NNTGGGTCTG CCAGGTCCCA CCTCCTCTGT CCCCNATGCC ACAACCTGGG 180
CTCCTGGCTA CAGCAGGGNT CCAGGGACTN CAAATAAATG TTCAGTGACT GGCAAA 236

配列番号：2376
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2740
配列：
GATCGGTCAC ACAAGCTGTT CCACGATAAT TNTTGTNTCA NAAGGGGAGN CTGACTACCA 60
GGACCACTGG CCCCACTTCC AGCCCCTCCA TTCTNAGTAC ACTTCAGAGG GCTCTGGCAG 120
GGTGAGGGGG TCTTGNCCGT GCCACAGAGA GTAAAGGTCT AGCACACCCA TTGTGGAGAT 180
ATTTCATGGG GACANCCCAG TGACTTCACT TTGAAGTAAA GTGGGATTTT CCAAA 235

配列番号：2377
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2741
配列：
GATCGNAGGC TACCCTGGCT CAGTNACCAG CTGCTCACTG TGTCCTTCTG TGGTCTCAGG 60
AGCTGCAGTT GTTGCTGTTG TATGAATAGA CGATAGTNAA TTAGACTGGA TGTGTCTGTA 120
CTGGCAGTNA TTTTCCAACT NCCTCTGTAT AAGCAATACA TTTGTAAATC ATGGGAATGT 180
ATTTAATGGT AATTGCCTGT GGTGGTTGTA TCATGATTTA NTNNTATNAT GAGCTTTTGG 240
CTTTNTNTAT NTN 253

配列番号：2378
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2742
配列：
GATCTGGGGT CCCAGTGTCA TTGGTGAAGG CCTTGGGATT CGAGGCAGCT GAGTCCTCAC 60
TGACCAAGGA TGCCCTTGTG CTTACTCCAG CCTCCTTGTG GAAACCCAGC TCTCCTGTCT 120

CCCAGTGAAG ACTTGGATGG CAGCCATCAG GGAAGGCTGG GTCCCAGCTG GGAGTATGGG 180
TGTGAGCTCT ATAGACCATC CCTCTCTGCA ATCAATAAAC ACTTGCCTGA AA 232

配列番号：2379
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2743
配列：
GATCTCTGAA AAGNAGGTTT CAGCCACGAG GCAGCTGNTC CCAGGACACT GAGGCCAAGA 60
GAAATGTAAC AGAGCCACAG CTCCACAGGC CTGCACTCGG AGTCTGGGGC CTCTGCAGAG 120
CCAGCAAGGG GAAAAGTATA ATCTGGGGGA CCTTCAACCA CTAAGCCTCT TGTCAGAGCC 180
CTCAGGCAGG CAGATGTGTC ACCCAAATAA ACAGTGATAT TGTCTCCAGA AA 232

配列番号：2380
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2744
配列：
GATCTNAGCT GGACAGAGGA GGAGGAAGAG GAGGAAGCAA TGGGGGAATA GTGACACCAG 60
ACAGTTGATG TCTAGATAGG ACCTCAATNA TTCCNTTAGA ATCTNAGATA CCAGGATATT 120
GTTGGCCATG TGGCATCATT GAGCAGCAGG AGGCTGAAGG AGGNGAGAAC AAAATTGTCC 180
AAACCATGCT GTTTTTTTCC CTTAAATAAA TCTTGTATTC TTCAGTTTCA AA 232

配列番号：2381
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2745
配列：
GATCTANGGA ACCAAACGGA AGGTTTTGAG GTGATGTAGG TCTTTCACAG TTAGCTTTGG 60
GGAATACAGA ATACTCAAAT AAAGTGCTTT GTTATTATTT CAGAGGGAAT GGCGATTGAA 120
ATGTTACAAC AGAGATTTCT TGGTGGTAGC TATTTNGGTA AAGGGTATAT GGNTATTTTT 180
CTGTACATGT GAAATTATAT AGANNTAAAA GTTATATANA TTACATTGGC CAGAAA 236

配列番号：2382
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2746
配列：
GATCAAGTTT AAGTCAGTCA GTTAAGGGGA GGAGAAGGAG AGGTTATACN TTCAGGGGGC 60
TACCAGACAG TGTTCTCAAC TTGGTTAAGG AGGAAGAAAA CCCAGTCAAT GAAATTCAAT 120
GAAATTCTTG GAAACTTCCA TTAAGTGTGT AGATTGAGCA GGTAGTAATT GCATGCAGTT 180

TGTACATTAG TGCATTAAAA GATGAATTAT TGAGTNCTTA AAGATTAAA 229

配列番号：2383
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2747
配列：
GATCTGATTT CAGATTTTTC CTGTATCTTT TTTACATACA TCAGAAAAAG AAATGTTTAC 60
TATATTTTTG GTTCCATTNA TGATTGTTTT AAGCATTTGA CGNATAAGGA AAACTAACAA 120
TTAANTCAAT TAGAAAAGCA ACATAAAATT AANTGATATT TAGGAAATCA GTTATATGTG 180
AGCTTGGGTA TTCAAATGTC ACAANTAAAA GGCNTANACC CATNAAA 227

配列番号：2384
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2749
配列：
GATCAAATNA CCTGTGAAGG AATATTTTGC CTTCATCCTA GCTGCTGGGG AAGCGGGGAG 60
AGGGGTCAGG NAGGCTAATG GTTGCTTTCC TGAATGTTTC TGGGGTACCA ATACGAGTNC 120
CCATAGGGNC TGCTCCCTCA AAAAGGGAGG GGACAGATGG GNAGCTTTTN TNACCTATTC 180
AAGGAATACG TGCCTTTTCC TTAAANNCTT TCATTGATTG AAA 223

配列番号：2385
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2750
配列：
GATCAGGGTT TNGGGTCTGT GTTCTTTCTA CCGTCAGCAC CTGTGTGGTC AATTCTGGAC 60
ACTTCCCAGA GAAGTCTTTG AGTAGAGAAT CCTACTCAAA TTTCACTGTA TATNTTAAGC 120
ATTCCTCTCC TNTCCCNTTG CCTNCCCTGT TGCCTTNTCT TCCCCTGATT TCTCCTCTGG 180
TCATCTNCTC TCCCTNCTGC GTGTAAGCCA TGGGAAAGGG N 221

配列番号：2386
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2751
配列：
GATCATGAAA ACAATGTAGG TAAAGTAAAG TATGTATTTG TCTGTGCTTG AAAAATATTG 60
TAAAATGTTA TGTATTTGGA ATATATTTTG TGGTTTGTCT AATATTTATA AACACAACTC 120
GGGGTGAATT CACANTGAGT TTATTTCATT GAAATACTAG AGATATGGGG GCCATGTTAC 180
TGTGCTTGGN GCCTTACCNT TTGTATAGTG AAATTTGCAN 220

配列番号：2387
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2752
配列：
GATCCGCCTG CCTTGGCCTC CCGAAGTGCT GGAATTACAG GCATGAGCCA CTGCTCCTGG 60
CCTAAGATGT TTTTTAAATA ATGTTTTTAA CTAAATTTTA AGAATGTTTT TAACTAAAGT 120
TATTTATATT TGGAATAATT CGTTAATGAT TTGTGTCATT TCCCCAACCC CTTTTTAAAT 180
TTGTGAATTT GAGGACTGGA TTAAAAGATA AAAAGTTAAA 220

配列番号：2388
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2753
配列：
GATCTAATTA ATAGCTGACC TCCCAAATCT GACAGGATAG ACACTGCCAC GTGCAAGGCC 60
TGCCAGCCCC TCAGACGCAC AAAATGCGTA AAACAAATGC ATCCTTTCCT GGCTAAGCGA 120
GTATTACTCT CTTAGCCCTG CACCAAACCT CCAATCTAGC CACATTTAAC TNTTCATTTC 180
TTAGACCCGC AGAGTGTCTT CCTGCCTCTG AGCTGTGAGT GTTGTTCCCT TTGCCCGGGA 240
TGCTCTTGTT TTTAATACCA GTTCAAGTCC CACTCTCTCA GTGAAGCACT CCCTTCCCCA 300
CTNATAGCCT TTAGTGAACC CTCGTTTCTT GCTTCTTTN 339

配列番号：2389
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2754
配列：
GATCCATGTG CAGTAATGCC TGGTGGCTCC AGGTCTGCCC CGCCGTCCTG TGGGGCTGTG 60
AGCTTTCCCA GCCTCCTGCC CGTGTTTGTG AATATCATTC TGTCCTCAGC TGCATTTCCA 120
GCCCAGGCTG TTTGGCGCTG CCCAGGAATG GTATNAATTC CCCTGTTTCT CTTGTAGCCA 180
GTTACTAGAA TAAAATCATC TACTTTAAAA TCTTTCAAA 219

配列番号：2390
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2755
配列：
GATCTTGACC GGGAAAAGGG ACTTGAGAGA ACCTTCTAGG ATAATTTNAT TTCTTGATTA 60
GGTGGTGGTT ACATTTGTAA AAATCATCGA CCTCTAAATT TAGGGTTTGT GCCCTTCACA 120
TACCTTGTTG TATGCATTTT GCCACTTGTT TTTTCAAAGC AATGAAAAAG TATCACTGCA 180

ATTAGGTTTT AAATAAATTT GTTTCGTTAA CATGTCAAA 219

配列番号：2391
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2756
配列：
GATCTGGAAT CGGGGTCAGC GGGGCTACAG TCCTTCCAGG GGCTNTGGGG CAGCTCCCAG 60
CCTCTTCCCA TGCTGGTGGC CACCGTGTCC CTTGCTGCGG CTGCATCTTC CAGTCTCTCC 120
TCCGTCTTCC AGTGGCCGCT CTCTTTATAA GAACCCTGGT CATTGAATTT AAGGCCCACC 180
CCAAGTCCAG AATGACCTCG CAAGACCCTT AACTCAAA 218

配列番号：2392
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2758
配列：
GATCCATTTT TAATGGTTCA TTTCCTTTAT GGTCATATAA CTGCACAGCT GAAGATGAAA 60
GGGGAAAATA AATGAAAATT TTACTTTTCG ATGCCAATGA TACATTGCAC TAAACTGATG 120
GAAGAAGTTA TCCAAAGTAC TGTATAACAT CTTGTTTATT ATTTAATGTT TTCTAAAATA 180
AAAAATGTTA GTGGTTTTCC AAATGGCCTA ATAAAAN 217

配列番号：2393
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2760
配列：
GATCAGAGGA ACTTTNAGGT GTCTGCCGGC TAACATTGTG TCATTCCTGG AGTCCACAGT 60
ACACGTCCCC TGCCTCAACA GGCACAGCTC TCACAAAGCT CTTCAAGCAT GGAAGTGGGA 120
GTTGTGTTGT ACTTCATGGC ACTCTGATGC CTGCTGTCTC AGTGTTTGGT TATTATGCAA 180
ACAAGTAATG TTTGAAATAT ATAATAGCAC TGGAAA 216

配列番号：2394
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2761
配列：
GATCCATTTC TACCTGCATT TCCCAGAGGA CTAGCAGGAG GCAGCCTTGA GAAACCGGCA 60
GTTCCCAAGC CAGCGCCTGG CTGTTCTCTC ATTGTCACTG CCCTCTCCCC AACCTCTCCT 120
CTAACCCACT AGAGATTGCC TGTGNCCTGC CTCTTGCCTC TTGTAGAATG CAGCTCTGGC 180
CCTCAATAAA TACTTCCTGC ATTCNNCTGN NNAAA 215

配列番号：2395
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2762
配列：
GATCTAAATG TAAAAGCAAA TGAAAAATGC ATGTNTTTTT NCCTGTCAAA CATGTATACC 60
CTTATGTATA GAGACCAGTA GTCACGTATG GTGACTGAAA CAGGATTATG TAATCCCTAA 120
AAAGCAGAAT ATGTAAAANT CACATGTATG CGTTTGGTTT AGGAATGTNC TTTTGTACTT 180
CCACTTGAAT AAAGGTGTGT TTGGTATTCT GAAA 214

配列番号：2396
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2764
配列：
GATCCAGAAA TTCAAACTTC GAGAGCAGAT GGAACGACAT CTAAATCTNT GAATAAAGCA 60
GCAGGCCTGT CCTGGCCGGT TGGCTTGACT CTCTCCTGTC AGAATGCAAC CTGGCTTTAT 120
GCACCTAGAT GTCCCCAGCA CCCAGTTCTG AGCCAGGCAC ATCAAATGTC AAGGAATTGA 180
CTGAACGAAC TAAGAGCTCC TGGATGGGTC CN 212

配列番号：2397
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2765
配列：
GATCTATTAA AGTGTCAACT TTGCATTATA GAACTGAACA TGAAGTAAAT TGAGTGTTTC 60
TGAGTTTNCT ATAGAAAATT TATGCTACCT CTCATCTTTT CACATACAAA TAAGCAACTT 120
TTAATGAAGG CTTAGGGTGN AAATTTTAAT TTTAGCACTT TACATTACAT GATGAATGGT 180
GAATATTAAA GGACTTTGAA CATTTTAATA AA 212

配列番号：2398
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2767
配列：
GATCGAGAAG CTGCTCAATT ATGCACCCCT GGAGAAGTGA CCACGCTGAA ACCCACCCAC 60
CCGCTGTGCT GACCATGGGC CCTGAGCGTC CTACCCCGAA TTCACGAGGC TGAGGCATCC 120
GGGAGCTGGC GTAATGCCTG GCCGCAGTGT GTGTGTATCC CATACCCCAC TCTGGAAGGA 180
ACCATCCAGT AAAGGTCTTT CAGAACCACT AAA 213

配列番号：2399
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2768
配列：
GATCAGAGAT GCACCACCAA GCCAAGGGAA CCTGTGTCCG GTATTCGATA CTGCGACTTT 60
CTGCCTGGAG TGTATGACTG CACATGACTC GGGGGTGGGG AAAGGGGTCG GCTGACCATG 120
CTCATCTGCT GGTCCGTGGG ACGGTGCCCA AAGCCAGAGG CTGGGTTCAT TTGTGTAACG 180
ACAATAAACG GTACTTGTCA TTTCGGGCAA A 211

配列番号：2400
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2769
配列：
GATCAGACAC CCCTTCACGT GTATCCCCAC ACAAATGCAA GCTCACCAAG GTCCCCTCTC 60
AGTCCCCTTC CCTACACCCT GACCTGGCCA CTGCCGNACA CCCACCCAGA GCACGCCACC 120
CGCCATGGGA GTGTGCTCAG GAGTCGCGGG CAGCGTGGAC ATCTGTCCCA GAGGGGGCAG 180
AATCTCCAAT AGAGGACTGA GNACTGCTAA A 211

配列番号：2401
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2770
配列：
GATCACCTAC TTACTGTATT CTACATTATT ATATGNCATA GTATAATGAG ACAATATCAA 60
AAGTAAACAT GTAATGACAA TACATACTAA CATTCTTGTA GGAGTGGTTA GAGAAGCTGA 120
TGCCTNGNTT CTACATTCTG TCATTAGCTA TTATCNTCTA ACGGTTCAGT GTATCCTTAC 180
AGGAATAAAA GCAGCATNTG GNTAAA 206

配列番号：2402
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2771
配列：
GATCGAATGA AGGATTCAAA ATTAACCACT CCAAGGGGGG ATTGAAGGAA GAACCACTCT 60
TAATGGACAA AAAGAAAGAA AGGGGAGGGA GTAACAGGGA TATNAGCTCT AGCCGCCCAA 120
GCTAGCAATG GCAACCCTTC TGGGTCCCCT TCCAGCATGT GGAAGCTTTC CTTTCGCTTC 180
ATTCAATAAA CAGCTGCTGC TCAAA 205

配列番号：2403

配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2772
配列：
GATCTATAGA CATNAGGAAG GGAGTNAGAC GGCTCCTCCA CCATCCTCAG CCAGTGCAAC 60
CCATTCCCTC TNCTTCTCTC TCTCTCTCTC TCTCTCCCTC CCTCTCCTTC CCTACCCTCT 120
CACCATCTTT NTTGGCCTCT CTNAGGGTCT CTCTGTGCAT CTNTTTAGGA ATCTNGCTCT 180
CACTCTCTAC GTAGCCACTC TCCTTCCCCN ATTTNTGNGT CCACCCNN 228

配列番号：2404
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2773
配列：
GATCTAGCTA GGGCTTTGTC TNTTCATCTT TGTGCATAAC TTACCTGTTA CCAGTATAGG 60
TGGGATATAC ATNTATCTTG CAGGAAATTC CCCAAAGCTC AGAGTCCAGT TCCTTCCATA 120
AAACAGGCTG GACAAATGAC CACTATGTTA GACCCCCCGG NTCGACTTCA GGGGTCAGTG 180
TTCCTGTCCC AAACCCNCAC ACAGAATNCT CTGNCTGNGG TTCATGTNGA AACTGAGCAA 240
AAACTANAGT ATCTNTCAAN ANGTGTAACN TGN 273

配列番号：2405
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2774
配列：
GATCCACCTC ATATGTGAGT CCGTCCAAAA GATGTTACTG CTCTGGGTGG GCCAGTGTTC 60
TATATCGGTT ATACTAACTT TCATTTAAAG TATTTATTCT AAAATGCCTC TGAGAAACAG 120
TAAAAAATAA AAACAACAAG TTGTCTAAAA TGCAACAGCT TTTATAGTAA ATGTACATTT 180
ATAAATAAAA TACTCAAATC AAA 203

配列番号：2406
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2775
配列：
GATCTCTGAT GGATTTGTTG ACTCCTCTGT GGGAGAAAGG CTTGGTCTAC TGCAGGTGTT 60
AACGCTAAGC CAGGCTGGAG CTGCGGACGT NAGTTTCCTC AGCNCCCCGC TGTTCGCTTC 120
GAACGTNACC TCGACGTCTG CTCTCCCCTT CCCTTTAGCT GACAATGTGA CAGTNCTTGA 180
ATAAAAGTNA GTCTGACAGG AAA 203

配列番号：2407

配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2776
配列：
GATCTGAATG TGAATTTCTA ATTGTATCAG ACGTTAATGT TTTAAAGCTA TAACAAAGTT 60
TAAAATTTCT ACTTTTTGTT TTTNATTTAT TTTAACTGTT CTTTTATCTA TTAAATTGTT 120
GTATGTGGAT GGGGAAGTTT TGTTTCTCCT CTTAGCATTT GTTTCTATAA CCAGAAATAA 180
AATTCTATAT TAAAGAAATG ACAAA 205

配列番号：2408
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2777
配列：
GATCCCAATC TGAGAAAAGG CAAAAGAATG GCTACTTTTT TCTATGCTGG NGTATTTTCT 60
AATAATCCTG CTTGACCCTT ATCTGACCTC TTTGGAAACT ATAACATAGC TGTCACAGTA 120
TAGTCACAAT CCACAAATGA TGCAGGTGCA AATGGTTTAT AGCCCTGTGA AGTTCTTAAA 180
GTTTAGAGGC TAACTTACAG N 201

配列番号：2409
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2778
配列：
GATCTTTAAC TGCCTGCTGA TAAGATATTG GGCCAACTGA AAATAGAAAT TGTTCTTTCT 60
TAGAAATATT TTAATGCTAA CTTGTTAGTT TTCCTCAGAA AGCTAGTATT TGAAGCCATT 120
CGAGTTTAAG ATNCTCTAAT TTCAATAAAA TAGCTTCCAA ATATTTAAAA TGTAATAAAA 180
TATATGTTTG ACACTCTAAA 200

配列番号：2410
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2779
配列：
GATCAAAACG CTCCATCTTT TTACAGTGGC ATAGGAAGAC GGCAAAAATT TCCTAAAGTG 60
CAATAGATTT TCAAGTGTAT TGTGCCTTGT TCTAAAACTT TTATTAAGTA GGTGCACTTG 120
ACAGTATTGA GGTCANNNNN TATGGTGCTA TTTCANTNAG TCTAGGTTTA GGCCCTTGTA 180
CATNTTGCCC ATAACTNN 198

配列番号：2411
配列の長さ：198

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2780
配列：
GATCTGCCCA TTGCTGAAAC TTCAGTACTT AAGTCCCCTA TTATNATTGT ATGGCAATCT 60
ATCTGTCCAC TCAGAAGTTA TTATATTTGT TTTATATGAT TGAGCACTTC TGTTTTGGGT 120
ATATATGTAT TTACAATNAC TATAACCTCT TGCTGAATTA ACCCCTNTTA CCATTATGTA 180
ATAAACTTAT TTCCCAAA 198

配列番号：2412
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2781
配列：
GATCTTGAAT CACTTGACAG TGTTTGTTNG AATTGTGTTN GTTTTTNCCT TTGATGGGCT 60
TAAAAGAAAT NATCCAAAGG GAGAAAGAGC AGTATGCCAC TTCTTAAAAC AGAACAAAAC 120
AAAAAAAGAA AATTGGGCTC TNTTCTAATC CAAAGGGTAT ATTTNCAGCA TGCTTGACTT 180
TACCAATNCT GATGACAN 198

配列番号：2413
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2782
配列：
GATCCAAAGT AACTAAACAG GAGCCCACAA GACGGTCTGC CAGATTGTCA GCGAAACCTG 60
CTCCACCAAA ACCTGAACCC AAACCAAGAA AAACATCTGC TAAGAAAGAA CCTGGAGCAA 120
AGATTAGCAG AGGTGCTAAA GGGAAGAAGG AGGAAAAGCA GGAAGCTGGA AAGGANGGCA 180
CAGAAAACTG NTTCTGTAGA TAACGTGGGA GAATGANTTG TCATGAAAAT TTGGTGGTTG 240
ATTTTTTTGT NTGTCTTGGG ACAACTTTTA AANGCTATTT TTNCCANGTN TTTTTNGTNN 300
TTGGTTTTTT TTTTAGGGNT CTNCTTGTTG GCATNCGGNA GTTTTTTANG GTTTGGNCN 359

配列番号：2414
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2783
配列：
GATCCCAGGG GTGCACATGG GCCCCTTGGG TGTCTGAACA GAAGGGCATG GNAGGAAGGG 60
CTGCACCCCT GCAGTCTTAC TCTGCTGGTG TAGCGGGCAG CTGCCCACTC CCACCCCACC 120
CTGCACCGCG GGCTCCTNAG TCGGCAGATT AAGCATTTNA TAAATTGTAT TTTAAATACA 180
TGTTTTAAAC TTGTCAAA 198

配列番号：2415

配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2785
配列：
GATCCCATCC ATCAGCTCCC TTTTCTTTTT CCCTTGAACT GTTCTGGCCT CAGACCAACT 60
CTCTCCNNNN NTAATCTCTC TCCTGTATAA CCCCACCTTG CCAAGCTTTC TTCTACAACC 120
AGAGCCCCCC ACAATGATGA TTAAACACCT GACACATCTT GCANAAA 167

配列番号：2416
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2786
配列：
GATCTGTGAT TGGNTGGTTA ATGGGAAACG GTTTTTTNCT TTGGCTGCAG GTGTTCTGCT 60
GATATCAACA GCTTCCCTAT TTTNAATGCA GAAAACAGGG TCTGGGACAT TAGTCGTTAT 120
ATTTNACTTG AAAAGAAAGA AACCAAGTGC GCTTTGCAAT ATTTATTACA CAAAGAACTT 180
GCTGCTGCAT TCTAAA 196

配列番号：2417
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2787
配列：
GATCACAGAT TTCCCTGCCA GGGTGTCTGT GGTTATCAGC TGCAGGCTCA GCTNGGGTCG 60
GCCGNTTCAC ACAAGCCACT CTGTACCACG TGCCCTACCT TAGTGACGGG AGTAAGGAGC 120
TTCCTTCCCC TCCATGTCAT TCCTNCCTGT TCCNTNCATT CCCCAACAGC AAATAAAACT 180
GTTGAATGCT CAAA 194

配列番号：2418
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2788
配列：
GATCTTCCTA CGCACAACAC AAACGTCAGT TAATGTTCCA TCCATGCTGC TTAAAGAGCA 60
TTCCTGTCCT AGTAAAATGG GCAAGTCCCT CTACCCCCCA CCCTCACCTG GTATGCTTAC 120
ATTAATAGCT AAAGTCAATC CTGTAATGAA ATAAAGCAAG TGGTAGCTGT CTGGTAGCCT 180
CCACTACTGC AAA 193

配列番号：2419
配列の長さ：193
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02789
配列：
GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGA CTTGAGGATA 60
ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGA ATTTACATCA TTTGACAAGC 120
CTATTTTCAA GTTATTTGTT GTTTGTTTGC TTGTTTTTNT TTTTGCAGCT AAAATAAAAA 180
TTTCAAATAC AAA 193

配列番号：2420
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02790
配列：
GATCAGACCT CAATAATTTT ATACTGTAAT AAGCTCTTTG AATGTNTATA TTATTATTTT 60
TNACAATCAT TTCATTTTGT ATTTAATATC AATGGACTGA GTCTGATTCA GAAAATAATT 120
GTAATGTTCA TATTCAATAT CTTACAGTGA TACAGTTTTG TATTTACATA TAAATATACC 180
GACATGACCA AA 192

配列番号：2421
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02791
配列：
GATCAGGGTT TCAAGAATGA CTGCAGTGGG TTTTGGAAAC AGACTTATCA TTATTGATTT 60
GAGGTTTCCC AGAGATATAG TTCACAGTTA ATTGTTGCGC TCTAATACAA CTGACCATTT 120
AAAATTGAAC AAGTTTATTG TTTTGTAACA ATGTCAGTTG TTAAACCTTG NCATTTCAAT 180
TAAAACATGA NTTGTAGTTA TAACTCANTG CAANTNCAAC AGTTGTATTT GGNGTTAANT 240
TATTTTCACA CGTNNCTTTN TTTCATGGAN NNCCCN 276

配列番号：2422
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02792
配列：
GATCTTTTAT TTTCTCATTA TTTATAACTT CAGACTTGGG CCCCCTGTTC TTTCTTTCCC 60
ATTAACTTGA GTGACCTGTG TGAGAGACAG ACAGATGCCC CACGAGGATG GCTGGACAAG 120
GACTTTTACT TTTTATTACA TAAAAATATT AAAAAATAAA TAAAAAAAAT AAAATTTTAA 180
ACTAACTTAA A 191

配列番号：2423
配列の長さ：189
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2793
配列：
GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTGATGGG CGGCATTGGG AAAACCATGA TGCAGAGTGG 60
CGGCACCTTT GGCACATTCA TGGCCATTGG GATGGGCATC CGATGCTAAC CATGGTTGCC 120
AACTACATCT GTCCCTNCCC ATCAATCCCA GCCCATGTAC TAATAAAAGA AAGTCTTTGA 180
GTAGTCAAA 189

配列番号：2424
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2794
配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCTA AAACGCCTGG AATGCAGTGG CACAATCACT GCTCACTGCA 60
GCCTTGACCG TNTGGACTCA AGTAATTCTC CTACTTCAAC CTCCCAAGTA GCTGGGACTA 120
CAGTCATGCA CCATCATGCC TATAAAGATA ATTTAATTTA TAATAAATNA TTTATACAAA 180
CAATAAA 187

配列番号：2425
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2795
配列：
GATCAATCGT GCATCCTNAG TGAACTTCTG TTGTCCTCAA GCATGGTCTN NNTACTTGTG 60
AACTATGGTG TTCAGTTTTG CCTCTGTTAG AAATTCACAC TGTTGTTGTA ATNATGTGGA 120
ACTCCTCTAA AANTTACAGT ATTGTCTGTG AAGGTATCTA TACTAATAAA AAAGCATGTG 180
TAGNAAA 187

配列番号：2426
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2796
配列：
GATCNCGTTT TNAACCCGNT CCTGCCCCAC CTGCCCTATA GTTATGGCCT GTGTTCTGCT 60
CTCCTGGTCC CAGTGCACCG TCTGCTCTGT GAACTCCTCC CACCAGGCCC TTCTTACCCC 120
ACGCGTGTCT GTCCCCNTCG TTCTGTAGCG GGNGGTACAT AATAAAACAA TGGNGTGGNG 180
ACAAA 185

配列番号：2427
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02797
配列：
GATCTATGTT TTCTGAAAAT AATTGGTTAA TGGAAGTTAT CTAATATATT TNAACTGTTC 60
CTGTTAAAAA CAATAGGCTT CAAGATGACA TAACACCAAA TCAAAAATNA CCAAAGGAAT 120
CATTTTGTTT GTTAGATTTG TAATTTAGCA TCATTGGCAA TAAATCTACT CAAACGTTAA 180
A 181

配列番号：2428
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02798
配列：
GATCCCAAAG GGGTTGGAGG CAGGGAATAT TTGAAAATTC AGACTGGAAT TCCAGGCCAA 60
AAGCTCAAGA CCACCAGCCT CTCCTCCTGC CTGGAAAAAT AAGCCTTTGT GAAAGACTGA 120
TTTACCATGT ACAATTGTGA TTGTGAACGT TGTTGAGTAA ACCTCCAGAC TTTCTCTAAA 180

配列番号：2429
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02799
配列：
GATCATAAGT NAAAAATGTA TTTAATATAC CTAACCTACC AAACATCATA GCTTAGCCTA 60
GCCTGCCTTA AACATGCTCA GAACACTTAC ATTAGCCTAC AGTGGGCAAA ACTATCCAAC 120
ACAAAATCTA TATTGTAATA AAGTTATAAA GANTTTTGAA TAAAANTTCA ATATTTGANG 180
TACAAA 186

配列番号：2430
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02800
配列：
GATCTGGTGG AGGGAACTGA AGATGAAGGC CTCTCAGGCA CCATGGATGG NATGGGTGTG 60
TGTNAAGGGG GCAGGGTCCC CAGGAGCTGC CCCAGGTCTG GCTNGACAGT TGCACGGNAA 120
GTCCTGTTTG TAAACTCAAC GTTTCCACGN CTTTTCCATT AAACTTTACC CCAAATCAAA 180

配列番号：2431
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02801
配列：
GATCTATTTT TCCTAAAACA TTCCCCTCCC CACTCCTCTC CCACAGAGTG CTNNNNTGTT 60

CCAGGCCCTC CAGTGGGCTG ATGCTGGGAC CCTTAGGATG GGGCTCCCAG CTCCTTTCTC 120
CTGTGAATNG AGGCAGAGAC CTCCAATAAA GTGCCTTCTG GGCTTTTNCT AACCTTTAAA 180

配列番号：2432
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02802
配列：
GATCTTCACC AATGGCAAGT GGAATGACAG GGCTTGTGGA GAAAAGCNNN TTGTGGTCTG 60
CGAGTTCTGA GCCAACTGGG GTGGGTGGGG CAGTGCTTGG CCCAGGAGTT TGGCCAGAAG 120
TCAAGGCTTA GACCCTCATG CTGCCAATAT CCTAATAAAA AGGTGACCAT CTGTGCAAA 179

配列番号：2433
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02803
配列：
GATCTAAAAA TTCAATGCAA ATATCTTTTA TTTGGTAGTT TTGTCTACAT ATTTNATGCT 60
CTAGCATGTG CAATATATCT TTGTAAAGCA CGATGATACA AATCTGGTGC CAGTGTTATA 120
TTTNGCATAA CATATTTGTA ACAGCATAAA ATATTGTTTG ATGATTTCAG TGGGATTTTG 180
TCTATAATGT TTTCTTATGT AAATNGGAGT TGAATGACTC TGGTAAATGT CATGACTGTA 240
AAANTGGGGA AANTGACTTT NAGTTCAGTG AAN 273

配列番号：2434
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02804
配列：
GATCCAAACT AATTTTACAT TTAAAAAAAA AGTTAAACTA AACTTCTTTA CTGCTGATAT 60
GTTTCCTGTA TTCTAGAAAA ATTTTNACAC TTTCACATTA TTTTTGTACA CTTTCCCCAT 120
GTTAAGGGAT GATGGCTTTT ATAAATNTGT ATTCATTAAA TGTTACTTTA AAAATAAA 178

配列番号：2435
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02805
配列：
GATCTAAAAT AAATATTGTT AAAAGCATTA CCTCTAGGGA ATGGGATTTA GATTTAAAAA 60
GGGTGGGATG GGAAACTGTG TTTTTCATTT TAAGTCCTTC TGTACTANNT AATTTGTNAC 120
CTTGTGCATG TATTACTTTG AAAAAATTTT TAATAAACCC AAATAAAANT CTTAAA 176

配列番号：2436
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02806
配列：
GATCANCCCT CAAGGGCACA TGCCAAGGGC AGAGCAGCCC ATNTAGACAG CTTCGNAGGG 60
CATGGGGGTG TAGGGAGTTC GGGGTAGCTC CTCATTAACT ATTTGTNGGN TGAGTAAAGG 120
GGTGAGGCTC AGTGGCAGGT ACCTCTNCAA TNACAAGCTG CCNCCCCTCT ATGTN 175

配列番号：2437
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02807
配列：
GATCGGCAGC AAGAGTAAAG ACACAGCTCC AGAGGCCCAC ACTGTGGGGT CTGGGCCCTG 60
CCTTAGGCAG CCCCCCTCTT TGGCCCCCTC CTGTCAGGCC CAGGGCTTGG AGTGAAAGTN 120
ACTCTCAGGT GGTGGGGTGG GGAATGTGAA TAAACATGAT TTCTTGCCGG GCAAA 175

配列番号：2438
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02808
配列：
GATCCCTTCA CTGGCCCCCT CGGGAGNCCT GGGTTGGACT CAGGGNCTCC NCCAGCTGGG 60
GNGGNGGACC GCAGCACCTA TCTGAGCAGT TAGAGCGTCT TTTTTTTCAG ATTGTGTACA 120
GTAGATTATT TATTTTGTNA TTTTGGAATA AAATTTATTT TATGGCTTAG GAAA 174

配列番号：2439
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02809
配列：
GATCTTGTCT GAAATGCTAG TTTCTGACTA CAAAAACTAC AGGACATAGT AGATATGCTC 60
AGTAGAGCTG CTTAAAATAA TTCCCTTTTT TTTTCTGTTG AATTCTGTTA CAAAACCAGG 120
TCTGTGTTAT AATAGAAANC ACACTTATGA ATAAAAATCT TTAAAAATTA AA 172

配列番号：2440
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02810

配列：
GATCAATGTC CCTGGTTACC TATGTGTTTG AATTATCTTC GTGTTACAGG TGTTTAATGA 60
TTTTNCTCCT TCTAGCTTAT TTGTATTTCA CCTGTTTTTC TTTAAATNAA CATGGTTACA 120
CTNTGTTTCA GCAACTGTAT AAATTAAACA CAGATNATTA CTACTGCTAA A 171

配列番号：2441
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2811
配列：
GATCGTAAAA TTTTAAGCAC TAAAAATTTT TTCATAACCT TTCATAATAA AGTTTAATAA 60
TAGGTTTATT AACTGAATTT CATTAGTTTT TTAAAAGTGT TTTTGGTTTG TGTATATATA 120
CATATACAAA TACAACATTT ACAATAAATA AAATACTTGA AATTCTCAAA 170

配列番号：2442
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2812
配列：
GATCTACTTT GAATTCCACA CTCTCATTAA TAAATTGANT AAAAGGGAAT ATTTTGGCAC 60
CTGATATAAT CTGCCAGGCT ATGTGACAGT AGGAAGGAAT GGTTTCCCCT AACANGCCCA 120
ATGCACTGGT CTGACTTTAT AAATNATTTA ATAAAATGAA CTATTATCAA ATAAAACGTA 180
TGATTCAGTC CTTAAA 196

配列番号：2443
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2813
配列：
GATCAAATTT TTTTCTTGCA ATNATGTGAT GAGTTGCCAA ATAATTGANA TTATTTTAAA 60
ATGTTTTGTT CATATTCTTG TTTTATAATT AAAATTTACA TTCAGTGTGT ATGGGTTTTT 120
TTTTNATTTT NACTCTTAAT GTAAGGTGGA TATTNCTGTN ATTTTACATG GTTTCTTACT 180
GAGATTTTAT ATATAANTNA TAAAANGTTT ACCAAA 216

配列番号：2444
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2814
配列：
GATCGTTAAT GCCCTTGAAG TGGTTTTTGT GGGTGTGAAC AAATGGTGAG AATTTGAATT 60
GGTCCCTCCT ATNATAGTAT TGAAATAAAG TCTACTTAAT TTATCAAGTC ATGTTCATGC 120

CCTGATTTTA TATACTTGTA TCTATCAATA AACATTGTGA TACTTGATGT AAA 173

配列番号：2445
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2815
配列：
GATCAGCTCC GTGGGGCTGG TTTTGGTCCA CAGCATAACA GGCACTGCCT CCTTACCTGT 60
GAGGAATGCA AAATAAAGCA TGGATTAAGT GAGAAGGGAG ACTCTCAGCC TTCAGCTTCC 120
TAAATTCTGT GTCTGTGACT TTCGAAGTTT TTTAAACCTC TGAATTTGTA CACATTTAAA 180
ATTTCAAGTG TACTTTAAAA TAAAATACTT CTAATGGAAC AAA 223

配列番号：2446
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2816
配列：
GATCTGTCAC TTTGTATAAA AACAAGAAAC GATTAGTTCA TTAAACTTTT TCTTTACCTT 60
CTGGTAGTAA AAATAGATAA AATAATTCCG TNTCAACTAC TGTGTGTAAA AAGCCTGTAT 120
CATATGTAAC TGGGACTTTT GTAAATAAAT NTTTTTGCGC TCTGCAAA 168

配列番号：2447
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2817
配列：
GATCATAAAA TGTATCTTTT CCATGGCCAA CAAGGNGCAT CTNTTATAAA TGCATAATAA 60
CCCAGTTNGT ATCAAAGGGT ATCGACTTAA GTGAAATTTC AACATGCTGT TACTTTTTCC 120
TTTTAATGTA ATNCTGTTTT CCAAATAAAT GGGGGAGACA AATGGAAA 168

配列番号：2448
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2818
配列：
GATCTGTGCA ATAAAGTGTT TGCAGTCTTA TTATTCTCTA AGAAATTCCT TATGGACGTC 60
ATAATTGTTG TATATTGAAC AAAATATTTA TACTTATGCA GTTGCATAAC ATTGAAATAA 120
AAATTTAGCA TGAAA 135

配列番号：2449
配列の長さ：167

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2819
配列：
GATCCTGCCA GAAAATTTCA AAGACAGTAG ATTGAAAAGG AAAGGCTTGG TAAAAAAGGT 60
TCAGGCATTC CTAGCCGAGT GTGACACAGT GGAGCAGAAC ATCTGCCAGG AGACTGNGCG 120
GCTGCAGTCT ACAAACTTTG CCCTGGCCGA GTGAGGTGTA GCAGCAN 167

配列番号：2450
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2820
配列：
GATCAGNAGG CATCACTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCATGA ACCTGTATCC CACGTACTCC 60
AACTTCCATT CCTCGCCCTG CCCCCGGAGC CGAGTCCTGT ATCAGCCCTT TATCCTCACA 120
CGCTTTTCTA CAATGGCATT CAATAAAGTG CACGTGTTTC TGGTAAA 167

配列番号：2451
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2821
配列：
GATCCGGTTT CTTTTTGCTC GCCCCTGTTT TTTGTAGAAT CTCTTCATGC TTGACATACC 60
TACCAGTATT ATTCCCGACG ACACATATAC ATATGAGAAT ATACCTTATT TATTTTTGTG 120
TAGGTGTCTG CCTTCACAAA TGTCATTGTC TACTCCTAGA AGAACCAAAT ACCTCAATTT 180
TTGTTTTTGA GTACTGTACT ATCCTGTAAA TATATCTTAA GCAGGTTTGT TTTCAGCACT 240
GATGGAAAAT ACCAGTGTTG GGTTTTTTTT TAGTTGCCAA CAGTTGTATG TTTGCTGATT 300
ATTTATGACC TGAAATAATA TATTTNGTNC TTCTAAGANG ACATTTTGTT ACATAAGGGG 360
ATGGCCTTTT TTATACAANG GGAATAANAT TNTGGGCATT TCCTATGGAA AAA 413

配列番号：2452
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2822
配列：
GATCTGTNAT TGGCATCTTG GTTCTACCTT TTATCAGATG TTGTTGCCTT GTGCAAATNA 60
CATTTTCTCT GAGTCTCCAT TTTCTCATTT ATAACATGCG GAGAATAATA CTTATATTTG 120
TGGTAGTAGT GTGAACATTA AAAAGATAAT GTATGTGAAG TACAAA 166

配列番号：2453
配列の長さ：165
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2823
配列：
GATCCATGCT AATATTGTAT TTTTTNTTAA AACATAGCTT TCCTGTAATT TAAAGTGCTT 60
TTATGAAAAT ATTTGTAATT AATTATATAT AGTTGGAAAT AGCAGTAAGC TTTCCCATTA 120
TAATATATTT TGNTATACAA ATAAAATTTG AACTGAAGTC TGAAA 165

配列番号：2454
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2824
配列：
GATCTTGTTA GAAGGCAGTA GGTCTGGGGT GGGGCCTGAG ATTCTGCATT TCTAACCAGG 60
TCCTGGGAGA TGCTGATGCT ATCGAGCCAC AACCACACTT TGAGTAGCAA GCCTCTGGCC 120
TATCCTTANN NNTTGTAATA TTAAAATGCT GCCTCTCAGT CAAA 164

配列番号：2455
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2825
配列：
GATCAATGCC AGATTTTNTT NTTGGGGTAA GTTAGCTGAA GTCATTTAAA GATGGAAAGG 60
TGGGAAAAATN CTTTGATATT TGATGTCATT GTATCCACAT TTNTTGTAAG ACATATTGCA 120
TACCANTTAT AATNATATCA ATTAAAGTTG ATAAAAGCTT CAAA 164

配列番号：2456
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2826
配列：
GATCCCTTCT GCCCTGGCAG AATGGCAGGG GTAATCTNAG CCTTCTNCAN TCCTTTACCC 60
TAGCTGACCC CTTCACCTCT CCCCCTCCCT TTNCCTTTGT NTTGGGATTC AGAAAACTGC 120
TTGTAAGAGA CTGTTTATNT TTAATNAAAA ATATAAGGCT TAAA 164

配列番号：2457
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2827
配列：
GATCCAGAAT ATTTTCATTT AAAGCTCAAC CATTAATTGG AACATGGTGA AACATTGTAC 60
ACATTGTAAA AGTAGGGAAC AGTACAAAAG AATGGAATCA AATACTATAT TATGTGAATA 120

ANCTAGAGTG ATTTTGGAAT TTCACTCTCT TCACCCCTTA AA 162

配列番号：2458
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2828
配列：
GATCAAAAAC CTCTATAGTA GCCACTAGGG CAAAAACTGT GTGTATGTGT GTGTGTAAGT 60
GTGTGTACAC TGTTCAATAT GGTTCAATAT GGTACCAATA GCCACATGTG ACTATTTAAA 120
TTCATTGCAA TGNAATAAAA TTAAAGGTAT ACTAGCTCAA A 161

配列番号：2459
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2829
配列：
GATCTTCACC TCTCTGCCTC CCTACTGCCC CAACATAGCC TTGAGGAGGN TTCTCAGCCA 60
CCAAAGGGTT CTGGCCCCTT CTCACTCTCC TCTCCTCTCA GATGGAACTC TGGTTATAAT 120
GGTGTTAGTT ATCGAATAAA AACGACTTCA GAATGCAAA 159

配列番号：2460
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2830
配列：
GATCAATTTA AAATATTTNA TTTCTTAAAA GCCTTTTTTG CCTGTTGTAA TGTGCAGGAC 60
CCTTCTCCTT TCATGGGAGA GACAGGTAGT TACCTGAATA TAGGTTGAAA AGGTTATGTA 120
AAAAGAAATT ATAATAAAAG GGATACTTTG CTTTTCAAA 159

配列番号：2461
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2831
配列：
GATCTATTTA ATTTGAGGTT GATGTTCTAT CCAATGGCCG AAGATAGCAG CAGGTTTTTT 60
TTTTCATATG TTGATTTGTT TCATTTGGAT TTTTTTTTTA TNATNCTTNA TTGTCTTTTT 120
TTTNCCCCAT CCCTGTCTTG NGATTTNCNG GCATGTTN 158

配列番号：2462
配列の長さ：256
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2832
配列：
GATCTGAAAT GTGATGATTA TTGGAATGCA TAAACATTGA CGTATTTTGG AATGTATTAA 60
AACTGAAATG GATAAAAATT AGTATATATG TTTATTTTGT TCTATCTCCT TTGGTTGTAT 120
TTTTCTCTGC AGTATTAAAC ATTTGGAAGA GACTAAAGGT ATGCAAAANT AATGTCTTAT 180
TTTCATTATG TGTGCTTCCA TTTGACACAT GGGAAATTAG ATTAATTTCA CTATTAANTA 240
GNACTTTATA CAGAAA 256

配列番号：2463
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2833
配列：
GATCTTGTGT CTACTCTAGG ACTGGGCCCG AGGGTGGTTT ACCTGCACCG TTGACTCAGT 60
ATAGTTTAAA AATCTGCCAC CTGCACAGGT ATTTTTGAAA GCAAAATAAG GTTTTCTTTT 120
TTCCCCTTTC TTGTAATAAA TGATAAAATT CCGAAA 156

配列番号：2464
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2834
配列：
GATCTTCTCC TTTGTGAAGC ATCCCTCACC ACTACTACTG TGATGGGTCG GGGCCTTTCA 60
TCTGTTTTTC CACAGCATCT ATGCTTCTNT NCACTGTATC ATTTATCAAA TTGATNNTTN 120
CTGCGTCCTG TAAAAAACAN NGAGTACCTT AAGAAA 156

配列番号：2465
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2835
配列：
GATCTGCATT TATCATGAGT TCCTTTTTTT TTTAAACTTT ATTTTTGGGA AAGTAACACA 60
TGANGTAGTT CAGTCATGTC AGGTTTGTCT GGGGTGGANT GGACCAGTCA GGTAGTTGAA 120
AGTTTTTTTT TAGNGATGAA AAGCTTGTGA NCNCCTGTAA ANCATGCTGN ATTTGAAATN 180
CATCTGTTNA N 191

配列番号：2466
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2836

配列：
GATCCACCCC CTGCCCACAA AAAATTGCTC CTAACTCCAC CGCCTATCCC AAACCTACAA 60
GAACTAATGA TAATCCCACC ACCCTTTGCT GACTCTTTTT GGACTCAGCC CACCTGCACC 120
CAGGTGATTA AAAAGCTTTA TTGTTCACAC ANAAA 155

配列番号：2467
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2837
配列：
GATCCTAGCA AATTTGCCCA ACCANCTTTA CTAAAGGGGG AGGAAGGGAG GGCAAAGGGA 60
TGAGAAGACA AGTTTCCCAG AAGTGCCTGG TTCTTTTTAC TTTTCCCTTT GTTGTCGTTN 120
TTGTAGTTAA AGGAATTTAA TTTTTAAAAA GAAA 154

配列番号：2468
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2838
配列：
GATCGGGCCT AGCCCGGCAA CACTAATGTA GAAACCTTTT TTTTACAGAG CCTAATTAAT 60
AACTTAATGA CTGTNTACAT AGCAATGTGT GTGTATGTAT ATGTCTGTGA GCTATTAATG 120
TTATTAATTT TCATAAAAGC TGGAAAGCAG CAAA 154

配列番号：2469
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2839
配列：
GATCACCCGG GGCTGTCTGC ATACAGACTT CTCAGGGGAG TTCTCAGCTT GGACCCTTAT 60
CTCCCCAGAA TCCTGGAACC TGCTCCTTCT GCTCTCGTGA CTGACTGTGT TCTCTATGCA 120
ACTTCCAATA AAACCTCTTC ATTTGAAAGG AAA 153

配列番号：2470
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2840
配列：
GATCTTAAGC CCAGCTCTGT TCTGCCCCCG CTTTCCTCTG TTTGATACTA TAAATTTTCT 60
GGTTCCCTTG GATTTAGGGA TAGTGTCCCT CTCCATGTCC AGGAAACTTG TAACCACCCT 120
TTTCTAACAG CAATAAAGAG GTGTNCTTGT CAAA 154

配列番号：2471
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2843
配列：
GATCACAGGC CTTGCTTTTG TAACAATGAT GACCCCGGCC TGTCTCATAT TCTGAAGAGG 60
AAAAGTCAAA GTGTTGCTGN GGCTCCATAT TTCAACTAAA AATATATCTG TTGGAGAAAG 120
AAATTAACAA TAAAGAATTT TCATAGGTTA AA 152

配列番号：2472
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2844
配列：
GATCGTATTC CCTGCTTTAA GGAACTGNTA GNCTTGTTTG GGTGATGAGA CAAAGTTCTT 60
GAGACATTTA AACTGTATTT ACCAGTGTGA AAAATGTCAT TTATGGAGAT TAATTCATTA 120
TGGAAATAAA ACATTGCCTA AGCCCTTGAA A 151

配列番号：2473
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2845
配列：
GATCCAATCA GCTGTAAGTN TTAAGCACAG GGCTGAGGCT CCCTCCAAGT ACCCACTGGG 60
AACAGCAGCT TCAACCTGAG CCCTGNGTCC CAGCCAGCCC CCACAATCAC CTATGCCCAT 120
TCTTCAGAAT ACATTGGATG CATGTGCAAA 150

配列番号：2474
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2846
配列：
GATCCAGAGA GTCTGAAGAC ATTTCTNATG CCTTTATATA TTGGAGAACC CTTCCCCATT 60
TTNATATCCT TTCTTCAAAA ATCTAAATNA TGTGCCTAAA AATAAGACAT GGCATAATAA 120
GGTATAATTA AAGAGATAAT AGAATGAAA 149

配列番号：2475
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2847

配列：
GATCCAGTAC CTGAAAGATT TGATAGAAGA GGTCCGCAAG GCAAGGGGGA AGAAAAGGGT 60
CCCCTAGTTG AGGATAGTCA GGAGCGTCAA TGTGCTTGTA CATAGAGTGC TGTAGCTGTG 120
TGTTCCAATA AATTATTTTG TAGGGAAAGT AAA 153

配列番号：2476
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02848
配列：
GATCCTTTTG GAGTCAGACA GATGTGGTTG CATCCTAACT CCATGTCTCT GAGCATTAGA 60
TTTCTCATTT GCCAATAATA ATACCTCCCT TAGAAGTTTG TTGTGAGGAT TAAATAATGT 120
AAATAAAGAA CTAGCATAAC ACTCAAA 147

配列番号：2477
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02849
配列：
GATCTCCAGT GATTGGCGAT TTGACCTGGT TTCTNCCTGG ACTATTTGAA TGGGTGGATT 60
TGTTGGTGCA TCTCTTGTCT TCTTTCCTTT TCCATTCTCC TNTATTNTTN TATTTACATA 120
CTTGTATGCA ACTNTGTAAT CTGATTNCCC CATGTAACAT TNTAATTTGA NGGGTGGTCT 180
GCGTGTNCAC TGGAAAACAT ATNTATN 207

配列番号：2478
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02850
配列：
GATCGAGCTC ACAGGGGGCA CCCATCCTGN TAGTCAACAG AGTCTGAAGC AGTCAGGGTG 60
TTGGATTCCT CTGTTGTTGT CATCAATTCC TGCTGAGGGG TTTCTGGGGT TTTGTTTTTA 120
ATAAATAACT CCTTTGTAGC CTTAAA 146

配列番号：2479
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02851
配列：
GATCCCGGCC AGCCAGGTGA CCCCCACGCT CTGGATGTCT CTGCTCTGTT CCTTCCCCGA 60
GCCCCTGCCC CGGCTCCCCG CCAAAGCACC CCTGCCCACT CGGGCTTCAT CCTGCACAAT 120
AAACTCCGGA AGCAAGTCAG TAAA 144

配列番号：2480
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2852
配列：
GATCCAGGCA AATTCATGTT CTTTCTTTGT AACTCACTTT CTTCGTCAAC ATTTCTGTGA 60
CTCAATGGAT AGCATATTTC CATCAAGTAG CACGTATAAC GTGATGCTTT CATGTTTCTG 120
CCTTAAATAA AATAACCCTC AAA 143

配列番号：2481
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2853
配列：
GATCTCTTTG ACTGCTGTAG TACTAAAGTG TACTTAATGT TACTANGTTN AATGCCTGGC 60
CATTTTCCAT TTATATATAT TTTTTAAGAG GCTAGAGTGC TTTTAGCCTT TTTTAAAAAC 120
TCCATTTATA TTACATTTGT AACCATGATA CTTTAATCAG AAGCTTAGCC TTGAAATTGT 180
GAACTCTTGG AAATGTTATT AGTGAAGTTC GCAACTAAAC TAAACCTGTA AAATTATGAT 240
GATTGTATTC AAAAGNTTAA TGAAAANTAN ACATTTCTGT CCCCCTGAAA 290

配列番号：2482
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2854
配列：
GATCTGATTG AGATGTACAT AGTTTTTTTT TTTACCATAA CTGAATTATT TNATCTCTTA 60
TGTTAACATG AGAAATGTAT GCCAAATNAT TAGTTGATGT ATGTTTTTNA ATTTAATATT 120
TAAATAAAAT ATTTGGAAGG AAA 143

配列番号：2483
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2855
配列：
GATCCTTATC AGGGAGAGCA GGAATCCTTA TTCCCGGTGT CGCTAGTACT CATCTCTGCC 60
GCCTCCTGTC TGCCCCCAGG CTGCTGCTNC TGCTGCCCTG TGGGTTGTGC CAAGTGTGCC 120
CAGGGCTGCA TCTGCAAAGG GGCGTCGGAC AAGTGCAGCT GCTGCGCCTG ATGCTGGGAC 180
AGCNCGCTCC NAGATGTAAA GAACGCGACT TCCACAAACC TGGNNTTNNT TATGANCAAC 240
CCTGACNGTN ACCGTTTGCN ATATTNCNN 269

配列番号：2484
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2856
配列：
GATCATACAT TTTATATGGT TGGGACTTCT CTCTTCGGGA GATGATATCT TGTTTAAGGA 60
GACCTCTTTT CAGTTCATCA AGTTCATCAG ATATTTGAGT GCCCACTCTG TGCCCAAATA 120
AATATGAGCT GGGGATTAAA 140

配列番号：2485
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2857
配列：
GATCCAACCC CACCCTCCTG GGTGCGGCCA GAGGCAAGGC AGTCGCCCGA GCTCCTGAAT 60
CCCAAGAATG GTTCTGGCAA GTACTGCTGT TTGTTTGTAG GGGCAAAGAG TTAAAATAAA 120
ACGAGGTTCT GCCATGAAA 139

配列番号：2486
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2858
配列：
GATCTGCCGG CTCCCGTCCA GCCTGTGTGG AAAGGAGGCC CACGGGCACT AGGGANNCNG 60
AATTCTACAA TCCCGCTGGG GCGGCCGGGT CGGGAGAGAA AGGTGGTGCT NCAGTNGTGN 120
CCCTGGGGGG TCATTCGAN 139

配列番号：2487
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2859
配列：
GATCTTCAAT GCCTCTGAGT CATTGTTATA AAAAATCAGT TATCACTATA CCATGCTATA 60
GGAGACTGGG CAAAACCTGT ACAATGACAA CCCTGGAAGT TGCTTTTTTT AAAAAAATAA 120
TAAATTTCTT AAATCAAA 138

配列番号：2488
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2860

配列：
GATCATGGTT CTCTTTGTAC GATAGTTGGG CATCTGTATT TCCACTTGTG TGAATTTGCC 60
TTTAAATTTT GGTTATGGGT TTCACCTTTT AAAATAATCA AACATATTTA TCTTTTCCTG 120
TGTGATAGGT TTTTTNCTGT ATCTTTTCCT GTTAAACACA CAGACCCCTC CCCAATCTGG 180
ACATTGAATA CNTATTCATT TTCCTTTGCN NNAATANNCC NNANACANAC N 231

配列番号：2489
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2861
配列：
GATCTGCCCC TGCATTGTAG CTTGCTTAAC GGAGCACTTC TCCTTTTTCC AAAGGTCTAC 60
ATTCTAGGGT GTGGGCTGAG TTCTTCTGTA AAGAGATGAA CGCAATGCCA ATAAAATTGA 120
ACAAGAACAA TGATAAA 137

配列番号：2490
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2862
配列：
GATCTTTAAA TTTTGAGACA GTATAAGGAA AATCTGGTTG GTGTCTTACA AGTGAGCTGA 60
CACCATTTTT TATTCTGTGT ATTTAGAATG AAGTCTTGAA AAAAACTTTA TAAAGACATC 120
TTTAATCATT CCAAA 135

配列番号：2491
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2863
配列：
GATCCAAATA TTTTCAAGCC ATGTAATCCA TTGGTTTTGT GGGCAGTTTA ATAAACCTGA 60
ACCTTTGTGT GTTTTCTAAT TGTACCTGAG TTGACCATCC TTTCTTTTTA NAGTATATTT 120
CTNGTATGAT ATTNTGTAAA GCTCTCACCT GGTTCTTTTA TGGGGACTTT TCGTTTTTGG 180
GCAACTGCAG TGTATTTATG TGAANCTTTA TANGAGAATT ANTTTTTCCA TGTGCATATT 240
AATATGGTNC CTCCACACAT GGNNAGGGCA CAGTGGCTTC GTGTTN 286

配列番号：2492
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2864
配列：
GATCATGCCT CTTTCCAACA CGTGTTCACA ATCTCCAAAG GGACTGTATT TNTNCTCTGT 60

GCTTAATNTG ATTTGAAATA TGTTGAATCA AAGTGAAATA TTTATNTTTT GAATAAAGGA 120
GATAATAGCC TTAAA 135

配列番号：2493
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2865
配列：
GATCGAAAAC AAACGNTAGA TAATNCCCAA GGAGCTTACC AAGAGGCATT TNATATAAGC 60
AAGAAAGAGA TGCAACCCAC ACACCCAATC CGCCTGGGGN TTGCTCTTAA CTTTCCNGTA 120
TTTNACTATG AGATN 135

配列番号：2494
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2866
配列：
GATCATGCCA CTNCACTCAC ACTGACACTG CCTCGGACAA CAGAGCAANA CTNCATCTCA 60
AAAACAAACA AAAAAAATCA CAGNCTCATT TTAAAGGAGC AGCAACCNAA CCAAATACAA 120
NCTTCATTTG ACAAN 135

配列番号：2495
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2867
配列：
GATCATTAAC ATGCCAGGGC AGTTCCCACT GATTTAGATG GTCCAAGATA ATCTCATTCA 60
GGAGGCTTGA AACATTAATG GTTTAGTCTT GTGAATTTTA ACAGTTCTCT GTCATCGTTT 120
AACAAAACCA ACAN 134

配列番号：2496
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2868
配列：
GATCATGCCA CTGGACTCTG TGCTGAGCAA CAGAGTTAGA CCCTGTCTCT AAATAAATAA 60
ATAAACAAAT AAACAGTAAA AAAATGTATA GTTCAATCCT TATCTGTATT AAACTTCCTT 120
TAACTTGTGT GAAA 134

配列番号：2497
配列の長さ：133

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2869
配列：
GATCACATGT GGGCCCGTGT CTGGCCGCCG CCGCCCNGCC CCGTCCCTGC GGNCACCACC 60
TAATTTATTG CCGTGCGTCC TGCTGCTGTG ACTGCTTTTG TACCTTTGCA ATAAAGAATT 120
TTCTGGTTTC AAA 133

配列番号：2498
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2870
配列：
GATCCTGGAC ATATTTTATA TTTATACCAA ATATTTTATA TATTTNCTAC TGTTGTCAAT 60
GGTAGTGGTT TTTAAATTTT CAAACATTCA TTACTAGTAT ATAGAAATAN AATCACTTTT 120
TAAAAATGTA AA 132

配列番号：2499
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2872
配列：
GATCCTGTTT TTTCTTAACA AGTTGAGGCG TGGGTAGAGC AGGAATTGGT TTTCCAGCAT 60
TGTGTCCGTA AACCTGAGTT AGAATAAGAT GTAACGGAAG CCACGATAAA GACTCGGTCA 120
AATCCTGCAA A 131

配列番号：2500
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2873
配列：
GATCCTGGAT GGAACTGGCT TCTTTATCGA GAAGAATATA ATTCTCCATG AGGACTTAAT 60
GAATCCAAAC CTGTGTCATG CCTGGTTTGC ATACCCAATT AAACACTNGA AATAAAAATT 120
NTTNGGGTNN AAA 133

配列番号：2501
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2874
配列：
GATCTCTGCT CTTTGTCAGA GATTTGCAAA GACTCACGTT TTTNTTGTTT TCTCATCATT 60

CCATTGTGAT ACTAAGAAAC TAAGAAGCTT AATGAAAAGA AATAAAATGC CTATGTTGTT 120
GTTCTAGAAA 130

配列番号：2502
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2875
配列：
GATCAAAAAA GGCAGATGNA ANTACTTAAN ACTCAGTGTT TTGGAGAGAT TTCCTTTNAG 60
TTTGTTGGTT GGCTGGTTTG AACGATAGAA ATATGCAGCA TGCAATATAT GCTTATATTT 120
NATTTNAATN 130

配列番号：2503
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2876
配列：
GATCCCCCAC CTGGCAGAGG ACCCAGTACA AAATAGGCAC TCAATAGATG TTACACCAAC 60
TTTGGAAGGG CAAACATATT TCTTAATGAG AGGCAGTCCT TCATGTTTTN CAATAAAATG 120
ACTTTTAAA 129

配列番号：2504
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2877
配列：
GATCTTCTCC GAGGCCCACC GAAGGTACTG AAGAGCCTCA CCTGGGGGCA TTTTGTGGGT 60
GGAGGGCCAG AGTGTGTATA CCCAGGCTTG TCTGGAAGGA GAAGGCCTTT GCTGCCTGAA 120
AGTCTCAAA 129

配列番号：2505
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2878
配列：
GATCTAAATA AGTGTTTCAA GGAAAGTTTT CCTAAGCAAA TGTAATATTA CCTCATTTGG 60
GCATCATTAC TCTGTTAATT CTATATCAAA GGAAATAAAC TTGCTACTTG CACTAAATGA 120
AAAAACAAA 129

配列番号：2506
配列の長さ：128

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02879
配列：
GATCGTGCCC CGGGGCGCCG GCCCCTGNAG GGGCTCACCT GGATGGGGCC TGCAGTGCGT 60
TCCCGCTTTG CTTCCTTCCC TGGACGGCCC GCTCCCNGAA ACGCGCGCAA TAAAGTGATT 120
CGCAGAAA 128

配列番号：2507
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02880
配列：
GATCACTCTT GTGGTTTTGG GGGATGGCAT TATAAGAGAG GAGACTGGAN ACAGGGGGGC 60
TATTGTNATG CAGATTTGTT GGATGTCCAC CCAGCATTCA CTTTTNCCAT CTTTTGCCAG 120
GGGNNNN 127

配列番号：2508
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02881
配列：
GATCCCACGC AGCGCTGAAC CGAACCGAGT AGGAAGCCTT TCTCCCCANG GCACGTGGCT 60
TCAGGGCGTT TCCCATTGAC CAAGTTTGAC CCTGNTTTGA ATAAAGAGAA GTGCGTTTGG 120
ATTAGAAA 128

配列番号：2509
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02882
配列：
GATCGAGCTT CTCCTCTGAG TTCTAACAAA ATGGTGCTTT GAGGGTCAGC CNTTAGGAAG 60
GTGCAGCTTT GTTGTCCTTT GAGCTTTCTG TTATGTGCCT ATCCTAATAA ACTCTTAAAC 120
ACATTGAAA 129

配列番号：2510
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02883
配列：
GATCTCTGAT TTAACCGTGT ACTATCCACA TGCATTACAA ACATTTCGCA GAGCTGCTTA 60

GTATATAAGC GTACAATGTA TGTAATAACC ATCTCATATT TAATTAAATG GTATAGAAGA 120
ACAAA 125

配列番号：2511
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2884
配列：
GATCTTCCAT CTCCTCAGCA AAAAAATAGG AGCCCTGGCC CCCCAACTTT TTNCANAGTA 60
ATAGCCTTAN TTCCTTCCCT ATCTCCTTAC CAAAGTACAN GTNACATCTT TCCCACCTTT 120
CNTN 124

配列番号：2512
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2885
配列：
GATCTACAGA TTCAATGCAA TTNCTATTAA AATCTNATCT GGCTTTTTTT GCATAAGCAA 60
CAAAGGAAAA ANTAAGACAT CAAAATTTNA AGANCTTTTG TCCTACAAAC AATATCATGA 120
NGAN 124

配列番号：2513
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2886
配列：
GATCAGAAAA TTCATATTTA AGCAAAGTGA TACAAACACA GTGATTTGGG AATGCCTTCA 60
TTTACAATGC AATACTTAAA TTTTAATACT CTTGTAGGAG AAAAAGCAAC TGTATAAATG 120
AATGTAGAGT GACTTTCTGC AATATTTCAA ACCTATATCA GAGAATTACA CTGTGGGAAA 180
NCTACCATTG TAATAAGTGT AGCAAAATCT CCTTAGATAT CTGAAAAGTC ATACTGGATG 240
GAATCTGTAG GAAACGGTTC TATTTTGAGG GAAGGGGGAT TCCTTTTTGT TTTTTAAGTG 300
AATTCAGAAA ATGTTATAAA TAANTCTTTT GGTTTATTAT AAA 343

配列番号：2514
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2887
配列：
GATCTNTACC CCACCCCTAT CTAACACCAC CCTTGGNTCC CACTCCAGCT CCCTGTATTG 60
ATATAACCTG TNAGGCTGGC TTGGTTAGGT TTNACTGGGG CAGAGGATAG GGAATCTNTN 120
ATN 123

配列番号：2515
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2888
配列：
GATCCAAAAT TACCTTCCTA TTGCATTTCC TACTCCTTTG CTACGNGTAT TGGACCTCTG 60
GCCAAATNAC AAAAGATGTA CTCTTTGTNC TCTAAAACCA CACTAAAGTT TTCTNACTNN 120
N 121

配列番号：2516
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2889
配列：
GATCAACCAA CCTTAAATAT ATGTATGTAT ATATGTATAT GTGAAAAACA GTTTGTATAG 60
TTGGAATATT TGTNTTTGTA ATTACTTGTG ATGTTTTAAA ATAAAANTTT TATTCAGTTA 120
AA 122

配列番号：2517
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2890
配列：
GATCTGGCAC CCCCTGGGTG GAGTGTCCCT CGGGGGCTTT GGGAAAGCAT GGCACCCTCA 60
GACCACACAG TAGCCAAGTT CTGGAGCAAA TAAAAGGCCT GTGTTATNTC TTGTNCTTGA 120
AA 122

配列番号：2518
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2891
配列：
GATCTCAAAG ATATGCACCA GTTTGAATAA ATGCTTGTTT AAAGATTAAA TTTTACAATT 60
CATTTTAAAT TNTCATTTTG TGACAATATT TCTAAACAAC GNCCATTTTA ATNACCAAA 119

配列番号：2519
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2893

配列：
GATCATAGGA TAGCTGACTT TGACAGTCAC ATTTATAAAG TAATTCACTT AAAGATATAT 60
ATTTTTTTCA AACAAGTTTT GCTACTTTTG AAAATAAATC TTTCTTTATA TTGCTAAA 118

配列番号：2520
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2894
配列：
GATCCAAACC CATCTTCCTG GACCTGAAGC TTATGCTTCC AGGCACCCCA CTCCTGAGCT 60
GAATAAAGAT GATTTAAGCT TAATAAATCG TGAATGTGTT CACATGAGTT TCCATAAA 118

配列番号：2521
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2895
配列：
GATCTGCACA GTGTTATGGC ACCCTACTTC CTGCAGCAAC GGGACACNCT GCGGCGCCAT 60
GTNCAGAAAC AGGAGGCCGA GANCCAGCAG CTGGCAGATG CCGTCCTNNC AGGGCGGN 118

配列番号：2522
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2896
配列：
GATCCTATCT TTNCTGGCAG GACTGGNAGC CATGGTGGGC TACGTTNTGN TCAGCGGCAT 60
TNTTTCCATC CAGCGGGCAA CGCTGCTCGG GCCCCAGGCA CCCGGACCCT GGGCATGN 118

配列番号：2523
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2897
配列：
GATCTAGTCC GGACTTGCTG TGTATATTGT AACGTTAAAT GAAAAAAGAA CCCCCCTTTG 60
TATTATAGTC ATGCGGTCTT ATGTATGATN AACAGTTGAA TAATTTGTCC TCAGAAA 117

配列番号：2524
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2898

配列：
GATCGTNATT NAGAATCCAT GTGAATAGAC CTGCGATGGC CAAGGCTGTT TAAGCNACAC 60
TGGGTTGGAA ACACTTGGGC TCTCTCATNA TTATTAAAAT TCTATTTCAA TCTAAA 116

配列番号：2525
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2899
配列：
GATCCTTTGC NTTCAAGACT AAGTTAATAG AGAAGATGTT TGTAACTNTG GCCCAAGCTT 60
GGNCTCCCAG TGTATTGAAG CTAACTCCTT TNAGAAGCAC CACTCTCATA TATNAN 116

配列番号：2526
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2900
配列：
GATCTCTGGG TAAAGAGGCC GTTTATCTTT GTAAACACGA AACATTTTTC CTTTCTCCAG 60
TTTTCTGTTA ATGGCGAAAG AATGGAAGCG AATAAAGTTT TACTGATTTT TGAGAAA 117

配列番号：2527
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2901
配列：
GATCTAGGAA GACTTTGGAA AGAGTAGGAA GACTTTGGAA AGACTTTTCC AACCCTCATC 60
ACCAACGTCT GTGCCATTTT NTATTTTACT AATAAAATTT AAAAGTNTTG TGAATCAAA 119

配列番号：2528
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2902
配列：
GATCCCCAGG AGGCCTGGNC CGCCCAGAGG CTCCTCTCAG GCTGGGCCCC GACGTTTGCG 60
NCAGTGTTCC TTGTGCCCGT GGGGCCGGGA GCNAGTAAAG TCTGGGCCAG GCAAA 115

配列番号：2529
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2903

配列：
GATCACGTTT CAGGGTCCTC CAAAANGCTA GCCCGGCACT ACACTAGGGA ATTTCNCCCT 60
CTCCTGTCAC TTGTCATGGT CTTCCTTGGT ATTAAAGGCC ACCATTTGCA CAAAACAAA 119

配列番号：2530
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2904
配列：
GATCCCAGAA ATGTAGCTTG TTTCATATTT TAGTCTTCTT ATTTTTGTAA AATGTGTAGA 60
ATTTGCTGTT TTTNTTTTTC TTTTGACAAC TCAGGAAGAA ACTGACCTCA GAAA 114

配列番号：2531
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2905
配列：
GATCAGCCCC CAAAGAAATG GGGGTGCATG CTGGGCCTGG CCCCCTGGCC CACCCCCACT 60
TTCCAGGGCA AAAAGGGCCC AGGGTTATAA TAAGTAAATA ACTTGTNTGT ACAGCCAAA 119

配列番号：2532
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2906
配列：
GATCTTGGCT TCTCAACAGG GCAAAGATAC CAGGCCTNCT GCTGAGGTCA CTGCCACTTC 60
TCACATNCTG CTTAAGGGAG CACAAATAAA GGTATTCGAT TTTTAAAGAT AAA 113

配列番号：2533
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2907
配列：
GATCAAAATG TTTGAAGAAA GGAACTTTAT TTTTGCAAGT TACGTACAGT TTTTATGCTT 60
GAGATATTTC AACATGTTAT GTATATTGGA ACTTCTACAG CTTGATGCCT CCTGCTTTTA 120
TAGCAGTTTA TGGGGAGCAC TTGAAAGAGC GTGTGTACAT GTATTTTTTT TCTAGGCAAA 180
CATTGAATGC AAACGTGTAT TTTTTTAATA TAAATATATA ACTGTCCTTT TCATCCCATG 240
TTGCCGCTAA GTGATATTTC ATATGTGTGG TTATACTCAT AATAATGGGC CTTGTAAGTC 300
TTTTCACCAT TCATGAATAA TANTANATAT GTACTGCTGG CATGNAAA 348

配列番号：2534

配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2908
配列：
GATCTGATGG TTTTAAAAAT GGGAGCTTCC CTNCACAGAC TCTNTCTCTC GTGCCGCTGC 60
CATGGCCATG TAAGNAGTGC CTTTNACCTT CCCCCGTGAT TGTNAGGCCT N 111

配列番号：2535
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2909
配列：
GATCCCAACA GGACAAATCT GTGTACCTAT CTTTCTATCC TCCCTGAGCC TGTACCAACT 60
AGATTCTTCA TATGTATTTG TAACAGATTA AATTGGAAAG CAAACACAAA 110

配列番号：2536
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2910
配列：
GATCCCCAAC TGCTCCAGCC TCTGCCCAAC TGAATCTTCA GCATGTTCTC ATCGGCGGAC 60
TNTCTTGTGT AATGTAAACT GTGCCATGTT ATTAAAAAAT GTGAACTAAA 110

配列番号：2537
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2911
配列：
GATCTGTTTG GAAAACATAG ATTGTTTTCC CCTCAAATAA GGGGAAAAAA AAANACCCTT 60
TNTNCAAATN GNTTCTTTTG TAAAAAATTA TTTTAAAAGG AAATCACAAN 110

配列番号：2538
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2912
配列：
GATCTTTTTA ACTCTACTGT GTCATTAAGA TGCTTTGTAC AATGCCAAAC CATAGTTGGA 60
GAAACTAAGT TTAATAAATA TCAAATAGAT TTTCTGTATT AAAGTTAAA 109

配列番号：2539

配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2913
配列：
GATCTCCCCC ACCCTTGGAT TAGAGTTCCT GCTCTACCTT ACCCACAGAT AACACATGTT 60
GTTTCTACTT GTAAATGTAA AGTNTTTAAA ATAAACTATT ACAGATAAA 109

配列番号：2540
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2914
配列：
GATCTCCTNT CCCTCACTCA GTGCACGGGA CAGCTNCTCC TCCGTCACAG CTTTGGNATG 60
AAAGACAGAA GACAGCATGA TTGGCCTCAC CCACGTGCAG GNCAAATNN 109

配列番号：2541
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2915
配列：
GATCTGTCAC TCAACTTGCT GCGTNACCTG AACACGTCAC TTTACCTCTC TGTGCCTCAG 60
TTTTCCCATG CATGAAAAAT AAAATAAAAT AAAACGGGGA TTCTAAA 107

配列番号：2542
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2916
配列：
GATCAGTAAG GATTTCACCT CTGTTTGTAA CTAAAACCAT CTACTATATG TTAGACATGA 60
CATTCTTTTT CTCTCCTTCC TGAAAAATAA AGTGTGGGAA GAGACAAATA AA 112

配列番号：2543
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2917
配列：
GATCATAGAA GGTTGGGGTT CCAGAAAGGC ATCTGTGTGA TGGTTCCATT GATGTGGGAT 60
TTCCCTACTT GCTGTATTCT CAGTTTCTAA TAAAAAGAAC CAAATNAAA 109

配列番号：2544

配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2919
配列：
GATCCAGGAG ATANTTTTTT CATTCATCCT GACCAAGACT GAGCCAGCTT AGCAACTNCT 60
GGGGAGACAA ATNTNAGAAC CTTGTCCCAG CCAGTNAGGA TGACAGTN 108

配列番号：2545
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2920
配列：
GATCGAGCCC AGCGTACAAC TTCCTCAAGT CGCCCAAAGA CAACGTGGAC GACCCCACGG 60
GGAACTTCCG CAGCGGGCCC CTGACGGGGT GGCGGGTGTT CCTGCTGCNN NNGTGCGCTC 120
TCCTGGGCAT CGTTGTCTGC GCCGTGGTGG GGGCCGTGGT GTTCCAGAAG CGGCAGGAGC 180
GGAACAAGCG CTTCTACTGA GTGGCGCCTC CGGCGGTGGC CTGTCCCTGG GCCCAGGAGC 240
CAATGTGAAC TTTTTTGGNT ACCGGGATTA TAAANGAACA ACAAGATGAC CTTATTTCTT 300
AACTGTTTCA AATAAAATGA TTAAAAGTAT TTTCAAAAAA AGN 343

配列番号：2546
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2921
配列：
GATCCTGCCG TGCCCCCATC CTGGCTGTTG GGGGTGTCCT GAGCCCACCT NNNTNCGCCT 60
GTTCCCTTCA GCCAACCCGT TTCTGCAGTA AAATTAAGCC TGTCAAA 107

配列番号：2547
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2922
配列：
GATCACTGAA CCAGACACAG CATTGCTGAC ACATGAGACT AACACGTGCA ATTATTTAAA 60
AAGATTTCAA TAAAACTNCC TGGCTGGCTC CGGGCCGCCC CTAAA 105

配列番号：2548
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2923
配列：

GATCCTGTGG GTTTAGTATC ATTATCTTCA GCTCTTTGAT ACNCTGTGTT AGAGTAATAG 60
CTAAAGGAAG TTCATGTCAA TAAATTCATA CTTATATCAC AAA 103

配列番号：2549
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2924
配列：
GATCCAGAGC TGGGGTGGAA GGAGAGCCAT TCTGAACGNC ACGNCTGGCC CGGTCAGTGC 60
TGCATGCACT GCATATNAAA TAAAATCTGC TACACGCCAG GAAA 104

配列番号：2550
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2925
配列：
GATCCCNAGG CTCTGTTCCA TGAGCCTGTT GCANGTTTTG GTACTTTAGA AATGTAACTT 60
TTTGCTCTTA TAATTTTATT TTATTAAATT AAATTACTGC AAA 103

配列番号：2551
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2926
配列：
GATCGATGAG GCAGGTCAGT TGTAAGTGAG TCACATTGTA GCATTAAATT CTAGTATTTT 60
TGTAGTTTGA AACAGTAACT TAATAAAAGA GCAAAAGCTA AA 102

配列番号：2552
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2927
配列：
GATCATATCT AGTNTTNAAA TCTCTAGGAA CAATAGAGAT TATATCATAA CTCTGAAGAT 60
GGACTCTAAA CTTTGGTTTA CCTCCATGGA AAATAANCGN NN 102

配列番号：2553
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2928
配列：

GATCGAATGA GGGTTAAATG AATTATTTCA TGTAAAGCTC TTAGCCCTGT GCCTGGTACA 60
TAGTAAATNC TAAATAAATA GTGGTATTCT TACTGTTTAA A 101

配列番号：2554
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2929
配列：
GATCCAGCTT ATTCTTTTAT TTTCAAGTCC ATTCTTGGGG CTGGTGGGGA GGCAGGAGAA 60
TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT NTGATGTTGG CAGGGGAGGG 120
GAGACCTGGG TGGTGNCTGA GTTCCCTTTA TCAAACCCTT CAATGGGCAC AAAATTGAGT 180
GCTTNNTTNN TAGGTTTTAT TTNNNNATGA ATGTCCAAAT CTGTGTTTCC CCCTGCCANA 240
ACAGACTGTG TGGCCAGTTG AAAGTGTCTT GGTTTGTGGT TCATCTCTCC CTCATTTTCT 300
TGGAGGCAGG GCCTGAGANC CCTGNCANAA TCTCCTATGG TTNTGAATCC ACGGCTTCTT 360
TTTGGACATT AAAGGTTGAT TTGATGCAAA 390

配列番号：2555
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2930
配列：
GATCTATCCT CAGCACTGCT GAGTGTGCAG TCACACTTTC CTACCAACCC NCTTCTTACC 60
ATCTCTAGCT GCCATTTGTG GGGGGAACAA AACAAGGGAA TCCTGATTGT GTACAGTATA 120
AATTGTATTA TATTTTTTGT ACTTATGTTT TATGTAAATA GTTTGTCTCA TTCAATTGTA 180
TGTGAGCATT GAAATAAATC CTACCATTTA GGGGAAAAAA ATNNAAA 227

配列番号：2556
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2931
配列：
GATCTTCAAA AATAATGCCT CTGTCTAGCA TGCCAACAAG AATGCATTGA TATTGTGAAC 60
ATTTGTGATA TATGTATTAA TAAATAGAGC AATTACAAGC AGCAAA 106

配列番号：2557
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2932
配列：
GATCTTTCTT ACACAGTGAT TCATTCCTCT ATTTGTACAG TGGCTTTATG AAATATTGTG 60
AATTGATACT GTAATCAATA AAGTGCTTTT AACCAGAAA 99

配列番号：2558
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2933
配列：
GATCCTGGTT CCCTGTTTGG AAAATTCACC ACCTCTAGCT CCTCACTGTT CTTTGTAATT 60
AACACGCTGT TGGTAATCTT ATTAATTATT TAACCAAA 98

配列番号：2559
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2934
配列：
GATCTGGGGA CCCTGACTGC ACAGAACAGT GGGCGCNTTA CAGACCACCG ACCGCCCGAG 60
GGTGAATTAC ATCTTAATAA AGCTACTGTG AGAGAAA 97

配列番号：2560
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2935
配列：
GATCGCCGCC AACATCCAGG CTGACTACTT GTATCGGTGA CGCCCCACCG GCCCGCAGCC 60
CCTGCTGCCC AATAAAACCA CTCCGACCCC AAA 93

配列番号：2561
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2936
配列：
GATCATCCCT TGACAGTAGT TTGCTTTCAT CTCACCTTTC ATTTGTCCCA AANNCACCTA 60
TATTTAATAA AGTCCCCCCC NGTNGTCTCA AA 92

配列番号：2562
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2937
配列：
GATCCACAAA ATGAGACAAT GCATGTGAAA ATCCATGCTC ATGTTCTAAA CATGGAAACT 60
AGGAGCCTAA TAAACTTCCT AATTCAGTAA A 91

配列番号：2563
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2938
配列：
GATCGTATTT TTATATCATA TTCACATATT TNTTTTTTTA ATTGGTGTTA GATGACATGA 60
TTAATAAAAA AGGCAAGATA TTTTCAGAAT TTGAAA 96

配列番号：2564
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2940
配列：
GATCGCGCCA TCGCACTCTC AGCCTGGGCA ACAAGAGTGN AACTCCATCT CAAAAAAATA 60
AAAATAAAAT AAGTAAGNAA TACCTAAA 88

配列番号：2565
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2942
配列：
GATCTAATAT ATATCATCAG AAAATATATA TTGTATGTTT ACTCTTATTT TCAGAAAGAG 60
AAAATGAATA AAAATGATGA CATCAAA 87

配列番号：2566
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2944
配列：
GATCGCTTGA NCCCAGGAGT TTAAAACCAG CCCGAGGAAC ATGGCGAAAC CCCATCTTTA 60
CAAAAAATAC AGAAATNAGC CAAGAAA 87

配列番号：2567
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2946
配列：
GATCTAAGGG GTTGCCATGG TGTTGAACAA TGCAACTTTT TATTTAAAAA AGCTCTGCAC 60
TGCCATGTAT GAAAGTNTCT TTATGN 86

配列番号：2568
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2947
配列：
GATCCNGGAT TGCTGGGAAT GGAAGCCAGG TGGGGTCATG GCACAAGTTC TGTAATCTTC 60
AAAATAAAAC TTTTTTTTTG TACAAA 86

配列番号：2569
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2948
配列：
GATCCTGGCC ACTATGCCAG TTCTGACCTC GCATCCCCCT ACCCCGAGCC CATGCAGTCT 60
GGGAACATGC CGCCTTCTCT CCAAA 85

配列番号：2570
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2949
配列：
GATCAAATTG TACTAGTGTC TGCAGGGTTT GTCAGTACTC GTCAAAGCCA AGTCCAATTA 60
AAAAAAAAAG TCTTTGCCCT CCAAA 85

配列番号：2571
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2950
配列：
GATCTTTTCT TTAAAATTTC TCTGCACACA CAGGACTTCT CATTTTCCAA TAAATGGGTG 60
TACTCTGCCC CAATTTCTAG GGAAA 85

配列番号：2572
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2951
配列：
GATCTTTTAC CCCTTTCACT CTTGGCTTTC TTATGTTGCT TTCATGAATG GAATNGAAAA 60
AAGATGACTC AGTTAAGGCA CCAAA 85

配列番号：2573
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2953
配列：
GATCTGCCTG ATGGGAGGGC TCCTGTCGAG GGAGACAGAC ATATCCCCAC TGAAAAATTA 60
ATAAAATTGG TTTTACATAT CAAA 84

配列番号：2574
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2955
配列：
GATCTGACTG GAAAACAATC CTGTATCCCC TCCCAAAGAA TCATGGGCTT TTTTTTTNAN 60
TTAAAAAGCA GACAAATAGA CAAA 84

配列番号：2575
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2957
配列：
GATCAAAAGA AACTTAAAAA GTGGAATGGG ATATGGCTTT TGGTACCTGA AAATAAATNC 60
TTTAATAATT GTAAGCCAGA AA 82

配列番号：2576
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2958
配列：
GATCAAAAAT ATAGTTATAA TTTTNTAAAT TTNAAAAATG TGATTGCNCT AATAAAGAAT 60
AAAANCTATG CTTTTAAACA AA 82

配列番号：2577
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2959
配列：
GATCACTGCA GNTTCTAGGA CCCGGTTTCT TTTACTGATT TAAAAACAAA ACAAAAAAAA 60
ATAAAAAAGT TGTGCCTGNN ACAAA 85

配列番号：2578
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2960
配列：
GATCTCCCAT AATTTGAAAT TGAAATCGTA TTGTGTGGCT CTGTATATTC TGTTAAAAAA 60
TNAAAGGACA GAAACCTTAA A 81

配列番号：2579
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2962
配列：
GATCCACCAT CTTATCTTGG TGCCATCCCT GACTTGGCTT CTGTTCATAA ATGCCTATTA 60
AATGTTTCTT TCTGAGAAA 79

配列番号：2580
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2963
配列：
GATCCAATTG CTGGTTACAT TTTGGGAAGC TCTCATTTTA GTGCTATGTA GTTTCATTGA 60
ATAAACTGTT TAATATAAA 79

配列番号：2581
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2964
配列：
GATCTAAGAG GAAAGTGGTT ATCGGTTGCN NTTTATTTAT AAAGGATGCA AACATAAAAT 60
TAGATTTTTG GCAAA 75

配列番号：2582
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2965
配列：
GATCAGCCTT TTTGTTTCAA TGAGGTGTCC AACTGGCCCT ATTTAGATGA TAAAGAGACA 60
GTGATATTGG AAA 73

配列番号：2583
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02966
配列：
GATCCCAGAG TGGCCTGCCT ATCACAACCA CATCCCTTCC CCCCACAAGG CAATAAATCT 60
CATTTCTTTA AA 72

配列番号：2584
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02967
配列：
GATCAACGAC AAAATGCACT TCTCCCTCAA GNAGTGAGGC TTGGTCCAAT ACATGGCTCT 60
GCCCCCCAGA AA 72

配列番号：2585
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02968
配列：
GATCAATCTT GTATTTTCTG ACCACATAAA GGCTTCTTCT CTTTGTAATA AAGTAGAAAA 60
GCTCTCCTCA AA 72

配列番号：2586
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02969
配列：
GATCTTGTTT CTGAAGATGG TTTAAGTTAT AGCTTCTTAA ACGAAAGAAT AAAATACTGC 60
AAAATGTTTT TATATTTGGC CCTTCCACCC ATTTTTAATT GTGAGAGATT TGTCACCAAT 120
CATCACTGGT TCCTCCTTAA AAATTAAAAA GTAACTTCTG TGTAAA 166

配列番号：2587
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02970
配列：
GATCATAGGA GAGACCCATT NGCTAGCTAC TTCATTCGTT CTGACCTAAT AATAAAAGTT 60

AGAACCATAA A 71

配列番号：2588
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2971
配列：
GATCTGACGT TCCTTGTGAC TTAAGGGTCC GGCTTGGGAA TTAAAGTTTG TTTCTGGCCT 60
TTAGCCTACA AA 72

配列番号：2589
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2972
配列：
GATCTGGCCA GTCAAGGGTC CACAGGGTGC CAGCCTCTCA CCCTCAGAAT AAAGACATCA 60
GCCATTCAAA 70

配列番号：2590
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2973
配列：
GATCATCTAA ACTGAGTCCA GCTGCCTAAT TCTGAATATA TATATATATA TATATCTTTT 60
CACCATAAA 69

配列番号：2591
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2974
配列：
GATCCTTATT ACAGGAAAAG CATGAGTGGT GGCTAACCTG ACCAATAAAG TTATTTTATG 60
ATTGCAAA 68

配列番号：2592
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2975
配列：
GATCTTAGAT TTTATGTAGT ATTAAGTGAA AAAATACGAA AATAATAAAC ATTGAAGAAA 60

AAAATAAA 68

配列番号：2593
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2976
配列：
GATCACATTT TCTGTTGGTT AACATTNTTC CTAGCTTATA TGATGGAATT AAATATATTC 60
TGTGTAAAAA GGAAA 75

配列番号：2594
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2978
配列：
GATCCACCTA ACAAGAAACC TAAAGTGTAG AGATTGCCAT TTTNATTTGT AATTTTTTTT 60
TTTTTTN 67

配列番号：2595
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2980
配列：
GATCACACAC CGGCTGTATT TAATATGTAA CATTTTCACA NATATTAAAG ANACAGAAGT 60
ATTAAA 66

配列番号：2596
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2981
配列：
GATCAGCATG GGCCACGTAG NCGNGACTCC ATCTCTACAC ATAAATAAAA AATTAGCTGG 60
GCAAA 65

配列番号：2597
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2982
配列：
GATCCAATTT ATGTTTTTTC TTTNTTTATA TTTTGGGGAA AATTAAAATT TTTTTAAGGT 60

63

AAA

配列番号：2598
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02983
配列：
GATCACGCAA TAATGACTAT GTAATCTCAA AAAACAAATA AAATATTCTT AACATGGCAA 60
A 61

配列番号：2599
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02984
配列：
GATCCAAGCA GTGTGTCACT ATATAACTGA TAAAAGCACT TGGTCTTNGA TTATCAGAAA 60

配列番号：2600
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02985
配列：
GATCATTTTG CACATAGCTT TATCAACTTT TAAACATTAA TAAACTGATT TTTTTAAA 58

配列番号：2601
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02986
配列：
GATCTTTGCA GTTTTGNGAC AATTACAAGT AAAGCTGCTA TAAACATTTG TATGCAAA 58

配列番号：2602
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02987
配列：
GATCGACACG CAGCTAGCCT CCTGCATTGT ATGGTTATAA ATAGCACCCT AGTGAGTNCT 60-
GTCGTCCAGT CAAA 74

配列番号：2603

配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2988
配列：
GATCCTGGGG CAACCCATCT GGTCTCTTGA ATAAAGGTCA AAGCTGGATT CTCGCAAA 58

配列番号：2604
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2989
配列：
GATCACGTTT CGTGTTCATA CTCAACGTTA ATAAAAGGAG AGAGTTTGTA GTGAAA 56

配列番号：2605
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2990
配列：
GATCGCTGTG CCTGGCATAT AGTAGGTGTT CAATAAATGC CCTGTGACTC TCAAA 55

配列番号：2606
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2991
配列：
GATCTATCCT CAACAACAAC AGAAAAAAGG AATAAAATAT CCTTTGTTTC CTAGTGAAA 59

配列番号：2607
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2992
配列：
GATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA GTTTTTTTTG TTGTTAAACA TAAA 54

配列番号：2608
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2993
配列：

GATCTTGTAT TCAGTCAGGT TAAAACAACG GACAATAAAA GAATGAACAC AAA 53

配列番号：2609
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2994
配列：
GATCTGGGGT GGGAGTAACA GGGCAGAAAT GATTAAAATG TTTGAGCACA AA 52

配列番号：2610
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2995
配列：
GATCCTTTTT TTTTTCCACA AAATTTTTAC AAATAAAAAA TGTTCCCCTA AA 52

配列番号：2611
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2996
配列：
GATCTCAAAG TGCCTTCTGA AGCATCAGAG ATTAAATATT GTTCAAACTA AA 52

配列番号：2612
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2997
配列：
GATCTGAATG GGGCTTNCCT GATGTTGGTA TCTAAGGCTT AGGCCTATAG ATN 53

配列番号：2613
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO2999
配列：
GATCTTGAAT GTATTTTCTT AAGTTTATTA ATAGACATTT TCACAATAAA 50

配列番号：2614
配列の長さ：50
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03002
配列：
GATCTATCTG GAAAATGNAG GACTCCGAAT AAAAAGCTAT TACTAATAAA 50

配列番号：2615
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03005
配列：
GATCAGGGGA AATNTTTAAG CTAAATAAAT CTGGGGGGTT TTTTATTCAA A 51

配列番号：2616
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03028
配列：
GATCGAATGG TATATATTAG AAATTACATC TGTTGTAATT AAAATTGTGT GAGCAATTAA 60
ACATGGTTGA NTTTTTCAAG CAAAAATCAG TTCATCTTTT GATGTAATTT TCTAGGCTAA 120
ATGGCAATCT CTGAAAGATG AATAAAGCTA TATTTATTTA GCAAA 165

配列番号：2617
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03030
配列：
GATCACATTT TAAGCATCTN TCTCTCCTAC TCCATTTAGA AAAATAAGTA ACAGGTGAAA 60
TGTGGTCTCA GTGTTAACGG GATAATTCTG CTACCGGCTC CTCCCTGATG ATTCTNAAAT 120
ACACTACTGA ACGAGCTCTG GCTGGTCCTT TCTATCCTGG ATGTGGTTCT TCTGTGTAGC 180
AATTCCTTGA NGTCCAGGTT GGAAAGATGT ACTCTTCTCA ACCAAGGAAA ACCTTAAATC 240
CCGTCGTGGC CAAA 254

配列番号：2618
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03031
配列：
GATCAACCCC AGACTGGGCC AGAATGTTAG TGAAGGTTTT ATTGTGCCCG GTTGGAGGAT 60
AACGTTCTTT GGGTACTTTT TGTGGGTTGC AAATNAACTC AATTGCCACA AGTTTTAAAC 120
TGGTGTAAAT CAAGCTTGAC TTAATGTGAT TGTNACTGTT ATATCCAGNC TATACTGCTA 180
GCAGCTGCTC ATACTGCAGT CAATTACTGG AAGCGGATAT ATTTCCTATG CAAAAACTGT 240

TTAAACAATA AAATGAGCTA TGCTACAGAA A 271

配列番号：2619
配列の長さ：489
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03053
配列：
GATCCACAGC TTAAAGATGG GAATTCAGGT ATGAAAGAAA ACAGGCAAGG AGGCACTGAG 60
GGAGAAAGAC ACAGACTTTA TCGCTCTGTG GCTCATTGTT ACTGGAATAT NCTAAAACTC 120
TTGTNCACAT GCTATTATGA CTTATAAAGC AGCAACAGCT GAGGCGCACC AGGACACAGC 180
TTCCATTTCT TTAACGTCTG TNCCCTTAAC ATCGCTGAAA TNATTTACTG TTGAAGAGAT 240
GCCTTGCGGT GTGGCCAGCT GTGAGGAGAA AGCAGCTGGC AGTGTTAGGA CATTAGTCCA 300
CCTTCAGCGC AGGGTCTCTG GCCGGGTCTG ACTCAGAAAC CTTGGTACTC GNCCCTTGGN 360
CACAGTGCCC AGACCCATGT AACCNACTNG NTCCTGCATT AACCNAGAAA TACCTCGGTT 420
CTATNTGTGC ACTTAGCTGG GGACTTACCC ACTGTAATCA CCTNAATNAA NGGGTTNTAA 480
ACATGGAAA 489

配列番号：2620
配列の長さ：471
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03055
配列：
GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATN ACCTGCCCAT TCGTNAGGAN GACCCACCCA 60
CCCAGTGTTA TATTCTGCCT CGCCGGAGTG GGTGTNCCCG GGGGCACTTG CCGACCAGCC 120
CCTTGCGTCC CCAGGTTTGC AGCTCTCCCC TGGGCCACTA ACCATCCTGG CCCGGGCTGC 180
CTGTNTGACC TCCGTGCCTA GTCGTGGCTC TCCATCTTGT CTCCTCCCCG TGTCCCCAAT 240
GTNTTCAGTG GGGGGCCCCC TCTTGGGTCC CCTCCTCTGC CATCACCTGA AGACCNCCAC 300
GGCAAANACT GAATGTAANC TGTGNCTGNN GNCTCGGTCC AACTTGCGGN CCGTGTTTNA 360
CTNAACTNAG CTCCTTTAAC GGTAATATTT CNGGGAAAAT CCCATGNTTG GGTTTTGGTC 420
TTTAACCTTG GTAACGGTTG AAATCCAATT AAAGNTTTAA AAGTCATGAA A 471

配列番号：2621
配列の長さ：435
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03056
配列：
GATCACCATT AAATCTGAAA GTACCTTTAA AAATACTGAG ATTNCCTTCA TACTGGGCCA 60
GGNATTTNAC GAAGNACCTG CAGATGACAG GAAAGTCAAG AGCACCATAA CCTTAGATGG 120
GGGTGTCCTG GTACATGTNC AGAAATGGGA TGGAAAATCA ACCACCATAA AGAGAAAACG 180
AGAGGNTGAT AAACTGGTGG TGGAATGCNT CATGAAAGGC GTCACTTCCA CGAGAGTTTA 240
TGAGAGAGCA TAAGCCAAGG GACGTTGACC TGGACTGAAG TTCGCATTGA ACTCTACAAC 300
ATTNTGTGGG NTATATTGTT CAAAAAGNTA TTGTNGTTTT CCATGGATTT AGCAAGCAAC 360

TAATTTTNTC CCAAGCTNGN TTTTTTTCAA TANTGGTNAC GTTGGNTAAA TAAANNTTTT 420
TTTAGGNTTT TNAAA 435

配列番号：2622
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03058
配列：
GATCTCATCA GGGGAAGGCT CTGTGATGCT GCAGGTTGAT GTAGACACAG TAAAAGGAGG 60
GCTGAAGTTG AACCCCAACT NNCTGGTGGA CTTCGGGAAG GAGCCCCTTG GCCCAGCCCT 120
TGCCCATGAG CTCCGCTACC CTGGGGGCGA TTGTAGCTCT GACATCTGGA TTTGAACTCC 180
ACCCTCATCA CCCACACTCC CTATTTTGGG CCCTCACTTC CTTGGGGACC TGGCTTCATT 240
CTGCTCTCTC TTGGCACCCG ACCCTTGGCA GCATGTACCA CACAGCCAAG CTGAGACTGT 300
GGCAATGTGT TGAGTCATAT ACATTTACTG ACCACTGTTG CTTGTTGCTC ACTGTGCTGC 360
TTTTCCATGA GCTCNTTGAG GCACCAAGAA ATAAACTNGT AACCCTGTAA A 411

配列番号：2623
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03059
配列：
GATCCAGGCG GGATGGAGTG TGGAGTGTGG GCACAGTGGC TTGTACAGGC CTGGNCTGGG 60
CAGACTTGCC CCGGAGTCTC AGGCCACTGC GGAAGGAGGA CGCGTGGCCA GCAGGTGCCA 120
CCAGGAGAGG AGAGGAGGGC CAGGCTGAGC TGCATCTNTG GACTCCAAGG AGAGCTTGGA 180
GAGGTGACTG AAACCCTGCC CCACCCCCAG CCTGTNTCCA TCTGTGGGTC CTTGGGCAAA 240
TTGCCTCATC TCTCTNAGCC TCGAATGCGT AGTTTCAGGA CTAACTAGGG TACTGTGTAC 300
CAACTGCCTC TGCCAACGGC CCTGCACTGG GCANGCCTGG GGTACCTGGG CTTTGGGGNA 360
AGGAAGTAGG CCTTNGGNAG GAGGCTGGAT TGCTTACAAT TTTNTTTTTN 410

配列番号：2624
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03060
配列：
GATCTGCGGC CCATCTACAT CTCTGTGCAG CCGCCTTCAC TGCACGTGCN GGAGCAGCGG 60
CTGCGGCAGG CATACACTGA AACCGAGGAG AGCCTGGTGA AGCGGCTNGC TGNTGCCAGG 120
CCGACATGGA GAGCAGCAAG GAGCCCGGCC TGTTTGATGT GGTCATCATT AACGACAGCC 180
TGGACCAGGC CTACGCAGAG CTGAAGGAGG CGCTCTCTGA GGAAATCAAG AAAGCTCAAA 240
GGACCGGCGC CTGAGGCTTG CTGTCTGTTC TCGGCACCCC GGGCCCATAC AGGACCAGGG 300
CAGCAGCATT GAGCCACCCC CTTGGGAAGG CGATACGGCA GCTCTGTGCC CTTGGCCAGC 360
ATGTTGGAGT TGGAGGAGAT NCTTGCCCCT GTTGGTTTGG ACCATCCN 408

配列番号：2625
配列の長さ：398
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03061
配列：
GATCTCAACG AGACAAACGA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTTN GAGGACCCAG 60
TCCTTTNTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCCAGC CCTGATTGCC CTGCGCTACC 120
AGCTGCAGCG TGGGGTTGTG GTCCTGGCCA AGAGCTACAA TNAGCAGCGC ATCAGACAGA 180
ACGTGCAGGT TTTTNANTTC CAGTTGACTG CAGAGGACAT GAAAGCCATA GATGGCCTAG 240
ACAGAAATCT CCACTATTTT AACAGTGATA GTTTTGCTAG CCACCCTAAT TATCCATATT 300
CAGATGANTA TTANCATGGA GGGCTTTGCC TGATGGTNTA CCAGAAGCCC TGTGTGTGGN 360
TGGGTGACGC AGAGGGACGT CTCTNTGCCG GTGACTGN 398

配列番号：2626
配列の長さ：394
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03062
配列：
GATCACAGCT GGGGGAAAAA AAGCTTTTTA ATTCTGTACC TTCCTAGTAG ATAAGTGAAG 60
AGCAGGGAAA GAGACCTTTA AATATTTTNC TATAAAAAAA TTTGTGATAA GTTTCTATCA 120
AAATGGGGAG ATTGCAGAAA AGGCTTCCCT TGGNTCCCAA GGAGGTGTAG CAGGTGTGAG 180
CAATATTAGT GCCATGTGCC TTTCACACAG GGTTTGCATT TATCAGTCTG TTTTCCGATG 240
NNNNGGTACA TGAAAGAGTA CACCATGTGA AGAGAAGAGA GAATGATTGA AAATGTTTTA 300
GTATAGACCT CTTCTTGCAG TGGGTTGCTA TTTTCTAGAT TTTACTTTTT AGGGACCAAA 360
NTAAANTCCT TTGTTAAACN TGGGTCAGNG NAAA 394

配列番号：2627
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03063
配列：
GATCGCACCA TTACACTCCA GCCTGGGTGA CAGAGAGAGA CCCTGTGCCN NTCAAAAAAA 60
TGTTTTTTTT AAACAAGAAT CTCTCAGGCA TACTGAAATN TTGAAGAGGA AATNATATTA 120
ATATCTGGGA CTTGTTTCCA AATTTGGAAT TGGGGCAGGG TGTAAATNGT TGGCAATATC 180
AAAGAAACGA GGAGTTGGAA TNATAATTGT AGAAGCTGCA TGATAGATAC ACATTCTTTA 240
TACTTCTGTA TATGTNGAAA TTTTTNATCA AATTATAATN GTGTATAATG ACTAATTATG 300
CTTNCATTGT CTATCCTGTG TGGTTATGTN ACTTGCTGAA ATNNATACAT AANGGGTCTT 360
CAACCTTNAN NTGGTCTTAT CCANGGCATA NN 392

配列番号：2628
配列の長さ：385
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03064
配列：
GATCTGTAAT NATCTCTATT GGCCTGGGGT GCCTGTGCTA TAAATAAGTT TCTTCACATG 60
AAAAACACAG CCAGCCCAAG ATNACTTATC TGGGTTTAGG ATTCAATAGT ATTCACTAAC 120
TGCTTATNAC ATGAGCAATT TCATCAAATC TCCAAACTCT TAAAGNATGC TTTCGGAAAA 180
CACGCTGTAT ACCTAGATGA TGACTAAATG CAAAATCCTT GGGCTTTGGT TTTTTTCTAG 240
TAAGGATTTT AAATAACTGC CGACTTCAAA AGTGTTCTTA AAACGAAAGA TAATGTTAAG 300
AAAAATTTGA AAGCTTTGGA AAACCAAATT TGTAATATCA TTGTATTTTT NATTAAAAGT 360
TTTGTAATAA ATTTCTAAAT TTAAA 385

配列番号：2629
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03065
配列：
GATCGGGGCC CTGGGGCTGT NAGACCCCGA CCNTCTCGAG GAACCCTGCC TGAAACGCCT 60
CCATTACCAC TGCGCAGTGA GATGAGGGGA CTCACAGTTG CCAAGAGGGG TCTTTGCCGT 120
GGGNNGGNTC GCCAGCCACT CACCAGCTGC ACTGAGAGGG GAGGTTNGCA CACCCCTCCC 180
CTGGGCCGCT GAGGCCCGCG CACCTGTGCC TTAATCTTCC CTCCCCTGTG CTGCCCGAGC 240
ACCTNCCCCG CCCCTTTACT CCTGGGAACT TTGCAGCTGC CCTTCCCTNC CCGTTTTTAA 300
TGGCCTGCTG AAATATGTGT GTGAAGAATT ATTTATTTTC GNCAAAGCAC ATGTAATAAA 360
TGCTGCAGNC CNGCCTNTGC CCAAA 385

配列番号：2630
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03066
配列：
GATCCCGGGN AGTNACAGGT GCCGACGTGA TGTCGCTTCT NTGGTGCCCA GCTCCCTTCC 60
TGGTCTNANA CTAGCTCTGG GGGTGGCGGG GGCCCCCACA CGCTGCTCCC GCTCCACCCT 120
GCCCGTNCTG CTGCTCTGTG CCTGCTGTCA GAGCCCTGGT GGGGGAGGAT GTGGCCACCC 180
TGAGACCCGG AGGAGACGGG CGTCTGCCTG GNTTTGCGGA GAGCNGCTTA TGGGTGTGGT 240
CCGTCCAGAC ACCTTGTTTC AAGGGGGATG GGCGTNANGG GCAAGCAGAG CATCCCCACC 300
GNTGAGCAAG AACTTTTTCT TGTTTTTAAA CCATCACGTC CTCATTTCAC AATTGGAATA 360
AAGTGAGTTT TTTGGAAACC TGAAA 385

配列番号：2631
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03067
配列：

GATCGCAAGG AACTGGGCCG CCTACTACCC CGACCTGCCC ACCCCAGAAC AGCAGCAAGA 60
CATGGCCCAG TTCATACATT TATTTTCTAA GTTTTACCCC TGTAAGGAGT GTGCTGAAGA 120
CCTAAGAAAA AGGTTGTGCA GGAACCACCC AGACACCCGC ACCCGGGCAT GCTTCACACA 180
GTGGCTGTGC CCCNTGCACA ATGAAGTGAA CCGCAAGCTG GGCAAGCCTG ACTTCGACTG 240
CTCAAAAGTG GATGAGCGCT GGCGCGACGG CTGGAAGGAT GGCTCCTGTG ACTAGAGGGT 300
GGTCAGCCAG AGCTCATGGG ACAGCTAGCC AGGCATGGTT GGATAGGGGC AGGGCACTCA 360
TTAAAGTGCA TCACAGCCAA A 381

配列番号：2632
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03068
配列：
GATCCGTAAG TCCATGACCA AGGAGGCCAT CCGAGAGCAC CANATGGCCC GCACTGGCGG 60
CACGAGACAG ACCTGTNCAC CTGCGGCAAG TGCAGGAAAA AGAACTGCAC CTACACACAG 120
GTGCAGACCC GCAGCTCTGA TGAGCCCATG ACCACCTTTN TTGTCTGCAA CGAGTGTGGA 180
AACCGCTGGA AGTTCTGCTG ACCCCTCGTG TAGATGTGCT GCAGCCTTGG GCCCTCCCCG 240
GCCCACGTCC TCCGTTGACA CAGCTTCTNT GGAGACCCTA GAAGGCGGCA TGTCCTGCCC 300
TCAACCTGCC TGCNTGGATT GCACCTTTCT GCCCTTTCCC CNTNATTATT AAATGTTTCT 360
TTTTGCCAAA 370

配列番号：2633
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03069
配列：
GATCTTCTTC AAGCCATTAT TTTAACTCAA GAAAACTCTA GAGAAGAAAA GTGAAGAAGT 60
CATGTTGAAG AAGATGTAAG AATGTGTCAA GACCATCCAG AAATNATATG AGAAATACTG 120
ATATTTTAAA TGGTTGACAT CATCCAGCGA AATGAATCTA CATTAAATGT TGTTTTAACT 180
GCGCTATGAT TAAAACCATT CATATAGAGT TAGTNTTTAC AACTACTATT CTGTTATTTT 240
TTTTTTAATC TGACAACATT TGTCCTAAGT AAGATAAGCA AAAAAATTCT TCAACTCCTT 300
TTGGCAAGAA AACTGTAACA GAAAATAANT TTTGAATGTG TACN 344

配列番号：2634
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03070
配列：
GATCCCTGGT CCAGAATTCC ATTTACCTTC TGGGCCAGAT ACCACCAGAA TGCCCGCTCC 60
ANATTCCCTC AGACCTTTGC CGGTCCCATT ATTGGTCCTG GTGGTACAGC CAGTGCCAAC 120
TTCGCTGCCA ACTTTGGTGC CATTGGTTTC TTCTGGGTTG AGTGAGATGT TGGATATTGC 180
TATCAATCGC AGTAGTCTTT CCCCTGTGTG AGGCTGAAGC CTCAGATTCC TTCTAAACAC 240

AGCTATCTAG AGAGCCACAT CCTGTTGACT GAAAGTGGCA TGCAAGATAA ATTTATTTGC 300
TGTTCCTTGG GCTACTGNTT TTTTTCCCCT TGTGTGCTGT N 341

配列番号：2635
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03071
配列：
GATCGNCAAG AAAATTNAGA TTGGCGATGG GGCAGAGCTG ACGGCAGAGT TCCTCTACGA 60
CGAGGNGCAC CCCAAGCAAC ACGNCTTCAA GCAGGCCTTC GCCAAGCCCA AGGGCCCAGG 120
GGGCAAGCGG GGCCATAAGC GCCTCATCCG NGGCCCGGGT GAAAATGGGG ATGACAGCTA 180
GGAGGCTGGA GCATNNGNCG GCCACGTNTG GACTGTGGGG CTGCCCACCT TCCGCTCCCT 240
GCCACCATCC TCCTTCCTGG GCTCCAGGAA AGTNTTTCTG GGAGGTCAGG AGGGCTGGCA 300
GCTTGAACGC ACTTGCAGCG TCCGANGGNC ACCGGGCTTN 340

配列番号：2636
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03072
配列：
GATCTGTCTG CNTTCCTCAA GACCATTGCA CTGAATGGTG TGGAGGACGT GCGAACCGTG 60
CTGGAGCACT ATGCCCTGGA GGATGACCCG CTGGCGGCTT TCAAACAGCG GCAAAGCCGG 120
CTAGAGCAGG AGGAGCAGCA GCGCCTGGCC GAGCTCTCCA AGTCCAACAA GCAGAACCTC 180
TTCCTTGGCT CCCTCACCAG CCGCTTGTGG CCTCGCTCCA AACAGCCCTG AACTCTGGGC 240
CTCCTCAAAC TCAGTGCCTG GGTCCAGGGC CCCAGTGCTT CCAGACCAAG ACTTGGGCCA 300
CCACTTNTCC AATAAAGTAC ATCCGAGACG GCAAA 335

配列番号：2637
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03073
配列：
GATCCAGTTG TGAACAAAGA GTCCTCTTNG TGGAAAAGAA AAAAATACAT NTCCCTTTAA 60
ACGGTGGATT GAAAATAACT TTNATTTATA AAGAGAAGAC TGAGGGCGGG GATACTGATT 120
CANNAATCCT GTAGCGTGTA ATAAAAGAAG AGGAAATGGC ATGGAATCAC TGCCTCCTGT 180
GATTTGAAGG CCATTGTGAA GGAAAACAAT GCAGTGAAAG AAAGTTCTTC ATATTAGGCC 240
AGATATCATT GCATCACATT TATTTATCTT TCTGGNATTT TTATAGCCCT TAATAAAAAA 300
TATTAAAATA GCCTGTGCTA TTGTGTCTTA AA 332

配列番号：2638
配列の長さ：335
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03074
配列：
GATCAAGAAT TTGGTGTGGA CGTTGGCCCT GTTTGCTTTT TATAAACCAA ACTCTATCTG 60
AAATCCCAAC AAAAAAAATT TAACTCCATA TGTGTTCCTC TTGTTCTAAT CTTGTCAACC 120
AGTGCAAGTG ACCGACAAAA TTCCAGTTAT TTATTTCCAA AATGTTTGGA AACAGTATAA 180
TTTGACAAAG AAAAATGATA CTTCTCTTTT TTNGCTGTTC CACCAANTAC AATTCAAATG 240
CTTTTNGTTT TATTTTTTTT ACCAATTCCA ATTTCAAAAT GTCTCAATGG GGCTATAATA 300
AATAAACTTT CAACACTCTT TTATGGTNAA CCAAA 335

配列番号：2639
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03075
配列：
GATCAAGCCT GCCTCAATCA GTATTCATAT TTATAGCCAG GTACCTTCTC ACCTGTNAGA 60
CCAAATTNAG CTAGGGGGGT CAGCCAGCCC TCTTCTGACA CTAAAACACC TCAGCTGCCT 120
CCCCAGCTCT ATCCCAACCT CTCCCAACTA TAAAACTAGG TGCTGCAGCC CCTGGGACCA 180
GGCACCCCCA GAATGACCTG GCCGCAGTGA GGCGGATTGA GAAGGAGCTC CCAGGNGGGG 240
CTTCTGGGAA GACTCTGGTC AAGAAGCATC GTGTCTGGCG TTGTGGGGAT GAACTTTTTG 300
TTTTGTTTCT TCCTTTTTTA GTTCTTCAAA GATAGGGAGG GNAGGGGGGA ACCATGAGCC 360
TTTGTTGGCT AATCANTCCC AAGN 384

配列番号：2640
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03077
配列：
GATCAAAGGT TTAAAGTCTA ACTTCTAAGA TATATTTGCA GAAAGAAGCA ACATGACAAT 60
AGAGAGAGTT ATGCTACAAT NATTTCTTGG TTTCCACTTG CAATGGTTAA TTAAGTCCAA 120
AAACAGCTGT CAGAACCTCG AGAGCAGANC ATGAGAAACT CAGAGCTCTG GACCGAAAGC 180
AGAAAGTTTG CCAGGNAAAA AANNGGCATC ATTATTACCA TCGATTCAGT GCCTGGTTAA 240
NGNGGNAAGC TTACTTNGTT TNAGTGGCAG CCNCNTNGCA CGTGGTTTGC TATGNAGGTG 300
AANGGTTTCC CAATTCCTTC AGGCTTTTTN GGGGGTTTTC GGGCTCTNCC TN 352

配列番号：2641
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03078
配列：
GATCAAACAG CTCTAAGTAT GAAGCAAGAG TAAAGACTAA GGTTTCGAGA NCATTCCTAC 60
TCACATAAGT GAAGAAATCT GTCAGATAGG AATCTAAATA TTTATAGTGA GATTGTGAAA 120

GCAACCTTAA AGTTTTGAAG AAGACTGATG AGACTAGGTG CNNNGCTTCC TTTCATCAGG 180
TATCTTTCTG TGGCATTTGA GAACAGAAAC CAAGAAACAT GGTAATTNCT AANTTATGAG 240
GCTTTGCTTT TTGTTTGCTT TTAAGTAGAA AACCATGTTG GCAACATTGA GTTTTGGNGT 300
TGATTGAGAT AATATGNCTT N 321

配列番号：2642
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03079
配列：
GATCTTTGGC TGGAAAACTA GAATTTATAG CAGTTTATTA ATGATACCTT AAATNACTCA 60
GGACTTAATG TAGCATTGCA CTTCTGTGTA CAGTAAAACT GCTTTGTTTT ACTAAAGAGA 120
AAAATGTGAG TGGAAAAAAT ATGTATGTGT TATATACTCA AATGTATATA ATNCTATCTA 180
TAGATTTATA TATGTATACA TTCTGTACAG TAGTTCCATC AAAATATGTA ATAATTCACA 240
CCAATTTTAT TAAATGTATT TNCTTTTTCA AAATTTAAAT TGAGCTGCTA TCAATATTAA 300
ATGAAGTTAT GGCATCTAAA 320

配列番号：2643
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03080
配列：
GATCCCTTCG ATGTGGATTC AGGGAGAGAG TTTGGAAACC CCAACAGGCC TGTGGCATGC 60
ACCCGGCTGC CCTCGGACAC TGATGACAGT GATGCGTCTG AGGACCCAGG GCCTGGCGCC 120
GAGCGCGGAG GAGCCAGCAG CAGCTGCTGT GAAGAGGAGC AGACGCAGGG ACGGGGGGCT 180
GAGGCCAGGG CCCCGGCTGA GGTTTGGAAA GGAATCAAGA AACGGCAGAG AGACTNAGGG 240
TTGCAGACAC ATATATTTTT GAGGCTGGGT GACGAGAAAA TCTAGAGACA TGAGGGACAT 300
AAA 303

配列番号：2644
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03081
配列：
GATCCAGACG CAAGANGGCT GTCCTCTCTA AGGAATATGG TTTTTTNCTT CTAACTGGTG 60
CTGCCAGCTT TATAATGGTG GCCCACCTAG CCATCANTGT TTCCAAGGCC CGCAAGANGT 120
ACAAAGTGGA GTATCCTATC ATGTACAGCA CGGACCCTGA AAATGGGCAC ATCTTCAACT 180
GCATTCAGCG AGCCCACCAG AACACGTTGG AAGTGTATCC TCCCTTCTNA TTTTTNCTAG 240
CTGTTGGAGG TGTTTACCAC CCGCNTATAG CTTCTGGCCT GGGCTTGGCC TGGATTGTTT 300
GGACGAGTTC TTTAN 315

配列番号：2645

配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03082
配列：
GATCCTTCTT GGCCCCAGAA AGTCATTTGG CATGGCTCCA GCCCCCATGG CATCCGCTTN 60
TGGATAACTA CTGTGAAGCA TGGCGAACCG CGGACACAGC GGTCACGGGA CTTGCCTCCC 120
CGCTGAGCAC GGGGAAGATT CTGGACCAGA AAGCATACAG CTGTGCTAAT CGGGCTAATT 180
GTCCTATGTA TCGAAAACAG TTTCATGNCA GNCGTTAGGA AGTAATTGGC TTCTTNATGA 240
TTCTTAAAAN GNGTTTTCAA TTTTTCCTAA TGNGAAGNGT TGNCACTGAA ATCTAAAATG 300
TTTANTTGTG NAAA 314

配列番号：2646
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03083
配列：
GATCACTGTG GACAGGGTGC AGCTCTACCA GTTCCTGTTT CTNCTGAGCC AGACCCTCTT 60
CAGGGAAGGG ACCAATTAAT TTTAAAACTC ACTTGAAGCA CAGCTGGTCA TGGGGCTTGG 120
TATAAAGTTC CTATTTCCAC CCTGATACTT CCAATTCCTG GAACCCCAGC CCACTCCNCC 180
ATCCCTCCTC CCTATCAAAC TAGTATAATG ATTTTGAATC GGTACAGTGT GTTTAACTGT 240
AACTAAGTTC GACAGACTAT TATTATCTTT GTAATAAATT AACCTAGCAA TAAAAATTAT 300
TCTGTNTAAA 310

配列番号：2647
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03084
配列：
GATCTATTAA GCTTGANACA TTANGTNTCA TCACGCACTG AAGACAGGAA GCAGTTCACT 60
GAGTCAGCTG GTTCCCAAGC TCGCACAGAA GGTGATAAGT TACTATCAAA TGCCAGTNAG 120
AATCTNCTTA TAGAATAACC TGGGCCCAAG TNATTTTNGT ACAAAACTTG CCCTTCTTTG 180
GTTTAATTTN CTATGTGCTT TTAGGTGTGA ATCCAGATAT GCGGTCTTAA TTCCTTTGGA 240
AATACACAGT TCGTTTAGTT ACTGTACACT CTGTTTGTTC AATAAACTGC ATATCANCTT 300
CCNACAAA 308

配列番号：2648
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03085
配列：
GATCAGCAGC CCCTGAGCGG AGAAGAGGAG CTAGAGCCTG AGGCCAGTGA TGGTTCAGGC 60

TCCTGGGAAG ATGCAGCTTT GCTGACGGAG GCCAACCTGC CTGCTCCTGC TCCTGCTTCT 120
GCTTCTGCCC CTGTCCTAGA GACTCTGGGC AGCTCTGAAC CTGCTGGGGG TGCTCTCCGA 180
CAGCGCCCCA CCTGCTCTAG TTCCTGAAGA AAAGGGGCAG ACTCCTCACA TTCCAGCACT 240
TTCCCACCTG ACTCCTCTCC CCTCGTTTTT CCTTCAATAA ACTATTTTGT GTCAGCTTCA 300
AA 302

配列番号：2649
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03086
配列：
GATCAGCGAG CTACCANGAC CAGAGACCAA CTCAAGCTAC AGCAGAAGNA TTTTCCCAAG 60
CCTGCTGACC ACAGTCACAT CACCCATCAG CACATGGAAG GCCCCTGGTA TGGACACTGA 120
AAGGAAGGGC TGGTCCTGCC CCTTTGAGGG GGTGCAAACA TGACTGGGAC CTAAGAGCCA 180
GAGGCTGTGT AGAGGCTCCT GCTCCACCTG CCAGTCTCGT AAGANATGGG GTTGCTGCAG 240
TGTTGGAGTA GGGGCAGAGG GAGGGAGCCA AGGTCACTCC AATAAAACAA GCTCATGGCA 300
AA 302

配列番号：2650
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03087
配列：
GATCCCAGCT GATGTAGACC CTCTCACCAT TACTTCATCC CTGTNATCTG ATGGGGTCCT 60
CACTGTGAAT GGACCAAGGA AACAGGTCTN TGGCCCTGAG CGCACCATTC CCATCACCCG 120
TGAAGAGAAG CCTGCTGTCA CCGCAGCCCC CAAGAAATAG ATGCCCTTTC TTGAATTGCA 180
TTTTTTAAAA CAAGAAAGTT TCCCCACCAG TGAATGAAAG TTTTGTGACT AGTGCTGAAG 240
CTTATTAATG CTAAGGGCAG GCCCAAATTA TCAAGCTAAT AAANTATCAT TCAGCAACAG 300
AAA 303

配列番号：2651
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03088
配列：
GATCTCAGCT GGAAGTTCTG TTTGGAGCCC ATTTCTGTNA GACCCTGTAT TTCAAATNTG 60
CAGCTGAAAG GTGCTTGTAC CTCTAATTTC ACCCCANAGT TGGAGTTCTG CTCAAGGAAC 120
GTGTGTAATG TGTACATCTG TGTCCATGTG TGACCATGTG TCTGTNAGGC AGGGAACATG 180
TATTCTCTGC ATGCATGTAT GTAGGTGCCT GGGGAGTGTG TGTGGGTCCT TGGCTCTTGG 240
CCTTTCCCCT TGCAGGGGTT GTGCAGGTGT GAATAAAGAG AATAAGGAAG TTCAAA 296

配列番号：2652

配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03089
配列：
GATCTNACGG CCAGGCCTCT NTCCTGCTGC TGTTTTTAAT TTTCCCAGGT AGTGGGAGAG 60
AGGAAAGGAG GGAAGGCAAG ATTCTTTCCC CCTCCCTGCT GAAGCATGTG GTACAGAGGC 120
AAGAGCAGAG CCTGAGAAGC GTCAGGTCCC ACTTCTGCCA TGCAGCTACT ATGAGCCCTC 180
GGGGCCTCCT CCTGGGCCTC AGCTTGCCCA GATACATACC TAAATATATA TATATATATA 240
TGAGGGAGAA CGTNTCACCC AGNTTTNATC ATGCTGGAAA GAGTGTATGT N 291

配列番号：2653
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03090
配列：
GATCTAAAGG GTGTAAAAAT ATTGATACTT CAATATTTCA CTTGCTGCCA GGAAAAACAA 60
AATTCTCAAT CTTTTGTAAA TGGGAGGAGG ACTTTTGCAT ACATTTTTAC TCTTTAAATA 120
ACGACAACGA CACTTATACT GTCATAATAA CAATNATGTA TTTCTTTGTG GTTTTAATTT 180
TTTTTGTAAT TTTACATAAA ACAGTTATTT TCTATTTTNA CGCAGATAAA TATTTGTGCA 240
TAAAATGTAA AAATAGTAAA ATGAGAAAAA TAAAACTATT ATACAGTAAA 290

配列番号：2654
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03091
配列：
GATCTGTCCT CAGCTCTGGA CCCAATTCCC CTTACTTCAT TTTGGCAAAC ACTAAGTCAA 60
ATAGTGAAAT GCCTGTCACT ACATAGAACC TATTACCTGG GGCAAATACG AACAGATTGA 120
GTTTCCTTCA TCTTGTGTAA ATATGATGAA ACAGAGACCT GGTAACTTGG TGACACTGTT 180
AAACCCTTTT NGGGATAAAG CCAAATGTAA ATGGAAACAT TAAACAGATA ANTTGTGGTG 240
TTGAGACTTT TCTGAATTGA GAAAAATAAA TGTAATTTTG GAAGAAA 287

配列番号：2655
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03092
配列：
GATCTGACCG GCTTCAAGCT CAAGCCCTAC GTGAGCTACC TCGCCCCTNA NGAGCGAGGA 60
GACGCCCCTG ACGGCCGCGC ACTCTTTCAG CGAANCNGTG GCGCCTGCCA TCGAAAAGNA 120
CTTCAAGGAC GGTACCTTCG ACCCTGACAA CCTGGAAAAG TACGGCTTCG AGCCCACACA 180
GGAGGGAAAG CTCTTCCAGC TCTACCCCAG GAACTTCCTG CGCTANTGGG CGGGGGAGGG 240

GCGGCCTGCC CTCATCTCAT TTCTATTAAA CGNCTTTGCC AGCTAAA 287

配列番号：2656
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03094
配列：
GATCGTGGAG GAGGGACAAC GCTGCCACCG NTTCGNCTGC AACACGTGCC CCTACGTGCA 60
CAACATCACC CGCAAGGTAA CAAATCGGAA GTACCCAAAA CTGAAAGAAG TGGATGATGT 120
GCTTGGTGGA GCAGCTGCCT GGGAGANTGT TGACTCTACT GCAGAGTCGT GTCCCAAATG 180
CGAACATCCT CGTGCTTACT TCATGCAGCT TCAGACCCGC TCTGCAGATG AGCCGATGAC 240
CACCTTCTAC AAGTGCTGCA ATGCTCAGTG TGGACACCGC TGGNGGGATT NGGGNCAGGT 300
NTGGCCCAGC TGCCCTNGTG TGTGCTTGCC TTGTNCCTCN N 341

配列番号：2657
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03095
配列：
GATCCACAAG GTTGTCTGCT AAACCTGCTC CTCCAAAGCC ACAGCCCAAG CCTAAAAAGG 60
CCCCTGCAAA GAAGGGAGAG AAGATACCCA AAGGGAAAAA GGGAAAAGCT GATGCTGGCA 120
AGGAGGGGAA TAACCCTGCA GAAAATGGAG ATGCCAAAAC AGACCAGGCA CAGAAAGCTG 180
AAGGTGCTGG AGTTGCCAAG TGAAGTGTGT GCATTTTTGA TAACTGTGTA CTTCTGGTGA 240
CTGTACAATT TCAAATACTA TTTTTTATCA AGTTTTAAA 279

配列番号：2658
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03096
配列：
GATCTGAATG TNCAGTTCTA GCCAAGGTAG ATTTTACTTT CAACTTTTTA ATCAGTATCA 60
CTTTCTGTGC TTAACTATTT GGTGTTACCT TGTCTGTTTT CATTTGTCTA AAATNCTGTA 120
GAGATGACTA AAATTTGACA TAATGGTGTA AATGGATTGT NAAGGTAACT TTCAGTTGAN 180
GATTAANGCA AGANGCCATT TTCCCCATGA CTTTGGTTTT GTTTACATTT TNCCCTTTCA 240
GTTAGTATAC ACTACACGTA CTGTAATAAA GTNCAATAN 279

配列番号：2659
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03097
配列：

GATCTTTNCT AAAGCAAGGC CTTGAGCAAG TAGGTTGCTG TCTCTAAGCC CCCTTCCCTT 60
CCACTATNAG CTGCTGGCAG TGGGTTTNTA TTCGGTTCCC AGGGGTTGAG AGCATGCCTG 120
TGGGAGTCAT GGACATGAAG GGATGCTGCA ATGTAGGAAG GAGAGCTCTT TGTGAATGTA 180
AGGTGTTGCT AAATATGTTA TTGTGGAAAG ATGAATGCAA TAGTAGGACT GCTGACATTT 240
TGCAGAAAAT ACATTTTATT TAAAATCTCC TAAA 274

配列番号：2660
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03098
配列：
GATCTGCCTG CNTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCACCCCCAG 60
CCGCCTCTAT GCTTTTGGNT TCTTTGATAT ATCTAAACTT AAGGTCAGAA CAGAAATTCA 120
TGTGCTGAAC AGAATGGATT CTTTTTGCAG TACCAATCCA ATTGAATCCT CTTTTTATTT 180
TCCTGCGTCC TTACCAGTCA CTTTGATAGT GCTAACTAAC CTACACTATG GGGGTTATTC 240
ATGANTTAAG TATGATAAA 259

配列番号：2661
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03099
配列：
GATCTGTGTT TGTAATACTG GTTGTAATTA ATTTTTTTAA TTCATGAACN AGCGGAAAAT 60
TTATTAAATT AACTATTAAC CACATTCACC TTGTAAATGA CTGTATAAAA CTNGTNGACA 120
ATGCACTGAC TTTAGAAAGA TGTTAATGTG CATAANTNGA GTGTAAATAA NATAGTGTTG 180
ATGTACTGAN ATATGACCTG TATAANNNGT ATTAGTAATT GTNTATGGGG TGTACCTGTT 240
TATCTGTAAC TGTNATCCAA ACAAATNAAA TN 272

配列番号：2662
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03100
配列：
GATCTATCTG GNNTGTGCNT TAGACTNGAT GAGAAGGTGT GAACTCTGCA GAAAGTCTCT 60
CCTTCATCAC TGAATTCAGT CACTTGGAGA TGACAACTTC AAATGCTAAC CCGATGACCC 120
CAGAAAACCG TGTGAGATTC GTACCGAAGA ACCTTGTGGA ATCCCTTTNC TTAGGCCCAA 180
CCTGGTCGAT AGCTCGAGAA AGANTNTTTN CCAAGGAAAT GTCTCGGATA TGGGTACTGT 240
ATTTGAAAGC TGTTAGCTTT GTCAACACGN 270

配列番号：2663
配列の長さ：268
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03101
配列：
GATCATGAAT CAAGCCCTGG AACAGATGAA GACAAAAGCG GATGAGTGAG TTATATAAAC 60
TTACTTCCAT TCTGTTTCGG ATTTTAAGTT TGAGAGACTT GCTAATNAAT CTCCTTTATG 120
TTGTTTTCCT TTTCATTGTT TTTGGATTGT TTTATGTTTG TCCTTTTTTT TCTTAATGTG 180
GATTTCATTG AGTTGATTTT TTGATAATCT GCAATCTGGA TAATTTGTAC TGCTAAAGTT 240
TTAATAAACT CGACATGAGA AAAACAAA 268

配列番号：2664
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03102
配列：
GATCAAAATA GTAATAAATC AACAAATAAT TTTTGATTGA CTGGTGGAAT TAGATTTACT 60
AAATAAAAAT GGCTTAAATT TTGACTGTAC TAACTATAAA TGTAATGAAT TATAATAATT 120
ATAAATGGTA TAAATGCATT CTACAATGTG ATTATTTTCT GTATTTTAGT ATATAGTATA 180
AAATGGAATT ATTGGGTTAA AGTACTTTTA TTACATTTCT TAATCCATTG TTTTTACCTA 240
ATAAAATTTC CTCCTCTATA TTCCAAA 267

配列番号：2665
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03103
配列：
GATCCGAATC TGTGCCCAGC GCTAAAGGCT CAGTGTTAGC ATGGCTTNNN CTGNCCGGTG 60
TGCCATATTC TTGTTGGAGA TGAACCGTAG CACCAGAGCC CATTCTTCCT TGTCAGTCTT 120
GGCCCAAAGA TGTCACCATT CCTAGTTATT TGTCACCACA TAATTGGTGT TGATTGGAAA 180
CTTTTTCTGA GATGGGACAG AACTGCTGGG TTGTCTTTTT CCATGTAACT TAAGCATAGT 240
AATATAAATA AAGTAATAGT TGGAAA 266

配列番号：2666
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03104
配列：
GATCCTCCCT GTCATGCCAC ATTTCACTGA TTGGAATGTG GAAATGGAAA AGGAATTTAG 60
GATGTGCATT TTCACCTGAG GTTTCCCTGC ATCCCTGCAG TGCCAAAGCC CCACCTTCAG 120
GGACCACCTG GAATGTGTGA GGGGCTGACA GCACAGTAAC GTGCATACAT ATCTGCAGGG 180
CTGGAATGGA AGCTTTAAAG GTGGTAGTGA TTTTNATTTT GGAAGAATCA TGTTACCTTT 240
TTGTTAAATA AAATTTGTAC TCAAA 265

配列番号：2667
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03105
配列：
GATCCAGTGT CCATGGAAAC ATTCCCACAT GCCGTGACTC TGGACTATAT CANTATTTGG 60
AAAGCAGGGT TCCTCTGCCT GCAAACAAGC CCACGTGGAC CAGTCTGAAT GTNTTTCCTT 120
TNCACCTATG TTTTTAAGTA GTCAAACTTC AAGAAACAAT CTAAACAAGT TTCTGTTGCA 180
TATGTGTTTG TAAACTTGTA TTTGTATTTA GTAGGCTTCT ATATTGCATT TANCTTGTTT 240
TTGTAACTCC TGATTCTCCC TTTNCGGATA CTATTGATGA ATAAAGGANT TAANGTGGAT 300
AAA 303

配列番号：2668
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03106
配列：
GATCAACCAA GGCAGATGTG ACAGCAAGGG CCACGGACCC CATGGCAGGG GTGGCGTCTT 60
CATNAGGGAG GGGCCCAAAG CCCTTGTGGG CGGACCTCCC CTGAGCCTGT CTGAGGGGCC 120
AGCCCTTAGT GCATTCAGGC TAAGGCCCCT GGGCAGGGAT GCCACCNCTG CTCCTTCGGA 180
GGACGTGCCC TCACCCCTCA CTGGTCCACT GGCTTGAGAC TCACCCCGTC TGCCCAGTAA 240
AAGCCTTTCT GCAGCAGCTG AAA 263

配列番号：2669
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03108
配列：
GATCTGGCCT AGGTCCCCCC TTTNTNCTGT CCCCTGTNTT TAAGTCGGGA TTTTTACAGA 60
GGGAGCTGTC TCCAGACAGC TCATCAGGAA CCAAGCAAAG GCCAGATAGC CTGACAGATA 120
GGCTAGTGGT ATTGTGTATA TGGGCGGGAC GTGTGTGTCA TTATNATTTG AGTTATGCTG 180
TTGTTTAGGG GTAAATAACA GTAAATAATT AATAATAATA ATAATAATAN TAATAATAAN 240
GGNGCNGACG TTCTTAAA 258

配列番号：2670
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03109
配列：
GATCCACCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACACCTGG 60
TCAACTTTCT TTTGATTAGT GTTTTTGTGG TATATCTTTT TCCATCATGT TACTTTAAAT 120

ATATCTATAT TATTGTATTT AAAATGTGTT TCTTACAGAC TGCATGTAGT TGGGTATAAT 180
TTTNATCCAG TCTAAAAATA TCTGTCTTTT AATTGGNGTT TAGACAATTT ATATTTAATA 240
AAATGGNNGA ATTTAAA 257

配列番号：2671
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3110
配列：
GATCAGATGT NGCTCAGAAA CTTTCATTGT TTACCTAATA ATTTAATATC ACTAGTTTCC 60
TAGTGGGTCA AGCAGATGCA AAANCCAGCT TATTTCCTCC TATGTNCTCT CAAGCTTATN 120
GCTTATTTNA AAGTAAAANC CTGAAAAAGG AAAATATTAG GTTGGTGCAA ACGTAATTNC 180
GGTTTTGCCA TTGTNGAAAT TTGCCGTTTT ATATTGGAGT ACATTCTTAA NTAAATGTGG 240
TTATGTTATA CATCAAA 257

配列番号：2672
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3111
配列：
GATCAATTAC TGTCCTCACT TAGAACAAAG CCTGAGTCCG AGAATATTTA TATTTTACCA 60
ATATATGCCT GTTACAAGAG AAGGAAATAT GAGTTATTTA AGTTTAACTT TTTTATGTGA 120
ATTCAGAGTT TATTTATCGA GGGAAATATG TACAAAGAAG CTTCAAATGG AATATTTACC 180
GACATTCCTT ATACATGACA GACACTNGGC TACATGGGAA GATGATGTTA ATAATAANNT 240
GATTTTTAAN TGGAAA 256

配列番号：2673
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3112
配列：
GATCTGGAGA GGATTAGGGA CGGCTCTTGT GGGCACATTT TNNCTCTAGT TTCATGGGTG 60
GAGATGGCAT CTCCNGTGGT CTGCAGCATG CAAGTAAAGA CACCAGGTGG CACCATTNAT 120
NAGCTTTCAA TCCCATGGAG AGGTCCCATC ATGTAACTNC CAAGAGGTTG AAGGAACCAA 180
CTACCTCTTG CATATTGTNG CTAATGGTTC TNGCCTTCTC CTTCCAGACT TGGGAAATAA 240
NTTTNAAAAT NGTAAA 256

配列番号：2674
配列の長さ：433
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3115

配列：
GATCTACCTT GGTGATTTGG ACCCTGGTTG CTTTGTGTCT AGTTTTCTAG ACCCTTCATC 60
TCTTACTTGA TAGACTTACT AATAAAATGT GAAGACTAGA CCAATTGTCA TGCTTGACAC 120
AACTGCTGTG GCTGGTTGGT GCTTTGTTTA TGGTAGTAGT TTTNCTGTAA CACAGAATAT 180
AGGATAAGAA ATAAGANTAA AGTACCTTGA CTTTGTTCAC AGCATGTAGG GTGATGAGCA 240
CTCACAATTG TNGACTAAAA TGCTGCTTTT AAAACATAGG AAAGTAGAAT GGTTGAGTGC 300
AAATCCATAG CACAAGGTAA ATTGAGCTNG TTANGGCAAT CAGGTAAAAT AGTCATGNTT 360
CTNTGTNATG TAANCCCGTA AATGANTGTT CCTGGTTTCN CGGTGGTTTT TTNANGGGNC 420
NCNTTNANNT TTN 433

配列番号：2675
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03116
配列：
GATCAGAAGA AAGAAAGACA ACTTTCCTCT GCGCGGAACA CTCACACGGA AGGGCTGGCC 60
GCCTCCCTGA GCCGGCTGGG AGTNGACGAC AGGACCTACC TCCCCAGAGC AAGGGCCTGG 120
GGCTTCCCGC CAAAGCTGCC GCGGAACCCC GCTAGTGCGA CCACCCTCCC TCCGTCGGTA 180
TGTCCTGCTT TCCAGCTGAA CCCAAACTAC AAGTGGGTTT AAAAAAATAA ACACCACCAC 240
CAAAAACAAA 250

配列番号：2676
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03117
配列：
GATCTGAAAA AGATGGTCAT TCCGGACTCC TGACGCCGCC AGTCCCGCGG TGAGACGTGA 60
GCNCCATTGG GTCCAGTGGC CTCTNTTTCC GTGGCAACCT AGTAACCATT AATTTTNAAT 120
TAAAGGAGAC AAAAAGCTCG ATGACAGCTC CAGGTCTGCT GAAGATGTCA AGAATCTGTA 180
TTAATATACA GCAAGAGAGC ATAATTGTNT GTCCATCTTC CAGAGCAGCG AAAAATGGAG 240
GGATAAN 247

配列番号：2677
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03118
配列：
GATCAAAACC ATCCTGGCCA AAATGGTGAA CCCTGTCTCT ACTAAAAATA CAAAAATTAG 60
CTGGGCATAG TGGCACGCGC CTGCAGTCCC AGCTACTCAG GAAGCTGAGG CAGGAGAATC 120
GCTTGAACCC AGGAGGCAGA GGTTGCTGTG AGCCGAGATT GCACCACTGC ACTCCAGCCT 180
GGGCAACAGA GTGAGACTCC ATCTGAAAAA AAAAAANTNC AGGCNTGCAA GNTTGGCGTA 240
ATCAN 245

配列番号：2678
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3119
配列：
GATCAGCAGG GCTACCATCT CACTCTTCTG TAATTTCACA ACATTCTAAA GGAAGTAAAT 60
CACCAGATTT GCTGATGTAT CAGGGTCCAC CAGACACTGC AGAAATAATA AAAACATTAC 120
CTCAGNAATA CAGNAGGAAA CTTGTGTCTC AAGAAGAAAT GGAATTTATC CAACGTGGAG 180
GTCCTGAATA ACCATGGTGG CTGCTGTTTG TCATCAGACA NTAGAATTGT CTTTACAATA 240
AAGGNCTTCC AAAATGGCAG ATGNGAAACT GTATATTAAA CACCTTTAGT AANTANTATG 300
GANNAAGTGN NATNTAGGNN ATTTAGGTGG TCCCTNGGAT TNCCGNN 347

配列番号：2679
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3120
配列：
GATCTGGCCT GGAGAGGCCA TCCTATACCC CTTATTAGAG CCATGACAGC CTACAGAGTG 60
AGGTGAGGTG CTCCCACCTT CCCAGATGGT TCCTTTCTGC CCCTTCCTGG AAGGAAAGGT 120
GAGGCTGCCA ATAGCCTCCT GGCACCAGCC AGACCTCACC CTTGACCAAC CTCTCGGGGC 180
TGGGGGTTCA TTCCTGGGGC ACTGTGGCCT GGTTTTGCTT TGAAACCAAG AAAGAGCAAA 240
GN 242

配列番号：2680
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3121
配列：
GATCCCCAAC AATGTGAAAA CGGCTGTCTG TNACATCCCA CCTCGGGGGC TAAAAATNTC 60
CGNCACCTTC ATTGGCAACA GCACGGCCAT CCAGGAGCTG TTCAAGCGCA TCTCCGAGCA 120
GTTCACGGCC ATGTTCCGGC GNAAGGCCTT CCTGCACTGG TACACGGGCG AGGGNATGGA 180
CGAGATGGAG TTCACCGAGG CCGAGAGCAN CATGAATGAC CTGGTGTCCG AGTACCAGCA 240
GTACCAGGAT GCCACAGCCG AGNAGGAGGG CGAGTTCGAG GAGGAGGCTT AGGAGGAGGT 300
TGGCCTAGAG CCTTCAANTC ACTGGGGAAA AGCAGGGGAA GCAGTGTNGA ACTCTTTTAT 360
TCACTTCCNA GNCTGGTCCN NGTNGGNCTN GTTCCCACTG TGTGCAATTG N 411

配列番号：2681
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3122

配列：
GATCTGCGCA CGGTGCACAG CCCACCAGAG CACTACAGCC TTTTATTGAG TGGGGTGGGG 60
CAAGTGCTGG GCTGTGGTCG TGCCCTGACA GCATCTTCCC CAGGCAGCGG CTCTGTGGAG 120
GAGGCCATAC TCCCCTAGTT GGCCACTGGG GCCACCACCC TGACCACCAC TGTGCCCCTC 180
ATTGTTACTA CCTTGTGAGA TAAAAACTGA TTAAACCTTT GTGGCTGTGG TTGGCTGAAA 240

配列番号：2682
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03123
配列：
GATCACCTGG GGACAGAGGT GAAAGGCCTG CTGGGCCTGC TGGAGGAGCT GGCCTGGAAC 60
CTGCCCCCGG GACCCTTCAG CCCCGCTCCC GACCTTNTCG GAGATGGCTT CTNAGCCCTG 120
GAGCTGGAGC CCAGCAGTTG GAGGTGGTGC ACCTGCCAGG CAGCGCCCAC AGAACCAGCC 180
CTGTCCTCTC GACTTCCTTC CTTAGCTTCA TGTGAAATAA AAGCTATTCT GGTCAAA 237

配列番号：2683
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03124
配列：
GATCGGCATG GTCATTCACC AAGTGGAAGC CAAACCCTCT GTGTATTTCA TCAAGTTTGA 60
TGATGATTTC CATATCTATG TCTACGATTT GGTGAAAAAG TCCTAACTGT TAGGGTAAAA 120
TTTGGCACAT GTGTGGAAAC AAATGTATAA TTTGTAGACA TGCAAAAAAT GTTGCCTTTC 180
AGTGTATTGA AAGCTTATGG AATCCCTGAT AACTAAACAT CTTTGCCAGC ATTAAA 236

配列番号：2684
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03125
配列：
GATCACACAT ATCCTTCCTG AGANGAGCAG TGACTAAAAT GGAATATCTT TTTAAGANCA 60
GCTCCTCTTT AACAAAAAAN CTTAAAAGAC AAATGTGAGA TGGGCTTAGA GTTAGTNCTC 120
TGGGAACTTG AAAGACATTT ATGCCATATT ATTTATNCAC GTGTTTGTNC CTGGTGGGCA 180
AGATGCCATC TGAGGCTTCA GATGAGAAAT TGGGGTAANN TGGAAATTTT NCACTN 236

配列番号：2685
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03126
配列：

GATCAATCCC TCAAGATTTT GAAATCCTGA AGAAATTGAG AAGTATGTTG CTGAAATTGA 60
AAANGAAAAA GAAGAAAACG AAAAGAAGAA ACAAAAGAAA GCATCATGAT GAATAAAATG 120
TCTTTGCTTG TAATTTTTAA ATTCATATCA ATCATGGATG AGTCTCGATG TGTAGGCCTT 180
TCCATTCCAT TTATTCACAC TGAGTGTCCT ACAATAAACT TCCGTATTTT TAAA 234

配列番号：2686
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03127
配列：
GATCTAGGCC TGGCAAGANC TCTGGCCCCA AGGCCTCCTC TTCCCAGGGG CTGCCAAGTC 60
CTGGCCCTGG CCCTGGCATA TNACCCCGNA CTGTGGGGCC AGTCACCACT AGCCTGGCTC 120
AAATATTCCC CAGGGAGACT NCTGTGTGCT GCCCGGCTNC CTGCTGGCTC TCCCCCAGNC 180
CCACATCCCN TCTNGAAGAG AATGTAAAAT AAACCTGGAC ACAAGGGAAA 230

配列番号：2687
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03128
配列：
GATCCATGAG GTCCTAGCCC CTGGCTGCCT GGATGCNTTC CCCCTGCTCT CAGCATATNT 60
GGGGCGCCTC ANTGCCCGGC CCAAGCTCAA GGCCTTCCTG GCCTCCCCTG AGTACGTNAA 120
CCTCCCCATC AATGGCAACG GGAAACAGTG AGGGTTGGGG GGACTCTNAG CGGGAGGCAG 180
AGTTTGCTTT CCTTTCTCCA GGACCANTAA AATTTNTAAG NGAGNTACTA AA 232

配列番号：2688
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03129
配列：
GATCACAAAA TGTNATAAAA CTTTAAATGT ATAAAACTTT ATCAAATAAA GTTTTATTTT 60
CCCCTTTAAA ATGTATTTNT TTAGAGGCAT TACTTTTTTA AAAATATTGG TCAATTNCNG 120
ACATAAGATG TGAGGTTCAC AGTTGTATTC CAGTATTCAA GATAGATTCC TGATTTTCCA 180
ATTAGGAAAA GTAAAATCCA AAATGTTAGC AAAACAAAGT GCAATATTN 229

配列番号：2689
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03131
配列：
GATCCCATGC CCAGGTGTCC AGCAGACCTC AAGGCAGAAG GGTCACCTAA CCCAGGAGTC 60

CACAGACTGA TGTGACCTCA GGTTCCCACA TCANTGGCCA CAGGGCAGGG CCCACCTGGT 120
AGAAGTTTTC TGGATATGGC CAGGGTGGGT GTNTGGCTAA NTGGGCCTGA ACAGAGGGAA 180
CCTAGGGCCC TTGGCCAATG TGATTAAAGC TGCCATCTTG AAA 223

配列番号：2690
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3132
配列：
GATCCGCCCT GGAGAAGTGA GTGGCTGAGA CCCGGGTGGG GCCCTCCTAA CCTTGGNTCT 60
GGGGGCTTCC NTTCTGGGTC TTGTCCGGGA TATGGCCTTC CTGAAGGTCT TACCTCCCCC 120
AGCCGCCCTG CACTTGACCA CCAAAGCAAT CTCTAAGCTT ATAAAGGAGA AACATGTATA 180
TATGGGGTTT TTTGGAGTAA AGGAAAATTC TAAGATATTA AA 222

配列番号：2691
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3133
配列：
GATCCACCTG CCTTGGCCTT CCAAGGTGTT GGAATTACAG GCGTGAGCAA CCGCGCCTGG 60
TCTATATGTN ATTTCAAATN AGGTGGCCTT ATAAATATAA GCAGATGGGT TTCTGGGCAA 120
AATCAAATNA TTTCTGTCTC TATTTNNTTG AGTACCAATT GTAAAANCTG AAATTAGGTT 180
GAGGAAAGTN CTTTAGAAAT AATAAAGATG TACAANTACA AA 222

配列番号：2692
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3134
配列：
GATCTGCCCA CCTCAGCCTC TTGAGTAGCT GGGACTACAG GTGCATACCA CCACACCTGG 60
CTAATTTTTT AATTTTNATT TTTATTAAAG ACAAGGTCTC ACTATGCTGC CCAGGTTGGC 120
CTCCCAAAGT GTTGGGATTA CAAGTGTGAG TCACCGTGCC TGGTCCCATG TACTTGANGT 180
CATCACTANC AAAATGTATA GATATTGTAT AATGGCAACN 220

配列番号：2693
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3135
配列：
GATCTTTAAT AAAAATTTGA TATGAAAAGC ACAATGTGCA GANGTTATGG AAAACCTATA 60
GAGGATTACA ACAGGTAAAC GTTAAAGAGA ATACATTGCT GACTTATAGT GATGTGGCTA 120

AGANGTACAT GCTTTGTTGT AAAATTNCTT GAAAGCCCAT TGAAAGATGT ATCTGTTTAT 180
TTACAGTCTT TGAAGTAAAA GTTACCAATG TTTGCCAAA 219

配列番号：2694
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03136
配列：
GATCTNGCCC CTGCGCTCTN GCCTGGGTGA CAGAGCAAGA NTCTATCTNA AAAATGTTTT 60
TAAAAAATAC TTCCTAGGGA AACACACATT TNGCCCTATT TGGAACTTTG AAAAGTGAGC 120
CCTCCTCTGC CCATGGGCCG TGCTGCTCAG CCTGCCATAC TCGCTTGCTT TGCTGTTTGG 180
NATTTGCCTC CAGAATAAAG GTCCTTTTTG TTGTTGAAA 219

配列番号：2695
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03138
配列：
GATCCTAATC CCTTCCTCTC CCATTCACCC TGTGTAACAG NACCCCAAGG ACCTGCCTCC 60
CCGGAAGTGC CTTAACCTAG AGGGTCGGGG AGGAGGTTGT GTCACTGACT CAGGCTGCTC 120
CTTCTCTAGT TTCCCCTCTC ATCTGACCTT AGTTTGCTGC CATNAGTCTA GTGGTTTCGT 180
GGTTTCGTCT ATTTATTAAA AAATATTTGA GANCAAAAAA CAAA 224

配列番号：2696
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03139
配列：
GATCAAAGTC TTAAGTGTGT TTGCAGCTCA AAAATAAAGA TGTATTAAGG AGGGGAAAAC 60
CTGGTCTAAG TGCAAGGCAC ACTTACAGCG AGTTTTACTT TCGGTTGTAT TTTCTTTGTA 120
TATNATAAAC ATTTATTTAA CTTGTTGCCG TTTGAAGTAA AAAATTTCCA AAATGTATGC 180
TCAACAATAA TCATTAAAAT GTTTTCAGCG TACAAA 216

配列番号：2697
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03140
配列：
GATCAAATTG TGTTTAGTAT CACTATCTTC TCTCCTCGTT TCTCTCTTAC TCCTCATCCT 60
CCCAGAATCT ACCAGTTTAT GGTAGAAAGA TGGGAACCTT ATTTGAATGT GTTTTTTTTT 120
TCCATGATGT CCAATTTTGT NGTGGGAAAG GATTTGGATA AAANTTTNGT TTAAATTTNG 180

GTAGNTTTTN ATCTNTACAA NTTTAANTAA AATNAN 216

配列番号：2698
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03141
配列：
GATCTCAAAA GTATTCCTCA GGGTAGTCTC CATTCCTGTC ATTTTNCCTC CTATTCATGA 60
GACGGAAAAA TTATGACCAT GGTACAGAGT TGTATCAAGG AAATGAAGAA CTAGAACATT 120
GAATTGAAAG GTTTTGAAAG GGTTCACAAT TTCTTTTCAT TTNCTATTAA TGTCTTCTTT 180
TAAATNCTCT TAAGAATAAA ACTTTTTTCT AATAAA 216

配列番号：2699
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03142
配列：
GATCAGCAAA CAGGAATACG ATGAAGCCGG GCCTTCCATT GTCCACCGCA AATNCTTCTA 60
AAACACTTTC CTGCTCCTCT CTGTCTCTAG CACACAACTG TGAATGTCCT GTGGAATTAT 120
GCCTTCAGTT CTTTTCCAAA TCATTCCTAG CCAAAGCTCT GACTCGTTAC CTATGTGTTT 180
TTTAATAAAT CTGAAATAGG CTACTGGTAA A 211

配列番号：2700
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03145
配列：
GATCACGAAC ANTAGCTTGC GCTCTACTCT GTAGTTATGT GGATTGCCGA GCAATNACCC 60
TTTTCAATNT CTTATTTCTG TGTTACTGAG GACCCTAATC ACTTAGGGAT GTAATTTTAT 120
AGTATAAACT TTCTGNACAG TTTTNCTNAT AGTCTAATAA GTAAAAAGTG TCCNNCAAAT 180
TATGATAATT GCCTATGGTA CATGGATAAN TTAANGCACT GCACACGGTG TAAANN 236

配列番号：2701
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03146
配列：
GATCCATTTC TNACACACAC TGCCAGAGAT ACTCTAGGCA TGTAAAGCAC AAACATACAT 60
ATAAAANCTG CGGGCTTCAA AAAATATAAG TAGGATGTCA TCTATACTGT CATACACTTT 120
GTTTTTTATC ACTTACTTAA TGTTATATCT NGGATATTGT ATTACCCTGG GTATTAAAAN 180
GAACTCCTTT CACATTTTAA AATAAA 206

配列番号：2702
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3147
配列：
GATCTAAAAC TGGGGTTTGG GGGAGGGTTT CANCCTCTCC CCACTCCNCT TGCCCCACAC 60
CCTTTACTCC CCAGCCCAGA GAGACGCTGC TTTTACCAGG AAAGACTATT GAAAGATGTT 120
TTATATTATT TTNCTCTGAC CTTTCCATCC TTGAAAAAAT GGGGAAAAAA GAAGAAAAAA 180
GACAAAATCG ACCATAAAAG ACCAAA 206

配列番号：2703
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3148
配列：
GATCTTGTTA ATGCATTTTT GATGGGAAGA AAAGGTACAT GTTTACAAAG AGGTTTTATG 60
AAAAGAATAA AAATTGACTT CTTGCTTGTA CATATAGGNG CAATACTATT ATATTATGTA 120
GTCCGTTAAC ACTACTTAAA AGTTTAGGGT TTTCTCTTGG TTGTAGAGTG GCCCAGAATT 180
GCATTCTGAA TGAATAAAGG TTAAA 205

配列番号：2704
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3149
配列：
GATCCTGAGG CTTTGATGCT ATTTTNTTAA TCCAGCTGGT CTGTGGAGAA GCCTGGGACA 60
GAAAGAAGCA GCCAGACTCC AGAATCCCCC ATTTTAATAG CTATNNNATG CTATGTCCCC 120
GTCTTATTCC TGGCAACTTA CCTCTCAGCT CGTGCACTGT GACATTACAG CAAGAAGTAC 180
TAATATAAAT GACACAAANG AAA 203

配列番号：2705
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3150
配列：
GATCTGAAAA AAATACGGTT GAAAGTGGTG CAGGTAATTA CAATGTGTAG GCAAACCAGA 60
AAACCATGGC TTTAACCAGC AGCTTTTGTN AGAAATNATT TCTCCAATGA NTGTAGAAAC 120
GTTTGCNGCT GAATTGTGAC CTTNCCATTT NACCTGCTTT TCCTGCAAAG TATATTTNNC 180
AGACCCAGGC AGTGCTGCTC GCN 203

配列番号：2706
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03151
配列：
GATCCAATGC TAAACTCCAA TGGTTCAGTG ACTGTGGTTG CTCTTCTTCA AGGCAGCTGA 60
TACCTGTGCA TACTGCAGGC ATCTAAATTA GAAGACCTGC GAGTAAAACT GAAGAAAGAA 120
GGATATTCTA ATATTTNTNA TATNGTTGTT AATCATCAAG GNATCTNTTC TCGATTAAAA 180
TNCACACATC TTANGAAA 198

配列番号：2707
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03152
配列：
GATCCATAAT TCCTATTCAA TGAACATCAT TGTTGGTGGC TGAATACATT TTGGAAGAGA 60
GTTTTTCATC TTAGAGATTG GTGAACAAGT GTGAGGGTGT GAGAAACTCA CAGAATACAA 120
ATTTGCCTGT ATGTTTTGTG GGTTTTTTTT TTCCCCTTCA NGATGTTTNC TATTNCTAAN 180
TTAANGTAAT TNCAAGGTAA A 201

配列番号：2708
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03153
配列：
GATCTATTAG TTTAGTGTTT ATNAAAGAAT CAAATGTATA GAATTACCAA GCATTCGTGG 60
GGAATNCTGT GTAGCAAATG TAAAACTNAC CTGCTCGGAA GAAACGTAGG ANCGCTTCAA 120
ACCCACTGTA ATGTTTGGTT TGANNTTATT TCCATTGCTT TNAGAGTGAN CTGCCTAAGN 180
GTAGGCCTTA TAATAN 196

配列番号：2709
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03154
配列：
GATCTACAAG NATTTTCTTT TAGTAGTTAT ACAAAAGANT ATTACATTTA TTGGTCTGTA 60
CAGTGTAATA AACCAGCAAT AGGGACAACA ACAAAGAGAA TCTAAGAAAG ANGACTATGC 120
CTAANTATAG GGAAAGTTTA GAGAATCATT TTTAGACAGG ACACATTTTG CAGTAGTGAA 180
TGTGGTAGGT TTN 193

配列番号：2710

配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3155
配列：
GATCAGTGTT GCAACATANT GNAAAAGATG GCTACTGTGC CTTGTGTTAC TTAATCATAC 60
AGTAAGNTGA CCTGGAAATG AATGAAACTA TTACTCCTAA GANTTACATT GTATAGCCCC 120
ACAGATTAAN TTTAATTAAT TANTTCAAAA CATGTTANCC GCNACTTTCA TGTACTATGG 180
AAAAGTACAN GTN 193

配列番号：2711
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3156
配列：
GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATGTAT TTGTTGCTAA ATTTCGTAGC ACTGTTTACA 60
GTTTTCCTCC ATGTTATTTA TGAATTTNAT ATTCCGTGAA TGTATATNGT CTTGTAATGT 120
TGCATAATGT TCACTTTTTA TAGTGTGTCC TTTATNCTAA ACAGTAANGT GGTTTTATTN 180
CTATCACACA AA 192

配列番号：2712
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3157
配列：
GATCCAGAAT NGAGACTGGA CCTTCCAGAC CCTGGTAATG CTGGAAACAG TTCCTCGGAG 60
TGGAGAGGTT TACACCTGCC AAGTGGAGCA TCCAAGCATG ATGAGCCCTC TNACGGTGCA 120
ATGGAGTGCA CGGTCTGAAT CTGCACAGAG CAAGATGCTG AGTGGAGTCG GGGGCTTTGT 180
GCTGGGCCTG CTCTTNCTTG GNACAGGGCT GTTCATCTAC TTCAGGANTC AGAAAGGNCA 240
CTCTGGNCTT CAGCCANCAG GACTCTTTGN GCTGAAGTGC AGGTGNCCAC GATTCAAGGG 300
ANGAACCTTC TTGNCCCANG NTTTTCAAGA TGGAAAAGCT TTCCCCAACT TTGGNTTCTT 360
NTTTNTTCCC ACCAAAGAAN CTTNAN 386

配列番号：2713
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3159
配列：
GATCTTCCGG AAAAACTAAG CCCCTCCTTC ACCCCCGCAC ACCTGCATCC CTGCCGGAGT 60
CNTGNTGAGG CACGAACCCT GCCTCCCTAG GCCGGACCTT GTGGACGACA GCCCCACCCA 120
GTCTGTGCTC TCAGCCGCTG GCCGAAGGCC CAGCCTGCTC AGAATAAAGC ATGTCCTGCT 180
GCCGGCAAA 189

配列番号：2714
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03160
配列：
GATCCCATAG TTTTACATTT TNCCTGTTTA TTTTGATTTT TTNCACTGCT TTATTTCTTA 60
AAGTNCTAGC ACATCTGTNA CTCCTCCACT TCCACATTTT TNCACTGCTT ACACTTACGT 120
GCAATCTTAT TCCTNGTCTG CACACACATG TGGAAAGCTA GAAATAAATG TTAAAACTNA 180
CTTTTTAAA 189

配列番号：2715
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03162
配列：
GATCAAATCT CTCCTGGCTG TAGTAACCCA GTGGAATGAA TTTGGNCATG CCCCAATGCT 60
TCTATATGCT AAGTGAAATC TGTGTCTGTA ATTTGTTGGG GGGTGGATAG GGTGGGGTCT 120
CCATCTACTT TTTGTCACCA TCATCTGAAA TGGGGAAATA TGTAAATAAA TATATCAGCA 180
AAGCAAA 187

配列番号：2716
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03163
配列：
GATCCAAGGG CACAAGGAGA TGAGCAAGGT GTGGAACGAC CTGAGGCCCA AGCTCAGCTG 60
CCTCTTTGCG GGACCACACA GCACCCTGAC CCCACCGTGC TCCNNGNCGG AGGACGGCCT 120
GTGTCCTCAN TAGCGCCTGA GGCTGNGGTG GTGCTCCCTG CGGNCGCACT AAAACCTCTT 180
TNCNAAA 187

配列番号：2717
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03164
配列：
GATCCTCCTG TTTACCCTGT ACCTCCAATG TCTGGCACTT GTAGGTGCTC AAATATTCGT 60
TGAATGAATG AAAAATCCAT ATTGTAATTG ATGTCCTCTG GCCACATAGT TTTAAAATTA 120
GGTGATTGAT TATATGACCG AATAGAACTA TCAAATGTTT TCCTAATAAA GTCAATATTT 180
CAAACAAA 188

配列番号：2718
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3166
配列：
GATCTGCCCC CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCATGAGCCN TCGCGCCCGG 60
CCGGATTTTT TTTTTTTTTG ATTCAGCTTA TACCAGGGCT GAAAACCTCA NTTTATGTTC 120
ATGACAGTNG GGATTTTTTT AAATGCCTAC ATTCTTTCTA ATAAACTGTT GGAAGACNTT 180
AAA 183

配列番号：2719
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3167
配列：
GATCCAAGTG GCCCAGCAGA AACGGAATTN TNGTNAAAAT GACTGATTCT GGTGCATGTN 60
AAAGGCTCTG GGGAATNAAT ACCTGTTTGG TCCAAACTTA CTGTATCATA ATGCTGTATA 120
TGTNGAAAAC GTAATACCTG TNAATGTCCT AATGAATCAN GTTTTGCAGA AAACACCGTA 180
AA 182

配列番号：2720
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3168
配列：
GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAATCTTTCC TCTAGGGCAA TCCTGAAAGC CCAAGGCCCT 60
TCNCAGTCTG GCCTTGGCTT CAGCTGGAGA AGGGTAACAT CAGTCATTGT CAAGGCACCN 120
CCANCCCNGA CAGACCGTGT CTCTGATAAA GGTTTTGAAG TGATAAAGTT TTAAAACTAA 180
A 181

配列番号：2721
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3169
配列：
GATCCTCACT CCACTGTCAT GTTTGAAAGA GGTATTGGTG TTCTGGAGTG GGGGTCAACC 60
CCTCCCCAGT CTCTGTGCTA AGTTCACTTG GGAGGATGGC AGTAGGAGCC AGGGCTGGCC 120
ATGGGTCCCC TACGCTTNCC NNTAGGATAT ACCCTGGAGA ATGGCAAAAT GATTTAAA 178

配列番号：2722
配列の長さ：287

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3170
配列：
GATCCTAAGG CAAAGAGGTG TTTTTCCTTC TGGTTGATTC ATCCCAAAGC TTTCCCACCC 60
AGGTTTTCTC TGAAAGCTTA GCCTTAAGAG AACACGCAGA GAGTTTCCCT AGATATACTC 120
CTGCCTCCAG GTGCTGGGAC ACACCTTTGC AAAATGCTGT GGGAAGCAGG AGCTGGGGAG 180
CTGTNTTAAG TCAAAGTAGA AACCCTCCAG TNTNTGGTGT TGTGTAGAGA NTAGGNCATA 240
GGGTAAAGNG GCCAAGCTGC CTGTAGTTAG TAGAGAAGAN TGGGGAN 287

配列番号：2723
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3171
配列：
GATCACCATG ACTGCAACAT GGTTTATATT CATGCTGCCC TAGAAACTTT TGTAATTATT 60
TGTTGCAAAT TTGTGACTGT CCTTATTAAC TTTCTTTNAT GTAAGTAATT TGTAAAAGTT 120
TCTNAAAATT TTTGCTTTTG CTTATTTAAT TTTNAATAAA AGCTAAATTC CTAATAAA 178

配列番号：2724
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3172
配列：
GATCCTGGAG CCCCCGTGTC GGGGGGCGAG GGNGGGGCGG TGNCCGACGA GTTGANCTTC 60
TNAACATGAG TGTCAACTTC AGGACTTGCT TCCAAGCCCT TCCCTCTGTT GGAAATTGGG 120
TGTGCCATNN CTCCCAAGGN AGGCCCATGT GACTAATAAA AAACTGTGAA CCCTGAAA 178

配列番号：2725
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3173
配列：
GATCCTTTTG AATTTTGCAC AGCCCTAGAT ACAATCCCTT TTGATAAAAG GGTCTTTGCT 60
TCTNATTACA GGAGCACTGT GGAACGTCTG TAAATATGTT TTTATAATTC CATGTATAGT 120
TGGTGTACAC TCAAAACCTG TCCCCGGCAG CCAGTGCTCT CTGTATAGGG CCATAATGGA 180
ATTCTGAAGA AATCTTGGGG AGGGAAGGGG AGTTNGAACA AATGTCTGTT CCCTGGGAGG 240
CCAGTCCAGT GCTCAGACCT TTAGACTCAT TGTAAGTTGC CACTGTCAAC ATGGGACCAA 300
AGGTGTGTGA CTAGTCAATG AAAGTGCGGN CANATTN 337

配列番号：2726
配列の長さ：180

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03175
配列：
GATCCAAAAC ACTCAATCCT CGTAAAAGGG TACAGGTCCT ATTGTATGTT AACACACGTG 60
ATGATGTGAG CCATGTGAGA TGANCAATCA CCAGTTGTTA TGTTCGAATC TCCTTTGTGT 120
TGGGCCGCTT TAATGTCAGG GTTTCACTAA ATAAATGAAT TTTCATATAC TGAACTGAAA 180

配列番号：2727
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03176
配列：
GATCTGAGCC AGGATGGGAG TGAATCCCAG GCGGAGGCCA GAGCTGGCAG CCAGCTCTGC 60
CTTTCCACTG CCGGGAGTGC TGGGGGCCCA GCCTGGCCCC CNGAAGAGAC AGCCAAGTGT 120
CGTCCACATA CTCCTCCCAG AGTGAGCTCT AACCAGGCTC ATTTGCTCTN TCCAN 175

配列番号：2728
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03177
配列：
GATCCTGTTN CCNACCTCCT TCTCCTCCCC TGTACTCCCC AGTGCCTTCC ATTGTCCTGG 60
TGGAGCTGGG GTTTCTCTCC TCCCCAGTCC CACAACACTG CCAAAAATCT GTGTATGTNC 120
CATTGGGTGG GGCAGCCCCA AGCCTCCTGG GGAGGCAGGG CAAAAACAGG TGCCN 175

配列番号：2729
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03178
配列：
GATCAGAGGA AAGATGAGAA AGAGAACAAG CATACCTATC TNACTCCTTC CAGTGGTCTC 60
TGTTCCCTCC GTCTCCTGGA CCACGGCTAG AGTTCCCAGT TTGGCCTTTT GGGGCATTCA 120
TCCCATCTAC TTTATTTTCA TCTGCTTGGG CAGTAATGTA AACAAATTAA AGGN 174

配列番号：2730
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03179
配列：
GATCGTCTGG GAGCCCAGTG TCAAGTCTGC TGGAATGCAG GAAGTAGAAC AGAATCGCCA 60

CAGGACTGTT CTGGGGCCAG GTTCCCTTAA CTCTGTAGCC TGGCAGTCTG ACCCAAAGTT 120
GCCCTCACCC AAAGGTTCTG GCTCTTCCCT CCCTCACTTT TACTTTCCCT TCCCCCATAA 180
GTTGGAGGAT AAAATGGGTA TCAATGNTAA TNTTTCCAGG GNGNCCATGN NNACCAGCGG 240
TTTCTNNCTN TCTCTGTAAT CTGCTATGNA N 271

配列番号：2731
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3180
配列：
GATCTNCGGN CTGTCGTTAG CAGGCTTAAT NAAGAACACT TCTCAACAGT TTCCTTTTTN 60
TNTTCCTTTA TAATTCACTA AAATAAAGCA TCTATTAGTG TCTGATTTAG GAATGTAAAA 120
TAATTCTNTA TTAATGTAAA TAAGATTATC TATTGCAAAA NGATATTTCA ANCCTAAA 178

配列番号：2732
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3181
配列：
GATCTTACCA AAGAGGTCAA CACATGGGAC CTTTGTGTCA CATGAACCAT TTTTTTCCT 60
CTTCTATTAA GTGTATTTNT GTTTAAGNTA CAGTTCTCTA AGAGAATTAC AATGTTTGTC 120
CCATTTCTAA GGGCTTCTNT TCAACTCTAA TAACAGCATT ATTCACGTTA AA 172

配列番号：2733
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3182
配列：
GATCAGGAAA CGGCAACAAG CCTCCCAGTA CTGACCTGAA AACTTGTGAC AAGAAGAACA 60
CCAACAAGTG CTCCCTGGGC TGAGGACCCT TTNTTGCCTC CCCACCCCGG AAGCTGNACC 120
TGAGGGAGAC AACGGCAGAG GGAGTNAGCA GGGGAGAAAT AGCAGAGGGN 170

配列番号：2734
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3183
配列：
GATCTGGATT TATGTATTTG TNAGATACAT ACGAATTGTT AAAATGGAAT GCAAGTTTTT 60
CAAAAGCCCA GGTCTAAATG TAATGGTTGG TTTATNGTNC TATAACCCCA GCCCATCATT 120
TCCTGTGTAA ATCATAAACA ATAAACAGAA TATACTCGGT GGCCATTTCT AATAAA 176

配列番号：2735
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3185
配列：
GATCCGCCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTGCAG GCGTGAGCAN CCGCACCCGG 60
CCTCCTGAAT TAACATTTTC TAAAGATGCC TCCGGCGTGC TATCCTGAAA GCTGCCAGAG 120
GTGTCTTGGC TGCATTGGTG GTAATAAAAT TCATACTCAT AAA 163

配列番号：2736
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3186
配列：
GATCTCAACT ATGTNCCACT AAAGGCACAG GAATGGAAAA CTGAGAAAAG ATTTATTGGC 60
CTCACCAATT CCTTTGGTTT TGGTGGTACT AATGCAACAC TTTGTATTGC TGGNCTGTAG 120
AACATATANT TNGTAATNAA ATACTGATTT TNAAATGTTA AA 162

配列番号：2737
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3187
配列：
GATCCTGCCA CCCTGTAGCG CCAGTNTAAT CCCCCAGGAG AACATCTTTG ACACTCTGCA 60
GACTGCTAGT GTTCTGTCTA AAAACCAGAC AAGGAAATAC CCTTCTTTTA TGAGCAGAAG 120
GAAACAAAAA AAAAAANGAG GCCCNTTTNC CTGGANGAAA 160

配列番号：2738
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3188
配列：
GATCTGCCTT ATTGCATATN CCATGCATCA GATAATGGAT GCATCAGATA ATGGNGTTAG 60
ACAAAGCTTC ATTGTGAACA ACCTAATGCA TTTNNGAGAA ACANTCTCAT CACATTTTTC 120
CTAGCCTTNC CTACATTTAA NCTTGCTGTT GCCCAAATN 159

配列番号：2739
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3189

配列：
GATCAGANGT TTCACTTGTT TCTCAGTTAT TGGATATGTA TCTTTGTGTA CATATCTTTG 60
CAAAANTGGA TAAGTACAAA NCTTGATGTA AATNGTACCA ATGANTATGT AAACATACAG 120
TGACANCATT AAACTTAGAA AAGTTTTAAA ACTTAAA 157

配列番号：2740
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3190
配列：
GATCCACTGG AATTAGCCAA TACACTATAT AACAATACTA TTAAAGTATT TTTTCCTGGA 60
ATATAATTGG TATATGTCTT CCACTTTCCA TCATGTATGT AAAATTTCAT AGTAAAACTT 120
CCTGATAGTT TCAATAAAGA AATNATCTGC AAA 153

配列番号：2741
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3192
配列：
GATCTTNAAT GCTTTGGAAA TGCGTGTAAC AGTACTGCAA TAATCACAGC TCTGGGAAAA 60
ACAACGAAAC TTTCCCTTGT GGAGAGGAGG GATTTCCCTG CTCTATATAA GCAACATATT 120
TTNAGACATT AAAATATGGT ATNCNNNNCC N 151

配列番号：2742
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3193
配列：
GATCTTNCTN ATCCAAGCAA TAACGGGACG AGGGAGCCAG GGCCAAGGAC ACTCAGGGAC 60
ACTGTTGGGG CAGCGGCCCC ACATGGTAAT GTTTTNTTTA GAGAGAAGAA AAAACAACTG 120
GCTGTAAACG TAAATNATAT TTNTTGGAAA 150

配列番号：2743
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3194
配列：
GATCGTNTTT TTNCTTGTTA AATAATTAAA ANTCATCTTA AAATTCATAC TTTGACTTTA 60
ATTTAGACAC AAGGAGATGT AATCNCTGTG TAACATCAGA GAAAGCTATA TGGATTATNG 120
TCAGANGTAA ATGTTTCTAA CATTGACAAA 150

配列番号：2744
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3195
配列：
GATCGAGTTG GCCGAGGATG GATGATTNTG NGCAGCAGAA GCCGTTGCAG CCCCACGTTG 60
TGCTCTAGGC AGGGACCTTT GGCCCCTTTG GGGAGGGAGA GACAGACGGG CGGTTTGACT 120
TGGACACAAA GAAAGCCTTG GTTTCTAAA 149

配列番号：2745
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3196
配列：
GATCCCAGGT CTGGGGATGG GGGACACCTT NGGCCACAGG ATACTGGTTG CTTCAGGGGT 60
ACCCATGCCC NCTGCCCTNG CCTGGAATCA GTGTTACTGC ATCTGATTAA ATGTCTCCAG 120
AAATAAAGAA TAATTCTGCC AGAAA 145

配列番号：2746
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3197
配列：
GATCACTCNT AGAGTNGCCA TTCTGCANCT TCCTAAAAAT ATTTTAAAAA TACATTTATT 60
TTACTAAATA CTGACTACAT TTNTNTGTTA ATATTGAGCT AAATGTTAAA AAATGGCCAG 120
ATTAAAAGAT ATCAATTTGT AAA 143

配列番号：2747
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3198
配列：
GATCCATAGT GTGCATGGGC AGACACATTT TGCCTCTATG TCTCTTAAAA TTTTAATTAA 60
AAATACTCTT TCCAGTAATC CTAATTTGCA CGAAGATATA ATGTCCACAT TACGTGCCTT 120
GCCTTGAAAT CTAAAAAACA AA 142

配列番号：2748
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3200

配列：
GATCTCACAG GACTGAGAAC TCGTTCACCT CCAAGCATTT CATGAAAAAG CTGCTTCTTA 60
TTAATCATAC AAACTCTCAC CATGATGTGA AGAGTTTCAC AAATCTTTCA AAATAAAAAG 120
TAATGACTTA GAAACTGCCA AA 142

配列番号：2749
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03201
配列：
GATCTTTTCA TTTCTTACTA GCTTTTAAGA AATNAAATAC TTGCCTGAGA TAGAAATACT 60
TTATTTTTGT AACTTTAAGG TCTAAATNAC TAAACTTCAA AGTAAGATTT TNTCAGAATA 120
AATTGAGACC ATTAATCTAA A 141

配列番号：2750
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03202
配列：
GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTANA ACGCCACCTT 60
GAGCTGCTGG AACCTATTCC CTATGAATTC ATGGCATAAT AGGTGTTAAA AAAAAAAANA 120
AAGGACCTCT GGGNTACAAA 140

配列番号：2751
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03204
配列：
GATCCTATTT TCNTACAACC TTTCAGTGAC ATCGTTCAGG NTTCTTTCTT GGCCATTTAA 60
AAAAACAAAT TTTTTTTTNC TCACTTGTAA GTCACCGCCA GTNCCTAAGT NAGGCTAACG 120
GNGACTTTGA CAGGN 135

配列番号：2752
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03205
配列：
GATCAGTAAT AGATNTAGAT ATACTATTTT NATATTGTAA GCAGTTACNT ACTCAGGATT 60
AGNATTCGAA TTCATTTGAT TTAATATGTA ATAGGTAATA TTAAAANTAA AGATTTTATG 120
CTTTGAAACT CAAA 134

配列番号：2753
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03206
配列：
GATCAGACGT CGCTGAGGGG CTGTNCACCA CCATCCTCGT TCTCCAGGGT CAAGGAAGTG 60
TTTTAACATG TCGTGTTTTC GACTTGACCT TGTGGTATTT TNCTNGGCCT AGTTGTGTGC 120
CATGGATATT AAA 133

配列番号：2754
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03207
配列：
GATCACTGTA GTTTAGTTCT GTTGACCTGT GCACCTACCC CTTGGAAATG TCTGCTGGTA 60
TTTCTAATTC CACAGGTCAT NAGATGCCTG CTTGATAATA TATAAACAAT AAAAACAACT 120
TTCACTTCTT CCTATTGTAA A 141

配列番号：2755
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03208
配列：
GATCGTTATA TTTNACATAA TATAAACAAA ATNACTAATG CATCTATATN CTTGGTTTCC 60
TTAAACTACA ATNAACCACA GAATGGGTGA AAATGCAGGC ATGCACGCTT GGCGTAATCA 120
TGGATGNNGC TN 132

配列番号：2756
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03212
配列：
GATCCGNCCG CCTCAGCCTC CCTATATGTT TTAAAATATA ANTTTATTCT TATAAAANTA 60
AATTNAANCT AGATTGAGGT AGTAATTACA ACAGTCCAGC ACATTATGGA TAATTAATAT 120
TNATATTTAT N 131

配列番号：2757
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03213

配列：
GATCTGATAT TTTAAGANTT TGGAGACCAT TTCCTGTGCC AGANTCACTG CTCTATTCCA 60
TACCGTGCCA TGGAGGCTGT TTTAGAAGTG GTTGGATAAC ATGTTAAATA AAATATTAAG 120
TGTAAAAAAA AATAAA 136

配列番号：2758
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03214
配列：
GATCCACCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTCCT GGGATTACAG GTGGGAACCA CAGCACCTNA 60
CCCAGAATAT AAAGACACTT TTNTAATGTG CAATGAAAAA TATGTAAATA AANTATTTTT 120
ATCTNTAAA 129

配列番号：2759
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03215
配列：
GATCCACCGT ACCAGGNAGC AGAAATATTT CTACAAAGGG GGCCTAGTTT GGAATGAGAA 60
CANNTCTGAC GGCCGGTATG TGAAGGAGAA CTGCAAACCT CTGAAGAGTT ACATGCTCCA 120
AGACTCCCN 129

配列番号：2760
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03216
配列：
GATCATGTTG GGATTAACTT GCCTTTTTCC CCAAAAANNA AACTCTCAGG CAAGCATTTC 60
TTTAAAGCTA TTAAGGGNGT ATATACTTGA GTACTTATTG AAATGGACAG TAATAAGCAA 120
ATGTTCTTAT AATGCTACCT GATTTCTATG AAATGTGTTT GACAAGCCAA AATTCNNGGG 180
TGTAGANATC TGGAAAGTTC ATTTCCTGGG ATTCACTTCT CCAGGGATTT TTTAAAGTTA 240
ATTTGGGAAA TTANCAGCAG TTCACTTTAT TGTGAGTCTT TGCNACATTT GACTGAATTT 300
AGCTGTCATT TGTNCATTTA AAGCAGCTGT TTTGGGGNCT GTGAGAGTCC ATGTATTATA 360
TCCAAGCCCA CCAGGGCTTN CCCTAAGGAN TTGCCATNGT AATACCCN 408

配列番号：2761
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03217
配列：

GATCTAGGAA AGAAGGCAAC TGAAAAACCT GAAAGAAAAA AAATNAAAGA TTAAAAGTAT 60
ACGATATTCT ATTTTGATTT AGCAATTACT TGTTTNCNAG TGTNCTGTNA ATTTTTGGTN 120
ACTTTAAN 128

配列番号：2762
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3218
配列：
GATCGGCAGG CTGAGGACCA GGTCCTGAGG AAGCTGGTGG ATTTGGTCAA CCAGAGAGAT 60
GCCCTCATCC GCTTCCAGGA GGAGCGCAGG CTCAGCGAGC TGGCCTTGGG GACAGGGGCC 120
CAGGGCTAGA CGAGGGTGGG CCGTCTGCTT TCGTTCCCAC AAAGAAAGCA CCTNACCCCA 180
GCACAGTGCC ACCCNTGTTC ATCTGGGCTG NCTGGCAGAG AGCCTTGCTG TTTACAATTA 240
AAATGTTTCT GCCACAAA 258

配列番号：2763
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3219
配列：
GATCCTTGTT GGTCTAGCTA AATACTGTTA GGGGAGTGTG CCCCATCTCA TCATTTCGAA 60
GATAGCAGAG TCATAGTTGG GCACCCAGTG ATTGGGTTCA AAAATAAAGC TGGTCTGCCT 120
CTTCTAAA 128

配列番号：2764
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3220
配列：
GATCTNCCGC TCCCTCCCTG AAGGGCATGG GGCCAGGGNA GTCTGGACAG CCGCCCCCAG 60
CCTGCTGACC CCCAGCTTTC TACAGACACC ANATTTGTAA ATAAAGTTGG GGAATGGACA 120
GCCAAA 126

配列番号：2765
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3221
配列：
GATCTTTTTA GGCCTTCATT TTATGTTTTT CCTTAACTGT TATATTATNA TTGTAACATA 60
GATTATACTA CTACTAATTN NTGGATGTNT CAAAAGGTCA AGAAGTAAAA NATGTTAGAA 120
AGCAAA 126

配列番号：2766
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3222
配列：
GATCTCTGCA CAGTTTCTTG TTTAGTCTTA TGCCTTTTAG TTGAAAAACA AATTGTATTT 60
TTTTCCTNCT AAGTTTCATG GCCCTAGAGA AGAAGCCAAT NTNNNTAAAG ATGTTATCCC 120
NGAAA 125

配列番号：2767
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3223
配列：
GATCCTGGTT TCAATGACGG TTGGAAATAG AAATTNCCAG AGAAGAGAGT ATTGGGTAGA 60
TATTTTTCCT GAATACAAAG TGATGTGTTT AAATACTGCA ATTAAAGTGA TACTGAAACA 120
CAAA 124

配列番号：2768
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3224
配列：
GATCACTTAG CAACATGCTT GGNAATTTGG NATCTNTAAA GGTAGGAGAG TGGTGAACAG 60
ATAATCTATG CATATATNAC TAGTGCCAAG ACATAAAGCG GGGGAAAATA TATTTTANCC 120
CAAACATTAA A 131

配列番号：2769
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3225
配列：
GATCAATTAC CTAACTGTTC CTTGGTCTAT TTATGTATAA GAATGCTTTT TAAAGCACAT 60
GTCTCATTTT AAATNACGCA CAAACTGAAG ATGTTAATAA AATTTAAGAG TAATACAATG 120
AAA 123

配列番号：2770
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03227
配列：
GATCCATTTG TCTGGCAGGA GGTTTTTGAT GATAAAGCAA CGCTTGCGCC AAGGCACAAT 60
AGTTGAAGNA TGGAAAGACA GCGCATATCC TGAGGAACTC AGTAGAGTCA CAGCATCTGG 120
CTTCCCTGTA ATCCTTTCTN CTCCTNGGTA CTTAGATTNG ATTAGCTATG GACAAGATTG 180
GAGGAAATAC TATAAAGTGG AACCTCTTGA TTTTGGCGGT ACTCAGAAAC AGAAACAACT 240
TTTCATTGGT GGAGAAGCTT GTCTATGGGG AGANNNTGTG GATGCAACTA ACCTCACTCC 300
AAGATTTATG GCCTCGGGCA AGTGCTGTTG GTGAGAGACT CTGGAGGTTC CAAAGATGTC 360
AGAGATATGN GATGACGCCT ATNACAGN 388

配列番号：2771
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03229
配列：
GATCGATGGA CCGTAAATAA GCTGCCATTA ACACATCTGG TTACTGCTGT AACATGACTA 60
ATAAAACCGA ACGCCTGTTC CCCTTACCCG TGTGGGGGAC ACGCAGATGA GTGAATTGGA 120
ATGTCCAGCA GAGTTACCCT CCCAATTATA TGTTCATTTT GTATATTTTT TGGTCGGGGG 180
AAAAATTGAC CTGCAGTAAA AAAACCTTTG ACCATTAAA 219

配列番号：2772
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03230
配列：
GATCAGCACA GGAAGAGCCT TCCTAAGCAT GTGGTCCCAG GGAAGGGTGA AAAGTAGGAG 60
TTATGAACGT AATCCACCTA CTACAATGTT GAATTAAAGT TATAATCTCA TAACTTCAAA 120

配列番号：2773
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03231
配列：
GATCCGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT TGGATTACAG GCATGAGCCA CCGCACCCAG 60
CAAGAGTTAT TTNNTTAACT TGAAATTTTC TACTAGCCCT GGTGAACTTC TGTGCTTAAA 120

配列番号：2774
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03233
配列：

GATCCAAGGT GATACAGCTG GTAACTGATG GAGATGTTGG TAGTGAAATN CATGTACTTT 60
TAGTNCTTTC TATGGAATCT AGAGGNAGAA TACATGTACA AGAATATCGA CTACCGTCN 119

配列番号：2775
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03234
配列：
GATCCCAGCT GTGTGTCACC AGCAGCTTTC CCAGCTTCTC TGTGAGGGTC ACTGCTGCCC 60
ACTGCAGGGT CCCTGAGGTG AAGTAAACGC CGGCGCTGGG CTTGGCCAGN CGGCAAA 117

配列番号：2776
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03235
配列：
GATCATTCCC ATTTCATAGG TTTTTATTGT GGAATAGTCA ACTTAATATA GATTCACTTT 60
CAATTTGCAT GTATAANGTA ATACTCAATA AAATTTTTTC CATTNATTTT NCAAA 115

配列番号：2777
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03236
配列：
GATCCTGGGG TTGGTCTGCT TTGTGTATGG TACTTGAAAC CACGCTGTAA TTATTGTCCT 60
GTTGCCAAAC AAAAGCCAGT CATGTAACTC TAGAAGCAGT GACTGGTGGG GCTTTCTGAC 120
AGTTCCATGC TGATGTATCA GGCCATCTGT GTCATGCTTA TGTATTATGG CAAGAAGAGG 180
AAAACTGGAT TAATAAATAC GTTTTNNNNN NGTTAAA 217

配列番号：2778
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03237
配列：
GATCCTNAGC AACGAACACC TGCACTTAGA AAAAGTGGAC AGCTTCTNCC AACCACACCC 60
TACCCATGGN ACTGTATGCA ATTAACTCCT GGAAACGCCC CGTAAATNCN AGTN 114

配列番号：2779
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO3239
配列：
GATCCAAAAT TACCTTAAAT GGAGTTAAGT AGGCTTTGCA CTAAATGGAT ATAAAAGAGG 60
CTGTCTGGNC TNCTATGAAA TNATGATTAA AATCCTTTGT GTTGTCTTTT AAA 113

配列番号：2780
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3240
配列：
GATCCTTAAA GAAGGTGTGG GGTCTTTCCC AACCTGAGGA TTTCTGAAAG GTTCACAGGT 60
TCAATATTTA ATGCTTCAGA AGCATGTGAG GTTCCCAACA CTGTCAGCAA AAACCTTAGG 120
AGAAAACTTA AAANTATATG ATTACATGCG CAATACACAG CTACAGACAC ACATTCTGTT 180
GACAAGGGAA AACCTTCAAA GCATGTTTNT TTCCCTCACC ACAGCAGAGC ATGCAGTACT 240
AANGCGATAT ATTTNTGATT CCCCATGTAA TTCTTCGGNG GNNGGNCAGT GCAGTNCTCT 300
TTCGGAAGCT TAAGATGGCC NTGNGGCCTG NCCNNNNGGN CATATGCCCC TGAAGGGCN 359

配列番号：2781
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3241
配列：
GATCTAGGGC AGGCTGTCTT CCAGTCCATG TGTTCTCGGT CGCCGTAGAC AGCGCTCTGG 60
CTACCACCGT GAGGCTACTT GAACTGTCAG GGGCATCTGC CTAAACCAGA ATCTTTTGTC 120
AGAAACCTTA ACCCAACAAA ACAAATCTTG AGTAGCTCAT GCCCGGCTCT TAGGAATTTT 180
GTCTGTTTAA A 191

配列番号：2782
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3242
配列：
GATCACTCAA CAGCACTGTN ATGTATTATT TNNAATGAGG TGCCTTTTTT AACTGACCAA 60
ATGCTGCCTT GTTTGGCCCC TAANTCAATA AAATATGTTA AAATTTGTAA A 111

配列番号：2783
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3243
配列：
GATCTAAGAA ATAGAATTAG GGAGAGTTTA CACTTACTTA CCTATATAAA AGCAGATTTT 60

CNTGGAAGAA ACCCTTTTTT TTTTTTTTTT TAAAANAGNA NCANCCAGN 109

配列番号：2784
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03244
配列：
GATCCAGAAG CTGGTGGACG TCACCACGGC ACAGGTGTAA CNTCCATGTN CCGTGTGAGC 60
AGAGTCCCTA CCAACGGGCA GGTCTGCATC CGGGGAGAAT GCAGCTGCTT CTGGCGACAA 120
TCCTGCTAGT AAACACTGGT CTTCGGTGAG CAACGAACAC TCGCCTGGGN TGGGAAACTG 180
CATGCCCACT TTNTGGGAGG GGTTAGTGCA GGTGCCGTGG ACAAAGGACA ACATTTCTNT 240
GGGGCTTTTT AACTTTTATT CCTAAGACTC TAAAGGCGTT GATTTCAACC CTCCTTCACT 300
CTGGCTTCTT CAGGNAACCC ACGTGGTCTC CTGTNAGNTN 340

配列番号：2785
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03245
配列：
GATCTTTAAG ACAACAAGTT AGGTTCCTAC TGGAGTTACC TGCCAGANTG GCCTCTTAAT 60
TAACTCAGGT AATGAAGAGC TAACTGTGTT ATAATCATCT NCCNNNTN 108

配列番号：2786
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03247
配列：
GATCTGCTAA AAATGGCAAT TGTAGAATNA TGTTGTATGT AATGTACATA TGGAGAAAGA 60
ATGTATTTTN TCCATTTCCT TAATAAAATG TTATATATGG NTGCTAAA 108

配列番号：2787
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03248
配列：
GATCTCTGAG GCTNCGGTCA CCACCCACAA GTTGTGGCCT TGGATACCAC ACTNCAGTTG 60
GGTGGTGATG GGGTNGTGCC TTCTAACTTT TNCCNTATCT TTACCGN 107

配列番号：2788
配列の長さ：125
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03249
配列：
GATCAGTAAG GATGACTGGT GTTTTCTGAC TTTNACAAAA TTACTTGTTT GTTTTCATTA 60
AAAAAAAAGC ATAANCTATG TTTCTNATTA CTATTAGAAT TATTAAATTT CAAAATGAAT 120
CCAAA 125

配列番号：2789
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03251
配列：
GATCGATTCT NTGACACAAA CCCCACCAAT TGTNAATGCA AGTTTTTATT TGGCTGTATA 60
TACAATTTAA GCTATTAAAA TTTGTACAAT ATTTACAAAT NAAA 104

配列番号：2790
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03252
配列：
GATCATTACA TCTNAGATGT ACGTNGGTTT AGTCGGAAAG GTGGGACGAT TTGAAGGGGA 60
GGNACTTTCA GGTCATAGGC GGATTAAAAN ATGTCCTGAT TAAA 104

配列番号：2791
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03253
配列：
GATCCAAGCT ATGANATANC CAACAGTATT CAAGANGCAA CCAGCACCAT CATGTGATAA 60
TGGTACTATG GCATATATGC AACATTAAAN TTTTAANTTA GAAA 104

配列番号：2792
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03255
配列：
GATCCAGTCT TAATTTGAGC ATGAGAGCAA AATTTAGTCA TCTACACAAG AAGCAAAAGC 60
AAGGAATAGT TGTTGGGTTT TNGTTTTTTG GTTGTTGTNT TTTTTTGTTN GTTAGGNANG 120
ANGTGTTCCC GN 132

配列番号：2793

配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03257
配列：
GATCCAGGTG GTGTTACATG TCCATTTCAT GTTTTGGGGG CTTTTAGCCC NACAAAACAC 60
CTTCAGTAGA GCCTTGATTA AAAGGAAACC TGNAGACTCA AA 102

配列番号：2794
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03258
配列：
GATCTTCCCC TAGGGGGCCC TCTTACTGCT NGCTCTCTCC TCCTCCTTCC CCATTGCTGT 60
AAATATTTNA ACGAAATGGA AAAGAAAAAA AAAAGACAAA 100

配列番号：2795
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03259
配列：
GATCACACAT CAAGACTATC TACAAAAANTT TATTATATAT TTACAGNAGA AAAGCATGCA 60
TATCATTAAA CAAATAAAAT ACTTTTTATC ACAACACAAA 100

配列番号：2796
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03261
配列：
GATCTAAATA CAAAGGATAT ACAGTCTTGA NTCTAAAATA ATTTGCTAAC TATTTTGATT 60
CTTCAGAGAG AACTACTAAT AAAAATCTAA AAGGTAAA 98

配列番号：2797
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03263
配列：
GATCGTNCCT ATAAATAGTA GGACCAATGT TGTGATTAAC ATCATCAGGC TTGGAATGAA 60
TTCTCTCTAA AAATAAAATN ATGTATGATT NGTTAAA 97

配列番号：2798

配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03264
配列：
GATCACTAAA GTATATCTTT AATTCTGGGA GAAATGAGAT AAAAGATGTA CTTNTGACCA 60
TTGTAACANT AGCACAANTA AAGCACTTGT GCCAAA 96

配列番号：2799
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03267
配列：
GATCTGCTGT CTCCGTCCCT CCTGGGTCCC AGCAGCTGTC CTGCAGCTGT CAGCAGGAGG 60
GCCTGGCTTT AATAAAGAGT GGACAAACTG AAA 93

配列番号：2800
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03268
配列：
GATCAAGTTC GAGGAGGCAG TCATCGCTCG AAACCGGGCC CTGGAGGGCC GCTNACCCTG 60
CCGGANATAA AGNATACAGA GAGCCCCTCC AAA 93

配列番号：2801
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03271
配列：
GATCCATTCT TGTATTGATA GATATTTGAA TGTTTCCAGT TTTTCCTATT ATGAATAAAA 60
CTGCTATGAA CATTCTTGTA TAAATCAAA 89

配列番号：2802
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03274
配列：
GATCGACAGC GTCCTGGCCT AGGGTGCCGG GGCCTGAAGG TCAGGGTCAC CCAAGCAACA 60
AAGTCCCGAG CAATGAAGTC ATCCACTCCT GCAAA 95

配列番号：2803

配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03279
配列：
GATCTCTACA GAGAGAAGTG GAAAATGCTG TATCAAGGGT GGGCTTAGCT GTGCCTTTCC 60
AATAAAGATG TGAGAAGCTT CAAA 84

配列番号：2804
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03281
配列：
GATCTTTGCC CCTGGTATGC ATTTNTGGAC TCCACTGAAT CCTGNGAAAA AAAATTAAAC 60
TTCCTTCTTA CTTGCCAAA 79

配列番号：2805
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03282
配列：
GATCCTGTCA GTTCCATNAG CTATTCCTCT TTGGTTTGGC TTTTTGATAT NATTAAAATA 60
ATNTTTAATT CCTTTTAAA 79

配列番号：2806
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03283
配列：
GATCAATTTT TATAAAAATC GAGACAGTTC TGTGGTTAAA TCTACAAATT AAAGGGAAAT 60
TAGAAGTTGG CGTGAAA 77

配列番号：2807
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03284
配列：
GATCTATTTT ATGCATATTG TTTATAAAGA CACATTTACA ATTTACTTTT AATATTAAAA 60
ATNACCATAT TATGAAA 77

配列番号：2808

配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03286
配列：
GATCTTCAGT AAGTCTCTCA GGCTCTCTGA GCTTGTTCAT CCTTTGTTTT GAAAAAATTA 60
CTCAACCAAT CCAAA 75

配列番号：2809
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03289
配列：
GATCCCTTCA CAGCAGTAAA CCAGCTCTTT GGAACCGATT CCATCACCCC AATAAAGGAG 60
CTCTTCACAG CAAA 74

配列番号：2810
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03294
配列：
GATCTGTTTC TTTTTTAATT TACACTTTTN CTTTCCGGTT TGCCGGAATA AACAGGACCT 60
TTGACATTTG AAA 73

配列番号：2811
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03296
配列：
GATCCATTCT AAGACTTATT GGCTGTTTGG AAGTGATAGC AAATAAAANC CACCTTGAAC 60
TGGAAA 66

配列番号：2812
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03297
配列：
GATCCGAGGG GGAGGGGTGG GAAGGGGAGA AAATNAAATA AAAGATAATT ACTGAACACG 60
CCGNAAA 67

配列番号：2813

配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03299
配列：
GATCATTGAA TTTAAGGCCC ACCCCAAGTC CAGANTGACC TCGCAAGACC CTTAACTCAC 60
AAA 63

配列番号：2814
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03300
配列：
GATCTTTTGT ACTTNTNATA ACCTAATGTC AGACTAAGAA AAATAAAATA TCTGAGAGTA 60
AA 62

配列番号：2815
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03304
配列：
GATCCCTTCG AGACTAANTC TGTTACCAGT CATGAAACAT TAAAACCTAC AAGCCTTAAA 60

配列番号：2816
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03305
配列：
GATCTTTGTC TTTTGTCATG ACAAAGCATT TATTTAATAA AGTTATGCAN TCAGTTAAAA 60
AAANCAAA 68

配列番号：2817
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03306
配列：
GATCAGATTT TTTATGCCAT CCTCATTAGT TTTCCAATAC AATATAAGTT GAAACAAA 58

配列番号：2818
配列の長さ：58
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03307
配列：
GATCTCAGAC TTCTGGCTTC CACAACTGTA ACAATAAATT TATGTCGTTT AAGCCAAA 58

配列番号：2819
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03308
配列：
GATCCACTGG GTGAATCCTC CCGCTCAGAA CCAATAAAAT AGAATTGACC TTTTAAA 57

配列番号：2820
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03310
配列：
GATCTGTGGT CATTGTCCCT CTGCAGAATA AAGATTGCTC AGGCCTGCCT GGCAAA 56

配列番号：2821
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03311
配列：
GATCTTTGGT TTGTTTCCAG GTTTGGTTAT TATNAATAAA GTTGCTGTGA ATACTTAAA 59

配列番号：2822
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03312
配列：
GATCTTCATT GGGGGATTGA GCAGCATTTA ATAAAGTCTA TGTTTGTATT TTGAAA 56

配列番号：2823
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03313
配列：
GATCTAAGAA ATAAAGAGAA ATGTTTCANT TTGCATTGAA ATAGGAAAAC GAAA 54

配列番号：2824
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3315
配列：
GATCATNACT GGCTTTGCGC ATCGAGGGGC CATTAAAGAG TCTACTTTTC AAA 53

配列番号：2825
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3318
配列：
GATCTTTTTA AAACTGCAAG TGTTGAATAC TAGAGGTTGT TAGAGCNTTA AA 52

配列番号：2826
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3319
配列：
GATCTTGCCA CTGTAGTCCA GGCTGGGCTA CGGAGAGACC CTGCCTCCAA A 51

配列番号：2827
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3324
配列：
GATCCTTGCT GATAAATATA ACCATCAATA AAGAAGCATT CTTTTCCAAA GAAA 54

配列番号：2828
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3325
配列：
GATCTCACCA CACTGCAACC TCTGGCGACA GAGCGAGACT TGGTTTCAAA 50

配列番号：2829
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3326

配列：
GATCCACCCA CTCTCTGAAA CTTCTTTGCT AATAAAACAT TCCTACTAAA 50

配列番号：2830
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03331
配列：
GATCTTTTTT TTTCCTTACA GACACCCATA ATAAAATATC ATATTAAAAT TCAAA 55

配列番号：2831
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03332
配列：
GATCCAGGGG GAAATGCTGG AAGTCAATAA AACTGAGTTT TGAGAGCTTG AAA 53

配列番号：2832
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03356
配列：
GATCCACATA AAAAGAAATG TGAAGTTTTC TTTTACTATC TTTTCATTTA TCAAGCAGAG 60
ACCTTTGTTG GGAGGCGGTT TGGGAGAACA CATTTCTAAT TTGAATGAAA TGAAATCTAT 120
TTTCAGTGAA A 131

配列番号：2833
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03374
配列：
GATCTGCTGA TTGCATTATT TTAATTTGCT TTTCTGGGAA AGCAGTTTTG CTAAAAGCTG 60
TACAGACTTT TNCTTTTGTA CCTAGCAGTA CTTTATATAG TATAGCTTTG GGCCATGTAG 120
CATTTTAAGA CTCAATTTTA AAAAATNATT AATCTGTTGC TGACTCTTAA TTCCTATTTC 180
AATATGTGTT TCCTTGAAGA ATTCAGGATA CAACTTCTTG TGTATGACAG CTTTCCTTCA 240
CACACTATTT TNGTGGGTGT GTATATATCT GATTTGGGAA GAATTTAAAA AACACATAGC 300
TTTTNAATTN GTTTGAAACA GACTTTCTGC CTGTGACATT TNNGCNTTTA NCCAATTAAA 360
GAAGCCAATG GCATTTTNGG TNTTATATNG TGTTTTCCAC TAGTATATCC CTGTGGATTT 420
GTTTGTGCCC N 431

配列番号：2834

配列の長さ：429
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3375
配列：
GATCCCATGG GTGGCACATT GGGACTTCTN TCCCTCCCCC ATCTACACAG AAGACTGTCA 60
CCATGCTGAC AGAAGCCTGT CCTTGTAAGG CCCAGCCTTC CAGGGGAACA CTCAGACATG 120
TTCATTCTCT TCCTGCTTCT GCTCTGGGCC GGTGGGTGGC TCTCAGAAAA TACTTGCTGC 180
TGGCAAAAGG CCTGTACTCA GGCATTTGCT TTGACTTGAT GTTGCCAAGG GACTGAGGCC 240
ATTGGCAGGC TTAGTACCAC CTGCTCCTCA TCTTAGGAGT CTCCTTTTCA AATAATTAGG 300
CTCTGTTCCC ATTTTAAAAC TCTGATATTG GGCTTCACCT GTGACTGGAC ACTTTACTAG 360
AGGCCCATTT NCACTAAACA NTAAAATCTA AATAAATTGG AAGGAATAAC AACNACAAAG 420
GGNTAGAAA 429

配列番号：2835
配列の長さ：427
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3376
配列：
GATCTGGGCT TCCTNACTTC TGGAGAAGTG GCCATCCCAT GCCCACCTTT NCCATGGAGG 60
AGTGGGCCCT GCCAGCTGCC ACAGCTGCAT GACCTGCTTC CCCACCCCAC GGTGTCGTTT 120
TNTTTTNAAA GGTCACCTGT CCTCACTCAC CCAGCCAGCC CTTCAGGTGC NTTCTACTCC 180
CAGTGCCAAA GCCAGACCAC TGGGGTTTCC TGCTGCAGGA ATTGGGGGCT GGGAACAGCA 240
GAGGGGATAG AAGTNTGGTG GAGGTGGAGT GGGCACGCNT TAGCCTACGG AAAGGNCCAT 300
TTTTTGGGNC CACTGAGCTG CACTGGGATT TTTCANTTCT GGNCCTGANT NCCTTTAGGG 360
NAAATAACAC AGCAGGACCN CGGTGGGGAT TTTAAGNACT TTTTTTTNNA GATTNAAANG 420
GNTTCTN 427

配列番号：2836
配列の長さ：416
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3377
配列：
GATCCTGATG CTGCCAGAGC CATTGTGGAT GCTTTACCAC CACCCTGTGA ATCTGCCTGC 60
ACAGTACCAA CAGACGTGGA TAAGTGGTTC CATCACCAGA AAAACTAATG AGATTTCTCT 120
GGAATACANG CTGATATTGC TACATCGTGT TCATCTGGAT GTATTAGAAG TAAAAGTAGT 180
AGCTTTTCAA AGCTTTAAAT TTGTAGAACT CATCTAACTA AAGTAAATTC TGCTGTGACT 240
AATCCAATAT ACTCAGAATG TTATCCATCT AAAGCATTTT TCATATCTCA ACTAAGATAA 300
CTTTTAGCAC ATGCTTAAAT ATCAAAGCAG TTGTCATTTG GAAGTCACTT GTGAATAGAT 360
GTGCAAGGGG GNGCACATAT TGGNTGTATA TGTTTNCCNT ATGTTAGGGG ATAAAN 416

配列番号：2837
配列の長さ：398

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03378
配列：
GATCAAAGAT GAGGCCACAA GGACACCAGC AACTGAAGAG GCTGCCTACT TGGTATCAAG 60
ACTGAAGGAG AACTACGTTT TGCTGAGCAC TGATGGCCCT GGGAGGAACA TCCTGAAGTT 120
TAAGCCCCCA ATGTGCTTCA GCCTGGACAA TGCACGGCAG GTGGTGGCAA AGCTGGATGC 180
CATTCTGACT GACATGGAAG NGAAGGTGAG AAGTTGTGAA ACGCTGAGGC TCCAGCCCTA 240
AGCCAGCCCT GCTCTGCCTA AGTGTACTCC AGAAGAAACT CATCTCATCC AAATACACGC 300
TATTGAGAAG GCGAGCCTGA CCTCCCTCTT ACAGATAAAG TCAGCTTTCA GAGGCTCAGG 360
GTGGGGGGGC CTGCCCGAGG CCATAATGCT ACCCACCN 398

配列番号：2838
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03379
配列：
GATCGCACAC ATGCTTTGTT TGGAATATGG AGTGAACACA ATTATGTACC AAATTTAACT 60
TGGCAAACTT NCTATTGCCT GTCCCATGTG CATCTNATTT AAAATTTCCC CCATGGAAAT 120
CACTCTCCTG TTGACTATTT CCAGAGCTCT AGGTGTTTAG GCAACGTGTG GTGTCCTGAG 180
ANGGCCATAG CGCCATCATG GGCTGATTTT AATTACCAGG TCCCCCAGAA GCAGGTGGGA 240
GGCTCTGCTT CCTGCTGGCC GTTCTGCAGC CTGGACCTGT GGACCCTGGT TGTAAAGNGT 300
AAATTGTTTT CTTANGGAAA CCAGTGTCAC CTTNTNTNAA CCTTTAAANT TTAAAAATAN 360
TTTGGGGGAA NAAATTNCNG NNACNGGAGG GTTAAAATTT ANCNNANN 408

配列番号：2839
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03380
配列：
GATCCACCAG CTGAGCAGGG CGGGGCTGAG TAAATGCCGG CTTACCATCT CTACCATCAT 60
CCGGTTTAGT CATCCAACAA GAAGAAATAT GAAATTCCAG CAATANGAAN TGAACAAAAG 120
ATTGGAGCTG AAGACCTAAA GTGCTTGCTT TTTGCCCGTT GACCAGATAA ATAGAACTAT 180
CTGCATTATC TATGCAGCAT GGGGTTTTTA TTATTTTNAC CTAAAGACGT CTCTTTTTGG 240
TAATAACAAA CGTGTTTTTT AAAAAAGCCT GGNTTTTCTC AATACGCCTT TAAAGGTTTT 300
TAAATTGTTT CATATCTGGT CAAGTTGAGA TTTTTTAAGA ACTTCATTTT TTAATTTNGT 360
AATAAAAGTT TTNCAACTTT GATTTTAN 388

配列番号：2840
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03381

配列：
GATCTTGCTG AAAGTGTTTC TAAAGATAGC ACCACTTTTT TTTTNAAAGC TTTTATATAT 60
NAAAAAACGT ATCATGCAAA 80

配列番号：2841
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03382
配列：
GATCTTGTCC TAGCCTTTTN ACTTTTGCAA TTTCAGTATC TTCATCTCTA AACTAGGGAA 60
ACACTNGGAT TCTTTCTTAG CTGTGGGGGA AGGTATTTGG TTAGATGACT TTGAATGAAT 120
AGACTGCTGT GCTGAAAGAG CTTTATCACA CTGTCTCAAA GTATGTAAAG ATACATAGGT 180
GGATGCTCTT ACTGCAGCAG TCATGAATAC ATTTTTAGCC ATTTACCTAA GGAAAAAGAC 240
AGTTTTTCTA GGTACCATGA AGGAAGATTG ACCCTGTTGG TATGCCTGTG GGGGTGGGAT 300
GTGAGTGGGA CTGATAAACT GATACTTTTG GTTCGTATGT ACATACTGGN AGAATCTTCA 360
TANTAAATGN GACTACACAA CAAA 384

配列番号：2842
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03383
配列：
GATCCAGGGC AAGGCCATTG GGATATTCTG AAACTTGAAT ATTTTGTTTT GTGCAGAGAT 60
AAAGACCTTT TCCATGCACC CTCATACACA GAAACCAATT TTNTNTNTNA TACTCAATCA 120
TTTCTAGCGC ATGGCCTGGT TAGAGGCTGG TTTTTTCTCT TTTCCTTTGG TCCTTCAAAG 180
GCTTGTAGTT TTGGCTAGTC CTTGTTCTTT GGAAATACAC AGTGCTGACC AGNCAGCCTC 240
CCCCTGTCCC CTCTATGACC TCGCCCTCCA CAAATGGGAA AACCAGACTA CTTGGGAGCA 300
CCGCCTGTGA AATACCAACC TGAAGACACC GTTCATTCAG GCAACGNACA TAACAGNAAA 360
TGAAGGTGGA CANGCN 376

配列番号：2843
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03384
配列：
GATCCCAAAC CTAGCCCCCT AGTGGGACAA GGACCTGACC CTCCTGCCCG CATACACAAC 60
CCATTTCCCC TGGTGAGCCA CTTGGCAGCA TATGTAGGTA CCAGCTCAAC CCCACGCAAG 120
TTCCTGAGCT GAACATGGAG CAAGGGGAGG GTGACTTCTC TCCACATAGG GAGGGCTTAG 180
AGCTCACAGC CTTGGGAAGT GAGACTAGAA GAGGGGAGCA GAAAGGGACC TTGAGTAGAC 240
AAAGGCCACA CACATCATTG TCATTACTGT TTTAATTGTC TGGCTTCTCT CTGGACTGGG 300
AGCTCAGTGA GGATTCTGAC CAGTGACTTA CACAAAAGGC GCTCTATACA TATTATAATA 360
TATTCGCTTN 370

配列番号：2844
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03385
配列：
GATCTGTCAT CTGGTGCTGC CAGCTGTGCT CACTCTGGTT TTCTGCTCAG GGTCTGAAGC 60
AGCTGCTGTC TNCCTCCTCT GCCCCCATCC CCTGGCTCTC CCCTGGGCAC AGTGCCACTC 120
CCTTGGAAGG GAGGGAACCA CCCGTNAGCC CCAGGGCTTG GNAAGCCTGA GGCGGTGNCT 180
CTGCCTCTCC CTGCCCCCAG CACAATTGGC AGAGATGAGG CGGGTGGTGG ACGGCTGGGG 240
GTGTCGTGGC AGGGTCTNGC ACAGGGNCAT GTCCTGGCTG TAACCCAGGC AGTGGGAGGT 300
CTGCAAGCCT GGTCATGGCC TTCACAGCAN GGTNCCTGTT GGACAGACAT ATCTGNATAT 360
TTATNAA 367

配列番号：2845
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03386
配列：
GATCTCCAAC ACTATCCGAT AAAGTAGAAG CAACTGAGGT ACCGTGAAAG AGAAAGGAGC 60
TGGAACTGAG AAAAAGCAGA GGATTCGGAC GGAGAGCGCG AGGACTCGGC GGCTGAGCGC 120
GCCCGACAGC AGCTAGAGGC GCTGCTCAAC AAGACTATGC GCATTCGCAT GACAGATGGA 180
CGGACACTGG TCGGCTGCTT CCTCTGCACT GACCGTGACT GCAATGTCAT CCTGGGCTCG 240
GCGCAGGAGT TCCTCAAGCC GTCGGATTCC TTCTCTGCCG GGGAGCCCCG TGTGCTGGGC 300
CTGGCCATGG TACCCGGACA CCACATCGTT TCCATTGAGG TGCAGAGGGA GAGTCTGACC 360
GGGCCN 366

配列番号：2846
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03387
配列：
GATCCCCCCA AGGNGAAGTG TGAGACAATG GTCTATCACC CCAACATTGA CCTCGAGGGC 60
AACGTCTGCN TCAACATCCT CAGAGAGGAC TGGAAGCCAG TCCTTACGAT AAACTCCATA 120
ATTNATGGCC TGCAGTATCT TTNCTTGGAG CCCAACCCCG AGGACCCACT NAACAAGGAG 180
GCCGCAGAGG TCCTGCAGAA CAACCGGCGG CTGTTTGAGC AGAACGTGCA GCGCTCCATG 240
CGGGGTGGCT ACATCGGCTN NACCTACTTT NAGCGCTGCC TGAAATAGGG TTGGCGCATA 300
CCCACCCNNG GCCACGGCCA CAAGCCCTGG GCATCCCCTG CAAATANTTN TTGGGGGGCC 360
ATGGN 365

配列番号：2847
配列の長さ：364

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03388
配列：
GATCTAGAGT ATGTTGAAGA AGATGGACAT GTGGTGGTAC GAAAACAATT CCCCTGTGGC 60
CTGCTGGACT GGGTGGAACC AGAACAGGCT AAGGCATACA GTTCTTGACT TTGGACAATC 120
CAAGAGTGAA CCAGAATGCA GTTTTCCTTG AGATACCTGT TTTAAAAGGT TTTTCAGACA 180
ATTTTGCAGA AAGGTGCATT GATTCTNAAA TTCTCTCTGT TGAGAGCATT TCAGCCAGAG 240
GACTTTGGAA CTGTGAATAT ACTTCCTGAA GGGGAGGGAG AAGGGAGGAA GCTCCCATGT 300
TGTTTAAAGG CTGTAATTGG AGCAGCTTTT GGCTGCGTAA CTGTGAACTA TGGCCATATA 360
TAAN 364

配列番号：2848
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03389
配列：
GATCTGGGGA GGCAGGCATT CCTGAAGGGA ACTAGAGGTG TTACAGAGGA CCCTTACGTG 60
AGAAATAGCT GAAAAGGGCA CTCGCAACCC TGGGCTGGGG AGGAGGAGAG AGTCCCAGAG 120
CTCATCCCCC CTGCTGCCCA GTGCAAACCA CTTNTCCATG CTGCAAAGGA GAAGCACAGC 180
TCCTGCCAGG GTGAGCAGGG TCAAGCCTCT TATTCCAGGA GAAGGGGGCT CTGCCCAGGC 240
CCTACTACCN ATTGTNCCCT TCCTCTTCCT GCCCTTGGAA CCCCCTNCCT GTCCCAGGGC 300
CCTTCNAGCC CATTGCTGCC AAGGTGGAGG GANGGATAAA GNCACTTCTG GGTTTTGAAG 360
CCN 363

配列番号：2849
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03390
配列：
GATCTGGGTG TGGCCAAAAA CAATTTTNTT TATTCTGTCT ATCAAATAGT ACTTCTACCA 60
CTGTTTGGAG AAAATTGAAG AAAAGAATAA GATGATTAAA TGAATTCTCT AAAAGAACAT 120
ATTTTAAGAG ACAGAACTTA GACATAACCA AGTAGTTGTA TACCTGATTG TAACAATCAT 180
CTTTTATAAA AGCAAAATTA TGCATAAATG TAAAACACCC CTAAACAAAG GGAACAAATG 240
ANTTTTTGGT TATATTGTTT TCTTGGCTCA AAGTATCAAT TTATTATTAT AATAGAAATT 300
TATAAGTTGC TAGAAAGTCT ATATTTTTAA CGCACGGAAT AAAANTATGT TTTCTATTAA 360
A 361

配列番号：2850
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03391

配列：
GATCTGTCTC CAAGACCTTG GCCTCTCCTT GGAGGACCTT TAGGTCAAAN TCCCTAGTCT 60
CCACCTGANA CCCTGGGAGA NAAGTTTGAA GCACAACTCC CTTAAGGTCT CCAAACCAGA 120
CGGTGACGCC TGCGGGACCA TCTGGGGCAC CTGCTTCCAC CCGTCTCTCT GCCCACTCGG 180
GTCTGCAGAC CTGGGTTCCC ACTGAGGCCC TTTGCAGGAT GGAACTACGG GGCTNGNAGG 240
AGCTTTTGTG TGCCTGGTAG AAACTATTTC TGTTCCAGTC ACATTGGCCA TCACTCTTGT 300
ACTGNCTGCC ACCGNGGAGG ANNCTGGTGA CAGGNCAAAG GCAGTGGAAG GAAAN 355

配列番号：2851
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03392
配列：
GATCTAGTTC TACGTATTAC ACAGGTGTAA TATCTGTGAG TGTAAATAAC TGGAACTGTA 60
CACTGATTAA CATGNCAGTT TCTCTTTTGT TGTTCTTATC TGTACTGTAT TATAGTATGT 120
GGGTATAAAT ATCTACAAGT ATACACACAT ATGTNCTNGT ATTCCACTAT TGTAACCTGG 180
AAGAAAGACT ATGNATNCCC TNTTNNAATT CCGTACTGGT ATTNGTGTTA TTTAAAAAGC 240
AAAATNCGGC TCTATTTAGT TGTATAATAT TAGAGGGTAC TNNGCTTGNN CACAATTCCA 300
AGTGGCCTTA GAGCATTGTT TAGCTNNCCG AAGTATATAT AANN 344

配列番号：2852
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03393
配列：
GATCTATGAG CCTGTNTNGG ACAGCCAGAT GGTCATCATA GTCACGGTGG TGTCGGTNTT 60
GCTGTCCCTG TTCGTNACAT CTGTCCTGCT CTGCTTCATC TTCGGCCAGC ACTTGCGCCA 120
CNGCGGATGG GCACCTACGG GGTGCGAGCG GCTTGGAGGA GGCTGCCCCA GGCCTTCCGG 180
CCATAGCAAC CATGANTGGC ATGGCCACCA CCACGGTGGT CACTGGAACT NAGTGTGACT 240
CCTCAGGGTT GAGGTCCAGC CCTGGCTGAA GGACTTGTNA CAGGCAGCAG AGACTTGGGA 300
CATTGCCTTT NNTAGCCCGA NTACAAACAC CTGGACTTAA A 341

配列番号：2853
配列の長さ：567
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03394
配列：
GATCTCAAGA CCAAAGACAG ATGTCAGTGG GCTGCTCTGG CCCTGGTGTG CACGGCTGTG 60
GCAGCTGTTG ATGCCAGTNT CCTCTAACTC ATGCTGTCCT TGTGATTAAA CACCTCTATC 120
TCCCTTGGGA ATAAGCACAT ACAGGCTTAA GCTCTAAGAT AGATAGGTGT TTGTCCTTTT 180
ACCATCGAGC TACTTCCCAT AATAACCACT TTGCATCCAA CACTCTTCAC CCACCTCCCA 240
TACGCAAGGG GATGTGGATA CTTGGCCCAA AGTAACTGGT GGTAGGAATC TTAGAAACAN 300

GACCACTTAT ACTGTCTGTN TGAGGCAGAA GATAACAGCA GCATCTNGGN CCAGTCTCTG 360
CCTTAAANGG AAATCTTTAT TAATCACGNA TGGTTCACAG ATAAATTCTT TTTTTAAAAA 420
AANCCCANNC TCCTNGGGAT GCACANCCTG TCAAGNGTCT TTTTACACAC AANTTTCAGG 480
TTTNNCATCA CGGGGCTTTG ANTTCNAGGA AATNAAAGGN GGGACAAATT TNGTTNGTTT 540
ACNCTATGGT NCTTTNNTAA NAAACNN 567

配列番号：2854
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3395
配列：
GATCTTTACT TTTTTACTTT TTATTCATCT TTGTGTTTTT ATTTATCTAA AATGGGTATT 60
GATTTTAAGG ACGGTTTTGA AAAAGAAAAG TGTTGGGAAT GAAGCAAGTG ATTGATTGGA 120
AAACATACTG AATGGAAGAA ATATTTAGAT TAAAAATGAG GTAGGTTGAA GTTTCTNCTC 180
TGAAATNATA GATAAATGGT GAAGATAAGG CTTATTGTGA GGNTTCAGTG AGGTAATATA 240
TGCAAAGTAC TTACAATGTT CTGGCACATA GTAATTNATT NNGANAATCG AGCACCCTTA 300
ATTACCTAGA ATGCAGGGTT GTTAGTTTTT NGGTTGACTT TTGTTTTNN 349

配列番号：2855
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3396
配列：
GATCCGCTGT ATTGTGGAGT ATCAGAACAA GGGCCGCGGG AACGAGNGCG TGCAGTACCA 60
GCATGTGTTA CATAGAAATC TCATTTATTT GGCTACCATT GCAGATGCCA GTCCAACCAG 120
CACTTCAAAA GCAATGGAAT AATCTTTCAA AAGCAATAGA ATAATCTTCC ATTTGGCTGT 180
CGTGAGGAGT AATTGAATGT AATCCATCTC TTACAAAATG GAGACAGGGT CTTTACCAAC 240
TCAACTGGTT AAAACATGAN TGAAACCTCT GTGGCTCTTT CAAAACGTGG AAAATGTGAA 300
GAANGCTACT TAACTTNGGC TGTATTCTCA TGGN 334

配列番号：2856
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3397
配列：
GATCGGCCTG CTGCTCCGCA ACTTCGACCG CTACGGCGTG GAGTGCTGAN GGACTCTGCC 60
TCCAACGTCA CCACCATCCA CACCCCGGAC ACCCAGTGAT GGGGGAGGAT GGCACAGTGG 120
TCAAGAGNAC AGACTCTAGA GACTGTCAGA GCTGACCCCA GCTAAGGCAT GGCACCGCTT 180
CTNTCCTTTC TAGGACCTCG GGGTCCCTCT GGGCCCAGTT TCCCTATCTG TAAATTGGGG 240
ACAGTAAATG TATGGGGTCG CAGGGTGTTG AGTGACAGGA GGCTGCTTAG CCACATGGGA 300
GGTGCTCAGT AAAGGAGAGC AATTCTTACA AA 332

配列番号：2857
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03398
配列：
GATCCTGGGT GTNTNTGTAA GGGTNTTGCC AAAGGAGGTT AACATTGGAC TCANTGGGCT 60
GGGGAAAGGC AGACCCACCC TTAATCTGAG TGGACACCAT CTAATCAGCT GCCAGCGAAA 120
ATAAAGCAGG CAGAAAANTG AAAAANNTAG ACTGGCCTAG CCTCCCAGCC TACATCTTTN 180
TCCCATGCTG GATGCTTCCT GCCCTTGAAA ATTGGACTCC AGGTTCTTNA GTTTTGGGAC 240
TTGGACTGGC TCTCCTTCCT CCTCAGCCTG CAGACATCCT ATTGTGGGAC CTTGTGTTTC 300
TGTAAGTTCA TACTTAATAA ACTCTCCATA N 331

配列番号：2858
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03399
配列：
GATCGAGTCT ATACGCTGAA GAAANNTGAC CCGATGGGAC AACAGACCTG CTCAGCCCAT 60
CCTGCTCGGT TCTCCCCAGA TGACAAATAC TCTCGACACC GAATCACCAT CAAGAAACGC 120
TTCAAGGTGC TCATGACCCA GCAACCGNGC CCTGTCCTNT GAGGGTCCCT TAAACTGATG 180
TCTTTTCTGC CACCTGTTAC CCCTCGGAGA CTTCGTAACC AAACTNTTCG GACTGTGAGC 240
CCTNATGCCT TTTTGCCAGC CATACTTCTT TGAGCATCCA GNNTNTNGTG GCGATTTGAT 300
TATGCTTGTT GTGAGGNAAT CATGGGTNGG CNTCNNCCNT TAANGGGGTG N 351

配列番号：2859
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03400
配列：
GATCCTGGGG GCCTGGGTTG GGGGCTAGGG AGACGCCATG TGATGGACAC TCCAGGGACA 60
CACAGCCTAG CACAGCAGCT TATAATGGGC TCTCCGGGGC CATTTGCAAT AACAGCTGCA 120
ATTCCCTGGA TAGACGAGTT GATTTCCTCC CTCTGCCCCT CCCCCAGCCA TGCCAGCTGG 180
CCTTTGTAAG TGCAGGAAAC CGAGTAGAAA ATGTGACCCT CCAAATGGAG AAGCTGCAGG 240
CTTTGCCATT GTGAACCATG GTGAAGTGCT TGGAACATAC TGTTCACTCA CTCTAAAGGN 300
GCTGAGACTG TGCTGTTGTT CTCGTTTTTN 330

配列番号：2860
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03401
配列：

GATCTGGAAA GGACATGACT TCTGAAATAG CCGCTGCTGG GTTTTAAAAG CTGAGGTCTC 60
TCAAAGTGTG GAGGAGACGT TGCCGTCAGN GGGAGCCAAG TGCCGGGAAG ATGTCTATTT 120
TTTTCCTTGT GTATTGAAAA TCATGATGTT TGTTATGACT GCTGATGCGA TTGTNTTTGT 180
AAATNTNATT GTGGCATATA CAGTATTGTC ATACAGTTGA AGAGAAACAA TGTTTCCTAA 240
TGTAAGTNCT CTGAAAATGT TGACACTGTA TATATATATA TNAGGATAGT TTGTNTTTCN 300
NTGTTTGGGG TTTNNNNTTN TTTCNGNTGN 330

配列番号：2861
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03402
配列：
GATCTTAAAC CCAAAGTACG AGAAATGTTT CTGTTGAATG TAATGCTACA TGAATGCTTG 60
ATTTATCAAG CGCCAAAAAG GCATTGTATA GTAGGAAATG TAAGTGGGGT GGCTTATGGC 120
TTCTTTATCC TCTGATTCTA GCACTTTCAA GTGAGCTGTT GCGTACTGTA TCATATTGTA 180
GCTATTAGGG AAGAGAAGAA TGTTGCTTAA GAAAGAACAT CACCATTGAT TTTAAATACA 240
AGTAGCAGGG TATTGCCTTT GATTCAACTG TTTTAAGTCC TCATTTTTCT CAAACTAAGT 300
GCTTGCTGTT CCCAAATATG GCAAGGNATA GCTTTTACAC TTTTTCCCTG CCAACANNTC 360
NTNGATTGGC TTTGCAGANA TNNAGGTTTG ANTTGN 396

配列番号：2862
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03403
配列：
GATCCAAAGT GACCCCACCA GGGGACAGCC AGAGGAAGGG GACCATGGGG TATCCNNAGT 60
GTCCTGGTCT ATCACCCCAG CTTCTTTGTC CCCCAGTACC CCCAGCCCAG CCAGCCAATA 120
AGAGGACACA AATGAGGACA CGTGGCTTTT ATACAAAGTA TCTATATGAG ATTCTTCTAT 180
ATTGTACAGA GTGGGGCAAA ACACGCCCCC ATCTGCTGCC TTTTCTATTG CCCTGCAACG 240
TCCCATCTAT ACGAGGTGTT GGAGAAGGTG AAGAACCCTC CCATTCACGC CCGNCTACCA 300
ACAACAAACG TGCTTTTTTC CTNTTTGAAA 330

配列番号：2863
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03404
配列：
GATCTTATTT TCTGAGAAAT TGATAGCAAA TATGCCAGAA AGTGGACCTA GTTATGAATT 60
CCATCTAACC AGACAAGAAA TAGTATCATT ATTCAACGCA TTTGGAAGAA TTTCTACAAG 120
TGTGAAAGAA TTAGAAAACT TCAGGAACTT GTTACAGAAT ATTCATTAAA GAAAACAAGC 180
TGATATGTGC CTGTTTCTGG ACAATGGAGG CGAAAGAGTG GAATTTCATT CAAAGGCATA 240
ATAGCAATGN CAGTCTTAAG CCAAACATTT TATATAAAGT TGCTTTTGTA AAGGAGAATT 300

ATATTGTTTT AAGTAAACNC ATTTTTAAA 329

配列番号：2864
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03405
配列：
GATCACTTCA GCTGCCTGCT GTGGACAAAG AACATCAAAT TACAGCATCA CGAGTGCTAT 60
TNTTGCCTGT GGTGGTCTCC CTGTCCAAGC GGGNCCGCTT TGCAGAGACC AGAGGCATAT 120
CGCGGCTTGA GCTGAAAATG CATTTNTTGC AGCTTAGGTT GAATTATTTT NCGTTTGCTC 180
TTTCTTCTAC ACGCGCCTGA TGGATAGTGA ACCTATTCAT CAAAAAAGTG CACTGCTCTN 240
CTGTCTATTG TACCGACTTA ACCTCTTCCA CCCAAGTCCG CATCTGTGTG TATCATCAAT 300
AAAGTTGGTN GTGCCTTGGN TTGGGCAAA 329

配列番号：2865
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03406
配列：
GATCGGCGTG ACCACCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTNA AGCACCTNTT TGCCAGCCAG 60
AAGGCACTGA AGGAGAAGGA GAAGGCCTCC TGGAGCAGCC TCTCCATGGA TGAGAAAGTC 120
GAGTTGTATC GCATTAAGTT CAAGGAGAGC TTTGCTGAGA TGAACAGGGG CTCGAACGAT 180
NTGGAAGACG GTTNTNGGGC GGTNCCATGT TCTTTAATCG GTTTNAACGT GCTCGTTNCC 240
CCTNTGGAAA AAGGNCTTNT GTTTACCGGC CCCCTTCCCG AAAAGTTTTN ACAAAANGGT 300
GGGGTTGCCC AAGNAGGCCC AANAGGNN 328

配列番号：2866
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03407
配列：
GATCTACAGA GTTAGAAATT CGAAAACTAT TCCAGGACTA ATTCTTAATC GGCATTATTT 60
ATACAAGAGG TCAAGTAACA TTTACTAGCG CAATACTGCA CTTGTAAATG AATTATAAAC 120
GCTCTTCTGG AATATATTTA AATAACCATT AAAGAACTGC TTATTCATNC TGGACACTGC 180
ATGTNGATGT TGAATCAACT GATGCCAGCA GAAAGCTATT TTGATTTGTG AACATACTGC 240
CTTATTTAAA GGGTCCTGAT TGCTTGTATT TTANGNCATT CATTAAAAAG AAACCAGGAA 300
ACACTTTTGA ANTAACAGCA TANGGGN 327

配列番号：2867
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03408
配列：
GATCACCCTC CTCCCAAAAA GCAAGAGCTT GTTTATGGCT GAGGAATCGG CGGATTGTCT 60
GAATGACACA TATACAGAGC CCCCACGGAT TTCTNCACAC TCTGGGTCTG TGCTGGTGGA 120
ACATTGCCAA TNAGTTCTTA ATGAGGCACC TGTGTGTAAA TACATGCTTG GTCTTCTCTG 180
CAGAGAACTG AGGCTAAACT CTGTCCCTAC TTCTGGTTTT GCCCTGTNAT GTCGTAACGA 240
GGTGGGCCTT TTGAGGCCAT TTTAGTTTGA GTTCGAGCCA ACCACCTCTG GTTGGTTAGA 300
TGATTGAATA AAAAGGTTCT GAAGAAA 327

配列番号：2868
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03409
配列：
GATCCAATCA CCTCCCACCA GGCTCCACCT CGAATACTGG GGATTACCAT TCAGCATGAG 60
ATTTNGGCAG GAACACAGAC CCAAACCATA CCACACACAT TATCATTGTN AAACTTTGTA 120
AAGTATTTAA GGTACATGGA ACACACGGGN AGTCTGGTAG CTCAGCCCAT TTNTTTATTG 180
CATCTGTNAT TCACCATGTA ATTCAGGTAC CACGTATTCC AGGGAGCCTT TNTTGGCCCT 240
CAGTTTGCAG TATACACACT TGCCANGTAC TCTTGGTAGC ATCCTGTTTG GTATCATNGC 300
ACTGGGTCAC ATTGCCTTAC CTAAAN 326

配列番号：2869
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03410
配列：
GATCTATGGA ACAGAGGAGG AGCGATGCAG TTGGGAGAGG AAGCTAGAAG GGTTATGGTT 60
GGAGTTCTGT ACAGTGTTGA GTTTCCGACA GGGAAAGAGG ATTCCTCCAA TGCGCCTAGA 120
GAGAAAGCCT GAGCAGGAGA TGATGCAGCA GAGGGGAAGG GCCCTGTGGT GCCGCCGCCC 180
TTCCTTCAGC CTCCGAAGGT GATGGAAATG GAGAGTGGAG GACCAGGCCT CCAGCTGTNT 240
GGCCTNGCCN TTCACGCCTT AACACTAAGC CCACCTCCCC TTNTCTCCTT CCCAGCATTG 300
AGCCCTTGGT TGCCTGGGCC CAGGN 325

配列番号：2870
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03411
配列：
GATCTTCAGA AACCTTGCTA GGAGAAGTTA ATGAAAATAG AGTATCAATA GCATTGAAAA 60
AAACCTCTGA AATCCTTCAC GATATTGACT GTCTTCTATC AAACTCTAAA AAGTGAAAAA 120
TGGAATTATT ACAACATATT ATTAAAGTTT AAGGATGTTG TTTCAAGTGA CTGGTATAAA 180
ATTACTAGTA AGCCAAGATA TTGTACGTAT TACCCCGGCA CAATGATTGT GAAAGANCTG 240

ACATTTAACT TTGAAGGTAT TTTTAACTTG TACATTTTTA AAATATGTAT TTATATCTNA 300
NTANTAAATN TTTCGAAGTT TTAAA 325

配列番号：2871
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3412
配列：
GATCCAAGCG GAGATTGACG CTGCAGCGGA NACTCATCGA CTTCTTCCGG TTCAATGCCA 60
AGNATGCGGT GGAGCTGGAG GGGCAGCAGC CCATCAGCGT GCCCCCGAGC ACCAACAGCA 120
CGGTGTACCG GGGTCTGGAG GGCTTCGTGG CGGCCATCTC GCCCNTTAAC TTCACTGCAA 180
TCGGCGGCAA CCTGGCGGGG GCACCGGCCC TGATGCTTCG AGAGGGAGTT GTGACTCTGC 240
CTCTTTGCCA GATGACAAAA CTGAGACACA CAGCCGTGAC TTACTTGGCA AGACTGAGTG 300
ACTAGTAAAT AAATGATGGA GCAGN 325

配列番号：2872
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3413
配列：
GATCCTCCTT CTAGCTCATC TGTAGATACT AGTAGTAGTC AACCAAAGCC TTTCAGACGA 60
GTAAGACTTC AGACAACATT GAGACAAGGT GTCCGTGGTC GTCAGTTTAA CAGACAGAGA 120
GGTGTGAGCC ATGCAATGGG AGGGAGAGGA GGAATAAACA GAGGAAATAT TAATTAANTG 180
GTCTGTAAAC AATAACAACT GTGAATAAGA TTATCAAATC TNTTTTAGTG TAATGATTGT 240
CAAGTTTAAA ANCATTTTTN TATATAACCT GGTATACTCA TGTCAATATN CTTTATTAAT 300
AAAANGNTTT TCAGTGTCAT AAA 323

配列番号：2873
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3414
配列：
GATCTGCCCA TCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTATGAGCCA CAACGCCCAN 60
CCATCATTTA TCTTTTTCAC TCATTTTTTC ATGAGTATGC AGAGGAGTTT TCAAGAGGCT 120
ATCTGGTGTG ATATTGTAAT AGGCTGAATG CAAAAGCAGA TACAAGATTC CAGCTTTCGT 180
CTGTCATCAG ACATTGAAGA GATTTGGAGA AATGTAAAGC AGCAGTACTC TTCTCACTAA 240
TTTTTGTTGT GGTTAGTTAG AAAAATGGTT ATTTTNAGTG GGTTTTAATA TGTGAAAAAA 300
ATAAAATTAG CTATTTGCCA AA 322

配列番号：2874
配列の長さ：319
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3415
配列：
GATCACCTNT GGCGTGTTCC TNCCAAAACN GCATAGCCCC AATCTAATAT CATCCCGAGG 60
AAATACCAGA CACACGCAAG GGAAAGGACA TTCTACAAAG GAACGGACTC ATACTCTTCG 120
AAAAGTGTCA AGGTCATCTA CGACAAAAGA CTGAAAGGAC CCCAGTCGAA AAAAGNCAAG 180
ATGACAAANT GCAACGTTTC ATCCTAGACT GGATTCTGGA CCCAAAAAAT CCCCTTCTTT 240
TGTCAGAAAG GAAATTTGTG GAACAACTGG CAAAATCTGG AGTTGGGTCT GCAGATTACA 300
CACTGGTATC GCAGCGAAA 319

配列番号：2875
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3416
配列：
GATCTCCCTT CGTGGAGACG ACACCGGGGT CCTCCTGCCC ACCCCAGGGG AGGCCCAGGA 60
TGCTGATTTG AAGGATGTAA ATNTNATTCC AGCCACCGCC TGACCATCCG CCATTCCGAC 120
TGCTAAAAGC GAATGTAGTC AGGCCCCTTT NATGCTGTGA GACCTCCTGG AACACTGGCA 180
TCTNTGAGCC TCCAGAAGGG GTTCTGGGCC TAGTTGTCCT CCCTCTGGAG CCCNGTCCTG 240
TGGTCTGCCT NAGTTTTNCC CTNCTAATAC ATATGGCTGT TTTCCACCTG GNTAATATAA 300
CCANGAGTTT GGGCCGNAAA 320

配列番号：2876
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3417
配列：
GATCTCTGCT GTGNCTCCCA GAGTTACTGC TGCCAGACTG AACTGGAAGG GGAGGATGTA 60
GGAGCCTGCA CAGCTCACAC CTACTCCTGT GGCTCTGGAG TGGGCATCTN CCTGAGAGTA 120
CGGGAATGTN AGGTGCTATT TTAAGCTGGC AAAACCAAAG GCTGTTTTNA TTCTCCTCCT 180
TACCTTGATG ACTATGGGGA GACCGACCAG GGACTCANAC GGGGAAATCC TTTACATTTA 240
TGCAAAGAGC GATTCAAGAA GATTCAGAAG CTCTGGCACC AACACAGTGT CACAGNGGAA 300
NTTGGNCN 308

配列番号：2877
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3418
配列：
GATCTTGACC ATGACAGTTT TNCACTTTTA ATGAAACGGG GAACCAAGAG GAACTTACTT 60
GTGTAACTNA CAATTNCTGC AGAAATCCCC CTTCCTCTAA ATNCCCTTTA CTCCACTGAG 120
GAGCTAAATC AGAACTGCAC ACTCCNTCCC TGATGATAGA GGAAGTGGAA GTCCCTTTAG 180

GATGGTGATA CTGGGGGACC GGGTAGTGCT GGGGAGAGAT ATTTCCTTAT GTTTATNCGG 240
AGAATTTGGA GAAGTGATTG ACCTTTTCAA GNCATTGGGA AACAAATAGA NCACANTATA 300
NTTTNNCN 308

配列番号：2878
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03419
配列：
GATCTAGAAG ACGATTAAGG GAAGGTCGTT CTCAGTGAAA ATCCAAAAAC CAGAAAAAAA 60
TGTTTATACA ACCCTAAGTC AATAACCTGA CCTTAGAAAA TTGTGAGAGC CAAGTTGACT 120
TCAGGAACTG AAACATCAGC ACAAAGAAGC AATCATCAAA TAATTCTGAN CACAAATTTA 180
ATATTNNNNT TNCTGAATGA GAAACATGAG GGNAATTGTG GAGTTAGCCT CCTGTGGTAA 240
AGGAATTGAN GAAAATNTAA CACCTTACAC CCTTTTCCAT CTTGACATTA AAAGTNCTGG 300
CTAACTN 307

配列番号：2879
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03420
配列：
GATCTTGAGG GCAGACAGCA GAATTCCTCT TATAAAGAAA ACTNTTTNGG AAAATACGTT 60
GAGGGAGAGA NGACCTTGGG CCAAGATGCT AAATGGGAAT GCAAAGCTTG AGCTGCTCTN 120
CAAGAGAAAA TAAGCAGGNC AGAGGATTTN CTCTGGACAG AGATGGAAGA GCCGGGAACA 180
GAGAAGTNTG GGGAAGAGAT AGGAACCAGC AGGATGGCAG GGGNNNNGGG CTCAAGGGTN 240
AGGAGGCCAG TGGGACCCCA CAGAGTTNGG GGAGATAAAG GAACATTGGG TTTGCTTTGG 300
TGGCACN 307

配列番号：2880
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03421
配列：
GATCTGCCGT GTCCTTATAA AGTGGATGAA AAATGTTTTG TACCCATCTG GAAAACCAAC 60
AACTTGAAAT CTCAGGTATT CCAGGTCACT GACATGAATT TGAAGATATA TCTATCTGTA 120
TGGATATATA TCTATATGTA TATAGATATA TAANTACAGA GAGATATCTG GCTTGGTTTT 180
AATTATGTNC TTAAATTTGT GTGCCAATAA TTGCATATAG ATTTTNTTNC TTAAATATTT 240
GACTGTGGAA CATGCCATTT TAAATATGTN GTAAGGCCTG TNNTAATAAA ACGTTTAGTA 300
TGAAA 305

配列番号：2881
配列の長さ：305

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03422
配列：
GATCCACTGA TGGCTCCAGA CCCCAACTTT AGCCATTGCA CGTGTTGAAC TCCAGGTTGA 60
GCCTTTGCTG GAGCCGCCTG CAAGGNGCAT GTTTGACCAA TCCCCAGTGG AGGGGAGGGT 120
GGTGTTTCCT TTCTGGGACT TCCACAAGTT GAGAACAGAC CATGCTGCCC TGGGCAGTTC 180
TTGAAGGCTG TGAGAGTGGG CCTGACAAAG TTTATTCCTT TTTTTTTTC CATTCNCTTT 240
TATNATNATA ATTGTTTGAA ATNGNCAANT AAAAATNATG TATATTTATG ANGTNCANCA 300
NGAAA 305

配列番号：2882
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03423
配列：
GATCAGGAAA GTCATACTGT TCACTTTCAA GNTGGCTGTC CCCCCCGCCG AGCCCCCCCA 60
CCCCCATATG TACAGATGAT ANTAGGGTGT GGAATGTCGT CAGTGGCAAA CATTTCACAG 120
ATTTTTATTT TGTTTCTGTC TNNANCNTTT TTGNCACTGT GCTAATAGTT ATATTCAGTA 180
CATGAAAAGN TACTACTGTG TTGAAAGCTT TTTAGGAAAT TTTGNCAGTA TTTTTGTACA 240
AAACATTTTT TTGAAAAAAT ACTGGTTANT TTATNCTATT TTAATTNGCC AATGTCAATA 300
AAN 303

配列番号：2883
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03424
配列：
GATCACCGGA CACAATCCTG CAGAAGGACA CACGACTCTA TTTCCTACAG TGCGAAACTT 60
GTCATTCTAG ATGTNCTGTT GCCAGTATCA AAACCGGCTT CCAGGCTGTC ACGGGCAAGC 120
GAGCACAGCT CCGTGCCAAA GCTAACTAAT TTGCTAATCA CTGATTTTNC AAAGCTTGTT 180
GTGGAGATGT GGCTGGACAG GTTTGCCATC AGAGTGGATA TACCGTTGTA TTAAAAACAA 240
GATAAAAAAG CTGCCAAGAT TTTTGGCGNG TGGTTGGTCT GAAGTCCTTG CAAGACGCTG 300
NTGCTCAAGC TGTTGACATA CTCATTGGCC TACTTTTAAC ACCTGTCCAG AGGAAACGTG 360
NTATGGGGGT AAGTN 375

配列番号：2884
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03426
配列：
GATCAGATAG GAGCACAAGC AGGGGACGGA AAGAGAGAGN CACTCANGCG GCAGCATTCC 60

CTNCCAGCCA CTGAGCTGNC GTGCCAGCAC CATTCCTGGT CACGCAAAAC AGAACCCATT 120
TAGCAGCAGG GAGACGAGAA CACCACACAA GACATTTTTC TACAGTATTT CAGGTGCCTA 180
CCACACAGGA AACCTTGAAG AAAATCAGTT NCTAGGNNNN GCTGTTACCT CTTGTTTACA 240
GTTTATATAT ATATGATAGA TATGNGNTAT ATATATAAAA GGTACTGTTA ACTACTGTAA 300
A 301

配列番号：2885
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03427
配列：
GATCGGGGGA GGGTAAATAA TGCAAAAATT GCACAGTGGA AGAAGGGGTC TCACAAAAAG 60
CAATCCATCC TGTAGTATAG GTANNNGNGT TGGGGGAAGC AGCTTCCATT CTGGATGTTT 120
GGAACCCTTT AGCTTTGTTT TGGAATGGCC CACCATTCTC ACTGGAAAAC AGTGGTCTGC 180
TGTGAAAGGC CAGCTCTCGG CAGCCCCTGT GGTTTCAGCG CTGCCGCTCT GTGTCATTCA 240
GGTTGTGCAC ATTGTTTTTC TTCTGACTTC CAGAAATAAA AGTGTTTCCA TGGGAAA 297

配列番号：2886
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03428
配列：
GATCTGGGTG CCTTGGGAGA NCCAGTCCTT CCTTTTNACC CACCCCAGGA AGATGGAGTN 60
CTCTTTNCTA GGCCCATGTC CTGCCAGCAA CCGGGATGCG TGGGCAACTG GACTCTGCAC 120
GGGGGTCTAC AGGTTGAGGG AGGTTGGTCA CAATNAGAAC CTCGGGGTTT GAGGTGGCCA 180
TGGGCAGACA GCCNNAAGGG AGGGAGGGTG TGGGTGTNCG TGTGTGCATG TCCTGGTNTG 240
TAAGGGGGAA AGGGTCTTTC CTGGTTTTAT TTAAATAAAG TAGTTTATGT AACAAA 296

配列番号：2887
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03429
配列：
GATCTGTGCN GTGGTCCTNA GGCAGTTGTN TCCACACAAG TACTACTTCC TCGTGGGCTA 60
CAGTNAAACT TTGCTGTCCT ACTTTAACAA ATGTCCTGTG CGACTCCACC TCCAAACTGT 120
GCCCTCAAAG GTTGTGTATA AGTACCTCTA GAACAATCCC CTTTTTNCCA TCAAGCTGTA 180
GCCTGCAGAG AATGGAAACG TGGGAAAGGA ATGGTATGTG GGGGAAATGC ATCCCCTCAG 240
AGGNCTGAGG CATAGTCTCT CATCTGCTAT TGANTAAAGA CCTTCTATCT TGTAAA 296

配列番号：2888
配列の長さ：356
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3430
配列：
GATCTACTCT GTATGGGTAC CAAAATCACC TTCTCTCTTC AAGTCAAAGT TGAATTTAGA 60
ACTTTGAATA CAGGTCAAAA AATGTAGAAA ATATCATTTT ATATTCCCTA ATCTATATAG 120
CTGAAAAAGG GTTGTATTTT CTTAGCTGAA TATGAATACC TCTTAAACAT AAATTAGTTC 180
CTCTCCAGTG AAGTATCTTA TTTTACCAAT CCATTTCAGG AAAGAGGTTC TGCTGCCGTA 240
AAGGCAGAAA TTTTATTTTT ATCCCTTTTA TTTGAATGAG AGATTTGAAA ATCGAATTAT 300
GTAAATATTT CAATGCATCT GCTATTATTT TGTGGAGTTT ATTAAACTAC TTTAAA 356

配列番号：2889
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3431
配列：
GATCCCAAAC CAAATCTTAG AATCANTTCA TTTAAAATAC TGAGCGGTAT TGANTACTTC 60
GAAGCAGAAC AGGCAATGTG CAGCCCTCAT TTATGAGAAA ACCCTCAGGA AACTCCCAGG 120
GTGATGCTTG GNGAAGCTGT GAGTTGAGCT GAAGCTGGAG AACTTCCTCC AGAGCAAAGG 180
GCTTAAGAAA GAAAGANGAA CTCTAAGCTG GGTCTGCTAA CATCACTCCA GTTTAGATGG 240
NTCCTGTTTT TCCTTAACAN GTTGAGGCGT GGGTAGAGCA GGANTTGGTT TTN 293

配列番号：2890
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3432
配列：
GATCTGAAAT AACATTAATT TGATTGTAAC CCTATTGGGG TTAGTTCCCA CCCTTTGTTC 60
CATCTTGAGC AGAGATGNGC TGCATTTCTT AACGTTTGGT CTCTATACAT TATACCATCT 120
GCTGAAGTTT AGCTTTGTGT GTGTGTATAT GTACCCATGT GTGCACTTTA AATATCAGTA 180
CAAACTGATA AACAATGTTT CTGGTTAATG TTGCAAAAAT GGAACACTGT ATTTNACATA 240
ATTGATTTTC TACTCCTGCC CTGTGAATTA AGGCAGAGTT TTACTGTAN 289

配列番号：2891
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3433
配列：
GATCTTCCCA CACCAGCCTC CCAAAATACT GGGATTACAG GCTTGAGCCT CCATGCCTGG 60
CCCAGGTAAC ATGTTTATTG AGCTGTACAT GCATATGAGA AATAAGAAAC TTTTTTTTCC 120
TACTATCATC TCTTAAATNT NGTNTTCTTT TTCTTTTGCT TCCTCTTCTT CTNTNCTATT 180
TNTNATAAAT ATCATGCACA ACTATAACCT ATGGGAATNA TGTAGTAACA CAGATTATTC 240
ATCTTGTTAG AGTTGTATTA AAAATAAACA AGCATTTCAA ATTAAA 286

配列番号：2892
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3434
配列：
GATCCAAGAC CAGGGTGGTT GGGGGCTGCC CCTGGCCGAG TCACTGAAGC GACTNATGTC 60
CCTGTNTCCA GGACGANCTC CTCTCCTACT TTGGGACGCC CACGTGGCAG ACCGTGACCA 120
TCTTTGTGGC GGNAGTGCTC ACCGCCTCAC TCACCATCTG GAAGAAGATG GGCTGAGGCC 180
CCCAGCTGCC TTGGACTGTG TTTTTCCTCG GGTAANNNGN GGCATTNTTC TGGGAGGGGT 240
GGGGATTGGG GGACATGGGC ATTTTTCTTA CTTTTGTAAT TATTGN 286

配列番号：2893
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3435
配列：
GATCTGCNGG GGCNTGTNCA GCTGCAGCAT TCCTGAAAGA TTTCGTAACT CATCCTAAGT 60
GGGCACATTT AGACATAGCA GGCGTGATGA CCAACAAAGA TGAAGTTCCC TATCTACGGA 120
AAGGCATGAC TGGGAGGCCC ACAAGGNCTC TCATTGAGTT CTTACTTCGT TTCAGTCAAG 180
ACAATGCTTA GTTCAGATAC TCAAAAATGT CTTCACTCTG TCTTAAATTG GACAGTTGAA 240
CTTAAAAGGT TTTTGAATAA ATGGATGAAA ATCTTTTAAC GGAAA 285

配列番号：2894
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3436
配列：
GATCAGCTCT TTCTATTTTT ACTCGTAAAA ATTATGGAAA TAAATAATTT TGCTAACAAC 60
TTTGAAATTT CAAACTTCTG GAAAANATGA AAATATTCAT TGTTCATTAT GAATTTAAAT 120
TGTAAGGTAT GAATGTNATT TGTCTGTACA TCTTGTATCT TTTCCAAAAA ATGATTCTGT 180
ATCTTTTGGA AAAAAGCCGA GAGTTGAAGA TAGTATATTT CTGGTAGTAC TGAATATTTA 240
CTTACAGTTT CTATCAAAAA TATATATTTG TTTCTAAAAT TAAA 284

配列番号：2895
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3437
配列：
GATCTCCTTG TTAGTGGTGG TAGGGAGCTA GACAAGGATG GCAACTATTT CTGTATCTTA 60
CATACCTTTN ATTTNGAGGC CCTGTCAATG TTTTATATAA TANNCATTTT TTGAAAAGGC 120

AACTCTTAAA ACTAAAACAA ACTTAACAGT CTGTCAAGTT GGTGATATAA CCCCACAGAA 180
GACTTACTTC AAGTGACTTG AAAACTTAGT ATTTTGTCTG TNCTTTGCTA ATGGGNATAN 240
ATCCTACAGA CCAAACANCC NCAGNTAANT CTTAANCTGC AAA 283

配列番号：2896
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03438
配列：
GATCCCGGGA GACCTGGGGC TGCCGAAGAA GCTCTGCTCC AAATGGAGAG TGTAGCCTGA 60
GGGCTGGTGT TGCCTGCCTC CCCTGTNCTT GTNCCTTGTC CCAAAATAAA TCCTTTCAGA 120
ATGTAGCACT CACGNCCTAA TAAGGAGCGA ATCCTACATC CACCAAGGCG GGCGCTCTGG 180
CCCTCCCTTC CTTAAGCCCA GTCCTGTGTC CTCTGAAAGA GGTTGCAGTC ACTCACACCN 240
GCTTGCGCTC ACCATCAATA AAAGTAATTT CACCNGAAA 279

配列番号：2897
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03439
配列：
GATCCCCTCC CCCAAGATAC TCTTTGTGGG GAAGAGGGGC TGGGGCATGG CAGNCTGGGT 60
GACCGACTAC CCCAGTCCCA GGGAAGGTGG GGCCCTNCCC CTAGGATGCT GCAGCAGAGT 120
GAGCAAGGGG GCCCGAATCG ACCATAAAGG GTGTAGGGGC CACNNNNCTC CCCCTGTNCT 180
GTTGGGGAGG GGTAGCCATG ATTTGTCCCA GCCTGGGGCT CCCTCTCTGG TTTCCTATTT 240
GCAGTTACTT GAATAAAAAA AATATCCTTT TCTGGAAA 278

配列番号：2898
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03440
配列：
GATCTGCTTA CCAAGCATAT TAGGAAATAC CTCTTAGGAA GCATTAGCGG TCTCAGGCCA 60
ATTACTGTGG AGCAGCTTTC ATTCCTACCC ACTTGCAAAC CTTGGCGCTG TTGTCTGAGA 120
TTGCTGCAGC CATTCTTGTT ACCATGGTAC TTCTCAAACT TTGTGAAAAC CTGCACTTTT 180
CCTTGCATGA CAGGTTCCTG TCTTGTCTGT CATGGGAGCC ATTCTGCCAA TTTAAATGCG 240
ACTGTGGTAT AAACAGTAAA ATGATTTAAA AGTAAA 276

配列番号：2899
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03441

配列：
GATCAGTGTT ATATTTTACT GGAGAAGCTA TTGAAGATGA TGATGATGAT TATAATGAAG 60
AAGGTGAAGA AGCGGATGAG GTAATGTTTA CCAAATAAGC AAATAATTCT NTGTGGTTAA 120
CACATTGAGA AGCAAATTGA ATNACTTATG TATTCCTTTG CTATAATCAT TCTGTGATTT 180
GGGATAAAAA CATTTTGGAA AACATGATTT TAGAATTCTA CAGCCAAACA ATGTATGTAT 240
AAGGTTTCAA TAAATAANTT GCAAAACTCA GAAA 274

配列番号：2900
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03442
配列：
GATCCCCACC TGCCATCCTA TAGTGTTGTC TTCCTGTGTG TTCCGGGGCT TCTGGGCAGC 60
TGGGCCTGCC CGGGGAAGTC CTTGCAGGTG GGAGGCCATA CAGAGACCCA CTGTGTGCCA 120
CTGAGCGTCC CACTGCTGCT GGGCAACTGG AGGACTGCAG GGGGCGCCAG GTGACTCTCT 180
CCTTTTATAT CACAGCAGCT CCTGTGCTGA CCTTCAAGTT ACGTTTTGGA ACTGTAATAC 240
TAAAGGAAGA AATAAACTAC TAATTTGTAT AAA 273

配列番号：2901
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03443
配列：
GATCTGGTTA AGTTGTGTAG TAAAGCATTA GGAGGGTCAT TCTTGTCACA AAAGTGCCAC 60
TAAAACAGCC TNCGGAGAAT NNNTGACTTG CTTTTCTAAA TCTNAGGTTT ATCTGGGCTC 120
TATCATATAG ACAGGCTTCT NATAGTTTGC AACTGTAAGC AGAAACCTAC ATATAGTTAA 180
AATCCTGGTC TTTCTTGGTA AACAGNTTTT AAATGTCTGA TATAAAACAT GCCACAGGCG 240
AATTCGGGGA TTTNAGTTTC TCTGAATAGC ATATATNTGA TGCATCGGAT AGGTCATTAT 300
GATTTTNNNC CATTTCGGCT TCATAATGNA AACCAGTTCA TTTTACCTAT CAGGTTATN 359

配列番号：2902
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03444
配列：
GATCAGAGCA CAGTTGAAAT TCATGGAACT GGCATTATTT AAGCAACCAG AATTCCACAC 60
TGTAGGAAGG TTTTGAAAAT TGTTTCGTTA TAGATTTTAT CTTATCTTTT GGTGTTGTCT 120
TGGTTTTTCT CATAGACTTT ATAAGTTTGA ACTGGACTTA TTTGATTATA ACCACAAATT 180
GTGTGTGTGT GTGTGTGTGT ATATATAGAA GTCATTATGG CAGATGCACA AATTGTGCAG 240
TGATGTAAAT ATACATACTT CACAGAAA 268

配列番号：2903

配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03445
配列：
GATCGGTAGT GTTGTGTGTA GGCCATTCTT CTGGAGAGCC ACAAGCAGGA AGAGCAGCGC 60
TGTGTTGCAG AATGGAGTTC CATGGATTTC TACCAGACCA CTGAAGGAGT TCCTNGAAGC 120
CCTGCGGTAG CTAGCACTGA AGACTATTTT NCTATTGGTA TAACCNGCCC ACCTGAAGGG 180
GAAAGGGGAA ATCAANTTAA TTTTCTCGTT AGACATANGG AAATTTAAGG AAAAACAGNT 240
TTAGGANCAG TTACTCAGCG TAGN 264

配列番号：2904
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03446
配列：
GATCCATAGT GAAATTGCCA GAGTTTTGCC TGCTGCTTTC CTCGTGGCCT CTTCTTGGGT 60
AGTGAAATNA AGTGACATTT GGATTTTAAT TTGGGTGGGA GGGCTGGGAC AGTTTTTNTT 120
CTAGAAATGT CTGTTGAGAT TTCCCCCTTT AGTTTCCAAC CTTCTCCCCA ACCCTTGGAG 180
CTAAATGCGT TGTAAAAATAT TGCCAAAATG AAAAGTGTTT TGTAATACTG CAATAAAGGC 240
TGCTTGTTTT TGTGGAAA 258

配列番号：2905
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03447
配列：
GATCGGACAT GAAAGNACCC TGNGAGTCGA TTGTCCTANC TCCAGCGGCC CTGTCATCCA 60
GCTCACTCAT CAATGGGGCC AGTCAGGCCC AGGCACTGGG CTCCGGAGGA CTCACCACTG 120
CCCCCTGCTG CCATGTGGAC TGGTGCAAGT TGAGGACTTC TTGCTGGTCT AGTCACGCAT 180
GCAGTGTTGG GGGATGCCTT GGTTTTTACT GCTCTGAGAA TTGGTTGAGA TACTTTTACT 240
AATNAAACTG TGTAGGTTGG GAAA 264

配列番号：2906
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03448
配列：
GATCTGCTTT CAACACTTTT AGCTCTTCTA GAATTTCAGA AAAATGGTAT CGGATGTACA 60
GCATGGACCC TTCTNTGGTG GGCTTCTTTA CTGTAATGCT TTTAANATTC ATCTGTGCTG 120
TTNAGTGTCT CTGCAGTCCA TTCCTTCTGT TGAGTGTATC AGTAGTCCAT TCCTTTTCAT 180
GGCTGAGTAG TATTTCATTG TATAATTATA CCACTATTTG TNCATTTACT AGATAATANN 240

CAGTTGGCTT GTTTAAA 257

配列番号：2907
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03449
配列：
GATCCATCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GAGATGACAG GCATGAGCCA CTGCACCCGG 60
CCATATAATC AAATTTTTAT TGATTTTAGA GCAAAGGACT TTTTCAATGT AACTGCTTAG 120
AAATCGAGCA ATTTTCTATT GTATAGAGTG AAAGTCAAAC TTGTTTATTG TACAAGTCTT 180
TAAAGGGATA GTTAGGAGTA AGTTGTATTT GCTGAATATA TAGACCTCAT TTGTAGCCAT 240
TAGTGATTCT GTATTN 256

配列番号：2908
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03450
配列：
GATCTAATTA AAAAAAAGGC AATATTTTTA TATTAAAGTA CTATACTAGG AGAGAATGTT 60
TCANAACTCC CTGATGAATT TCTAAGTGAG CAACTTGATA TAAAATTGTA ATCTTCATTT 120
TTGTCAGTGT ATCCAGTTAC AGAATGCTAC ACACTTACCT TTTTATTGGC TGAGAAATCT 180
GGTTATTTCA TCTTAATCTC AAGATTGTTT TCAAGTGTTT TATAATTAAA TCATAATAGC 240
ATATTTTAAA ATCAAA 256

配列番号：2909
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03451
配列：
GATCAAACCA GCTCTTNTNA CCCAAACCAN TGCCGCTGCA TTAAAGGGAG GCCCAGCTAC 60
TCCTTCCCAG CTGAGATGTG GGTACAGGTC AGATTTNTCA GGGAGATGGC ACTAACACGA 120
CACAAGCTCA CTCCCAGAAC CGCAGCTGAT GTTTATAATA ATCGTATGTA CTGTGCAATT 180
TAGGAGGGGA AAAAAAGGCT GTACAAGCTT TAACTCTAAA NNAAATNTCT ATTTTTTNCC 240
TCTTGCAAAN TTAAA 255

配列番号：2910
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03452
配列：
GATCTGCCCT GTACAGCCAT GTAGGCTGTG CGCTGCATAA CTCCAGGGAC ATGAGTCACA 60

CAGACACAAT GTGAGTGTGC TCCCCCGTCA TGCAACATCT GGACACAACT AACAGAGCAT 120
GGTGAATACA TGCTGAATTG CATTCAGTAT GGCTGTGAAC TAGGCCTGGG GACAAGANTG 180
ANTTTTACAT GGAAAGAATT TCCTGTAGCA GGAACAGAGG GGATAACAAC AGCAGTAAAT 240
AATAATAAGN CAAA 254

配列番号：2911
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3453
配列：
GATCCCCCAC TAGTNCCCTC CCTCTNCCCC TGTAATCCTG GTCTAATAAC CCCCCACACA 60
TACACCTCTG GTGACCTATT TGCACAGACC GTNGTCTTCC CTCCAGTNTT CTNAGGGATA 120
GGGGACATTC CATCCCAAGC TTCTNCCTTA CCCACACCTA TCCTTTTNAG GGGCTTTGGG 180
GTGGGGCTGG GGCAAGCAGA GGGACTGGGT CTTCACTTCT NGGGCTAATA AAATTGTTTC 240
TTTGTGGACT AAA 253

配列番号：2912
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3454
配列：
GATCAAACCG GTTCTNTCCT TTCTTGTGTT GCCATGTTAC TATGCCTCAA GCCCAGTTTN 60
CTTTTNCCGC AGCGATGGGG CCAGTCTCAT TCCTCCCCAG GAGTGAAACT NGCTTCANCT 120
GAAAAGGTTG GGTGCATTGT CAGTAAAAAG GGCTTATTTG TTTCATTTNA CTTTCCTGCA 180
AAATTTTCTT CAAAGCAACA AGTCCTAGGN GCACACAAAG CAACCCAAAG GCTTTTCCCT 240
GGAAAAGCTC TTN 253

配列番号：2913
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3455
配列：
GATCCGGGGC ATGCAGAAGC TGAGCACACC CCAGAAGAAG TNAGGGTCCC CGACCCAGGA 60
GAACGGTGGC TCCCACAGGA CAATCGCTGC CCCCCAACCT CGTAGCAACA GCAATACCGG 120
GGGACCCTGG CGGCCAGGCC TGGTGCCATG AGCAGGGCTC CTCGTGCCCC TGGCCCAGGG 180
GTCTCTTCCC CTGCCCCNTC AGTTTTNCAC TTTTGGGGTT TTTTATTGNT ATTAAACTGA 240
TGGGNCTTTN TAAA 254

配列番号：2914
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO3456
配列：
GATCCTTGTT TTGTTGTCAT GGAAACTTCG GGGCTGGTGG GACTTAGGCC AAAAGCTCAG 60
AGGCACAGCC AAAATTTAGA AGCTTGCTAC TCCTACGACT CGGCCTATAA GGAAGAGAGA 120
AGCTGTCTGT ACTTTGGGGA CTACATTGCT GAAGGAAAAA AATCACTCCC TGGCTAATTA 180
AGATTGCTTC CAAATTGGGG GAATGTGTGT CATTTCCTTT ACCAAGGCCA GTCATCCCTG 240
CTTCCACCN 249

配列番号：2915
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3457
配列：
GATCCAGGCC GGGCCTATAC AGAGGTGCTG GCTGCTTGTT TACATTCTCC TCTGGGGCTC 60
TACCTCTCCA CACTTCCCCA GAAGGGAAAA GGGCACCCTG GATTACTNNN TTGGAAATNA 120
CTCCTTGGTG GGCAGCATCC TGAGGGTTCC CCAGAACCAG GCCTCTGCTC TGGCCCTCTT 180
GCATCTGGAA CGCCAGGTGG GTTTTTNTGG CATAGGAGCC CACTTGCATT TTCATAGTTT 240
TATTTGATN 249

配列番号：2916
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3458
配列：
GATCACAGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGAGAGAA TCATGCTGTT 60
GCATTTAGAA CTTNCTNCTT TGCACAGGAA AGAGTCACAC AATTAATCAA CATGTATATN 120
TCCNCTATAC ATAGAGCTCT ATTNCNCTNC GGTTTTATAA AAGCCTTGGG TTCCAACCAG 180
GCAGTAGATG TNCTTCTGAN CCGCAAGGNG CAAACACTGA AATAAAATAG TTTATTTTNC 240
ACACTCAAA 249

配列番号：2917
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3459
配列：
GATCTCCTTT TGTGAAAACC AGTTTGATGT GCTAAAAGTA AAAAGTCTAN TTTCCAGTGT 60
GGTCTTGTTC AGAAGCAGCC AGATTTCCAA TGTTGTTTTT CCCCTCCACT CAGAAACCCC 120
TGCCCTTTCC CTTCAGAAAA CGATGGCAGG CATTCCTCTG AGTTTACAAG CAGAGACTCA 180
CTCCAACCCA AACTAGCTGG GAGTTCAGAA CCCATGGTTG GAATAAAGAA ATTGTGCGTC 240
TTGGTCAAA 249

配列番号：2918

配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03460
配列：
GATCTATCCC TGCGGNCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
GCCTAGCGGA NCCAGCCTGG GAGCCCAGAG GGTGGCAAGA ACAGTGGGCG TTGGGAGCCT 120
AGCTCCTGCC ACATGGAGNC CCCTCTGCCG GTCGGGCAGC CAGCAGAGGG GGAGTAGCCA 180
AGCTNCTTAA TCCTNAGCCT NCCCCTGTGT ATTCACCACC AATAAATCAG ACCATGAAAA 240
CCAAA 245

配列番号：2919
配列の長さ：384
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03461
配列：
GATCAGGAAA CCAGAAATAC CACATTTATG GACCATGAAN GGTTGGTTCT TGACTCTGAA 60
GGGACTTTTG AGTTAATCAG CGTAAGGGGA TTTCTAAAGC AGGCAATCCC TGTAGCCGCA 120
GAGAATAAAC GCCTTCCCAA AATGGNAACT NCCCACAGCC ACATTTCAGA CCTGCTGAGA 180
CTGCTGAGTG AGGAATGGCA GTGAGGTTTC TTCAATNAGT CTCAGTTCTC TTAATTTTCA 240
GGAAGAAAGG GTAATTGCAG CCCCTCAGCC CCCAGGATTG ACCTCTNGGG AGNCATGGTA 300
GCGTTGTGTG CCAGGCCGTN GGTTCAGGTG TTNGCAGAAG CTTTCAGATT CGTCCGAAGG 360
GAAATAAAGT GTGTTGGCGT TAAA 384

配列番号：2920
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03462
配列：
GATCCCAGCA GCCCTCCCTT CACCGTGACC CCTGACCTTT GTTAGGAAGG TGCAGTTTTT 60
NTTCTCAATC TAAATNCCTT TNAGGTGGGC CGCTTCCTTG GCTACCTGGT TCCAGGGGGC 120
TGTTTTGTAA TNAGATGCTG CTGGCAGGCC ACTCAGAGGC TCCCAGCTGG GTTGGTGGGA 180
CAGCCAGGCC AGATGACCTG ATTCCAGCAA AAATAAAACT CAGATTTGGG CAAAATGAAA 240

配列番号：2921
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03463
配列：
GATCCCTAGC AGCTCATCCT GCCCTTTGAA TACCCTCACT TTCCAGGCCT GGCTCAGAAT 60
CTAACCTATT TATTGACTGT CCTGAGGGCC TTGAAAACAG GCCGAACCTG GAGGGCCTGG 120
ATTTNTTTTT GGGCTGGAAT GCTGCCCTGA GGGTGGGGCT GGCTCTTACT CAGGAAACTG 180

CTGTGCCCAA CCCATGGACA GGCCCAGCTG GGGCCCACAT GCTGACACAG ACTCACTN 238

配列番号：2922
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3464
配列：
GATCACCGGT TTCCGACTGA GTCTGGGGAT TTTGGCCTTG TTGACCCTCC TAGGTGCCCT 60
GGGAATTGCA AACAGCTTTC TGGATGAATA TCTGGACCTC AATATTGCCA AGAAACTGAG 120
GCGGCAATTC TAACTTTTTC TCTTCCCTTT AATGCTTGCA GAAGCTGTTC CCACCATGAA 180
GGTAATATGG TATCATTTGT TAAATAAAAA TAAAGTCTTT ATTCTGTTTT TCTTGAAA 238

配列番号：2923
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3465
配列：
GATCTACTGT GTGGTGTCTG GGCAGATGAA AGTACACTGC TTAGNGTGAT GCTTAGCATG 60
GGGCAGATGC TTGGTAAATT GTAATCACTT TTGTTGTCAG TTAAATGGAT ATTTCACTGT 120
TGCCTCTNAA ACGCTTACGG TAATATATAC TAATTATACA TGTTATTATC AGTTTATATT 180
TATTGAACAT TTCGGGGAAG TAATTATAAA ATAATCTTGT CTACTGTCTT ACCCCAAA 238

配列番号：2924
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3466
配列：
GATCTATGGT GCAGACTGCC TTCGTCGGGT GCAGACTGAG CGACCGNAGC CCCAGACACT 60
ACAGCTGGAT TNCTTGATGA AAATCTTGCC AAATTACCAC CACCTAAAGA AGACTATGNA 120
AGGAAGCTCA ACTCCAGTAA AGAACTAAGA ACAGTGTATA ACATGAAGAT AACATTTTGT 180
CTTTGACCAC TGTCTTTTGA ATGGGCCCAC AGTGTTTATG TACTCTTAAC AACTCACAGA 240
ATAATACATG TTCACTTTAT TTTGTAAAAT TGGGTTGAGA GGAAACTAAT GGAGTTTCAT 300
TGTAACTGTC CTTTNTAATT TATATAAATG TATTATTNTC CTATAAA 347

配列番号：2925
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3467
配列：
GATCCTGTGA TATGGTTTTN GGCCCAGCAA ATCTAGGAGA AGATGCAATT AAAAACTTCA 60
GAGCAAAACA TCACTGTAAT TNTTGCTGTA GAAAGCTTAA ACTTCCAGGT AAAAAATTTT 120

TTAATCAGTA TAGTATATAA TTNGTTACGA AACTNGGTTA CTACAATACC TCATAAGGCC 180
AGAGGTACAA NTGTTTAATG TAATGGTCTC TAATTGTGCC AGCTTCAGCA GCTCTN 236

配列番号：2926
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3468
配列：
GATCCCGCAT GCCTGAATTC ACTAAAGCCA AGGGTCTNTA AGCCACGCTN NNTCTTCTGA 60
GACTTCCATT CCTTTCTGAT TGGCACACGT GCAGCTCATG ACAATCTGTA GGATAACAAT 120
CAGTGTGGAT TTCCACTCTT TTCAGTCCTT CATGTTAAAG ATTTAGACAC CACATACAAC 180
TGGTAAAGGA CGTTTTCTTG AGAGTTTTAA CTATATGTAA ACATTGTATA ATGATATGGA 240
ATAAAATGCA CATTGTAGGA CATTTTCTAA A 271

配列番号：2927
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3469
配列：
GATCTAAAAT GTTTATTCCT TCTGTAGTGT ATTAATCTCT GTGTGTTTTC TTTGGTTTTG 60
GAGGAGGGGT ATGAAGTATC TTTGACATGG TGCCTTAGGA ATGACTTGGG TTTAACAAGC 120
TGTCTACTGG ACAATCTTAT GTTTCCAAGA GAACTAAAGC TGGAGAGACC TGACCCTTCT 180
CTCACTTCTA AATTAATGGT AAAATAAAAT GCCTCAGCTA TGTAGCAAAG GGAAA 235

配列番号：2928
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3470
配列：
GATCCATCTN CCCTCATAAA AGTGTTCAGG TACAGCAGCT GAGGCTGCCC TGAGGAATCA 60
NGGGGCCATT ACCAAGGGGC AGGTAAAGGG TATNTAAGAG GTGGCCTTCA TGGTAGAGCT 120
TGACCCAAGA NCTACTCCAC ATTCGGNTNG CCCAGACTGA CTCCATCCCC TGANTTTCCC 180
TTNGACTTCA CCCTGTTTGT AAATAAAACA NTAAAATGGA AGGTGCTNTG GAAA 234

配列番号：2929
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3471
配列：
GATCTCAAAT CCTGGAACCC CGATTTCAAT CTACGTTCTA GTCACTGGCC TCAAAGGACC 60
CCACAGCACC TGGGCCAGAC CAACAGCTCG AGGGAGAACC TGAAGGCCCA GGGGGTCCAG 120

GGCGGACCTG GGGCCCCGAC CACCAAGGAC AGCTCACGAC TGCCCCTTNA CTGCATGTCC 180
CCAAACTNAG CATGACTCCT GTCCTCTTCA ATAAAGACGT TTCTATGGCC AAA 233

配列番号：2930
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03472
配列：
GATCAGCAGA AAGCACAAAC ACAACTGCTT CTGTATTCAG GAGGTTGTGA GTGGGCTGCG 60
GCANCCGTTG GTGCCCTGCA TAGTGGGGAT GGCTCGCAAC GTCTCTTCAT TCTGGAAAAA 120
GAAGGTTATG TGAAGATACT TACCCCTGAA GGAGAAATTT TCAAGGAGCC TTATTTGGAC 180
ATTCACAAAC TTGTTCAAAG TGGAATAAAG GTTGGCTTTT TAAATTTTAA A 231

配列番号：2931
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03473
配列：
GATCAGCAAA AATAAAGGGG CTACAGAAAC ACTCATTTTT ATGCTGTTCC CTCTTGGGCT 60
TCATGCAAAG ACAATTCTNT GTAAATNTAC AGTTGACTCT GATTTGGAAA TATGAAAATC 120
AGTCCATCCT TGTTATAAAA AATTTTTTTA CAATTGTAAT TATATTGATG TTCATATTGT 180
GTAAAATAAC TCATTTAATA AAATAGTACT TTGATTTACG ACATCAATAA A 231

配列番号：2932
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03474
配列：
GATCCCACCC CCAGCCATTT GCATTGCTGG CCCAGCGCCT GGCCTGGGGG GCGGGGAGAG 60
GCAGCAGAAG GGGCTGGGCA GGGGCGGTGG AGGACTCAGG AACTNCCCGG GGAGAGTGGG 120
TATGGCGGCT GAGCCAGGGN CCCTCCTGTN TTTNACTTCC CGGGATGGGT CCTTGCTTNN 180
AAGCTGTNTC CGACCCCACC ATNTAATAAA ACCCAAAGGA ACAGCCCAAA 230

配列番号：2933
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03476
配列：
GATCAGCCGG AAACCCCTGG CAGCCAAGAA CAGATAAGGA AGGGATTGGC ATCGGCTGGC 60
CTTCCAGCAC CTTCTCTCTC CAACACTTCA TTCTCTCTTG CCCTGTNTCT CAAATAAACC 120
CAATGCTGCG TGTGAGGCCT TTTTTATTTT TCTTTTCACT CTCTTTCTAA TGCTTCCCAC 180

CTTACCTTTT AGATTCTTTT GCTAGGTGGG AGATTGTTAT AAGGTCTTTA AACCATTTCC 240
ATTTGTTTCT TTAACATTAC CAAAAGCAGG GNACAAAGCT CTTATTCAAC TGCGNATTCC 300
ATAGNGGGCT CTGGNTTNTT CTTGAATN 328

配列番号：2934
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03477
配列：
GATCTTGCCC GGTGTCCTGG TCCTCTTGCT TCCGTCGCGG CCGCATGTGC GTGTGTCCAA 60
GCAGGTCCTG GGCGCCTCAA CTGCTGCCCC TGGTTGAATG TTCTCTTGAT AGTGCTGGAC 120
CCTTTGTCTA TTTNAAAGCG AATTTTGTGT GATTTCCTGC CCTTTGCGTT ATATTGTATA 180
ATACCAACGT AAGGAAATAA ACCTTTGGAA TTGTTGGAAA 220

配列番号：2935
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03478
配列：
GATCCGAGGG CGATGGGACA GTGCACCGCA GATAGAAGAG GAGGACGTGC AGCATGGTGG 60
GAAACGGGGA CACCACCTCC CAGGACGACT GTTTCAGCAA AGAGCGCANT GCTCCAGGTG 120
ACCCAGCAAG GCTGTTGTNT GTATGGAAGG ACACGCTCGC GGCAAGGGCA GGGCCTGGGN 180
AGGGTGGCCT GTCCAGTCCT NNAGACAAGG GGAGGCCTN 219

配列番号：2936
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03479
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGAGACCAG TCTGGCCAAC ATGGTGAGAC CCCATCTCTA 60
CTAAAACTAC AAAATTAACC AGGTGTGGTG ATGCATGCCT TTNACTCGGG AGGCTGAAGC 120
AGAAGAATCG CTTAAACTCG GGAGGCGGAG GTTGCAGTGA GTCCAGATTG TGCCATTGCA 180
TTCCAGCCTG GACAAGAGGA GCAACACTCT GTCTCAAA 218

配列番号：2937
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03480
配列：
GATCATGCCT GCGTGACAAA GCCTCCAGAA AAATCCTTGA AGACAGGAC ATGGAGAGCT 60
GCTGGGTTGG CGAACACATC CATGTGCCGG GAGGATGGTG CACCCCAACT CCACAAGGAC 120

CCTTCCAGAC CTCACCCTGT GTATNTCTTC ATCNNNNTGT TCATTTGTAT CCTTTAAAAT 180
ATCCCCTGTA ATAAATCAGC AATAGTAAGT AAACTAAA 218

配列番号：2938
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03481
配列：
GATCTAAACA GTGAATAGTA CATGCAAAGG CATAGTCTAG AGGATAAAAG TGAAAATAAT 60
TAGTAGCAAA ATNAATGCCT TGTGGATGAG GTTTAGGGGC CAATAACTAT CTTGAGGTAA 120
GGCCAGGTTG TGGCTGCCTT TGTGTTGTAC TAAGGGGTTT GGACCTTCCT AGGAGATTAG 180
AGCTTNATTA AAGTCACAAC ATCCATAAGN GAAATAAA 218

配列番号：2939
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03482
配列：
GATCCCTTTG CTGTGAGGGT AGAAAACCTC ACCAACTGCA CCAGTGAGGA AGAAGACTGC 60
GTGGATTCAT GGGGAGCCTC ACAGCAGCCA CGCAGCAGGC TCTGGGTGGG GCTGCCGTTA 120
AGGACGTTCT TTCCTTACTG GTGCTGATAA CAACAGGGAA CCGTGCAGTG TGCATTTTAA 180
GACCTGGCCT GGAATAAATA CGTTTTGTCT TTCCCAAA 218

配列番号：2940
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03483
配列：
GATCTTAGAT TTGATGAAGC ACAGTATGCA GGTAGGCCTA ATGGGGGAAG ATGGTAATAT 60
AAAAGCAAGA AGTATTTTTT TTTTGNAATG NCTGAAAGCT GTTCTGTGGA TGACCTACCG 120
NTTCCTTTAA ACACGATTCT CTCACTTCCA ACTCCAAACT TGCTCAACTA ATCCTTAAAA 180
ATAAACTTGA GCTGGAATTT GAGGCTTGCC TGGAAA 216

配列番号：2941
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03484
配列：
GATCTCGGGG GTGTGGGGCC CTGTGCCTTC CTGAAGTGCT GGCAGCCCAG TGGCACCTCC 60
TTCAGGCCTT TGGGGTATTC CCCTAGTGTG CCCAAGTNAG CCTCATATTC TGGGCGGACA 120
GCTTGTCTGG ACTTCGGAGT TGGGGGTGGT CAGACACCAC AGGAGCTGTC ACCTCCTGCG 180

GATGGGCAAA TAAATTNGTG GAGGACNCCG AAA 213

配列番号：2942
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03485
配列：
GATCCTCTCC CCTAGTATNT TCAGCACATG CTCACTGTTC TCCCCATCCT TGTCCTTCCC 60
ATGTTCATTA ATTCATATTG CCCCGCGCCT AGTCCCATTT TCACTTCCTT TGACGCTCCT 120
AGTAGTTTTG TTAAGTCTTA CCCTGTAATT TTNGCTTTTA ATTTTGATAC CTCTTTATGA 180
CTTAACAATA AAAAGGATGT ATGGTTTTNA AA 212

配列番号：2943
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03486
配列：
GATCTTTTCA GAGTGGTGTT TCTAAAAGAG CATGTACAAA AGTGGCCTGT GGACATTTAG 60
GCCTAAAGTG ATGCATTTNC TCTTCCTNTT TGTGCCAATG TATCAATGTA GAGTTGCTCT 120
GTTTTCTNCA ACTGTATNNA TTGCTGCATT TCTCAGCATA AACTTATCCC ATTGTATTTT 180
TNATAAATAA ATATTTTTTT TGAACTTTCA AA 212

配列番号：2944
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03487
配列：
GATCAAGGAT GAGGATTAGC ATCTGCAAAT TGAACTCTAT CTAATTTNCA TNTTTATTTC 60
TTAGAATTGT AATTAAATTT GTGTAATAAA TGTNTTCCAT TTCATTTGTA CACTTAAAAC 120
TTGGGTGACT GAAATGCAGT TAAGTGAATT NCCTTTTNTT AAAAGCAAAT GTAGATTATN 180
CAATAAAGCA GCAAACCAAT ATTAANCATA AA 212

配列番号：2945
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03488
配列：
GATCTATGTA AAAGAATACA ATTCTTTTTT ACATAATTAG TGAAATTTTA TTTTTTATTA 60
GGAAACACTA AATAGTGTAA TATTTCTTTT GCTTTTAAAA AAATTCCTGG TAGCAAATCA 120
AGATAAATAA TTGNTTCATT TTCTTGAGCA ATACTGAAGC AGGATGAAGT AAGAGGAATG 180
CATTCATTTA AACATGCTTT GCTTGNTGAA A 211

配列番号：2946
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03489
配列：
GATCAAAGAA CTTTTCTTAT AACCTGCAAT CAGCTACTCA GCCAAAAAAC AAAACAAAAC 60
CTTGACTGCC TATGGAGGAA GACTGTGTTC GGGGGAGCTG GCATAGCTAG TGCAGAGTTC 120
AGATTTTCTG CTGATAATCT TTTACACCTT GGGAAAACTT TAATATCCGT ACCTGAAGGN 180
TGATTCACCT AAAAATGTGT TAACTGAAA 209

配列番号：2947
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03490
配列：
GATCTTCTCT GTGAATCCAC CCCTGGCTAC CCCCACCCTG GCTACCCCAA CGGCATCCCA 60
AGGCCAGGTG GGCCCTCAGC TGAGGGAAGG TACGAGCTCC CTGCTGGAGC CTGGGACCCA 120
TGGCACAGGC CAGGCAGCCC GGAGGCTGGG TGGGGCCTCA GTGGGGGCTG CTGCCTGACC 180
CCCAGCACAA TAAAAATGAA ACGTGAAA 208

配列番号：2948
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03491
配列：
GATCACACTT NGGCCTTCAC TGCAGCGTGG TGTGGCCACC GTCCGTTTCC TCTCGGCCTT 60
CCTCCGAGTC CAGGTGGACT CTGTGGATGT TTGGATGTGG CCCGAGCAGG CTCAGGCGGC 120
CCCACTNACC NACAGCATCC GCCGCCACCC CTTCGGGTGT NAGCNCTCAA TAAAAACAAC 180
ACACTATAAA GTGTTTTTAA ATCCAAA 207

配列番号：2949
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03492
配列：
GATCTGAAAA TTCTTGGAAA TTGTTCCATG TGATTAACAT GGAACTGCCT CTACTTAATC 60
ATTCTGAATN ATTAAATCGT TTCATTTTCT AAATGCNTTA TAATGTGTTT AGCCCTTTCT 120
TGTTGCTGTA TGTTTAGATG CTTTCCAATC TTTTGTTACT ACTAATAATG CTATAAAATA 180
AATATCCTTG TACTTCTTTG AAA 203

配列番号：2950
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03493
配列：
GATCTTNTCT GTNTGGGTGG GGAGCCGGCC GGCCGTGACC CAACGGCATC CCAAGGCCAG 60
GTGGGCCCTC AGCTGAGGGA AGGTACGAGC TCCCTGCTGG AGCCTGGGAC CCATGGCACA 120
GGCCAGGCAG CCCGGAGGCT GGGTGGGGCC TCANTGGGGG CTGCTGCCTG ACCCCCAGCA 180
CAATAAAANT GAAACGTGAA A 201

配列番号：2951
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03494
配列：
GATCGTATAT GTGGGTCCCT TCCCTAGAAG AATGGTTGCT GATATGGCTA CTGCTTCTAC 60
ATCTNGAGTT TTTNAATTTA CTTTTTTNAC ACTGTAGCAT TGAGACTGCT TGATTCAAGT 120
CTGGTGCTTT GCCAGATGTA TTAATTNCCA TAAATGCTTT GTGAGTTTGG TTAAAATGAA 180
GATTCACTTG GGAAANCAAA 200

配列番号：2952
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03495
配列：
GATCACAGCC GGAATGCAGC TGAAAGATTC CCTGGGGCCT GGTTCCAACC GCCCACTGTG 60
GACTCTAAGG CCTCTGCATT TGTGGGTGGT CTGNCTGTAA TATTTTGGTC ATNGGCTGGT 120
CTGGTCGGTT TCCCATTTGT NTGGCCAGTC TCTATGTGTC TTAATCCCTT GTCCTTCATT 180
AAAAGCAAAA CTAAAGAAA 199

配列番号：2953
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03496
配列：
GATCTCTAGT TTTTNTGGTT TAATTTTNAG TAGCAGGTCA AAAACCTGCC CTCCTGTNAC 60
TTATTCCCTG AGACTTTTCA GGAGAGCCAG CCCACAGATG ATGAAGAAAT GATGGAAGTT 120
CATTTGGAGA GTCAAATGGG AAAAAAACAA ACAAAAAACT GCCTTTAATA CAGGCAATTC 180
AGTGGACTAT AATAATAGTG GAGGGTTGAG ATGTAGAGTT TTTAAAAAGT GAACAGTTGC 240
TGTTCTTACA TCTNTAANGA AAGCCATAAT GTCTTTAAAT CACTCTTCTG TAAATAGATG 300
NCCNTTTTTG CAGTGTAAA 319

配列番号：2954
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3497
配列：
GATCCTTAAT GCAGAGCTAG AGGACTTCTG GCAGGGAAGT GGGGAAGTGT TCCAGATAGC 60
AGGGCATGAA AACTTAGAGA GGTACAAGTG GCTGAAAATC GAGTTTTTCC TCTGTCTTTA 120
AATTTTATAT GGGCTTTGTT ATCTTCCACT GGAAAAGTGT AATAGCATAC ATCAATGGTG 180
TGTTAAAGCT AAA 193

配列番号：2955
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3498
配列：
GATCTGTTTC ATTTATAAAA GGTCCAGTTT TTAGGACTAG TACATTCCTG TTATTTTCTG 60
GGTTTTATCA TTTTGCCTAA AATAGGATAT AAAAGGGACA AAAAATAAGT AGACTGTTTT 120
TATGTGTGAA TTATATTTCT ACTAAATGTT TTTGTATGAC TGTGTTATAC TTGATAATAT 180
ATATATATAT ATN 193

配列番号：2956
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3499
配列：
GATCCAAGAA TGTGCCAAGA GTCCCGCCAG CCTCAGCCAG GTGGGCCTGT ATATAGGGTC 60
CATGTGCAAT AGGGAGGGAC GTCTTCTATT TTTTNCTGCC CCCTCCCCGC CCACTGTCTG 120
GGGCAGGGGG AGAAGGTATT TTCGAGATAA AGCACAGGCA CCACAAATAA AAGTCGTGAA 180
GTTGCCACTC AAA 193

配列番号：2957
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3500
配列：
GATCTGGGAG CAAGCTACCA ACAGGGGAGA CTCTTTCCTG TATGGACAGC TGCTGTGGAA 60
ATACTGCCTG CTTCTCCCAC CTNCTCANAG CCACAGGAAA GAGGAGGTGA CAGAGAGAGA 120
GCAAGGAAAG TAATGAGGTG GATTGATACT TTCTACTTTN CATTAAAATT ATTTTCTAGC 180
CTGCAGTCTA AA 192

配列番号：2958
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03501
配列：
GATCAGCCTG GGCATCATGG TGGCCTGCAC CTGTAGTCCC AGCTACTCAG GAGGCTGAGG 60
TGGGAGGATA GTTTGACCCC AGAAAGTTGA GGCTGCAGTG AGCCATGAAT GCACCACTAC 120
ACGCCAGCCT GGATGACAGA GCGAAACCCT GTCTCAAAGT AATTAATAAT AATTATATTA 180
ATTCAGCAAA 190

配列番号：2959
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03502
配列：
GATCTGCTTC CCACTGTGAC TGGGCTATGG GATTCTGACT ACCTTGCTTA CAGATTCATG 60
GTTTGATAAA TTTGTTGTAT TCAAAAACTT GAAATGCAGG ACGCCATTAA GTGTCTGTTT 120
ATATTTNTGG AATATTTGTA TTACTTACAA TTAATTAATA AAAGTGGGTT TAAAAAACCT 180
TTCCAGGAAA 190

配列番号：2960
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03503
配列：
GATCTTGCCC CCTTTGACCT TCCCCAAAGG ATGGTCACAC ACCAGCACTT TATACACTTC 60
TGGCTCACAG GAAAGTGTCT GCAGTAGGGN ACCCAGAGTC CCAGGCCCCT GGAGTTGTTT 120
TCGGCAGGGG CCNTNTCTCT CACTGCATTT GGTCAGGGGG GCATGAATAA AGGCTACAGG 180
CTCCAACNTG AAA 193

配列番号：2961
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03504
配列：
GATCAATCTG AAACTATCTT AGCCCAGTCA GGGAGCTCTG CTTCCTAGAA AGGCATCTTT 60
CGCCAGTGGA TTCGCCTCAA GGTTGAGGCC GCCATTGGAA GATGAAAAAT TGCACTCCCT 120
TGGTGTAGAC AAATANNAGT TCCCATTGGT GTTGTTGCCT ATAATAAACA CTTTTTCTTT 180
TTAAA 185

配列番号：2962

配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03505
配列：
GATCCAACGA GGAATATTTT GCCACACGGC AAATATATAC CGTATAATTT TCTGTACCAC 60
TTGATAGAAA GGTAAAGAAT GAATATTGTT TTTTAAATAA CTTTTTTCTT ATATAAGTAA 120
TATGTGCTTA TCGTGTAACT ACCTAAAAAC ATTGAAAAAT AAAAGGAAAA TAAAATTCAT 180
ACATAACCAA A 191

配列番号：2963
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03506
配列：
GATCAGAAAT GGAGCATGGC CTTGTCCTTT AATGGGGATG CAAATAAAGT TTGTGGGGTT 60
AAAAGTTATA AGACAGNAGT GATACCCCAC TCTCTCCATT ATTGTCCAGC GGGGTGACAT 120
AATGACAGGT TAAATATTTG TGATTCATTG ATTAAATATT ATTTAAAGAA ATGTAAA 177

配列番号：2964
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03507
配列：
GATCACAGNG NTGGTGTCAA ATNCTATTNN AGGTTTGAAC TCTTGAGCTG GAACCTCAGC 60
AAACTAGAGT ATATATTGTT CAGTATTTCT TTGGAAACAT TTCATTAATG TACTTGTCTT 120
ACAGAAATTT CTGAACTTTA GTAAAAAAAA ATAAAGTTAA ACTTTTAAAA CTCAAA 176

配列番号：2965
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03508
配列：
GATCTGAACG ATGCCGTGTC CAGTTTGCGA AGTCCTATTC CCCTCCTCCT GTCGTGTGCC 60
TTTGTTCAGG TGGGGATGTA TTTCATGTAG AAGGTGGAAG AAGGCTGCTA TNACTCTTTG 120
GATGGGAGTC TGGCAAGAGG AAATTGGAAG ATAAAATAAA TAATAAGTGA AA 172

配列番号：2966
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03509

配列：
GATCTGCTCT GCTGCCCTGA ACTCTTACGG CAATTTAGGT TTCTCATTTT NNTTTTCTTT 60
TTACATATGT ACAAATTGTT TTAAGCTTTG GCCTCTATCC AGGTTATNCT GACAATGAAG 120
AAATGGGAGT TGTCAGAGCA TTAAAATGCA ATCTTCACTA AAANCAGTGA AA 172

配列番号：2967
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03510
配列：
GATCTCTAAT ACAGTATCTA ACACAAAAGA AGCTTTAAAA AGACAGTTTC TTTCCTTATT 60
TGATTAGCTA GAAGTTTATC TAGGTAAAAG CAAAAAAAAA ANTTTNCAAN GCATANCATA 120
NCATTGGGGT TCTTTTTATA CTCAAGATGT TTANCTGTTC AAANTGNCAN 170

配列番号：2968
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03511
配列：
GATCCAGGCG GGAGCAGAAG CTAAAGCCAA AGCCCAAGAG AGTGGCAGTG CCAGCACTGG 60
TGCCAGTACC AGTACCAATA ACAGTGCCAG TGCCAGTGCC AGCACCAGTG GTGGCTTCAG 120
TGCTGGTGCC AGCCTGACCG TCACTNTCAC ATTTGGGCTC TTCGCTGGCC TTGGTGGAGC 180
TGGTGCCAGC ACCANTGGCA GCTCTGGTGC CTGTGGTTTC TCCTACAAGT GAGATTTTAG 240
ATATTGTTAA TCCTGCCAGT TTTTTNTTTT TCAAGNCAGG GGTTGCATNC TNAGAAAACC 300
CTACTCNACA CAGCACTTCT TANGGTAGGC CNCTTATTCA ANTTCAATTT NNAGN 355

配列番号：2969
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03512
配列：
GATCTCGGAT GCCATCCCCG AGCTGAAGGC CTCCATCAAG AAGGGGGAAG ATTTCGTGAA 60
GACCCTGAAG TGAGCCGCTG TGACGGGTGG CCAGTTTCCT TAATTTATGA AGGCATCATG 120
TCACTGNAAA GCCGTTGCAG NTAAACTTTG TATTTNAATT TGCTTTGGTG ATGATTACTG 180
TNTTGACATC NTCATGCCTT CCAAATTGTG GGTGGCTCTG TGGGCGCATN ANTNANAGCC 240
GTCCTTGATT TTGGGAAA 258

配列番号：2970
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03513

配列：
GATCACAAGA GGCCCATTTG TAGTGGCTGG TTGACAACGG CTGGNGCAAA TTAAATAAAT 60
AAAATAGCTC TNTCTTTCAA A 81

配列番号：2971
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3514
配列：
GATCTNAGAC ATCCCCATCT TTGTAAGCAG AACAGTACGG CACTTCACCA CATCTNCTTC 60
CCACCATGCT TCTAAGCAGC TGTNTTCCCC CTGCTAATGT TACAACCAAA GCAGCCACCC 120
CACCTCCTNT NGTGTTGAGC CTCACGACCT NTGACCCAGC TGGAAAGCN 169

配列番号：2972
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3515
配列：
GATCTCATTA CTGCTTTTCT TTTATGTCCT TTTGTCTCCA TGGGAGGTTG AGCTTCTTTT 60
CCTACAAGTT TACTTACTGT TTGCATTTAC TTTTTCTTTG CATTGTCTGT TCCAGTCCTC 120
TGGCTATTTG ACTATTGTGT AATAAAAGGA CCAAAAACAA ATGTGGTN 168

配列番号：2973
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3516
配列：
GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGNTCCAC ATTAACTCTA CAGACCAAAC CATTTGTATC 60
TGGCATCACT TACTAACACA CGNCATGCGG CTTTTCTGCA TCAACTGCTA TGACGGTTAA 120
GANTGTCAGT ATACAAGNAG GGATAGAAAA CTGGTACTGT TTTAAATAAT CTGTAATNTC 180
AATGTTTTTT TTTTTNTTTC GGAAANNCNT NGTTTTGCCC GNTTN 225

配列番号：2974
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3517
配列：
GATCTTCTGT GGTGCTTAAG GNAACTTACT AGAGCTCCAC TAACAGTCTC ATAAGGAGGC 60
AGCCATCATA ACCATTGAAT AGCATGCAAG GGTAAGAATG AGTTTTTANC TGCTTTGTAN 120
GCAAATGGNA AAGGTCAATA AAGNTATATT TCTTTAGNAA ATGGGCAAA 169

配列番号：2975
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03518
配列：
GATCCCAACT CCCATGACCT CTGGCTTCAG TGGTGGGTGG GGCAGGGCAG ATGAAAGGGC 60
TTCAGTGGGA ACCTCTGAGA GCATTTTCCT GTTCCCCCTA TCAACCGCCC CCAGTGATAA 120
CATCTGTGAA GCCAGCCATT ACTCAATAAA CTGCAAACTT GTCTAAA 167

配列番号：2976
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03519
配列：
GATCAGNAGC CCACTGATAA GGGGCCCTAG GGTACAGGGT GCTGCCCAGC AGGTCGCCAC 60
CGAGTGTCTT CTCATTTTAT TTCAGCTCCA TTTTGCCCAT AGATGGGCAG AGGGGTGAGA 120
TTGGCTCATC CCCCTTCCAG ATTCTGCAAT AAAGCGGTGT GAGGAAA 167

配列番号：2977
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03520
配列：
GATCATTCCC TCTTTTNGGA TGTATAAGAN CCTTCCGGAC AACAGAACCT ATTTNTGGAA 60
TTGCAGAAGA TAACATATTT CCCTTATTTN NATTTAATCA CCATAAACCA TACCTATTTA 120
ATGAGTGTAT TCTGTGCAAT TTTTTCCTCA GATTGTNTTT AACTNNN 167

配列番号：2978
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03521
配列：
GATCGACTGC CAAGCAGCAG CCGCTGCCGA GGGGCTGCGT CTGACATCCT GACCTCCTGG 60
ACTGTAGGAC TATATAAAGT ACTACTGTAG AACTGCAATT NCCATTCTTT TAAATGGGTG 120
AAAAATGGTA ATATAACANT ATATGATATA TAANCCTTAA ATGAAA 166

配列番号：2979
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03522

配列：
GATCTGGGCG GGGTGGTGCG CTCCTCAGGG CGGATGCCAC CGGGTTCCCC AGGGGAATAC 60
ATGTCCCCAG CTCTGGGAGG GGTTTGCTAC TGGCCTCCTA CTTTCCTCCC TAGGTGGACA 120
GTGCTCCTCT AGAGAGCTGC GACTTTAATT AAAAACAACA GGAAA 165

配列番号：2980
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03523
配列：
GATCAGTGTC AGATATTGTT GAGGGAAGTA ATTTTATAAA GTTACACAAA GGTAGTTATA 60
AAAAAAGCCC AGTTTGTTTT TCAGAAGGTG ACTTTNATGT GCTTGAAAAG TTTAATATTT 120
GANTATTGTG TTTAACCACA TGGTATTAAA ATTTTGCAAT ATAAA 165

配列番号：2981
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03524
配列：
GATCATGAAA TAATGTGCTT TGTAAAAAGA TTTCAAGTTA TTAGGAAGCA TACTCTGTTT 60
TTNAATCATG TATAATATTC CATGATACTT TTATAGAACA ATTCTGGCTT CAGGAAAGTC 120
TAGAAGCAAT ATTTCTTCAA ATAAAAGGTG TTTAAACTTT AAA 163

配列番号：2982
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03525
配列：
GATCCGCCTG CTTCGGCCTC CCAAAGTNCT GGGATTATAG GTGTGAGCCA CCCTGCTCAA 60
CCAGGTTTNA TTATTTAANT TAGTTAAACT TTGGATAGAT TGTATAATAT ATAGTTTAAT 120
GTAATCATGC TCATATTTTT NAAATAAATA AAACACTATA AA 162

配列番号：2983
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03526
配列：
GATCACTTGT TGTTTTACTA AAGAAAGATT ACTTAGAGGA AATAAGAAAA ATCATGTTTG 60
CTCTCCCGGT TCTTCCAGTG GTTTGAGACA CTGGTTTACA CTTTATGCCG GATGTGCTTT 120
TCTCCAATAT CAGTGCTCGA GACACAGTGA AGCAAATTAA A 161

配列番号：2984
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3527
配列：
GATCTGAGGT CTAACATTGT TATCCTATAT CATTTTCATC CCAAGTAGTG ATATCTGTGA 60
AATCACAGGT TTGATGTGTG CTAATNATGT ATTCTTCTAA TACATATTAA AAGACATAAC 120
TATCAAAACA AAATAAATTT GTCTGTTTTC AACCAAAGAA A 161

配列番号：2985
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3528
配列：
GATCTCCATT TGATATTTTC ATTTGTATAA CTCATTTGCA GTCTGAAAAT TTTTTTTAGT 60
GCCAGTCCCT GAACATATCA TTGAAAGTTA ATTTTCTTTG CATTTTAAAA TATCTGGATT 120
ATGAAGAAAA AGTGATGAAA ATAAATTAAA ACTGAATTAA A 161

配列番号：2986
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3529
配列：
GATCTGTGCT AGCTGTGAGG CAGCTCTGGA ACGTGAAGAG CTGTTTGGTT TGAACCGTGA 60
ACAAAACTGT GTTTTGAGTT TAGCTGACAT TATGGAAAAA AGTTCATCAC GTGACTGTTA 120
ATGTAAACCT GGTTATTAAA ATAACNATGA AATTACCAAA 160

配列番号：2987
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3530
配列：
GATCTCTCTG TNACTGACTT TGTGACTGTC CTGTGGTTTC TCCTGCCATT GCTTTGTGTT 60
TGGAAGGACA TGATGGGGGT GATGGACTGG AAAGAAGGTG CCAAAAGTTC CCTCTGTGTT 120
ACTCCCATTT AGAAAATAAA CACTTTTAAA TNATAAA 157

配列番号：2988
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3531

配列：
GATCAAANCA CCTNGGAGTG GTCACCAGGG GGACAGGGAG CCCCCCACCA ATGTATCANT 60
GGGTGATTTA TNATGCCTTC TGCCCTTTGG CGAGTGAATG GNTTTCCCAT AGGGGAAGTT 120
GGCCTCCCTC CGTGAGCTTT GGAAATNTTT TCTAATN 157

配列番号：2989
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3532
配列：
GATCCGAATG GNCTGGGTGA GCACGAATTA CCGAGGCCTT CCCTTTGNTA CAGTCCAGGA 60
TTTGTAAGGN ATGAAGACCC CTGGNCCCCA TTCTNTTGGG GTCCATACAT ACTCTCCGAA 120
GATAGCAACT TGCTTCAGGT CAAAGTNAAC CCNAGAN 157

配列番号：2990
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3533
配列：
GATCTCCTTA CGTAGCAGCC AAAATAAATG AAGCAAAAGA CTTGCTAGAA ACAACCACCA 60
AACATTGATG CTTAAGGACC ACACTGAAGG AAAAAAAAAG AGGGGACTTC GAAA 114

配列番号：2991
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3534
配列：
GATCTGATTT ACAAGAAAAA GTCAGAGCTA AACACTAGTG ATGGCATAGC ATTACTGAAA 60
TCATTGTTTC TTAATTTCAT TTTACTACAT TGTGAACTTG TGATTCAGAT TCCATTTTCT 120
CAGAGAATTA AAAACAAAAA AAGTACTCTT GTAAA 155

配列番号：2992
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3535
配列：
GATCTATTTC TNAGTATGTG GTTCATGCTG TTGTGAAAAA TGTTTTACCT TTNACCTTTG 60
TCAGTTTGTA ATNAGAGGAT TTCCTTTNAC CCTTTGTAGC TCAGAGAGCA CCTGATGTAT 120
CATCTCAAAC ACAATAAACA TGCTNCTGAA GGCAAA 156

配列番号：2993

配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3536
配列：
GATCAAATTA GTAATTNNGT TTATGCTGCT CCTGATATAA CACTTTCCAG CCTATAGCAG 60
AAGCACATTT TCAGACTGCA ATATAGAGAC TGTGTTCATG TGTAAAGACT GAGCAGAACT 120
GAAAAATTAC TTATNGGATA TNCATTCTNN NCTN 154

配列番号：2994
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3537
配列：
GATCTCATTT ATAATTAAAT TATGTCTATT GGATTGTTTT NATTGTACTT NATGTTTTNT 60
NAAGAAATTG TGATTAAATA TAACTTAACG ACTTTCTATT TTNCAGTTAT TTTAATTAGT 120
TACTTCATTT AANCTTTTGG CATTNCATGA TTTN 154

配列番号：2995
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3538
配列：
GATCATATAT GTNTTAGTGG ACAGGGGTCT GAAGTACACT GGAATTTACT GAGAAACTTG 60
TTTGTAAAAA CTATAGTTAA TAATTATTGC ATTTTCTTAC AAAAATATAT TTTGGAAAAT 120
TGTATACTGT CAATTAAAGT GTTTTTGTGT AAA 153

配列番号：2996
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3539
配列：
GATCAAACTA CACATGNGTT TTCATTCCAA AAGTGGGTTC TAAANGCCTG GCTGCATCTG 60
TATGNAATCA AGGCACACTC CAGGAAGACT GCCGCGTCGC GCCAACACGT CATACTCAAT 120
GCCTCAGACT TTCATATTTC TGNNGTGCTG NNN 153

配列番号：2997
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3540
配列：

GATCCCAGCA TCTTCTCCAC TTCAGCGCTG AGTTCAGTAT ACACAAGTGT CTGCTACAGT 60
CGCCAAATCA CCAGTATTTG CTTATATAGC AATGAGTTTT ATTTTGTTTA TTTGTTTTGC 120
AATAAAGGAT ATGAAGGTGG CTGGCTAGGA AA 152

配列番号：2998
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03541
配列：
GATCATTTGG ATATAGCAAT CTACTCTGAG AAATGGAACA CAAGGAGTTA CCTATCACTT 60
TCACTTATAA TTCCAAAAGA TGACTACAAC CATGTCCATG CTCAGATTCA AACAGTTTTC 120
CATATCACTT TTGGGTGGTA ATTACAGTTT TN 152

配列番号：2999
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03542
配列：
GATCCCTGTN TGCNCGNCCC CTCTGCAATG TATGCCCCTT GCCCCTTCCC CACACTAATA 60
ATTTATATAT ATAAATATCT ATATGANGCT CTTAAAAAAA CATCCCAACC AAAACCAACC 120
AAACAAAAAC ATCCTCACAA CTCCCCAGGA AA 152

配列番号：3000
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03543
配列：
GATCCAGAAG CAAACACAAG CAATGCAAGA CCTCCACAGA GTGAGCTTGG AGAGAGAGAA 60
AGCCAAGATA AGAGAGGAGT ATGANGAGAA ANTCAGAAAG CTGGAAGATA AAGTGGAGCA 120
GGNAAAGAGA AAGANGCAAA TGGNGANGAN N 151

配列番号：3001
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03544
配列：
GATCTGGAGA TAANTTTATG CCTTTGGCCA TAGACAGGAC TGGAATCCCA GTTCTGCCAC 60
TTACTGGCTG TTTGACCTTA GGCAAGCCAC TCCTCCTTTN TNAGCCTCAG TTTCTTTNCC 120
TGTAAGATAA AAAGAATGAN TCATTACTAA A 151

配列番号：3002

配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03545
配列：
GATCAGGGCT GGGGCGGGGA AACAAGGGAA GGACCTTGGA AGGGGCTGNN CCCAGGCCTG 60
GGGGGCAGTC GTGGGAGCCC CTCTCANCTG TGGGGCTGGC ACAGAGCCCC AGGCAAGCTT 120
TTAATAAACT GTTGGTTATT CTAACAGAAA 150

配列番号：3003
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03546
配列：
GATCTCAAAA ATAGGTAATT TTTCTTTGCC GACCTGTAAA AGTGTGCCAA TACACTAAAT 60
TTGTGATTTT AAATTAATTC CTCCAGCTGT TGAAATGAAG TCTGCCAAAT CTTGCTCTAA 120
CAAATAAAAT GTTATCTAAA TGAAGTAAA 149

配列番号：3004
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03547
配列：
GATCCTAAAA GGGAAAATTG CCTTGGTAAC TTTNAGATTC CTGTGGAATT GTGAATNCAT 60
ACTAAGCTTT CTGTGCAGTC TCACCATTTG CATCACTGAG GATGAAACTN ACTTTNGTNT 120
TTNGGAGAAA AAAAACTGTN CTGCTTGTN 149

配列番号：3005
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03548
配列：
GATCCTAGGA TGCGTCCCAG ACGCTCAGTC AGAAGTGCTG GAGGTGGGGC CTGGGAAGCT 60
GTATTTGTAA TNAACTCTGG NGTTTTTTGT CCATTAAAGT GTATCTTTGT CCATCCTATA 120
AGNTTANNGG AAAGAAAAAG CATCTCAAAT NAGTGTAAGT TGTTCTTGAG AAAAAAATGT 180
ATCAGACTTT TATGATTTGA ATGAAATGTA TTATAGNAAA ANATAAACAC NTTTAAANTA 240
AA 242

配列番号：3006
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03549
配列：
GATCCAGTTG TACTTAAGTG TGTAACAGGA ATATTTTGCA GAATATAGGT TTAACTGAAT 60
GAAGCCATAT TAATAACTGC ATTTTCCTAA CTTTGAAAAA TTTTGCAAAT GTCTTAGGTG 120
ATTTAAATAA ATNAGTATTG GGCCTAAA 148

配列番号：3007
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03550
配列：
GATCATCGTG CTCTCAGACT CTGATTAGCT GCCTCCCCTT CTCCCTGCCT CCAGAATGTT 60
CTGGGATAAC ATTTGGAGGA AGGTGGGAAG CAGATGACTG AGGAAGGGAT GGACTAAGCT 120
AATCCCCTTT TGGTGGTGTT TCTTTAAA 148

配列番号：3008
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03551
配列：
GATCAGTCCA CCCAGAGTTA GACATTGTTT TTGTAGAAAA CAGGTATTTA TTATGTCTAG 60
GGTTTTGTGT TTTTTTTTTT TCCTNANAGG NTAAAAGCCT TTATACAGAA ANAATTTGGA 120
ACCTTTNATA TAAAACCTTT TCTTTAAA 148

配列番号：3009
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03552
配列：
GATCGCTGTG GTTCTTATTA TCAAAATTAA GTTTACTTGT ATACGGAACA ACCACAAGAA 60
ATTTGATTCT GTAAAGAATC CTCTTTAGCT GTGGCCTGGC AGTATATAAA TGGTGCTTTA 120
TTTAACAGAA TACCTGTGGA GGAAATAAAG CACACTTGAT GTAAAANTAA A 171

配列番号：3010
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03553
配列：
GATCTTTTTA TTTTGCAATC CTGGGCCAGC TAGAAGCCAG GAGCTGATTG ACCTTTTAAC 60
TTTTTTCAGT GGCCACATTT TGGTTATCGA TGTACCTAGA AGTATGTAAA TNAGATTAAA 120
TTTCTCTTCT GGAAACACCC TGAAA 145

配列番号：3011
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3554
配列：
GATCATAGAG AATGGTGCTT TTTACTACAG TTAGCACATG CATTTTTAGA AACTACTACA 60
TGTTTTAGAG AATCTTTGCT GTGTATATGT AAACTGTATT GTTCAACTGT TAACAAATAA 120
TAAATTATTT CATTATTAAA GAAA 144

配列番号：3012
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3555
配列：
GATCTGCCCT NCTCCTTCTA AAGGGTAAGT CATAATCTGT GTAATACTAC AATTNATGGG 60
NTGCTCACTA TGCCCTGTTT CTNTNCTAAA CAATTTACAT GTAATGTCTC ATTCCTCACA 120
ATAACCCTTG TAAAGTGGGC ANNN 144

配列番号：3013
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3556
配列：
GATCCCCAGC TGCCTCACTT CTCTCTTGAG AACTTGGCTC AGGGCTCCTG AGGACCTTTC 60
CCAGCATTAC CTTCCCTTCC CTTGAAAGGC AATTGTTGGC TGTTTTCATA AGCAGGAAAA 120
NTAAACAGAA GTATAAAGGA AA 142

配列番号：3014
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3557
配列：
GATCAAATGT GCCTTAATAA ATTTNTTTTC ATTTAGATTT CAAACAGTGA TAGACTTGCC 60
ATTTTAATAC ACGTCATTGG AGGGCTGCGT ATTTGTAAAT AGCCTGATGC TCATTTGGAA 120
AAATAAACCA GTGAACAATA AA 142

配列番号：3015
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO3558
配列：
GATCTAAAGA AACAGTTGGC TGTAGCTGAG GGGAAACCCC CTGAAGCCCC TAAAGGCAAG 60
AAGAAAAAGT AAAAGACCTT GGCTCATAGA AAGTCACTTT AATAGATAGG GACAGTAATA 120
AATAAATGTA CAATCTCTAT ATACAAA 147

配列番号：3016
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3559
配列：
GATCCCAGCA ATGAACTGTT CTAGGGAAAG TGGCTTCCTG CCCAAACTGG ATGGGACACG 60
TGGGGAGTGG GGTGGGGGGA GCTATTTCCA AGGCCCCTCC CTGTTTCCCC AGCAATTAAA 120
ACGGACTCAT CTCTGGCAAA 140

配列番号：3017
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3560
配列：
GATCTCAGCT TTGAGAAGCC TTCAGCTCCA GGGAATCCAA GCCTCCACAG CGAGGGCAGC 60
TGCTATTTAT TTTCCTAAAG AGAGTATTTT TATACAAACC TACCAAAATG GAATAAAAGG 120
CTTGANGCTG TGGCCTGAGT GCCTCACTGG AAA 153

配列番号：3018
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3561
配列：
GATCACGAAG GTGGTTTTCC CAGGGCGAGG CTTATCCATT GCACTCCGGA TGTGCTGACC 60
CCTGCGATTT CCCCAAATGT GGGAAACTCG ACTGCATAAT TTGTGGTAGT GGGGGACTGC 120
GTTCGCGCTT TAAA 134

配列番号：3019
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3562
配列：
GATCTATCTT NCAGAAAGTA TGTTTTTCCT CATAAAAGTG CCTCTTAATT GGCCATTGTA 60
CCAGCCACTT GTCCTAGCCA AATGTCCAAA ACACGCCCTT GGGCCCCGCC ACGTTACAAT 120
CCACANNNNN N 131

配列番号：3020
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03563
配列：
GATCACTGTN ATGTGTGGTC CATCTCTGAC CAAAACGTTA TGCAGTACGT GACTGTATCC 60
TNATCCTCAA TAATCCTTGG TTATTATTCT AGAATTTCAA ATAAATGGAA TCATATCATT 120
TACTATGTAA A 131

配列番号：3021
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03564
配列：
GATCCAGTGA ATGATTCAAG AGAGCTACAT TTGAAGCCTG TACAAAAGCT TATCCCTGTA 60
ACACATGTGC CATAATATAC AAACTTCTAC TTTCGTCAGT CCTTAACATC TACCTCTCTG 120
AATTTTCATG AATTTCTATT TCACAAGGGT AATTGTTTTA TATACACTGG CAGCAGCATA 180
CAATAAANCT TAGTATGAAA CTTTAAA 207

配列番号：3022
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03565
配列：
GATCCTGAGA ATTACTTTTA ATAAAATCAT TTTTTTGCTG TTATTAAAAC TAGNCNNGAA 60
TTGCCTAAAN CCAAGAACTC TGCTTGATAA AATAAGCATA GTNTTAGGAA CAGCCATGCA 120
GATATAANTN 130

配列番号：3023
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03566
配列：
GATCATCGAC CCCCAAGGGA CCCGCAGACC CTTAAAAAAA TCACCCACAA CCCTCTGGAA 60
GTGGCCTTGC CCGGTCCCCT TCCCAGGGGC GAGGTCGGCA AAGCAACATG GCAGAGCAGT 120
CATAGGAAA 129

配列番号：3024
配列の長さ：129
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03567
配列：
GATCACCTTT TTTTTTATGC GTTGTGAATA GCAGTCTGCA TCCTAAGTTT AAAATATTTG 60
AGAATCCTCT ATGGGACTCT CTGTAAATNT TTTAAATACT GTTGTTTTCA ATAAATATTT 120
TATACTAAA 129

配列番号：3025
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03568
配列：
GATCAGCTGT CCTCTCTGAA AAAAATTGCA CCNNTTTTTC TTTTTTAAAA TTTTGTTGCA 60
TCTTCGTAGT AATGTAATTG TATTTTATGC CTGCTTTTTT ATAAAAAAAT AAAATAAAAT 120
AAATGGAAA 129

配列番号：3026
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03569
配列：
GATCTAAATN TGACTGTGGT TGCACATATC TGTGNATATA CTAAAAACCA NTGATTTGTA 60
CACTTTACAT GGGTGAGTTG TATGGTGTGT GAATTATATT TCAATAAAGC TGGGTTGTTT 120
TTTGTCAAN 129

配列番号：3027
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03570
配列：
GATCCCAGGA TTCAGTATTC CTGGCCCAGA GGNCNTTGCT GGCTACTGGG TGTTAGTTTG 60
CAGTCCTGTG TGCTTCCCTC TCTTATGACT GTGTCCCTGG TTGTCAATAA AATATTTCCT 120
GGCCTCCTGG AATCTNTAAA 140

配列番号：3028
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03571
配列：
GATCCTACGA CAGGACCCAG ATGCCAGTGA AAGTGACCAC AGCCCTGCTC TAGTCACCCC 60
GGAAGCTGAC CAGTCTACGC ACGGCCGAAG CTTCGTCAAG GAAGTAAATG TAGTTAGAAA 120

TCTTAAA 127

配列番号：3029
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03572
配列：
GATCTAGAGT ATAAGCTGCG CAAGGGCAGA AGTTTTTATC TGGTTTGTTC ATGGATGTAT 60
TCTAAGAGCT GAGAACAGGG CCTGGACACA ATAAGCATTC AATAAATATT TACTGAATGA 120
ATGAACTCCT ACCTATATTC CTATTTATAA TTTGGCTCCA CTTTATCCTA CTTTAGCTCC 180
CATTCAATTC AATAAAAAAA ACATTTTTTN GNACACATAT AAA 223

配列番号：3030
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03573
配列：
GATCCATCTC AGTCACTTTT TCCCCTGCAA TGCGTCTTGT GAAATTGTGT AGAGTGTTTG 60
TGAGCTTTTT GTTCCCTCAT TCTGCATTAA TAATAGCTAA TAATAAATGC ATAGAGNAAT 120
TAAACTGTGA AA 132

配列番号：3031
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03574
配列：
GATCCAGTTT TNCTACAAAG AACAAAGTGG TTGACAACAG TGACAGTAAT TNCTGGAGCA 60
AAACCAAAAG ACATAGGTAA AGANCATATA ATTGTTAATA AAGCACACTG CTTTCAACAC 120
AAA 123

配列番号：3032
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03575
配列：
GATCCAAGTG TTTTAACAAT TGGGGCTGTT AAGTCTGACC ATACATCACT GTGATAGAAT 60
GTGGGCTTTT TCANGGGTGA AGATACAAGT CTTAACCACA GTGTAACTTA CAGTTTCCTT 120
TAAA 124

配列番号：3033
配列の長さ：270

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03576
配列：
GATCAGAGCA AGCCTTGCCT CTTATCTTCG GGAAACCAGA ATATGTTTGG GGTGGTAGGA 60
GCCACACAGA CTCTTCTGAG CCCCCTCACT CACTTCCTTC CCCCTGTGCC TTTCCTTTGA 120
GAGTGAAGGT GGGTNGAGTT GACCAGAGAA AGGGGAGAGA ATTCGGGAAA GACCCAAAGT 180
NTTTGTAATT CTTCTTTGTC CTTTTACCTA CAGAAATGGT CACATGGTTC TATTTAAATA 240
GCCTAATAAA CACATCTGGA GCCTGTCAAA 270

配列番号：3034
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03577
配列：
GATCTCAAAG ATACACAGTA CCTACTTAAT TCCAGCTGAT GGGAGACCAA AGAATTTGCA 60
AGTGGATGGT TTGGTATCAC TGTAAATAAA AAGAGGGCCT GGGAATTCTT GCGATTCCAT 120
CTCTAAA 127

配列番号：3035
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03578
配列：
GATCCCTACC TGCTCCCCGC TCCGGTTGCC AGCAGCACTC ACTGCACTCC TTTGTCATAT 60
ACTCTGCATC ACTGTCATAC TCACANCTTC GTGAATAAAG TTGTGTGCTT TATTCGTAAA 120

配列番号：3036
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03579
配列：
GATCAGGGAC CTCACGCATC TNTTTCTCAT ATACATGGNC TCTCTGTTGG CCTGCAAACA 60
CATTTNCTTC TCCGCTTATN AGACTATTTA NCTTTAATAA AGCACTGGAT ATAAATCAAA 120

配列番号：3037
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03580
配列：
GATCTAAAGC TNAACAATGA AAATCTTCAG CAGAAATAGA AATNGCCGTG GATTGTAATA 60

CACACTGAAA TTCTNACTTT CTGAATTTAA ATGTAGAATA AATTTNACCA ACTTGGAGTA 120
CTGTATGAGT ATTTCNAGTA GGGGGAATAA ACTCAAANTT ATATTTNTNT TGCAAA 176

配列番号：3038
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03581
配列：
GATCTGAAAT GTCTGAGAGT AATAGTTTCT GTTGAATTTT TTTTTGTTCA TTTTTCTGCA 60
CAGTCCATTC TGTTTTNATT ACTATCTAGG CTTGAAATAT ATAGTTTGAA ATNATGAAA 119

配列番号：3039
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03582
配列：
GATCAGAATA TGACATTGCA GTAAAGNGCT TAAATAGTTT CATCTNTGGT TTTTTTTTCT 60
AGACACTTTT CTTTTATCCC AGNCATCTCT GAATTTACAT TTTATATTAA AGAAATTGAG 120
CTATCCATAC AACCTGTATT TACTTTAATT TCACTATGCT TTCAGCTTAC TTTATTGTAT 180
GNTATGTAGG TCTAAAATAT AGTTTGAGTC AAATAAAATT AGGGGGGCTT TAAA 234

配列番号：3040
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03583
配列：
GATCATGACA CTNAAGCGTG ATGAGACGCT CCAGGATGGC TGTNATACTC ACTTCTGCAA 60
GGTCAATGAG AGAGGAGAGT ACTTCTGGGN GAAGAGGGTC ACAGGCTNCC CACCCTTTNA 120
TGAACACANG TN 132

配列番号：3041
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03584
配列：
GATCCCTAAA AATGTTGAGG GACTTCTGTT CATTCATCCC GAGAACATTG GCTTCCACAT 60
CACAGTATCT ACCCTTACAT GGTTTAGGAT TAAAGCCAGG CAATCTTTTA CTATGAAA 118

配列番号：3042
配列の長さ：117
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03585
配列：
GATCGGACCG TTCATGCTGC CTATAGGCAT TATGTCCCTC AAAAAAAAAC TCCTTTNCCT 60
GCATCCTGTG TACAACATGA CATTTTTAAC CAATCCAATC TAAAAATGTN CCAGAAA 117

配列番号：3043
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03586
配列：
GATCAGAAGT GGCAGTCTAT AACTNAAAAT GTGGTAAAGT ACTTGANGCA AACATCCCGC 60
ATCGCTGTTG GACCTCTNAN ACTTTCTACT TTAACAGTTT CACAGTCTTT NCCAGTN 117

配列番号：3044
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03587
配列：
GATCTCCTCC ACCCTGTACC AGGCAGCAGC TCCAGTCCTC ACACCAGCCA AGGTCACAGG 60
CAAGAGCAAG AAGAGAAACT GACCCTGAAT GTTCAATAAA GTTGATTCTT TGTAAA 116

配列番号：3045
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03588
配列：
GATCTGAAAT CNNGGTCTTC CAAGGNAGAA AATCGANCTG GGAATAAAAG AGAAGACCTG 60
TGATGGGGCA GCAGTGACGC NCTGTGGGGG GACAGGTGGA CGTGGAGAGC TCTTTN 116

配列番号：3046
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03589
配列：
GATCCTGAAG AAATCATATG TTAAACATAC TTTNACACCT ACTGTGTTAT AAAATATATC 60
ATCAGATGTG CCTTGAGAAT AGTATATGTA ACATTAAAAA AAAGTTGCTG GCTAAA 116

配列番号：3047
配列の長さ：115
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3590
配列：
GATCCTTGGA CTTTGTGTTT TTGATTNTAT GTTGATATTC TAAAAACATC TATTTTAATG 60
TTATTTCTGT TCTAAAAATA AGATAATAAA TATTAACAAA CTTTGCTTTT TTAAA 115

配列番号：3048
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3591
配列：
GATCTCAACA AGAAGCTGTA TTTTAAGTAT TAAGACAGTT CTTTGTTAGC TGGTTTCTAG 60
TTGGTTATCT AGTTACCAAT GCTGCAGTCC TGCAGTCACC TATACATTAT TTAAATNTAT 120
TTAACTGTTA AATGCGCTAC CCACCAATAA TGAAATAGAC CTTTATGAAA ACTGTGAAA 179

配列番号：3049
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3592
配列：
GATCCTGAGG AAAGACTTGG AAGAGACCAG CATGTCTTCA GTAGCCAAAC TACTTCTTGA 60
GCATAGATAG GTATAGTGGG TTTNCTTGAG GTGGTAAGGC TTTGCTGGAC CCTGTTGCAG 120
GCAAAAGGAG TAATTGATTT AAAGTACTGT TAATGATGTT AATGATTTNT TTTTAAACTC 180
ATATTATTGG GATTTTCACC CAAAATAATG CTTTTTGAAA AAAGGAAAAA AAAACCGGN 239

配列番号：3050
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3593
配列：
GATCTTGGCT TTCTNTTTCC TCTTCTCCTN CAGGGTGTCT GTNACTGCNN GGTACTTCCA 60
GCCAACCTCG TGAGCCAGGC GCCCCAGATA GGCAAACTTT CTTGTAGGCT TCAN 114

配列番号：3051
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3594
配列：
GATCTGTATA TGCTATCCTA ACTGTTAATT GTATTATTGA TTATNTTGAT TATCTTGCTT 60
GAAGGTTCAT ACTTTTCAAT TTGATAGAAA TAAAGTTTTT NCCTGCTTAT AAA 113

配列番号：3052
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03595
配列：
GATCCTCTCT TCATTTTACT CAGCCAGGTT TTGTACTGAT GTACAGGTGT TAAATNACTT 60
CAAGTATTTT TGTAAGAGGT GTATATAATT CAATAAAAAA GGTAAAACAT AAA 113

配列番号：3053
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03596
配列：
GATCGACAAG GAGTACTTGC TAAAAATGGC AACAGAGGAG TGAGGAGTGC TGCTGTAGAT 60
GACAACCTCC ATTCTATTTT AGAATAAATT CCCAACTTCT CTTGCTTTCT ATGCTGTTTG 120
TAGTGAAATA ATAGAATGAG CACCCATTCC AAAGCTTTAA A 161

配列番号：3054
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03597
配列：
GATCCGNACC CCAAGCCCAT GCAACCCACG CTCGGTCCCG TTCCGGCCCC TGCNCCCCGC 60
TGCNCTTCGC TCCCCGNCCT TGCNCCGTTA GTAAACATCG CTCAAACGAA A 111

配列番号：3055
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03598
配列：
GATCTAACAA GTTACATTGT ATAGTTTCTG GGACTGTTTG AATATTCTAT TCCAATGGGC 60
ATTTATTTTT TATCCTGTCA TTAAAAAAAA AAGACTGTTA CCCTGCTAAA 110

配列番号：3056
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03599
配列：
GATCTCCTCC ATCCTGCTGC CCACCCCTCT TGAGTGTCTT AAGGGACAGA NCTTTCCACC 60
CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG GTGGAGTGTT AGGACCAAA 109

配列番号：3057
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03600
配列：
GATCAGAGTG TTNTAAATCA TCACGCCCTT AGCTTATCCC TNGTCGAGCC AGGACACGGG 60
GTGCTTCAGT GGGTCTGTNA CCCTCTCTCC TTGAAGCATG TTGCTGNNN 109

配列番号：3058
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03602
配列：
GATCCCTGAA TGTGAACCTG AAGTTCAAAG GACTTGGAAA GCTCTGGAAT GTGTTGGTTT 60
TTCCCCCCCA AAATGGGTCC TAAGGAGGGT AAAGTGACTT GTTTCAAA 108

配列番号：3059
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03603
配列：
GATCAGTTTC TTTNGCTTCA AGATTTGAAA CCAGAAAGGA AAGTCCNACT TGCAGATGAT 60
TGTCCTTAAA ACCTAATGGA AAANTAAAAG ANAGACATAC CATGGAAA 108

配列番号：3060
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03604
配列：
GATCCATCAT TGTTCACAAA CTTCACTGTC AAGAACCTTT TCGTTGCATA ATGTGCAAAT 60
AGTTAAAACC ACTGTACTAT ATACTTAAAA ATGATTAAGA TAGTAAA 107

配列番号：3061
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03605
配列：
GATCTGGCAG CTGAGGCCCG AGGCAGGGTT GGNGTGATGC CAGGGCAAAG TGGTGAGGAG 60
AAAACAGGAA NCGGGCTTTC NCCNCATTGG TAAATGGGAA AGAGGTGAGC AACTTAAGAT 120

TGTCACAATT AATCACAAGT GTACAGGATT AGACTGGGTT TATATTTAAC TCTTGCTNCA 180
TAGGTGTACC ATTTAAAGAG TGTTATTTAA TGCTAAGTTT AACTGCTTTA ATAAAGTTTA 240
TTTTTAAATA AA 252

配列番号：3062
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03606
配列：
GATCAACAAA ATAACTTGTA TCTCCTGCTT AANTCCTTTA TACTACCTGG NGAAAAGTAT 60
TTCCCATATT TCCAATAAAT GTCAGACACT ATTGAGAAAG AAA 103

配列番号：3063
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03607
配列：
GATCCTGNAT NANGCCCGGG CCAGCGAGTG CAGGGACGTG GAGGGNTTCA AAACCGAGAT 60
GGCCATGCTG GTGACCCAGG CCAGGAAGAA CACCATCACC CNN 103

配列番号：3064
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03608
配列：
GATCCTCACA GTCAAGTGAC GAGGCTGGGG CTGAAAGCAG AAGCATGCAC AGGGAGGAGA 60
CCACTTTTAT TGCTTGTCTN GGTGGATGGG TCAGGAGGGT CTGAGGGCCT GTCCCAGACA 120
ATAAAGGTNC CCTCAGCGGA TGTGGGCCAT GTCACCAAA 159

配列番号：3065
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03609
配列：
GATCCTATCG CCTTTNAGTA GAATATGAAA TATTCTTTNA GAAATCCAAT ATAAATAGGT 60
TATAATAGCC ATATNCTTNA TNACTTTATT GAGATATAAT TN 102

配列番号：3066
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO3610
配列：
GATCTNAGCT CCCACCTCCC TTCCCACCTA CTGCACTTTC CCCCTTCCCG CCTTCCAAAA 60
CCTGCTTCCT TCAGTTTGTA AAGTCGGTGA TTATATTTNT GGGGGCTTTC CTTTNATTTN 120
TAAAATGNAA AATTTATNTA TANTCCGTAT TTAAAGTTGT AAAAAAAATA NCCACAGAAC 180
AGNGAN 186

配列番号：3067
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3611
配列：
GATCTCAGAC AGTGTGCGGC GGCACATGAG CGGCTTTCCG CAGTGTCCTG TNTTGAGCCA 60
CTGCAGTCTG GGCCCCATCA TTAAACGGGC TGCGTTTAAA 100

配列番号：3068
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3612
配列：
GATCTCCAGT NAGACTCCAG GGTTCTAGAC AGAGGCCAGT NTTGGCCACT CACCCCACAC 60
CCCGCGGACC CCAATAAAGG CTTGCATAGC TCCAGAAA 98

配列番号：3069
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3613
配列：
GATCCTGAAG CTTNACCGGG CTCCAAAGGG CAAATGGAGC TGCCCTCNTC TGTATCAGGT 60
TTATTGGTTG TACATATAAA TNATACTTNC CTTTCAAA 98

配列番号：3070
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3614
配列：
GATCCTGTTT AACAAAGATA CTTGAGACAT CCATTTGTTT TAATGAAATC TGTATGGATA 60
TGGAAATNCT TGCCCTAATA AAAGCCTACA TATACCTTCT GGTTAAA 107

配列番号：3071
配列の長さ：97

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3615
配列：
GATCTNTCCG TTCTCAGGCC AGACCCCTGG TGCTGCCGTT AATTTTTTTT TCTCTGTCTT 60
TGCTGCAATN TTNAAATAAA ATGCCAAAGA ACACAAA 97

配列番号：3072
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3616
配列：
GATCCTAAAC AAATCATCTT TGTCAGTTAA GTATAGTTGC GCAAAAATTG TTAAATCCTT 60
TGTCTTTATT AAAGAAAAAT TTGAGTAACA TTAAA 95

配列番号：3073
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3617
配列：
GATCTAAGTG ATGAGTCTAG GTGTGTTATT GTNCAGTTTT TNCAACTTTC CTGGAAAACG 60
AACTTTTCAA AATAAAAAAT TGGAAAAATA GAAA 94

配列番号：3074
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3618
配列：
GATCACTTTG AGAAACAAAC TTTTATTAAA TGTAAGGCAC TTTTCTATGA ATTTTAAATA 60
TAAAAATAAA TATTGTTCTG ATTATNACTG AAAAGATGTC AGCCATTTCA ATGTCTTGGG 120
AAACAATTTT TTGTTTTTGT TCTGTTTTCT TTTTGCTTCA ATAAAACAAT AGCTGGCTCT 180
AAA 183

配列番号：3075
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3619
配列：
GATCTGCCAT ATTTGNTNTT GGTTTTAATT TTCATATCCA GCCTAAAGGT GGTTGTTTAT 60
NATATAGTAA TAAATCATTG CTGTACAATA AA 92

配列番号：3076
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03620
配列：
GATCAGGCTG CCTCCTGGNT TGGNTGTCGG GGGAGCTGTC CGGCAGCCTG GCAGGGAGAT 60
GCAAGGCCTA AAGTAAAATT TTNTCAAGTA AA 92

配列番号：3077
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03621
配列：
GATCTAGCCC CTTCTTCAGG CCGAGAGAAT TTCGAGCGTT ANCCGTCTCT TGGCCACCAG 60
CTAAATAAAC GGATTCTTCA TGTGTCTCAA A 91

配列番号：3078
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03622
配列：
GATCTGCTAT TGTTATTTCT CCTCTTTATT GGAAAAAGGC CTCAGTTTTA ATTATTTTCT 60
TCCCAAAATA AATNACACAT TTGGTTACAA A 91

配列番号：3079
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03623
配列：
GATCCTGCAT CAGCATTGTA TATATGGNCT TAAGTGCCTG GCCTCCTTAT CCTTCAGAAT 60
ATTTATTTNA CTTACAATCC TCAAGTTTTA ATTGATTTTA AATATTTTCC AATACAACAG 120
TTTAGGTTTA AGATGACCAA TGACAATGAC CACCTTTGCA GAAAGTAAAC TGATTGANTA 180
ANTAANTCTC CGTTTNNTTC ANTTNATTTC AGTGTAATGA NAANGTTGCT TAGTATTTN 239

配列番号：3080
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03624
配列：
GATCCCTGCC CTGCACCAGC ACCCTGANAT GGAGCTGAGA CTTTATTTAT TGGGGGTAGG 60

GGGATGGAGG AGGTCCCTCC AACATGTTTG GACCCAGCTC CTTTGGGTTC CACTGACACC 120
CCTGCCCCTG CCCCTGCCCA GAACCAAGTG CCATTTCTCA CTCTGGAGCC TTAATAAACT 180
GCAATTTGTA TCCAAA 196

配列番号：3081
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03625
配列：
GATCTGTGTA CTGTTTACTT CCCACTTCCC AGAATCCCTT GTATCTCCTT TCTCGGGAAT 60
TGTATTTTCT AATAAATGAC ATTTGAGAAA 90

配列番号：3082
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03626
配列：
GATCTCTGGA AGTGTAATTN TGAAAGAAAC TTNCTTGCAG CTTTAACAAA ATGAGAAACT 60
TNCCAAATAA AACTTGTTTT GAAGTTTAAA 90

配列番号：3083
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03627
配列：
GATCCTCGGG AAGAACAAAG CTAAAGCTGC CTTTTGTCTG TTATTTTATT TTTTTGAAGT 60
TTAAATAAAG TTTACTAATT TTGACCAAA 89

配列番号：3084
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03628
配列：
GATCAATCTT TGATGGTGAG GGTTTTAGAA AGGAAAAATA TAGTAAAATG TGTAATTTGT 60
CTTAATAAAA TCTATCTNTA CATCTAAA 88

配列番号：3085
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03629

配列：
GATCTAGATT GGGTGAGGGG GACGGGGATG TNAGGGAGGC AAGTGTGTTN TGTTACTGTG 60
TCAATAANCT GGTTTAAAGT TGTAAAGTGN GAAA 94

配列番号：3086
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03631
配列：
GATCTGAATT TCACAAAAAG TTCATGGAGA AATATATTAA ATAGTACAGT TTTATGTGCT 60
TAATTAAAGA CTGTAAAACG TAAAGGAAA 89

配列番号：3087
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03632
配列：
GATCATACCA CGGCACTCCA GACTGGGGAC CAAAGTGAGA CCTTGTTTCT AAAANTTAAA 60
ATATTTAGAA TGTTTCCTAG CAAA 84

配列番号：3088
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03633
配列：
GATCCCAAGG ATGGAGAACA ACTTACCCAG TAGCTAGAAT GTTAATGGCA GAAGAGNAAA 60
CAATAAATCA TATTGACTCA AA 82

配列番号：3089
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03634
配列：
GATCTCCAGA TGTGCATTTC CCTCTCTTAT TTTAAGTTAT GTTAAGATTA CTAAAACAAT 60
AAAAGCTCCT AAAAAATCAA A 81

配列番号：3090
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03635

配列：
GATCCAACCG TGCCTGAAGC TAGAATATCC CCTGGACTTT TCAGTTATGT GAACCAATAA 60
ATACCCTTTT TTGCTTAAA 79

配列番号：3091
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03636
配列：
GATCTGNGAN ATATTATGGT AATTGTGTCG GGGCGCCATG AACCGCACCC ATATAACACG 60
GTAAACTTAA TCAGCAAA 78

配列番号：3092
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03637
配列：
GATCATGCTG AAAACCACTC AAACGATTAT ATTTTTTACA TTATAAGAAG TAAAATATAT 60
TATTCTGAAT AATGAAA 77

配列番号：3093
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03638
配列：
GATCTGTGCA TTGCTCCTTC TGATTTGTGC TAAGTTGTTA AATAAGAGGG ACCCTGAGAA 60
AGGCCTTACT CTAAA 75

配列番号：3094
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03639
配列：
GATCACACAG CTAACGAGGC TGCCTCCAGC ATTTCCTGAT TTCCTCTGTG GTAATAAAAG 60
CTTTCTGTGC TTAAA 75

配列番号：3095
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03640

配列：
GATCAGAACT TACAAACCAA ACTTTTATTC TGAGAAACTG GCTGTACAAT ATNTGAAAAG 60
AAAGTGACAT GNAGGAAA 78

配列番号：3096
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03641
配列：
GATCTTTTTN AAGTNTTCTG AAAGGAAGTA GACAGTATTA CACCCTGAAT AAATAAGGTG 60
TTGTTTTCCA CAAA 74

配列番号：3097
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03642
配列：
GATCTACTTC CCATGCAGAA GAGAAGTCAC ATCTTCCAGG GAATCGCAAT GTTGTGGCGT 60
CTGACTTGTA TGTCACATTT GTGTAAAATG GTATATNCTT TAAAATAGTG TTGATAACTG 120
GAATATTGTA TGTATGCTTG GAGATGCTTT GTGTGAACCT AAGACTGTCA CTCAACAGAT 180
GTTGGATTGG GGNAAATCCA AAGCACAACT TCAAANTAAN NTACATTTTT AGGTTTCGAT 240
GCTGCAAANC ANANAANANN ACANNAN 267

配列番号：3098
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03643
配列：
GATCATGGTG ATGTACGGGG TGAATTCTCT TGCCGTGTTG CAAATGTGTA AAATAAAGAT 60
TATCTGGCAG AAA 73

配列番号：3099
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03644
配列：
GATCCNAGNT CTANCGTCAT ATAATCATTT AATATAATTA AAGTTTAATT GCTGAAATAC 60
TTATAATGAA A 71

配列番号：3100
配列の長さ：69

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03645
配列：
GATCATGCAA TTCCTTCAAT TATGATGGAA AGACTTGAAC TTTCTGAAAT AAAACAAAAA 60
TACAGCAAA 69

配列番号：3101
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03646
配列：
GATCCATTTA TTGCAATTCA TGCTGAATCT AAATTATAAA ATTTAAAATT AAATGCATAT 60
CCTCAAA 67

配列番号：3102
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03647
配列：
GATCCGAAAC CTGTTAAACA ATAAGATGTG TTCTCGGAAA ATNAAACAAG AGGTATCACA 60
AGAAA 65

配列番号：3103
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03648
配列：
GATCATCTCT TCTCCATAAG ATAGTGTGAT AAACACAGTC ATGAATAAAG TTATTTTCCA 60
CAAA 64

配列番号：3104
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03649
配列：
GATCGCTCCA ATAAACATAT ATTGTGAAAA TGCATCCACA ATAAATGGAA TTCCTTCCTG 60
CAAA 64

配列番号：3105
配列の長さ：63

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03650
配列：
GATCTACCTG TCTTGTTGCC ACATGTTTCT AAACTTTCCA ATAAATCACC TTCTACTGAC 60
AAA 63

配列番号：3106
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03651
配列：
GATCAGCATC AGGCTGTTAT CAAGTCTGTT GGTGCTAAAA AGTAAAANAT GAAATGTTCA 60
AAGAGAAA 68

配列番号：3107
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03652
配列：
GATCTGTCTG GCTCCNTTGT TTCTTATTAA ATAAAATTCT GTCTTCTATT GTTTCAAA 58

配列番号：3108
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03653
配列：
GATCAGCCTT NNTATAATGT TTTTTAAATC ATTTCTAAAT AAAACAGAAA TACAGAAA 58

配列番号：3109
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03654
配列：
GATCTAGACT TATATGAATA AATNAAATTA CATGCCAAGG GCCCTAAAAA GCAAA 55

配列番号：3110
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03655

配列：
GATCAGGGCC GAGCAGAACC GCACTCTTCC CAAATAAAGC TTCCTCCTTG AAA 53

配列番号：3111
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03659
配列：
GATCATATTT TTTNATACAG GTATTTCAAT TAAAATGTTT TTGTACATAG TGAAA 55

配列番号：3112
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03661
配列：
GATCCAATCA NTTAAATAAA CCTGTATGTA TATGCATATG TNTACATGCA TATCCCCTCC 60
TGCTAAAACT CATAAA 76

配列番号：3113
配列の長さ：451
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03679
配列：
GATCCCTCAG TTTCTTCTTG ATTTCAGCAT GTNTCGGGTT CCTAATTTAT GGTATGAGTT 60
AGCAAATTTA ACCATTGTGT TTGTGCCCTA CCCAGGGGAC TCCCCAGTTT CTGACTTGAA 120
GTAGACTGAG AAGAATCCAC GAGGTGCTAT CTGGCCAGAT TTAAGTAGAT TCTATTTCCT 180
TGGTTCTCCC TCTCCCTGAG GACCTCTTAT TTNATTGTCC CCTCTTCTAG GTTAATTCTC 240
CTTTGATTTG ACTTTGTTGA GAAGGAGGTT GGACAGTAGA TTAGCAAAGT TCCAAGTGCA 300
AAATTACAGT GTGTTAGAGT GTGGGGGGAA AATTAGTCTT ATTTTTCCCT ACATGGGATA 360
CAACACTGTG AATTCAATCT TCAACCTGAA GGGCCCTGCA GTTCCTCCTA AAACATNGTT 420
GTTTGNTTTT CTTTAACCAA GGTTTAAGCT N 451

配列番号：3114
配列の長さ：445
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03680
配列：
GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCNTG GCACTGAAGA GTCTGAACAN TGGCCTGTNA 60
TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA CCACANCAGC CTCTGATTGG 120
CCATGGGCAG ACCTGCACTN TGGCCAATNA TTGGTTCATT CCAGGACATT CATTTGCATA 180
AGGAGTCAAA CCACANCAGT CTTGGATTGG CTGTGAGCCA ATTCACCTCA GTCTCTAATT 240

GGCNNNGAGT CAGTCTTTCA TTTACATAGG GTGTAACCAT CAAGAAACCT CTACAGGGTA 300
CTTAAGCCCC AGAAGATTTT NCTACCAGGG CTCTTGAGCN ACTTGCTCTA GCCCACTCCC 360
ACCCTGTGGA ATGTNCTTTC ANCTTTTGNT TGGTTTCAAG TNCCTTGGTG CTTCCAATAA 420
NTNCCACTTC CTTCACCACC CNAAA 445

配列番号：3115
配列の長さ：439
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03681
配列：
GATCGGCGCC ACTGCTGTCC TGCTGGCTTC NNCTGCGCAG CANGGGGTAC CAAGTGTTTN 60
CCCAGGGAGG CCCCGCGCTG GGACGCCCCT TTAAGGGACC CAGCCTTGAN ACAGCTGCTG 120
TAAGGGACAG TACTGAAGAC TCTGCAGCCC TCGGNACCCC ACTCGGAGGG TGCCCTCTGC 180
TCAGGCCTCC CTAGCACCTC CCCCTAACCA AATTNTCCCT GGACCCCATT CTNAGCTCCC 240
CATCACCATG GGAGGTGGGG CCTCAATCTA AGGCCTTCCC TGTAAGAAGG GGGTTGTGGC 300
AAAAGCCACA TTACAAGCTG CCATCCCCTC CCCGTTTNAG TGGACCCTGT GGCCAGGTGC 360
TTTTCCCTAT CCACAGGGGT GTTTTGTGTG TGTGCGCGTG GTGCGGTTTN AATAAANGTT 420
TGTACAACTT NTGTTTAAA 439

配列番号：3116
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03682
配列：
GATCTTGAAG TGCTTTTTAT ACAGCTCTCT AATAATTACA AATATCCGAA AGTCATTTCT 60
TGGAACACAA GTGGAGTATG NNAAATTNNN TATGAATTTT TCAGATTATC TAAGCTTGCA 120
GGTTTTATAA TTAGAAGATA ATGTGAGANT TAATGGGGTT TATATTTACA TTATCTCTCA 180
ACTATGTAGC NCATATTACT CACCCTATGA GTGAATCTGG AATTGCTTTT CATGTGAAAT 240
CATTGTGGTC TATGAGTTTA CAATACTGCA AACTGTGTTA TTTTATCTAA TCCATTGCTT 300
AATGAGTGTG TTTTTCCATG ATTGAATATA CCGTGGTTCA TATGTTAGCA TGGCAGCATT 360
TTCAGNTAGC TTTTTGGTTT GTTGGGAAGT TGGGGTTTTG GGGGGAGGGG GGAGTNTTNG 420
TACGTTGCCT N 431

配列番号：3117
配列の長さ：427
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03683
配列：
GATCAAAGTA TTATATGCTG TGTGCTTTTA AGGTGTTTGT AAGTACTGAA AAAGGCAAAA 60
ATNCTTTCTA CATTGACATT CATTCCTATT TNACTGGGCA CCTATGAATG TATGCTGTGT 120
GCTAGAAATA GACTAAAACA TATTCCTATA GCATGTNAGT GTGTTTGCAT GTTTGCTGAA 180
AATCCTTTGT GTATAANCCA GTTTGTAAGG TTCTCTGGGT TAGGTAGGGA CTCTGCAGTT 240

TCTNCCTGTC NAAATCTCTC CTACCAAGAT GGTGTTCCAC TGTCCAGCCC AGCATGAGTA 300
GCAGGTAGNG CACAGCTTTA CTGGCTGGTT TGTATGCTTT GGTTTTAGGT GCAATTGTTG 360
TGGGTNGATT TACTTTNTCC AGAAAACCAT NGTATTGNNN ATGTCCTNGG ACCGGTGGAA 420
AATAGGN 427

配列番号：3118
配列の長さ：423
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03684
配列：
GATCAAAAAT ATTAGAAAAA ATAAAANTAA TACAAATAAA AATACAGTAT AACAGTTATT 60
TAAATAGCAT TTACATTGCA TTAGGTATTA GTCTAGGGAT AAAGTATACA GGCGGATGTN 120
CGTTGGTTAT ATACAAATAT GTCATTTTAT GNAANNGACT TGAGTATACT TGGNTTTTNG 180
GTATCTNTGG GTTGGGGGGA CGGTCCAGGA ACCAATACCC CATGGATACC AAGGGACAAC 240
TGTACTTATT TNCCNTTATT GTCATTGCAA GCTTCTTATG GAAACTTTAT AGGGAATGAN 300
AATATACATG TTAAGGANGA TTAAACATTA GATAGTAGAT GGTTTGTTGC ATGCTAGAAC 360
TGTTAGTATT GTTGATTCAA TTACTTTGGT TTCATGAAAA ANTAAACGGT AANTATCTTT 420
AAA 423

配列番号：3119
配列の長さ：421
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03685
配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA AACTCATCTT TACTAAAATA CAAAAAATTA 60
GCCACGCNTG GTGGCGCACG TTGTGGTCCC AGCTACTCGG GAGGCTGAGG CAGTGGAGTC 120
ACTTGAACCC GGGAGGCAGA GGTTGCAGTG AGCCGAGATT GCACCACTGT ACTCCAGCCT 180
GGCGACAGAG CAAGATTCTN TNTGCCCCCC CACCAAAAAA AAAGANTGAA ACACTGATAT 240
TTGCTACAAC ATGGNTATAC CTCCAAAGCA TCCTGTTAAG TGAAAACAGG GAGACACAGT 300
CACGTACTAT ATGATTGCNC TTACGTGAAA TATCCACANN GACGNNTCCA TGGNGACCAG 360
GCAGATTGCC GNTTGCCAGA GGCCAAGGGT TAGGGAAAAA TTGGTGAGGG ACCCTGCGTG 420
N 421

配列番号：3120
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03686
配列：
GATCTATGAC TTCTCAAAGC CGGGTCATGA ATGTCCATAA AATGCTAGGC ATTCCTATTT 60
CCAATATTTT NATGGTTGGA AATAATGCTT CANATTTGGA ACTGGACCCC ATGAAGGATA 120
TTCTCATCCT CTCTGCACTG AGGCAGATGC TGCGGGCTGC AGATGATTTT TTAGAAGATT 180
TGCCTCTNGA GGAAACTGGT GCAATTGAGA GAGCGTTACA GCCCTGCATT TGAGATAAGT 240

TGCCTTGATT CTGACATTTG GNCCAGCCTG TACTGGTGTG CCGCAATGAG AGTCAATCTC 300
TATTGACAGC CTGNTTCAGA TTTNNCTTTN GTNCGTTTTN CNTTCTGTCC TTGGACCAGT 360
CATATCTCAN GTTCCAAAGG CCANAACCCT GAGGAGCGGT NNGGCTAAGN 410

配列番号：3121
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03688
配列：
GATCTGAGGA CCCTGTACTG GTTACTCCTG TACACGTTCA CAATTTTCNT GTAAATNTAT 60
TAATATACTG AGCAGTCCAG GAGCAGCCAT TAGGCAAACA CCACTCCTTG CTTCCTTCAT 120
GTGACCTATC ACTGAGCTCA CCAGCTGAGG TCAATNACAT TCTTCCCAAC CTGGAGAACA 180
GAATTTGGGT CTGCTCAGAG GCATGATGTG AAACATGTCT GGGATAAAAG CTTTGTTCTA 240
TTGACAGCAA ACCTTTTTGT GTTAAGGGGT AGGGGAAGAG CANGTGAAGG ATGCAGATTA 300
ATTTCTATTT AGGANTATAC TTTTNTATAT NGTTTGAAAT TTTGGNCTTG TAAAAATATT 360
CATCCATNTT TTNACCAANA NAATTTCCTT GTGGACNGGT TN 402

配列番号：3122
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03689
配列：
GATCAGTTTG ATTCTGTAAT GAGCACAGCA CCTAATATTT TGAGGAGCTC TGTTTTGAGG 60
ACCAATGCTT AAGGTGGACT TTGTTCGTAA ACAATATCCC AATAGATTTG TTGACTTGAG 120
GTCTGGTTTG GTTTTGTTTT TGTTTTGTTT TGTTTTGTTT TGTTTCCAAT AGAATTAAGA 180
ATTCTAATGT TGAAAAACTG CACAAATTTT TATGGGACAA AGCCTAGAAA AGAGAAATGT 240
AGTTTGAATC ATAATCTAAA TCATCGTATG ATAGANGAGG GAAAGTTTTG GTGCCATAAT 300
TTCTCCTTTC ACTGGTGTTG GGNCTTAAAT CAAGTTGAAA TGTATTTCTG TACCACAATT 360
TTANGGCTTT CAATAAAAAG TTTTAAATNG TCTAGGTGAC CATTCCAAA 409

配列番号：3123
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03690
配列：
GATCAACATC CACAGCGAGA CCTCCGTGCC CGACCATGTC GTCTGGTCCC TGTTCAACAC 60
CCTCTTCTTG AACTGGTGCT GTCTGGGCTT CATAGCATTC GCCTACTCCG TGAAGTCTAG 120
GGACAGGAAG ATGGTTGGCG ACGTGACCGG GGCCCAGGCC TATGCCTCCA CCGCCAAGTG 180
CCTGAACATC TGGGCCCTGA TTCTGGGCAT CCTCATGACC ATTGGATTCA TCCTGTTACT 240
GGTATTCGGC TCTGTGACAG TCTACCATAT TATGTTACAG ATAATACAGG AAAAACGGGG 300
TTACTAGTAG CNGNCCATAG CCTGCAACCT TTTGNACTTC ACTTGTGCAA TGCTTGGCCC 360
TGNACGNTGG GGCTGTTGCC CTTGCCCCNT TTGGTCCTGN 400

配列番号：3124
配列の長さ：400
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3691
配列：
GATCCTTCCT ACTTTGCTTC TNTCCACCCA TGACCTTTTT NACTGTGGCC ATCAGGACTT 60
TCCCTGACAG CTGTGTACTC TTAGGCTAAG AGATGTGACT ACAGCCTGCC CCTGACTGTG 120
TTGTCCCAGG GCTGATGNTG TACAGGTACA GGCTGGAGAT TTTNACATAG GTTAGATTCT 180
CATTCACGGG GNNGGTTAGC TTTAAGCACC CTAGAGGACT AGGGTAATCT GACTTCTCAC 240
TTCCTAAGTT CCCTTCTATA TCCTCAAGGT AGAAATGTCT ATGTTTTCTA CTCCAATTCA 300
TAAATCTATT CATAAGTCTT TTGGTACAAG TTTACCATGN TAAAAAGGAA ATGTGATTTT 360
GGTCTTCCCC NTCTTTTGCA CTTTTTGGAA ATANAGGGTN 400

配列番号：3125
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3693
配列：
GATCCTNAAT TTNAAAATTT NACACCATCA TAAATNAACA AAGGTAGGAA GGAGTTTGGC 60
TTCAATAGCT TACAGTAAAA GGAGTAAAGG AGTTCAGCCT CAAAACGATA TTGTTGACCT 120
GTNATGTTAT GAAAAATAAT CCAGTGTTTA TACTTAACGG ATGCCATCCC TTATNATTTA 180
CTATTTTCTT AGTCTAACTA AACAATCTTT ATTAAAATAA GCAATGATAT TTGACATGGG 240
CCTAAGAAAT ATATAGTTAG CTAACAATAT TGTCAGTTAG AGGGATTTCT TTTCTAAATT 300
AAGTACAGAT TTCTTCACCA AACTCCAGGN TAACAGAAAN GGGGCCATAA AATTTGGNCC 360
ATAGTTTCTG GGTTAAATAA NTGGTAATTT TAAANTN 397

配列番号：3126
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3694
配列：
GATCAAGTAA CATGTTGCAT GTGGCTTACT CTGGATATAT CTAAGCCCNT CTGCACATCT 60
AAACTTAGAT GGAGTTGGTC AAATNAGGGA ACATCTGGNT TATGCCTTTT TNAAAGTAGT 120
TTTNTTTAGG AACTGTCAGC ATGTNGTNGT TGAAGTGTGG AGTTGTAACT NTGCGTGGAC 180
TATGGACAGT CAACAATATG TACTTAAAAG TTGCACTATT GCAAAACGGG TGTATTATCC 240
AGGTACTCGT ACACTATTTT TTNGTACTGC TGGTCCTGTA CCAGAAACAT TTNCTTTNAT 300
NGTNACTNGC TTTTNAAACT TTGTTTAGCC ACTTAAAATC TGCTTATGGC ACAATTNGCC 360
TCAAANTCCC ATTCCCANGT NGGTAATATT GN 392

配列番号：3127
配列の長さ：391

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03695
配列：
GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCCTG GCACTGAAGA GTCTGAACAC TGGCCTGTNA 60
TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA CCACATCAGC CTCTGATTGG 120
CCATGGGCCA GACCTGCACT CTGGCCAATN ATTGGTTCAT TCCAGGACAT TCATTTGCAT 180
AAGGNGTCAA ACCACAGCAG TCTTGGATTG GCTGTGAGCC AATTCACCTC AGTNTCTAAT 240
TGGCTGTGAG TCAGTCTTTC ATTTACATAG GGTGTAACCA TCAGGAANCC TCTACAGGGT 300
ACTTAAGCCC CAGGATGATT TTGGCTTACC CGGGNGTTTC TTGNGGCCNC TTTGGTNTTG 360
GCCNAGTTNC NCACCTTTGT GGGAATTGGT N 391

配列番号：3128
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03696
配列：
GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC GATTCTCCTN CCTCAGCCTC 60
CTGAGTATCT GGGATTACAG GCGTGCACCA CCATGCCTGG CTAAGTTTTG TGTTTTTTTT 120
AGTAGAGATG GGTTTTCACC ATATTGGTCA GGCTGGTCTC GAACTCCTGA CCTTGTGATA 180
CACCTGGCCT CAGCCTCCCA AAGGGNNGGT GCCACCGCGC CTGGCCCATT TNTTCTTTTT 240
TTGACCCATA CTTAATGTTG CAGAAACTAT TCTTGTCATA ACATTATCTC TCATGTACAG 300
TAATTATATG TAAATTAATT GAAGCAAATN TGGGAAACTT TACAATAGAA ATAAAGNTAG 360
GCAGCCAGCG TNTGTTTCCA NTTNTNAAA 389

配列番号：3129
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03697
配列：
GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC ATTTCTCCTG TCTCGGCCTC 60
CCGAGTAGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCAGC CAGAAGTACT ATNATTTCTT 120
ATAACTACAT ATGAATCTAA AATTATCACA AAAGGAAACT TCTTTTAAGA AAAAGAAAAG 180
AATCAGAACA TAAATATACA GCATGGCAAA ACTACATCTA AAACAAGTAT TATAGGTCTC 240
ATGGTGGAAA ANTTGGACCC ACAAGAAAAG TTGTTAATTA TCTCTGATAT TCTGAACCAT 300
TGNTATCTGC AAAATGATTA CTAGGTATGT GCAATGANGG CTATTGATGT TACCCTGTAT 360
ATCTGCACAC TGTGTTCCAN 380

配列番号：3130
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03698

配列：
GATCTGCTAG TGCTGTAATA TTGTAAATAC TGGACTCAGG AACTTTTGTT AGGAAAAAAT 60
TGAAAGAACT TAAGTCTCGA ATGTAATTGG AATCTTCACC TCAGAGTGGA GTNNNNNCTG 120
CTATAGCCTA AGCGGCTGTT TACTGCTTTT CATTAGCAGT TGCTCACATG TCTTTGGGTG 180
GGGGNGNGAN GANGAATTGG CCATCTTAAA AAGCGGGTAA AAAACCTGGG TTAGGGTGTG 240
TGTTCACCTT CAAAATGTTC TATTTAACAA CTGGGTCATG TGCATCTGGT GTAGGAAGTT 300
TTTTCTACCA TAAGTGACAC CAATAAATGT TTGTTATTTA CACTAGTCTA AA 352

配列番号：3131
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03699
配列：
GATCGTGGGT TGCCGAGAGG ACCTGAGCGC TGCGGCTCTG CTGAATGGAN CCGGGTCCCT 60
CAGGCCGTGG ACGCCCTCGG AAGGGGGGTG ACTGTGGCTT GTNTCTGGAC AGGAATGTGT 120
CATTTCCCAC ATCTTCTAGA GGGCTGCCAG CTGGGAAGAC AGTTATNAGG GCAAGCTGTG 180
CTCTGAGTTT CGGGTTCTGC TCCTACAAAG AACGTGCGGT GCTGCGGGCN AGGGCCCCGG 240
CACGGACAAG GGCCACTGCA GAGTGTGTTT CTNCTCGTNA GCTGCCCTGG GCANGGAATG 300
GGCTGGNTNA TGCAGTTGGA TGCACATCTN ATTCTGTCAT GAATGTCCAG TAAAAAATCT 360
GAAATTGGTT GCAAA 375

配列番号：3132
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03701
配列：
GATCCAACCC AAGGGCAAGG GCATCCTGGG AAATACCATC AAGTGGAACT TCACCAAGTN 60
CCTCATNGAC AAGAACGGCT GCGTGGTGAA GCGCTACGGA CCCATGGAGG AGCCCCTGGT 120
GATAGAGAAG NACCTGCCCC ACTATTTCTA GCTCCACAAG TGTGTGGNCC CGCCCGAGCC 180
CCTGCCCACG CCCTTGGAGC CTTCCACCGG CACTCATNAC GGCCTGCCTG CAAACCTGCT 240
GGTGGGGCAG ACCCGAAAAT CCAGCGTGCA CCCCGCCGGA GGAAGGTCCC ATGGCCTGCT 300
GGGNTTGGCT CGGCGCNCCC ACCCCTGGCT ACCTTGTGGG AATAAACAGA CAAATTAGCC 360
TGCTGGAAA 369

配列番号：3133
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03702
配列：
GATCTTGGGA AAATTGCGGA GTGTACATTT ACAAAGATGC GTTCAAATAG TGCTCTAAGA 60
GTTTTGTTCA GTGGCTCACT TCGGCTAAAA TGCAGAAATG NATGCTGTCA GCGTTGGTAT 120
TTCACATTCA ATGGAGCTGA ATGTTCAGGA CCTCTTCCCA TTGAAGCTAT AATTTATTTG 180

GACCAAGGAA GCCCTGAAAT GAATTCAACA ATTAATATTC ATCGCACTTC TTCTGTGGAA 240
GGACTTTGTG AAGGAATTGG TGCTGGATTA GTGGATGTTG CTATCTGGGT TGGTACTTGT 300
TCAGATTACC CAAAAGGAGA TGCTTCTACT GGATGGAATT CAGTTTCTCG CATCATTATT 360
TGAAGAN 367

配列番号：3134
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03703
配列：
GATCAAGAAA TGCATTGACA TTCTAATTGA GAAAGAATAT TTGGAGCGAG TGGATGGTGA 60
AAAGGACACC TACAGTTACT TGGCTTAACC CTTCTGGAAG GGTCTGACTG TGTGACCCGC 120
AGCAAATAGT TCATGTTGGA AAGAATGAAA ACAACTCAAG TTCATAGCAG CCAGCCTGCC 180
GCCATTGGAC CTCCCTTTTA AAAACTGAGA CCAAGACTCC CATCAGCTGG TCTCGGGTTT 240
ACATCGGAAC TGCTCAGGAT TGATACATTT NAAGTCTGTA AATACGGACA CCAACGCCAT 300
TTACCCTAAT TTNANGAACA GCGGGGNCTG TCCNTCCGGT GCCGAGGGGC TTGCATTGCT 360
TACCGN 366

配列番号：3135
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03704
配列：
GATCCCTGAT TAAGCTGATG ACTAGACCTA CAATTAATTT TCCTGCAGTA TATGAAGTAT 60
TGTACCAGAG TATTAAAAGA TATGTAATAT TTNATTGATA AATCTATCCT TTAAAAGGAA 120
TACGTTTTAG GATGTCATCA TTTTGATGTG AATCATGTAA ATGTTGATAA TATGCTGTTT 180
ATTATACATT TAGTGTTTCA AGAGATTCAC TTAATTGCCT TTTTGCCCAC GTATATTATG 240
TAGTCTATTT GCAACTGTTC TTAAAAAAAT GNCATTAAAG GACTAGTTTA TGTNGGGAAC 300
CATTAGTGGN TGTTATTNGN CTCCCCCCCT NTNTTTTTGG GGTGTTAGCG CACCTGCTTT 360
GCTN 364

配列番号：3136
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03705
配列：
GATCCTGACC AGCAAGCCCC CCCCCAGCCC CCCTTCCAAG TGACTCCGTG NCTTGAGTGT 60
GTCTGCGTGT TTACACCCGT CCCTCTGCTG GCCGCCCCCG TGCGAGCGGC ACCCCTGCCC 120
TGCCCTCCAC AGAATTGGGT TCCAAGGGCT GTTCCAGACA ACTGCCAACG TCACTGAGGG 180
CCCTGCCCCA GCGGNCCTGG CCCCAGGCTC TATTAACCTA AAATGTAGCT CCCTAGCGNT 240
AACCTAGGAA CCGGCGTTGN CTGCTTGGGG GGTCACGCCC TCATGNCCTT GTTCCCAGGG 300
CCGGGGGCCT TNAAGCGGTT NGAACAATTC NTTGGCTTTT TTTCANANTG TTTAATNGGA 360

配列番号：3137
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03707
配列：
GATCTGGTGG TCAGCCCTAG GATAAAAAGC CAGGGCTGGA GAACAAGAAA GGGCCAGGAG 60
ATGGAATTCC TTCAGGCCGG CACCCACACC CTAGGACATG TAAGCCCTCA TGTCCAAGGG 120
AGCCTCATGC AGATAGTAGG AAATCAGGTC TGGAAATTTA AAANTAAAAG GCATGAGACT 180
AAGGCTATCT GCTTCCNTTA TGCCCTGACT GGAGAGGGGA GGGTGGAGAG GCANGGCCCA 240
CAGTGGGCAT CCCNGCTNGG TCTTNGGATG NCTGCNGTGN GGTGAATTCC CGGGAACTNG 300
TTTTGGCACA ANGNTNNTTT TTGGCACTTT GTTTTTTTTG GTATTTAAAG GTTTTGCTN 359

配列番号：3138
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03708
配列：
GATCAGGGGA TAGTGAAGTT TACCAACTGG GTGATGTCAG TCAAAAGACA ACATGGCACA 60
GAATATCAGT ATTCCGGCCA GGCCTCAGAG ACGTGGCATA TCAATATGTG AAAAAGGGGT 120
CTCGAATTTA TTTGGAAGGG AAAATAGACT ATGGTGAATA CATGGATAAA AATAATGTGA 180
GGCGACAAGC AACAACAATC ATAGCTGATA ATATTATATT TCTGAGTGAC CAGACGNAAG 240
AGAAGGAGTA GAAAGGATGA TTCTTCTTTG GCCATCATTT GGTACAGTCT CATTTCCAAG 300
TCATGTATAA TCTTTATGGC TTCCAGGGAC ANGGNTTTAA AATACTCTTT TACGTAAA 358

配列番号：3139
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03709
配列：
GATCTCAGTC TCTCTGTCTC TCTTTCTCTC CTTTTCCTTT TGGTGTATCA AATATTTNAT 60
TGACAAAGTA AGGGCCTTGA TTAGGACCAA ATTCTCGTGT GTTGCTATGG TCTTTATTTA 120
GGACAACAAT TAACAATGCA GTGGCCCATT CTTGTCACTC TACACATATG ACTATACGGG 180
ACATATGTAA TATATAAATA TATATATAAA NCATTCCCCT CTGTCCCCTT GGCTTCGGAT 240
GGAGGCCTTT CTGTTGAGCT GAAATGCACC TGCAGCTGGG TGCTGCCAGC AGCTTGCAGG 300
CCCCAGCCCT GTTCCANTCA ATGCAGTTGN CAATAANTGG NATGAGTATC GTCAAA 356

配列番号：3140
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO3710
配列：
GATCTTCAGC ATGTGCGGCC TCATGCTTAA GCTGAAGTGG TGTGCTTGGG TCGCTGTCTA 60
CTGCTCCTTC ATCAGCTTTG CCAACTCTCG GAGCTCGGAG GACACGAAGC AAATAATGAG 120
TAGCTTCATG CTGTCCATCT CTGCCGTGGT GATGTCCTAT CTGCAGAATC CTCAGCCCAT 180
GACGCCCCCA TGGTGATACC AGCCTAGAAG GGTCACATTT TGGACCCTGT CTATCCACTA 240
GGCCTGGGCT TTGGCTGCTA AACCTGCTGC CTTCAGCTGC CATCCTGGAC TTCCCTGAAT 300
NAGGCCGTCT CGGTGCCCCC AGCTGGGATA GAGGGAACCT GGGCCCTTTT NCTN 354

配列番号：3141
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3711
配列：
GATCTTGATG AGGGCCAACT TTCCCTCTTC CACAAGGGAT TAATCTTAGA ACTATAGCCA 60
ATTTATTATA AGTACTATTT AGCTACTCTG TGCTCCACAC ATCACGGAGT AATATCTTCA 120
AACTATGAGG TTTAGTAACA CTTGACTGCT GAGGTTTATT TCCTCAGCTC TGATGCTTCC 180
TGGGTGAAGA TGTAAGTNAT TAAATTAACT CAAATTTTAA AGCTAACACT TCATTCCATC 240
TAGACCAGGT AGCTCGTCAT TTGTACGTCT GATAGGTGCT TCAACATCTC AGAATTGGCT 300
TTATTTTTCA TGCATTGCAT ATTGTACTCN TTTGTAATAT TGGGNATGTA AN 352

配列番号：3142
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3712
配列：
GATCTGACCA CTGTTCTCCA GCAGGCCTCT GCTGCAGCTT TTNCTCTCAG TGTTCTGGCC 60
CTCTCCTCTC TTGAAAGTTC TCTGCTTACT TTGGTTTTCC CTCTGCTTGT AAAACATTGA 120
GTCCCCTCCC TGCCTTGGTT AATTGACTCA CACCAGCTGT GCGATGCCCG CTTTTACAAT 180
TAAAGGAAAA CTGTTTTGTT CAGTGTCACC TTGTCAGCAA CACTGTGTCC CTTCGCCCCA 240
CCGTTCTTCT CTGCTGCATT TGGACATGAG CCAAATTTGA ACCCAATCAA ATATAACGTG 300
TCTGACACTG ATTTTGTNTT TACTCAANTA AANGTATAGA CTACAGAAA 349

配列番号：3143
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3713
配列：
GATCTGTTCC AGCTGCAGGT GAACACCCTA CGACGTTATA AACGACACTA ACAAGTTGCA 60
GACCAGACCA GGCTTCAATA AGGCCCAGTT AGCAGAAACT GTGAGTCGAC ACTTCAGGAA 120
CATACCTGTG AATGAAAAAG AGACCCTTGC CTACTTCATC TACATGGTGA AGAGTAACAA 180
GAGTAGACTG GACCAGAAAT CGGAGGGNGG CAAGCAGCTT NAGTGAGGAT GAAGCACATC 240

TTAAAGGAAT GAAGTGTAAA TGCTTGATGC ACAGGTNGAT ATCTACTACA TTTAAGCCCA 300
TAAAGACTGT TTAAATATTA TTGTAAATAA AAAAGTTTGT ATGATTGN 348

配列番号：3144
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03714
配列：
GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT NGCTGGAATA 60
AAGGGATGGG CAGGCTGGCA TGGGGGCAGC CGCTGCCCCT GCCTNNNTGT TGCTGTGTAT 120
TCCTGCCGGC CAGGGGCCAC TGCCAGGACC ACGCCTCCCT TTTNATATCC CGATTCTTAA 180
GTTCTGCTAT TGTGGTATTC TGGTGGAGAA AAAAGAACCG CGTGGCTGTT TTTNAACTGC 240
CTGGAACCTA AGACCCTGAA TTCTTTTCCC CCCCAAGGGG AAAATCTATA TGGAAANCAT 300
TTATTTTAAA ATACAGGATG AAGTGAATTA AAAGATTTTA AATGCAAA 348

配列番号：3145
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03715
配列：
GATCACACCT GAGCTTATGC TAAAAGGTGG GATGACTCAG AGCTGGGGCT GGTCACCAGA 60
CAGACTGACC ATGTGATTAG AGGTTTGAGG CTTTGAGTCA GCCTGACCTA TGGGGCGGGG 120
GACTGGAGGC TGAGTTTAAT CATCTGGCCA GTGCTTTAAT CAGTACATCA TGAAACCCTA 180
ATAAAAACTC TGGACACTAA AGCTCAGCAT AGCTTCCTGG GTGGTGAAGC TGTGGCTATG 240
CCGGCAGGGC AGTGTGCCCT AATTCCACGA AGAGGGGGCA TGGGAGCACT GTGCTCAAGA 300
CCCTTCCAGA CCTTTCCCTG TGTCTTCCTT GGCTTGTGGA GCTGATTTGT ATCCTTTATA 360
ATAAACCTAA TCATAAGGN 379

配列番号：3146
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03716
配列：
GATCTGACCT GTGACAAGTC TGTACTATCC ACTATGTAAA TGGCTCACAA GTCAATTGCA 60
AACAAACTGA ATGTACAAAT CTTAGTGCTG GTGCTGAAAT CTCTTCAGAA TAGTNATCAT 120
GATTTAAAAG TTTGTTTTAA AATTTGCAAG CATCAAGTGT CAATCAAAAC TGAAGATGAA 180
ACACTAATGA ATGTTGAATT CTCATGCTTT TAGGTGTACT TCCTTTTTAG AATTTTCAGT 240
TTTCTGCTAT TTTTACCGTA ACTATTTCGT TTAAANTTGG TTTCATTTAN GTTTCCTACA 300
TGCTAACTTC GTTTGTGCGN TTGANTAAAN TTGCCGGTAT ATATNTGGTG GCCTTGTTTG 360
TGACACTTTG N 371

配列番号：3147

配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3717
配列：
GATCACAGGC AAACCCATCA AGCTGACTCA GGTGGAACAC GAAGCTGGCA NNTAAGTGGA 60
ACATGGATGG GGCGGGAACC ACCCCCAGCC CAGGGCTGCA GCCTNNCCCA CCTNACCTTC 120
CCGCTGGACT ATNACCTTAA CCAGCCTTTN ATCTTCGTAC TGAGGGACAC AGACACAGGG 180
GCCCTTCTTT TCATTGGCAA GATTCTGGAC CCCAGGGGCC CCTAATATCC CAGTTTAATA 240
TTCCAATACC CTAGAAGAAA ACCCGAGGGA CAGCAGATTC CACAGGACAC GAAGGCTTGC 300
CCCTGTAAGG TTTCAATGCA TACANTAAAA GAGCTTTATC CCTAAA 346

配列番号：3148
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3718
配列：
GATCTNCTGC CGAGTGAATG GGGAAGTGNT CCAGAGCGGC AACACCAAAT AGATGGTATT 60
CAAGACAGAG GACCTGATAG CCTGGGTCTC CCAGTTTNTN ACCTTTNACC CAGGGGATGT 120
NATCCTAACT GGGACCCCCC CAGGTGTCGG TGTATTCAGG AAACCTCCTG TTTTTNTCAA 180
GAAGGGGGAT GAAGTCCAGT GTGAGATTGA NGAACTAGGT GTNATCATCA ACAAGGTGGT 240
GTGATGGCTC CTGCACAGGC CCTGCACATA GGTTGAGGGC ATCTGCTCCC ACTNAGCCTA 300
GCCCAGGGAA AGGCCCANTG ACAGGNTGTG GACAGGTTGC CAGN 344

配列番号：3149
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3719
配列：
GATCTTTGAA GTCTATTTAA ATATTCATTC CATTACATCT AGACTCACCN AGAACTACAT 60
GTTATGATGT TAAGTTGAAG TTGAAACATG ATGTTTTGCA TTAAATTTAA GATATGCAAA 120
TTTATGTAGA GAAAATAAAT GTTATATACC CTATAATCTT TCACCTAATT AGTATTTAAT 180
TATATGGATT TGNNTTATAT TATAAAAGAT GTTTTGATTT TGTCTNTNGA TATTGNCAAA 240
ATTGTTTGGA TATNCTTATG TTCTCAAGTC TGTATCTGCC TCCCCTGCCT TATNTCTNAT 300
GTTTTGCCAC AGTTAACCCA TTGTGCTTCT TTGTAATCAA N 341

配列番号：3150
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3720
配列：
GATCTNATCA GTCCTAAGCG GGTCATGGGG CAACACGGTT AGCGGGGAGA GCACGGGGTA 60

GCCGGAGAAG GGCCTCTGGA GCAGGTCTGG AGGGGCCATG GGGCAGTCCT GGGTGTGGGG 120
ACACAGTCGG GTTGACCCAG GGCTGTCTCC CTCCANAGCC TCCCTCCGGA CAATAAGTCC 180
CCCCTCTTGT NTCCCACCCT NAGATTGGGC ATGGGGTGCG GTGTGGGGGG CATGTNCTGC 240
CTGTTGTNAT GGGTTTTTTT TGCGGGGGGG NTTGCTTTTT TNTGGGGTCT TTGAGCTCCA 300
AAAAATAAAC ACTTCCTTTN AGGGAGAGCA CACCTTAAA 339

配列番号：3151
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03721
配列：
GATCCTCTCC CTGGGATAAG CACTCCCAGC CCCGTTTATC AGAAACACAG GCAAGGAAAT 60
TGGAACTGCC ACCCAGCCCA GCATGATGGC TCAATTGGTT GGTTNCGTTG TNAGTTGTCT 120
CTTNGTTTTG TTAAGNNTTT TAATAAAGTA CGTTTTGCAT AATTGCCTTT AAATGGTTTG 180
TAATATTTGT AACGGTTTTA GCAGCCTATA ACTTTTCAGC TGGTGCTTTT ACTTAGGGNA 240
AAAAACAATT TGTAAATACA GNACATTTGT TAAAAGGCAT AACCNTAGAA CATAGCTTCC 300
TGTTTTGTGG ATTTGGTTTC CTNTATATTC AAAGTAN 337

配列番号：3152
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03722
配列：
GATCAGAGGC AGACAATGAC GAGTGAAGAT GGTTGTAAAG CCCTCTTCAT TCCTGGAGGA 60
GCCTGCATCT AATCTNTNAG GCCCTCTTTC TCTGTGGGTC TCATGAACAG CAGTGGGGAC 120
CATTGAGNAC TTGAATGGCC TGTTTGTNTA TGGGCTTGCA AAGGACAAGC AGAGTTCACA 180
GAGCTCAGGA TAGAAACATC AGAGCCTCCT CCACGGGCTT CAGTGNAACT CCGATGAACT 240
GTACCTGAGG GAATTTTTTT NTTAATCAAC CCCTTGTGTG GATGAATACA GGACCACAAA 300
ANTTNGTNTA CGTTTGAAAA AAAANAANNT NTNNNN 336

配列番号：3153
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03723
配列：
GATCTGCATT CCGACTGCCT ATNAACGGGT GTGGGGGCCG GGGGCTGGAN TTGCTGAAGT 60
NTTCAACTTG CACTCGGAGC TCCTTTNATA CCTCAAAGCT GGCTGTNAGG TGGCAGCTCA 120
CACCCAGACT CACTGGCCAC ACCTCAGCAG GGGGGGAGTC GAGTGTCAGT NTCTTTCTGT 180
GAAGGCTTTT TTTTTCCTTT GGCCTGGGAA TTTTTCCCAT TTTAATGAAG GGGTTTTAAA 240
TTGTTTCATT TTGTGTGCTG TGCTTCAAAG CCTTAACTGT CAAATCTTGC ATTATCTNGT 300
TTGTACAGAA ATATACTGGC CTAGCAGNGG CAAA 334

配列番号：3154
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3724
配列：
GATCAAAATT TGTGTACTTG CAGGGCTTTC TTTCTTTTTN TTCAAATTTA CAAGGGTTCA 60
TTTTGGAAAC TACATTTTAA ACTTTGGAAT CAAATTGTTT CTTATTTGGG AGGATAATGT 120
ATATACATTG GTATTATGTT AAATAATAAA ATTGTNCTAA TTTGGTGCCA TTTCCTGAAT 180
CACAACTGTA TTTTTGNATC TCANGCTATT TTCATATGTN ATGTGTCAAT GTATCATCTC 240
TCAGAAAGGT TTTACANTCC AAACATTATA TGTNCTCTGT GTAACTGAAT TTNACTTATC 300
TNTTNTAAAC CAGNAACATT AATTGAGAAA 330

配列番号：3155
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3725
配列：
GATCTTCGCA AGCCAGCTTC TTCTGCATCT NAGGGGCTGC TGGCGCCCAN AGGAGGCAGA 60
CAGATGTCTN NTAGCTGAGT TTCTAACCGC ATGATGAGAC TCAGACCTTC CGCTGCACTA 120
GAAAATCTGC AACAGTGTCC CTGAGTCACT TCTCCTTAGT GGGCAGACTC GTGTTAGATT 180
TGTGGAACCC AGCTCTCTGA TTTACTCCTT TTGGAAAACC CATGGAATTT CATGTATAAG 240
GCTTTCATTT GTATTTNAAG GTTTTTCTGT TTGTTTTGAG TATATACATG GTGCTCAATA 300
GCAACATCTT AGCAGATGAA GCAGTTTATN 330

配列番号：3156
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3726
配列：
GATCTACTGC AAATCCTGCT ACGGAAAGAA GTATGGGCCA AAAGGCTACG GTTATNGCCA 60
GGGCGCTGNC ACGCTTAACA TGGACCGTGG CGAGAGGCTG GGCATCAAAC CAGAGAGTGT 120
TCAGCCTNNA CAGGCCTACA ACAAATCCAA ACACTTCTAA ATTTNCTCAG AAATATGGAG 180
GTGCNGNGAA GTGTTCCAGG NGTGGGGATT CTGTATATNC TGCCGAGANG ATAATTGGAG 240
CTGGAAAGCC CTGGCACAAA ANCTGTTTCC GATGTGCAAA GTGTGGGAAG AGTCTTGANT 300
CAACANCTCT GACTGNAAAN AGAAGGTGN 329

配列番号：3157
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3727
配列：

GATCGGGCGC ACGGNCCGCT TTGGCAAGAG GGGCCTGGCA GTGAACATNN TGGACAGCAA 60
GCACAGCATG ANCATCCTGA ACAGAATCCA GGAGCATTTT AATAAGAAGA TAGAAAGATT 120
GGACACAGAT GATTTGGACG AGATTGAGAA ANTAGCCAAC TGAGAAGCTC CACCAGCCAC 180
TGATGCCAGC CCTGGCACTG CCCCTGCACA GGAGACAAGT GCGTTCAGGG CACAGGCCCC 240
GACATCACCC CAAGGNCAAC GGCACAAGTA GAGAGANACT ACCTACCTCA NTTCANATTA 300
TGTTTGGCCT TGACAAAATT GTATGCAAN 329

配列番号：3158
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03728
配列：
GATCAAATTT ACTNGAACAA TTGTTAATTT ATCCATTGTG CTTAGCTTTG TGACACAGCC 60
AAAAGTTACC TATTTAATCT TTTCAATAAA AATTGTTNTT TGAAATCCAG AAATNATTTA 120
AAAAGAGGTC AGGTTTTTAA CTATTTATTG AAGTATGTGG ATGTACAGTA TTTCAATAGA 180
TATGAATATG AATAAATGGT ATGCCTTAAG ATTCTTTGAA TATGTATTTA CTTTAAAGAC 240
TGGAAAAAGC TCTTCCTGTC TTTTAGTAAA NCATCCATAT TTCATAACCT TATGTAAAAT 300
ATGTNGTNCC TGTTTCCAAT AGGTGAN 327

配列番号：3159
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03729
配列：
GATCTGAATT TGGACCATTT CACTAAAGAG AACATGAGTT TGCTCAGCCC TTTCCTCACA 60
AGAGGGAGGG CCCCGGTTCC CCAGACTTCT CCACGCGCTG GCTCCATAAA GGCCAGCTTT 120
GGCCAGGCTG CCACAGGGGC CTNAGGAGCT CACTCTGGGC CTACCTGGTT TCAGTTAGAG 180
GGTCCTCCTG TTATTTTTCC ATTTAAAAAG TATGTCCTCA GAAAACTGTA NTGGAAGGAT 240
GGGTGGCAGG AACTTGTATA GTTCAGCTTC CAACACTTTG GAACAGATTA AAAAGGGAAT 300
CTTTTAAATA AAAACGTATA NAAA 324

配列番号：3160
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03730
配列：
GATCTTGGTT TTAATTAACT TATTACTCTA TTAATATAAC CTTGGAATTC TATTCTAATN 60
ATGTTGTTCT GGCTGCTTGT AGTATCAGTT CGCCCCTCTT GTTAGGGAGA TATGTAACAA 120
TCTGTCATTT AATTGAGCAG TCTTTTTCAC ATAACAGTAA TAGCAAAAAT CCTACCTACT 180
CAGAATCATC TNCTTAGGTT GTCTCCTAAA TCTGAACAAT ACAGTTGTTT TATAAANTNN 240
CATTTNGTCT CTTGAGATTN AATCAATTAG AACTCTTTAG GGAGAAAATA AATANTAGAN 300
GAAANTATAT GCCTCANATT GN 322

配列番号：3161
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3731
配列：
GATCTGACTT TTTTCCTTCT CAAAAGAATC ATACTTGGGA TTACAGGTAC ATTTNATGTT 60
ATATNATGGA TAAGTGAAAA NTTTTTAAAG GAGATTTTAT ACCTTTTCAC ATTAAAAAAG 120
GTATTTATAT TATNACTTTG TAGTGATTGT CTTAAGAAAA AATATAGCCC AAATGTATAG 180
TAAAATCAGC AGCTCAAGAA GAATTTCTGC TTCTNTTTGT AGTTGATGCT TTGTTTTTNC 240
CTGCAGTCAG AAATTCCTTG TATTTGTCAA ATGTATAATC AGCTTGTATT GTTTTTAAAT 300
TAAAANAAAA TTTGANTAAA 320

配列番号：3162
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3732
配列：
GATCTGAAAA NAAACCTTAA TACGCTCATA TGGTTGGAGT GTTAAGTGAA CCTNTGATTT 60
TTTNAGGGTT TTTNTACGTG TAGGCGTGAA TAGGGGGCAC CCCTTCAAAA CTGTACAAAG 120
AAGACGACTG TTTTCCATTT CCATTTAAAC ATTTTTAGCC ACTTCATTTC TATTTATTGA 180
ACAGGTCAAA TTTGTNTTGT TATTTGTGAG TACAGTACAT TTAAAAAACA TCCTTATCGG 240
TTATTTTTTT TTCAGTCGGA GTTTGACGTA TAAATNGTTT ATGCTTTTGG TGTAATCTCT 300
TAATAAACTG GTTCTTCAAA 320

配列番号：3163
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3733
配列：
GATCAGCTAG CTTGATTCTT GTGTACTTTT TTNAAACTGT GGGTTTTCCT AGTAAATTTA 60
ATTTACAGAA ATNAATGGTA GCATTTAGTA ATCTACAAAG GAAATATCAA AGTNTTTTNN 120
AAGCCTGTNA TATTCAGTGT GTGCCACAGG ATTGAAATAA ATGACAATGT AATTATGAAA 180

配列番号：3164
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3734
配列：
GATCAGAATT CCGATTTGAC GGGCAACCAA TCAATGAAAC AGACACACCT GCACAGTTGG 60
AAATGGAGGA TGAAGATACA ATTGATGTGT TCCAACAGCA GACGGGAGGT GTCTACTGAA 120

AAGGGAACCT GCTTCTTTAC TCCAGAACTC TGTTCTTTAA AGACCAAGAT TACATTCTCA 180
ATTAGAAAAC TGCAATTTGG TTCCACCACA TCCTGACTAC TACCGTATAG TTTTCTCTAT 240
TCTTTCATTT CCCCCTTCCC CATTCCTTTA TTGTACATAA AGTAACTGGT ATATGTGCAC 300
AAA 303

配列番号：3165
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3736
配列：
GATCTAGAGC CAGGCTGGTC AAGACAAGAA TTGGCTGGAA TAGGCTGCTC TTCCCCCATT 60
CCATCATGTG CTGTCCCCAC CCCTTTGGCC ACCTGGGCTG ACTGTGTCTT AATACCTCAA 120
GTGCAAGTAT ATAGGAGTAA GAAATNAACA ATGCCTGCCT CCTTATACTC ATGCCTACAT 180
TGTATGACAT CTAGTATGAA AGGGAAACAT TAAAGGAAAA CCCTTGTTTT GCTCTAAAAC 240
CTGAGGACGG TAAACACTGA GAGTAACCTG GTGCTTGGTT TGAAGTAAAA CACAAATACT 300
TCCCTTTTAA A 311

配列番号：3166
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3737
配列：
GATCAAGGGC AATGCCAATG AACATCGGCA TGGATTATAA TTATGCCCTC CTGGAACTCA 60
AAAAGCCCCA CAAGAGAAAA TTTATGAAGA TTGGGGTGAG CCCTCCTGCT AAGCAGCTGC 120
CAGGGGGCAG AATTCACTTC TCTGGTTATN ACAATNNCCN NCCAGGCAAT TTGGTGTATC 180
GCTTCTGTGA CGTCAAAGAC GAGACCTATG ACTTGCTCTA CCAGCAATGC GATGCCCAGC 240
CAGGGGCCAG CGGGTCTGGG GTCTATGTGA GGATGTGGAA GAGACAGCAG CAGAAGTGGG 300
AGCGAAAAN 309

配列番号：3167
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3738
配列：
GATCTTGATA TGTTTTAACA TTATCATGGC AGGGAAATAT ATAAAGAAGA AAAATATTTT 60
NACATTAAAC CTTTTCTAAA ANTTGTAAAT AGAAAAATAA TTTGGTTTTT NATCAAGANC 120
AACACTTATC GTTATGTATT GTGTTAGTTA TATTGCCAGT CTGTTGCGAC TGACTCAAAA 180
AGTTAAATGT TGCCACTGCT GANGATGATT ATGNGCATCG CANACTTTGT TTCTGNCCCA 240
TTTTGGCAGT TTTNATATAC TCCNTTAAGA TGTTGAATGT TACAGGTTAN TAAAGTTAAT 300
ACCTTTAAA 309

配列番号：3168

配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03739
配列：
GATCCTTTAC AGAAAAAGTT TTCTGACCTC AATTCTAAAG TAATTGTAGT AGGGAGCTGG 60
AGGACTTTCT TTCCCTTTAT GGTAATTTTT TGAGCTACAA AAGAGCCTTG CAGAAATGGG 120
TGAAGGGATT AANCTTTTAA AAATAAATGC TATATATTAG GAAAATAAAA AATATTTTAG 180
AGCCAAGTTA ACAAGTACTT CAGCAAAACA TGCTAGTTTT ATGCAGGGGA TTCTGTATTC 240
CAAATGGATA CANTCCGACA TATATAAAAG AATCAGATTC TTAACTATTG ACTCTTATTT 300
NGCAAN 306

配列番号：3169
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03740
配列：
GATCATACCC AGAATTCAAT GTTTGATATT TTAAGAATGT ATGTTCTAGT GTTTTTNAGA 60
GTGAGTCTAC CATCTGTATA AAAACACCTT GGGGGCAGGC AGGGGCATTT AAAAATGTAG 120
GACCTATCGT CCAGACTCAC AGAGTGGGGC TCCAGAATCT CCATTTTTAA CAAACTCTCT 180
TAAGTAATTC TGATGTGTAC CAAAATCAGT GCCATTGGTG TGTGTGTACG TAACTATATA 240
CATATGTGTG TGTGTGTATA TATATAATGT GTCATAACCG TAAACAATAA ACAATATCAA 300
GNTAAA 306

配列番号：3170
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03741
配列：
GATCTGTCAT GTTTAAACCC CCTACTTCTA AGGGAACTTC TCTAATCTCT TATCCTCATC 60
CCCAAATAGT GTTTTCTTCC TCTGGGTTCT TATAATNTTG GTATCAATCT CACAGCATTT 120
AGTGCTTCCT GCCTGGTGTG ACAGTTACCT GTGTGCATGT GCAATTTCTA ATTTCCCACG 180
CTAGACTGTG AGCTTCCTAA GGCAAGAATC ATGCCTTGTT GGTTTCTGTA TTCCTCATGG 240
TGCCAAACAC AGTGCCTTCT ACATTGCAGG CGCTGAATAA ACATTTTTAA AGCAAAAAAA 300
TTNAAA 306

配列番号：3171
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03742
配列：
GATCTCCAGT GGTCAAAAGA CATTTACCCT TAATATCAGA CAACATTTAT ATTTTAGTGA 60

AGAAACAAGT TCTCGGGTGG GGAATCTATG TTTCACTCAG ATTTATATGT TTGGAGGAAA 120
AAAGCCTTTT TTTGTAAAAT ATTTAAATTT ATATANGAAA ATGTTAGAAA AAAATATGGG 180
GGAGTGTATT ATAAANCCTG CTTTATTTGC CATGGGGCCN GGGGGAGGCC NGGCCTAATA 240
CTCCTAAAGT ANGTGTTNGG GNCCNTNTTT TCTTCCAATC CACCTGGTGC TGTTCCNTGT 300
AANGN 305

配列番号：3172
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03743
配列：
GATCTCCGGG AGGGACAGAT GGCCAATNTC TCCCCTTCCA AAGCAGGCCC TGCTCCCCGG 60
GCAGCCTCCC GCCGAGGGGC CCAGCCCCCA ACCCACAGGC AGGGAGGGGC ATCCCTCCCT 120
GCGGACCTCA GGGAGCGAAC GTGGATGAAA ACCACAGGGA TTCCGGACGC CAGACCCCAT 180
TTNATACTTC ACTTTTCTCT ACAGTGTTGT TTTGTTGTTG TTGGTTTTNA TTTTTNATAC 240
TTTGGCCATA CCACAGAGCT AGATTGCCCA GGTCTGGGCT GAATAAAACA AGGNTTTTCT 300
AAA 303

配列番号：3173
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03744
配列：
GATCACTTTT GAGCTCTGAA GCTTTGAATC ATTCAGTGGT GGAGATGGCC TTCTGGTAAC 60
TGAATATTAC CTTCTGTAGG AAAAGGTGGA AAATAAGCAT CTAGAAGGTT GTTGTGAATG 120
ACTCTGTGCT GGCAAAAATG CTTGAAACCT CTATATTTCT TTCGTTCATA AGAGGTAAAG 180
GTCAAATTTT TCAACAAAAG TCTTTTAATA ACAAAAGCAT GCAGTTCTCT GTGAAATCTC 240
AAATATTGTT GTAATAGTCT GTTTCAATCT TAAAANGAAT CAGTAAAAGC AAACAAGGGG 300
TTTAAA 306

配列番号：3174
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03745
配列：
GATCAGCAAA CACGATAGAG GAGACCAGTC AGTACTTCTT GGAGGGGGCN GGAGGAGAGA 60
GGAAAAGGGA GGGCGAGAAT NACCACACAA CACAGCCNTT NGACCATGAG CAGAAGCGTC 120
CGTGGGAACT CCACTGGGGT NGATGGGCTG CCTGCACAGC CCCTGGAGAG GGGGCCAGGC 180
ACACCCTCAG AGGAGCTGCA ACCCGTGGCC TGGCCTGCTA CATGCCCTGC TTCCACGTGG 240
NTGCCACGGT GACACANCCA CATTNACCAA TCCCNNCCGG GTCCTGGGGA CGNAGNCACG 300
N 301

配列番号：3175
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3746
配列：
GATCAAAGTT GTCATGAATA CTGACTTGGG CGTGGGACCC ATCCGAGATG TGCTGCACCA 60
CATCTACAGT GCGCTGTATG TGGAGCTGGT GGTGAAGAAT CCCCTGTGCC CGCTGGGCCA 120
AACTGTGCAA AGTGAGCTCT TTCGCTCCCG ACTGGACTCC TATGTTCGCT TTCTGCCCNN 180
NTTCTCCGCC CGGGCTGGCT GAAGCAACCT ACCTCAAGTN TCAGGAGAAT TCATGTCTNC 240
CTGGGGCCCT TCCGAACCTT GTGCCAACTA AGGGCCCCCA NTGTAAGCCC CCGTACCTN 299

配列番号：3176
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3747
配列：
GATCTGAATT ACTACAGAAA AATAATTATG TTGCTTGCTT AATNATTCCC AGGAAACTTC 60
GTTGTAGGCA TATATTTTAT AAGAGTATTA TACAGTGTTA ACTATGCAAG TAAGTTCTAA 120
AATNACACAA TNATCTGTGT AATGTTTTAG TCCAATNACT GTGATTTATT CAACTCTGTT 180
CTAAAGTTAT CTGGAATTGT CATGCTGCCT CAATTTACAG AAATCTATAA TAGATTTCTA 240
TAGAAATGTA TAAAGACGTA GCAGTCATTT TGTTGTTTCT AAATAGATAA CATATAAA 298

配列番号：3177
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3748
配列：
GATCAGAGTA TGGGTTCTCC ATGTAGCAAT ACTTCAGTGA GATTAAGTAT AAACAGTTTT 60
TGGCAAAAAA CAACACAGTC TACTCTTTCT GCTTACAAAG ACAAAGCCTT ACAAACTCAC 120
TATGAAGGTA AAGGGAGGAC AGCTTGCTTC TTTGCCCAGA CATTTACAAA GTTGTTTTTA 180
AANCACACTC ATAAGTAAGT TTGGCAAGTT GTTTAAAAAA TGTCTCTTTG TTTTGTACAG 240
TTCTGTTAGA TGTTGTNATA TTTTAANAGT TTAATTTANA ANNTTTNATT TNGTCCN 297

配列番号：3178
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3749
配列：
GATCTNATTA CCTTCACGGA AGGAAGCGGA CGCTCACCAC GCTATGCCCT CTGGTTCTNT 60
GTGGGGGAGT CATGGCCCCA NNACCAGCCG TGGACCAAGA GGCTCGTNAT GGTCAAGGTT 120
GTGCCCACGT GCCTCAGGGC CTTGGTAGAA ATNGCCCGGG TAGGGGGTGC CTCCTCCCTN 180

GAGAATACTG TNGACCTGCA CATTTCCAAC AGNCACCCAC TCTCNCTTNA CCTCCGACCA 240
GTACAAGNCC TACCTGCAGG ACTTGGTGGA GGGNATGGAT TTCCAGGGNC CTGGGTN 297

配列番号：3179
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03750
配列：
GATCATCACA TTTCGTGAAT TGAGGCCATG TTCAGGTGCT AAGGAAGTAT GCCTTTNACA 60
CAGAAGATTG AGAAAATTTC CTAGATATAA ATACAGATAA ATCAGACGTT ACAGTGGTGA 120
CGTAGTAACC ATCATGGCAA TGGAAAGNAG TCCAATTCAT AGCCTAAAAC TTCAAATGTA 180
TTCTTAGGAG TCAGATTTTA CTGAATATTT TACCCACAAT AGCTGCCTAT TTTGTTATAA 240
TAAAATATAT ATAANTNTAT NTCTNNNCCT TCCTTTAANC TGTAAAANNA NNNAN 295

配列番号：3180
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03751
配列：
GATCCCAGCA CTACTTTTTA TTACTGGAGA AATGGGGGGG ATAGAAAATT CTACTTTGAA 60
TTATTTAGTT TTTTTTAAAG AGTGGGTTGT GTTTGTNCTT CTCCCACCTT TCAGCATTTA 120
TAGAACATGC TGCCCCACAT ACAAAGTCAA GACCACTTAC TTTTATGTGA CACTAGTAGT 180
TTGGGGTTAA TGTTTTGTGT AAGANCAGCT GCATATGAGT AAAGTTACCC CAACCACAGT 240
GAGGAGGAAG ATGTTCACAT ACTGGAACTG TCCTGCCAAA TAAATTTTGC CCCTN 295

配列番号：3181
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03752
配列：
GATCAGTTAA TGCCTAAGAG TGAAAGTAGT TCTATTGACA TTCCTCAAGA TATTTAATAT 60
CAACTGCATT ATGTATTATG TCTGCTTTAA TCATTTAAAA ACGGCAAAGA ATTATATAGA 120
CTATGAGGTA CCTTGCTGTG TAGGAGGATG AANGGGGAGT TGATAGTCTC ATAAAACTAA 180
TTTGGCTTCA NGTTTCATGA ATCTGTAACT AGAATTTNAT TTTCACCCCA ATAATGTTCT 240
ATATAGCCTT TGCTAAAGAG CAACTNATAN NTTANCCCTA TTCTNTCTGT GAAA 294

配列番号：3182
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03753
配列：

GATCCGTGCT GGAAACTCGC AGGGGGACTT TTACATTAGG CAAATCAACA ACGTCAGCGC 60
CATGCTGGTC CTCGCCCGGC CGGTGACGTG CCCCCGGGAG TACGTGCTGG ACCTGGAGAT 120
GGTCACCATG AATTCCCTCA TNAGCTACCG GGCCAGCTCT GTACTGAGGC TCACCGTCTT 180
TGTAGGGGCC TACACCTTCT GAGGAGCAGG AGGGAGCCAC CCTCCNTGCA GCTACCCTAG 240
CTGAGGAGCC TGTTGTGAGG GNCAGAATGA GAANGGCAAT AAAGGGNGAA AGN 293

配列番号：3183
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03754
配列：
GATCTGTGGA CTTTNATTTT TTTAAGAGAC TTACTCAATT TNATGACTGT ACTACCTGAA 60
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTTC TAAGTNATCA AGATAAATCC TTAANAATTC 120
AGTCTAAATN AGCAACCAGG AAGGAAAAAT ATATTAAAAA CAACAAAAAA GTGGCACATG 180
TCCAGGCAGT GTGAGGATTT GCTGTATATA AGTTGCCTGC TTTGTATTNT TNAAATCTCT 240
GCATCACTCA TTGGAAGTGC TTCTNAAGAG AGCTGCTCTG TGTTCAGTTG AAA 293

配列番号：3184
配列の長さ：395
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03755
配列：
GATCAAGATG ACCAAGATGT ATAAAGGGTT CCAAGCCTTA GGGGATGCCG CTGACATCCG 60
GTTCGTNTAC ACCCCCGCCA TGGAGAGTGT CTGCGGATAC TTCCACAGGT CCCACANNCC 120
GCAGCGAGGA GTTTNTCATT GCTGGAAAAC TGCAGGATGG ACTCTTGCAC ATCACTACCT 180
GCAGTTTTNT GGCTCCCTGG AACAGCCTGA GCTTAGCTCA GCGCCGGGGC TTCACCAAGA 240
CCTACACTGT TGGCTGTGAG GAATGCACAG TGTTTCCCTG TTTATCCATT CCCTGCAAAC 300
TGCAGAGTGG CACTCATTGC TTGTGGACGG ACCAGCTCCT CCAAGGCTCT GAAAAGGGNT 360
TCCAGTCCCG TCAACTTGCC TGCCTGCCTN GGGGN 395

配列番号：3185
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03756
配列：
GATCAGCACT TNANTCGGAA AGTTGGAACC TCTGACAAGA CCAAGTACTA CCTTCAAGGT 60
AATCCGTGGC TTCCCACAAA GTTCCACATT TAACTTCCTC CAAGGAAGGG GATTAAAATT 120
TNAAACTAAC TCCCTTCAGT TGAAATCTCG GACCACTNNN NAAAACAAAA ACCATGGTCT 180
AATTNTTTNC TTTGTTATGA ATTTNTTGAC AGTGGATTGA GCGATACGTG TCAGANCTAN 240
GCATTTCACT GTAGGCAAAT TGTGTCTTAG TTATCANGTA AATGTACAAA 290

配列番号：3186

配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03757
配列：
GATCCAGATG ACTGAATTTC AGATAGCATT TTTATGATTC CCAACTCATT GAAGGTCTTA 60
TTTATATAAT TTTTTCCAAG CCAAGGAGAC CATTGGCCAT CCAGGAAATT TGGTACAGCT 120
GAAATATAGG CAGGATGTTC AACATCAGTT TACTTGCAGC TGGAAGCATT TGTTTTTGAA 180
GTTGTACATA GTAATAATAT GTCATTGTAC ATGTTGAAAG GTTTCTATGG TACTAAAAGT 240
TTGTTTTATT TTATCAAACA TTAAGCTTTT TTAAGAAAAT AATTGGGN 288

配列番号：3187
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03758
配列：
GATCCCCAAA AAGTGAATAT CAATGGAGGA GCTGTTTCTN TGGGACATCC AATTGGAATG 60
TCTGGAGCCA GGATTNTTGG TCATTTNACT CATGCCTTGA AGCAAGGAGA ATACGGTCTT 120
GCCAGTATTT GCAATGGAGG AGGAGGTGCT TCTNCCATGC TAATTCAGAA GCTGTAGACA 180
ACCTCTGCTA TTTAAGGAGA CAACCCTATG TGACCAGAAG GCCTGCTGTA ATCAGTGTGA 240
CTACTGTGGG TCAGCTTATA TTCAGATAAG CTGGTTTCAT TTTTNATN 288

配列番号：3188
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03759
配列：
GATCAGCAGC TGTGGAAATA AAGCTTGTNA GCCCTCTGCT GGCCACAGTA NAGGAAAGTA 60
GCACAAATAG GATACAGTTG TATGTAGTCA TTGGCAACAA TTGCATACAA TTTTACTACC 120
AAGAGAAGGT ATAGTATGGA AAGTCCAAAT NACTTCCTTG ATTGGATGTT AACAGCTGAC 180
TGGTGTGAGA CTTGAGGTTT CATCTAGTCC TTCAAAACTA TATGGTTGCC TAGATTCTCT 240
CTGGAAACTG ACTTTGTCAA ATAAATAGCA GATTGTAGTG TCAAA 285

配列番号：3189
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03760
配列：
GATCTCACCA TTATGACATC CATCCCCCTA GCTCACCACA TAGCACATAG AATGATATTT 60
TTAATTTGTA AGAGGCCATC CAGGTACTAA GGNCCCAAGG CATACAGATT CACAAAATNA 120
ACTAATCTTT TTGCCTCAGA ATACCAAAAC ANCAAAAANTA TAAAGCTGTA TTTGGACANC 180
TANAAAACAC CAAACTATCT CATTGCAATT NGTATTGTAG CAGATGTTCA GCAACTATCC 240

TAATCANTGT TATTGTGTTC CANTTTAACT GGGTTAAATG TTTN 284

配列番号：3190
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3761
配列：
GATCTCGACT CCCCCCTGGC CACAGACCCC CAGGTCATTG TGTTCACTGT ACTCTGTGGG 60
CAAGGATGGG TCCAGAAGAC CCCACTTCAG GCACTAAGAG GGGCTGGACC TNTGCGGCAG 120
GAAGCCAAAG AGACTGGGCC TAGGCCAGGA GTTCCCAAAT NTGAGGGGCG AGAAACAAGA 180
CAAGCTCCTC CCTTGAGAAT TCCCTGTGGA TTTTTAAAAC AGATATTATT TTTNTNATTA 240
TTGTGACAAA ATGTTGNTAA ATGGGATATT AAATAGAATA AA 282

配列番号：3191
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3762
配列：
GATCTGGAGA AGTAAGATGG CCAAATAAAA GCCTCTACCA ATCATCCTCC CCACAGGAAC 60
ACCAAATTTA AGAACTATCT ACACAAAAAA GCACCTTCAT AAGAACCAAA AATCAGAGAG 120
AACAAGGATA AAGAAGTATC CAAATACAAA GAAAATGTTA TGCAAGTGAC CTTTAGAGAT 180
GTTTTAAAGA TGACAAAATA TTGATGANGA TGGGCCAACA AGTGTTACTG TTACCTCTAA 240
TAAAGTTTCA TCACTAGTTT CACCATGGTT AATTGGAAA 279

配列番号：3192
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3763
配列：
GATCTGCTCA AATGCACCAA CACTGCCAAG TGACTAAGGT AGAAAAGAAA AATAACAGGT 60
ATCGTCATCT GAAGGACAGA TGAATCTTTT TCTGCCCCTT CTTCACAATG GAATATAAGG 120
AACAATTATG GGATGTCATC AGAATGGATG CCATAGGACC TACAGCTCCC TTTCTNTTTA 180
TTGTNATTAT ACTTTAAATA TGACATTGTC TTTNATGTGT ATGTTCCTAT ATTTTCAATG 240
TATCTTTTTC CTTCAGTAAA CCTGATATTC AAATAAA 277

配列番号：3193
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3764
配列：
GATCACAGGG AGCCTGTGTT TGTTGGAGGT GTTCCAGAAT CTNTACTGAC ACCACGCTTG 60

GCCCCCAGCA AACCNTTCAC AGGCTGCATA CGCCACTTTG TGATTGATGG ACACCCAGTG 120
AGCTTCAGTA AAGCAGCCCT GNTANGCGGC GCCGTANGCA TCAACTCCTG TCCAGCAGCC 180
TGACATGACA NAGCACAGCT GCCCAANTAC AAAGTTCTTT AGNGCAATGN AAGNAACACA 240
AAAGCCAGNC CAGGAGGCNC CAGTTNCTTA TTCCTTN 277

配列番号：3194
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3765
配列：
GATCACAGAA GCCACTGCAC TCCAGCCTGG GTGACAGAGT GAGACTCTGT CTCAAAAAAA 60
AATTAAATAA ATTATTATAA CCTTTCAGAA ATGCTGTGTG CATTTNNATG TTCTTTTTTT 120
TAGCATTACT GTCACTCTCC CTAATGAAAT GTACTTCAGA GAAGCAGTAT TTTGTTAAAT 180
AAATACATAA CCTCATTCTG ANTAATGTCC CTCATTTTGA CTATAACTGT GCTTGGTTTC 240
AAANGCAAAN TTAANCAAAA ATCTCAGTCA AA 272

配列番号：3195
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3766
配列：
GATCTCCTGC TGGTCAGTGG GGCGGCGGCA GCACTACCGT GGCCTGGTAC CAGGTGAGCC 60
CGCTGGCCGC CCGCCTGCTC TACCCCTACC TGGCCTGGCT GGCCTTCGCG ACCACACTCA 120
ACTACTGCGT ATGGCGGGAC AACCATGGCT GGCATGGGGG ACGGCGGCTG CCAGAGTGAG 180
TGCCCGGCCC ACCAGGGANT GNAGNTGNAC CAGNAGGTGC CATNANGTTT NTAATNTAGT 240
GGCCGTNANG TTTTAATGAC CANTGGGNCT GN 272

配列番号：3196
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3767
配列：
GATCCCATCT NTTTTCCCTT CTTTCCTCCT GGTTCCGGTC AGTTCAGAGG ATTTAACAAT 60
CACAAGTGTC CTGCAAAAAT GCCTGAACAT TATTCTTAGG CCCTCGTGGA TTTTTTTTTT 120
CAGAAAACTT AAACAAAAAA NGACTTACTA NGAAATATGT ACAGCTACCC CTGTTTTCAG 180
GCACTATGTT TGNGANCATT TTNGCCATTG ANGTTCACAC GTGGCATCAG CCCATGCAAG 240
ATAGGTTTCT GTATTNNTAT ATNANNNTN 269

配列番号：3197
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03768
配列：
GATCCAGCGA GGGGTCCAGG CCCTCTGCAT CTCCTCAGGC TCCAACCCTG CTTCCTCAGC 60
AATNAGCTCT CCTCCAGCTT TGGCTTTGGG AAGCCAGACT CCAGGGACTG AAAAGNAGCA 120
ACAAGGAGAG GGTCTGCTTG AGAAATGCCA GATGCTTGGT CCCCAGGAAC TAAGGCGACA 180
GAGTGCAGGG TGGGGGCAAG ACTGGGCTGT AGGGGAGCTG GACTACTTTA GTCTTCCTAA 240
AGGACAAAAT AAACAGTATT TTATGCAAA 269

配列番号：3198
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03769
配列：
GATCCCCTGG AGCCCAGGAG GNAGGTGTGT NAGCTCAATC CGGACTGTAN CGAGTTGGCT 60
GACCACATCG GCTTTNAGNA GGCCTATCGG CGCTTCTACG GCCCGGTCTA GGGTGTCGCT 120
CTGCTGGCCT GGCCGGCAAC CCCAGTTCTG CTCCTNTCCA GGCACCCTTC TTTCCTCTTC 180
CCCTTGCCCT TGCCCTGACC TCCCAGCCCT ATGGATGTGG GGTCCCCATN ATCCCAGCTG 240
CTCCCAAATA AACTCCAGAA GAGGAAA 267

配列番号：3199
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03770
配列：
GATCTGAACC TGTCATTTGA AGTACAGGTT AAAGACTGTG TCCACTTTGG GCATGAAGAG 60
TGTGGAGACT TTTCTTCCCC ATTTTCCCTC CCTCCTTTTT CCTTTCCATG TTACATGAGA 120
GACATCAATN AGGTTCTCTT CTCTTTCTTA GAAATATCTG ATGTTATATA TACATGGTCA 180
ATAAAATAAA ACTGGCCTGA CTTAAGATAA CCATTTTAAA AAATTGGGCT GTCATGTGGG 240
AATAAAAGAA TTCTTTCTTT CCTAAA 266

配列番号：3200
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03771
配列：
GATCTGACTT GGGGAAAGGG TTATCAGAGC CTAGAGGGGC TTAAAAAGTA ATCATTTGAT 60
GTACATACCA CACTCCTTGG CTTCCTTTCT CTTCCCTTAA CCCTTTCTGC TTTTCATTAA 120
CCACATTCCT GCACAACTCA TTTCTGAAAA CCTACCATGT TTCTTTACAG AGCCATCCAA 180
AAATTTTTTG TCCCTACATA GCAATTTTCT GTGGCACTGA GAAACCATGT ATGACCACAA 240
TAAAAATCCA TTTTGTGAAA GGAAA 265

配列番号：3201

配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3772
配列：
GATCTCAGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCT GGGTTCAAGC GATTATCCTG CCTCAGCCTC 60
CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCATGCGCCA CTATGCCCAG ATAATNTTTT TGTATTTTTA 120
GTAGAGACAG GGTTTTACCA TGTTGGCCAG GCTGGTCTGG AACTCCTAAC CTCAGGTTAT 180
CCACCCACCT TTGGGCCTNC CAAAGTGCTG GGATTATAGG CATGGANCCA CCGTGNCTGG 240
NCANAGATGT AAGTNTAAAT TN 262

配列番号：3202
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3773
配列：
GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCANC 60
CACCTTTTCT ATNTTTAGAT ACATAAACAC TCACCACTGT GTCACAGTCA CCTACAGTAT 120
TCAGTACAGT AGCATATGCT GTACAGGCTT GTAGCCTAGG AGCAATAGGC TATACCATAT 180
AGCCTAGGTG TGTACACCAT CTAGGTTTTT CTAACTACAC TCTATGGNGT TCACACAATA 240
AAATTGCCCA NCGACGCAAA 260

配列番号：3203
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3774
配列：
GATCCCAGCT TATGGCCTTG ACCCAGCCGT CCTCACAGAT GCCGGGTGAC CCTCTAGCTC 60
TCTCTGCATC TCCCACCCCC CGACACCCTG GGACCCTCGA CCCCACCCTT CTTTCCTACC 120
AGCCCAGAGC CTTGTGGCTT GTACAGTTTT GAAACTCCCG TTCTATTTTA TGATGGTTGA 180
TAATAGTCAG TAACNNAATA AAGGAACGTT TGTTAAAATA TCAAA 225

配列番号：3204
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3775
配列：
GATCTGCCCG CGGCGNACCC GTGTTATGTT TTGTGCTGTG TCCACGCGCT AAGACGACCC 60
CCTCCCCCGT ACTGACTTCT CCTATAAGCG CTTCTCTTCG CATAGTCACG TAGCTCCCAC 120
CCCACCCTCT TCCTGTGTCT CACGCAAGTT TTNNACTCTA ATATNNNNAT GGCTTTTTTT 180
CTTCGGCAAA AAAATAATAA AACGTTTCTT CTGAAA 216

配列番号：3205
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03776
配列：
GATCTGACAC TTCCTTTCCA TTGCTTGGCC TGAACAGACT GACCTTGTNA ACTTAAGCCT 60
GGAGTCCATG CCTCGTCTTC CTTTTGTTCA TTGCTGTTAC CAAGAAAGCC AAGGAAGAGC 120
AGCCTGACTC ATTCTTCTTG GCTGCAGCCT CTTCCCCACT TCCTGGGAGT GACCCAGCGT 180
TATTCCTGCC TCCTCACTCC TATTCTCTTT GCCTTTGTGT AAAAATAAAA TGGAAATAAA 240
CAAGTTGCAC AGTAAA 256

配列番号：3206
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03777
配列：
GATCTCTTTT NATCATATAT GACATTAAGG CTACAGAAGT TTTGTGCAAN AATCTTAATT 60
CATATTTATN AATTTCAAGG GAATATTGAA AGGTTTTAAA ATGGCATACA GATAATGGAA 120
AATAAGCTTT ATGTTTCAAG AAGGGCAGAC TCACGAATTT TTTAGAAAAC AGTGCTTCTT 180
AATGATATGC TATTATNCTT ATNAGTTATG TGCAAGCTTT GTATATNCTT ATATNTATAT 240
NTAACTNTAA CCCTCN 256

配列番号：3207
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03778
配列：
GATCCCAATT CGAGAGGTTC TAACCCCAGA ANCGGACATC TCGATTGCAC ACGTTCTGGT 60
TGCCCGAGCC GACCTGTCTT GTCTCGTCCC AGCCACCAGC GTGGCTGTGC GNAGAGGGAC 120
CTGCTGTGCC ATCAACAAGG TGCTTATGGG NAACGTTCCA TACCGGGGGN GCCGCCCAAA 180
TNAGCTGGAG CCTCCCATGC CCACCTGGAG NAGCNGAAGA GAGGATGGAG GCCCCCAGTG 240
NNGGNNTCGC ANN 253

配列番号：3208
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03779
配列：
GATCATGNTT CATGTGCTAA AAATAAACTT GAAACACGGA AGTAGTGGTT GGTCCAGTTT 60
GAAAGCTCTT ATNAGTATTC TTCATCCTGG CTGTAATAAT AGCCATNATT TGTNATGCCT 120
TTGTTATGTA GCAGACACTC TTAAGNATTT NATGTGTATN ATTCAAATTG CTATNACTGT 180

TCTTTTTATA GTTGAGAATC TCAGGATACC TACATTTATC ACTTTTTCAA TATATATGTA 240
TTTCTTATTA AA 252

配列番号：3209
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03780
配列：
GATCAAGCTG TCCGAACCTA CCAAGAGCAC AAAGCAAGCA TGCATCCCGT GACTGCAATG 60
CTGGTGGGGA AAGACTTAAA AGTGGATTAA AGACCTGCGT ATTGATGATT TTAGAGATTT 120
CTCTTTTTTA AATGGAATTC GTAAAGAAAT ATAAAACTTC AGCTCACAAT TAAAACTGTC 180
TTTTTAGTTT TGGCTTTTTA TTGTTTTGTT GGTGATTTTA CTGAAATAAA GTTGAGCTAC 240
TTCTTCTTAA A 251

配列番号：3210
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03781
配列：
GATCTTGTGT TCAGATGAAA GTGCAAGTTT TTATTAATTT GGATTGCCTG AACAGTGTAT 60
CCCATGATGA TGAAGGAAAA TGGAGAGATT TTTCTTTTTA ACTCTGNNNN NTCAGAGATG 120
AAGCCACGCC TTTCCATTTT TCAATGCTGC ATATTTAATC TGCAACAAAA ATGTTAAGCC 180
ATAACAGCCT TTTTATATTT TAGTTTGTCA CCTTTGCATT GCAGAATAAA TACTGGNTAA 240
CCATTTTAAA 250

配列番号：3211
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03782
配列：
GATCTTACTT GCTCCTGCTT ACGAAGATTN CCCAATNACT GGTCATCTGA CCCTACTTGA 60
ACACTCCTGA ACAGTCATGT TTTTNAAAAT NTTCCTTTAT ATCAAGTCAG AGAGTATACT 120
TCTATAAATT TNACTCATGG ATGTTAGGAA ATCTAGTCAT CTTCCCTGTG ATTGCCCTGT 180
TAAGTATTTA ACCATAGCTA TCATGTGTTT CCCAAATCTT CTCTAGATTA AATATCTTCA 240
GTTACTTCAA A 251

配列番号：3212
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03783
配列：

GATCTAGACT GAGAATCAGC CTGAGCTTTA CACAGCTGGG GTCTGTTACT CGCGTTTTGT 60
AGACTTTTGT GTAACTATTT GTACCGTAGA CAGAATGTGA GGAGGAAGTA ACACACAGAG 120
GAGGATGTGT GTGTATGCAT GTGTTTGAAT TCACAAGGAA GAAATTATTT ATCTTGAGCT 180
TTTTCCTTTG TTATTCAATT TCTATTGATT TATTAGTAAT AACAATGATA ATAAAATGTA 240
AATGAGCAAA 250

配列番号：3213
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03784
配列：
GATCTAACGT GTTCCAGTGT CTGTCTGAGG TGTCTTAAAA AATCAGAACA AAACTTCTAT 60
TATCCAGAGT CATGGGAGAG TACACNCTTT CCAGGAATAA TGTTTTGGGA AACACTGAAA 120
TNAAATCTTC CCAGTATTAT AAATTGTGTA TTTAAAAAAA AGAAACTTTT CTGAATGCCT 180
ACCTGGCGGT GTATACCAGG CAGTGTGCCA GTTTAAAAAG ATGAAAAAGA ATAAAAACTT 240
TTGAGGNAAA 250

配列番号：3214
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03785
配列：
GATCATAGGT CTGGACACTC CATCCTTGCC AAACCTCTAC CCAAAAGTGG CCTTAAGCAC 60
CGGAATGCCA ATNAACTAGA GACCCTCCAG CCCCCAAGGG GAGGATTTGG GCAGAACCTG 120
AGGTTTTGCC ATCCACAATC CCTCCTACAG GGCCTGGCTC ACAAAAAGAG TGCAACAAAT 180
GCTTCTATTC CATAGCTACG GCATTGCTCA GTAAGTTGAG GTCAAAAATA AAGGAATCAT 240
ACATCTCAAA 250

配列番号：3215
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03786
配列：
GATCAAACTG CCATTCACAG TGTAAGGCAG CACTTAAATT TCGAACCTAA AGTTTAGATG 60
CATTGTATAA AAAAACCTAA AAGCAGTATC TGTTNNTNNN GCTGTAAACC AAGTTGGAAG 120
CTATTCGGAT AATTTCTTAA ATATTGATGA NCTTTGGAGT ACTGTTTCTN CCTTCAAACT 180
GAATGTAATT AATNCATGAT TAAATGCACC TNATATGTTT AANCAATCTT TGTATACTTN 240
TGGGNTTTTN 250

配列番号：3216
配列の長さ：252
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3787
配列：
GATCGCCACA CTGCCACTCT GCTGCCCAGC CACCAGGATT TCTGCCTGGA GCCCTTTGCC 60
CTGTCCCTGC TGCCTGAGGT GGCGTAGAGC AGAGGAGAAG AATTTGCTCC AGGCCAGGAG 120
CACAAATCGT TGTTCAATGA ATTTNTCTCC AACTCGACCT TGGTAAACGG AAATNTTGGG 180
GGTGAAGAGA AACAATCACT ATTTTTTNCT TTTTTATCTG GTAAATAATT AAAAGAAAAA 240
CCGAACACTA AA 252

配列番号：3217
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3788
配列：
GATCTGTATT GGATAAGGAC CAATGNACAG CAAAGCAAAA ATGGCTTTAA AGCTTGGTGT 60
TACTTTTNTT AAGTTGTTTA ATTATAGTTA AGCAATTTCA AAAATGCTCC AAAGAAATGT 120
GAAAGGACCT TTTGTCACAG CACTTCAGAA AATACACAAC AGCCCCTTCT GCCCCCGCAC 180
AGAAATGCTG CAGAGTATAT AAAACTTGAG ACATTTTTGT AGGATGCCTG ACGAGGTGTN 240
GCCTTTTATC TTGTTTCCGG ATGCATATTT ATTACGAGTA CTCTGGTTAA ATATTGAAAA 300
GTTATATGCT GTAGTTTTTA GTATTTTGTC TTTGTN 336

配列番号：3218
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3789
配列：
GATCTCGAGT GTTATTTTCT GATTGTGGTG TTGAGAGTTG CACTCCCAGA AACCTTTTGA 60
GAGATGCATT TATAGCCCTA GGGGTGGTAT GACCCAAAGG TTCCTCTGTG ACAAGGTTGG 120
CCTTGGGAAT AGTTGGCTGC CAATNTCCCT GCTCTTGGTT CTCCTCTAGA TTGANGTTTG 180
TTTTCTGATG CTGTTCTTAC CAGNTTGGGA AAAAAGTGTG GATTAAA 227

配列番号：3219
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3790
配列：
GATCTGCATA GAAAATTTTN ATACAATTTT TTGAAAGTCC TTAGGTGAAA CATTTACCCA 60
TTAAAAAGGA AGCAGAAATA CTGAGACATG AAAGGCATTA TCAACTAACT CTAGACTCTA 120
GAACCCATTC TNGCATATCT CACGTGCAAT TTTTAAAAAT AAGTTAATAA TTCANCTCAT 180
ATCAACAAAA GCCTTTGNNA CATGGGTTTN CACTNGATAT CACCTAGTGC TNANGNTAGA 240
NGCCAANN 248

配列番号：3220
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03791
配列：
GATCCAGTGC TCTCCCATCT AACAACTAAA CAGGAGCCAT TTCAAGGCGG GAGATATTTT 60
AAACACCCAA AATNTTGGGT CTNATTTNNA AACTTTTAAA CTCACTACTG ATGATTCTNA 120
CGCTAGGCGA ATTTTTCCAA ACACATAGTG TGTGTNTTTT GTATACACTG TATGACCCCA 180
CCCCAAATCT TTGTATTGTC CACATTCTCC AACAATAAAG CACAGNGTGG ATTTAATTAN 240
GCAAA 245

配列番号：3221
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03792
配列：
GATCCACCCG CGTTGGCCTC CCAACGTGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC CACGCCCCGC 60
CTAAAATCCA TATTCAAAGA AGCAATTTCA GTTCCTTTCT AAGCTTTGTC AGTCAAGGGG 120
CTCCACTGAC TTCCTAGGCC CTGTAATTTA ACCAGTCTTT AAGGTTTTGC AGGAAAGTCC 180
CTTCTTCCAA GTGGTTTTTC CAAATCGCAC AATGGCAAAG CCAAACAGAG GAAGAAACAT 240
TAAA 244

配列番号：3222
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03793
配列：
GATCAGATTG CTGAAACACT ATGGGAACAG GTATTGAAGC CCCTGGGTGA TAATNTAATG 60
GAGGAAAACA TAAGGCAGTC TGTAACAAAC TCTATCAAAG CAGGCCTGAC TGACCAGGTG 120
TCTCATCATG CCAGATTAAA GACAGACTGA CAGTTCATCT CCTCACGGAC TCCACTCTCT 180
TTTTTTTTNA TGCTTGCTGT ACAATGAGAA CTCAAATAAA ANTAAACCAA AGTTTACAAT 240
CAAA 244

配列番号：3223
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03794
配列：
GATCCAGGAG GAGCAGCACC CGAGCCCTGG AGTGGCCCAG TACCCTTCCA AGAGGCCACA 60
GTCCCAGCCA GGACAAAGTA TGCGGCCCAT CCTGGTGCGN CAGGTGGGAC AATGTGAACA 120
TGGACTCGAA GACATGGCCC TTTCTCTGTA GTTGATTTTT TAAATGTGCC ATTATTGTTT 180

TTAAAAAANN CGGNAAAANG AAANGCANAC AAATAAAACA CCTTTAAGAG GCTTGAANGC 240
GNCAAA 246

配列番号：3224
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3795
配列：
GATCATAACT CATGAATATG TTTGTAATCA TGGTAATTTA GATTTTNATG AGGAATGAGT 60
ATCTGGAAAT ATTGTAGCAA TACTTGGTTT AAAATTTTGG ACCTGAGACA CTGTGGCTGT 120
CTAATGTAAT CCTTTAAAAA TTCTCTGCAT TGTCAGTAAA TGTAGTATAT TATTGTACAG 180
CTACTCATAA TTTTTTAAAG TTTATGAAGT TATATTTATC AAATAAAAAC TTTCCNATAT 240
AAA 243

配列番号：3225
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3796
配列：
GATCTGACCT TTTTTTTCCA GTTGAAATGT ATTAACACAC CTTCCACAAT NATTTTATAA 60
GAGTCAGCAT AACATAGTGG ATAAGAACTG TGAGATGTTT AACCTCTCAG TAACTCGGTT 120
CTCTCATTAT AAAATAGGAA TAAAATCAGT ACCTGTTTCA TATGAAGGTC GTTTCTGAGA 180
ATTAAATGGA CTAATGTATG CAAAAAGCCT GGCAAACAAT AAACACTCAT CTGACTTTAA 240
A 241

配列番号：3226
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3797
配列：
GATCAAAATA TATTTGTCCA GAAACTCTTG GGCCAGTTCT CTGAGAAGGA ACTGGCTGCT 60
GAAAAGAAAC GCATCCTGCA CTGCCTGGGG CTTGCAGAAG AAATCCAGAA ATATTGCTGT 120
TCAAGGAAGT AAGAGGAGGA GGTGATGTAG CACTTCCAAG ATGGCACCAG CATTTGGTTC 180
TTCTCAAGAG TTGACCATTA TCTCTATTCT TAAAATTAAA CATGTTGGGG AAACAAGAAA 240

配列番号：3227
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3798
配列：
GATCCTCCCA CCTNCAGCCT CCCAAGTAGC TGGGACTACA GGCACATGCT ACCATGCCCA 60

GCTAATTAAA AAAAATTTTT TTTTTGTAGA GACGGAGTTT CACTGTGTTG CTCAGGCTGG 120
TCTTGAACTC CTGAGTTCAN GCAACCCTCC ACTTCAGCTT CCCAAAGTGC TGGGATTACA 180
GGCATCACTG GCCCAGGCAG AGCCAATTNT GTATAATAAA TCTGTNTCTC TCTGTCAAA 239

配列番号：3228
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03799
配列：
GATCAAATTT NATTGAATGG TTTGAGGTTG TAGCTCTATA AATAGTAGTT TTTAACATGC 60
CTGTAGTATT GCTAACTGCA AAAACATACT CTTTGTACAA GAGGTGCTTC TAAGANTTTN 120
ATTGACATTA ATGACACTGT ATACAATAAA NGTGTAGTTN CTNAATCGCA CTACCTATGC 180
AACACTGTGT ATNAGGTTTA TCATCCTCAT GTATTNTNNT GTGACCTGTA TGTNTATN 238

配列番号：3229
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03800
配列：
GATCCAAAGC CATCCCAGAC CTTCCCGGGC CCCTCTTCCT GGCAGATGAC TCTCCCCGCT 60
TCTGCGTCCT GCCTGCCCAT TCATACCAGT TTGAACTGCA ACAGCCTAGC TCCTCACCTG 120
TGCACCTCCT TCCCCAGGTG TGCACGTCTC CAGCCCCGAG CGCGTGTCTT CCTGCTCATC 180
TGGGTTTCCT GGGCAAATAG TGGCCCTCAA TAAATNTTTG CTGAGTGAGA ACATAAA 237

配列番号：3230
配列の長さ：515
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03801
配列：
GATCGCCAGA GCCCAGGAGT TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GAGGGTGCCT CTTTGCTCCA 60
TCCTAGGCAA CAGAGTGAGA CGCTGTTTAA AAAGGAAAAA ATCCTTCCNT AGAGCTAGTA 120
TCCTAAAGCT GCAGAGCTAG CCCATGACCT CATTGGTTTC NTTGTCCTTG GGGTGCTTTT 180
CCTGAATCTT TGGGGGTGAA GGGAGTNTTG CTCCCAGTCC AGAGGCCTGA TTCTTTTCGG 240
ACTGGGTTCT CAAGACACGA CCAGGTTCTC AAGACACGAG TCCCCTTNTT CCTNCCCATT 300
AAAGGGGGTT TNTNAGAAGC AAGANCAGCC CCTTTCCCCA AGTCACAGCC TGAAGGGAGG 360
CCCCNGAGAN GCTTCCCTCC TTTCCCCNCA CCCTGNTTCC TTAACCTTNT TTTGNCCCTG 420
NTTTTTTTAG GAANCTGGNA GTTTCAATTN GTTTTTAANG GGGGATTGGG GGGGAAGGGA 480
AGNCTTNGGG GGACAAAAAA NNTTTTTNTT NCAAN 515

配列番号：3231
配列の長さ：227
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03802
配列：
GATCAGTGTA TGCGAAAAGG TTTTTAGGAA GTATGGCAAA AATGTTGTAT TGGCTATGAT 60
GGTGACATGA TATAGTCAGC TGCCTTTTAA GAGGTCTTAT CTGTTCAGTG TTAAGTGATT 120
TAAAAAAATA ATAACCTGTT TTCTGACTAG TTTAAAGATG GATTTGAAAA TGGTTTTGAA 180
TGCAATTAGG TTATGCTATT TGGACAATAA ACTCACCTTG ACCTAAA 227

配列番号：3232
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03803
配列：
GATCACTAGC TAATNCTCAT ATCCATGCCT TTTTGTCCTG TTTACAGTCT TAAAAGAGGT 60
AAAACAGCAA ATATTTTTTN AAGGGAACTA TAACCTTAGG ATTCCTGAAA ANAATTTCAA 120
AAAAAAAATA AAGACACTGT TGCCAATGTG NCCCAAAACT TAAGACCATA CTAATGGCAT 180
ATATTTGTNA CAATNAAAAA TTAANTTTAC TACTTAATCC TAAA 224

配列番号：3233
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03804
配列：
GATCGGTGCT TTGTGTAAAT ACATCTTTAA CATTTGGGTG GAGAGGGGCC TTAAGAAGGA 60
CAGTTCATTG TAGGAAAGCA ATTCTGTACA TGAGTTTAAG CATTCTTGTT GCATTGTCTC 120
TGCAGATTCT ATTTTTGTTT ACAATATTAA AATGTATGTN AGCAAAATGG GTGGATTTTC 180
AAATAAAATG CAGCTTCCAC AAAAGTTTTG TNATGGTATT CTGGTCTGAG ATGCATTTNC 240
ATTTTNCCTN TCTCTTNTTA TTATCAATAT TGTNATTTTT CCCTAATAAA ATATACCCAG 300
GTGNATTAAA 310

配列番号：3234
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03805
配列：
GATCAAATTT TTNAGACAAT CCTTGGTCTG GATTGGTTAA TGAAAATNTN TTGTTTAAGA 60
GGTTCTATTA AAAAATATTT CTAGTGTATT AGTCATAATT NTTTTTGTGG AGTGGGGGTA 120
AACCACACCA TTAAGGGAAT AAAATGTAAT TTGAAAGAGG TGATTATAAG ATTTGTTTCA 180
GGCCCCAAAA TATAAATAAA AATTGGTGTG GAATCTCAAA 220

配列番号：3235
配列の長さ：219

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03806
配列：
GATCGATACA GAGCATCTGC ACTGGGATTG TCCGCCCCGC CTGTCAGGGA GGCCTCGGGG 60
GCTAATNGAG CTGAGGGTAT AGTCGGCCTT GGACCCTCGC TTTTTTCCTT TCCTGTACTA 120
TNAAGATAAC TGCCTTATCT CCCCCTCAGG ACTGTTTTGG GGATTAAATA GGACGTTTAA 180
ATNACCAACG CTCTTTGAAA TAAACATTTC AAAATTAAA 219

配列番号：3236
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03807
配列：
GATCAAAAAA ACTTTTCTTC TTTTGCAAAG AAAGCTTTTT GTTTTTAACN GCAACGTACT 60
TTTCCCCTAC CTTGAAGAGA CATGGTGGTC GCAGCTTCTN ATCTATATGA AAAAGTTTTC 120
GATGTATTGG AATNATTTGG GAATGCTTTT AAAACAATTT GTAATTATTT CTTTACAAAC 180
CAAAACAGAA CAGAAAGGTG TGGTGCTGGA ACATCGAAA 219

配列番号：3237
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03808
配列：
GATCTGCATT TTCAGAAGAG GACAATCAAT TGAAACTAAG TAGGGGTTTC TTCTTTTGGC 60
AAGACTTGTA CTCTCTCACC TGGCCTGTTT CATTTATTTG TATTATCTGC CTGGTCCCTG 120
AGGCGTCTGG GTCTCTCCTC TCCCTTGCAG GTTTGGGTTT GAAGCTGAGG AACTACAAAG 180
TTGATGATTT CTTTTTTATC TTTATGCCTG CAATTTTACC TAGCTACCAC TAGGTGGATA 240
GTAAATTTAT ACTTATGTTT CCAAA 265

配列番号：3238
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03809
配列：
GATCTACTAT AAGGTATTCT ATATTTATAT NACTTCAGAG ACGCGTATGT AATAAAGNAC 60
GCCCTCCCTC CAGTGTCCAC ATCCAGTTCA CCCCAGAGGG TCGGGCAGGT TGACATATTT 120
ATTTTTGTCT ATTCTGTAGG CTTCCATGTC CAGAATCCTG CTTAAGGTTT TAGGGTACCT 180
TCAGTACTTT TTGCAATAAA AGTATTTCCT ATCCAAA 217

配列番号：3239
配列の長さ：217

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03810
配列：
GATCGGTGCT ACCAAGGAAG AGAGCACACA GATAAGACAG AGGGGAGGAG GTGGGCATTT 60
CCTACATTCC TCCTTGTTTN CCGCTGCTGA NATTGCAGTA TTTATTGCAA TNTAAATNTA 120
TCCTGAAGGT GGGGAGGAAT GTTTAANCTA CCATNTCCGT GTGTCATCTT GGTNTGTTTT 180
TNTCCCTGTT TGTAGCAAGA CTCTNATGAT AATNCTN 217

配列番号：3240
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03811
配列：
GATCTATATG AAGTGGGAAT ACAGCATATA TCTGGATATT CTTATAGTTA TCTTTTTAAC 60
ATCTTATTTT TTTCATTAAT TACATATCAA CATTAATNTT GTATCTNGAA GCAAATNGAT 120
TTTGTATAAT TAAATGTGTC AAGCATCTGT ATTAATTGAT TNGATGGCAT AAGGTATGAA 180
ANTANTGTAC TGCCCCATGT ATNACTGTTC CAACCAN 217

配列番号：3241
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03812
配列：
GATCATAAGA CCAGGAGTTC AAGACCGGTC TGGCCAACAT GGTGAAGCCT CATTTNTACT 60
AAAAATACAA AATNAGCCAG GTGTGGCGTC ACATGCCTGT AATCCCAGCT ACTCAGGAAG 120
CTGAGGCAGG AGAATTGTTT GAACCTGGAA GGTGGAGGTT GCAGTGAGCC GAGATTGTGC 180
CACTGCACTT GACAGAGCGA GACTCTGTCT CAAA 214

配列番号：3242
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03813
配列：
GATCATCGAG GACGAGAAGA TGGTGGTGGT GGCGNTGCAG CCGACTGCAG AGCTNGAGGT 60
GGGCTCGGCG GAGGTCATTG TGGAGTCCCT GGCCCAGGGN GGCCTGGCCT CCCAGCTCCC 120
CGGCCAGAGA CTGTGTGCAG AGNAGAGCTT CACCGGCCAG GTGTCCTGGA GCCCTCCCTC 180
ATNATNACAG CTGCTGTCCC CGAGGACTGT GATN 214

配列番号：3243
配列の長さ：212
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03814
配列：
GATCTGGGGA GCTNTGACTG AAGGGGCTTG GTCTTCCACT CAGCATCAGC NTGGCAGTCA 60
CCACCCCAGT NAGGACCTCG ATGTCCAGCT GCTGTCAGGT CTGATAGTCC TCTGCTAAAA 120
CAACACGATT TACATAAAAA ATCTTACACA TCTGCCACCG GAAATACCAT GCACAGAGTC 180
CTTAAAAAAT AGAGTGCAGT ATTTAAACCA AA 212

配列番号：3244
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03815
配列：
GATCTCTGTA GACTAGAGTC TTGCAGCAAC ACAGAATGTA ATATAAGGCA AATGCATCTG 60
GGACTTGACC AAAGTTGTTC TGTTTTGTTT TTTTAACTGA AAGTAACAGA AGGACCTTTC 120
TTAAATGTGA CAGATGGTCC TGCAGTGTGA ACCTGAAGGA CAGTGTTAAA GCTGGGCTCT 180
AGTATATTGA TGATTTCTGC ATAAGTGTGG N 211

配列番号：3245
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03816
配列：
GATCTATTTT TGCACTGGAA TATCTGAGAA TTGCAAAACT AGACAAAAGT TTCACAACAG 60
ATTTCTAAGT TAAATCATTT TCATTAAAAG GAAAAAAGAA AAAAAATTTT GTATGTCAAT 120
AACTTTATAT GANGTATTAA NNTGCATATT TCTATGTNGT AATATANTGN GTCACAAANT 180
AANGCTGTGA CAGTNCTGTT GGTCTACAAA 210

配列番号：3246
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03817
配列：
GATCTTTTAC CACTAAAAGA GCATTATTCT CATGTCATAA TGAGAATAAT AATTTACATA 60
CTTGGCATAA TAAATGCCTA AAAGACATTT TATTNTCTGA ATCTATTTTT TTCTTGCTAT 120
AATGGGGATA TTGTAAATAA TGCATTTGTA TTAATGGTAT TTCTTAAAGC AATCTATGTA 180
ACTGTAAATT AAACCAATCT ACAAACTAAA 210

配列番号：3247
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03818
配列：
GATCAGAAGT GGCTAATTTA TTTNATTTCT NATTATTTTA TCCAGAGGGT ACTTTTTTAA 60
TGGATATTTG TAAATCTNCC ACTTAACCAC TGAAAATAAT NTTNTTTTAA TCCCACCCTT 120
CCATCCATAC CTCTGCCTCC CCAAAAAGCT CCTATNAATT TNCTTATCCC CCTCATGTAG 180
CTAGTTGAAT GTGAATAAAT AACATGGAAA 210

配列番号：3248
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03819
配列：
GATCTCCATT CTTTGCCATG AGGGCCAACA CATGAGACCC CACCTCCCTC CCTGCCTGCC 60
AGCCCTAGAC TTGTTGGAGC ATAGAGCCCT TCCTCCCCAG GCCTAAGTAT GTGGAGCTCT 120
GCTTTGGCAC TGCCCCGCAG AGGCCACGCC TATTTATTCT GTTTCTNTTG TTTTGTTTTT 180
AACAACTATA CTTTGCACAC ATGAAA 206

配列番号：3249
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03820
配列：
GATCCCCAGA GTTGGTCCAA GGAGGGAGAG TGGGTTCTCA ATACGGTACC AAAGATATAA 60
TCACCTAGGN TTACAAATAT TTTNAGGACT CACGTTAACT CACATTTATA CAGCAGAAAT 120
GCTATTTTGT ATGCTGTTAA GTTTTTCTAT CTGTGTACTT TTTTTTAAGG GAAAGATTTT 180
AATATTAANC CTGGTGCTTC TCACTCAAA 209

配列番号：3250
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03821
配列：
GATCTGTGTG GTCCCCGACG TAACATCTGG CGAGACCCTG CCCTCTGCTG TTACCTGAGT 60
CCTGGGGATG AACAGGTCAA CTGCTTCAAC ATCAATTATC TGAGGAACGT GGCTCTAGTG 120
TCTGGAGACA CTGAGAACGC CAAGGGCCAG GGGGAGCNGG GCTCAACTGG AGGAACAAAT 180
ATCAGCTCCA CCTCTGAGCC CAAGGAAGAN TGAGTCACCC CAGAGCCCTA GAGGGTCAGA 240
TGGGGGGAAC CCACCCTGCC CCACCCATCT GANCACTCAT TACACTAAAC AACTTTTTGG 300
GNAANTNTNA TNTATGATGN GNNGNGNGTG GGGAN 335

配列番号：3251
配列の長さ：207
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3822
配列：
GATCTAATTC TNCACTCCTG CTCCAAGGGC TGGGCTGTGG GTGGGATACT GGGATTTTGG 60
GCCACTGGAT TTTCCCTAAA TTTGTCCCCC CTTTACTCTC CCTCTATTTT NCTCTCCTTA 120
GACTCCCTCA GACCTGTAAC CAGCTTTGTG TCTTTTTNCC TNTNCTCTCT TTTAAACCAT 180
GCATTATAAC TTTGAAAGCA AAACAAA 207

配列番号：3252
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3823
配列：
GATCTCATTT NAATGATTTA TAGGTAAATA CTAATCAGAC ATTATTAAAA GCAAAACAGG 60
AAAAAGGTAA ACTTCTTAAA TTTAGTTACC TATAAAAATT GTCAATNTTN ATTCTTTAAA 120
AACACATGGA CTTACTATAA AAGCCTTTTT GTACTAGTGA AAAGAATCTT CAGCTATATA 180
GAAATAAAGT TATACTTTAA A 201

配列番号：3253
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3824
配列：
GATCCCTAAA AGACAAAAGA GTCTTGGAAA GGACTGCTGG CTTCGTCTTG AACGTTCGCC 60
CCATCACCAG TGTGAGTCCG TGGGGAAGTC TTCCTCAAGT GGGGTTCAGT CTGTAATTTT 120
CCTGTCTGTT CTTAGCNNNG TTCTGAGTTA TTTTGGATTT TNTTCTTTAG CCAAATAAAG 180
GCAGTGTGGT TTTACCTGAA A 201

配列番号：3254
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3825
配列：
GATCCTAATG GTGCTGCCCT ATTTATACCT GGGTCTGCAT TAAAAGGGAA AGCCCCCCCT 60
GTTGTAGATT TCATCTGCTT CCTCCTTAGG GNAGGCTGGG ATATGATGAG AGATTCCAGC 120
CCAAGCCCGG CCCCCCACCG CCAGGCCATA GGGCATANTT TGCATCTCAA ATCTGAGGAA 180
TAAACTGATG ACCTGTGAAA 200

配列番号：3255
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03826
配列：
GATCAAGCAT TTGCGTTTGG ATGGCAATCG CATCTCAGAA ACCAGTCTTC CACCGGATAT 60
GTATGAATGT CTACGTGTTG CTAACGAAGT CACTCTTAAT TAATATCTGT ATCCTGGAAC 120
AATATTTTAT GGTTATGTTT TTCTGTGTGT CAGTTTTCAT AGTATCCATA TTTTATTACT 180
GTTTATTACT TCCATGAATT TTAAAATCTG AGGGAAATGT TTTGTAAACA TTTATTTTTT 240
TTAAAGAAAA GATGAAAGGC AGGCCTATTT CATCACAAGA NCACACACAT ATACACGGTT 300
AGACATCAAA CTCAATGCTT TATTTGTNAA TTTAGTGGTT TTNTATTTCT ACTGTCAAAT 360
GATGTGCAAA ACCTTTTTNC CGGGTTGCAT N 391

配列番号：3256
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03827
配列：
GATCTTTAAT TTGNATGGTG ATGAATGTCT TAGTCATGAA GAGTTTCTAT GGGGTGTNAA 60
AAAACAGAAT GCATCGAGGT TNATGGGTAC CACAACATCA GAGTATACAA GAATACTGGA 120
AGTGTGTGAA GAAAGAAAGC ATTAAAGGAG TAAANGANGT CTGGAAACAN GCTGGAAANG 180
GTCTTTTTNA ATNN 194

配列番号：3257
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03828
配列：
GATCTAGTAG GTTTCTATTT TTCCTTTCTC TTTACAATGC ACATAATACT TTCCTGTATT 60
TATATCATAA CGTGTATAGT GTAAAATNTG AATNACTTTT TTTGTGAATG AAAATCTAAA 120
ATCTTTGTAA CTTTTTATAT CTGCTTTTGT TTCACCAAAG AAACCTAAAA TCCTTCTTTT 180
ACTACACAAA 190

配列番号：3258
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03829
配列：
GATCCCCTTT TNTNCTGGAG CTTCCGTGCC TCCCCTGCCT CTTCCCAGCC CTTGTAATCC 60
TCCTTCACAG GCCAGCCAGA TACCTGTNTG GCCTNTGGGC CCATTTTNTT CCCTGTCTGT 120
CCCCACCCCA CAAGAACCAG GTTTCTNTAA TAAATTCTCT CCCTTCTTTA GCCAGGACTT 180
AGCCCGCAAA 190

配列番号：3259
配列の長さ：189

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3830
配列：
GATCTNAGAG CCTGCCCAAC AGCAGGGAAG CCAAGCACCC ATTCATCCCC CTGCCCCCAT 60
CTAACTGCGT ANTGANAAGG GGAACAGTGC CATGTACCAC ACAGATGTTC CTGTCTCCTC 120
GCATGGGCAT AGGGACCCAT CATTNATGAC TGATGAAACC ATGTAATAAA GCATCTCTGG 180
GGAGGGAAA 189

配列番号：3260
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3831
配列：
GATCCCCTTC CTATCAATCA CCTGATAGCA ACAGGGACAG CTGCCAATAC CCTGCTCTTT 60
ACTCAATGGT ACCCAGGGAG GGAGCATGGG AAGAGGGTGA GCTGAGGGCT GGAGGAGGGC 120
AACAGCCACT GGGTGAGCTG TTCACGGTCT TATACTATTG TTTGTNATTA AAAGTGCTTC 180
AACCCAAA 188

配列番号：3261
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3832
配列：
GATCAACAAG GCCACGCCCT ACAACTACCC AGTGCCCGTC CGTGATGATG GGAACATGCC 60
CGACGTGCCC AGCCACCCCC AGGACCCTCA GGGCCCCAGC CTGGAGTGGC TGAAGAAACT 120
GTGAGCACCT CCACTGACAG AGGCGGCCCC TCCCACGGNT CCCAATAAAA ATGTGAAAAC 180
CAAA 184

配列番号：3262
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3833
配列：
GATCCACCAA TGTTTCAAAT AGGACTATAA CTTATTCAAA GGCCAATNAT ACTTCGCATA 60
ATTCAATTTT AATATTATTC ACATTTCATG TCACAAATTT AGTAAGTTAC ATGTGTTATG 120
TGATGTTTTG TTTTGATAGA TTATATCTTA CTCCTAAATA AAANGTCAAG ATTTTTGTAG 180
CAAA 184

配列番号：3263
配列の長さ：181
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03835
配列：
GATCTCTCTG TGTGGAATGC CTTGGTGAGA GAGATGCTTA TAATNACTAT NATNATTTCT 60
AACCAAGCTT CTATNAATNT AATTTCTAAT AATACACTAT CTTGATTGTA CTCTCCAGAA 120
AATTTTNCTG TCAGTGAAAA TAAAAGAAAA ATTAAAGTAA AGCTAAGGAA CTGTCTATAA 180
A 181

配列番号：3264
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03836
配列：
GATCCCTGGA CCATCTGCAT CCAGAGGACC GTCCGTAACG GCCGGGGGTC CAGGCGGACC 60
TTGTGGTGAC CCGGCTCGGG CNTNTCCTCG GTTTCNTTGC CTCACCCGCG GAGAGCGCTG 120
AACCTGGACA AGCAGCGGCT GGNAAGNACA GGTCCAATAA ACGCCCTCTG CGCCCAGAAA 180

配列番号：3265
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03837
配列：
GATCTAGTTC AGAAGGAAGC AAAATCCCTT AATCTATGTG CACCGTTGGG ACCAATGCCT 60
TAATTAAAGA ATTTAAAAAA GTTGTAATAG AGAATATTTT TGGCATTCCT CTAATGTTGT 120
GTGTTTNTTT TTNGTGTGTN CTGGAGGGAG GGGATTTAAT TTNAATTTNA AAATGTTTAG 180
GAAATTTNTN CAAGGAANCT TTTTAATAAN GTATATNGAA AGNTAAA 227

配列番号：3266
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03838
配列：
GATCACTTCT CCTTGGCTTC CTTCTTTTCT GTGCTTGCAT CAGTGTGGAC TCCTAGAACG 60
TGCGACCTGC CTCAAGAAAA TGCAGTTTTC AAAAACAGAC TCAGCATTCA GCCTCCAATG 120
AATAAGACAT CTTCCAAGCA TATAAACAAT TGCTTTGGTT TCCTTTTGAA A 171

配列番号：3267
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03839
配列：

GATCACTTTA TTTGCTAGGG AGGGAAGTCC TAGGGTGGTT TCAGTTTCTC CCAGACATAC 60
CTAAATTTTA ACATCAATCC TTTTAAAGAA AATCTGTATT TCAAAGAATC TTTCTCTGCA 120
GTAAATCTCG CAGGGGAATT TGCACTATTA CACTTGAAAG TTGTTATTGT TAACCTTTTC 180
GGCAGCTTTT AATAGGAAAG TTAAACGTTT TAAACATGGT AGTACTGGAA ATTTTNCAAG 240
ACTTTTACCT AGCACTTAAN TATGTATAAN TGTACATAAN GACAANCTAG TAAGCNTGGC 300
CTGGGGANAT GGTCAGNCCT TGTNTTGTGT TTTTGGCN 338

配列番号：3268
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03840
配列：
GATCATAGGA GAAAACCATT TCANATGACA AGAGCACCTC AAAGGCAGCA GCCTCAAGGA 60
GCAGCCATGG CCCCAGACTT GTCGCACGGA TGCAGAAAAC TTAATGGAGG AGGCTGAGGT 120
CAGAATGGGA AGAGTTTTTA AAAAATAAAA AGGGGAGCTA ATATGTGAAA 170

配列番号：3269
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03841
配列：
GATCAAGGGC AAAAACTGGT CATTAAGTNA TCTAANATTA AATNATTTAG CCACTAAGTA 60
ATTTNTTTAC TCTNACTTTA AACTCACCAA AGAAGATTCT TTTAAAGAAA TTATGAAAAA 120
TGTACAATTT AACATTTTAA ATAANTAGTG ACAGANGTTG TTTATAAA 168

配列番号：3270
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03842
配列：
GATCCTCCTG CCCCAGCATT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCNA CTGCCTGGCC 60
TGGCCGTAGG TTTGTAACTG TTTCATAGAA GAGCCCTGGA GAAGACAGTA GAATNAGCCT 120
ATCTAGTTTA AAAAATAAAG AAGCACGTTG ATTTCACCAC CGCCAAA 167

配列番号：3271
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03843
配列：
GATCAGCTTT GTTTTTCCCA GAGTTCATGC AAATAGAATC TGGCTTCTNT AAGTNAGCAT 60
CATGGACTTG GTTNAAATTC GCCCGTNTTG CTGAGTGTAT CTTTAGCTTG TCCCTTTTAA 120

CTGACGAGTA GTATTCCACA GTNTGGATGC ACTGTATTNN NTTTATN 167

配列番号：3272
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3844
配列：
GATCAGAGCA TTGTGCAATA CAGTTTCATT AACTCCTTCC CCCGCTCCCC CAAAAATTTG 60
AATTTTTTTT TCAACACTCT TACACCTGTT ATGGAAAATG TCAACCTTTG TAAGAAAACC 120
ANANTAAAAN TTGAAAANTA AAAACCNTAA ACATTTGCAC CAGAAA 166

配列番号：3273
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3845
配列：
GATCTNTTTT TTTCCCTTCT TGTATCATCC CTTTGGGTTT TTCGGTTTGC TTTGGTTTTT 60
AATTTTNCTT TGTTTTTNCT ATAAATCCTG TTTTAATCTT ATAAGGGAAA ATNCATTTTN 120
TTCAACTGTN CTAGTTAATA ATGAGAACTC AATTNCTGGA AATNN 165

配列番号：3274
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3846
配列：
GATCTCAGGA ATNACATTTT CCAACAGACC AAAAAATGTT TTCATGTAGC AGCAATGCAG 60
ATTTGGTGAA TATTTAATAT ATATTTAAGT ATGTATTTCA CTTTATNACT GACAATNAAA 120
AAATATTGTT TGGCCAAATA GTAAACACCC TTTTGAAACC AAA 163

配列番号：3275
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3847
配列：
GATCCCTTNG TTTGCTTAAT AAATTATAAA ATAATGGCTT GGAAAAGCAG GCTAGTCTAA 60
CCATGGTGCT ATNATNAGGC TTGCTTGTTA CACACACAGG TCTAAGCCTA GTATGTCAAT 120
AAAGCAAATA CTTACTGTTT TGTTTCTATT AATGATTCCC AAA 163

配列番号：3276
配列の長さ：164
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03848
配列：
GATCTGTTCT TGGTATTTNN TTTTGTTTTG TTTTGGTTTT TAAATGTAAT CACCCATTGG 60
TCAGGCCCAG GACTGGTCAC CATGAGCTCT GCTAGCCACG GCCCCAACGA TGCTTCCGGC 120
TCTCATGGAT TCCACAGCAA ATAAAACTGT GCTGACAACA GAAA 164

配列番号：3277
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03849
配列：
GATCTGGGGT CCCTAAGTCC CTCTCTTTAA AGAACTTCTG CGGGTCAGAC TCTGAAGCCG 60
AGTTGCTGTG GGCGTGCCCG GAAGCAGAGC GCCACACTCG CTGCTTAAGC TCCCCCAGCT 120
CTTTCCAGAA AACATTAAAC TCAGAATTGT GTTTTCAGCA AA 162

配列番号：3278
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03850
配列：
GATCCTAGGA ACTCCTATNT TCAGAAAAGA ATTTTNTTCC TACTATATAA TTACAGTATT 60
TAGCTGTCAA TTTTAAGATG AATTTGGTAG AGCCTTATAG TAAAGNATGT ATCTTGGTCA 120
CACACAAAGC TTGGAAAAAG TAAAAGATGT CTAAACCATA AA 162

配列番号：3279
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03851
配列：
GATCAAGAAG TAGCCGAGGT TGATAAAAAC ATAGAACTTT TGAAAAAGAA GGATGAAGAA 60
CTCAGTTCTG CTCTGGAAAA AATGGAAAAT CAGTCTGAAA ACAATGATAT CGATGAAGTT 120
ATCATTCCCA CAGCTGCTCA ATAAAGTACA AGAGCTTAAA 160

配列番号：3280
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03852
配列：
GATCGTGGGT CAGGGACACC GAGAGAGTGA GGTCACTTCC ACTTCAAACC TTCAGTGAGG 60
GGGTGGGATG GAGAGAATGC TGAATCTTTT TTTTNACGGG ATGGGGTTTT CNTCTTTGTA 120

ATTATNNCTT TAGTTTAATT AACCTTTTGG TTGTTTGTNC AATATTATAT ATNNNAN 177

配列番号：3281
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3853
配列：
GATCAGGACT ATAATATTGT ACAGTTATTA TAGGGCTTTT GGGGAAGGGG AGGATAGCGA 60
GAAGATGCTC TGGGGGTTTT GTTTTTGCTT TTCCTTCAGG GTTTTATTTT TGACTGTTTT 120
GTTTTCTNGT NGGCCATTTC TGTATTGCTG GCATCTGTGC TAAGCTTTAC AGTGGCAAAA 180
ATAATGACAT GTAGCAAAGA TTTTCAAACA AAATATTTTT NCCTTTTGTA AA 232

配列番号：3282
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3854
配列：
GATCGATGGT GGCGCTTTCT CCTGTGCCCA CCCGTCTTCA ATCTCTGTTC TGCTCCCAGA 60
TGCCTTCTAG ATTCACTGTC TTTTGATTCT TGATTTTCAA GCTTTCAAAT CCTCCCTACT 120
TCCAAGAAAA ATAATTAAAA AAAAAACTTC ATTCTAAA 158

配列番号：3283
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3855
配列：
GATCTCATCA CAAGATGACC AAAAGAGTTT GAACTGTGTG TGCTATTTAG AAGATTTAAC 60
TTTNATGTAT CTATAGATAC CACAGCTGTT GCTTCTAATA AATTTACCTA CCTTTNAACT 120
GAAAGTTTAA TAAAGCCAAA TCAATTTGAA ATACCAAA 158

配列番号：3284
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3856
配列：
GATCTGCCTC ACGTGCACTG TGGTGGCCGT GTGCTACGGC TCCTTCTACA ATCTCCTCAC 60
CCGAACCTTC CACATCGAGG AGCCCCGCAC AGGTGGCCTG GCCAAGCGGC TGGCCAACCT 120
TATCCGGCGC GCCCGAGGTG TCCCCCCACT CTNATTCTNG CCCTTTCCAG CAGCTGCAGC 180
TGCCGTTTCT NTCTGGGGAG GGGAGCCCAA GGGCTGTTTC TGCCACTTGC TCTCCTCAGA 240
GTTGGCTTTT GAACCAAAGT GCCCTGGACC AGGTCAGGGC CTACAGCTGT GTTGTCCAGT 300
ACAGGAGCCA CGAGCCAAAT GTGGCATTTG AATTTGAATT AACTTTAGAA ATTCATTTGC 360

TCAACTTGTT AGTGGCCACC TCTTATATTN 390

配列番号：3285
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03857
配列：
GATCTCAACA CCTATGCCTC CACGTAAATT ATTTTTTTCA GCCTTATTTC CCTCAAAATT 60
GTAGAGTCCT AATCTTCTTC TATCTTGTGG TGTGAGACCT TGGATAAGTC TCCCTTCCAC 120
CTTTTCCTAT TACTTAAAAT GGTGAATTTG CATAAA 156

配列番号：3286
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03859
配列：
GATCAGGTGA TTTGTAAAAT TGTATTTATC TGTACATGTA TGGGCTTTTA ATTCCCACCA 60
AGAAAGAGAG AAATNATCTT TTTAGTTAAA ACCAAATTTC ACTGTTCAAA NTATCTTCCA 120
ACTTATTTAT TGGGTTGTCA CTCAATTGCC CTGTN 155

配列番号：3287
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03860
配列：
GATCTTGCAA CTCCATTTCG GAAGACACCG AGGAAGAGGA GGAAGATGAA GACCAGGACT 60
ACAGCTTTCC TATATCTCCT ATTCTAGAGT GGTAAACTCT CTNTAAGTNT TCAGTGTTGA 120
CATAGCCTTT GTGCAAA 137

配列番号：3288
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03861
配列：
GATCAGTGGG CACAGTTCTT CAGCTACATT GAGACCCTGA AATAAACAAT NATATTCTNA 60
CTCGACATCT TGTCCCCAAT CCTTCCAAAA ATATTGATGG TGATTTGTGC TACCATTTAC 120
TCGTTTATTT AATAAAGACA TTCAATCCCA AA 152

配列番号：3289
配列の長さ：152
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03862
配列：
GATCAGNATT GTACGTATTC AAGGTGTAAA ATNTGATAAT TTGTCGTACA CGTACATTGT 60
GCAATAACAG TCACAATNAA TTCCTCAGCG CACCCATCAC CACGAATACG ATACATTAGA 120
TATTCTGAAC TTGCTCATCT TAGGACTTCA AA 152

配列番号：3290
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03863
配列：
GATCATAATA GTGACCAAAA TATACATGCA GACTTGTTTT TTATTATTGT TGTTTAAGCA 60
TAATTTAAGA AAAAAAATTT TTACCTGGTG AACTTGCTAT CTGCTCTGTT TCTAGTTAAA 120
ANATAATANA TNTTATCTNC CCTGTGCTGT AAA 153

配列番号：3291
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03864
配列：
GATCTTCTTT CTTTTTACAG GAACAATTGG CTTCTTTGCA TGCTTTTGGT TTGTNACCAA 60
AATATACAGT GTGGTGAAGG TTGACTGAAG AAGTCCAGTG TGTCCAGTTA AAACAGAAAT 120
AAATTAAACT CTTCATCAAC AAAA 144

配列番号：3292
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03865
配列：
GATCATGGTG AACTTACCAA AGCAAACAAT GCCTGTAAGA TGGTCCTGCA GCAGCCAACC 60
AGTGAACTCT TTTGGTGACA TCCTGTTCTT GTTGTATAAC TTTATATTCC TATAAATCCA 120
TTAAGGCCCC AATAAAGTTT GTCTCTAAGC GCTGTGTTAG AAA 163

配列番号：3293
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03866
配列：
GATCCAAAAT TAGAGCTCAT CAGANTTGTC ATTGAAAGTG TTAACAAAAG TAATATCAAA 60
TGACATTTGA AAAATATCCT TGTAAAATGA CTATATTAAT AGGTATAAGG NTTTTCCTTA 120

TTAATCTAAT AAAATNCCTT AATAGGAAA 149

配列番号：3294
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03867
配列：
GATCAGGACA CTTAGCAAAT GTAAAAATAA AATCTAACTC TCATTTGACA AGCAGAGAAA 60
GAAAAGTTAA ATACCAGATA AGCTTTTGAT TTTTGTATTG TTTGCATCCC CTTGCCCTCA 120
ATAANTAAAG TTCTTTTTTA GTTCCAAATT TNAGAAA 157

配列番号：3295
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03868
配列：
GATCCGNTAG GAGTAGTAAA TGNGAGACAC AATNGCTTGA TTATACCTCN TATNTGGTTT 60
AGCTTCAGTA TTTAAACAAG GAAATAAACT TGAAAATTAT TTGTCATCAT AAAAATGAAA 120
CAAANTAAAA TATTTATTGC CAGGNAAA 148

配列番号：3296
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03869
配列：
GATCTCAGAG GCTCAGAGAC TGCAAGCTGC TTGCCCAAGT CACACAGCTA GTGAAGNNCA 60
GAGCAGTTTC ATCTGGTTGT NACTCTAAGC TCAGTGCTCT CTCCACTACC CCACACCAGC 120
CTTGGTGCCA CCAAAAGTGC TCCCCAAAAG GAAGGAGAAT GGGATTTTNN TTTTGAGGCA 180
TGCACATCTG GAATTAAGGT CAAACTAATT CTCACATCCC TCTAAAAGTA AACCTACTGG 240
TTAGGAGCAG CAGTGTTCTC ACAGTGTGGG GTCAGCCGTC CTNCTTNATN NNNGGCCAAT 300
GGNTATTGAC ACGTGTNCNN NGTTTGGGCA GN 332

配列番号：3297
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03870
配列：
GATCTNCTGT CCTCCTTTCA CTACATACCA ACAACCCTCT GGCATTAAAC TTCCAGTGAT 60
AGTGCTATNA ACTTTGTGTC CTCAGGTCAA CAAGGGACCT CAGTAATTNG TTCTNTACAT 120
AAGTATATAT ATGGGTATTA NTNNGTN 147

配列番号：3298
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03871
配列：
GATCGCCCTC TACATGGCTT CGCAGCCCAA AAACAAATNA GTTAGGCTGC AGAGGACTGG 60
TTTGTTTTTT GGCATAAACC CTTTGAAGTT CCTTTTTCAT TGTTAAATTA AAATTTTTTT 120
NTTNACTTGG ATGGCTTAAC ATTTTTNCAA GAAAANTNGG AAGNTATGAA GATGNTGTTT 180
TGGTTTGTTT ATGAAANGCA TATGGCTTGN CAGAGCTCAT TCGACAGTTA AGGCCATTGT 240
TTAAAGAANC GGTGCTTTGC TCTGTGTTTG TNCTCCTGAT TTCCCTGGAG GTTCTGGATG 300
AGGGCTGANC ACAGGCTTNG TTANTGTNCA GTCTGTGCTG GGGGNCCTCA GGGGN 355

配列番号：3299
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03872
配列：
GATCACCAGG GTCAGTTTNT TTAATAATGG TTTCCAACTG GCCTAATACA TTAAGTAAGA 60
NTGGNTGATA ACATGACCAG ACAGACATAA AGACCCTGTT GGGAATNACA TTGAACTCTC 120
AAAGTCAAGA TTTNTTACAC AANTNTN 147

配列番号：3300
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03873
配列：
GATCCGCTAC TAAAAGTAAA AATAACCGGT TTGTAAAACA TTAAGAGAAA AANTAGGATA 60
TTTAATACAT GTGGTGAGTG GAGANCAGGG TAACTTTAAN TNAAAGTTTA AGGCAAATTG 120
TAAGCNCCAC AAGANATATC ANATTTN 147

配列番号：3301
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03874
配列：
GATCTAAAAA AATTAAAAAG AAATATGAAT GAAAGNAAAA AAAATGCNAA AATNAGCAGT 60
TTCCTGGAGG AGCAGTTCCA GCAGGGCAAG CTTNTTGCTT GCNTCGTTTC AAGGCCGGGA 120
CANTTTGGCC GAGCAGATGG CTATNTN 147

配列番号：3302
配列の長さ：147

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03875
配列：
GATCATNTTA TTTTACAATC ATTTATAATG AATNAATGTT NCAGTTAGCT TTAAAAGGTA 60
TACGGTGCTA ATNAGTAAAA TATTGAAGGC AATATTTTAC TGCTAGCTTG CAAAGTTATG 120
AGAGTTTAAA AAATAAAATA TATGAAA 147

配列番号：3303
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03876
配列：
GATCTAGGGT CCTGGGTNTC TTGCATTTAT ATGTCAGAAA AGGGGCGATA TGCTGCTGAG 60
GGGTGAGTGC ATATAANTNT GGCCCTGAGG ACCAGGGCTG GCAGATNTTG TCTACCTGCT 120
GAAGAATAAA ANATTTCTTT TGGTAAA 147

配列番号：3304
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03877
配列：
GATCTNACCC CCAGCATGAT TGTATTTCTT TCCCCTCCAG TCAAACCGTA ATACAGTTTC 60
CAGAAAATTC GACAGTCTGC AATGCCAAAA GGGTAAAAAT CTGTATTTCA CAGTTGTATA 120
GAATAAAGGC TTTAGTTAAA ATATTTCAAA 150

配列番号：3305
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03878
配列：
GATCTAAAAA TAACTGTAAT TATTTAAATG ACTAANAGGA AAGTACATTT TTTAAAATNC 60
TGAAAATTGC CTTNNTGTGT TTATNCAAAC TGAAAAGCTG AGACCAAGAG CAAGGAAGGT 120
AAAANGTTAA CAGGCAAACA TTTNCN 146

配列番号：3306
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03879
配列：
GATCCTCACC AACCTAAGCA AGAGGAAGTG CCCCTCTCAA CCTGTGCGGG NTGCTGCGTC 60

CCAGGACTGA GACGCAGGCC AGCCCCGGCC CCTAGCCCTC AGGCCTTCTT TNTTATCCAA 120
ATAAATATTT CTTAATAAGG AAA 143

配列番号：3307
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3880
配列：
GATCAACAAG AGCACTGTAC TCCTGGCAAT NATTACATAT GTNAGAACAT GGATTTTGCA 60
CTGTAGACAA CATTTAACAC CAGTCTATGG GGTACTGCAT TGCTTTTNAT AAAGTTCAAA 120
ATAAAGATTT ATTTTCAAAC AAA 143

配列番号：3308
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3881
配列：
GATCCCTTTA CTGGAGCCCA GTATGTGCTG TGTGAGTTAG AAGTCATTCT TGCTGAGAAG 60
GTGAATAGGT AGGGATTTGC CTTGTTTTGT AAGTCTACAA TTTGCCAAGA GTAAATAACA 120
CTGGACCAGC TGTAAAAGTA AA 142

配列番号：3309
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3882
配列：
GATCTGCACA TTTAATCGTG GCTGTTTCTG TATAGCCTAT ACTGCATTAG CCNAAGANAT 60
TGTTGCTTTG TAACTTTTTG CACTATTGTT TTGGCTGGAT TTGTATTACA CACAGTTTTA 120
AAAAAAACAA TTCCACACTA AA 142

配列番号：3310
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3883
配列：
GATCCCTAAG CCCCCCAGCT GTAAATAGGC TGTGGCCAGT GCCTGGTCAT NAGAAGAGNG 60
AGGAGGAGCC CAGGCGTCTG TTTATGTATT TATTTATTTA TTTATTATAC CTATTAATAA 120
AAAAGGTGCT CAGCCTCCAA A 141

配列番号：3311
配列の長さ：139

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03884
配列：
GATCTTGGCC TTCGCAGTGC CCAGTGATGG CATTACTCTG CACTATAGCC ATTTNCCCCA 60
ACTTAAGTTT AGAAATNACA AGTTTCAGTA ATAGCTGAAC CTGTTCAAAA TGTTAATAAA 120
GGTTTCGTTG CATGGTAAA 139

配列番号：3312
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03885
配列：
GATCTGGAAG ACAAGTAACA TCTTCCTTTT NTTGGTGCTC GCCTGCCGTG CTCTAGGTGC 60
TTTTAGAGAT GCTGGTCTGT GTGCTAGGGA AGCGATGAAC CATACTGTTA GTCTATTAAA 120
CATAACTCAA CCTGGAAA 138

配列番号：3313
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03886
配列：
GATCTATCTC TGTGTCCAAG TCTCCTCTTT TTATAAGGAA ACCAGTCATA ATGGACCCAC 60
CTGAATNACC TCATTTTAAC TTGATTACCT CTGTAAAAAA TGTATTTCCA AATAAAGTGA 120
CCTTATGAGG TATTGAAA 138

配列番号：3314
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03887
配列：
GATCAACAAA TCTCCTAGGC CTNTNACCAC ATACATTTAC ACCNACTACC NCAACTATCC 60
ATAAATCTAA GTATAGCCAT TCCACTATNA GCTGGAGCCG TAATTACAGG CTTCCGACAC 120
AAACTAAAAA GCTAAA 136

配列番号：3315
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03888
配列：
GATCCCACCT TCAACACCTT ACAAGTAAAG CCAATGAAGN ACAGTTGAAA CATGCAAAAT 60

ATGGNGCTTT TCATGTAATT ACTCTTTTAC TGTTTACCAT TCACTATAAT TCACAATTAA 120
AATTGTGTGN CTANACAAA 139

配列番号：3316
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3889
配列：
GATCTGTGTA GTTAATGTAT TTATTAATGC TTGACTTTTA AAATCCTGGG CATAAATAGT 60
GCAGAGCCTC GTATGTTTGT CAGTTCATGC CGAGATGAAA TAAATCACGC AGAAAGTGCC 120
AGTCCTCCTG AAA 133

配列番号：3317
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3890
配列：
GATCTGTGGA GTGTGTGTTT CAAAGAGAGA ACTACAGAAA TNTTAAAGCA GGAAAACCTG 60
AATGTNATGT GCACATTTTC ATCCCACATG GACAATGTAT GTGTTTTAAT AAATGGAATT 120
TTCAGATTCA AA 132

配列番号：3318
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3891
配列：
GATCAAATGT GGGCCCGTTT TTGGCCGCCG CCGCCCTGCC CCGTCCCTNC GGCCACCACC 60
TAATTANTTG CCGTGCTTCC TGCTGCTGTA ACTGCTTTNT TACCTTTCCA ATAAAGANTT 120
TCTTGGTTTA AA 132

配列番号：3319
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3892
配列：
GATCATTATT ATTGTAATAG TCTCATGTTT AAATGGGATT ATATAATGAN AACAGTTTAA 60
AGAAAATNAT AATCTTATAT NTCAAATGTG GATGCATATA ACCTGTNAGT GAAAAANCAC 120
TGANTGATTT AN 132

配列番号：3320
配列の長さ：131

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3893
配列：
GATCATATTG CTGTAACTTC TTTTAAGTAG TTGATGTGGA AAACATTTTA AAGTGAATTT 60
NTCAAAATNC TGGTTTTGTG TTTTATCCAA CTTTTGTGCA TATATATAAA GTATGTCATG 120
GCATGGTTAA A 131

配列番号：3321
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3894
配列：
GATCCTCAGT GTAGTTCTGA AACTAAGACT ATAGATATTT NNTTTCTTTT AATTTGTCTT 60
TATACTAAAG AATCCAGAGT TGCTACAATA AAATAAGGGG AATAATAAAC TTGAGAGTGA 120
ATAACCATAA A 131

配列番号：3322
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3895
配列：
GATCTTAGAG TTTGCACAGC TTAAAAAAAT GGAAATATTG GAATCTGAAT CCAAAACAGC 60
CTGACTCAAA ACAATGTNCT TNCCATTATG CAAGGGAAAA AAAAAANGGT TGGGTNTCAG 120
NGNGAGGGTA N 131

配列番号：3323
配列の長さ：433
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3896
配列：
GATCATAGTC TTAGGAGTTC ATTTAAACCA TAGGAACTTT TCACTTATCT CATGTTAGCT 60
GTACCAGTCA GTGATTAAGT AGAACTACAA GTTGTATAGG CTTTATTGTT TATTGCTGGT 120
TTATGACCTT AATAAAGTGT AATTNTGTAT TACCAGCAGG GTGTTTTTAA CTGTGACTAT 180
TGTATAAAAC CAAATCTTGA TATCCAGAAG CACATGANGT TTGCAACTTT CCACCCTGCC 240
CATTTTTGTA AAACTGCAGT CATCTTGGAC CTTTTAAAAC ACAAATTTTA AACTCAACCA 300
AGCTGTGATA AGTGGAATGG TTACTGTTTA TACTGTGGGT ATGTTTTTGN NTTACAGCAG 360
GTTAATGCTT TCTTTTTCCA GGTCGNCCTT TGAGGATTNA GGGAAAATTA NATAACTCTT 420
TGTACAGTTC AAA 433

配列番号：3324
配列の長さ：129

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03897
配列：
GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTATAG GTGNNAGCCA CCGCGCCGGG 60
CCGGTTGCTG GCATCTTAAT GTTCTGTAGG TGGAATATTT CCAATAAACA CAAGGTGCCG 120
TAATTGAAA 129

配列番号：3325
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03898
配列：
GATCTGGTAA ACTTNNAATC AATTAAATTA ATGCANCAAT AGATTATNAA TATTAACTGA 60
CCATTTAAGT TTTTNAATAA GTTTTTTACA AAGAAAAGTT AAACATTAAA AAGAATTACA 120
GCTTTCAAA 129

配列番号：3326
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03899
配列：
GATCTGGAAA TNTTTTAATC AGTTAAATTG TGCAGCAATA GATTTTTAAC TTTAACTGAC 60
CATTTAAGTT TTTNAATAAG TTTTTTACAA AGAAAAGTTA AACATTAAAA AGAATTACAG 120
CTTTCAAA 128

配列番号：3327
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03900
配列：
GATCCTGTAG TGCCTCTATA GAAGTACCCA CAGAAAGTAA AGTATCACAT TTATAAATAC 60
CAAAGATGTA ACAATTTTAA AATTTTNTAG ATTACTCCAA TAAAGTGTTT TAAGTTTTCC 120
TATGAAA 127

配列番号：3328
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03901
配列：
GATCCATCGC GATACTATGT GTGCATTATT TGAAAGTTAT TGGAAATTTT ATTCAAACCG 60

TGGAACAAAT GTATGTNATT TTTTTATACT TCTTAATTTA AATAAAATAT TTAATGCACT 120
ATTAAAATAA A 131

配列番号：3329
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03902
配列：
GATCAGCCCT TTGTACAGAA AAATGTGTCT ATAAAAATTA TGTGTTATTT AATTCTGATA 60
CTTTTTGGCT TGTAAATAGC TTCTTGAACT TTTTACAATA AAAATGTTTT AGAAACTGTT 120
AAA 123

配列番号：3330
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03903
配列：
GATCATGACC GGAACATGGN CTGGGTTTCC ACCCAGCTCC AGGCCACATG CAATGTCCAC 60
AAGTNTGCCT TCAATNACTG GTTCAGTGGA CACCTCAACT TCCAGATTGA GCACCATCTN 120
NNN 123

配列番号：3331
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03904
配列：
GATCGATTCA ATGCCCGATG CTTCTGTTTC ATTCCCGACC CTTTCTACTA TGCATTTCCC 60
TTTTATCAGG TGTATAAAGT TAAATACTGT GTATTTATCA CTAAAAAGTA CATGAACTTA 120
AGNGNAAACT AAGCCTTTCG TGTTTTTCCA NAGGNCNGCN NGGCTTCTNT GTACAGTTGG 180
AATAAACAGA CAGCAAAATG GTAAA 205

配列番号：3332
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03905
配列：
GATCCTCAGG CGGCCCCCAC CAGGGCACAC CCTACTGTCC TTGTGCCTCA CGCCCCCTCC 60
TCATCCTGCA CCCCTTCCAT CCCACCTTCC CTTTCAATAA ACAGCTGGGA TGGATACTGA 120
AA 122

配列番号：3333

配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03906
配列：
GATCTGATTT TTTCCCCCTT TACCTAGCTG TGCCCCCTCT GGTTATNTAT TTCCTTAGTG 60
CCAGGAGGGC ACAGCAGGGG AGCCCTGATT TTAAATAAAT CCGGAATTGT ATTTATTAAA 120

配列番号：3334
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03907
配列：
GATCACCAGT GCATCCTTCA TCACAGCATG TGCAATATGC CAAGATTACC CTCGGTCATT 60
CCTGTCAACA AGGGGTCAAT GTCATAAATG TCACAATAAA ACAATCTCTT CTTTTTAAA 119

配列番号：3335
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03908
配列：
GATCCATGAG GAAAAGATGC TCTCCCACCT AAGGCCAGGA ATCTGAGAGC AGGACTGGCT 60
GAGCTCCCAG GGCAAGGGGT TCACTAATGC TTATCAATAA AGAATATTGA GCCTGGAAA 119

配列番号：3336
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03909
配列：
GATCAGATTG CATGTNACTC TNAAGCTGAC GAACTTCCAT GGCCCTCATT AATGACACTT 60
GTCCCCAAAT CCGAACCTCC TCTGTNAAGC ATTCGAGACA GAACCTTGTT ATTTCTCAGA 120
CTTTGGAAAA TGCATTGTAT CGATGTTATG TAAAAGGCCA AACCTCTGTT CAGTGNNNNT 180
AGTTACTCCA GTGCCAACAA TCCTAGTGCT TTCCTTTTTN AAAAATGCAA ATCCTATGTG 240
NTTTTAACTC TGTCTNCACC TGATTCAACT AAA 273

配列番号：3337
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03910
配列：
GATCACCATG AACAAAGNTA TATTTCCTAT TTATTTATTA TATGTGCACT TCAAGAAGTC 60

ACTGTCAGAG AAATAAAGNN TTGTCTAAAT GTCATGTTGG AGATNCCTTT GCATNCTTN 119

配列番号：3338
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03911
配列：
GATCAGGACT TCAAGGGCCA GACCACAGAC TACTTATAGG AGCATCTTCA AGGCGGTCAC 60
AGTGAAAACC TTGAAATGGC CTTTTTNAAT ATATATAANT AANTGTNAAT ATTATTNN 118

配列番号：3339
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03912
配列：
GATCCAAATN ATGGCCACAG ATGAACTTCC ATGCAAGCNA TGGCTGAGTT TCATTGCTTA 60
AAATNCTCCT CTGTTTAGAG GGGCCTGGTA GAAATAAAAA CCCACCCTAT ATCTTAAA 118

配列番号：3340
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03913
配列：
GATCCTCCTG GCCGCCCCGC AGGTCTNTGG AAGGGCTGGA CGGCAAGTCC GTNTAGCTCA 60
CGGGCCCCTC CAGTGGAATG GNTCTTTCCG GTGGAGATAA AAGTTGATTT NCTCTAAA 118

配列番号：3341
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03914
配列：
GATCCCAGGT GCGTGTNTCT CTGTCTCTCC TAGCCCCTCT CTCACACATC ACATTCCCAT 60
GGTGGCCTCA AGAAAGGCCC GGAAGCGCCA GGCTGGAGAT ANCAGNCTCT TNCCCGTCGG 120
CCCTGCGTCG GCCCTGGGGT ACCATGTGGC CACAACTGCT GTGGCCCCCT GTCCNNAAGA 180
CACTTCCCCT TGTNTCCCTG GTTGCCTCTC TTGCCCCTTG TCCTGAAGCC CAGCGACACA 240
GAAGGGNGNG GGGCGGGTCT ATGGGGGAGA ANGGGAGCGA GNTCAAGAGG TGGGCATGGG 300
TTTGGNAAGG GTNGGCGTTT GGGGGGCCTN TNATGNTGGC TTTTTCAANC N 351

配列番号：3342
配列の長さ：117
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3915
配列：
GATCATGCCG CTGCACTCCA ACCTGGGCAG CAGTGCAAGA CTCTGTCTCA AAAGGGGAAA 60
AAAAAAAANT TNCTGATGTG NCCCATGAAG GGACCTCATT TNCCTCGNAA TTTTGGN 117

配列番号：3343
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3916
配列：
GATCGGCCGT ACCAGCCGCC CCGCCCGCCG GTGGGCGCTC TCGGACTACT CGCTGTACTT 60
GCCGCTCTGA GTCAGTGGCC CCTTCGTTCC TTGTAAATAA ATCCCGCCCC CGGAAA 116

配列番号：3344
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3917
配列：
GATCCAGACA AGTGGGAGAG CCCGTGGGGG CAGGGGACCT GGAGCTGCCA GCACCAAGCG 60
TGATTCCTGC TGCCTGTATT CTCTATTCCA ATAAAGCAGA GTTTGACACC GTCAAA 116

配列番号：3345
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3918
配列：
GATCTCATAA GAAATGTAAT ATGTAAATAA TATCTTGCTT TATGTTGTAA AATATACATT 60
GTTTGCNCTA GAATAGAAAT AATTTCTTTT CAATAAAAAG AAAGAAGGAC TCTAAA 116

配列番号：3346
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3919
配列：
GATCGTTGTG TTGTTATTTT ACTGCACTTT TTACTTTTTT NCGTGTGGAG CTGTATTCCC 60
GAGACCAACG AAGCGTTGGG ATACTTCATT AAATGTAGCG ACTGTCAACA GCGAAA 116

配列番号：3347
配列の長さ：116
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03920
配列：
GATCAAGGCC AAATAACCCG ATTTGGTTTG GGCACTCAAG CAATAGTAAA GCCTGTAAGA 60
CATGATAGGA TTATNTTCCC CTTTGGATTT AAATNTAATA TAGCAGTTGG ATTAAA 116

配列番号：3348
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03921
配列：
GATCCTGTAG ACCCTTTCTT TTGGCCAATT TCCCCCTTTT TGGGATGGAA ACATTTACCC 60
AATCCCTATA CCCCCATTGT ATCTTGGAAG TAAATAATTT GTTTTTGATT TTAAA 115

配列番号：3349
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03922
配列：
GATCTCTTCA CTGTNAAAAG TTGCCCGGGT GCAGCGCCTT TCCCTTCTAN CATGGGAAAT 60
GCAGGCTGGG CCCTTGGGNT NAGCCTGCGG GGCTCTGGTG CTGTCCCCGA CCCNN 115

配列番号：3350
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03923
配列：
GATCCACTGT TTGCAGCAGA ATTATATATA TGTATAGGAA AAATCCACTT TGAATAATCC 60
ATGTTTTGTA TTTGGAAATT GTTTTTAAAA ATAAAAAGGA AAGGAAATAT AAA 113

配列番号：3351
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03924
配列：
GATCTAGGCA GTGGGTTAAG CCAGACCCCT AAAAGTGACC CTTTCCTCTT CTGCCCTATT 60
CTNCTNAGAC CCTCAGAAAG NNNTCCAATT TTTTAAAATC CCTGTAGCTC CAN 113

配列番号：3352
配列の長さ：117
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03925
配列：
GATCTGATGA ATTGGTTTTT GAATCCCAGA AANGGTCTGC CATGGAGTTG GCAGTCATCA 60
CGGTAGATGG CGTATGATTT TCCTGAATTT TAAATAAAAT GAAAACCATA AATTAAA 117

配列番号：3353
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03926
配列：
GATCAGAGCT GTTAGGTAAA GGCCTAACCA CCTCCCTGCA GNCTCTTAAN TCTCAAGCTT 60
TAGGAACCCA TTTCTAAANG TACACTAGCG GAGANTTTAT ATTGTCAGCC NN 112

配列番号：3354
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03927
配列：
GATCACGGTA CGTCCATAAA GCCAGTATTA CACTTAAATN NAGTATTCTT TTTTGTAATC 60
GTTTTTTTTA GAAGGTAAAC AAATTTAATA AAGCTACCAA TAATGTTGAA A 111

配列番号：3355
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03928
配列：
GATCTAGAAA NTGCCCTCCT TATACCCCTA CCATGAGCCC TACAAACAAA AAACCTGCCA 60
CTAATAGTAT GGTCATCCCT CTNANTAAAN CATCATCCTG GCCCTAAGGN N 111

配列番号：3356
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03929
配列：
GATCTTTGCA ATTNAAGGNT TAGCCACGTG GCTTGCTTCA GCNAGTAATG TGAATGGAAA 60
TAACGTGTAT CANTGCTGGA TAGAAAACTT AANAGCCAAC ACATGGTTCC N 111

配列番号：3357
配列の長さ：110
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3930
配列：
GATCCCGTAG AATATATATT TAATAATCCC ACAAACGGAG GCCAGACTTC TGCGTTAACT 60
TCAGTAACAC AAGCTTCTTT AAGCCAAATA CATCACTTGC CACTACCAAA 110

配列番号：3358
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3931
配列：
GATCTCCGTG GTGGTCGTGG GCCGCCAGGT GAATNANCCC CACATCCGCN TCCTGGTCAC 60
CGGCAAGACG GCCGAGTACG ACGTGGCCTA CGGCGAGAGC ACCTNTNCCN 110

配列番号：3359
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3932
配列：
GATCCTTCGA AGCACTCAGT TCACTCTTCC CCACCACAGT GGTTAAAAGG CGTTTGTATC 60
TGCCACTATG TGTGTGTTTT AAAATAANCT TTTGGAAACA TGTTTGGNGN GNAAA 115

配列番号：3360
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3933
配列：
GATCCACTAA TGTAGCTTAA GGTTATTAGN TTTGGGCTTT TAATCATGGN ATAATCTTAT 60
GTATTGGTGT AAGAGTTGAT GAATGACTTT AGCTGTGTGA ATATATAATA GTCAAACTGC 120
AAACATTTTG CATCCCTTTT GTGACCTAAT TTACAGNCAT TTAAATTGTG TTGCAGTTCT 180
GCTTTGCCGT TTAATAAAAA GCTATTTCAG NAAA 214

配列番号：3361
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3934
配列：
GATCANAGAT TTCAATNACA GTGCAGGAAA GCAGCACTGA GAAACTTTTA ATTGTNTTNA 60
ATTTCTNCTT TAATGTTCAC ACCACCACAT TCCCATTCAC TTTAATTTTN 110

配列番号：3362

配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03935
配列：
GATCTTCCCC TGACCTGCTC CCAGGGCTAT AACAGATACG GACTTTGAAA CTGTATGGAG 60
TATAGAGCAG TGCTCTATAA TTTAAAATAT ACATATATTG CAACCAAA 108

配列番号：3363
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03936
配列：
GATCTTCAGC TTGGTAGATT TAATTGCCCA GTGAATGGCA CTTACGTTTT CATTTTNNAC 60
ATGCTAAAGC TGGCAGTGAA TGTNCCACTG TATGTCAACC TCATGAAGAA TGAAGAGGTC 120
TTGGTATCAG CCTATGCCAA TNATGGTGCT CCAGACCATG AAACTGCTAG CAATCATGCA 180
ATTCTTCAGC TCTTCCAGGG AGGCCAGATA TGGTTACGNC TGCACAGGGG AGCAATTTNT 240
GGAAGTAGCT GGGAAATATT CTACGGTTTC AGGCTATCTN CTTTTATCAA GGTTTGAATG 300
TCAGTNCAGT NTTTGACNAC TAAAAGGNNT NGGGGTNCTA ATTANGTNGG GTTTGAAGGG 360
TAN 363

配列番号：3364
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03937
配列：
GATCTGGGGA GTNTNAGGAG AGGGTGGCAT CAGNAGCTGC TCAGGCTTGG CGGAGGGAGC 60
GGCATGGCCG ATGTCACTCA GCCCCTTCCC GGTCCGCCCN NTTCCN 106

配列番号：3365
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03938
配列：
GATCGTTTTT TCCAGAGTCG CGGGGACACA GGAGTNTTCC TACAGTACAT NCACGCCCGC 60
NTCCACAGTT TGGAAGAGAC TTTTGGATGT GGGTACNTGA NTGAN 105

配列番号：3366
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03939

配列：
GATCATCTAA AAAATGCCAT GANTGGAAAT NCGAAGGCCC AGACACCAAT ATTTCNTAGA 60
AGTAAACAGC TCAAAGACAC TCTCCTATCT NAGGAAATNA ATGTN 105

配列番号：3367
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03940
配列：
GATCCAGTGG GGTCCGGACA CTGGGCCCCG CAGCGAAAGC ACGNTCCAGC CACCAGGAGG 60
CCACCTATTN TTTCAAAATA AAGACTGCGT TCCTCTCTTG GAAA 104

配列番号：3368
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03941
配列：
GATCAAAAAA GAAGAGTTAA AACAACACAT GTAAATNCCT TTTAATATTT NATGGGAATG 60
CCTCTCATTT AAAAATAGAA ATAAAGCATT TTGTTAAAAA GAAA 104

配列番号：3369
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03942
配列：
GATCCTTTAT CTTTCCATAT GGCACACGTA AGAAAGTGTT TTTCTACTAT TAATATTAAA 60
TTAAAACCTT TACTTNTGTA TAATAAATNA AAACTCAGAA TAAA 104

配列番号：3370
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03943
配列：
GATCTGGAAG AGGCTTGTAA CCTGAACTAN TATGTAGGAA GGCAGTACNA NCAGCCCACC 60
AGTGTAATCT CCCTGNATTA AGGCATTCTT AAAAACTTAG GCNN 104

配列番号：3371
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03944

配列：
GATCCGCTCT GGTCAAACCC TTCCAGGCCA GCCAGAGTGG GGATGGTCNN TNACCTGCTG 60
GGAAGGCANN CTGATGGGGC ACACCCTTGG CCTCTCGTCC ACGN 104

配列番号：3372
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03945
配列：
GATCAAAATT TNTTGATAAT TTAAAAATTG TGTGTGATTT TNAAATTTNA AGAAATTGCT 60
GAAAACTTAG AAAAATATAA TGGTATACAT ACAATAGNNA AA 102

配列番号：3373
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03946
配列：
GATCAATAAT TTAAATGTAA CTAGTTGGGA TTTTATAGTT AAAATNATAT TTGTGTATAT 60
AACATAACTA ATCTGTAAAT NGTAATAAAT ATATTTNCAA TTAAA 105

配列番号：3374
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03947
配列：
GATCATTTAG TACTTTTGTN TTCTCCCATG TGCTTGAAGG AAAAATAAAG TGTCACTACC 60
GTATTTNTTG TTTTCATCAA AAAATAAAAA TAATTTAAA 99

配列番号：3375
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03948
配列：
GATCTTTAGC ACAGTGATAT NACCATGACT TCACAGACAT GGTCTAGAAT CTGTACCCTT 60
ACCCACATAT GAAGAATAAA ATTGATTAAA GGTTAAA 97

配列番号：3376
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03949

配列：
GATCAATAAT AATNAGGAAA GCATGATATG TATATTGCTG AGTTGAAAGC ACTTATTGGA 60
AAANATTAAA AGGCTAACAT TAAAAGACTA AAGGAAA 97

配列番号：3377
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3951
配列：
GATCCCCCTC CTTCCCCCTC TCCCCATTGT ATTTATTTGC CTGCTGGAAA ATNACATCCG 60
GAAATAAAAT AGAAATATGT CTTTTNATTT TAAA 94

配列番号：3378
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3952
配列：
GATCCTAAAC TTTTTGGATA ATCTTTTATA TTTNTAACCT TTGAATTTAA TCATTGTNCT 60
NAGATTAAAA TAAAANATGC TATTGAAACT AAA 93

配列番号：3379
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3954
配列：
GATCTGGAAA TCCCTGCTGT AATCTTTTTA AGGGAATCCA CTGGAAATAA TTAGTTTTTG 60
TTTTAAATAA AACCATTCCT TACTTAACAA A 91

配列番号：3380
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3955
配列：
GATCTATGGC CTCTGGTGCT TTGTCCTGTA TTTGGTTTAA TNTTTTTGTC CTAATCTCTT 60
CAATCAATAA AATTGTGCGT ATTTAACTAA A 91

配列番号：3381
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3956

配列：
GATCAACTNA ATGTTTAAGA CTTTAGATGT CTTGTATTAA AAATTACACA AAAAAAGTAA 60
AACTTTTTAT ACTTACCCTT TTAACTCTAA A 91

配列番号：3382
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3958
配列：
GATCTCTGTA ATNTTATNTA GAGTTTGAGC TGAAGCCCCG TATATCTAAT NTATTTTGTT 60
AAACATGAAA GTGCATCCTT TCCCTCCAAN 90

配列番号：3383
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3959
配列：
GATCATACCT ATTAAAATAA TGCCAAACAC CAAATATGAA TTTNATGATG TACACTTTGT 60
GCTTGGCATT AAAAGAAAAA AACACAAA 88

配列番号：3384
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3960
配列：
GATCAAGAAG ACGNNTAAGG GAAGAACGTA CACAGTGAAA ANCCAAAAAA AGAAAAAAAT 60
GTTTATACAA CCCTAAGTCA ATAACCTN 88

配列番号：3385
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3961
配列：
GATCTAGGCA CACCTNGCTC TTNGCTGCAT GTGGTTATNA ACANCTTCCA GTGGAAGTCG 60
AATAAACAGT TTTTGGTAAA TCTCAAA 87

配列番号：3386
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO3962

配列：
GATCCTGCCC TGAATCTCCA TAGTCTCCAC TGTGAACTGA GGAGGGGAGG GGTGTGCTGG 60
GGAATAAATC TTGTATGAGA ACAAA 85

配列番号：3387
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03963
配列：
GATCCATTTA NAGGCCAAAT NTCATTCTGC AGGTGCCTTC CCGATGGATT AAAGGTGCTT 60
ATNTTTTTTT AAGTTTNAAG TAAA 84

配列番号：3388
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03964
配列：
GATCGTGTTC ATTTTGNTTT CCGATTCTAG ATATAAGTTT TGNATGGGCA GGAAGACTAA 60
AATAAAAGTT TTTAAGGTAA A 81

配列番号：3389
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03965
配列：
GATCTCCAGA TGTAATTTCC CCTCTTTAAT TTAAANTAAT NTAAAGATTA CTAAAACAAT 60
AAAANCTCCT AAAAANTCAA A 81

配列番号：3390
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03966
配列：
GATCTTTCTT TCCAAAACAT TTCTGGACAG TACCTGATTG TATTTTTTTT TTTAAAATAA 60
AAGCACAAGT ACTTTNGNGN TTGTTAAA 88

配列番号：3391
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03967

配列：
GATCCCCCCA CAGCCCCTGG TCAGTCTGCC CTTGTCACTG GTCTGAGGTC ATTAAAATTA 60
CATTGAGGTT CCTAAA 76

配列番号：3392
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03968
配列：
GATCACAATC ATTTTGAATC CCTCTTCCTC ACTTTTTTTT CTAAGAAAAT AAACATTTTA 60
CTGTTTTTAT GGAATAAA 78

配列番号：3393
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03969
配列：
GATCACAGCT GACATTTACA AAATATTTTT NTACCTTAGA ATTTCTGCAT TAAATAAAAT 60
ATTTTGTTTT AAA 73

配列番号：3394
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03971
配列：
GATCTTTTGC TAATGCAATT AGNATTATGT TTTGCATGTA TGACTTAATA AATCCTTGAA 60
TCATAAAA 68

配列番号：3395
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03972
配列：
GATCCTCTAA ATNTGGAATT TTGATGTAAT AACTGCTAAT AAAATNATAT TGAAACTGTT 60
TTATAAA 67

配列番号：3396
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03973

配列：
GATCAAAGCC CGGAAAGGCA AATGAAGCNT CATGTGTAGT GTAATAAAGN TGTCTGCTGT 60
TCAAA 65

配列番号：3397
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03974
配列：
GATCGAAGCC TGTGTAAAAT GCTACCAAAT GGCAAAAAGC AACAATAAAC AGTTTGATTT 60
TTAAA 65

配列番号：3398
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03975
配列：
GATCCCCAAT ATATCTACCA TTGTATGTTA AATAAATNAC CATTTTTGTA GAAAAAATTC 60
TAAA 64

配列番号：3399
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03976
配列：
GATCTGTAAA TNACTTTAAA AGCTATTTTA GTAATTTAAA TAAATTTACT TTCTTGGTTT 60
ATACTCTCAA A 71

配列番号：3400
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03977
配列：
GATCTCTATA NTTTTTTTTA AATTTTCTCC AGCCTGGGTG ACAGAGCGAN ACTCCGTCTC 60
AAA 63

配列番号：3401
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03978

配列：
GATCTCCTGC TGCCTTTCCT GGAGTTTGTA AAATTNTNCC TGAATACAAG CCTATGCGTG 60
AAA 63

配列番号：3402
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03979
配列：
GATCCAAGCA TAGTAGAAAA GCTTCATGTG TTTTAAAAAA TAAACAATAA CAAAAAATTA 60
AA 62

配列番号：3403
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03980
配列：
GATCATGTGT TCTGGAGAGT GTTCTTTATT CAATAAAGTT TTAATTTAGT ATAAACATAA 60
A 61

配列番号：3404
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03981
配列：
GATCTAATTT TTCAAACCTT CACTATTTTG AAAATATAAC CAAGGCCGGT TGCGGTGGAA 60
A 61

配列番号：3405
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03982
配列：
GATCATGAAA CTGATTGTAA AGCTTTTTGA CAACTAATAA ATGTCTTGGT AATTGCTAAA 60

配列番号：3406
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03984
配列：

GATCAATGGA TTTGTTTACA ATGTGATATT TTCTATTAAA TCCAGTATTT TCAAATAAA 59

配列番号：3407
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03985
配列：
GATCTTGTAC TAACTTATGA TAGAATGTAT CAGAATAAAT ATTTTTAACA GTGTTAAA 58

配列番号：3408
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03986
配列：
GATCATNAAA GTATACAAAA TAAATAAAGT AGGAGATTTT TTTGCTGTTT AAA 53

配列番号：3409
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03987
配列：
GATCTGTTTA GTGAGATTTA GCATGTGTGA ATAAAGTATA TGCAGGAGGA AATTGCTTTG 60
TNTTCCCAAT CGGTAGAAAT TCGGGACCAT AAAAATTGTG TTTTACCATG TGGCCTACAA 120
A 121

配列番号：3410
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03988
配列：
GATCATTGTT AAAGGATTGC TGCAAATAAA TACACTTTAA TNTCAGTCAA A 51

配列番号：3411
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03989
配列：
GATCTTTAAA ACATTTTTAA TGAACTAAGT TGAATAAAGG CACAATTAAA AACTGTCAAA 60

配列番号：3412

配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03993
配列：
GATCAAACAG AAGCAGCCGT GGGCAAAATA CAATTTCATT TAACAAATTG AAA 53

配列番号：3413
配列の長さ：521
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04020
配列：
GATCTCATAG GACGGAGGGG GAAATGGTTT CCCTCCAAGC TTGGGTTAGT GTGTTANCTG 60
CTTATCAGCT ATTCAGACAT CTCCATGGTT TCTCCATGAA ACTCTGTGGT TTCATCATTC 120
CTTCTTAGTT GACCTGCACA GCTTGGTTAG ACCTAGATTT AACCCTAAGG TAAGATGCTG 180
GGGTATAGAA CGCTAAGAAT TTTCCCCCAA GGACTCTTGC TTCCTTAAGC CCTTCTGGCT 240
TCGTTTATGG TCTTCATTAA AAGTATAAGC CTAACTTTGT CGCTAGTCCT AAGGAGAAAC 300
CTTTAACCAC AAAGTTTTTA TCATTGAAGA CAATATTGAA CAACCCCCTA TTTNGTGGGG 360
ATTGAGAAGG GGTGAATAGA GGCTTGAGAC TTTCCTTTGT GTGGTAGGNC TTGGAGGAGA 420
AATCCCCTGG NCTTTCACTA ACCCNTNTGG ACATACTNCC CACAACCCAG TTNGATGGGN 480
TTTCCCGTAA TAAAAAGGGN TNGGGNNTTN CCTTTTTGAA A 521

配列番号：3414
配列の長さ：501
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04021
配列：
GATCAGAAAT NACTGTGTCA TGGTGCTCAT TCACTGCAAA CTCCCAGTTG NAAGCTCCTT 60
GGCTCCCCCG GAGGAGCAAG AATCTCATAG TTCAGAGACA CAGAGGGCCT TTTAGCCCTA 120
ATNACCTTTT GGATGGGACT GCAACTCATG ACTATCCTGA TATTGGAAGA AAGGACTTTG 180
TTAATCTTCT CCCCCATAGC TCTGCTGCGT AGGTCTACAT CTTACTCAGA ATCACTACAC 240
ATTCCTTTAG TCTTCCTCCA AGCTCCAGAG CCATTGGTAC AAATGCTTTA TTGAAACTAA 300
ATACATANTN NACACAATGA GATGAAGACA ATATAGANGT NCGCATAGTC ATCATAATCC 360
CGTTCCTTGG CCGGTTGAGG CAGCTCAGTG GCTGAGCCCA GTCAAGCCAA CCCGGNAGTT 420
TCACTCACGG CNTTCAAGGN TTTTGATGCT AATTCTTTTG GGTTTCCTAC AGTTTATTAA 480
ATAAGTNGTC TGNGTGGGAA A 501

配列番号：3415
配列の長さ：485
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04022
配列：

GATCTCAGTG AACTAATACA CAGCTTGAGC GTTTCCATGT GCTAATGTTG CACATTTACT 60
AAAAAACTTT GGAAATGGAA AATAATGTAT TAGTGCAACA GTTGATGTGC TTCTTTGGGC 120
AAAGATATAG TTTTGTTCCA CAATTTGTAC TTAAAAGCGA AAGAACATTG AAAACATAGA 180
CTTACTGGCT GTAGCAATGC TGGCCTGTTA ACTGATAACT AGAACTTAGG TTCACGTTTA 240
TGTAAAGTGT GTAAAACCTA GTAGAGCTTG CATAGTCGGG CACTCAGTAA ATGGTTTGGT 300
TCCTTTTGCC CCTTGGTAAG TTTATTTTAC CCATCCNCCC ACCTGCCCAT TCTGACTTTN 360
TATTAAAATC ANCCATGTGG GACCCAGNGG TGTTTAATGN GGATGTTATT NCCAGAAGGA 420
GGATTTGAGA AAAATTTGGG GATTNTCATT GCAGGTTAAC NATTCCAAAA ATNCTTTTTG 480
GTAAN 485

配列番号：3416
配列の長さ：471
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04023
配列：
GATCTGTTTT TTCATCGAGG TNTCGAGGTA TNCTTTNAAA GATAGTGANA NGCAGACACT 60
GCTCCTTGTG CAGCTCTGGT ACCTCCTGCC CACTGCTGTC ACTTCAAGCC ACTGGCAATG 120
CTTCTGTCCT CGTGTCTTGG AGGAAAATCA CCTGGGGGGA GGGGACTTCT TGTGGTAAGA 180
GCAAGTGCAG GTATGAAATG CGAAGATTGC CCCAGCTAAA AGTGGACAAG TCCGCTTTGT 240
GAGATGAATA CTTCCTGAGA NNCNNNNCAA GTATCTCTCC ATTTTACCAT TATGAAAACT 300
ATCATTAAAA AAAACAGTTT AGATGCCTTC TCCTTTTGAG GGAAAAAGGG TGCTTTTTAT 360
TGTATAAAGC AGCGTCTTAT GTATTTTGAT ATACCATTGT TTGAACTTCC GTCTTTAGCT 420
GATAGATTCT CAAATATCCT NGATTTTGGG ATGTTCAGTA TGTTTGTGAG N 471

配列番号：3417
配列の長さ：466
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04024
配列：
GATCAAATAT ATTTCAAGCT ATAAAAGCAG GAGGTTATCT GTGCAGGGGA CTGGCATCAT 60
GTATTTAGGG GCAAGTAATA ATGGAATGCT ACTAAGATAC TCCATATTCT TACCCGAATC 120
ACACAGACAG TTTCTGACAG GCGCAACTCC TCCATTTTCC TCCCGCAGGT GAGANCCCTG 180
TGGAGATGAG TCAGTGCCAT GACTGAGANG GANCCGACCC CTAGTTGAGA GCACCTTGCA 240
GTTCCCCGAG AACTTTCTGA TTCACAGTCT CATTTTGACA GCATGAANTG TCCTCTTGAA 300
GCATAGCTTN NNNAATATCT TTTTCCTTCT ACTCCTCCNT CTGACTCTAA GAATTCTCTC 360
TTTCTGGANT CGCTTGAACC CAGGANGGCG GGAGGTTNCA GTAAGCCAAG GTCANTGCNA 420
CTGCACTNTT AGCCTTNGGT NANAANTNGA GGTTTCCATT TNTAAA 466

配列番号：3418
配列の長さ：464
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04025

配列：
GATCGCCAGG CTGATTGAGA AGAACAAGAT GAGTGACGGG AAGAAGGAGG AGCTCCAGAA 60
GAGCTTAAAC ATCCTGACTG CCTTCCAGAA GAAGGGGGCC GAGAAAGAGG AGCTGTAAAA 120
AGGCTGTCTG TGATTTTCCA GGGTTTGGTG GGGGTAGGGA GGGGAGAGTT AACCTGCTGG 180
CTGTGAGTCC CTTGTGGAAT ATAAGGGGGT AGTGGGAAAA GTGGTACTAA CCCACGATTC 240
TGAGCCCTGA GTATGCCTGG ACATTGATGC TAACATGACC ATGCTTGGGA TGTCTCTAGC 300
TGGTCTGGGG ATAGCTGGAG CACTTACTCA GGTGGCTGGT GAAATGACAC CTCAGAAGGA 360
ATNAGTGCTA TAGAGAGGAG GAGAGGAGTG TACTGCCCAG GTCTTTGACA GGTGTAATTC 420
TCATTCANTT AAAGGTTTCA GTGTTTTTGG TTAAGGTGGA TAAA 464

配列番号：3419
配列の長さ：457
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04026
配列：
GATCACCTTC CTGTCTGGAG GCCAGAGTGA GGAGGAGGCG TCCATCAACC TCAATGCCAT 60
TAACAAGTGC CCCCTGCTGA AGCCCTGGGC CCTGACCTTC TCCTACGGCC GAGCCCTGCA 120
GGCCTCTGCC CTGAAGGCCT GGGGCGGGAA GAAGGAGAAC CTGAAGGCTG CGCAGGAGGA 180
GTATGTCAAG CGAGCCCTGG CCAACAGCCT TGCCTGTNAA GGAAAGTACA CTCCGAGCGG 240
TCAGGCTGGG GCTGCTGCCA GCNAGTCCCT CTTCGTNTCT AACCACGCCT ATTAAGCGGA 300
GGTGTTCCCA GGNTGCCCCC AACANTTCAG GCCCTGCCCN NNTNCCAACT NTTTGAAAGA 360
GGAGGNCGCC TTCTTNGGGG GCTTCCAGGT TNGGNTTTNC CCGGGNTTTT TTTTTTCCC 420
TTGGGTGANA NATGGGTNGT TTNGGNGGCG GTNTTTN 457

配列番号：3420
配列の長さ：452
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04028
配列：
GATCTGGAGG GGTCAACGGA AGACGGAACA TGTCCACTTC CAGGCCCGAG CTTCTNAGCC 60
TGCCGTTTGC CACTCTCCAG CATCTGGCCC AGCCTGTCCA TCCTCATCTC TCTTCCTCCN 120
NNACTCCGTG CTCCCATCAC TNGGAACCAT TTGCATTTNT TTGTCTCAGC TATATTGTCT 180
CACCTCTGAG TTTTTGCCCA TGATGTTGGA TGCCATGGAA TGCCATATCN TCCCCATTAT 240
CTCCCCCTTG TNTGGATAAT TCCTACTCAT CCTACAATAC TGATTTTTAT CTGTGCAAAG 300
AAGGTCTTCC CCAAGTGGCC TCTGGGTTNG ANAAGGGGNG TTCCTCTGGC TTNTTCCAGA 360
CTTTTTTGTT TCCTNCAACC AAAAGGCTTT AGGCACCGTG GGGGAAGGAG GGGTNTTNNT 420
TNGTCCNAGG GAAAAAGNNT NGNGGCAAAT GN 452

配列番号：3421
配列の長さ：450
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04029

配列：
GATCAAAACT AACCTTTCAG CGTATTCTCA GCTATGACAC AGTGGTGCAA ACAACTGGAG 60
ACTCGTGGCA CATACCATAT GATGAAGACT TGGTAGAAAG ATGTTCCTGT GAAGTACCAA 120
CCAAATGGCT TTGCCTCCAC CAAAAGACAT AGAGATTCTT ACCTCTATGC TAAGTTTGTG 180
TTTGGGTACC CTCTAGGTTG GCATCAGAGG CTCTTGAGCT GGTGTTTGTT TAGGGCATTG 240
CCTCTGTCCT GAAGATAAAA GGATTNTATT AACAGCATTG ACATTGATTT TTTAATGAAA 300
TGAGATATAT CTTTTCATAA CCAGCTGCGT TTTTTTCCCC TAACATTTGT TTTTGGAGGG 360
CTTATCAAGA GTTGGAGACC TTAGTGTAGA GCAAAACCTG CATTTCTCCT ACTGGGCCAG 420
CTATTCCACT TAGGCTTGGG TGACTAANAN 450

配列番号：3422
配列の長さ：444
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04030
配列：
GATCCCAAGT ATTAGGAGCT ATTTCTTAAA TAGTTTAAAT TTGCCTTTGA AAAAAGTTCC 60
ATTACTTAAA AGTATTAATT TAAGCAAAAT CATGGAACAC ATTGACTAAA AAATACCTTT 120
TATTTTTACT CAACTTGTTA AAGGGGCAGA TAAAGACTTT GGCAAATTTG ATTAACTGCA 180
CAAAATAATG TTATCCAAAC TGAGTAATTT ATTGCTGGTC TGNGGCTTGC CTTGTTTACA 240
CTTAAGTAGA ATTTACGTTG TTTCCACAAA TGGCAGATAT CANCATTTAA AGGNATTTAA 300
TAGTGACCTA TTCAATAAGG CANTCATCTG GGGTAGCAAA CTTTTNTTTA AATCTNACAT 360
AACCTCAGGC TTTATAANAA NGCCACCATA ATTGGAAAAT TGGGGNTCCT CCCCTCTAAA 420
NGCCTTAAGG GATTCAAAGG CTCN 444

配列番号：3423
配列の長さ：439
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04031
配列：
GATCTTGTGA AAATGCTGTT AGTATCCAAC CTTAAAATAT ATTAGTATAT GGGTTTTTAT 60
TAAAAGAATT ACTTTGAATT TNCTATTTAA TTCATATGTA AATAAAGGAA CATTTCATTT 120
CACTTAAAAA AATTATATCA GTTATTAGGC TGGGTGCAGT GGCTCATGCC TGTAATCCCA 180
GCACTTTGGG AGGCCAAGGC GGGTGGATTA CCAGAGTTCG GGAGTTTGAG ACCAGCTTGA 240
CCAACATGGA GAAACCCCGT CTCTACTAAA ATTACANAAT TNGCCAGGTG TGGTGGCGCA 300
TGCCTGTAAT CCTGGGCTAC TCAGGAGGCT TGAGGCAGGN GAATNGGNTT GAAAACCCCN 360
GGGGGNNAGA GGTTGCGGTT GAGCTGAGNN TTGCGCCATT NNACTTCCNN CCTGGGCAAG 420
GNGGGGNGNA ACCTNTNNN 439

配列番号：3424
配列の長さ：437
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04032

配列：
GATCTAAGAA ATCATGTGCA TATATCTTTC AGATTTCTAT TTTGGGAAAN TGAAGGTTTC 60
TACAACATAT TGTTTCAGTG TTCAAATAAA CTGAAGGACT CAACATTACA TTTGAACTAT 120
ATCCTTCCTA GTGGGTTAGT GTGAAAAAGN GNTTGGCTGA TTCCTAAAAC TCTGCCAGCC 180
CTGCAGTAAT CTCCAGGGNC NNGTTATTGT TCAGACATTC CNTGGTGATT CCTGGGAAGG 240
AAGCTTGGCT GCTCAGTTTC TGAGTCTGGG GTGAGATAAT GTTCTGGGAA GGGACATCTG 300
TTCTTTGGTG TAATCTCTCA TGGTGAAATC TGCTCTGTAC ATCAGACAAT TGCATTGCTA 360
CCAAGTTTCA TACCAAATAT TTGAAAGGTT GGTATTGAAT CTAAANCCAA ATATTAGTTT 420
TTNTTAAACT CATGGGN 437

配列番号：3425
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04033
配列：
GATCCAAACC TTACACCTGA GTCTGTTAAG AGCGCCCTGC TACAGGAGGC CACAGACTGC 60
CTGATTCTNN NGGACCGCTG TTCTCAAGGA CGGGTAAAGG GTCTCCTGGC CAAAATTCCC 120
CAAAGCTGTG AAGACAGAAA AGTGGTGAAC TATATCAGAA AAGTGCAGCA GGTTTCTGAA 180
GGCGCACCCT ACAATGGAAC TTAAGACTTG TATTACTTTC CCAAGAGGAA AGGATTTTTT 240
TCCCATCCCN NNTTGTATGA ATGGAGTTAT TTANGAAAAA ANGATATTTT TACACGAAAC 300
TTTGTAAGTG AAAGCTGCTT TTTCCTTCCT TTCCTTTCCT TTTACCTCCA TAAGGAATAG 360
GGAANGTAGG ACCAAGANAN AATTGAACTC CTTCCCATTT TCTAAATAAA GGTTTTGGGG 420
GAAA 424

配列番号：3426
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04034
配列：
GATCTCNGAG CTACAATACT CACTANATAT ANTTTTCCAA TCAAAATATN CTATTCTATA 60
TTCTAAGGGT TAATATGTGA TTATAGTGTC CACTTGCCAC CATTTTTTTA AATCAATGGA 120
CTTGAAAAGT ATTAATTTAG ATGGATGCGC AGATATACCC TCAGTTCAGT CATAGATTGG 180
AGTTTGCATA TAATANNNCN CCGGTATGTN GACACTATTC TAAATAGTTC TATTATGACT 240
GAAATTTAAT TAAATAAAAN NGGTTGTAAA ATGNGATGTG TATGTGTATA TACNGTATGT 300
GTACTTTTTA AAATAGGGTG TATGTCCCAA CCCTTTTTTA TACAGGTNTG AATTTAAAAA 360
TACCATGGTT ATATACATAT ACCTNGNNTT NGTCCTAAAA TAAAGGNTTT TNATGCACGC 420
NN 422

配列番号：3427
配列の長さ：408
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04035

配列：
GATCTTTCCA CCTCAGCCTC CTGAGTGGCT GGGACTACAG GTGCATGCCA CCAAGCCTGG 60
CTAACTTTTT GTAGAGATAG GGTTTTNCCA TGCTGCCCAG GCTGGCTTAG AATTCCTGAA 120
TTCAAGTGAT TTGTCTGCCT CAGGCTCCCA AAGTGCTGGG ATTACAGGCA TGAGCCACAC 180
TGCACCCAGT CCATGCTACC CTTTTTATAT GAAACACCTA TTAACACGGT ACAACAACAC 240
TTCAAAACAT ATTATTTGAA TTTNGGCNTC TGATTTTTTA GTCANCAATC CATTANGGCA 300
AANACCTNGT TTTCCAAACT CAGATGTTCT CCAACTTACA CTAATGTNTG GTTTTTTTGG 360
ACTTNGGTGN GGGGAAAAAN TTAACCNGGT TTTNNTTTTN TTATCAAA 408

配列番号：3428
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04036
配列：
GATCTTAGCT TCTTTAATCA GACTTTGTGA CTTAAAAGTT TGGGGGTTTT CTTTGAAAGT 60
TTCCAGCCCT ATTCAGAAAG CAACTCTTGG CTGTGTGCAT TTTTCAACTC CAAGCAGCCC 120
AGGGGTAAGT AAACAAAGTA TGGATGAAGG TCAGATTTTN TTGTCANNNT CTGAGAAACC 180
TGGCAGCCTG CTGTTAACAA CACAGGCCAG TATTGGGTTT TATTGAATTT GGTATGTGAC 240
CAAGGTCGGC CTAAAGGATG GCGCAGGTCC TGGGCAGGAA AGAATTTTTC CTTTATCACA 300
TAACTGTAAT ATTTGGTTGC TCAGCATAAG TNATGGAAGC AACCACTTAA TTTCTAATAA 360
ANTTGTGTTA ACCTCAAA 378

配列番号：3429
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04037
配列：
GATCACAACA CCAGTACCAG CACGAAGAGC CTCCTCCCGA AAGAGTCTCG ACTGGACACC 60
TTCTGGGACT AGCAGTGAAT CGGGACACAA ACCACCCACC CCATTGGGAG AAAAACCCAG 120
ACGCCAGGAA AAGAAGAAAC AACAAAGGCA GGAGAACAGC CACTTTCAGA CTTGAAAATG 180
ACAAAACCCT CAGTTGAGCC TGAGCCCCCG GCGCGGGGGC TGCTACACTA CAGGACACCC 240
AGCATCGGCT TTGACTGCAG ACTGTTCACC CACACGAGCC CTGTGCTTTT GGTGTAAATA 300
ATGTACAATT TGTGGATGTC ATTGAATCTA GAGGACTTTC CCCTTTTTAT ATTTGTATTA 360
ACTTTAACTT ATTAAA 376

配列番号：3430
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04039
配列：
GATCAAGCTT GTGTACTTGA CCGTTTTTAT ATTACTTTTG TAAGTATTCT TGTCCACATT 60
CTACTTCAGC TTTGGATGTG GTTACCGAGT ATCTGTAACC CTTGAATTTC TAGACAGTAT 120

TGCCACCTCT GGCCAAATAT GCACTTTCCC TAGAAAGCCA TATTCCAGCA GTGAAACTTG 180
TGCTATAGTG TATACCACCT GTACATACNN NGTATAGGCC ATCTGTAAAT ATCCCAGNGA 240
NCAATCACTA TTCTTAAGCA CTTTGAAAAT ATNNCTATGT AANTNATTGT AAACTTTTTC 300
AATGGTTGGG ACAATGGCAA TAGGACAAAA CGGGTTACTA AGGTGNAATT GNCCAAAAAA 360
TTTTTTAN 368

配列番号：3431
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04040
配列：
GATCAATCTC AATTCCTTTT CATGCCCTCC TGCATTGCTG CTGCGTGGGT ATTTGTCTCC 60
TTAGCCATCA GGTACAGTTT ACACTACAAT GTAAGCTATA GGTGGAGCAT CAGCAGTGAG 120
TGAGGCCATT CTTCATCCTT AGGATGTGGC AATGAAATNN TGGTGCAAGT TCCTTTCTCT 180
TTTGTGAATC TTTCCCCCCA TTTCCTGTTT ACATGTAACC CAACAAAATG CAATTTCTAG 240
NGCCTTCTGT CCAATCAGTT CTTTCCTCTG AGTGAGACGT ACTTGGCTAC AGATTTCTGC 300
CTTGTTTTGC GACATTNNTC CCATTCACAC AGNTATTTAN GGGGCTAATN AANNGGANAA 360
ATAAGGCTTA CAAA 374

配列番号：3432
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04041
配列：
GATCCTGGAG AACCTAAGAC TCCAAAAGCG TGGTACTGGA GGAGTGGACA CTGCTGCCAC 60
AGGCGGTGTC TTTAATATTN CTAATTTGGA CCGACTAGGC AAATCANAGG TGGAGCTGGT 120
GCAACTGGTC ATCGATGGAG TAAACTATTT GATTGATTGT NAACGGCGTC TGGAGAGAGG 180
CCAGGATATC CGCATCCCCA CACCTGTCAT CCACACCAGG CATTAACTCC CCATCGNCCA 240
GCTGATGACT CAAGATTCCA AGGAGTTCTG CTCATTCTAA TGGTGGGCCG TTCTACTTGN 300
TCTGGACCTG NCCTNGNATC CCCNTNGNCC TNTNNTTCCT TAGTTAAAGA CTTNGTTAGC 360
TGATGNAAA 369

配列番号：3433
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04042
配列：
GATCGTGGGG TTGTTGGCAG AGGGCAACCC TGGGCCCCAC ACCGTGTGGA CAGGCAGACA 60
CCAGATTGTC CAGGAGCAGG AGCTGCTGGG ACTGCGCTGG CCCCGGACCT AGTGGGCCTT 120
CTCCTGGCTG CTGAGATGTC GTCTGTGACT GGCCTGGCTG GAGGGGGAGT GTTGACAACC 180
CAAAGCTGTT CTCCAGTCTG GGGAGGGAGA GGCAGGGTCC CCAATGTCCG AGCTGNATCT 240
GGACGCTGCT CTTAAAGGAC CTCCTGGGGN AGGGGAAGCG GTAGGNTCTG GACTGGGNAA 300

GATGCTGTAT GACCTCCCTG AAGNACCCGT GACTTCCCCA TGNTTTACCC TTTTGTGN 358

配列番号：3434
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04044
配列：
GATCTAGAAA GCAACTTGGA AGTGTAAAGA GTCACCTTCA TTTTCTGTAA CTCAATCAAG 60
ACTGGTGGGT CCATGGCCCT GTGTTAGTTC ATGCATTCAG TTGAGTCCCA AATGAAAGTT 120
TCATCTCCCG AAATGCAGTT CCTTAGATGC CCATCTGGAC GTGATGCCGC GCCTGCCATG 180
TAAGAAGGTG CAATCCTAGA TAACACAGCT AGCCAGATAG AAGACACTTT TTTCTCCAAA 240
ATGATGCCTT GGGGTGGGGA GTGGTAGGGG GAAGAGCTCC CACCCTAAGG GGCACACACT 300
GAGTTGCTTA TGCCACTTCC TTGTTCAAAA TAAAGTAACT GCCTTAATCT TAAA 354

配列番号：3435
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04045
配列：
GATCATTAAT GAGGAGCTGA TGGCCTCCCT GGACCAGCCA ACACAGACAN TGGTGATGCA 60
CCGCACTGAG CCCACTGCCC AGCAGAACCT GGCTCTGCAG CTGGCCGAGA AGCTGGGCAG 120
CCTGGTGGAG AACAACGAAC GGNTGTTTGA CCACAAGCAG GGCACCTACG GGGGCTACTT 180
CCGAGACCAG AAGGACGGCT ACCGCAAAAA CGAGGGCTAC ATGCGCCGCG GTGGCTACCG 240
NCAGCAGCAG TNTCAGACGG CCTACTGAGC TCTCCACTCT GTTTCCCGCC TGGGCCATCC 300
AACCTTGAAG TCCTAAACCA CACCTCAGTC ACTAAAGGTC TGTTTAAAGT TAAA 354

配列番号：3436
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04046
配列：
GATCTAATTT ATTTATTTAT TGCCTGGCCG GTGACTCGGG GGAGGAGGCG ACCCTGTCAT 60
CTGTCCCACC TGCTGCTGCC CCTTGGAGCA GCCTGCACCT NCTCTCCTCC CATCCGGCAA 120
CAGTNTGAAA GTACGTGGAG GACGGGACCG GAAGACGAGA GAGGGCTGGA CATCCTGCCC 180
ACCGTNTCCC AGCCAGGGCA GGNGAGGGGA CCATGGCCCG NANGTCAAGG GGCCCCGATG 240
TGCACAGCTG CCACAGGGAG GGAGNTCTTG GGGAGATGGG CANTCAGGTG GCCCGTCCTT 300
GGTNGAGTGC ACANANTTGC GCGNACANAT CGGGGTTTTT CCTGGNTTTN 350

配列番号：3437
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04047
配列：
GATCTTGAAT CTCTTTCTTT GTTCTGTTTG TTTAGTTAGT ATCATCTGGT AAAATAGTTA 60
AAAAACAACA AAAAACTCTG TATCTGTTTC TAGCATGTGC TGCATTGACT CTATTAATCA 120
CATTTCAAAT TCACCCTACA TTCCTCTCCT CTTCACTAGC CTCTCTGAAG GTGTCCTGGC 180
CAGCCCTGGA GAAGCACTGG TGTCTGCAGC ACCCCTCAGT TCCTGTGCCT CAGCCCACAG 240
GCCACANTGA TAATGGTCTG TTTAGCACTT CTGTATTTAT TGTAAGAATG NTTATAATGA 300
AGATACACAC TATANCTACA AGAAATTATA AATGTTTTTC ACATCAAA 348

配列番号：3438
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04048
配列：
GATCTGAGCC ACCCTCCCCG CACAGCCCTG CACCCCGCCC CTAGGGTTGG CAGNCTCANT 60
TGGCCCCTGG CAGAGGAACA AGGACACAGA CATTCCCTCA GTGTGGGGGG CAGGGGACAC 120
AGGGAGAGGA TGGTTGTCCC TGGGGAGGGC CCTCTGGCCC CAGGCAACCT TAGCCCCTCA 180
GAACAGGGAG TCCCAGGACC CAGGGAGAGT NTGGGGACAG GACAGCCTGT TTCTTNTAGC 240
TTCCTGGGGT GGGAGGCACA GGGGCAAAGC ANTACCCCAG GGAAANTGGG AGGTGGTGCT 300
GGTGCTCTCT CCAGGNCCAC CATGCTGGGA GAGGCGGCCA GAGCTTN 347

配列番号：3439
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04049
配列：
GATCTTCCCT GGNGGCCTTC GGCTGCNTGC NTGCCTGAGG TCCCNGCTGC CAGTCCCGGG 60
CCCTGGAGAG CAGATGCTGT CTTGTNATGT ACAGGAGGAC CTTTTAAAAA AATCAAGTTT 120
CTATTTTTTN CTGGTAGTCC GCATACCCAT ACCCTCTGTT TTTNAAAGGC AAAGGCCAAT 180
NAGTCCCCAT TTGTAGCATG GCACCAGGGT CTTAGGCCTA GTCCTCTCAT TCCTCCCACC 240
CTCCGAGATG GTCAGTGTGT CATGGGAAGC CCACCCCCAG CTCTGCCAGT GCTCTCTGGG 300
CCTGGNTCCN AGTCAGTGGT GGCCACGATG CGGTACAGGG CATCCN 346

配列番号：3440
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04050
配列：
GATCCATGTG ATTATTAAAA TGACTGTAGC TGAGAGCTCT AATTTNCCTG TCTTGAAACT 60
GTATAAGANC TCATGTGATT AAGTTCACAG TTTATTGTTT GTNTGTTTAG TATTTNAGAA 120
ATATACCAGC ACTACTAATT AACTAATGTC TNTNATTTAT NATATTATGA TAAAGTAAAA 180
NTTTCACTTG CATTAAGTCT AAACTGAGAA GGTAATTACT GGGNGGNGAN TGAGCAGCTT 240

TGACTTTGAC AGGCGGTTTG TGCAGGAAAG CACAGTGCCG TGTTGTTTAC AGCTTTTCTA 300
GAGCAGCTGT GCGNCCAGGG TAGAGGAGTG TNGAAATTCA TTN 343

配列番号：3441
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04051
配列：
GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGGGAACC CCCTTCGTGT TTTGTAACCC 60
TCCCTTTNAG GTGAAGCCCT TTTTCTTGCT AAAACCGGCA ATTCTCCGGT TAGAAATNTT 120
ACTTGGTGTT TTTTGGTTTT GTGAAACGGC CGTCCCAAAG CTGGCTGGAT TCCTAGAAGA 180
GTCTGTGTTG AAGGCATCTT TCAAGCCCTC GCTCTGGTTC TNAGGGCAGC ATTTTCCAGG 240
CGGGTTTGTT TTGCATTTCT TGGAGCCTCT CCGNGNAGCA ACCAGACGGG AGATTTTAAT 300
TTTAAGCTGT TCATGCTGGG NCTGACAGCC TGCAGGGTTN 340

配列番号：3442
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04052
配列：
GATCCTTGGG CTGGCCTAGA ACCAGTATCT GTAGTGGATA TAAGCCAACA ATACAGCAAT 60
ACTCAAACAT TCACAGGCAA AAAAGGAAGA TACTTTTNTT AACATTTCTG AAATTCAACT 120
GGAAGCTTCA TGTGTCAGGA ACATCTTGGA CAAAACTTTA NGTTGTGTTG ATATAAATTT 180
ACCCAAAGAT GATGNCTTTG ATTGGNTAAT TAGTAAGGTC TTTTTGTTAT TTTNCATCGT 240
ATCAGGTATT GTTGATATTA GAGAAAAANG TAGGATAACT TGCAACATTT AGCTCTGGAA 300
GTACCTACCA CATTTTNGAG ATTTACCGTT TCCATATTN 339

配列番号：3443
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04053
配列：
GATCTGCCGT TNATGTTGCT TTCTCCTTTG TCCTCTTGGA CTTGAGGGCA TTGTGAAAAG 60
CTTTGCTGTG ATTTAAAAAT GCCAGCAATT TTAATCTAGC AGTGTTGAAG CTGGGAATTT 120
TTTGGCGCAA TCCATGTAGC AGTGACCCAG GCTTGGGAGC CAGAAACAAG TGTGACCTGG 180
GATTTNATTT AACACAACTG TTGCCAAAGA GTTGGCTTTG TTTATTTGGT TTTGGCGGGG 240
AGAGGAGTGG TATTTNATGC TTTCTGTGGA CANTGTAACC CTAAACACAN CANGTATTTT 300
AANTGCCACC TACATAANTA AACCATANGC NTATTGAAA 339

配列番号：3444
配列の長さ：339
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04054
配列：
GATCTACATA AAAACTGCTA CATGNCAAAA ACCACACCTA AAGAAATTTT AAGAATTTGG 60
CACAGTTACT CACTTTGTGT AATCTGAAAT CTAGCTGCTG AATACGCTGA AGTAAATCCT 120
TGTTCACTGA AGTCTTTCAA TTGAGCTGGT TGAATACTTT GAAAAATGCT CAGTTCTAAC 180
TAATGAAATG GATTTCCCAG TAGGGGTTTC TGCATATCAC CTGTATAGTA GTTATATGCA 240
TATGTTTCTG TGCATGTTCT CTACACAATT GTAAGGTGNC ACTGTATTTA ACTGTTGCAC 300
TTGNCAACCT TTCAATAAAG CATATAAATG TTGGTTAAA 339

配列番号：3445
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04055
配列：
GATCAGCCTC TTCCTCTATA AACAATGACC AATTAGACGT TTCCGTAATT CCATGTATTA 60
TGTATAGTAC ACTCTATAAA TGTAAATGTA ATGCTTGTCT AAAAAGTGCA ATTTATTGTA 120
CATTGTCCCA ACAAATGTTT ACTTTTATAA TCGTTATGAA CTTGAATTGG ATTAGTATCT 180
TGTTTTTATG TGTGAATGAA GCCTTGTGAA ATAAACAAAT GCAACTGAGA AGGTAACAAG 240
GTGACTGTTT TTGTGAGCCA GTGATGTTTT CAATGCTTTG TGTTGCCCCT TTGGCCCCAT 300
TAAGCAGTAA TAAACATTTG TTCTGAAGTC CAAA 334

配列番号：3446
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04056
配列：
GATCCAAGAA GCGGGTCCCT GAGACGGGGG GTGGCTGCCC TCCCCAGACC ACCCCGGCAG 60
CCTGAGCAGN TCCAAAGCAC TGGCTTGGGG TCCGAGACCT TCAATGTAAA GCAGGCGGAA 120
TGGGGGGACA GGACAATTTC TCCCCCTCCA GGGGCTCCAG GACTCTCCCT GGGGGGCCCA 180
CCTCTTGCCC CCTAACCTCT TTCCCCCTTT TCTGCCCCCG TGGGGAGGAG CCCCTTGTAC 240
CTGCTCCGTG CCCAACACAT GCCCTCTCTG TACATCTTTT GGTAAATNAT GAGAAATAAA 300
GGAAGTGGAC GCAAAGTGGA TGCGGCAGCA GAAA 334

配列番号：3447
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04057
配列：
GATCCAATCT CAGTGTCTAA CTCATCATCC CAGATTATTC TGAAGTGGAA ACCACCCTCC 60
GACCCCAATG GCAACATCAC CCACTACCTG GTTTTCTGGG AGAGGCAGGC GGAAGACAGT 120
GAGCTGTTCG AGCTGGATTA TTGCCTCAAA GGGCGAGTCC AGTCATCAGC TCCGCTGTAA 180

GCTGTTGGCC CTGCATTCAA GTAACCAGAA CCACCCGTGA GAGCTGCCAC CAGGTANTGT 240
CACTCGAAGC TTCCTTTTTT TTTTTTTTNA ATTCCGGAAA GTTTAANTCT GTANTCCCAG 300
GGGNCCATTT AAANANGGTT TNTTTTTGTA AN 332

配列番号：3448
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04058
配列：
GATCCAAAAA AAGCTNGAAG CCTACATTTC CCAGAGCCCC TTTCAGCTTG AATTCCAAAT 60
GTGACTTAGC TTCCTCTATG CAGATGTACC TACTTGAAAC TGGGAAGGCC AAATNAGATA 120
GAGGNAATNT TTCTGCCAAC AAACAGCCAC AGAGCATTTT ATTTTTCTAG AAGAGCAATA 180
ACAGAGACCC CAGGGTGTGG TGTGGCAGGA CGAGGAGCAT CCATTTTGCT GGNGGGGATT 240
GTGGCTAAAA TAATGNGGCT CTGGAGCCAG CAATNGGCAG CATCTTCATG ACTTTCCAGN 300
TTCCAGGCTG TAAGCAGAGA TAGCATCTCT TN 332

配列番号：3449
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04059
配列：
GATCCACTAT ATGCCTCAGC ACATGGAACC TTAATGACCA AAGTGAAGAG CAGATTATTC 60
ATACGGTGTA ATAAGCATCT GGAATGGACC CATCCGTGTA CTTCATTCAA ATGTGTAAAT 120
GTCATATTCA TTCAGATTTA TAAAGCTAGT AGTGTATAGT CAGAAACAGA ATCAAAGTTA 180
GATATACATT TTTAAATATT TACTGCATAT GAGGCTTTCT GTTAATTTTT TAATGTGAAT 240
AATTTATATA TTGCACATTC TAGGGAATAA TATTGATTGT ATGNCTACTG TGCTGCATTA 300
AGAAAATAAA ATTCCTATAT NCCAAA 326

配列番号：3450
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04060
配列：
GATCAGAAAA ACTGAAGATG GAAGTTTTGG CCGGTGCTCA TTAGACATGA GTCCTCACTC 60
TGTNTCCTGA GCCCGTTTCA TTCTTCCAAC CTCCCTGCCC CCACACACTT ATCCCAGACA 120
CAACACCATG TGGTCTGGAG GTCCCAGCCC CCACCCTAAA AAGGTTATCC CNGAGAACTC 180
CACCAGACTT GGGAGCCCAA GTGCAGTGCC TGGNGCTGCT CCCATCTGCC GGCCCCNTTC 240
TTTCCTNGCA ATTGGTTTGN ACTCACTGGG CTGTGCTCTN CCCTGTTTAC CCGATGNNNG 300
GGAAATAAAG GCCCTTTTGC CTCCTGAAA 329

配列番号：3451
配列の長さ：325

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04061
配列：
GATCTGGCGC TTCTACTTTG AGGGCTTCTT TGACCTCATT GCTGTGGTAN GCCGGCGTAG 60
TCCAGACCAT CCTATACTGT GACTTCTTCT ACTTGTACAT TACAAAAGTA CTCAAGGGAA 120
AGAAGCTCAG TTTGCCAGCA TAAGTGCCAA AGGCCATCAC CAGCATCTGT CCTTCAGGGT 180
GCTCGGACAG ANTTNTTACC ACAGCAANGG CATAAGGTGC TTTATACGGA AANTCAGNAA 240
CTTAACTCTT TTGTTGCAGN TAGTCATCAG TGGCTCTGTA AAAACGGAGG GGGAAAGNGN 300
CNGGAGGTTT CTGTTTAATG CATCN 325

配列番号：3452
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04062
配列：
GATCTGATTT TATGTTCGTA ACTTTCTGTA AAGAAAGACA CAAGGACTTT TCAAAGACAG 60
TTTATATCTT TCCAAGGCAG GAAGCTTTGC ATTTGCAATC TTAGTGTTGT GTCCCTTTCT 120
GATTTTCAAA TACATCACAC CTGCCTTCCT GTTTTGGGAG CAAAGATGTA ATTTCAATTC 180
CCCTTGCTAC CGTCCTTATT TAAATNATTT CCATTCTAAG AGATTTTNGT NATTTNNNTA 240
AATGTAATCT GAGCACTTTN TNGTATTCTA AAAGATAGAT GATATCAGAT AAATATGTTG 300
TACATTTTGA TTAAAATTAT TTTN 324

配列番号：3453
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04063
配列：
GATCTGGAAG ACAGACGTAC AGCTTGGAGG GCAGGGGGAC TCTAAGGCAA GGAGATTTAC 60
AGTTGGGAAG GAGGCAGTGG CAGAGGGGTG AGGGACAGGG GCCCTTAAGT CCAGCGAGGA 120
AAGCTCNNTG TGGGCCCGCT CTACGCTCCG TTTGGGGTGA CCTGGAACGC CTCTTCTCCC 180
AGCTCCCTCC AGCCATCAGC AGCCTCTTGT CAAGCTTCTG CCTCGCCCCA GTCTATCCCC 240
AACCCCAAAT CAAGACCACC TTTCTTCACG GTCACTATTT ATTCTTTGTT CCTTTTTCTT 300
TTTGTAAGAA ACATTCACAA AAACCAGTGC AAAACCAAA 339

配列番号：3454
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04064
配列：
GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTGAAGA GTTTTNTNAC CTGTTCAGTC TCATCTAACC 60
TTCCAATGTN TGATGTTCCT GCCAAATTCC TGCCTGATTC TGGGTCCGTC CTGACCTCCA 120

AAGGTCAGNT TGGTGCTTGA GGTCTCCNTG CTCTTGGTGG CAGTGGTAGC AGCAACAGCA 180
GCAGCAGCAG CAGCAGCAGC AGCAGAGACC TNTCCACTTT CCCTTAGCCC TNTGNTGGGT 240
AGAGGGAACT TAAGGGACTT CCTCCAGNNG CNTTTAATNT GGGAATGGGT AAGAAGGTTG 300
NGCTCCNCTG TTNGTTN 317

配列番号：3455
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04065
配列：
GATCCTCAAA AAACCCAAAA ACACCATTCT CTAATAGTCA TGACAAATGG CTTCAGTATG 60
GCTTGTTTTT NATTTNCCAG ATGGCTTTTN CTCTTATTTT TNGAAGCCCC AGTCTTTGAT 120
TTTACAGGTA ACTTTCAAAA CATCATGATG CTGCCAAATG TACTTTTGTA AACTTAAACA 180
TTATGATTCC TGTATTATTT CAGTGAGAGC TACAGTGTGA TATTNCAGAG TCTATTAAAT 240
AAAAATGTGA GTTTGAATTA CACCATCTGT GCCAATTACA AAGCAATTAA AGGATTTATN 300
TNTNATGAAA AAAAN 315

配列番号：3456
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04066
配列：
GATCTGAGGC TGTGTCTCTG CCTTGTTTTT AGAGGACTTC AGCGTCCAAG ACTGGGGCCC 60
ACCNTTNTCA CCAGCACTAA ATGCACTAAC AAGGACTCCA GACCTGCAGC CCCAGACCCG 120
CCGTAGTATA AGCCTAACAA GCAACANGTA GCACCTTAGT CTTTGTTCCA GGAGAGCTGA 180
GCAAGCTGGT GAAACCACTC TCCTTCCTTT AAACANCGTT TCAACCANCC TTTNCNTGGA 240
GCCAACNTGT AAAAAGTGGG TTGATTGCTG ACAGNATGGT CTTCCTTCCC TGGATTTNAG 300
ACATACCAGT TN 312

配列番号：3457
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04067
配列：
GATCTTTCCG GGGCCTACAG GCGTGTAAGA CAGCTTGGTC TGGTCTGTGC AGAAGTGGGG 60
AGTGATGGGC AGGTTCGGCA GCCTAACATT GTTCAGGCGC ATGGCCCCTG CGGTGTGTAC 120
ACGAACTCGG CTTCTTTTGT CCTAGGTACG CCAAGGGCAG GTTTCTGGAG ACTCCCTTGT 180
GCCCGGGATG GCAAGGGCAC CGGGCTGGCG TTTCCACATC TGTCTTCATT AGCAGANNAG 240
TGATGATGGA TTTTATTTCA CTCACACTCC AGTTTGTAAT AAAATGCCAA ATTCTGTCAG 300
CTATCCAAA 309

配列番号：3458

配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04068
配列：
GATCAGCACC ATTTGTGGTA TGTTCCGTGA TGAGCGTTTA GTGAGCCTNN TGGCTGCAGA 60
GCACTATGAA ATCATGGTAC GTAGTCCCCG GCACCTGTCG TTATTCCTAT ATCCTCCTGC 120
AACTGTGGTT TGAAACTGCG CATTCTCTAG TAGTATATAT CGTGCCTGTC TTCAAAAACA 180
TTTCCCTTNN GTATACTCAT NCCCCCCAGG CATTGGGGTA GTGTCAGTCG GACTGCACAG 240
GGAACACGGT TTCCAGTGGC TTTGGCCCCT ACTCGGGAAA CGTCTGCCTG TTCTCGATNG 300
TGATGGGGN 309

配列番号：3459
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04069
配列：
GATCTAGCTG GTCACGACGA TGTTTTCACC AAGGTCACAG GAGCATTGCG TCGCTGATGG 60
GGTTGAAGTT TGGTTTGGTT CTTGTTTCAG CCCAATATGT AGAGAACATT TGAAACAGTC 120
TGCACCTTTN ATACGGTATT GCATTTCCAA AGCCACCAAT CCATTTTNTG GATTTAATGT 180
GTCTGTGGCT TAATAATCAT AGTAACAACA ATAATACCTT TTTNTCCATT TTGCTTGCAG 240
GAAACATACC TTAAGTTTTT TTTGTTTTGT TTTTGTTTTT TTGTTTTTNG TTTTCCTTTA 300
TGANGAAA 308

配列番号：3460
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04070
配列：
GATCAAGCAG AGAAANTAAT TAATTTCATG GGACTAAATG AACTAGTGAG GATAATATTT 60
NCATAATTNT TNATTTGAAA TTTTGCTGAT TCTTTAAATG TCTTGTTTCC CAGATTTCAG 120
GAAACTTTTT TCCTTTTAAG CTATCCACAG CTTACAGCAA TTTGATAAAA TATACTTTTG 180
TGNACAAAAA TTGAGACATT TACATTTCCT CCCTATGTGG TCGCTCCAGN NCTTGGGAAA 240
CTATTCATGG AGTATTTNTA TTGTATGGTA ATATAGTTAT TGCACAAGTT CANTAAAANT 300
CTGCTCTNTG TATAGCANGG NNNGGGTTGG GGGGGCGGGN GGNGGGGGGG N 351

配列番号：3461
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04071
配列：
GATCAGATAG TTTCCTGAGG CTAAAATGCC CCAACATGTA AAAGACTGCN ACAAGGGTTA 60

ATGAGCCAGG AACTGCGGAT GGTAACCTAC ATCTCTATAA TTACCATAGG ATATATATGA 120
GTACCATAGG ATTCTTTTGC ATAACTGTAG AAAGTACAGA CAACACCCTC CCGTGTTTGC 180
TATTAGAGTT TTTANTGTTG ATTGGAAAAT GGGAGATTCA CTGTGTGCCA TTCTTGGTAT 240
ACGTTGANGA AATTACATCA CTAGTACACA CNGNGGNNNT TCCACATTCA CACGCCCCAG 300
CTCTN 305

配列番号：3462
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04072
配列：
GATCAAGCTA CAGATATGGG ATACAGCAGG CCAGGAGCGA TTTCACACCA TCACAACCTC 60
CTACTACAGA GGCGCAATGG GTATCATGCT AGTATATGAC ATCACCAATG GTAAAAGTTT 120
TGAAAACATC AGCAAATGGC TTAGAAACAT AGATGAGCAT GCCAATGAAG ATGTGGAAAG 180
AATGTTACTA GGAAACAAGT GTGATATGGA CGACAANNGT GTTGTACCTA AAGGAAAAGG 240
TGANCAGATT GCNNGGGAGC ATGGTATTAG GTTTTTTGAG ACTAGTGCAA ANGCNGGTAT 300
AAN 303

配列番号：3463
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04073
配列：
GATCCGGTCA TACATCCACA TCAGGCCTGG CCAGCTGGAT GTTCTTAAAN AGTTCCACAA 60
GCAGATTACT GCACGGGCAA CAAAGGATGG GACTTTTGTC ATTTCAAAGA CATGATGTAT 120
GGGGATTAGA AAGAACTCAA GACACTCCTG CTTGATACAG AACAAAAAGA GCTTAACAGG 180
ACCAACAGGG CTTAAGCCCA GACTTGACGT AACAGAAATG TGCCAATAGG TAATAGGTAA 240
TTTTNCTTTC TCTGACTTGT TTTGTTTTCT TGAAATAACA CTGTTGTGTG GCTAGAAAGG 300
AAA 303

配列番号：3464
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04074
配列：
GATCTACTTT CACATTCTCA AGTTTTTTNTC ATCTGCATTA GAGGTGCCCA GTAGGTTCCC 60
AGGTTCCAGC GTGCCCCTCC CTCAGACACA CGGACACAAT CAGCCGAGAA GTTCCTGGTC 120
TGAATCACGA GAATGTGGAG GGGTGGGGGG TGTCAGTGGA AAGGCATAAG GCTGAGCTGA 180
GACCAGTTGC TGGTGAAACT GGGCCAATCT GGGGAGGGGA ACATCCTTGC CAGGGAGTTT 240
CTGAGGGTCT GCTTTGTTTA CCTTTCGTGC GGTGGATTCT TTTTAACTCC GTCTACCTGG 300
CGTTTTGTTA GAAATGTCAG ATAGGAAAAT AAAAACCATT TGAGTAAA 348

配列番号：3465
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04075
配列：
GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTNATGA CCTCATCAAA AAATAAACAN TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT CGCCCCTAGC AACTCCACCA 120
TTGGGCACTG CCATGCAGAG ACGTGGCTTG GCCCAGAATG GCCTGTGCCA TAGCAACTGG 180
AGGCGATGGG GCAATGACAG ATACANCAGA ACANTGCTTT TGAGGCANGC TTCTTCCCTN 240
GNGGGTNGGT TGTNATGGCC NTGGCTTTTT NAGTTGGGNG NCATTTANAT TAAGGTTTN 299

配列番号：3466
配列の長さ：415
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04076
配列：
GATCTACGTN ATCTCAGGGC AGTTCCTACA GATGAAGCAA GAGCTTTTNC AGAAAAGAAT 60
GGTTTGTNAT TCATTGAAAC TTCGGCCCTA GACTCTACAA ATGTAGAAGC TGCTTTTNAG 120
ACAATTTTAA CAGAGATTTA CCGCATTGTT TCTCAGAAGC AAATGTCAGA CAGACGCGAA 180
AATGACATGT CTCCAAGCAA CAATGTGGTT CCTATTCATG TTCCACCAAC CACTGAAAAC 240
ANGCCAAAGG TGCAGTGCTG TCAGAACATC TAAGGCATTT NTNTTCTCCC CTAGAAGGCT 300
GTGTATAGTC CATTTCCCAG GTNTGNGGAT TTAAATATAT TNGTAATNCT NGGTGTCACT 360
TTTGGTGTTT TATNACTTCA TACTTATGGN TTTTTCCATG NCCTAAGNCT TTTTN 415

配列番号：3467
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04077
配列：
GATCCACCTT CTTCCTTAGG TCCCCTCCTC CATCAGCAAA GGAGCACTTC TCTAATCATG 60
CCCTCCCGAA GACTGGCTGG GAGAAGGTTT AAAAACAAAA AATCCAGGAG TAAGAGCCTT 120
AGGTCAGTTT GAAATTGGAG ACAAACTGTC TGGCAAAGGG TGCGAGAGGG AGCTTGTGCT 180
CAGGAGTCCA GCCGTCCAGC CTCGGGGTGT AGGTTTCTGA GGTGTGCCAT TGGGGCCTCA 240
GNCTTCTCTG GTGACAGAGG CTCAGCTGTG GCCACCAACA CACAACCACA CACAN 295

配列番号：3468
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04078
配列：
GATCAAAGCA CTGGGCTTGT CCAGGCNCAT AATAAATGCT CCATTGAANG TACTATTCTN 60

GTTTTCCACT GCTGTGGAAA CCTCCTTGCT ACTATAGCGT CTTATGTATG GTTTAAAGGA 120
AATTTATCAG GTGAGAGAGA TGAGCAACGT TGTCTTTNCT CTCAAAGCTG TAATGTGGGT 180
TTNGTTTTAC TGTTTATTTG TTTGTNGTTG TATCCTTTTC TCCTNGTNAN TTGCCCTTCA 240
GAATGCACTT GGGAAAGGCT GGTTCCTTAG NNNCCTGGTT TGTGTCTNTT NN 292

配列番号：3469
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04079
配列：
GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTTATGTAT GTTACAAGAC TTCGAAATGT TGGAGTCCAA 60
GTNGTTCATG AACATATTGA GGATGGAATT CATGGAGCTT TATCATTCAT GACTTCACCA 120
TTTTATTTAC GTCTAGGTCT TAGGATAAGA GATATGTATG TAAGTNGGCT GGATAAGANT 180
TTATAAATAT GTGATGTGTA TGTATAGCCC TTACATAGTG GATTGTAATT NGTGATATTT 240
TGTGGTTTTG GAGCAAAGAN CAATGTCATT TGAGTTATCT AAATCTACAT N 291

配列番号：3470
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04080
配列：
GATCTTTTGA TTCCTCTTGG GCTGAAGCAG ACCAAGTTCC CCCCAGGCAC CCCAGTTGTG 60
GGGGAGCCTG TATTTTTTTT AACAACATCC CCATTCCCCA CCTGGTCCTC CCNCTTCCCA 120
TGCTGCCAAC TTCTAACCGC AATAGTGACT CTGTGCTTGT NTGTTTAGTT CTGTGTATAA 180
ATGGAATGTT GTGGAGATGA CCCCTCCCTG TGCCGGCTGG TTCCTCTCCC TTTTCCCCTG 240
GTCACGGCTA CTCATGGAAG CAGGACCAGT AAAGGGACCT TCGATTAAAA 290

配列番号：3471
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04081
配列：
GATCCAAAGT CCTGTGGTTA ACGCCTTCAT TTATAGATGA GGCAGCTGAG GCCTGGGGAT 60
GTGAACAACC TGCTCACAGT CCTCATTTAC TGGATTTGAC TTCAGCCAGG TGAACTGGAA 120
TGCCTTGGGG CGTGGAAGGG CATTAGGAGT GTTTCATTTG ATATGTGAAT GCTCATAAAA 180
AAATGTCAAG GAATGAAGAA CAGCANCTCT CAGTGGTGCC TGCATTTATA ATTATTTATG 240
TGAAAGTCAA ATTCATGTAC AGTAAATTTG TTATAAGAAT ATTCAAA 287

配列番号：3472
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04082
配列：
GATCCAAAGT GCAAGGNTTT GATTATAAAC ATAATTTCCT AGACTGAAAG TTTTTGGAAA 60
AGATGCAGGG TCTGAGTCAG GCCTTCTGGT TATATTGTGC AGTTTCAAAA GAACTATTTA 120
ANACTCTTGA AAACTCATGT AAATAAAAAT CATAGGGTGA AAATTGTATT TGTTAAAATA 180
CCTTAATAAT TTAAAATGAC CTGATTTCCT GGAAAATTTT ATTATTCAAA AGGTGGAGGC 240
ATTGTAAAAA GGAAATAGTG ATGTAAATAA ACATGTTCTC TTTCAAA 287

配列番号：3473
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04083
配列：
GATCTGTTTG TCACTGACAG ACTGTAGTAG TGTCTGTGTG CTGACTGATA GATAGACTAT 60
AGTAAAATTT GGGTGTTGCC TGACTAACGG TCTAGGGTCT GTAAGCTGAC AGTCTGCCTG 120
CTTTCTGATT GTATCCATTG AAGTGTATGT ACATTATGGT AATNCTCTGT CTATTAAATG 180
TGTCTAACAA AGGAAGGAAT TAAGCACTCC ACATGTTTTC TTTATAGGGG AGTTCTGTAC 240
ACTATGATTT TAAATAGATA TTTCTTATAT AANGGAAA 278

配列番号：3474
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04084
配列：
GATCCCAACA CTGAAGGGGT AGAAGGCCAG GGGGGCATGG AGAGTGCAGC TCCATTATAG 60
TGAAGAGCCA AACATATGTN AACTGTTTGC TGTGTGGAGG TGTTAGTTCT GCTGCCTACC 120
ATCTTCATCT CTAGCACCTC CCCTGCCAAG AGTCAACCAC TAAGCAATCC CACCCAAGCC 180
TGGATGCTTC TAGAGGGGCC CACTCCCAGC TGGGAGAGTN TAGGGGATAT GCTCACACCA 240
CATTAGCAGC AACCAATAAA AATGCTGGAA ACAAGAAA 278

配列番号：3475
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04086
配列：
GATCTTAACT GTGTCATTTG AAACCCTGTG CGTTTGAAGT GGTGGAGACA GGACCTTTAT 60
CATATTCTGA GCTTTAAATA TATAAACNGG TAAATCATTC CATTTAATAA GACATAGCCC 120
AAGTCCCAGA ACGCGTTTTG AGAGTAACCA GAAACAGAGG TTATTTGTTC TGCTTTCTTT 180
TATCACTGCT ATTGGATGGG ATATCCCAAA CAAGTGGATG TGCGCCCCAA TTCTATTTTC 240
CACTATTCAA TGATTAAAAT AATTACAAAA ACGCAAA 277

配列番号：3476

配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04087
配列：
GATCTTTCCA AATACCCAAA TGTCCCTGCA AGCCCGTTAA ATAATTCCCT ATGCTACCCT 60
TAATAACATA CAATGACCAC ATAGTGTGAG AACTTCCAAC AAGCCTCAAA GTCCCTTGAG 120
ACTCCCCAAT ACCTAATAAG GCATGCGAAA TGTTCTCATG AACTACCCCA CAACACGCCT 180
AAAACTCAAA ACACCCAAAA ATATNTCCTC CAATGTCCTG AAACATGAAC CCAAAAAGAG 240
ACCCACAATA AACTCGTGAC TTGTCCCNTC AAA 273

配列番号：3477
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04088
配列：
GATCCTCTCN ACCCTCCTCT AGCCATCCCT TGGGGAAGGG TGGGGAGAAN TATAGGATAG 60
ACACTGGACA TGGCCCATTG GAGCACNNGG GCCCCACTGG ACAACACTGA TTCCTGGAGA 120
GGTGGCTGCN CCCCCAGCTT CTNTCTCCCT GTNACACACT GGACCCCACT GGCTGAGAAT 180
CTGGGGGTGA GGNGGACAAG AAGGAGAGGA AAATNTTTCC TTGTGCCTGC TCCTGTACTN 240
GTCCTCAGCT TGGGGNTTCT TCCTCCTCCA TN 272

配列番号：3478
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04089
配列：
GATCTTGATA TTNGGCCTCT TGAAGAGAC AGCCCTGGCT GCTTTCCTNN CCTACTGCCC 60
TGGAATGGGT GTTNCTCTTA GGATGTATCC CCTCAAACCT ACCTGGTGGT TCTTTGCCTT 120
CCCCTACTCT CTTCTCATCT TCGTATATNA CGAAGCAGAA AACTCATCAT CAGGCGACGC 180
CCTGGCGGCT GGGTGGAGAG GGAAACCTAC TATNAGCCCC CCGTCCTGCA CGCCGTGGAG 240
CATCAGGCCA CACACTCTGC ATCCGACACN 270

配列番号：3479
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04090
配列：
GATCACCAAC AGGGAAAGAC ATCCTGGTTC TTTTGATGTG GTGCATGTGA AGGATGCCAA 60
TGGCAACAGC TTTGCCACGA GGCTTTCCAA CATTTTTGTC ATTGGCAATG GCAATAAACC 120
TTGGATTTCC CTGCCCAGGG GAAAGGGCAT TCGACTTACT GTTGCTGAAG AGAGAGATAA 180
GAGGCTGGCC ACCAAACAGA GCAGTGGCTA AATTGCAGTA GCAGCATATC TTTTTTTCTT 240

TGCACAANTA AACAGTGAAT TCTCAAA 267

配列番号：3480
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04091
配列：
GATCCCTGGA GTGCCTTGGT GTTTCAAGCC CCTGCAGGAA GCAGAATGCA NCTTNTGAGG 60
CACCTCCAGC TGCCCCCGGC CGGGGGATGC GAGGCTCGGA GCACCCTTGC CCGGCTGTGA 120
TTGCTGCCAG GCACTGTTCA TCTCAGCTTT TCTGTCCCTT TGCTCCCGGC AAGCGCTTCT 180
GCTGAAAGTT CATATCTGGA GCCTGATGTC TTAACGAATA AAGGTCCCAT GCTCCACCCG 240
AGGACAGTTC TTCGTGCCTG AAA 263

配列番号：3481
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04092
配列：
GATCGGGAAC AAATGNAATC TGTGGATGCA TCAAGCTATC GTCAGTCAAA CCCCTTTAAA 60
ATGTTGCTTT GGCTTTGTAA ATTTAAATAT GTAAGTGCTA TATAAGTCAG GAGCAGCTGT 120
CTTTTTAAAA TGTCTCGGCT AGCTAGACCA CAGATATCTT CTAGACATAT TGAACACATT 180
TAAGATTTGA GGGATATAAG GGAAAATNAT ATGAATGTGT ATTTTTACTC AAAATAAAAG 240
TAACTGTTTA CGTTAAA 257

配列番号：3482
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04093
配列：
GATCTACATT TTGTACATAT TTATATAAAA TTTACCTTTA AGTATTTACT TTAAAAAATT 60
TAATGGCTTA ACTCGAACTT GAAGACACAT ACTTCAACTG TCCTTATTGT CCATTAANCT 120
GATAATTTTN ATTTTCCTNG CTTTTATAGA TTTNNCTATA TAGGAATCAA GATTTANGAA 180
ATTTTGCATT AAAANTAGTG TACCAATGCT TCATATACGT TAGTTATTTG CTATTATGTA 240
GGGAAGAGGA TTGTN 255

配列番号：3483
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04094
配列：
GATCTGAAAT NAGAAATATC CAACATTGCA CGAGTATCTT TNTTTATNCC TCCACAGACT 60

CCGCCAGAGA CACCTAGTCC TGATGAAACG TCTGCTCCTT GTCCTAATAT TCATATCAAC 120
AGCACCATTC CTGGCATTCA CATTTTAAAA ATTATGTGGA AGTGGATAGG AGAACTGCAG 180
CTGTCAATAG CCTAGGGCTG AATTTTTGTC AGNTAANTAA NATAAATCAT TCATCCTTTT 240
TTTTNGNTTT ATAAA 255

配列番号：3484
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04095
配列：
GATCTAGGTG GTTTGTAATT GTGCATTACT GACTGCATAT GTTTGTGTAT GTGTAAATGT 60
GGGCTCCCTG TTAAGTGGGG CTCATGGATA CGAGGCCTGA GGAAGTGTGG CTTGCTAGTC 120
TGTTACGTTA ACATGCTTTT CTAAAATTGC TTCACGTGTT AATTCATTTA CTCCTGCATT 180
CATTGACTGT TTTTGTTCTT TTCCATTCAC TTTGTACTTA TTTTTTTCAT TAAATTTTGC 240
ATTTATTTTG AAA 253

配列番号：3485
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04096
配列：
GATCCTAGTT CCTTCCTTCC CGAGTGATAC CCATGAACTG CCAGTAGAGG CTGCTATCGT 60
TCCATGTGTA AGGAATGAAC TGGTTCAAGG CGCGTCCTAC CCAGTCATTT TCTTTACCTT 120
ATACTAATTC TTCCTGAATA ATGTCTTCAG TTTCTTGAGG AGACTCCTAG TTTTGGTTTT 180
CAAATTACTT GGAGGGCTGC CTAGGAATCT ATCTCCCTCT GAAATAAAGT TTCCTCATCT 240
TCCACNNTAA A 251

配列番号：3486
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04097
配列：
GATCATACGG CCTTCCAGGA GACGCTGGGA TGTAAGATAC TCTTGGAGGN TGGCTCTGAA 60
CTCGGGTGTC TGAATCACAG GGCAAGGGTA GGCGTGGGCT GTGGCTAACA GCAGAGTCAC 120
TTCCCTGGCC TAGCTTGGGG ACCTGGGGAG GAGGAGGTAG CTCTGGACAC CAGGGTTCTT 180
CCCATTGTGG GAGAGTNAGT TTTTTAGGGG GAGACCTGTC CCCCAGATTA AAGAACTGGG 240
AGCCCTAAA 249

配列番号：3487
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04098
配列：
GATCAAAGAA GAGAGTAAAG CTATGTCTTC AATTTAATTT CAATACCTGA TTTGTACTTT 60
CCTTGAAAGC TTTACTTTAA AATACCTTAC TTATAGGCCT GGTGTCATGC TATAAGTATG 120
TACATACAGT TTCACTTCAA AAATAAAAAA AAANTCCCTA AAANCTCTCT ATACTCTCTA 180
TAACANTNCT TTATCANGAN CTCTGGNCAA TGGTATTATT TNGGANANTC ATGGTGATGT 240
ATTTNTNN 248

配列番号：3488
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04099
配列：
GATCTGTGTT GTAGAACATG AGGGTGTAAG CCTTCAGCCT GGCAAGTTAC ATGTAGAAAG 60
CCCACACTTG TGAAGGTTTT GTTTTACAAA TCACTTGATT TAACACACTC AGGTAGAATA 120
TTTTAATTTT TACTGTTTTA TACCCAGAAG TTATTTCTAC ATTGTNCTAC AGCAAGAATA 180
TTCATAAAAG TATCCCTTTC AAATGCCTTT GAGAAGANTA GANGAAAAAA AGTTTGTATA 240
TATTN 245

配列番号：3489
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04100
配列：
GATCCTGATN ATATTTGGCA GCTGTCCTCC AGTCTTAAAA GGTTTGATGA CAAATACACC 60
TTGAAGCTGA CCTTCATCAG TGGGAGAACA AAGCAGCAGC GGGAAGCCGA GTTCACAAAG 120
TCCATTGCTA AGTTTTTTTG ACCACAGTGG GACACTGGTC ATGGATGCAT ATGNGCCTGA 180
AATATCCAGG CTCCATGACA GTCTTGCCAT AGAAAGANAA ATAAAGTAGC CACTTCTANA 240
AGTAAA 246

配列番号：3490
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04101
配列：
GATCCTGGGT ACTGAAAGNC TTAGGGAAGC TGGCCTGAGA GGGGAAGCGG CCCTAAGGGA 60
GTATCTAAGA ACAAAAGCGA CCCATTCAGA GACTGTCCCT GAAACCTAGT ACTGCCCCCC 120
ATGAGGAAGG AACAGCAATG GTGTCAGTAT CCAGGCTTTG TACAGAGTGC TTTTCTGTTT 180
AGTTTTTACT TTTTTTGTTT TGTTTTTTTA AAGATGAAAT AAAGACCCAG GGGGAGAAA 239

配列番号：3491
配列の長さ：239

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04102
配列：
GATCTGGGGA AAGGAGAGAC CATGGTGTGA ATGTAGAGAT GCCACCTANC TCTCTCTAAG 60
GCAGGCCTGT GGATGAAGGA GGAGGGTCAG GGCTGGCCTT CCTCTGTNCA TCANTCTGCT 120
AGGTTGGGGG CCCCNGNCCN NCCATACCTA CGCCTAGGGA GCCCGTCCTC CAGTATTCCG 180
TCTGTAGCAG GAGCTAGGGC TGCTGCCTCA GCTCCAAGAC AAGAATGAAC CTGGCTGTN 239

配列番号：3492
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04103
配列：
GATCTGTGTT TCCTCCCCAG TCATCTTTCT TGTTCCAGAG AGGTGGGGCT GGATGTCTCC 60
ATCTCTGTCT CAACTTTATG TGCACTGAGC TGCAACTTCT TACTTCCCTA CTGAAAATAA 120
GAATCTGAAT ATAAATTTGT TTTCTCAAAT ATTTGCTATG AGAGGTTGAT GGATTAATTA 180
AATAAGTCAA TTCCTGGAAT TTGAAAGAGC AAATAAAGAC CTGAGAACCT TCCAGAATCT 240
GAAA 244

配列番号：3493
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04104
配列：
GATCCATAAA AGATTGTATT TTTATTACTA TTTAAACAAG TGATTAAATT TAGTCTGCAC 60
ANNNAGCAAG GGTTCACATG CATTCTTTTA TACTGCTGGA TTTTGTTGTG CATCATTTAA 120
AACATTTTGT ATGTTTCTNC TTATCTGTGT ATACAGTATG TTCTTGAATG ATGTTCATTT 180
GTCAGGAGNN CTGTGAGAAA TAAACTATGT GGATACTGTC TGTTTATATT ATAAA 235

配列番号：3494
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04105
配列：
GATCGACTGT AAATAGAGGA CTTCTGGAAC ATTCCAAATA TTCTGGGGTT GAGGGAAATT 60
GCTGCTGTCT ACAAAATGCC AAGGGTGGAC AGGCGCTGTG GCTCACGCCT GTAATCCCAG 120
CACTTTGGGA GNCTGAGGTA GGAGGATTGA TTGAGGCCAA GAGTTAAAGA CCAGCCTGGT 180
CAATATAGCA AGACCACGTC TCTAAATAAA AATTANTAGG CCGGCCAGGC AAA 233

配列番号：3495
配列の長さ：243

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04106
配列：
GATCATGGAG ACCTGGCTGG TAGCTGTAAC AGAGATGGTG GAGTCCAAGG AAACAGCCTG 60
TCTCTGGTGA ATGGNACTTT CTTTGGTGGA CACTTGGCAC CAGCTCTGAG AGCCCTTCCC 120
CTGTGTCCTG CCACCATGTG GGTCANATGT ACTCTCTGTC ACATGAGGAG AGTGCTAGTT 180
CATGTGTNCT CCATTCTTGT GAGCATCCTA ATNNNTCNNT TCCATTTTNA TGACAGGANG 240
AAA 243

配列番号：3496
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04107
配列：
GATCCAGAAC TGAGGTCACT GGGTTCTAGA ACNGNNACAT TTACCTCGAG GCTCTTCCAT 60
CCCCAAACTG TGCCCTGCCT TCAGCTTTGG TGAAAGGGAG GGCCCCTCAT GTGTGCTGTG 120
CTGTGTCTGC ACCGCTTGGT TTGCAGTTGA GAGGGGAGGG CAGGAGGGGT GTGATTGGAG 180
TGTGTCCGGA GATGAGATGA AAAAAATACA TCTATATTTA AGAATCCCAA A 231

配列番号：3497
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04108
配列：
GATCTGCAGC CAGGCCTTTC TGAAGGNGTT ATTCTGNTAA AAATGGTCTN AGTTNTCTGA 60
AAAGCCAGCT CTTGAACCTC TTCACAACAG TATCAACACT GGCTTCTCCC GGTTCATNTT 120
ATGCGTGCGA GAAGTCAGTG GTAACTNCTG CAGGGCTTAA TACATTAGTG GTAACTGGTT 180
TAAAAAACAA AGACTGTAAG CCTGTGTGTG CCACTGNNNG CTTCAACNGN N 231

配列番号：3498
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04109
配列：
GATCCCAGTT TGCAGCAAAC CCCACACCCC AGCTCACACA GCAAAAACAA TGGACAGGCC 60
CAGAGGGTGA AGCAAACAGT GTCCCTTCTG GCTGTNTTGG AGCCTCCCCA GTAACCACCT 120
ATTTATTTNA CCTCTTTCCC AAACCTGGAG CATTTATGCC TAGGCTTGTN AAGAATCTNT 180
TCAGTCCCTC TCCTTCTCAA TAAAAGCATC TTCAAGCTTG TAAA 224

配列番号：3499
配列の長さ：294

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04110
配列：
GATCGGGAAC AAGCACGTTG TACCCTTGGC TGGACATGGC CAAGACACAA GGCATTCCAC 60
GGCGGCAAGC TGACCGCACA GCAGTCTGGC TTGATTTTCA GCCGTCATCA TTGGGTTCTG 120
TTTTGACAGC TCTGCTGCCC ATAGGGACTG CGACTGGGNC CAGGTCAACC ACGCCAGGGG 180
GGTGTCACCA GCCTTTTCTT TTTTNCTTTC TTTTNTTTTT TTCCCCCCTA AAGTTGTNNN 240
AAAGCNAANC CNTGGGAATA ATGGTTTNTT TGGANTNAAA CCCANNATTT CAGN 294

配列番号：3500
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04111
配列：
GATCCAAGTT TGATAACATT GGCATGAATG CCATGGCTAA CAAAGATAAT GCAAGTNTCA 60
AACAGCTTAG ATGGGAGGCT GAACGTGATG ACTGGCTACA CAACAGAGAT GCAAAANGTA 120
TCATCAGGAA AAGGAAACAT TTTAAAANGA AGAGGNTTAA AACCACTCAA AAANCTAAAA 180
NCCAAGGGAA ATGAGTTATT ANTGTAANTN ATAGNTTAAN N 221

配列番号：3501
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04112
配列：
GATCTAATTG TATTAGTATT GTGAATAATC ATGTGAAATG TTTTGAGACA GAGTACTATA 60
TTTGTGAATA TAATNNTATG GTTTTTTTCA CTTAGAACCT TTCTGTGTGG AAAACTAAGA 120
AAATTGCTTT CTGCTGTATA ATCTGGCATT CATTGTAGAT TAAAGCTTAT TTTNCTGTGA 180
ATAAAACGNN NNCAATAAAA TACTATTCTT TAAAATTAAA 220

配列番号：3502
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04113
配列：
GATCTGGACA CCCTGTCTCC TGAGGAGCGC CGGGCCAGGC TGCGGAAGTN TGAGGCTCAG 60
CTCCAGTCGA GGAAGGAGTA CGAGCAGGAG CTCAGTGATG ACTTGCATGT GGAGCGCTAC 120
CGACAGTTCT GGACCAGGAC CAAGAAGTGA CCGTGGCTCC AGCCACCCCG GGACATTGCT 180
AAGATGGGAG GGCTGTTCTT AAATNACTCG TTCTTGAAGC TGCAAA 226

配列番号：3503
配列の長さ：215

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04114
配列：
GATCATGCCG AAAAAGTGGC GGAAAAGCTA GAAGCTCTCT CGGTGAAGAN GANNCCAAGG 60
AGGATGCTGA GGAGAAGCAA TAAATCGTCT TATTTNATTT NCTTTTCCTC TCTTTCCTTT 120
CCTTTTTTNA AAAAATTTTA CCCTGCCCCT CTTTTTCGGT TTGTTTTTAT TCTTTCATTT 180
TTACAAGGGA CGTTATATAA AGAACTGAAC TCAAA 215

配列番号：3504
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04115
配列：
GATCTNTTCT TAATGTACAT AGTGCTAACA TGAAGACCTT TTTNTGCACT ATATGCAAAC 60
AGGGTAACTA ACTAAAACAA AGCCACTTTC AATCTTCAAT CCTTGAAGGT ATATCTAGGT 120
TTATNACAGT AATTGTNTTT ACATTTNATG GTGCCTAGTA TTGACAAAAT GTTATTTCCC 180
TACATTAAAC ATGACTCCAT AGACCTTTTC AAA 213

配列番号：3505
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04116
配列：
GATCTAATGT AAAATCCAGA ACTTGGACTC CATCGTTAAA ATTATTTATG TGTAACATTC 60
AAATGTGTGC ATTAAATATG CTTCCACAGT AAAATCTGAA AAACTGATTT GTGATTGAAA 120
GCTGCCTTTC TATTTACTTG AGTCTTGTAC ATACATACTT TTTTATGAGC TATGAAATAA 180
AACATTTNAA NCTGAATTNN TTAACTNTGA AA 212

配列番号：3506
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04117
配列：
GATCAGAGAT GCTGTTCATC AGTCCCAACA AGATGGCCTA GAAATCGCAT TCTCACCTCG 60
CCTTGCTGCT GCTTTAATTC CAAGTTCTAT TTCTTCCCTT ATAGTTTTCT ATGGGAATGA 120
GGCGGATACA GGAAACACCC TATCTCCTCT GTATTTTTGT AGTGGAATTT CTATTTAAGG 180
GGCTCATTAA AGCATAGTAT TTATACACAA A 211

配列番号：3507
配列の長さ：209
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04118
配列：
GATCGAGATN CAAAGCCACA TNCTCTCTCA CCAAGNTAAA CTATTTANAT TAATTGTTAG 60
CGGTGTTATG CTGCTTTCTT CTTTGACAAG GCCATGACTA AGAAGGCTCT AAGTAAAGGA 120
AGAATCATTT ATTCCATAGT CAGCTAACTG GTAGCAAAGC CTTCTNTTCC AAGACACCAA 180
GGGAGAGGGG AGGACATAAA TTATGCAAA 209

配列番号：3508
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04119
配列：
GATCCCCTCT TNAGTCCNCT GCCCCTTCCA AGGACACTAA TGAGCCTGGG AGGGTGGCAG 60
GGAGGAGGGG ACAGCTTCAC CCTTGGAAGT CCTGGGGTTT TTCCTCTTNC GCCCCTTGTG 120
GTTTCTGTTT TGTAATTTAA GAAGAGCTAT TCATCACTGT AATTATTATT ATTTTCTACA 180
ATAAATGGGA CCTGTGCACA GGAGGAAA 208

配列番号：3509
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04120
配列：
GATCCAAGCA TATAAAAAGC CTNTATATTT TTNAAAAACA CATCTTAACT CCACGCTTTA 60
CGATATTATA AAAGTTGAAT GGTTCCTCTT GGTAAGGATA TTTGCTTACA AGTGCTAGGA 120
AATAACTNNC TGATAGCTGC GTTAACATAC TTNGTTTTGC CTAGAGAGGG GCAATAAAAA 180
TGAACCAAAG GATATTTCCA GAAAGGATTA AGAAAGCTGT TTAAGANGGC CATGACTCTT 240
TAGGTGTGTA TGTGTACCTT TCAGCATCCT AGGAATTTTN ATACTAAAAG CAAAATGTTT 300
TTCCCAGTTA GTCTTCTTCA GN 322

配列番号：3510
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04121
配列：
GATCCGNCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCGTGCCCGG 60
CCTCTTTTAA TTTATNCCTA AAATATTACC TTGAGGCCAA ATNCTGCGCT TAAGGAGAAT 120
GTGCACCAAG TGCTGGGGTG GGGGCTGGTT ATAAACGAGG CCACAAATNA TGCTTGTAAA 180
TAAATTGTGT GGTTCAAATC TGAAA 205

配列番号：3511
配列の長さ：205

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04122
配列：
GATCCCTCAC TTTATTTATA TTCCCACTAT AACCAGTAAG TTCATTTCAT AGGCCCTATC 60
ATGCATTAAT CATTGNATGN NAGNAGTTAA TGAAAACTTT TCCTGTTACA ACGCCCATTG 120
CCGGCAATGA ACGTACCAAA ACCGCCAAGG AAGTCATTGT TATTGCACAA TACATGAGGA 180
CCTGGAGCTT TTCCAAAAGC TTAAA 205

配列番号：3512
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04123
配列：
GATCTAAAAC GGCTATTTAA TATGTTACAA GGCACTTGAG TATGGTTGCA TGTCCAAATA 60
TAAATGTTTT TAAATTAACT CTAACATTTG GTTATAAAAG TTTANCCATA ATAATAGAAT 120
TTTTAAAACA CGNTTGTNTG GTTTAATCTT AGCATATTTT TCCAACTAAT AAAGCTCAGT 180
ATTCGTCTGN GTTCTCAGNG GAAA 204

配列番号：3513
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04125
配列：
GATCTCTCTC ATTCATTTCA ATGTATTTTT ACTTTAAGAT GAACCAAAAT TATTAGACTT 60
ATTTAAGATG TACAGGCATC AGAAAAAAGA AGCACATAAT GCTTTTGGTG CGATGGCACT 120
CACTGTGAAC ATGTGTACCC ACATATTANT ATGCAATATT GTTTCCAATC CTTNCTAATA 180
CAGTTTTTTA TAATGTTGAA A 201

配列番号：3514
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04126
配列：
GATCCAATTT ACATCCACAT TTTAGGTNCA ACAGCAAGAA GTTCAGAGAG AGATTTCCCA 60
ACCAGACATT GGGTCACTCA CTGGTCACCT TGCCAGTNCA TTTTATTAGA AGGGAATCTG 120
TTGTAGCAAA TGGGAATAAA CCTGGGTTTC TATAGACCCA GAACTGAAAA AATAAACATC 180
GTGCTGTTTT TAATTNGAAA 200

配列番号：3515
配列の長さ：209
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04127
配列：
GATCTTAGTT TTCTTTTGTT TATTTCCCAG CTCATTTTTT TCTTCTGGTC AGTTTTTTTA 60
AGGGGGGGTG TTGTGGTTTT TTGTTTTTGT TTTGCTTCTG AGAAAGCATT TGCCTTTCTT 120
CCTCTCCCAA CATAACAATC GTGGTAACAG AATGCGACTG CTNGATTTAC CGATGTATTT 180
AATGTAAGTA AAAAAAGGAA AAAAAGAAA 209

配列番号：3516
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04128
配列：
GATCCATTCC CTGCAACTNA AGATTCTAAG GAACTGGGTT TCTCAGTATA CAATGGGAAT 60
GGTTGGNAGG AGGTAAAGAG TAGAAGACAG TATCAAGANT CCAGAGCCCA GCACCTGTAG 120
TCCTAACTAT NCANATTCCT TGAGCCCAGG AGTTTGAGTC CAGCCTGGAC AACATATTGA 180
GACCCCCATC TCTCTAAA 198

配列番号：3517
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04129
配列：
GATCATGAAT AGGAGCCCAT GCTAGAAGTA CATTCTCTCA GATTTGAACC AGTGAAATAT 60
GATGTATTTC TGAGCTAAAA CTCAACTATA GAAGACATTA AAAGAAATCG TATTCTTGCC 120
AAGTAACCAC CACTTCTGCC TTAGATAATA TGATTATAAG GNAATCAAAT AAATGTTGCC 180
TTAACTTCAA A 191

配列番号：3518
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04130
配列：
GATCCAGGCA GCCAAGAACT TGATGAATGC TGTGGTGCAG ACAGTGAAGN CATCCTACGT 60
CGCCTCTACC AAATACCAAA AGTCACAGGG TATGGNTTCC CTCAACCTTC CTGCTGTGTC 120
ATGGAAGATG AAGGCACCAG NGNNAAAGCC ATTGGTGAAG AGAGAGAAAC AGGATGAGAC 180
ACAGACCAAG N 191

配列番号：3519
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04131
配列：
GATCTCCCCC AAAGATTCCA GGCGGTGCAA CCCTGCNTGT TCGAGGTGGA GCTGCTCAAA 60
ATAGAGCGAC GAACTGAGCT GTAACCAGAC TGGGGAGGGG CAGGGGGAGA GGCCCCCATC 120
AGGGACCAGA CTGTTCCAGA AAAAAAACAA AAAACANAAA CAAACAAAAA AACACTTAAA 180
AGCCAAA 187

配列番号：3520
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04132
配列：
GATCGAGACT CTNCCAGAAA ACAAAACAAA ACAAAAAAAA ATCCGTTTCT AAGGACGGCG 60
GGGATTCGGT TCGAGCCCGT GGCTGCTCTG TTTTGTTTTG CTTTCTTGGT ATATAATCCT 120
ANAAATAAAA GGGTAATATA AATATTTNAG AAGAGGGAAA TTGCTGAAGA GTAGTAAGGG 180
CAAA 184

配列番号：3521
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04133
配列：
GATCAGATGA CCATTGAGGA CTTGAATGAA GCTTTCCCAG AAACCAAATT AGACAAGAAA 60
AAGTATCCCT ATTGGCCTCA CCAACCAATT GAGAATTTAT AAAATTGAGT CCAGGAGGAA 120
GCTCTGGCCC TTGTATTACA CATTCTGGAC ATTAAAAATA ATAATTATAC AGTTAAA 177

配列番号：3522
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04134
配列：
GATCCCATCC GAAGCTCAGG GTATGGAGAG CGGGGAGCTC CNCCAAAGAT TCCAGGCGGT 60
GCANCCTGGT GTTCGAGGTG GAGCTGCTCA AAATAGAGCG ACGAACTGAG CTGTAACCAG 120
ACTGGGGAGG GGCAGGGGGA GAGGCCCCCA TCAGGGACCA GACTGTTCCA AAAAAAAANC 180
AAAAANCAAA ANCAAACAAA AAAACACTTA AAAGCCCAAA 220

配列番号：3523
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04135
配列：

GATCCTACCT AAGGGGCACA ACTAGTAAGG GAGTAGAGCT GAGATTGGCT CCAGAGTTCT 60
TGTTTTCAGC CACCATTTTA TGCTGCCTCT CCAGTNATTT TTTTTCCCAT TTTCTTCAGT 120
NTTTCTATAG CAGAGATTTG ATAATAAAAA GAAAATCCTA AACAATGAGA AA 172

配列番号：3524
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04136
配列：
GATCGCACTG CGCAGGGGTG CCACGGAGCT CACCCACGAG GACTACATGG AAGGCATCCT 60
GGAGGTGCAG GCCAAGAAGA AAGCCAACCT ACAATACTAC GCCTAGGGCA CACAGGCCAG 120
CCCCAGTNTC ACGGCTGAAG TGCGCAATAA AAGATGGTTT AGGGTCAAA 169

配列番号：3525
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04137
配列：
GATCTCAGGC ATCGGATTAT TTCTCCTGTA AATATTTCAG AATGTATCTN TCCAAGATGA 60
GAGCTCATTA AAAGACAATT ACAAAGCTTA TCACATCCAA AAGANTTATC AATAATTTTN 120
AAATATTATT AANCGTGTAA TAAATNTNCA AAGTNCCACT TGCCTTAAA 169

配列番号：3526
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04139
配列：
GATCAAAANG AGTNAANCTA TCCAAAAAAA ATTTGTATAT TTGGGAAAAA TGGATTTTTA 60
CATAGCTTTT GTATGCAGAT ATAAAACTGT AATTATGAAT ATAGTGGGCG TAGATAAACT 120
CATAAGCTTA AATTCTAAAA ANGAAAAAGC TTATACCANG ATAAA 165

配列番号：3527
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04140
配列：
GATCAGCCGA TGACAGAGAT TGTAAGCCGT GTGTCGAAGC GAAAGTTGGA GCCGCCACGT 60
GCGGGCNCTG GTGCTTNANC TGTGCTGTAA CGACGAGAGC GGCGAGGATG TCGAGNTTCC 120
CTATGTCCGA NACACCATCC GCTGACCCCG TNTGNTCCTN TAGGN 165

配列番号：3528

配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04141
配列：
GATCCATTTG AAAGTNATTT TGACATAAGG AGTAAGGTTA CTACTGATTC CTACTCAGGA 60
GGCTAAANTG GGAGGACCAC TTAAGTATGG NAGGTCGAGG CTATAGTGAG CCATTACTGA 120
GCCACTGCAC TACAATCTGG GCGACANAGC AAGACTCTGT CTAAA 165

配列番号：3529
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04142
配列：
GATCCTGTGT TTGCAACTGG GGAGACAGAA ACTGTGGTTG ATAGCCAGTC ACTGCCTTAA 60
GAACATTTGA TGCAAGATGG CCAGCACTGA ACTTTTGAGA TATGACGGTG TACTTACTGC 120
CTTGTAGCAA AATAAAGATG TGCCCTTATT TTACCTACAA A 161

配列番号：3530
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04143
配列：
GATCAGTCAT CCACCAGGAA CGAAGATTTC CTGAAGAAGA CCTGGTCCCT CTGGAGGTTG 60
CGGTGGCTGA AGGATGCATC ATGTGCTCCT ACCCTGCTCT ACCGCTTTNT TGGGTCACAG 120
AGGCCAAATG TGAGAGCATT GAATAAATAT CTTAAGCTAA A 161

配列番号：3531
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04144
配列：
GATCTCGTGA AGCCCGCAAG GACCGAACAC CCCCACCCCG ATTTAGACCT GCGGGTGCTG 60
CCCCACGTCC CCCACCAAAG CCCATGTAAG GAGCTGAGTT CTTAAAGACT GAAGACAGGC 120
TATTCTCTGG AGAAAAATAA AATGGAAATT GTACTTAAA 159

配列番号：3532
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04145
配列：

GATCCTTACA GTAGAGGTGA CCCCTGTAAT ACCATCTGCT GCCGTGAGGA CCTGAACTCA 60
CCTAACCCAA GTCCTGGAGG TTNNNNNGAC ACAAAGGTGG CAGATATCTA CCTAGCATCT 120
CAGTACACAT CCTATGCCAT AAGTGGTCCC ACAGTACAAG GTGGCCTCCC TGTTTTTCGC 180
TGGGACCGTT TCAACAAAAC TCTACATCAG GGCATGCCAG AGGTCTACAA CTTTGATTTT 240
ATTACCATGA AACCAATTTT GAAACTTGAT ATAAAATGNA GGAGGGAGAT GACGGACTAG 300
AAGACTGTAA ATAAGATACC AAAGGCACTA TTTTAGCTAT GTTTTTCCCA TCAGAATTAT 360
GCAATAAATT TNTTAATTTT GTCAAA 386

配列番号：3533
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04146
配列：
GATCAGATTA AACCATTGAA GTTGGAAGTT CATNAGGCTA AGCCTGTNCC AGAAAATCAC 60
CCACAGTGGG ATACAGCAAT AGAGGGGGAT GAAGACCAGG AGGACAGTGA GGGCTTTGAA 120
GATAGCTTTN AGGAAGAAGA GGAGGAAGAA GAAGATGATG ACTAAGCAGT ACTCTGAATG 180
GNCCACAGTG TTTGCACATA TTTNCAATTT TTTNCTGTTT TGGAAGTGTA TCATAAACCA 240
GAAACAGTAC AGAACTGATG TTGNGGGNGG TGTNGTTTTT TTACTCTAGA NATGGGTGCA 300
TAATATNACT AGGCAGTGGC GGTGCCTTGG TNCANCCTGN AAAATGTTAA GGCTTTNTTG 360
AAACCTTTCC AGTNGGGGNT GGTCCNTTNA N 391

配列番号：3534
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04147
配列：
GATCCGCCCG ACTCGGCCTC CCAAAATGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT TCAAGTCTGG 60
CGAGAGAGAT TGTTTCTAGA TGAGGGTGGG GGCGGGTGTC CTTAGCCCAA AGCTTGTGCC 120
AGTCTCTATC GGAAATAAAT GCCCCCAAAA CCTCAAA 157

配列番号：3535
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04148
配列：
GATCTACAGC AAAACACAGC GGGAGAGGTT CGCCTGGGCT CTCGCCATGG CAGGAGAAGA 60
CTTTGAATTC TAACGACGAG CCGTGTTGAA ACTTCTTTTG TATGTGTGTG TGTTTTTTTC 120
ACTATTAAAG CAGTACTGGG GAATTTTGTA CAAA 154

配列番号：3536
配列の長さ：151
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04149
配列：
GATCTAGGCA ATGATTTAGA GGAAACCTCN TCACAAAAAC CCCAGAGGAA GAATATGACC 60
TGTGTTTCAA ATTTTGCCTT TCTGAACTAT TTAAAATTAT GTGTATGTTT TTGCTTTGTA 120
TTTTAAAAGT AAAGCTGCTG TCCTCAAGAA A 151

配列番号：3537
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04150
配列：
GATCTATGAA AGCGGGGAGA GGGAACCTGA ATATTAATTA TGAGCACAAA TTTGAAGGAA 60
AGAAAACAAA GAACCATTAT CTAATCAAGC TTTGAAAGTC CTGCATGTTT GCCTTTTATT 120
TTAGTGTTGA CGCCAACATA GACTGTCTAA GGTATTTTTT TCCCCAAACA CTTGAATCTT 180
GGTCGTTGGT ATGTAATCCA CTCTCTAGAG TCCAGTGTAC TTTAGACTTC ATCTGAGTCC 240
AATATATGTA CCACACTACT GTTTTATTAA TGTAAAAACC TTGTAAATGA ATTTCAGATG 300
GGTGATTTAA GTGAGTCACA AGTCACAAAA CTTTGCTATT CATAGTTTAT CTNGN 355

配列番号：3538
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04151
配列：
GATCTCTGCT TCCTGTACCT TGACATGCAA AAGGCTCTCC TAATACTCCA CATTCAAACT 60
GAAGAGGAAA ATTGAAATCT CTAATGAAGC TGCTGTGTGT ATTTATGANT ATTAATGAAT 120
AAAAACTGCT TGGATGGTTT ACCTTAAA 148

配列番号：3539
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04152
配列：
GATCAACAAC TNGNTACTCT CGGGAAGACT CCTCTACTCA CAGCTGAAGA AAATGAGCAC 60
ACCCTTCACA CTGTTATTAC CTATCCTGAA GATGTGATAC ACTGAATGGA AATAANTAGA 120
TGTAAATAAA ATTNAGTTCT CATTTAAA 148

配列番号：3540
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04153

配列：
GATCAGAGTA AACAAAAGGA ATCTCAAAGG AAATTTGAAG AAGAAACTGT AAAATCCAAA 60
GTGACTGTTG ATACTGGAGT AATTCCTGCC TCTGAAGAGA AAGCAGAGAC TCCCACAGCT 120
GCAGAAGATG ACAATGAAGG AGACAAA 147

配列番号：3541
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04154
配列：
GATCGTGGCG CATGGCTTGG GGATTAAACT ACCCTTGANG AGGACCCTTG TCCCAAACCC 60
TTCTTGTTCT CTCCTCCAAA AGTAGCTTCC TCCAACCCGC AGCCTCTCTG CACACTAATA 120
AAACATGTGG CTTGGAAAGG TTCAAA 146

配列番号：3542
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04155
配列：
GATCTTTAAG GACAAGTTTA TCCAGCATCC AAAAAACTTT GGACTAATTG CATCATACTT 60
GGAGAGGAAG AGTGTTCCTG ATTGTTTTTT GTATTACTAT TTAACCAAGA AAAATNAGAA 120
TTATAAAGCC CTCGTCAGAA GGGN 144

配列番号：3543
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04156
配列：
GATCTGGGTT TTNATATCTT TATCTTCATT CAGTGAAGCA AGCCAAAAGC NCACATTTGT 60
ATGCNTTAGG TCTTCTTAAA ATGGTATCTG TAAACATGTG TCCAATATAA AANCTATTTT 120
NAATAAAANG TTACATGAAA 140

配列番号：3544
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04157
配列：
GATCAGCAAT GAAGAACTGG NCGGACAAAA TTNAACGTTN ATGTAATGGN ATTCCAGATG 60
TAGGCATTCC CCCCAGGTCT TTTCATGTGC AGATTGCAGT TCTNATTCAT TTGAATAAAA 120
AGGAACTTGG AAANCAAA 138

配列番号：3545
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04158
配列：
GATCTAAATG GGCCCAGGTG TTTACCCTTA TNTNGTTTTC TGCTAAATNA TGGAGGTTTG 60
GGGAGTTCCT TCTCCACTTG TTTGTGGAGG CCTGGGGAGT TTTTNNAGAC CCCCAGTAAA 120
ACTNGTTTAA TCCTAAA 137

配列番号：3546
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04159
配列：
GATCCCTGTA GAGGTGGTAT TAAAGATGGT CACTGAGATT AAGAAGATTC CTGGTATTTC 60
TCGAATTATG TATGACTTAA CATCAAAGCC CCCAGGAACT ACTGAGTGGG AGTAATAAAC 120
TTCTTGTTCT ATTAAA 136

配列番号：3547
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04160
配列：
GATCCTAAAA TNNTCTACTT TTGTNGCCTT ATCAGTNCTT TGCAATCTGC CTGTGGTTAT 60
CAGCACTTAA AGCACAATTT TGAAGGGGAA AAAAATGATA ATCACCTTAG TCCCAAAGAA 120
ATAATTTGTC ANNCN 135

配列番号：3548
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04161
配列：
GATCTGGACT GGCTGGGAGT GGGGAGGGCG TGGAGACAGT CTACGGAAAG CGCTANAGGA 60
CCCCCGAGAG GGTGCAGTGG AGCCCTGAGC ATTGTAATAT GCGGCCCAGC CTATAAACAG 120
CCTCCGTGCT TAAA 134

配列番号：3549
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04162

配列：
GATCCTTTGC TGTAAACTNG GAGAGACCAG TCCCAAACAG AGGGGAATTT TAAGCCCTTC 60
TCATCACCCA ATTGGATGTT TTTGCTTATA GCAAATTCCT GCAAAATAAA TAAATAAATA 120
TTTGCAAAAC TAAA 134

配列番号：3550
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04163
配列：
GATCTATGGG AAGATACTTA TTTTTCTGAG GTCCTTATGT CCTGTCATAT AATTAAAGAC 60
TCAAGAGAAT TTATGTGAAA TGCTTTCTGT ATGCCCAAAT CTTTAGATTA AAATTATATA 120
GCTGCTCCTG AAA 133

配列番号：3551
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04164
配列：
GATCTCAGTT CCNTAAAAAA TGATAAAAAT TTTTCATGTA TATTACATAT CTACCTACCA 60
GAAATCCTTT TTACAATTTT ATATACAATC ATTTTAAGAC CTTTTTGAAA TAAATAATGC 120
AAATGAACTA AA 132

配列番号：3552
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04165
配列：
GATCACGGGG TGGNAGGNAA CCGNGGCGTC CCTGCNTGGG GCCCATGGGT GANACACTCC 60
AGTACTGAGA CCTAGAGTCC AGATGCTTGT AGGAGCCAAG TCGTGTTCTA AGTATTTATT 120
TAAAACAAAA GAATCACGTT TTCCCATTTG TAAA 154

配列番号：3553
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04166
配列：
GATCCTTAAT TGTAGCCTTT GAAGGATGCC CTGTGTAGAT TATTCAGTGC CACAAATTGA 60
AAGCTTCCAT GTTTAATNTT ATCCTCTTGC TATATAAATA AAGCAAATAT ATTTAGGCCA 120
GGGTCTCACT GAGGGGGAGC TGTCTTGTCA TCTTTTAGAG TAAACTATTC TATAAACATA 180
TGCAAACAGC CCTAAATAAA TCTAAAGTCT AAA 213

配列番号：3554
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04167
配列：
GATCCCAAGG GCCCAGATAA CGCCCCCAAC TTCTTGGGGT TCACACGCGT CCTGAGACAT 60
CTGGGAACTG CCTCTGCCTG GNCCAAAGCT ATTCCATTAA AACTTTATTG CTGTNCTTAC 120
TCAAA 125

配列番号：3555
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04169
配列：
GATCTGTGTA CAATTTTNGT CACTANGACT TTCCTCCAAG AACTAAGCCA ACTTGATGTN 60
NCAAAGCACA GCTGTATATA ATGGTGATGT CATAATAAAG TTGTTTTATC TTTTAAGTAA 120
AAGTAAA 127

配列番号：3556
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04170
配列：
GATCAAGGAC TCTGGATAAT TGGCATAACA TCCTGGAATA GCTGAAACAG AGATATTATT 60
CTCTGCTGTC CTCTGTTGTC TTTGTCTTTT CACGTCTTAA TAAAAGTGCT GGTGACAAGA 120
GTGAAA 126

配列番号：3557
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04171
配列：
GATCAGAGCC ATACCCCTCT TCACCAATGG GAAGTCAAGA CACCTATGGG TAAAAGTTCT 60
CTCTGATGCA TGAAAACTCA GAGTGATAAA GTAATTTTAA AATAAAAATT TGGAGAAAGC 120
AAA 123

配列番号：3558
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04172
配列：
GATCTAAAAG TTTTCACACA TAAATTTCAT TAATTTGAAA GATTATTTTT AAACTGCATA 60
GGTCCACTTG CCTCTAAATA AAATNAACCT AAAATAAAAA CAAACTATAC TTTGTGAGAA 120
A 121

配列番号：3559
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04173
配列：
GATCTCCCCC AACCCCACAA AATGCTTAAA AGATAACTTA GCTCTTTNTT CAGGGCTCAG 60
TCCTTTGGAT GTAATCCGAC TAGGCCAGTN AACCTAAATA ATAAATATCC TCCTCAACAA 120
A 121

配列番号：3560
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04174
配列：
GATCCTGAGT TTTCTGGGAC AATTCCAGCT TTAATCAATA CATTTTGTTA AATGTGCCAT 60
AAAATGAGAC TTTTTACGCC TTTATAAGGC CTTAGATGTA AATAAACTCA CCCAAACAAA 120

配列番号：3561
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04175
配列：
GATCATTGTA TTCAGAGATT GTAAATGAAA AAATATAGAA ACTATTTAGT TTTGGTAGAT 60
TTTTTTTCTG ACAATGTGAC CAGACTGAAT TTCCTCATAA AGAAAAAATG GCGTGCAAA 119

配列番号：3562
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04176
配列：
GATCCCAGCA TTTTCCATCG ACTTGTAATT GTTTCTGCTA CCTGACAATC ATCGCCTTGA 60
GTACTGGGAC AACCTTTGAT TACTCATTAT ATCCTCAATA AATATTTGTT GAACTAAA 118

配列番号：3563
配列の長さ：118

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04177
配列：
GATCCTGGCT AGANTGNTAA TTAAAAGTAT TTAATTTGAA GCACCATTTN ANTGTTCGTA 60
CTAGTAGAAA ATGATGTGAA TTTCNTTTCT GTTCGGCTCC TATTTTCCTC ATCATTTN 118

配列番号：3564
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04179
配列：
GATCATAGTC GGGCATACTT ATCTATATCC NTAACCTCTA TATCTTTAAA TAAATGTGAG 60
NACTGTTCTC ATGGAGANGA AA 82

配列番号：3565
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04180
配列：
GATCTAAAGC NTTTNTGTCA GATTATTTAA TATNATGACT TCATGCTTTA TTATGCCTTA 60
TNATGGCTGA CGTATTACTG TGGTGAAACA AAATATCTTT AAAAGTTAAA ACATCCAGAT 120
ATATAAGCAA TTTTNCCCTA AGGATAAAGT ACCTTTAAGC ATGAGTGTAT CACAGCTTTC 180
ATTAGGNAAA CTTTTCATTA CATACTTGTT TAAN 214

配列番号：3566
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04181
配列：
GATCCCCNAA TGTGTATGAA TGACTGAGGC TTTGTAAATT AAGGGACGTT TGTTTGAATA 60
AAGTTATTTG ATGGGGTCAA AGAAGCCATA TGTGATTTGA AA 102

配列番号：3567
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04182
配列：
GATCCTCTCC TTAGTCTTAG CTCATGGGGC TCTTTATAAA GGAGTTGGGG GGTAGAGGCA 60
GNAAAATNGG AACCGAGCTG AANGCAGAGG CTGAGTTAGG N 101

配列番号：3568
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04183
配列：
GATCTGCAGT GCTTCACTGG AAATAATTTA TTCATTGCAG ATACTTTTAA GGTGGCATTT 60
NATTCATTTC CTGTGCTTTA AATAAACAAA TGTACCAAA 99

配列番号：3569
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04184
配列：
GATCACCCTG GGCACATGTT GTCAGGACCT CCTGGGGTTG TGTCATGGAT GCGTGTCCTC 60
AACCTTAGCA AAATAAACTT TCTAAATTAC TGAGAAA 97

配列番号：3570
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04186
配列：
GATCTTCAGT GTGTCTGCAT AAGCTAACTT AAGATGAATT TAAGTACANN TTTCTGAAAT 60
ATTTCTATTG AAATAAATTA CTTAAAATTA NNAAA 95

配列番号：3571
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04187
配列：
GATCTTTGTG AATTCTATGA ATGTATTAAG TTATCATATG TACTCCCCAA AATAGGTACA 60
TCTATTATGT ATCAATAAAA AANTTTAAAA CAAA 94

配列番号：3572
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04188
配列：
GATCCCTTGA GCCGAGGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GGTCACACCA CTGCACTCCA 60
GCNTTGGTTA TNATGCAAGA CCCTGTTTAC AAA 93

配列番号：3573
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04189
配列：
GATCGCACAC CTTTGCAACA GATGTGTTCT GATTCTCTGA ACCTACAAAA TAGTTATACA 60
TAGTGGAATA AAGAAGGTAA ACCATCAAA 89

配列番号：3574
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04190
配列：
GATCAGTGTC TCTAGTCCTA CCCAGTTTTA AAGTTCATGG TAAGATTTGA CCTCATCTCC 60
CTCAAATAAA TNTATTGGTG ATTTTNGAAA 90

配列番号：3575
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04191
配列：
GATCCGCCAG GTGCGGGCGC TACTGCAGGC ACAGCAGGCC TAGGTCCTCC CACACCTGCC 60
CCCTAATAAA GTGGGCGCGA GAGGAAA 87

配列番号：3576
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04192
配列：
GATCCACCCA CACCTAAGTC ACAGAATTTC TAAGTTCCCC AACTACTCTC ACACCCNTTT 60
AAAGATAAAG TATGTTGTAA CCAGAAA 87

配列番号：3577
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04193
配列：
GATCAAACTG AATGAAACCC CCACACACAC ACACATGCAT ACACACACAC ACACAGCCAC 60
ACACACAGAA AATATACTGT AAA 83

配列番号：3578
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4194
配列：
GATCCCTATT CTGCGTGTAT GTGTTTGCAC ATGAGTGTTT GTAGACCATA GACCATTAAA 60
AAATACGGAA TTCAAAAGTT AAA 83

配列番号：3579
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4195
配列：
GATCTATGAA TGTTTTTNTT AAAATTTACA AAGCTTTGTA AATTAGATTT TNTTTAATAA 60
AATGCCATTT GTGCAAGNTT TAAA 84

配列番号：3580
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4196
配列：
GATCACATAA AGGCAAGAGG ATACTTCATG AATAATACAT TTNAATGCAA ATAAACAGAT 60
GGTTCACTTC TACTAGCTAT NNCCCTGTCT TNNTATACAC TGAGTAGATT AN 112

配列番号：3581
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4197
配列：
GATCTATGTC TGTTGGTGGC AATGTGAGGG TGATACTCTC TCACTCTAAT AAACTTGGCA 60
CTTCTCCGAG TAAA 74

配列番号：3582
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4198
配列：
GATCCTGTAT GTGTGTTGAG ATTTAGAGGT TTCATTTATN TTGTCTGCTA ANAAATTGTT 60
ACTCTAATAA TAAA 74

配列番号：3583
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04199
配列：
GATCACTGTA TAGACTGTTA AATTTGATTT CTTATTACCN ATTGTTAAAT AAACTGTGTG 60
AGACAGACAA A 71

配列番号：3584
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04200
配列：
GATCTATTTC TCTGTCTACT TTGGANATGA TTGCATAATA AATAAAATTT TACTGTTTTT 60
TTAAAAGGAA A 71

配列番号：3585
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04201
配列：
GATCTAAAGA TGTTTAGGGA AGAGCTCGAC TAAAGAACAA TGAAATAAAT GGTCCAAGGG 60
GAAGTCAAA 69

配列番号：3586
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04202
配列：
GATCAAAAAT GTAAGTCTAT TGGTAGAGAT TAAGTAAAGT ATTTATTGCT ACATCATAGT 60
TGAAA 65

配列番号：3587
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04203
配列：
GATCTGTGTT GCATTTCAAA ATAAACTGGT GTGTGCTCTG CCTGGATTTG AAA 53

配列番号：3588

配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04204
配列：
GATCTCAGCC CAGGACGNCA AGCAAGCAGG TCTTGTCAGC AAGATTTGTC CTGTTGAGAC 60
ACTGGTGGAA GAAGCCATCC AGTGTGCAGA AAAANTTGCC AGCAATTTCT AAAAATTTGT 120
AGTAGNCGAT GGNCNAAGNA TCAGTGGATN CAN 153

配列番号：3589
配列の長さ：29
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04205
配列：
GATCCAAATA AAGGTAGCTG CTGACCAAA 29

配列番号：3590
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04206
配列：
GATCTCTCTA CAAGAGCCCC TGCCCCTCTG TTGGAGGCAC AGTTTTAGAA TAAGGAGGAG 60
GAGN 64

配列番号：3591
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04207
配列：
GATCCTTTGC GTGACAGTCT TGTATGGAAA ACAGATGCTG ACAGAATTGT AGACTACCAT 60
NCCN 64

配列番号：3592
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04210
配列：
GATCTCGCCT TGTTTCTTAC AAGCAAACCA GGGTCCCTTC TTGGCACGTA ACATGTACGT 60
ATN 63

配列番号：3593

配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04211
配列：
GATCTTTGCG AATTACAATG CATATATGTC TATTTATTCA ATATCTGTCA TATAATANCT 60
ATN 63

配列番号：3594
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04213
配列：
GATCTTAAGA AAACTTCATA CTGTATGAAT AAGAAAATAA AATATTTAAA ACTTGAAA 58

配列番号：3595
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04214
配列：
GATCGCCAAG TTCAAAGCTG TGCACATGTG GACACTCAAT AAATGTTCAT TGGTGAAAAA 60
CAAA 64

配列番号：3596
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04215
配列：
GATCCAAAAA GAGTCGACCN GCATTNTTTA TATTAAAAAT AAAGTCAAGA TTTAAA 56

配列番号：3597
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04216
配列：
GATCTTTGTT AATGTCTTGA TTCTGTTCGC AAAGCACAGA CTAGTGCTTA AA 52

配列番号：3598
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04218
配列：
GATCGCACCA CTGAGCTCCA GCCTGGGCAG CTGNATGAGA CTNCATCTCA AA 52

配列番号：3599
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04219
配列：
GATCTGGAGG GACACACAGG AGACACCTGG CATAACCAAA AAATGATTAA A 51

配列番号：3600
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04220
配列：
GATCGAAAAC ATATAGANAA AATAAAATGT GTGGTTGCAC CTGTACTGAA A 51

配列番号：3601
配列の長さ：466
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04247
配列：
GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGACCAN CAGAGTGGTT 60
ATGGGAAGNT ATCCAGGCGA GGTGGTCATC AAAATAGCTA CAAACCATAC TAAATNATTC 120
CATTTGCAAC TTATCCCCAA CAGGTGGTGA AGCAGTATTT TCCAATTTGA AGATTCATTT 180
GANGGTGGCT CCTGCCACTG CTTAATAGCA GTTCAAACTA AATTTTTTGT ATCAAGTCCC 240
TGAATGGAAG TATGACGTTG GGTCCCTCTG ANGTTTAATT CTGAGTTCTC ATTAAAAGAA 300
ATTTGCTTTC ATTGTTTTAT TTCTTAATTG CTATGCTTCA GANTCATTTG TGTTTTATGC 360
CCTTTCCCCC AGTATTGTAG AGCANGTCTT GTGTTAAAGC CCAGTGTGAC AGTGTCATGA 420
TGTAGTAGTG NCTACTGGTT NTTTAATAAA NCCNTNTTGT ATGAAA 466

配列番号：3602
配列の長さ：429
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04248
配列：
GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAT AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAAAGTTTCA AATCTAGACA CTAAATGTGT GTGAATGTAC AAAGAAAACA 120
AACCATTGCT TATGCTGTTA TATACTAGAG AAATTTTGTT TTGCTTGCTG TTTTAACTTG 180
ACAGATGAAG GACTTTAGTT GAACTTCATA TTGTAAGAAC TGTTAATAAA AGTTGTCAAG 240

TAAAAAGCGC TATATCTAAA AAGACTTTAT GAACAGTTAT TCTATCAACT TTTAAAGGGT 300
TTTAAACCTG CCCAGAAATT ACCTTGGTAT CTGAAGTTTC CCTCTGTCTC CTCCCTCTAA 360
TTNAGGCTTG TTATTTGTCA TGCACCAGCA TTTGGGGGNT AATAANAATT TCTTNGGTTC 420
TNGTGGAAA 429

配列番号：3603
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04249
配列：
GATCTGTTGT TTGTTTTTAA GGTGGTGTTC TGTTAACTTC CAGCAGGATG CAGAATCTAA 60
CTGGTAAACC TATAAATTGG TCAAATTTNA CCCATGTTGT TTCTTTGAAA ACAATGTATA 120
TNCTCTAATA TTTGGATATA GGGTATATGA NCATTAATGC AACTTAATTG TATTTCCAAG 180
TACAGTACAT ATGTNCAGAT TTCTTTTTCT AACCTTATTT AGTGATAGAG GTGTGGTAAA 240
CNCTTCCATT ATGTTTATGT ATTANCACTG TAATTTTGTC ATTTTNATAT ATTTNGATGT 300
TATGTAACTA GATGCATACA GGATTAGGTA TTTCCTTCTG TATTCCTTTT TATGTGGAGA 360
TGATATTTTT ACATAGCAAA GTATTGTAAT GCATTAATAA TAAATGGTCA ACCATTAAA 419

配列番号：3604
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04250
配列：
GATCTGCTAG TTCCAGGCCT CTAAGACAGG AACGTATGTG CCATAAGTGN GTCTACTTCA 60
CAGACTCAAT GAGGCAGAAA TTATTGTAGT TTTCTCCTAT TTCTTCTGCA CCCAACTTTC 120
TNCTTGTATT TCAAAGGCCA GGCCATGTAC ACTAACGTCC TTGAAATTTG CAGTTCTGTA 180
TGCTTCTATT CCAAATCATT CATTACCAAT AAAAACGGAA TACCACCCTT TCCATTTTAT 240
AGNCCTCATC CCCTATTTCT GTCAGACAGT TATATGACAG GGTGGNCNGN GGGCCTCTTA 300
GTTCATCCAA AGTCTNNCCT GNAGTGCTAG NCTTTCAGAC TCTTATCACT GGAAATCNTT 360
AAGGGTTGAG GGGGNTTTAN TTTCCCAGNA CTTGTGNAGG GNTTCAACTG TCAAAACTN 419

配列番号：3605
配列の長さ：404
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04252
配列：
GATCCGACAC AGAGAACAGG AGGNACTAGA GGCGACANAN AGNAGGGCTT TAAGCCAAAC 60
TACATGGAAA ATGGTGATAA AAGAAAATNT GGCTGAAGTT ACCCGAAGTT CAGCTTGCAG 120
TGTAATTCAG AAGAGTTAAG ACCAGAAGTA CTGGAATCAT ACTTCCTTTC AGTCTTGCCA 180
CTTGCCTAGT GAGGCTTTTC CGAACCTGGA AGGAGACGTC TAGAAATCCC AACTTTGCTG 240
TGTAAGGACC ATTAGCTGCA AGTCAGTGGA AGTCTATAGA AAANAGTGTG AATTCCATAG 300
TGGTCTTGAC TTCTTAGCAA GGATTTGGGA TAAGTCTAAA ACTTCAGACT TAAAGCTTTG 360

AAGCATGTTA ACTGCATGAN ATATTAANCA TTTCGAACTT CAAA 404

配列番号：3606
配列の長さ：403
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04253
配列：
GATCCATGAA TTAACAGAGG CATATATTTA AAATGAAATT TAATGAGCAC TTAGTGACTT 60
CATTTGTTCA AGAATATTTG ATTTCCTATT GTGTGCATGG GAGGTTTACA AAAGACAGAC 120
TGTCCCTATG CTTGTNCAGC TTACAATCTA TTTAACTATT AGAGGCCCTG TGAGATGTAG 180
GCAGTTATTT ACAGATGAGA AAACTAACAC AGCAGTGGCA ATGCTGGGAA TGGCCAACAG 240
GCTTGGAATT CAACTCAGTT TAGCACCAAA GCCAGTNCTA TTAAGACCTG AAGTTCAACA 300
GTGGATTCCT TACCCAAATA GTTTTTAAAG TATGCTCTAA GGNCCAATGT TTTTAATGAA 360
ATCTTGGNTT NCAAAGTNGG NNTAAAAGGG TTCTGAGCAT AAA 403

配列番号：3607
配列の長さ：396
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04256
配列：
GATCTTACTT CGTTGACCCA TATTTTTCCC CTGACCAAGT TACCTGTAAA CTGGAATTTG 60
CAAGGGGATG CTGTGATGAT AACCCCTTTC TATTGCTGTA ATGTTCATAT AACCTGGGAA 120
ACTGAGAGAA GGGGATGTGT AAATAAAAGC TTAAACATTT TAGTAATGTG TTAAAATGTC 180
ACTCTCTCTT ACCCTGTTTC CCTTTTTTGC CAGATGATGA TTTTTTTATT TTTATTTTGT 240
ACTTTACTGG ATGACTGTGA AGCGNTGAGT ATTGGGTTGG GGTAGGTGTG TTGATTTTGA 300
GAGTGCATGT TAAGACCTGA AGGGGAACTA CTTGAGGATG ACTTAAGAAG CATCCCATGC 360
AAATATCTTG TTTTTGCCNG AATAAAATAT TTCAAA 396

配列番号：3608
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04257
配列：
GATCTGCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACATGAGCCA CCACGCTTGG 60
CCGGGATAGT ATATTTTTAT AGCACTTCCC CTACTGATTG CTGCCTTCTC TGTGGCTACA 120
AGGGACCCAC AGAATTACAG GGAAGTTACA GGGNNGCAGG TTTCATCTCA ATATTGGGAG 180
AGATTTCAAA CAATCACACC NNNNNNNCGA AGGAGTGGGC TGTCACTAGG AATTTTTATT 240
CCCAGTCCGT CAGGAATTTT GTAGAAGGGC TTCATGTGCT GGTACCAATA GGACAGGAAG 300
ATTTTAATCA GCTTTACTAT CTATGTTTTT TTATGGAAAC TGTGTGTATG TATACATACA 360
TTTTCCAAAA AGNANAAATT AAATGATTAT AG 392

配列番号：3609

配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04258
配列：
GATCCGCCCA CCTCCGCCTC CCAAATTGCN GGGATTACAG NCCTNAGCCA TNCCCACCCG 60
GCCAATAAAA ATTTTTTTAA AGCTAAAATT GACTCTCATG CAAATAAGAT AAAATGAACA 120
TATGTTAAAT ATTTTAACTT AATGAGAGAA ATAGTAAGAT GTTACCAGTT ACTTGATGAT 180
GGAGGAAAGG ACGAAAAGCC AAGGAATACA TGGAATGCAG CTCTAGGTGC TGAAAAAGGC 240
ANGGAAAGGT TCTACGTTAG NGCTTCCAGA GGGAGCTCAG CCCTGTCANC ANCNTNGTTT 300
CAGCTCAGTC ATATCGNTGT TTAGACTTTC TGGTCCCCAG NGCTGGGCGG GGGATATATT 360
TCCTGCTGTT TTAAGNCNCC NNATTTTGTG GN 392

配列番号：3610
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04259
配列：
GATCCTAAGG GGTTCAGGGG GACCCTACCC CCACCTCAGG TTGGGCTTCC NTGGCCACTC 60
ATGCTCCACA CCAAAGCAGG ACACGCCATT TTCCACTGAC CACCCTCTAC CCTGAGGAAA 120
GGGAGACTTT CCTCCGATGT TTATTTAGCT GTTGCAAACA TCTTCACCCT AATAGTCCCT 180
CCTCCAATTC CAGCCACTTG TNAGGCTCTC CTCTTGACCA CTGTGTTATG GGATAAGGGG 240
AGGGGGTGGG CATATTCTGG AGAGGAGCAG AGGTCCAAGG ACCCAGGAAT TTGGCATGGA 300
ACAGGTGGTA GGAGAGCCCC AGGGAGACGC CCAGGAGCTG GCTGAANGCA CTTTTGTACA 360
TGTAATGTAT TATATGGGGT CTGGGGCTCC N 391

配列番号：3611
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04261
配列：
GATCCGACCG CGTGNTGCCG CTCTGCTCTC TCATACGCGT GTATGTTTGG TTCCATGTCA 60
CAGCCCCCTA GGAGCCAGTN ATGCTCGGCC TTGCGCCCGT NCCACCTCCC AGGCCACCCT 120
TCCTGGGCTT CTGGGCCACC TGCCCTCGGG GGGCCCCTGC NAGGGTGCCT GGNGTTCCCA 180
CGTGTCCCGG GGCTTTTCCA GGAAGCCCGA GCCCAGGACC TGTTGGCAGA GTTGCCAGGG 240
TTACATTTTT NAAGCACCTG CTCCTTTTNT TGCAGTGTAT TTTCTACAAC CAGATTGTAT 300
TAATATTTTT AACTTTGCCC TTTTAAAAAA TATACCTAAT ACAATATATT TAATTNTGAA 360
TTAAACTCTT AAACTTTTCT TCCAAA 386

配列番号：3612
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04264
配列：
GATCCCTTTG GGGCATGAAG TGTGACAAGT GTGGGCTCCT GAAAGGANTG TNCCAGAGAA 60
ACCAGCTAAA TCATGACACC TTCAATTTGC CATCATGACG CAGACCTGTA TACATTAGGN 120
TAAATCTGAA TTTCCACTGC TTTGGAGAGT CCCACCCACT AAGCACTGNG CATNNAAACA 180
GGTTCCTTTG CTCAGATGAA GGAAGTAGGG GGTGGGGCTT TCCTTGTGTG ATGCCTCCTT 240
AGGCACACAG GCAATGTCTC AAGTACTTTG ACCTTAGGGT AGAAGGCAAA GCTGCCAGTA 300
AATGTCTCAG CATTGCTGCT AATTTTGGTC CTGCTAGTTT CTGGATTGTA CAAATAAATG 360
TGTTGTAGAT GGAAA 375

配列番号：3613
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04265
配列：
GATCCTAGAC CAGCATGCCA GTGTGCCAAG GCCACAGGGA AAGCGAGTGG TTGGTAAAAA 60
TCCGTGAGGT CGGCAATATG TTGTTTTTCT GGAACTTACT TATGGTAACC TNTTATTTAT 120
TTNCTAATAT AATGGGGGAG TTTCGTACTG AGGTGTAAAG GGATTTATAT GGGGACGTAG 180
NCCGCNNTCC CNNGTGTTGT AGGTTTCTCT TTTTCAGGCT TATACTCATG AATCTTGTCT 240
GAAGCTTTTG AGGGCAGACT GCCAAGTCCT GGAGAAATAG TAGATGGCAA GTTTGTGGGT 300
TTTTTTTTTT NACACGAATT TGNGGAAAAC CATTAANTCA TTCAAAATAA TAANCTNTTT 360
TTATTNGGGA AA 372

配列番号：3614
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04266
配列：
GATCTAAATA TATATTTTGT ATATTATAAT ATTTTAGGAA TAGCTTAATT AAGANCTCAC 60
AGACTTTGAC AAAGTGGTAA CTAGACTTTT AATTACTAGA TTCTTCAAAT TAGGCTTAAT 120
GCCTGCTAGC ATGCCAATCC AATCCCATGA CTGATGTTAT TATACACTAT GGCAAATACA 180
AAGTTGTAGT ATTATGGTTC TTGATGGTGT GATTTACTTA TGTAAATTAT GTACAAATTT 240
AAGTTCAATG AAACACTGAT TTAATGTACT GAAAGGTAAA TAGTACCATA GTGAATTATT 300
TCCTGTCTTG CCTTAGGTTT ATTTTTATNA TCTTCAATAT TAGANTAAAT GCTAAATTAT 360
TTTCATTTTA AA 372

配列番号：3615
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04267
配列：
GATCTGAACT CCTTATACAT AAGAAGGTGT GTATATTAAT CCAATTATGG ACTTAAAATA 60

TTTTAAAAGT ATAAATACCC TTATTTGCTG CAAAGACCAG TGTGTAGGCA TTTGCTTTTT 120
AGCAATATTT TTAAGTGCTC CATTTTAATG CCGAGGAATA AGTCTTTTGG CAACACAAAC 180
TGGTCAATAA TAGGTAATGC AGGTATGTTC AGGTTAAGCC AACAATGTTT TGCATTTTTA 240
TGCTTATTTT CTGTCAACAC TAATGAAGTC AACATTGCCT GAATGTCTGA ATAATGAAAC 300
ACATCCCNGT TTAAAAGTAT GTAACTGAAA AAGAAATAAA AAANAAATTA AAAGGTAGGT 360
TTTTTTTAAA 370

配列番号：3616
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04268
配列：
GATCCCATTA TATAGTATGT ATAGCTGAAA TCTGTAATTC AATCACTTTT TCTCTTTTAT 60
CCTCTAACCA AAAAATTGTT TAATTTTGCA TCCCAAATGT TTTTAATCTT TGTATATTTT 120
TNAAAAATCC NTTTCTCCTC AGCANTGCCT TTTTNGTGGT TGTAAATAGA CTTACTTGCA 180
CTTTGAAGAT GAGTTACTCC TTGTCATCTT ACAAATATGT GATATGGTAA TTTNCATAAC 240
AGATGTCAGT TTTGANCCAA GAATTGGTGA TTTGTTTATA AGAAAAAAAC TGGCTTCATT 300
NCTGTGNAAT TGCTCTTTGG NAAATTNCTN NTTNACACGT GTAAGCCAAC CTGAGGTACC 360
GTGATGGGTN 370

配列番号：3617
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04269
配列：
GATCCCTGCT CAAGCAGCAC AGAGGAAGGG GCAAGACGTG GCCTGTAGGC ACTGTNTCAG 60
CCTGCAGAGA AGAAAGTNAG GCCGGGAGCN TGAGCCTGGG CTGGAGCNTT CTCCCCTCCC 120
CANTTGGACT AGGGGCAGTN TTAATTTTNA AAAGGTGTGG GTCCCTGTTT CCTCTTCCAG 180
GGGTCCAAGG GAACAGGAGA GGTCACTGGG CCTGTTTTTT CCCTCCTGAC CCTGCATCTC 240
CCACCCCGTG TATCATAGGG AACTTTCACC TTAAAATCTT TCTAAGCAAA GTGTGAATAG 300
GATTTTNACT CCCTTTGTAC NNCNGNCTGA GGAAACGCAA ATAANAAGGG CAACATGTTT 360
CTNTTAAA 368

配列番号：3618
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04270
配列：
GATCGGCCCA GCTCCTGAAC TNTGANGAGG CCATTCATAT GGCATTCCTG GAACAAAACA 60
CTGCACAGGT ACCAGCCTCT CCACTCCTGA CCGGGTTGGT GCTGAACAGT CAGGGATTGT 120
NCTTGAACTA GACTTCTGAT GCTTCTTGCA ATCTTCTTTC ATCTTTCCCT GAAATACACA 180
AAATAAACAA NTACAATAAC AAATAGTAAT TAANTGACTT TCAGGATAAC ATCTAGTTGT 240

TCAGACTTCA CCCTTCACAG GTGTGTGTGT ATGTGTGTTT ATGTCTGTAT ATTGANGCAN 300
TTTGAATTTA TTTTACTGTA TATNTNCTGA GTAAANGACT GANATGNNCT NCTTGGGTCA 360
GAAA 364

配列番号：3619
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04271
配列：
GATCTGAAGC CTTCCATAAA TNAGAGGCCA TTCATATGGC ATTCCTGGAA CAAAACACTG 60
CACAGGTACC AGCCTCTCCA CTCCTGACCG GGTTGGTGCT GAACAGTCAG GGATTGTTCT 120
TGAACTAGAC TTCTGATGCT TCTTGCAATC TTCTTTCATC TTTCCCTGAA ATACACAAAA 180
TAAACAAATA CAATAACAAA TAGTAATTAA ATGACTTTCA GGATAACATC TAGTTGTTCA 240
GACTTCACCC TTCACAGGTG TGTGTGTATG TGTGTTTATG TCTGTATATT GANGCAATTT 300
GANTTTATTT ACTGGTATAT GTTTCTGAGT AAAAGNCTGA AATGNNCTNC TTGGNNCNGG 360
AAA 363

配列番号：3620
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04272
配列：
GATCCAGGAT GTACTTGGAT GAGGAGGCCT GGCTTATCTA GGAAGTCGTG TCTGGGGTGC 60
TTATTGCTGC TCCATACAGC TGTACGTCAG CCCCTTGGCC TTCTCTGTAG GTTCTTGGCA 120
GCAANNNNGC AGCTTTCACT CAGTGACACA AGTAATTACT GAGTCCTAAT TTGATAGCCA 180
CCAACTGTAC CTGGGTAGGC AAAGTCAGAT TTTNGAGGAC CTTTTTCCTG ATTTGAAGTT 240
TTAATTACCT TATTTTCTNT TATGCTTTNC CTCTGTCTTG TAATCNTNCT CTTCCTAAAA 300
ANCCTCCCTA TAAATTCAAT TAATTTGGGT TAATTTTAGG ATAAACCCAT TTANTTCNAA 360
A 361

配列番号：3621
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04273
配列：
GATCCAGATN CTTTCGGATG TCAGGGATAT TCACATTGAC ATGTCTNNNN AGTGTTCCAG 60
GAGATTTTAG TTTGAATAGT ACAATTTTTT CTTCTTACAA CAAAACTTAG AACGGCTTCT 120
AACTTATTTC TTCATGGCCA AGAAACTACC CTAACTTATC TCGATAAATA TTTAGTTCTG 180
TCTTATTTCT AATGTGTAAA ACAGGTTTTA AAAATAATAT ATAGATTTTG CATTTATAAA 240
AAAAGATTTA ATTTATAGAA CCAAACTNGA ACATATGTTT AATTTAGCCT AATCAGAAGG 300
TTACAGAAAA AGTTGCTGTA AAGATAGAAT AAAGGGTATT GTACTGGTCT GTTTTTAAA 359

配列番号：3622
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04274
配列：
GATCTACAGC AGCTGCATCG AGGACTCCCA CAGAGGTGCT ATAGGGCTGC GCATTGCACT 60
GGCCATCTCA GCTATAGCCG TCTTCCTGGT CTTGGTGTCT GNCTGTATCC TTCGATTTGG 120
CACCAGGTCT CTCTGCAACT CCATCATCTC CTTGAACACT ACAATNAGCT GTNCTGAAGC 180
CCAGAAAATT CCATGGACAC CCCCTGGAAC TGCTCTGCAG TTTTACTCCA ACCTACACAA 240
TGNTGAAACC TNTTCTTGGG TGAATTTGGT ATTGTGGTGT GTGGTCTTGG TGCTCCAGGT 300
CGTGCAGTGG AAGTCTGAAG CCACCCCATA CCGGCCTCTG GAGAGGGGTG ACCCTN 356

配列番号：3623
配列の長さ：420
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04275
配列：
GATCCCCCCT GNCAGACACC AAAGCTGTGA ACAGAAAGAC TGCCTGGCCA GCAAACCTTG 60
GGACATCAGC CTNGCCCAGC CTGAAAGCAT CCGNAGTGAC CTAGAGAGTT CTGATGCACA 120
GTCAGACGAT GTGCCAGACA TCACCTCANA TGAGTGTGGC TCCCCCCGCT CCCATACTGC 180
AGCCTGCCCC TCGACCCCCA GAGCCCAAGG TGCACCGAGC CCAAGTGCCC ATATGAACCT 240
CTCTGCCCTA GCCGAGGGAC AAACTGTCTT GAAGCCAGAA GGTGGAGAAG CCAGAGTATG 300
AAGTGGAATG AATGCTCCTG TTCTGAGANG ACACTTGTAA CTGCATCTTT TGGAATTTTT 360
TTTTTTTTTT GCCCAGGGGN NAGGGTTTNT GGTTTTTAAT TTANAGGNCN TTTGGGCAAN 420

配列番号：3624
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04276
配列：
GATCAGAATT AAACTAGTAC TATGAAATGT CCTTTTGAAT GTNAGGTCAA GAAATCCATG 60
TACAGAGTCG TGCACTTCAT TGGCTGTAAC TGTCAAACTT GCCTTGTATT AGAAGTTAAA 120
TCCCATCGTA AATACATCAC GAGGCCAGCT GTGTGATTTC TGAGACCTAG ATGAGAGTCC 180
NATTACTTCA AGCNTTGATT CAGTAAATNT TAAGCAGCAG AAGNCTTCGG ATGGGTTGAA 240
AATCAATNTT ACAAGGTTTT AACTCATAAA CCCATNNGGG NTTTTTTTTT TCCTCTGCAA 300
NNGGTTNCTA AGGCTANTCC NTGGTAACAC TNTGGGAAAN AAATNTGGAG GN 352

配列番号：3625
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04278

配列：
GATCTCCAGT NGGCCTTTGC AGGCCCGGCC TCCTGCCTCT NGAAGGCCTA NCACGGGCCC 60
GGCCTCGGCC TCGGCCTCAC AGCAGACTCT CCACGCCCAG CTAGCTCTTG CCTCACTGCG 120
GCCTCCCCAG TCCAAAGCTC CTGCCTTTNG GCCACTTCGG CAGGTCCAGC TCCTGCCTGC 180
CAGTGGCCTC TTTAGGCCCA GCTCATTCCT CACGTCGGCC ATTCCAGGCC CCGTTTTTCC 240
CTTCCGGCAG CCTCTTGGCC TCTAATTTGT TTATNTTTTG TGTATAAATC CCAAAATATT 300
GAATTTTGGA ATATTTCCAC CGGGGGNGTA AATATTTTGA TAGGTAAA 348

配列番号：3626
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04279
配列：
GATCTTTATT AAGACAGTGG AAAGTATACT ATTAAGTCAT CATAGTCTTT TGGAGACTTG 60
TCAAANACAG CAATNAGAAA ATAAGACCTA GCATACCGTG GAGAACCATT AAAAATTTNA 120
NANGAAACAA CAAGTATTAT GTCAACTTAC TTCAAAGGCG AGTTTTGGGA TTTNATGCAG 180
TAAAGATTCC CTGTTTTATG ATTGTCCCTT GAAAGTCAAA TGGGGGCCTG TCCATTGTCC 240
TCTATTAANC TTNCAGAACT GTCACCAACA AATTTGAGTT GCCTTGTCTA GGGTTCTGGG 300
TAGTGAAGAT ATTNNATNAT ATAATNAAAT ACACTGTTAG TACTTAN 347

配列番号：3627
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04280
配列：
GATCAGAGGA GGAGTGTGAG TGTCCTCATA CTCACAGCAA AAGGAGGGAA TTCAGGAGAG 60
GATTGAAGAA GCGGTTCCTG TTTTTAAGGC ATTTGCAATC ATTGCTGGAG AGACAGAACC 120
AACAGATGGG GAACAATGGC CAGGGACTCC AGGCCTGATT TAAGCCAATG CCGCCCTGTG 180
GTCTTTACCC ACGAATGGTG TGGAAAATNA GAGCAGGGAA GAGGATTTAC TCACTGGCTG 240
TGGAGTTAGG TCAGAAGGGG GNTGGAAAGA TGGAACCGTA TGGNTTTGGG GACATTTCTT 300
AATCTNTAGG CTTCACCTTC CTTAACTGAA ATTAAAAGCC N 341

配列番号：3628
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04281
配列：
GATCGACCTG TCATGTTTTT AAGGTTATCC AGGCTGTATA TCTCTGGAAN AGAAGGGAAT 60
GGCAAAGAGT GGGAGTCTGA GTCAAGTTTG GTTTTGNTTT NNNAAGAGAC AAGGTCTCTG 120
TAATCCAGGC TGCAGTACAC TGGCATGNCC ATGGCTCACT ATAGACTTGG GCTCAGCCAA 180
TCTTCCTGCC TCAGCCTCCT GAGTAGCTGG GNTTGGTTTT CCCCAGGGCC ATATGTCAGC 240
TTATTTACCC TACTCACTTG GTGTNTCCCA GNCTGCCAGC CATGCTGTTC ATCCAGTATC 300

TTCTNNATGG GGATTACCTA TTAAGGGGAC TAACACAAAA N 341

配列番号：3629
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04282
配列：
GATCATGGAA CCCCTCTTCC GGCAGTTGGC CAAATGTGTC TCCAGCCCAT ACTTCCAGGT 60
GGCAGAGCGA GCTCTCTATT ACTGGAATAA TGAATACATC ATGAGTTTAA TCAGTGACAA 120
CGCAGCGAAG ATTCTGCCCN NNCATGTTTC CTTCCTTGTA CCGCAACTCA AAGACCCATT 180
GGAACAAGAC AATACATGGC TTGATATACA ACGCCCTGAA GCTCTTCATG GAGATGAACC 240
AAAAGCTATT TGATGACTGT ACACAACAGT TCAANGCAGA GAAACTAAAA GAGTTGCTAN 300
AANTGNAAGA NCGGGNNGAN GCATGGGTTA AATTAGAAAN 340

配列番号：3630
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04284
配列：
GATCTGCCAC ATGTNTGAGG GTTGCAGAGC CCGCTGTGGA GGTAAGATTG GAAACACATG 60
NAGCAGAGGG AAGACATTGA AGAAAACATC TCTNCTGGAA TATTTGGAAA AGAACACTCT 120
TCTGGACCTG GTTGAAGCAG GAAAGATGGA GGCAAAGTAG TGAAATAATC CAGAATTTCA 180
ATGCTTTTNA ATGTNCTTAG TGATACTGAC CTGTGATAAT ATAATTCCCA GGGAGGACTG 240
GGAACCTTAT CTCTTGAGAT ATTTGCATAA TTTATTTAAT TTAAGCCTCA TTCTCCTTTT 300
GTNCATTTTG GTAATAAACT GGATTTGAAT TGTGAACAN 339

配列番号：3631
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04285
配列：
GATCCAGCCA GTATAGAACT AGCTCTGTAG GGGTGAGGAG GACTNTGCTA TGTATCATCC 60
TNGATTGTNT TCCTTCAAGG AGCATTGCAC TTGCCTTCCC AGACCTTCCA CCTTAGGTTC 120
TGCTGCAAAA AGCACCAGTG CTGAAGATGC TGCAAGACCA AATCATAGCT CATAAAATCA 180
GGTCCTGAGA TAGTTACCCA TAAAGAGGAA TCCTTTGAGT GTATGCCATT GGTGAGCCGA 240
TGAGCATGGA CCATAGAAGG GCTCAATGTA GANTGAAACT ACCCGTGTGT AAAAAGAAGN 300
TTGGNTTAAA ATGGCTACTT TGGATGGGNA CCAGTGTCN 339

配列番号：3632
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04286
配列：
GATCAGAGGG GAAACAAACG CCAAGGGGTT GGGAATGGGT CGGCATCTGG AGTCTGAGAC 60
AGCTGCCCTC CTGCGTCAAG GGCTGGGGGC CTCAGCTTCC ATCCTGTGCC AGCCTCCATG 120
TGGACAGCTC AGCTTATTGT CCACCACCTG GAAATNCCTC GAAGCTTCAT NNGTCCAGGT 180
CAAGAGAATC CTGTTCCCAG ACCTCTGCCC AGCCAGGCCT TCCCAGCTCA GGGCTGACTC 240
CTGCACCAAG TGACGCACTT TTNATAACTG GTCTACCAAT GNCTCCCCTT CAAGTGAGAA 300
CTACCCTTTA CATTTAGGAG TGTGGCCCCG CAGTAAA 337

配列番号：3633
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04287
配列：
GATCCCTGTA TGCNGCCAAG GATGGGACTT CCAGCTAATG AATTTGTACA TGCAGCCAAA 60
TTTACAGGAA TTTTTTTAAA AGGCAGAAAA ACTTGAAATA CCAACATTCT GGCAAAAAAN 120
ANTCAGTTTT ATGANGAGTA AGTGGAACCT GGGNTGCAGG ANCAAAAGAG GGAAATGTTG 180
GGCAAACATT TTNNTGGGAG CTCCCTTCGC TGTTGTGCAG CAGAAACAGA TTCTNAGTTC 240
ATTTTTACTC CCACTGTATT ATAGTTTANC AAAANTNGTT TATATCTTGG AAAAAAANCT 300
TTCTGTTTAA AAAANTTAAN CAAGTGAATG TNGGAAN 337

配列番号：3634
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04288
配列：
GATCCCACTG ATTGGCCAGC CGAGCGAGAA CCAGGCTGCT GCATGGCACT GACCGCCGCT 60
TCCAGCTTCC TCTNAGCCGC AGGGCCTGCN ACGCGGGCAA GCGTGCTGCC TCTNTNCTGT 120
GTCGTTTTGT TGCCAAGGCA GAATGAAAAG TCCTTAACCG TGGACTCTTC CTTTATCCCC 180
TCCTTTACCC CACATATGCA ATGACTTTNA ATTTTNACTN TTGTAGTTTA ATCCTTTGTA 240
TTACANCATG AAATATAGTT GCATATATGG ACACCGACTT GGGAGGACAG GTCCTGATTG 300
TCCTTTCTCC AGTGTACATG TTTTACTCAC ANATAANATT NTTTCAGCAA GTAAAGNGGG 360
ANNGGGTTTT GGTNGNGNGG NGTGNGGTGN 390

配列番号：3635
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04289
配列：
GATCTGGCCA TTTGGTACAT AATCCAGCAC AGATAAGCTG GGTGGTAATG ATAATAAAAA 60
TGGTTTTCTC AAA 73

配列番号：3636
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04290
配列：
GATCACCTGG GTTTCTTTAT TTATCGACTG TGTCATGACA AGGAAACTTA CAAACTGCAA 60
CGCAGAGAAA CTATTAAAGG TATTCAGAAA CGTGAAGCCA GCAATTGTTT CGCAATTCGG 120
CATTTTGAAA ACAAATTTGC CGTGGAAACT TTAATTTGTN CTTGAACAGT CAAGAAAAAC 180
ATTATTGAGG AAAATTAATA TCACAGCATA ACCCCACCCT TTACATTTTG TGCAGTGATT 240
ATTTTTTAAA GTCTTCTTTC ATGTAAGTAG CAAACAGGGC TTTACTATCT TTNCATCTCA 300
TTAATTCAAT TAAAACCATT ACCTTAAA 328

配列番号：3637
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04291
配列：
GATCCTGTGA ACCGTTACTT TGCCTAAATC ACTTGAGACT TGAGTNTTTA ATAACAAAGC 60
ATCAATATTC ACTAAAGTCA ATCTNTTTTN ANTTTCTGTN ACTTGGCTAG AAGCTCTTGA 120
CACTAAGGGA TTAGTGTTAA TTTTCCCTGG GGGTGTTCCA CTAGGGCATT ACTGTATAAT 180
GACTTGATGT TGCCACATAG ACTTCAAGAT ATATAATATT TTNAGGATTT TNTTGATTGG 240
CCTATGTTTT ATTGCATAGT GTGAACCGTG TAAAGCTTGG TTAACCTGTA TATAGATAGC 300
TTATTGTTGA CTAGTTATAG TGTATTTN 328

配列番号：3638
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04292
配列：
GATCCTTTCC CTGGATACAT AACCCTAGTA GATAATGTTA CTGCAAGATG TAATGNCCAA 60
ATCCAACCTA CTGCAAATNT TACTATGGAA ATCTCAATGC AAAAGTAGCC TTTGTNATTT 120
TTTTTTTAAA CCGTCTCCAT AACAGANCAC TTAGAATTAT TAGCCATTTG CTGCAAAGTA 180
TTTGTTTTAA AATGTCTGGC ATATACACCA CTAACATTTA ANTGCCCAAC ATTCGGTCTA 240
TACGTGAAAA ACCTAGANGA AANGCCCTGT TGGAGTTTTG ATGTAGAGTG CAATANTACA 300
TCAATAAAGG TATTTTAAAA TGGAAA 326

配列番号：3639
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04293
配列：

GATCTGTTGT ATGTAATAAG TAACACAGAG TTTTAAAACA AATTAATTAT TTAGCTTTAT 60
TGAAGTTTGT NTTTTNCCTT CCGAACCTGG AGTATCATAT TATAAACAGC AGTTTCACAC 120
CAGAATAGCA GTGCCCTTNC TTTTTGTACA TACTGATTGG NCCTTTCTTT ACTGTTACGT 180
GGACACTTTC TATGTTAGTT TTGATGCATA ATTCTTTGAA TCCTTTTATA CAAACTAGAA 240
TGTATGTGTA AGAATACCTG TCCCTGCAAT GTAGTAACTA CAAACTTATT TTTAAATAAA 300
TAGAAAACTT GTTTTTCTAA GCTAAA 326

配列番号：3640
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04294
配列：
GATCCAAGAG TTTAGTGATT TCAAAAGCCT TGGTCTCAGG AGAAGATTAA ACTTTCATAT 60
TGGGCAGTGG TTCACTTTAA AACACACACA TACACACACA AAACAATTTT TTAAGAAATC 120
CTAATAAGTA ACATACCCAA AATGCTCTGT CTTGAGTCAT GAGAACCATC AGTTCTTGAT 180
ATTGTCTAGA CTTGCATCTA GAGCTACGTT GTAAAATTCT TTTAGGCATG TGTTAGATTT 240
CTGTGTAAAC TTTGTTTAAA TGTAAACTTC ATACTACATT GTCAGTTTTT GTCTTAATAA 300
AACTATAGAT TTATAATCCC TGAAA 325

配列番号：3641
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04295
配列：
GATCGGAATT TCCACCAATC AGCGGGAAGC CTCGGCCCTG TAACTGCTAA TGGGAGACAG 60
CAGCGCCACG CCACAGGCTT TTCCCCTGGT TTCGGGAGGG NTGGGGAGCC AGGTGGGGCT 120
CCCGNCCAGA CCCTTTCCCG AGGTCCGNCC TCTCCGCCTT NTCTNTAAAT TCCTCTTTTG 180
AGTNCCCTCC CTTCCGGTTG AGAGGCGGGG GTTGGCCCGT AGTTGTACAC TCAGTCACCC 240
TGAACTGTGG AGGNGGNGGG NCTCCNTTGT GGACTGATTT GCGTGGGGAT TTGGTNTGTT 300
TTATTAAGGG ATTTGAAAAA ATTCAGATGG ACTTNACTAG TATGGACTGT TNGGGTAAAT 360
ATTNGCTTNC NGGGTTAATA AAATGGACAG N 391

配列番号：3642
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04296
配列：
GATCCAGTCA ATACATGCAG ACCAGTAAAA TCTGATTTGT GCAGAGTTCT CCATCTGACT 60
CTCACTTATT TCTGTAGATA TATACATATA TAAATACAAG TATGTNCTTA CGGCACAGTA 120
TTGCTGACCT TTAGTTCGAG GTTTTGTCGG TTGTTGTTTA TTTTCTTCCT CTTGCAAGTG 180
CTATCCATGT GAGTGTGTGA AGTTTCTCTA ATAAGTAAAA CACAGGCCCT TTTCCTTGTT 240
TGTTTTGTGT TAGTTTATTG TAAACAGCCA TTTGTTGTAA ATNATTATTG GCATTAAATT 300

ATAATTTATG ATTTTCAAAG CAAA 324

配列番号：3643
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04297
配列：
GATCCAGTCT AGGCCCGTAT GTTGCATTTT GCTGTCATGT CTTCTTAGTC TCCATCNCAT 60
CTCAGTGGTC TTTTCTTTTC CATGACTGTG ACAGAAATGA TTTGTATCCT TCATATATCT 120
GCAGTCACAT GAAGTCTATT TGTCCCACTA CTGGTGACGT AAATTTTGGT AACTTGGTTG 180
AGGGTGGTAC CGTCTAGGTT TCTCCATATT AAGTTGCTAT TTTNCCTTGT GTATTTAATA 240
AGTATCTTAT AGGGAAATCC TTTGAGACTA TGTAAATATC ATATTACATG TATTTNGCCT 300
GTTTTAGCAT CTTTTGAAGA TAN 323

配列番号：3644
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04298
配列：
GATCTGGAGC ACAAGGAACT CCCATACATT CCTAGTGGGA ATGCCTAATG TTAGAGTCTG 60
GAAGACATTT TGGCAATTNC TTAACCAAGC TCTTCTTACC ATAAGATGAA GCAACTCCAC 120
ACCTTGGTAT TTACCCAAAC GAGTTGAAAG CTTATGCCCA TACAAACACC TGTACAAGAA 180
TGTCTATAGC AGCTTTATTC ATAATTGCCA AANCTTGAGG GCATCCAAGA TATCACTTAA 240
TGGGTGGACA GATAAGCTGT GGTACATCTA TACAATGGAA TATTAAGGTG CTAAAAAGAA 300
ATGAGCTCTG AAGCCACAAA 320

配列番号：3645
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04299
配列：
GATCGGGATT AATATTAGTG CATTTTTAAA ACACTTAAAA GTTTTACAAN TGTATTTGTG 60
TATTTCCTGT TTTGGTGCCT GTTTTATAGA AGATGATTGA NGAATCACTG AAGATTAAAA 120
TAAAAAAGGA ATTAGAAATG GAAAATGNAT TAGAAATGAG TAATCAAGAA ATAAAAGACA 180
AATCTGCTCA CAGTGAAAAT CCTTTAGAGA AATACATGAA AATCATCCAG CAGGAGCAAG 240
ACCAGGAGTC GGCAGATAAG AGCTCAAANN NGATGGTCCA AGAAGGCTCC CTAGTGGACA 300
CGCTGCAATC TAGTGACAN 319

配列番号：3646
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04300
配列：
GATCATAGAA GAAGAANCCA GTAATTGANC AAATCCTATT TAATGACATC CTTGTAGCAT 60
AGATGGTCTA TAATGCTGAC CACAGATTTC TTAGAAATGC TGCTCTCTCT ATTTAACTAA 120
CATTTTGTNC AGTTTTGCCT CCAGTGGAAG CAGAAAGGGT TTTTNCAGCT GTTAAATCCT 180
AAAANTCAAT ATAATTNATT TATGTAAGAA AAATAACTCA ATCAATATAT TTTTGAACCT 240
TTTAAGTACT AATTTNNTNT TTATCAAGTA GAAAAAAAAT GTATTTGCCC TAAATCCTTA 300
AAATACAAAT GCTATAAA 318

配列番号：3647
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04302
配列：
GATCCTGAGG CTTTGGCTGA AATTCTGCTT GAAACTTGTA AATCAATCAC ATATTCTTTA 60
GAAAATAAGA CCTACTCATC TGTGAGAACA GAAGCTTTAT CTGTGATAGA ATTGCTGCTT 120
AAAAAACTTG AAGAATCTAA ACAGTGGGAA TGTTTGACAT CTGAATGCAG AGTGCTCCTA 180
ATTGAGTCTT TAGCTACTAT GGAGCCAGAC AGCAGACCTG AACTGCAGGA GAAAGCAGCG 240
TTACTGAAGA AAACACTTGA AAATCTGGAA TAANTTAGAN GGGGAAGAAA CAAACAAGTG 300
CCATGTTCAT TGGGGGN 317

配列番号：3648
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04303
配列：
GATCCTTCTC CTTCCCTGGG ATACAGCACC TCCACCCTGC CAGGCCACCC NTGTAAAGGC 60
AGCCAATTCA GAGCCACCTC TTATGCCTGC ATCTCCCCCA ACAATTCCTG CTGGGAAACC 120
ACTCCTCGTA TGGTGTCATC TACACCAGTG GGTTTCAAGC TTGAGAAGAA TCAAGTTCTA 180
CAGGGCTGCT TAAAACACAG GTTGCTGGGT CCTGTNTCTC AGAGTTTTTG ACTCAGTCTT 240
GGTTGAGAAT TTTCAGTTCT AGAAGCTCCT GGGTAATGCT AATCCTCCTG TTCTAGGGGC 300
CATAGTCATT GTCCATN 317

配列番号：3649
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04304
配列：
GATCTACACG CGGCTGGCCA CCATCTACCA CAACTNCCTC CTGGACCGTG AGAAGTCGCT 60
CTTNTTCTAC CAGAAGGCCA GGACCTTCGC CACAGAGCTC AACGTCCGCA GGGTCAACCT 120
GCCTCCTCTG CCACTCTGCG GGTGGGCCCC CTGGTTGGCC CCCAGCCACC CTNGCTGAGG 180
ACAGCATCCA AGGGAGTGGG TTTTGTGCAA GGGCTAGGGG TCTCCTGCCT NTCCTGGTGT 240

CGNCGGTGGC TCATTTTCTN GCAAATNGAG GCACGAACGC AGGGNCCAAA TAGCAATAAA 300
TGGGTTTTGT TTTTAAA 317

配列番号：3650
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04305
配列：
GATCTATGCA ATTTTTAAAC TAGTAATGGG CCAATTAAAA TATATATAAA TATATATNTT 60
NCAACCAGCA TTTTACTACT TGTTACCTTT CCCATGCTGA ATTATTTTGT TGTGATTTTG 120
TACAGANTTT TTAATGACTT TTTATAATGT GGATTTCCTA TTTTAAAACC ATGCAGCTTC 180
ATCAATTTTT ATACATATCA GAAANGNNCG ANTTATATCT AATTTATACA AAATAATTTA 240
ACTAATTTAA ACCAGCAGAA ANGTGCTTAG GAAAGTTATT GTGTTGCCTT AGCACTTCTT 300
TCCTCTCCAA TTGTAAA 317

配列番号：3651
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04306
配列：
GATCTGAATT CTAAAGCGTC TTTCATTGTT TACTTTTAGG ATGAGGAAGT ACAGACAATT 60
GGTCAGATAG AACTGTGCCT CACTAAGCAA GACCAGCAGC TGCAAAACTG CACCGAGCCG 120
GGGGAGCAGC CGTCCCCCAA GCAGGNNGTC TGGCTGGCAA ATGGGGCCGC CGAGAGCCGG 180
GGTCTGAGAG TCTGTGAAGA TGGCCCAGTC TTCTATCCCC CACCTAAAAA GACCAAGCAT 240
TGATGCCCAA GTTTTGGAAA TATTCTGTTT TAAAAAGCAA GAGAAATTCA CAAACTGCAG 300
CTTTCTAAAA AACAAA 316

配列番号：3652
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04307
配列：
GATCCTTGGG TTGTAAAGAG AGTAGAAACC CTAGGNAGCA GTGCTTTTGG GTCCTAGAAC 60
CTGTTGAGTT TCTAATGAAT ATTTGTAGAA TCTNATAAAA CAGTTTAAAT ACAAGCTTAA 120
GTGGCTTATG AATCCTGTNA AGCTCATTTA TGGNCTAGTG TAAAACAATG TGAAGCTCTA 180
CTAAGTNCTG TCCTTAATCA TAAATAATAG CCCCTTGNGG NCTAGCCTGT CCTCTGGTCA 240
CCTTACCAGT TGGGTTGCAC ATTGTGTGGT CGTCCAATTA AACTCAATCT TNCGTGTGNC 300
AGGNGNTAGT CTNTCCAATC ATGNCATAGN TTTCATCTGG TTTTTGNCTG GTGGACGNAC 360
CTTCGGANTA ANTN 374

配列番号：3653
配列の長さ：316

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04308
配列：
GATCAGGACC AACCTGGAAA ATGCCAGATT TGGCTATGCT TTTTAANACA TTNATTTGGA 60
CAGCTCACCA ACCCCTGAAG GGGCCGTTAA GCCTGGTTAG TTTTNTACCT ACTCCGAGTN 120
TCCTCCCCTG CCCCACCAGA TTGCTGCAGG GGCGCGGTGT GCCTGGNAGC CAAATTNTTG 180
ACACTTCTTT TTTCCTATGC ACTGGTTTTA CACAGCTGTN ATTTTTNTTT CAAAATTGCA 240
GCAGTCCCAC AAGATGTNTG CATTTGGACA AATAGTACTT AAAAACAAAN CAAACAAGCA 300
CTCAGCCCAG TTCCTN 316

配列番号：3654
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04309
配列：
GATCTAATGC AGAACTTATC AGATATTGTG AAAAATCAGT GTGGGAGGTA TTCAGTCAAA 60
AGTCAGAAGG AAATGTATTA TCGTTATAAT TTCAAACCTT AAGAAAGCCT AAATTACCAA 120
TTGCATATCA AATTTTTTTG ATAATGTAAG GAAAACTTAA ATCCCCTCCA TATCCTAATT 180
GGCATTTATA ATAATATGAC ACTTAACCCT GACAGCTAGA GTCTTACTTT ATGCTAATGC 240
TAGATATCTA TTTTNAANTT CCACGTGTGT AAACATGCTA TACTCTTCTG ATATTAANCT 300
TACTAAGTAC ATAAA 315

配列番号：3655
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04310
配列：
GATCCAAGAA GAACTAGAAA AAAAGTTGTT TGCAGGCTTG CAACCTCTCA NAAATTTTAA 60
GGCTAGCTCT TCAACTATGT CTTTNAAAAA GAATATGTCT GCCCACAGCA GCCAGAAGTG 120
ACAGCATTCT TGTGAATGTT TACATCCTGC TGCTGATAGG TTCAAGGAAT TCTTTAAACC 180
AGATTCTGCT GACATGAGAA GCTCCAGTGA TTTGTTTTTT TGAAGGTCTG TATCAGAGCA 240
AGCCTAACAT CTAAATAANG TTTGATTCTG GATTTTCCAG GTGGGAAATA AATAAAGAAA 300
ATTTGGCTTG TCAAA 315

配列番号：3656
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04311
配列：
GATCCGTGCC CGCNTCCAGG AGAAGTTGTC ACCTCCCTAC AGCTCCCCAC AGGAGTTTGC 60
CCAGGATGTG GGCCGCATGT TCAAGCAATT CAACAAGTTA ACTGAGGACA AGGCAGACGT 120

GCAGTCCATC ATCGGCCTGC AGCGCTTNTT NGAGACGCGC ATGAACGAGG CCTTCGGTGA 180
CACCAAGTTC TCTGCTGTGC TGGTGGAGCC CCCGCCGATG AGCCTGNCTG GTGCTGGCCT 240
GANTTCCCAG GAGCTGTCTG GTGGCCCTGG TGATGGNCCC TNAGGCTGGG GGCCCCATGG 300
TCAGCCCAGN NTGGGTTCTG TTCTNTGGNN CTTGTCANNC NNAANCN 347

配列番号：3657
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04312
配列：
GATCATAACT GAACCAGAAT TTGGATTATA GANGTGCACT TCCTAGCTGT TTTTTATTTA 60
GGTATAGGAA CACACAATGA GAACCTTATG TTTAGAATGT AGCAGTAACA ACAGAGGGTA 120
ACTACACTGC AAGACTTAAA TGGTTTGAGC ATGTGACACT ATCCTTTTGT TGGGGGGAGC 180
AGGGTATAAN ANTATACATA CAGGAGATTA GTTTAATAGT AAAGTTTTAT ATGTATGTTT 240
AACTTCCATG ATATTTATNA TTTNGTAGAG ACATTTGTGA TTGTNTAGAG TTCTNGTNTT 300
TNTTCTATTT ATN 313

配列番号：3658
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04313
配列：
GATCTTAAAA GTGGAAAGCA GAAAAAATAC TGTTTCCTGA AATTNAAAAG TTTTGGCAGT 60
GCCCAGCAGG CCCTCAACAT TCTCACAGGC AAGGACTGGA AGCTGAAAGG CAGGCATGCC 120
CTAACCCCCA GGCACGTCCA TGCCTGGNTC AGAGGCTTAC CACCTGANTC AACAAGGCTC 180
CCAGGGCTTC GTGTTGTACC TCCCCCCTTT GAACAGGAGG TCTTGCAGAC TCTGAAACTG 240
GACCACCCGA AGATAGCAGC CTGGCGCTGG ANGCCGGAAG ATTGGAAAGC TCTACAACAG 300
TTTGTGN 307

配列番号：3659
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04314
配列：
GATCCCCAGA GAGGTGGCCC TGGACCTGGA GTCAGGAGGC GGTGTCCAGA AGAGTCGCTC 60
ATCAACCCCG GGTTCAAGAG TAAGAAACCA GCTGGTGGCG TGGACTTCGA TGAGACCTGA 120
AGGTGCAGCA CAAGCGTGGC CCCGCGGGGA GTCCGCCTAT NAGGGGAGAG GCAGTCTTTG 180
AGGCCCCCAT CAGAGACCCC CCGCCACCAC CTCCACCTGC CTGTCCTGGG CCAGGACTAA 240
CACGGCTCCT CAAATTCCTT CCCTGTCAAA TAAACAGCTC CCTTGGTTGG AGGCTCTNGT 300
GGGAAA 306

配列番号：3660

配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04315
配列：
GATCCCCTGA GCAAGTCAGA AGTTACTCTC ATCAGTCGTT CATGGTCACA ACCTGAGGTA 60
CTCTGCTGAG TGGGCAAGGC TGAAGAAGAG GCCTGTGGAA TGCAGCATTA CCTGCTGGAC 120
AGAGCAGGGC AGGCAGTTCT ATGCCTTGGA GCTCCTGACT GCAGGGACTC TGTCCCCACA 180
CTCAGAAAGA CTCAGCTCAC TCAATGAGAG AATGTGATTT ACTTTATAGA ACGTATAATC 240
AACTTTGTTG AATAATTTGT TCTATTAAGG CTGTCTAAAG TATGTNATGT CTTCATCATA 300
GTATGAAGTG TTGAAAATTA ATAACGGGCC TAGTTTAGGA AAAAGCTGCT TAAANGNGTG 360
TGGCCCGTAN N 371

配列番号：3661
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04316
配列：
GATCTGTATT GATATTTGAT AGTGAAAATG TTTATTCAAT TTTTCCCCAA AATGTATTTG 60
TTCCTCTTAC TTGTTTATTC AGCTGTGGTG ACTTCAAAAT ACTTTTTCCA GGTGACAAAA 120
AAAAACTCAG AAAAATTTTT AATCTTAATT GCATTAATAC TATAAATTGA TTTGGAAGGA 180
TTTAACATTT TATAATATNG GNNTTCCTCT GCAGTAATGT GGCATATTCT TCCNNNNGTT 240
CAAGCATTAA AAAAATCTCT TAGCAAAGCT GCACAGCCTT CTTCATAAGG GTTCTCTATA 300
TTTN 304

配列番号：3662
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04317
配列：
GATCTGCGGT GGGCCAAGAG TATCCAGGGA GAAACCTGTC CCTGGCAGGG CTGGAGCAGG 60
GACACTCCAG GCCCAGCTGA GGCTTCCTGC TCTGCATGGC AGGGGACATC TCTNACCTGG 120
TCAGGACCCT GGAGGTGGGA CAGCTGGTGC TAAGGGAATG TNAGCGCATC AGGGTTGGGG 180
AGAAGCAGTG GGTGGTCCAG GAAACCCCTG AAACAGCTGG CCCTGGGGTC CCCTTTCAAG 240
TGTTTCCAGT TGTGGCAAGG GGTCAAGGAG ACCTTGCATT GCAAATCTNT TAGAAAAAAC 300
AAN 303

配列番号：3663
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04318
配列：

GATCTGAAAG ATTACATTTA GAACATTTAG TACTATTACA CTCTCAGAAA CTGTNGTAAA 60
AAGTCACATT TTCAAAACTT CATGCATATT GTATTCTTGT TGGAAATAAG TCCTATAGTT 120
TCTTAATTGT CTTCATGCCG TCCATATTTA ACAAACATTG CAAGTCCTTT TTATATTTGG 180
GTAATNATTT GTAATTTAGT GAAGGAGACT AGGGGATGTT TTCTTCCAAA GGGAATTTAA 240
AATCAATTTT ATGGTATTTT GAAAGTAAAA TACTCCTTAA CGTGTCAATA TTTTTAAAAT 300
GN 302

配列番号：3664
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04319
配列：
GATCCTCTCA GAGTGCCAGG CATCCCCCCC GNACCAGCAG AGGCTCATCT TTATNAGGCA 60
AGCAGCTGGA AGATGGCCGC ACTCTTTNTG ACTACAACAT CCAGAAAGAG TCGACCCTGC 120
ACCTGGTCCT GCGCCTGAGG GGTGGCTGTT AATTNTTCAG TCATGGCATT CGCAGTGCCC 180
AGTGATGGCA TTACTCTGCA CTATAGCCAT TTGCCCCAAC TTAAGTTTAG AAATTACANG 240
TTTCAGTAAT AGCTGNACCT GTTCAAANTG TTTAATAAAN GGTTTCGGTT GCATGGGTAA 300
A 301

配列番号：3665
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04320
配列：
GATCTGAAAA ATGAAGTTTG GTATCAAAAA NGTCATGACC CTGTATGTAA AGCAGAAAAC 60
TTCAAATCTG ACTGTTTCCC ATTACCTGCT GAAGTATGTC TCCTGTTTCT TTTCAAAGAG 120
GAAGANGAGT TTACAACAGA TGANGCAGAT GAAACTAGGA GCAATGAAAC CCAGAATCCT 180
CATAAACCAT CACCTAGCAG GCTGTCAACA GGTGCATCTN CTGATGCTGT CTGGGNTAAT 240
GGCATTGATG ATGCTTATTT TTTAGAAGCT ACTGAAGATG CTGAATTAGC TGAAGCTGCN 300

配列番号：3666
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04321
配列：
GATCACTNAA TGGTCAAGTG GAACAAGCAC TACACGACTA ACCCCTATTG GGGTTTTTAA 60
CTTAAGGGAG GCTAATTTTT AATTTAAACT GCTCGAGATA TGAGTTCTGC AAAAGGTGGT 120
CCGCATCCTT GGCCCTCTGG ACATTATCAC TAAATTGCTT GTGCCTGTTA ACAAGAATAC 180
TGACCAGAAT GCTCTTCATG TAGCTTATAC AGTTGGTTCA CTTCATGCGG TTCTTGACAT 240
GTTTATTTCT ACCCTTAATG CAATGAAATG TTTCATTAAT AAAAAACCAC TTTATATAAA 300

配列番号：3667

配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04322
配列：
GATCTTTCTG GCTCCACTCA GTGTCTAAGG CACCCTGCTT CCTTTGCTTG CATCCCACAG 60
ACTATTTCCC TCATCCTATT TACTGCAGCA AATCTCTCCT TAGTTGATGA GACTGTGTTT 120
ATCTCCCTTT AAAACCCTAC CTATCCTGAA TGGTCTGTCA TTGTCTGCCT TTAAAATCCT 180
TCCTCTTTCT TCCTCCTCTA TTCTCTAAAT AATGATGGGG CTAAGTTATA CCCAAAGCTC 240
ACTTTACAAA ATATTTCCTC AGTACTTTGC AGAAAACACC AAACAAAAAT GCCATTTTAA 300
AAAAGGTGTA TTTTTTCTTT TAGAATGTAA GCTCCTCANG AGCAGGGACA ATGTTTTCTG 360
TATGTTCTAT TGTGCCTAGT ACACTGTAAA TGCTCAATAA ATATTGATGA TGGGAAA 417

配列番号：3668
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04323
配列：
GATCTCTGAA AGCTCAAATG GATGGAATTT AGTTTGCGGG AAAGAGGCTT TGCTTTGCGC 60
ATATCAGGCT TAGGACTGTG GGAGGCTTAA GAAGCAGATG CTTCTTTNAT TGTACTCTTG 120
TNCTGCCCTT GTTTTTTGAA GGCTCTGACT TATAACTNCT GTATCAGAAG AAACATTTTG 180
ACAGTGTCTT GGTTGGAGAT GAACATCCCT AATTGACATG TGATGACTAT TTCTNATTCC 240
ATTCATCTAA GAGTCATTGA AATTTTGTTT TGCTTGTTTG TTTAGCTTCA AGGTCTTN 298

配列番号：3669
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04324
配列：
GATCATCTCT ATATCTAATT TGTATTATNA CTAATCTTAT TCCAACTATT TNCTTTATNA 60
TACTGAAACA GTTTGTNCCT TCAGTCTCTG CTTCGGCTAC CTAAAAGGGA AGGGCCCCCT 120
ATCCTGTAAT CACATGACTT ACTTCACCTT GTCAATCACT GAGAAGATTC ACCCTCCTTA 180
CCCTGCCCCC TTGTCTTGTA TGCAATAAAT ACCAGTGGGC CTAGCCCTCT GGGACCACTA 240
CCGGTCCCGG GGTCTTGATG GTAGTGGNCC CANAGCCCAG CTTGCNTNCN CAAA 294

配列番号：3670
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04325
配列：
GATCAAGAGG CCACCAGTTG TACTTCAGCA CCAATGTGTC TTACTTTATA GAAATGTTGT 60
TAATGTATTA ATGATGTTAT TAAATACTGT NCAAGAAGAA CAAAGTTTAT GCAGCTACTG 120

TCCAAACTCA AAGTGGCAGC CAGTTGGTTT TGATAGGTTG CCTTTTGGAG ATTTCTATTA 180
CTGCCTTTNN NTNCTNACTG TTTTATTACA AACTTACAAA AATATGTATA ACCCTGTTTT 240
ATACAANCTN GTTTCGTAAT AAAACTTNTC CCTTTTTTTA AAATGNAANT AAA 293

配列番号：3671
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04326
配列：
GATCTATAGT ATTTTAATGT GCATCTACTT TAAATNAGTC ATCTTGGGGT TTTNATAATT 60
CCCTTATGTT CTTGCCCCTC TACACTTGAA ATAACAAAAT GCCTTAATTT TATGGATTAG 120
TTCTCTTATA GTAGACAGGC AGCTATATGC AGCAAAACCA ATAAAGTTAT TTTTCAACTT 180
TCATAGTTGT AAAATATCTT ATAACAGAAT ACAAAACAGC TANGAAAACA TGCCACATTT 240
NATTTTNGCA TTTTCAAATA ATTNGTTTTT GGTGTAAGCA CAGGATAAAA AN 292

配列番号：3672
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04327
配列：
GATCAAGGAT GCAACCTCAG GTTGAGAAAG AAACAGGGTT CCCTGGGCCC ATTAGACTGT 60
TTGCAGGGCA TCACTGCTTC CCCCTGACAC CTCACAACTA GCAAAAATTG TCTTTGTCTT 120
TGGAAATNAT AGAGGGATTT GGGTATCCAG ATTGTGCAGA TGCAAACTTA GGCTGTCTTG 180
ATGNNNACTT AGAACCACAG AAATGCTTTT AAAATGCCTG TTTTAAGATG GAATTGTTGT 240
TTTNATAATT TGATTTTAGT GCTAAATAAA TGATTGGCTT TGTACATGAA A 291

配列番号：3673
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04328
配列：
GATCTAAAGG CTCTGGNTTT GCCTTCTTTC AGTCTGACAC TGACTAACAA CCTCGACAAG 60
GTGGGCATAT ACCTGGATTA TGAAGGAGGA CAGTTGTCCT TCTACAATGC TAAAACCATG 120
ACTCACATTT ACACCTTCAG TAACACTTTC ATGGAGAAAC TTTATCCCTA CTTCTGCCCC 180
TGCCTTAATG ATGGTGGAGA GAATAAAGAA CCATTGCACA TCTTACATCC ACAGTAATGA 240
GTCATAATAT TATACAAATT CAGAGTGTTA TTAAAGAGGT TTTGAAATAA A 291

配列番号：3674
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04329

配列：
GATCCCAAAA GCTGTTTTNA GGTATAAGGA CAAGGAGAGG AGACAAGTGA CGACAGCCAT 60
TCCCCTTTGC AGCTATCTAC TGTAGTGACA GCCATTTCTT GGTTGATGGG TTGGAAGTCA 120
TCAGAGGTTT GAAGAATTAC ACTGGCCTTT GTTTTTCNNG AAATGCCGAC CATGGAGATG 180
CTTTAGAGTC TTCTCAAATA GCTTAGATGT TGTAATGNGG TTAAGCTTTG CTTCATAAAA 240
CAGGGGCCCT CAGAAGTTCT CCTTTAAATT TTTCANATAA AAAATTTAAA 290

配列番号：3675
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04330
配列：
GATCTATCCC TGTCTCACTG AAAGCCCCTG TGTAGTGTCT GTGTTGTTTT CCCTTGACCC 60
TGGNNTTTCC TATCCTCCCA AAGACTCAGC TCCCCTGTTA GATNGCTCTG CCTGTCCTTC 120
CCCAGTCACC AGGGTGGGGG GGACAGGGNN AGCTGAGTGC ATTCATTTTG TGCTTTTCTT 180
GTGGGCTTTC TGCTTAGTCT GAAAGGTGTG TGGCATTCAT GGCAATCCTG TAACTTCAAC 240
ATAGATTTTT TTTGTGTGTG TGGAAATAAA TCTGCAATTG GAAACAAA 288

配列番号：3676
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04331
配列：
GATCAACCCC TGACCTAATC GGTTATGTTA TCTACAGATT ACAGACATTG TATAGAAATG 60
CACTGTGAAA ATCCCTATCC TGTTTTGTTC TAATCTAACT ACCGGTGCAT GCAGCCCCCA 120
GTCATGTACC CCCTGCTTGC TCAATCAATC ATGACCCTCT CACACACATC CCCTTAGAGT 180
TGTGAACCTT TAAAAGGGAC AGGAATTGCT CACTTGGGGA GCTCAGCTCT TGAGACAGGA 240
GTCTTGCCAA TGCCCCTGGC TGAATAAACC CCTTCCTTCT TTAAA 285

配列番号：3677
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04332
配列：
GATCACAAAA ATGGAACCCC CTGTTTCATG CTTCTACAGT CCAGCCAGCC AATCTGAAGA 60
TGTCATTCTT ATAAAAAAGT ATGACCAAAT GGCTATCTNC CACTGTTTAT NTTGGCCTTC 120
ACTGACTCTG CTAGGTGGTG CCCTGATTGT TGGCATGGTG AGATTAACAC AACACCTGTC 180
CTTACTGTGT GAAAAATATA GCACTGTAGT CAGAGATGAG GTAGGTGGAA AAGTACCTCA 240
TATAGAGCAG CATCAGTTCA AACTGTGCAT TATGAGGAGG AGCAN 285

配列番号：3678
配列の長さ：282

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04333
配列：
GATCTCTGTG TTTGCAGTCA AAGGGCGGCT CACACATGGT CAAGTATTAT AAATNTCCTG 60
TGTATCTNAC AATGGAATCT ATTCTACAAT TTTAAGTATA CGCTTTCTGT ATATGGCCAT 120
TAAGTGAAGC TTAATAATCT TGTNTTTNCT GTCCTCATAG ATATTTTAAT CTGTGGCATC 180
CTCCTGTAAT CTCAGCATTT TGGGAGGCTG AAGATGAGAG GGTTGCTTGA GGCCAGGAGT 240
TCAAGACAAA CCTAGGCAAC ATAGCAACCC TGTCTCTCCA AA 282

配列番号：3679
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04334
配列：
GATCTGAGGT GATATGTTCT GAATGTAAGC ACCGTCAACA TCAGACACCT ACTCATGGAC 60
ATGTGGTTGC CGGATTTTCT TAAGATGTTT CCAGAAATGA CTGATATTTT ATATTTATAC 120
ATTTTAGATG ACAAAGCTTG ATATTTATTG CTGTCGCACA TTTTAAAGTT TTCTTTTTGG 180
GTTGCTCTGT GNCANGGCGT GGTTACATGG TGNTAAATCG GTACCTGATA ATGTACCCAA 240
ATACTATGGC CAGATAATAA ATTGNGGTGC AAACAACAAA 280

配列番号：3680
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04335
配列：
GATCACTGTG CAGTGGGACC ACCCTCACTG GCCTTCTGCA GCAGGGTTCT GGGATGTTTT 60
CAGTGGTCAA AATACTCTGT TTAGAGCAAG GGCTCAGAAC NCNNNAATAC TGTCATGGAG 120
GTGCTGAACA CAGGGNNGGT CTGGTACATA TTGGAAATTA TGAGCAGAAC AAATACTCAA 180
CTAAATGCAC AAAGTATAAA GTGTAGCCAT GTCTAGACAC CATGTTGTAT CAGAATAATT 240
TTTGTGCCAA TAAATGACAT CAGAATTTTA AACATAAA 278

配列番号：3681
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04336
配列：
GATCANAGAN TNACAACTGT TCATTATAGT GGTGCCTTAG GCAATCTTTN CAAAGTAAAT 60
TCAGGGCCCC ATTGCTACTT ATGCCATATT TGGACATACT TTTTTTTTCT TCAATTTTGT 120
AAACTTCCTG GAAAGCTGTC TTCACTAAGT ATCCCCNAGT CTCTATCTAT GNGGNTAGTA 180
GTCATGGAAA TAACACATAA AGTACGCCAG NAGTTNGNTG GAACGTGTTA GAAACTGTTT 240
TGTGCTTTNA TGGATGTCAT ACTTGNCANT ACATGTN 277

配列番号：3682
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04337
配列：
GATCTTTCTT TACTTGATGT GTCCTTCTNT TCGCAGATTG ATAACAGAGC TGTGCTAGAA 60
CTGAATGCAA GCTTTCCAAA ANTNTTCATA AAAAANAGCT TTACTCAGTG ACTTAATATA 120
TGTNCTGTAT TAAAATTAAT GTGCTTTGTT GGGGTTTAAT TTTGGNATTG GTTTTGGGTT 180
TTNTTTTTAG TTGTTTTAAT GGTAAGAATT AAGACATTTT NTAGATTTTA AAGAAAAATA 240
TGAAATTNTC CATTAAATCA AGTAAAAATG TGAAA 275

配列番号：3683
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04339
配列：
GATCTCCGCA GTCTTCAGCG CATTGGCCCG AAGAAGGCCC AGCTAATCGT GGGCTGGCGG 60
GAGCTCCACG GCCCCTTCAG CCAGGTGGAG GACCTGGAAC GCGTGGAGGG CATAACGGGN 120
ANACAGATGG AGTCCTTCCT GAAGGCAAAC ATCCTGGGTC TCGCCGNCGG CCAGCGCTGT 180
GGCGNCTCCT GACCGTCGTC TCCTCACTCC GNCTTTTCAA ATTTTTGTAT AACCCCGTGT 240
TGTGTAAATA CAGTTTTTGC TCCGGTAAA 269

配列番号：3684
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04340
配列：
GATCAGGCCA GTAGGTTGTG AATGCAGGCT GGAGCCCCCG AATGCCCCAN NCACACTGCA 60
GCATTGACCA GACCATCCGA AACCTGCGTC CCTGGTGATG TTCTCAAGCC TCGGAAGTGG 120
CAAATGGAAA TAATATGGCC GGTTGCGGTT GTAGGAGAGT TGTGACTTAG GCAGGAGTCG 180
ACCTCCTCAA GTAATGGAAC GATTTCAAAG GCAGGCTGCC CTGACCAAAA ATATCTGCCA 240
TGAATAAAGG TGCCTGAAAT CCTAAA 266

配列番号：3685
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04341
配列：
GATCTACTTT CAGGATTATT TNTTGTNTTT GAACGTGACA GTNTGGATGA GGCAAGTNAG 60
TNTAGATGCT GCGACCCTGC GAGAAGCAAT AGCTAGTGAA CACATTAGCT CCCTACATGG 120

GACGCAGCTC CCTCTGACAT GTGTCTCTGC CCTTAACCAA GACAGAAAGG GGGTAAATGG 180
AGGATTGGNT TACTGTCTTT GCTGGTTAGT TTTGTGAAAT TTTAAAAATG TTCAACTTTT 240
GANTAAACTC CTTTAAACTT CTTAAA 266

配列番号：3686
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04342
配列：
GATCTCCTTC AGTNGTCTAC CCACTTCCGT CATTGTCCTC CGCTAGAATA ACAGAGTAGT 60
TGGTAGTCAT GGCCAGAAGG GGGGTGGGGG CAGTGTGAGG ACTTGGGGTT TCTGTGCTGT 120
GTGACACAAG GAGATAAGTG ACAATNTTGA AGTCCTAACT TGCACTATTC TAGAAAGTAT 180
AGTGGTGATT TTTGTGCAAA GATTTGAAGT TTTAAAAAAG TACCAAGTTC CTGAAATTCA 240
ATAAAATATT TTTATTAATT TTAATGGAAA 270

配列番号：3687
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04343
配列：
GATCTCAGCT CACTGCAACC TTCACCTCCC GGGAGCATGC TGCTCTATCT TTTTTTNCAG 60
ATGTTTGAGC TATTCCAGGT TTTTTGGGAT TTCTGTTGNT TTGTTTTGTT TTTTGCTTTT 120
CTACATAATT GTTTGGATAA TCTTGTCAGT ATCTACGAAG TGCCTTGATA GTAAATATAT 180
NAACCCTGTG TATCAATNTG GGGTAATTNC ACATNTTTTT CTATGTTGAG TTATCAATAA 240
ATTGATATTG TATATGNCTC TAAA 264

配列番号：3688
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04344
配列：
GATCCTCAGT GCAAAATGTC TTGTGTANTT NTNTGTGAAT CCATGGGTCT GGCTAGAGGG 60
CCCAAAGCTT GTAAATATGG GGATAGTCTG GGTCAGACCC ATCTNTCCCT TACCCATCTT 120
GCTTCCAAGA CCATTTGTAG TGAGCGAGTG GATGCTGTGC TACGTGTGAA ATCTGTCTTT 180
GCGGGGCCTG TCTCAGTGAT TCGNTTTTGG TATTNGTTTG TAGCTTTCCT GGAAGTCAAA 240
TAAATGTTTC CCCCACTCCA AA 262

配列番号：3689
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04345

配列：
GATCTCAAAT GTGAACAGTT TACTAATGCA CTACTGAAGT TTAAATCTGT GGCACAATCA 60
ATGTAAGCAT GGGGTTTGTT TCTGTAAATT GATTTCTAAT NTGAAATTAC TGAACAACTC 120
CTATTCCCAT TTTNGCTAAN CTCAATTTCT GGTTTTGGTA TATATCCATT CCAGCTTAAT 180
GCCTCTAATT TTAATGCCAA CAAAATTGGT TGTAATCANA TNTTAAAATA ATAATAATTN 240
GGCCCCCCCT TTTAAA 256

配列番号：3690
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04346
配列：
GATCTAAAAA GCTGAATAGC ATGTNAGTTA CTTGGTTTCA ACTTGAGTTT NCTTTTAATG 60
TTAATAAGAT TGAAACTTTA GTATTTAGTG GGGAATGGAA AGAGTTGCCC TTGTTGCAAG 120
TAATGAAGCC TGATTTGATT ATGAAGCTGC TTAATCACTC TTCATGTGTT CAGAATTACT 180
GTTTTTNTTG TTTGTTTTNC CTTTTNGTCA CTGTGGTACA TTAAAAATTT NGGGAAGATG 240
CTTTACCTAA A 251

配列番号：3691
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04347
配列：
GATCCCAGAC CTGTNGTCTC TCCCACCCCC TCCCCAAAGC CACTGGAAGG AGCACATACT 60
ACCTAGAAGT AAGANGNNGA GCCTCAGAAG AAAACAAAGT TCTATTTTAT TAATTTCCTA 120
TGTGTTGTGT TTGTAGTCTT GTCTTAGCTC TGGACGTGAA ATACTTCGAT GATGATGATG 180
ATGATGATGA TGATAATAAT AATAATAATA ACAACAACAA CAACAATAAT AAAGATGTGA 240
AAACTCGAAA 250

配列番号：3692
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04348
配列：
GATCTCAGAT AACTCAGTAC AGATAGCAAT TAGTCAGCTG ATTTGATTAC AATGGAGTAA 60
CCGACAATAT ATTTATTTAT AAAGCACATA TTCATAATAA CGAGAAGAAT TCAGAAAACC 120
ACTTAAGCAA GACCCTTCTG AAATAAAANN TGTNGCTTTT TAAATAGTTT GTCCTAAGGT 180
GTTTAAANCA TGTCAACCTT ATGTAAGGNN AANTTTCCTG GTCCAANTAA NGTTGANGTT 240
TAAGGAAA 248

配列番号：3693
配列の長さ：248

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04349
配列：
GATCCTGGTT GGAAGGATGG GGACTCTCTC AAGGGGCTTT GGAAGAGCTC TTCTAGCCCT 60
TTATAAAAGG AGGGCAGCAG CTGAGACTGA TGAGAGGAGG GCAGCCTGCT CTGTTCTTTC 120
AGGGCCCCCC ACCCCCATCT CCCCTACCCT AGCCCACCCT AGGGCCTCTA CCCAGCGGGA 180
GGGGTTGAAG ACCAGGCCTG GTTTTATTAG AATTCATTTT GTAATAAAAG CCTTTTTTAG 240
TGGTGAAA 248

配列番号：3694
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04351
配列：
GATCCTATTT TNATGAAATG TCCAGAACAG GCAAATCCAC AGAGACAGAA ACTAGACGAA 60
TGGTTGCCTG AGGGTGAGGG GAAACAGGGA GTGACTGATG ATGGGTTTTG TGTGGGGGCA 120
ATAGAATGTN CTAAAATTTG ATAGTAATGG TTATACAACT CTGAATATAC TAAAAGCCAT 180
TGTACACACG TTAAAAAGGG TGGATTGTAT GTGAATTCTA TCTCAATAAA GCTGTTCAAA 240
AATTCAAA 248

配列番号：3695
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04352
配列：
GATCCACTCC GCCATCGATG CATCCCAGAC CCCCGATGTC GTGTTCGCAA GCATCCTAGC 60
AGCCTTCTCC AAAGCCACAT GTAAAGACTT GGTTATGTTT ATCTAATGTT GGGTCCAAGA 120
AGGAATTTCT TTCCATCCCT GTNAGGCAAT GGGTGGGAAT NATAGGACAG GCAAAGAGAA 180
GCTTCCTCAG GCTAGCAAAA ATATCATTTN ATGTATTGAT TAAAAAAGCA CTTGCTTGAT 240
GTAAA 245

配列番号：3696
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04353
配列：
GATCTCAAAA CCACTATTTT TATTATTTCA TTATTTTTCA GAGGCCTTAA AATTCTGGAT 60
AAGAGAATGG AGGAAAATAC TCANCGGTAC TTCATTATTT NATTTCCTTT TATTAAAAAA 120
TTACTTCTAT GTTTTNATTG TCTCTTGAGC CTTAGTTAAG AGTAGTGTAG AAATGCATGA 180
NCTTCATCCT AATAAGGATA AANCTTAAGG AAAACCACAA TAAACCATGA AGGTGTACAC 240
AAA 243

配列番号：3697
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04354
配列：
GATCTNTCCA CGGTAGCACT TGNCCTTTTC GACGCTTAAC CTTTCCGCTG TCGCCCCAGG 60
CCCTCCCTGA CTCCCTGTGG GGGTGGCCAT CCCTGGGCCC CTCCACGCCT CCTGGCCAGA 120
CGCTGCCGCT GCCGNTGCAC CACGGCGTTT TTTTACAACA TTCAACTTTA GTATTTTTAC 180
TATTATAATA TAATATGGAA CCTTCCCTCC AAATTNTTCA NGTAAAAGGT GGCTTTTCAA 240
A 241

配列番号：3698
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04355
配列：
GATCAGCACT GCACTNTTAG CTGAGAGTGC GGGCAAGACA TAAACTGTCC AGAGTTTNAA 60
GNTTCTNGGA AAGACCGGAG GGCTTCTCCC CACAGAAGGC GGAGAGAGCT GGGNCTCAGA 120
CATGGNTGTG CACCTTAATA AACCCTGCTG TCTGCCTCCC TGACTCTGCT TCTNNGGAGC 180
ATGGTGAGCA GCCCTNGTGC TCANCAGCCA TACCTATGGG ACACACACTA CGNAAAGGN 239

配列番号：3699
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04356
配列：
GATCACAGGT GATTCACACG TACACACATA AACACACCCA CCAGTGCAGC CTGAAGTAAC 60
TCCCACAGAA ACCATCATCG TCTTTGTACA TCGTATGTAC AATGCAATCA TTTCATACTT 120
TAAACTGGTC AAAAAAACTAA TTGTGATTTC TAGTCTTGCA AAGCTGTATG TAGTTAGATG 180
ATGTGACAAC CNCTAATATT TATCTAATAA ATATGTATTC AGATGAAACC TGTAAA 236

配列番号：3700
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04357
配列：
GATCCATCCT TTATCAGGAA GTCTGAAGCG ACTATAAAGG TTTTTNANTT CAGATTTAAA 60
AACCAACTTA TAAAGCATTG CAACAAGGTT ACCTCTATTT TCCCACAAGC GTCTCGGGAT 120
TGTNTTTGAC TTGTGTCTGT CCAAGANCTT TTCCCCCAAA GATGTGTATA GTTATTGGTT 180
AAAATGACTG TTTTCTCTCT CTATGGAAAT AAAAAGGAAG AAAAAAAAGG GNAAA 235

配列番号：3701
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04358
配列：
GATCCGTGTT CTCCATTTAT TAATGCATTG TAGACCAATT TAACTGCTGT GTTTCAGGAA 60
AATTCTTCCT AGTTTAATAA GCAAGCTAAA AGTTTTATTT TTTATATTTA GTGCTTAATC 120
TTTGCCTCAT GTTATGTAAA ATTAGCCTGC AGATATTTTC TCTCAATTCT GTAGACTCTC 180
GCAAGATAAA CATTCAAACA GTGAAACAAA CANTAAAATA AATAAACCTA AA 232

配列番号：3702
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04359
配列：
GATCCATCTG AACTATGAAG TGAGTACCTG GAGGAACTCC TACATTTAAG GCTTTCAAAG 60
GTTACAGGCT TTTCGTGTGT GTGTGTGTGT GTGTGTGTGT GTGCGTTTTG AGAAAAATGG 120
AATTCAAACA CTGTNNTTAG AATGTATGTT TACTTATATA GAATTAATGA ATNTATATAA 180
TAATAATNAC TGTATATAAT TNTAAAATAT AATAAAGTCT CTTTATCCAA A 231

配列番号：3703
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04360
配列：
GATCTGGAGT TGAGAGCCAT GGGTTTGGAC ATGACTGGCA CAAACAGCTG TCATATGTTC 60
ATGGTCAGAT GTCATACATT CTCAGCTGTC TTGTTCCACC AGTATTTACC AGGAAAACAA 120
AGAATGTGTT AAGGGATGCT CCCCCACCCC ACATCTTAAG TCAGTGTGCC AAGTACTGAG 180
ATGATTTTAG GGACATTTTA TTTTAAATTA AATTTACAAT CTAATGGTAA ATTGAAA 237

配列番号：3704
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04361
配列：
GATCATCAAC AAGATTTCCT TGTGCAAAAT ATTTGACTAT NCTGTATCTT TNATCCTTGA 60
CTAAATTCGT GATTTTAAAG CAGCATCTTC TGGTTTAAAC TTGTTTGCTG TGAACAATTG 120
TCGAAAAAGAG TCTTCCAATT AATGCNNNNT TTATATCTAG GCTACCTGTT GGTTAGATTC 180
AAGGCCCCGA GCTGTTACCA TTCACAATAA AAGCTTAAAC ACATTGTCAA A 231

配列番号：3705
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04362
配列：
GATCAAAATT GAACCATTGT ACAGTTTGGN TTCTGTTTGC TTCAAAATAT GTAGAATTGT 60
GGTTGATGAT TAATTTGCGA GACTAACTTT GAGAGTGTAA CANTTTTGAN GAAAACATTG 120
AATGTTTTGC AAATGAAGGG GCTTCACGGA ATGTTACANT GNTACTAATA TAATTGGGCT 180
TTNNTNATGC AAATNGTTAA CACCAGCTAT TAAAATATAT TTNNGTAAA 229

配列番号：3706
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04363
配列：
GATCGCTACC CACCTTCCTT CCATGGTTCC CACCCTCCAC GTTATTTTCC CTTTCTGCAG 60
CGGTTGCACT ACAGGTAGCT ACTGTGTATT ATGGACAAAT GAGAAATGAA TTCTTTTTCT 120
GGCTGTCCAT CTATTTTATT TCAAATAAGG AAAAGTGTAT TTGGATTTTG TGTAAATACA 180
TCTAGTGATG NCATTTTTTC AATGTTTTNA AAAACCGTGT ACAGTAAA 228

配列番号：3707
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04364
配列：
GATCCTCATC CAATTGGTGT TTTTCAGAAG TNTTCCAATA TTATGAATTC TGTGTTGTGG 60
AGAAAAGCAA CCATGCATTT ACTGGTCAAT GCCTTCTTGT ATATGTAATT CAATACTTTT 120
ACTTTTAATA TCCTCACCTT ATCTAATCTT TGATTTTTGT CATGTAATTT ATTGCTTCAT 180
TAAGGTTACT TTTTGTTATA CAAAATAAAA GCTGATATCC AAGGCAAA 228

配列番号：3708
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04365
配列：
GATCTATGAA AATNTGTTTT GACCAAACTT AGTATTAGGC AGGTACACAG ATAAGATTTT 60
CCATTCTNAA CATTCTCACT GTAATGCACG ACATTTGANG CACCTGNATG TGCTATCAAT 120
CAGGTGGGAA ATTTAGCATT ATATATTGGA AGCATTGAGA AACATTGGTC TNTCATTTCT 180
ATTTNNTTTT NCCCCTCCTN TCCTCCTCCT GCCCCACANT ATATNN 226

配列番号：3709

配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04366
配列：
GATCCTGAGA GCTTTGAGAG GGTGTTGCCA GTTTTAAGCT GAGATGGCCC ATTTGGAGCC 60
TTACAGAACT AGACCAGAAG ACATTTGTGG ATAAATCTGA ACTCACTTCC TGTGTGTAAC 120
TTCTAACTTC ACTGGTTCCT CCCATCTGAA TTGGCCACAT GCTTGCTGAA GAGACTTGTT 180
TTCTTCTTCT AAGACAGTGG TTTTGTTTTT TGGGTTTTTT TAAA 224

配列番号：3710
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04368
配列：
GATCTGGGCA GAATCCGCCA AGCGGCTGGG CCCAGGCTGT GGCATGATGN ACGGAGNAAN 60
GAAGCACCTG GACTTCTAGG GATTCCTCCT TAGTCGCTGC ATGCAGAATT CTATGACACT 120
CTAATNATGA TTGCTAATAG CTTATGTAAA TATTTTNNTT AACAATTTGG NCCTNCACTC 180
CTTNAAAAAC ACAAGGATTA TAAAATGGGT GCCNGCATTT NTN 223

配列番号：3711
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04369
配列：
GATCGTATTC NTNATAAACT ATTACCAGTA CAGTAGCTAG TAGATATNNT GTGACTGCCT 60
CATTGTTTAT CTTGCTGCTT TGGTCCCTAT GGCTCTAGTA TGAACATTCT CGTGTCTTCT 120
GTGGAAATGA TTTCTGTGTT ATAGTTNCAN CTTNGGTAGA GGTGGGGATG ATTGTATTTT 180
GTTTTAGTTG ACATCATTCT CAACTNTTAG AAATACTGTT N 221

配列番号：3712
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04370
配列：
GATCAGTTTG CGAGTTTTGA TGAGNTTTGT AAGGTTTNTN TTTTACAAAC TATGAATCAG 60
CAAATNTTTA AGATTGTACC ACATAGCAAA CATACAGCTG TTGAAAAATA ATGTATATAA 120
AATGCATATA ATAAATATTA AATNGTGTAC CTGTATGTTA CTGTTGGCTA CATCATTTTG 180
TGTTGAATAA TAAAGTGCAA TACNNNCCTT CTCCATAAA 219

配列番号：3713
配列の長さ：214

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04371
配列：
GATCATTCTG TATATACATA TTTTAAATTA TGCAAGCAAA CTAGGAGGAG AATGTNCAAT 60
TTTAAGGGAT ACCTAATTTC CNTTCGGTTA GGGGATATTT TCCANCCTCT TGCTTTATAC 120
TCTGATATGG GGTGTNTTTA TGANCTTTTT AATGTTATTT ANTCATGCAG ATTTCCAATC 180
ANTGTATTGC NCATTTCCTG ACAAAANGGG NAAN 214

配列番号：3714
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04372
配列：
GATCCAAAAN ATAAAACTTG AAGCTATTCT GGAACTAACA TGGAAAAATG AAATGGCTAT 60
TGTTTAAAAA AATGATAGAA ATACATTGTT GATGGGATAT GAGTTAAGTT TATTTTCTAC 120
AAACCTGTAA TTGATGACGG CATGGATAAT ATCTTCATGT TTCTGACNAG TAATCTGTAT 180
GTGGGGGGAG GGGATAATAA ATATTTCTAA CCAAA 215

配列番号：3715
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04373
配列：
GATCAAAAGT GAACACCCTG GCCTATCCAT TGGGGATACT GCAAAGAAAT TGGGTGAAAT 60
GTGGTCTGAG CAGTCAGCCA AAGATAAACA ACCATATGAA CAGAAAGCAG CTAAGCTAAA 120
GGAGAAATAT GAAAAGGATA TTGCTGCATA TCGTGCCAAG GGCAAAANTG AAGCAGGAAA 180
GAAGGGCCCT GGCAGGCCAA CAGGCTCAAN GNAGAAGNAC GANCCAGNNG ATGAGGAGGA 240
GGAGGAGGAA GANGNAGATG AAGATGAGGA GGAAGAGGNT GAAGATGAAG AATAATTGGC 300
TATCCTTTAA ATGATGCGTG TGGAATGTGT GTACN 335

配列番号：3716
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04374
配列：
GATCAAATGT GCTGCAGCTT TTGCAGAAAA CAACTCAGAA ACACAAAACC CCCCAACAGC 60
TCAATTATTA TTTTTTCAAT GTTTTCCTAC AAGAGCCAAG TAGCACCATG TACAGAAGAC 120
GCCTTTTTTT TTGGAATATT GAAATCGTTC TGCATGTAAA ATATGGGATA ATGACCTGTT 180
TATATTAAAA TTCTGATTAA ATTATCTGAA A 211

配列番号：3717

配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04375
配列：
GATCAAGAAT TCTACCATCC CTTGGGTCTT TGTGTATAAA CAATGTTAAA TACCAGGTAG 60
ACTCAGTCTT TAAGATATTA GACAGTTTTT TTAGTCCATG GGNTNNNNAA TATAAACATT 120
AACTTTCCTA TAAGANTATT TTGGCTTTGT AATCTATAGC CTCAAATTGG TATTTATTAT 180
GGNTTCACTA GACAAACAGC TGTTTCCTTA TTGTNTTTTN NCTTTAGTGT TTCTGATTTG 240
CTATCAGTAG CTGTTTTTAA AGCCGNCCAA GGNAAATANT TATTTGCAGT TTTTTGAAGT 300
CACTTTTTGA GCCCTCATNC AAGCTCTCAT TGTGGNTGGG GAGGGATACC NTTTTTGGTT 360
GTTAAAAGGC CTATNATTGG TTAAAGGGCN 390

配列番号：3718
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04377
配列：
GATCTTAGAG CTGAGGAATT GGCCTCCCAA TCCGAACAGG TGTTATAATC CTTTCTNAAT 60
AGGTTGTGCT GTGGACCCAA TGTNAGGGCT GTNCTGGTGT AAATGGTGAC ATATTGAGCT 120
GGGGGGATGC TTTCGGGGTG GGGGGACTGG TTCCATTCCA TCAAAAGGCC CTCTTGAGAG 180
TCTATCCNGG GNCCCATTGG TTNAATTTAA CAGGCCAGNA AAGANGGTTG NTNNN 235

配列番号：3719
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04378
配列：
GATCTCCTGA GCTCAGGCAA TCCGCCCACC TCGGCCTGTC AAAGTGCTAN GATTACAGGT 60
GTGAGCCACC ATGGGTGGCA TCTTTAATAT AGATTTATAA GGCCCCNNTG TTATATATTT 120
NNAAAAATTC AAATTAAAAC TANATCCCCA AATGTCCCNT TTATTAATGA AGTATTTTGT 180
CANATGGATG TTTTAAAGCT GTGTATGTN 209

配列番号：3720
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04379
配列：
GATCTAGGAT TACTCTGGAC CTCATTCGGG TGTTATGAGT ATCCCACGAA GGCCAGACGC 60
TGATTTNATT TNCTCATTTC CACAGATTGA CAAGGATAAG TCAGNNGTTT GTAAACTCTA 120
GGTAGCAGAT GAGAAATAAT TCACTTAATA TCAGAAATAT TTNCCAAACA CTTTCCTTNA 180
TTTTTCCTTC TGANTAAATA GANANCCNN 209

配列番号：3721
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04380
配列：
GATCCAAGGA ACGTTTGGGG TTTCCTAGGT GGGCCACATC CAATCAGTGG AAGGTCTTAA 60
GAGCAAAANC TGAGGTTCCT CAGAGAAGAA GGAAATGTTT TAAGACTTCA GCATCAATTC 120
CTGCCTGAGT TTCTAGCCTG CTGGCCTGCT CTACAAATTT CAAGCTTGCT AGCCCTCACA 180
NTCACATGAA TAAATTCCTT AAAATAAA 208

配列番号：3722
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04381
配列：
GATCCTTTCC CCATGGACAG TGACAGAGCA ACTGGGCCGC AATGGCATAG GCAGAAGAAA 60
ATNTAATCAC TCTGGGGGTG ANTGGTGGTT AAAACGACTC ATGTAATTAT TTGGATTGTA 120
ATTTCNTTAC ACATATTTNT TTGCTTAACC CAGCATGTNA GATATATNAT NTAATCTAAT 180
AAAAGATACA AACTTATGGG CACACAAA 208

配列番号：3723
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04382
配列：
GATCACCCTG GAGCTGTGGC TTCCCCGAGC AGCTGAGAGT GAAAGGAGGC AGTTCCTTTA 60
CTGTGAGCTC TCACGGCACG GTGCTCACGC CCCACACAGG GGCTGCCTTC ACTCGGCTTC 120
AGCAGCNGTT GACTTTTAAA TCATAAAAAG CCGCTCTATA TACAGTTTAC TCTGTTGCTA 180
GAAGGCAGTG GAACATAGGT ATTTAAA 207

配列番号：3724
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04383
配列：
GATCCACGTA CAGTTTGGAT TTTCCTTCTA GCCTTCATGT GTGGCCCAAG CATCTATTTC 60
AGACTGTCAT GGTTGGCATT GTTCTCTGAG GTTCTGTCTT CCCTTCGTGT TTCTATGAGC 120
TTTAATTTGT ATGGTTCTTG TTCTGTTAAT GCCACTAGGG ACTATGTATT CCTGATTCCA 180
CCATGACAGC TACAGTAAAA CAGTAAA 207

配列番号：3725
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04384
配列：
GATCAAGCAG GCACTTCAAG CCTCAATAGG ACCAAGGTGC TGGGGTGTTC CCCTCCCAAC 60
CTAGTGTTCA AGCATGGCTT CCTGGCGGCC AGGNCTTGCC TCCNTGGACT ANCTGGGGGG 120
TTCCGGGTCT CAAGAAGACA AGGGTGCTGG NCCTCCCTAA GCCAAGGAGA GGANTAAAGA 180
CAAAAAGCTN AAAAAAAAAG GAAA 204

配列番号：3726
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04385
配列：
GATCTCGAAC TGTACCAAAA TACATGGAGA CTAACAAACA GAACCACATG GAACTTTCAA 60
ACTGAAAAAA AAATTTGTCA CAAAAACTTT GTTGTCATAG TTAAGTTGAT TGTAGATGGT 120
AATTGAATAT ACTCCTTTGA AAATATTTCA TCAAGTATGT TTCCTGCTCA TTGTGATACA 180
TTAAAAAAAA ANTATGGGCA AA 202

配列番号：3727
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04386
配列：
GATCCAGAAG GCTTACGAGT ATTTTATTAT CTTGTCCAGG ACCTGAAGTG TTTGGTCTTC 60
AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAA CCAATCTAGA CTGAATATTG GTGTGGACAT 120
GGGGGGTGGG TGGGAGTAGA AAATTTTGTG TATATCAGGG CAGTATTTTT TTATGAACTA 180
TAAATGATTG TCTTTAATAA ATATGTGATA AAATCCAAA 219

配列番号：3728
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04387
配列：
GATCATATTT AGAGGATATA ACAATTAGAA ATCTAGAAAA TAATTATCAC TTTNATAAAA 60
TNTTNAGTCA ACTGTACAAA TAATTACATA AAACATCAAT TAATNATGCT TAAAAATCAC 120
TAATNTTCAT AATATATAAT CACTATTTGT AATCAAAAGT TTAATTTTAT NTNAAAAAAT 180
AAAAAATGCT TACTTGGAAA 200

配列番号：3729

配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04388
配列：
GATCAGCCGA ACTCTAGGGA CTTGGTGTTG CTTGGAAGGC ATCCATACCT GCATTTTGCA 60
TTCTTCGTAT GTAATCATAT TGCCAAAGAC AAACTATTTC ATCATTTATT GTAAATAACA 120
CTTTTCCCCA GACCTACCAT AAAGTTTCTG TGATGTATTG TCTTCCAGTT GCAATAAAAA 180
TTACTGAGTT GCATCAAA 198

配列番号：3730
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04389
配列：
GATCTAAGAT TAATTCCTCA ACTGTTTTGC ACTCAACAAA GACATACCTC TGAGTTGGCA 60
ACCAGCAGGG TGGATAACGG GCCAGTGGTG ATAAAATCAA AGAATAGGTA ATGAAACAAT 120
CATCCAGTTA ACAATCAGCA AGGTTCTTCA GAGCCTAATT AATGTTTAAT TCTAAATAAA 180
TTGCAACAAT TAAGAAA 197

配列番号：3731
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04390
配列：
GATCCAAAAG TTTAAATTAG TGCATACATC ATGTCATTTC ACCTCCTGTT CCTAGGAACT 60
CTCCATTCCC AAGCATTGCC AGTGTTTTCC AGATAATCTT AGCTGTTGTC TTGTGCTGTG 120
GAAATGGAAG AAACCATCTT CACAGACTGT AGGAGAATTC AACATATAAT TTCTTAATAA 180
ATACTGTTTC TTTTAAA 197

配列番号：3732
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04391
配列：
GATCTAAGGG AGTCCACTAT CTGTGCAATT GTATTTGGNT TTTTTTTGCA CTGTTTCAAT 60
GCTGGTAATT GAAACCATTT TAATATATTT GGTTGTATTC ACTTTATATG TCCTTCCAAA 120
AATNTTGTTG TGTACAAACC ATGNNNNNGA ATGTTGGCTT CCAAGTTTTT AAATAAGAAA 180
CTTTTTGTAT TTAAA 195

配列番号：3733
配列の長さ：195

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04392
配列：
GATCCACGGA GCAGAGGTCA TCTGTCCCCA GCTTGGCCCA CTGAGGCCAG CATGGNTGGG 60
CCCAGGATGC TTGTCTCTCA GCTCCCATCC TGTGTACTTC CACATTGGTT TAACCAGAGG 120
AAAACCGAAA TCTACAATTG TNATAAACAC ATTTAAATGT GCGTAGAATC AGCCATACAA 180
ATTGTGAAAC ATAAA 195

配列番号：3734
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04393
配列：
GATCAACTCC CCCAAGGCCC GAAAGGTGCT GCATACCACG TACCANAGCC AGGAGCGTGG 60
CACACACAGC CTGGACATCA AGTGGTGAAG TNAGGCCAGG GNCTTCCAGC TGCTCTTGGG 120
GCCAGAGCCA AGAGCCTCTN AGTAGAGGGA GGGGCTGCCC TGAGTGGAGT ATTAAAGACA 180
CTTAAGAAAA CCAAA 195

配列番号：3735
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04394
配列：
GATCCTGTGC CCTAGGAGCA CCTAGGAAGA CTTGCTCCAT CTCCGCCCGC ATATCTGGGG 60
CACCAAGAGA GACAGAGTCG TGAGCCAGGC TCGCCTCATT CCTCGTCTTG GGAGAACCGG 120
ACCAACTTCC CCAAAAGGCC TTGCCGTGCA GAATTGGCCT GGTTTAATAA AGAACAGACC 180
TGNCCCAAGN AAA 193

配列番号：3736
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04395
配列：
GATCTGGCCC TCCCCAGAAC AATCTGGATT TCACGGAGAC AGCAACCAGA AGTTAAACCA 60
TGTGACTAAA AATGCATCTG GCTACTTTTT CATGTATGTA TGAGACAGAA ACTAATCCTT 120
ACTATCCTAT TAGGATACCA CTTTTCATTG CAAAGTTTGT GTCAATAAAG TCATTAATTT 180
TAAACATAAA 190

配列番号：3737
配列の長さ：190
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04396
配列：
GATCATAAGT AGTGGAGGAT TTAAAACCAG GCTGGCTGGC TCTTAAGGCC TATGCTCTTA 60
ATTNACCATG TNGAATTAAT TTACCATATT GAATTACACT TATGTNCACC AAGTNAGGCA 120
TTTNGGCAGC CATTGTTTAC GTTTTANTTT TGGAATAATT TAGAAAAGTT ACCAGAGTAA 180
TATGAAAGCN 190

配列番号：3738
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04397
配列：
GATCCTCCGC ATCCCGTGCG AGGAAGAAGA TGTGGAGATG AGTGAGGACG CCTACACGGT 60
GCTGACCCGC ATCGGGCTGG AGACGTCACT GCGCTACGCA NNNNNGCTCA TCACAGCTGC 120
CAGCTTGGTG TGCCGGAAAC GCAAGGGTAC AGAAGTGCAG GTGGATGACA TCAAGCGGGT 180
CTNNNNN 187

配列番号：3739
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04398
配列：
GATCTGGCCC TAAACTTGAA ATACCTCCTG CTCCTTTGGG GACTGGNCTT TGCNAAGAGC 60
ACCTGGGGAG GAGACTGGTG CTAACTAAGC CAGTAAGTAA GTCCACTCTT TGGNTGCAGC 120
TGGTGCAAGG TCTACCCATA CCTTTTTATT TNCAGTGTTT AATAAAANTC CAGTGNGCAA 180
AGACAAA 187

配列番号：3740
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04399
配列：
GATCAAGTTC TGCGNCTGAN GAGGCTGCCA AAAGTCAAAA GNGGGGCCTG GGAAGGCAAG 60
CTCATTCCTC ACAACGGCCT TTCCAGGCCC NGTTTTTCCC TTCCGGCAGC CTCTTGGCCT 120
CTAATTTGTT TATCTNTNGT GTATAAATCC CAAAATATGG AATTTTGGAA TATTTCCACC 180
ATTAAA 186

配列番号：3741
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04400
配列：
GATCTGCCTT CCTGCTGAAA CTTGTTCCAC CTCAGTCCCC TCATCTGTCA CACGCATGTG 60
GGGTGGAGTA GGGAGATGCG GGGAGCAGGG TGGGCAGGAA TACTGTTATC TATGTNACGG 120
GGCAGTCGTG AGGCTGAGAT GAGAATGCGG ATTAAAATGC CTGGCGTGCT CACCGTAACA 180
CCAAA 185

配列番号：3742
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04401
配列：
GATCCCATCT NTACAANAAA CTTAAAAATT AGCCAGGCAT GATGGCACAT TCCTGTAGTC 60
CTAGCTACTC AGGAGGCTAA GGTAGGAGGA TTGCCTGAGC CCAGGAGTTC AAGGCTGCAG 120
TGAGCTAAGA ACGTGCCAGT ACACTCCANC NNGAGCCACA AAGTGAGACC CTGTCTCGCA 180
AA 182

配列番号：3743
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04402
配列：
GATCAAAGTG GTAAAGACAA TGTAAAATTT AACATTTTAA TACTGATGTT GTACACTGTT 60
TNTACTTAAC ATTTTGGGAA GTAACTGCCT CTGACTTCAA CTCAAGANAA CACTTTTTTG 120
TTGCTAATGT AATCGGTTTT NGTAATGGCG TCAGAAATAA AAGGATGCTT ATNATTCAAA 180

配列番号：3744
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04403
配列：
GATCTNCGGA ATGATGAGCA CACAAGGCGG GAGCTAGCCA AGATGAAGCA GGNGCCGGTG 60
AACCTGAAGA AGGCAGAGAT ATGGCAAACA GGATTNGCGC TTTTGGNNAC ATGGAGTGTT 120
CAGCAAAGAC CAAAGATGGA GTGAGAGAGG TTTTTNAAAT GGCTACGNGA NCTGCTCTN 179

配列番号：3745
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04404
配列：
GATCTGAGTG CCTCAAGATG GTTTTCAAAA AAATTTTTTT AAAGAAAATA ATTGTATACG 60

TGTCAACACA GCTGGCTGGA TGATTGGGAC TTTAAAACGA CCCTCTTTCA GGTGGATTCA 120
GAGACCTGTC CTGTATATAA CAGCACTGTA GCAATAAACG TGACATTTTA TAACGAAA 178

配列番号：3746
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04405
配列：
GATCCGAGTT CCTCACCGCG GGCCGGGATG TGACCACCCT NTTCAGAGGT TGGACCCCAG 60
GCTTCAAGCA CCGAGTGAGG GGTCTGTTGG GCCCCCTGGG AGAGTCTCTG GTGTGAAGTG 120
GCTTAGGTCT GGACTGGTCA GCTGTGGCAC CAGCCGGTCC TGCCCACGCT TCAGGATGGC 180
CGGGGGCTGC CCCTGTGGGA GAGTTGCCAA GACTCGGCGA TACCAAGGAT GGAAGCCAGA 240
GGCTGTGGCG AGGGAGAGCC AAGCATATTC CCAGCACCAG GGCCACTGCT GGCACGTCGT 300
AGACATCCAA TAAATATTTT TGGAAGGAGA AA 332

配列番号：3747
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04406
配列：
GATCTNNATA CTGTGAATAG CAGAATGTAC AGATGAAGAA TATTAAAATN AGGGGCGTCC 60
ACTCCAAAAC ATATCACCAG AGTGACAACT TCAGCCCTCA GCCTCTGCAA TCCATATATA 120
TNCTGGTCTT GGGAGTCCAT AGAATACTGT TTCCTTCTAA TAAAGGTTTC AAACAAA 177

配列番号：3748
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04407
配列：
GATCAATAAT AGTACCTTTN ATTATACATT TATTATTGTN TCTCTCTCTG ATGTACTGTG 60
GATTGTACAT TTAACTTTGG AATGGCTTTG TAATAATCAG TCTTAAGAAA ATNTTGACAA 120
GCTCTGGTTG CTTATTTTTA GAAAATAAGG ACATTTAATA ATAATAAAAA AAAAGGGATT 180
AATAAA 186

配列番号：3749
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04408
配列：
GATCCCCAGT GGATGCCTGA AACCGCAGAT AGTACTGAAC CTTATATATA CTGTTTGTTT 60
TCCTATGCAT ACATATCCCT ATGATAAAGT TTATGAATTT GGCACTTAAC AGCAGAACTA 120

ATAAGATGAA AGAGTTGTAA CAATATACTC TAATAAAAGT NATTTAAAAT GTAAA 175

配列番号：3750
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04409
配列：
GATCAACAAT GAGCAGAAAC ATCATCAGTC CTTCCCAAGG ACCATGGCGT TTAATGTCTT 60
GGGCACCCCT TGGAAATCAC AGAAAGTCAG CNGTACTGGC CGTGTGGAAC TTNCATCCCA 120
AGACCTACTT TNCAACTGAG TAAGAAGGTC ATTGTGCCCN CTGCATTNNN NN 172

配列番号：3751
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04410
配列：
GATCAAAAAA TGTTTATNCT GAATTCTNTA ATTTAAAAAA NTCATACCTA TNAGGTGTGC 60
TACAGGAATT CAGATACAAT AAGTTGCATA TAAAACCCGA CCTCANN 107

配列番号：3752
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04411
配列：
GATCTGACCA ACAAGGCCAC AGGAAAATTA ATAGCACAAG GAAGACACAC AAAACACCTG 60
GGAAACTGAG AGAACAGCAG AATGACCTAA AGAAACCCAA CAATGAATAT CAAGTATAGA 120
TTTGACTCAA ACAATTGTAA TTTTTGAAAT AAACTAGCAA AACCAGAAA 169

配列番号：3753
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04412
配列：
GATCTNCTTG GCCAGCAGGA CGTCCAAGGA CCAGAGCCTG TGTCATGTCC TNGAACAGGT 60
NTGCGGCGTC CTCAAGCAGG GGAGCTGAGC CTTCCANAGG CAGGGTGGGC TCCAGTTGTC 120
TTGAGGGTCC GGATGGGCTC AGGTAATAAA GAAACGGAAG CAGCAAA 167

配列番号：3754
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO4414
配列：
GATCTGGGCT GTGGGGCCCT TGGGCCACGC TCTTGAGGAA GCCCAGGCTC GGAGGACCCT 60
GGAAAACAGA CGGGTCTGAG ACTGAAATTG TTTTACCAAC TCCCANGGTG GACTTCAATG 120
TGTGTATTTG TGTAAATGAG TAAAACATTT TATTTCTTTT TAGGTAAA 168

配列番号：3755
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4415
配列：
GATCTATGAT TTATNATGTC TTAATAGACC CTAAATTGTT CTTTAATTAC AAGAGTGGCA 60
GTCTCTGAAG TCATTTGTGA GCTTGTATGA CTTTTGTATT TAGCAATGTT GCATGCTCAC 120
ATAATTGAAA ATTAAAAGTA ACACATTTTT CTGAAATGTA AA 162

配列番号：3756
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4416
配列：
GATCAAAACA TAATTGTTTT AATTCTACAG CTGTAGGAGC TTTGTATTGC TGAACTTTCA 60
TCTGGAAAAG TTTCACAGTG ACATTTTTAA AAGAGAATTT TTTTATCTGC CGAATTCTAC 120
CAGTGTAACC TTTTTNNTAA ATAAACAATA GTTTTNTCAA A 161

配列番号：3757
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4417
配列：
GATCTCAAGA AGCCCCACAT CTTCCTAAGG GGCCCCATGG CCTNNTTTGG GNGCAGGGTA 60
GGTCCTGGGG CACTGTGGGC CGCCTGCCTG CTGATGTGGG CTCTAGGCCA GCTTGTTGTC 120
ACGTACGTGG TGTGAAATAA AGCCCAAGCA CTNGNTGAAA 160

配列番号：3758
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4418
配列：
GATCCTGGGT GACTTTGGGT GCACAGGGTG ACCGAGCATT TCTGCCCCTG TGAATGTGGC 60
ACTAACACTG TGCACTGTCT CCACCAAANA AGGTTTCCAC TGAGTTTCTT CTCATGTTAC 120
TGGGTTTGTA AATGAATAAA CACATTTTAA CTACTCTAAA 160

配列番号：3759
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04419
配列：
GATCAATAAG AAGANCCTAG TCTAGAGACA ATGATGCTAG TTTGCATATG TTTTCCTATG 60
CAATAGTTGT TTTCCCAGTN ATNCAAAGCA GCTTTCTATA TGTAGAGATG CAAATNATTA 120
AGTTGTTNCC AATACAATAA ATAAAAGCAT CNGTTNTN 158

配列番号：3760
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04420
配列：
GATCAGATTT GTAATTTNCC TGTATTAAAT GCCTAGAACT CTACAGTCAA CAGATGGCGC 60
TCTAGTTCCA ATTGTNACAG AAGTNCTCTG CCCATCCGCA AGCAAAGCGT TGTTTTCATC 120
AGTGAAAAGA GAATAANCAC TGTGCTTTAA CTTTTAAA 158

配列番号：3761
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04421
配列：
GATCTGTATG GTACTATAAA ATACTTATTT NATAATTCTG TAACCGTATG GCAGTGTTAT 60
GCCAAAAAATG TATAAAGAGC AATAGTTTTT GTTGCTTACT GCTGTATTTT AAAATATTGT 120
TTCTAAAATA ATAGNGTTAG AGTTCCTTTT GAGTAATTAT TTTTAAGGAC TATTGCCAAA 180
TATACATCCT GTAAAACCTA ATAAAAGCCA CTCCATCTTT NGGTAACCAT TTTAGCATTT 240
GTGCTTGGNG TACATNNTGG GTGGTTTTTG CNCGNTTAAN NANNTTANNN 290

配列番号：3762
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04422
配列：
GATCCCACCC TCTNTCCCAC CTGGGCNACT GACGCTCTGG CCTCTNTGGN AATNACACTG 60
GGCTGACCTG GCATTGGGAG AGGGAGGGAG GAAGGAAGGG AGGGAGGGGC TGGAAGATAC 120
TGAAGGATTC CTTTTTNAAA GGTTTTTTTT ATTGTAAA 158

配列番号：3763
配列の長さ：157

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04423
配列：
GATCCAAGTC CCCTGCCTGG TCCCCCACAA GGNCTCCCAT CCAGGCCCCC TCTGCCCTGC 60
CCCTTGTNAT GGACCATGGT CGTGAGGAAG GGCTCATGCC CCTTATTTAT GGGAACCATT 120
TCATTCTAAC AGAATAAACC GAGAAGGAAA CCAGAAA 157

配列番号：3764
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04424
配列：
GATCATTTTN CATCTGTNCA TAGCGTTTCT NCAGAAGGAA CAGTAGTCTC AAATCTTTCC 60
TCATAATGAT AACAAAATGC TCTTGCATGA TTTTNTAACA ATATATTTAA NCAGGAAGTT 120
GTCACTGATA TACTTTATTA AAAGGATTTT AATCAAA 157

配列番号：3765
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04425
配列：
GATCGTGTGT TGCCATTTNG TCTGGCTGTG GCCCCTCCTT CTCCCCTCCA GACCCCTACC 60
CTTTCCCAAA CCCTTCGGTA TTGTNCAAAG AACCCCCCTC CCCAAGGAAG AACAAATATN 120
ATTCTCCTCT CCCAAATAAA CTCCTTAACC ACCTAGTCAA A 161

配列番号：3766
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名；HUMGS04426
配列：
GATCTTGAGG TTGTTTGATG CTTTAAATTT TTNAATTATA TTATTTNNTA GGTGTTTATT 60
GGTACATTGC AGTTTTTTTT TTNAAATTTA AAAATTTCTG TAAAACTTTG TNTTCAAGTA 120
ATCTGACAGC ATTAAATATT GCATTTAAAA ATTAAA 156

配列番号：3767
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04427
配列：
GATCCGCAAG AACAAGTACC GCCCGACCTG CGCNGGCAGC CATCCGCAGG CCAGCGCATC 60

CTGCGACAGA AGCCTGTAAT GGTAAGAGAA GCGACCCGCC CACCAAGAGT CCTGAGCCCC 120
TGCCCAGAGA ATAAAGCAGC TGGCTTTCTA CCAAA 155

配列番号：3768
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04428
配列：
GATCCCAAAA CATCATNAGG CATTTTNAAG TTGGTCACGT CGCAAGTCCG ATATCACAAC 60
TTAATTGTAA AAGGAGGGAA TCTGGTTTTG TNACTTGGCA GTGGTTTTTT CTCACCCTTC 120
CTTTTTAACA ATAAAATCCC ATTTGGGTCT TGAAA 155

配列番号：3769
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04429
配列：
GATCTATTTG ATAATTTTNT GGGTTTTTTG AAGAATTAAT GAGCATGTAC ATAGAAATAG 60
TGACTGCTTG ANTACTGTAT TTNCTTGCAC TCTTTCAGTA CATCAAGATT CCTGTATATN 120
TNAGNGTATA ATAAAACACA GATGTGAGTT GTAAA 155

配列番号：3770
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04430
配列：
GATCGGCACA AGATGCTCAG CTAGATGGGC TGGTGTGGTT GGGTCAAGNN CCCAACACCA 60
TGGCTGCCAG CTTCCAGGCT GGACAAAGCA GGGGGCTACT TCTCCCTTCC CTCGGTTCCA 120
GTCTTCCCTT TAAAAGCCTG TGGCATTTTT AAA 153

配列番号：3771
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04431
配列：
GATCTGAAGT GTGAGTAGAA TGTATTCAGC TGTTTAACAT GTAGTTTAGA TATTCAAAAG 60
TATGCATGTA GAGTTTAAAG AATATGTTAA AANTNATTAA TTTTAATATT TTGTTTGGAA 120
AAGCATGTTA TAATATAATG TTTTCACTAT AAA 153

配列番号：3772
配列の長さ：152

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04432
配列：
GATCTGGNAC TCCTTGTAGT AAGCTGTTTT CTGCTCAGCC ACTGGGCTCT TTCACTTTTT 60
TAGTTCTTAA AAATTTATTT TTAAGTTCTA AAATAAAATA AAAATAAGTT CTTAAAATTT 120
ATTTTTTTCC NGAATAAATT GTATTTGGTA AA 152

配列番号：3773
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04433
配列：
GATCGCAAAT CACAGCTCAG ACAGCCAGCT CTTAAGTGAG ACCTGAGTGC CAGAGAGGGG 60
TGGATACAAG GCCAACAGTT ACTAAATGAA TGAAAATTGT GATTCCGATG AAGCCTGCCA 120
GAGAAATAAA GCATTTTTTA AAAGATGGAA A 151

配列番号：3774
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04434
配列：
GATCTAGCCA TAAAACTAGT AATCTTGAAT TCCTCTTGAG CTGGATGGTG ATTAGCCATT 60
GTGAAAACAG ATTATATGGA AATTGTGCAT ATTGCTAAAT TTTAAAACAT GGATTTATCA 120
ACTGATAATA AAATATATCT TACAAGATAA A 151

配列番号：3775
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04435
配列：
GATCTTTAGC TGCCTTTGTA TCAACTTCTN TGGAGCTTAT GTGATTTTCC AGAAAATATC 60
CAAGGCATAG TTTTGTCCCT AAGTCCCATG AATATGTAAT ATNTNGTGTC TCTCTATTAA 120
AATAGCACTT TTNGTGCATN CCATTAACAA A 151

配列番号：3776
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04436
配列：
GATCCATCAA AAGGTTCTTT TTTNATAATC CCTTTTGAAA ATAATAATCA AAGGAAGAGA 60

TGTGGTGTTT GGTCATGTGG AAAACTCAAT GTATAATTAA GACGTCTNTC AAAAATCCGA 120
CAAATAAAAT NAAGCTGGAA CGAAGGCAAA 150

配列番号：3777
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04437
配列：
GATCCNAAAG CACACCAGGA AGATGCTAAA GATGCTTATA CTTTTCCTCA AGAATTGAAA 60
GAAAAACCCA AAGAAGAGCC AGGAATACCA GCAATTCTGA ATGAGAGTCA TCCAGAAANN 120
NNNGTCTATA GTTATGTTTT GTTCNN 146

配列番号：3778
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04439
配列：
GATCAGAGAA GTTTATGCTC ACTGTCTGAT GCAACTNTCT GGTCTATTTG TNAGTAAATA 60
ACAGGGAAAT CATTTTCACT TTTTGTTAAA AATAAGGTAT TTACAAGCAT ACCTTGTAGT 120
TATTGTGGGT TCAGTTTCAG ACCACTGCAA TAAAGTGAAT ATCTCAAA 168

配列番号：3779
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04440
配列：
GATCTGACCC ACCAGTTTGT ACATCACGTC CTGCATGTCC CACACCATTT TTTCATGACC 60
TTGTAATATA CTGGTCTCTG TGCTATAGTG GAATCTTTGG TTTTGCATCA TAGTAAAATA 120
AAATAAACCC ATCACATTTG GAACATAAA 149

配列番号：3780
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04441
配列：
GATCGGGACC TGACCTGGGG CTGGCCTCAG GCCCACGTGC ACGTAACTGC CCTCTGTGGA 60
AGCCAGCTTA AACCCTAGCC CTNTNAGAGC TTCCTGTGCC CAGCAGGAAG GAAGTCAAAT 120
AAACCACACT GACTACCTGT GAAA 144

配列番号：3781
配列の長さ：144

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04442
配列：
GATCTAGGGG GAAAGAGGAG CATTCATCAC AAGTTTCCTA GAGAGAGGAG ACAAATCGGT 60
GTGCCATTGA CAACATGAGC CAGGGTAAAG GCACCCTTNN NNNTTACTGA TTTCAAAGAT 120
TAATAAAGTA ATTCTATTTT TAAA 144

配列番号：3782
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04443
配列：
GATCTATGAC TCATTTGACA GAGAAGCCAA GGAAAAAAAG CTTGCTTGGC CCATTAACTC 60
AAATCCACCA AATACTTTTG TCTAAGTTCT CATTCTTTCA ATTGTTATGC ACCAGAGATT 120
AAAAAGCTTT AACTATAAA 139

配列番号：3783
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04445
配列：
GATCTGTGTC TTGAAGCAGC TGCCCTCATT CCGACTTCAG AAAATCGAAG CAGCTGGCTC 60
CTCCCCTTGT TCTCTCTCCC ACCCTCCCCC AAATCTGTTT TCATGTAAAA GACAAATAAA 120
TGATGACTTC CCCCAAA 137

配列番号：3784
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04446
配列：
GATCAAAATA AAAATGTACA TGACGGGGAA GGGAAAAACC TGTTGGAGTT GCTTCCAGCC 60
AGCCACGCTC CGGGCCAGCA TGTTGGAATC CAGCGTGGAG CAGATGCAGT AAAAATATGG 120
TTGGTTTCTG TGTGAAA 137

配列番号：3785
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04447
配列：
GATCTCTCTC TCNTTTTACC CCCCTTAGGC TGAGGGTAAA AAGCTGGGAT TGGTAGGCTG 60

GGTCCAGAAC ACTGACCGGG GCACAGTGCA AGGACAATTG CAAGGTCCCN TCTCCAAGGT 120
GCGTCATATG CNGNNNN 137

配列番号：3786
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04448
配列：
GATCGGCCAA GTATGCTNTT NTTTAGAGCA ATGTTTTGCC CTAGAGANTT GTAAAATTTA 60
TGTNATGACT CAGTACATAT GTGTTCGTAC ATATATGATN GGAATAAAAT GTTTATGAAA 120
TATTNACTCA TAN 133

配列番号：3787
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04449
配列：
GATCTGTGTG ACCTCACCTG CATTTGATTG AAAAAAGTAT GCGCGTAATT GTACCCACCC 60
AGTTCAAACC CGTGTGTAAG GGTCAACTGT ACAAAAAAGT TTGTGAAATA AACGTACTGG 120
AGAATCTTTA AA 132

配列番号：3788
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04450
配列：
GATCAGTATT TAANATTATA CCAGTTTTNA TTAAACCCTT TCCCTCCCCG ATAAAGAATG 60
TTCTATTTCT GCCTCCCCTT AAAGGGGAGA CCTCAGAAGT AAAGNAATTT NATGTTGTGT 120
TTTTNTTAAA 130

配列番号：3789
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04452
配列：
GATCCCCCTT CACCTTTTGC CATGGTCATA AGCTTCCTNA GGCCTCCCTG GAAGCTGAGC 60
AGATGCCAGC ACCATGCTTC CTGTACATCC TGCAGAACCA TAAGCCAATT AAACCTTTTT 120
AATAATAAA 129

配列番号：3790
配列の長さ：129

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04453
配列：
GATCCNCCAT GGTGGACACG TCTGTNCTGT ATGTAAAAGG CATTACAAAT GTTTTTTAGC 60
AGATGAGACT TGAAGCCTTT CCACAGTCCT TGTNCTCTGA GATGGCTGTN GAGCTCTGCT 120
CANCTGTTN 129

配列番号：3791
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04454
配列：
GATCCCTACC CCTCANCAAC TAGCTCCCCT GTCGGCCAGC TAAGAGAGCT GGGACANTGG 60
AGGCTGGCAG AAGCTGAGAC GTGACTGTCT AGGAGTAACA CTCATTAAAG CTTTCNTTTT 120
GGCAAA 126

配列番号：3792
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04455
配列：
GATCTGAAAA AGCAACCCAT TTCCTAAATT CATATTTTNC CTAAAACTTT ACTATGTTTT 60
NATTTTAAGA GGTTTCCTGT TATATACACT TTTNACACAT GCAAATAAAC TTTATACCAA 120
GTGAAA 126

配列番号：3793
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04456
配列：
GATCTGTTTA GAAAATACCT TTGAAAACGA GGGTAACTTT AAAAAATGGA AACTTTCAAA 60
TCCATTTATA TTTTNNTTAT AANCAAAACT TAATTAAAAG TTTAACAAAC TGGCTGAAAA 120
CTCAAA 126

配列番号：3794
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04457
配列：
GATCACTGAG CTGCCCNTCA AGGGGACCTG GANNCCGGGT CCTGGGGTCA TGCTGCCTCC 60

NAGGCTCCAA GGTGAGGGTC ATCTTCACGA GCAAAGAGAA CCAATAAAGT GACAACGNAC 120
GTCAAA 126

配列番号：3795
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04460
配列：
GATCCAGGGC TTTCGAGGCC TCTCCTCATT GAGTTCAGAG TCACATATCA GAGGNTTAAA 60
TCCAAAAGAA ATATGCACAC CCCTCTCCTC CCTCCCAGTA AAAATAAATC GCTCCTCTTG 120
AAA 123

配列番号：3796
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04462
配列：
GATCTCTGTG CTGTAAACTA AAACAAATTG TGCATTCCTT CCGGGGCCAT CGTCTTTGTT 60
TTCTTTTTTG TCTTGAATGA ATTTTAAAAG GAAATATATA ATAAAAATGT TAACCAGAAG 120
GTAAA 125

配列番号：3797
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04463
配列：
GATCTGGGGG CCCCCCCAGC TGGCGGGAAC CCCAAATGGA CACAAACTGT ACATTTGCCA 60
ATGGGTTTTT TTCAGACCAT GGTTTTTACT TGCAAATAAA CCTGAGTTCT TTTCTGAAA 119

配列番号：3798
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04464
配列：
GATCTAAAAN NATACTNTGT TCCCTCATAT GCATGCCCTT CCTTTCTATA TCCTTGACAC 60
CTTACTTTCC CATTGTAACA ATAAAAAAAG TATCAATAAA ATAATTATTG GCAAATAAAT 120
TGGTGAGTTG AAA 133

配列番号：3799
配列の長さ：119
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04465
配列：
GATCCTGCAG TGATGGAATG TTCTGTCTTG ATTGTAGCAA CACCAATATN CTGATTGTNA 60
TATTATACTA TAGTTTTGCA TAACAGTTAC CATTAAAGGA AATTGGGTAA AAGGCTAAA 119

配列番号：3800
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04466
配列：
GATCTCTTAG CAAATAGGAA TCTAGGTGTA GAATTTATAC ACATATATAT TTTTAAAAGT 60
ATAAAAATGA GAAAGTATGT ACAAAAAATC ATCCTAAATC TTAGAAAGGA GACATAAA 118

配列番号：3801
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04467
配列：
GATCTGGGAG CCAGCAGCTG GATGCTGTGG CTGGCCAGAN ACACCTCCAG GCTGTGGCCT 60
GGGGGCTGGG GGGAGCCCCA GGCTGAAAAG GGTCCAATTA AAACAAATGG AGCCAAA 117

配列番号：3802
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04468
配列：
GATCACATTC CAGCCCTCGC TGCTGGGGTG CACACCCCTT CCTTAGNTGA TGTGCTTGGG 60
AAACTCCCTC CCCCTCCTTC CCAAGAGAGA AATAAAANCA CCTTCGCCTA GGNCAAA 117

配列番号：3803
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04469
配列：
GATCCTGACC TCCTCCAAGG AAGAAATCCA GAAAGCCTTA AGACTAAGAC AACTTGACTC 60
TGCTGATTCT TTTTTCCTTT TTTTTTTTNN AAAANAAAAA TACTATNANC TGGAAA 116

配列番号：3804
配列の長さ：115
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04470
配列：
GATCAGAACT CCAAAACCAC TCCCACCCCT GAAGGTCGGG AGGGTCTGAG CAGCCCTGGT 60
GGCTNCTTGT GCTCAGGTCC TCAGCTCCAT GGGAAATAAA AATGGCACCC TGAAA 115

配列番号：3805
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04471
配列：
GATCAACATA TTTAGCTTAT ACAGAAATAA AATTAAGTCA ATCCACTCAC AAAGAATTTC 60
TATTTTGTAA AAATGTAGCT TGTATTTCAG TATAATAAAA TCTGATGTAA GAAA 114

配列番号：3806
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04472
配列：
GATCANAGCT NTCCCAAAGA GGGAAAGCGG TGAGGTTTNA GGAGGGGCAG AAGCAGGGCC 60
GGCAAAGNTT GTACCTNCAT AAGGTGGTAT GGGGGGTTGG GGTCAGGCCC TGAN 114

配列番号：3807
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04473
配列：
GATCGAAAGA CTCAGGGAGA GCGGTCCTNA CCACCTGGAA GTAAGTCCCA CCTGGACCTT 60
ATNAAAACTA CTCACTCCAC CTGGGCCCCT GCTGAAGCCN NNTTTTAAAA TN 112

配列番号：3808
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04474
配列：
GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCCACC CAAGCTTGGC ANACTAANTN TTGTATCCTG 60
GGGCTCCCNT CATCTCCAGG GAGACCAAAC CCCGGCCCTA CCAGNGCCCG N 111

配列番号：3809
配列の長さ：108
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04476
配列：
GATCAAGACT AACAAATAAC TTTGTGATGA AAATNCTTCA AAAATATAGC TACTCTTTTC 60
AAGTATACCA TTTAAAATAT TTCATCAGGC AGAGCCCTGA CCAGGAAA 108

配列番号：3810
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04478
配列：
GATCAAGAAN ANTNAGGACA ACGAGAAAGT TTAAAAGTTC GAAAGCAGCA AGATNCCTTT 60
CCCCCCTGGT CAATCNCTGA CACAAGAGAA GGCAGAGACC CTGAAGCN 108

配列番号：3811
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04482
配列：
GATCTTCAAG CAAGGGAAAT GATTCTTAAA AGGATTATCT GAAATTGAAA AACTAGTAAG 60
CAAATAAATG ATAAACATAA GTAAATTTAA NCTGTTGTTT GTATAAAACA ATTATAATGA 120
NGTGTTTATA AGANATTGTA AACAAATGTA AANCTAAATN ANCATTGTTA TGCAACATTA 180
AA 182

配列番号：3812
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04483
配列：
GATCTCCCCA AACTAAAAAG TACAGTACTT GGAATTGTGT TCTTTATGGT TGTAGTGTTG 60
GTAAAGCACT AATATGCAGA AAATAAAGGA ATTACACAGT GCAAA 105

配列番号：3813
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04484
配列：
GATCCNAAGC AGTGAACATG CTGTTAATAC TTGTAAGACT CCTAGCAAAC TGCATTTAAT 60
TTTTTAAATT AGTTTTAGTG TACATAAAGG CATGTNTTTN CCAAA 105

配列番号：3814

配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04485
配列：
GATCCATGGG ATTNATAATT GAAATAGAGA TTGGAGACCC TCCTATTCAN TTCATAAGCA 60
ATNGCACCAC AGGTCANATG CAGTTATCTN AACTCCAGGA AATTN 105

配列番号：3815
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04486
配列：
GATCTTGCTA AATTATTAGT TCTAGTAGCT TTTTTGTAGA TTCATTAGGA TTTTNTACAT 60
ACACAATCAT GCTATTTGCA AATAAAATAA TGCTTTTATC CAAA 104

配列番号：3816
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04487
配列：
GATCGAGTCC AAGGNAGACT ATGTCCTCTN CTACCAACGN CAGGNCGTGG CGCGACGCCT 60
GCTGTCCCCG GCCGGCTCAT CTGGCGCCCC AGCCTCCCCT GNCN 104

配列番号：3817
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04488
配列：
GATCAGCACT GTGGTGAGCT CCAAGGAAGT GAATAAGTTT CANATGGCTT ATTCAAACCT 60
CCTTAGAGCT AACATGGNTG GGCTGAAGAA GAGAGACAAN NNN 103

配列番号：3818
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04489
配列：
GATCCCAAAC CTNAGCTCAA TCAGTATTGC CAGANAGGGG TAAGACTGGT TGGAAGCTGA 60
CTGCAGACTT NNTTTCCCCT TAGTATGTNC TGTGTTGTAA ATN 103

配列番号：3819

配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04491
配列：
GATCACTAAG CAAAGCTGCT AGTGGGATTC TATATTTCGT GTCATCTTTT TTATNATAAT 60
NTATTGCAAA TATTTTTCTG AATAAATATA TGTTGTGTGA AA 102

配列番号：3820
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04492
配列：
GATCCTGCCA CCAGGGTTNT TTTGAAATAG TACCACATGT AAAAGGGAAT TTGGNTTTNA 60
NTTCATCTAA TCACTGANTT GTCAGGCTTT GATTGATAAT TN 102

配列番号：3821
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04493
配列：
GATCTTGTTC AATCGGAAAC CCCCGTTACC TCCTCTTTTT CTTTCTCTTT CTTTTTTTTT 60
TTTAACTNAA ANATTTTNAT GATGATTAAG ANGGAAGTNG TN 102

配列番号：3822
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04494
配列：
GATCCCAAAC ACTCNATCCT GTAAGNCGGG TACAGTCCTA TTGTNTGTTN NCACACTGAT 60
GATGTGAGCC TGTGAGATGA GCCAATCACC AGTTGTTATG TN 102

配列番号：3823
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04495
配列：
GATCTCATGT ACTGAAAAAA AATTCTTAAT TTTATTGGAG TTTATACCAC TGTGAAACTG 60
CAATATGACT GTAAGAGAGT AAAAAGATTG TNACATCTAA A 101

配列番号：3824

配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04496
配列：
GATCTGGGAG TCTGAAATGG TAGCNTTTTG TCCCTGTCTT CACACTATCA TAGGGAGAAT 60
CAAAAGANCT AACAAATATA ANCATGCTTT GTGAATNNCC N 101

配列番号：3825
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04497
配列：
GATCTNTTTT NTNTCTATTT TTTGAGGTAC ATGCTACATA CATTTTNTNT GTAAACAACT 60
ATTTAGCATA TTGAATAAAA TAACATTTTA AAAATAGAAA 100

配列番号：3826
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04498
配列：
GATCCCACGG CNAACACTCA CCACNCGCTA CCATACGCCN TCCCAGAGCT AGGGGCTGCC 60
TTAAAGGAAA TTGTAGCCTA AGTAGGTCAT GGCAAGN 97

配列番号：3827
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04499
配列：
GATCAGCCAC ATCAACTCAG TTGTCCACCA CAGGGGAATT TTNAATGTCT TTTGTTTTTG 60
TNTTGTTTTG AAAAATAATA AACAGGCAAC TGTAAA 96

配列番号：3828
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04500
配列：
GATCTATTTG GCCTCTCAAA TGAACTGAGA TTCCTGTTAA AAAAGATTGA TGTTATTGTC 60
TCTTGTAGAG GAAACTAATA AAGCTGCAGG NGAAA 95

配列番号：3829

配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04501
配列：
GATCTATCAT AATTGCTTTT CTGATGCATT TAAAAATAAA TGGAACACTT AAATGTATAT 60
TACCGATGCA AACTGTGGAT AAAGTTGAAA GAAA 94

配列番号：3830
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04502
配列：
GATCACAGGC CTGGCCGCGG TAACAGACTT TTACATGGAA TTGTTTAATT ATTTGTACTT 60
TTCATGCCAG AAAATAAAAG TTCAGAATCT TAAA 94

配列番号：3831
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04503
配列：
GATCACTACG ATTAACGACG GTCGTAATGT TAAGACGTCG TCTCCATGAN CTTTGGGGGG 60
ACTTTAATNT GGAATAAAGA AACTATCACT NAAA 94

配列番号：3832
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04504
配列：
GATCCAGATN AAGTGCTGAA GAAAAGAAAA AAGAAGTGGA GAAGAGTATG NTTATNCTTC 60
TCCTTATTAA AGAAATTTNC TCAAAACAGC AAA 93

配列番号：3833
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04506
配列：
GATCTATCCA GTGACGTGGC CTGGTGGGCG TTTCTCCTTG TACTTATGTG GTTTTTTGGC 60
TTTNAATACA GACATTTTCC TCCAGAAA 88

配列番号：3834

配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04507
配列：
GATCCCAAAA TATGGTAAAG TGAACCCATC TGTCTGCATT TTCTACTCTG AGCCCATTTG 60
TTAATAAACA CTTATTTTTA TATAAA 86

配列番号：3835
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04509
配列：
GATCCGGGCC CCAGGCTGCT GCCGCTTTTT ATAACTTTAT ATTATTTTTN TTTTAAGAAA 60
AAAAGCTCTT TAAAATACCT CAAA 84

配列番号：3836
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04510
配列：
GATCTGAGGA GCAAACCTCC GTGGCACACA TTTACCTGCA TAACAAACCT GCACATCCTG 60
CATGTGTACC CCAGAACTTA AA 82

配列番号：3837
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04511
配列：
GATCCAGGAG GCTCAAAGAG AAGCCAAGTC AGCTTTGTTG TGATTTGATT TTTTTTAAAA 60
AACTCTTGTA CAAAACTGAA A 81

配列番号：3838
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04512
配列：
GATCGCTACT GTTATGTGGG ATTATTATTT CTAAATNTTA CTCATTGAAA TAAGCATACA 60
ATAANANGCA TTTATTGCAA A 81

配列番号：3839

配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04513
配列：
GATCAAAACA AGACCCAGCT TATTTTCTGC TTGCTGGTAA ATTAAGCAAA CATGCTATAA 60
TAAAAACAAA ATGAAGGAAA 80

配列番号：3840
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04514
配列：
GATCTGGTTG AAAATTGTAT TTCTATGTAA ACTCAACGAT ATGTTTGGTT TTCCTGAAAA 60
TAAATAATTT TAAATAAA 78

配列番号：3841
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04515
配列：
GATCCTCACA CCTCAGCGTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG TTGTGAGCCA CTGTGCCTGG 60
CCTTTTTTTT TTTTN 75

配列番号：3842
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04516
配列：
GATCAGAAAT CTGAGGTTCA ATGAGGCCAG AATAACTCAG CTTCAAAATG AATAAATGTG 60
GAAGCCAGCA CAAA 74

配列番号：3843
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04517
配列：
GATCTCCCCT TGGACTGATA CCCTTTTCCC ATTCATTCAC AAATAAATTA CAATGGGTGC 60
TGAGAACTTA AA 72

配列番号：3844

配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04518
配列：
GATCTGTGTC ATGGTTTTAT AACCTTTNTN TNTTTGTAAA CTTGAATGTT CAAAATTAAC 60
ATGCTGTTTA CTCTGAAA 78

配列番号：3845
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04519
配列：
GATCAGGAAG AACTAAACAA AACCCACACT CCAAAAACTA ACAAAGAATA AATAAATAAT 60
ATAAAAATAA A 71

配列番号：3846
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04520
配列：
GATCTCAGAA CAGANTTAAA ATATTGTGAA AATTACAGCT TAATAAATGT TTATTGTAAT 60
TTTNTTGTAA A 71

配列番号：3847
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04521
配列：
GATCTAGGAC TTGCCTTATT TTATCATTTT TCTTTAATAA TCTCCAATAA ACTTTCTTTA 60
TTCATTAAA 69

配列番号：3848
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04522
配列：
GATCACCACT AAAGAACTTA CTCATATAAC CAAATACCAC CTGTNCTCCC AAAAACCTAT 60
GGAAATAAA 69

配列番号：3849

配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04523
配列：
GATCAGTATG CTGTTTTAAT AATTATGTGC CATTTTAATA AAATGAAAGG GTCAACGGCC 60
CNNTTTAAA 69

配列番号：3850
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04525
配列：
GATCTACACT GATGATTAAA TCAAATTGGC TAAGATTATT CGTTCTAATA AAAGCACTGA 60
CTCCAAA 67

配列番号：3851
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04527
配列：
GATCTCTTCC TGTTTTGTAC ATAGATTTAT TTTTCAGTTC CAAGAAAGAT GAATACATTT 60
TGTNAAA 67

配列番号：3852
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04528
配列：
GATCTAGCAT ATGTATCTTT TTTAAAGGTA TTGTTAATAA ATATNCTGTC ATTTGTAAAG 60
ATANAAA 67

配列番号：3853
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04529
配列：
GATCCATCTT CAAATCAAGG GCTCCCTGGC TACCAAATNC TGTCTAGTAA AAATNATTCG 60
AGCAAA 66

配列番号：3854

配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04530
配列：
GATCTATTCA ATGTACAAAA TATTTTGAAA GTTTCTGTGA TTAAATGTNC TTTGAAAACA 60
TAAA 64

配列番号：3855
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04531
配列：
GATCTGTTAT NAACACCTTT GTTGGCTTGG TTCAGTAATA AATATGTNAG ACTTTTCATT 60
TAAA 64

配列番号：3856
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04532
配列：
GATCTGTGTA AGCTCTGAAT GAACTTCTTT ACTCAATAAA ATTAATTTTT TGGCTTCTTA 60
AA 62

配列番号：3857
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04533
配列：
GATCCAAGAT ACGTCATTTC TGTATTGGCA AAATGCCACT ATTAAAGTGT AATTCTTGAA 60
A 61

配列番号：3858
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04534
配列：
GATCTCAAGT GCTTAATGAT AAGGTGTTGA CTTGTTAAAT TAAACCATTT GGAATACAAA 60

配列番号：3859
配列の長さ：60

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04535
配列：
GATCAAATGC CCTAAAATGT AGTGACCCGT GAAAAGGACA AATAAAGCAA TGAATACAAA 60

配列番号：3860
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04536
配列：
GATCTGAGAC TTTGAGTCTC CAGAACTGTG AGAAAATAAA TTTCTGTTTC TTAAGCCAAA 60

配列番号：3861
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04537
配列：
GATCTTTCCT GTCTTCCCCA AGTTTGCATT TCCGACATTA AAGTTTACTT TTNAGTTAAA 60

配列番号：3862
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04538
配列：
GATCAATCAG GGAGAAAATA CAGAAGAGAA TAAAAAGAGA CTCATTCAGT GGAAGCAAA 59

配列番号：3863
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04539
配列：
GATCTGAATT AAGCTGTCTG CCATTTGGAG AAATTTAAAT ACTATTTTAA ACACACAAA 59

配列番号：3864
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04541
配列：
GATCCACCCA GGCCTTTCNG TGAAATAAAA GCTCCCAAGT TGGGTACAAA CCAGGAAA 58

配列番号：3865
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04542
配列：
GATCCCAGTC TGAAGGATTA TTGTGAAGAA TAAATGAGAG AATGTGTAAA TGGCAAA 57

配列番号：3866
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04543
配列：
GATCTGTGTA TTTGATTTTG TACTTTAAAT GTGACAAATA AACCTTTTGG GAGAAA 56

配列番号：3867
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04546
配列：
GATCTAATTC TGAAAACATT GTAATAAAAT AATNAGCTAT AATGGTATTT TCAAA 55

配列番号：3868
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04547
配列：
GATCTCGAGC GTTTATCTCG GGCTTTAATT TGCTAAAGCT NTGCACATAT GTAAA 55

配列番号：3869
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04548
配列：
GATCTGCCAT GCACTCCAGC CTAGGCAACA AGAGTGAACT CTGTCTCAAA ATAAAATAAA 60
ATAAAATAAT AATAGTAATA ATAAA 85

配列番号：3870
配列の長さ：52
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04552
配列：
GATCAAAGGT CATTTGTGTA GATGAGTAAT TAAAAAATAT TTAAATCACA AA 52

配列番号：3871
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04556
配列：
GATCAAATAG AAACAGGGTT TGCAAGTNTC CATACAGATG CCTCTACCAA A 51

配列番号：3872
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04557
配列：
GATCCTATGT AAAATATATA TTTATGTATT AAAAATACTG AAAACATAAA 50

配列番号：3873
配列の長さ：443
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04597
配列：
GATCCTATTT TATAAGGAAT CTTTTTTATA CGAATGTACT TATTCTTTTA GATATCAGTT 60
CTTGAATGTA TACTCCTTAT GATATACAGC AAGAGATTCT TGAGGTTCCC AAGAATTGTC 120
CTGGAAAGAA AATTGATTTT GAATTGAGAT TAGCAGTGTT TTAATTTCGC TGAGATAACT 180
CCTTTAACTC AGCACTTTCA CAAAACTTAA ATATTAAATA AATTGAATTT GAGGCTGGCA 240
TTCTTCTCTA AATTGAATTG GACTGGTTGT TTGCTGAGGT ATGAATGGAG CAGCTCGGAA 300
GTATTATAAT TCCGTAGCTG AAACAGGACG CTTATTTATG TATGNTCCAA TCTCTNCTCA 360
TTTAAAAATG NCTCAGCATT TCCNGCCATT TAGATAGGTA AATNAATAGT CCATTANNTT 420
TGNTNACCTA CCATAANTAT TTN 443

配列番号：3874
配列の長さ：423
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04598
配列：
GATCTATGGT ACAGTTCATT GGCAGAGAAT CCAAGTACTG TGGACTTTGT GATTCCATAA 60
TAACCATCTA TCGGGAAGAG GGCATTCTAG GATTTTCCGC GGGTCTTGTT CCTCGCCTTC 120
TAGGTGACAT CCTTTCTTTG TGGCTGTGTA ACTCACNNCC CTACCTCGTC AATACCTATG 180

CACTGGACAG TGGGGTTTCT ACCATGAATG AAATGAAGAG TTATTCTCAA GCTGTCACAG 240
GATTTTTTGC GAGTATGTTG ACCTATCCCT TTGTGCTTGT CTCCAATCTT ATGGCTGTCA 300
ACAACTGTGG TCTTGCTGGT GGATGCCCTC CTTACTCCCC AATATATACG NCTTGGGATA 360
GACTGTTGGT GCATGCTACA AAAAGAGGGG GAATANGNAG CCGAGGGAAA TAGCTTATTT 420
TTN 423

配列番号：3875
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04599
配列：
GATCCAAATN ACCATCATCT CTGATGGAGA TGGGTTGGGT ACCTGGCCTT CATGGCACCT 60
TCACTGCTAG GGATGCTCAA GGGGCAGGCC TGGGGCCTTC CCTCCTGTCT CTTCTCGGTC 120
TTTCCTCTCT GAGCANCCTC CTACCTCCCC TGCCTGAGCC TCACTCCACA GCCCTCCCAG 180
GTACCTAGCA GAGGCTGTCA GTCCTTGGCT CACCTGGAAC AGGGCTGGGG CTGGGTTGGA 240
ACAAGGTGTG TGCCNCACCA CATCTCTATG ACTCTGTTCT CCCTCCCTGC ATTGTGGCTC 300
TTGTATTTGA GGGCCTCAAG AGAGTGAGGC CCTACCATCA CTGTCCATAT TAAGTCCAAG 360
CCCAAGTGNG GTTCCTCTGT TCCCTCNTAA GCAATCAATN GTTNAGTTTC TAN 413

配列番号：3876
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04600
配列：
GATCCACCTG CCTCGGACTC CCACAGTGCT GGGATTACAG GTGTTAGCCA CCACCCCGAC 60
ATTATTTGAA ACTTTTATTT TATCATGAGA GAGTTCCAGG AGTCAACTGG AGAGAGATTT 120
TTGGTATGAA AATTACATAT GCAAAAAGAC TGATTCCAGT ACATGAAATT AAATTCAACA 180
TTTACATTAA ATGCCTTCAA ATATGGTAAA ATGGTTTCTT TTGGCACNNT ACCTCATTAT 240
GTTTTGAATG ATTTGGTCTA TCATATGAAA TAACTTTTAT AAATATAGTA NCTCAGGCCT 300
GGGCACAGCG GCTCAAGTGG GAGGNCTGCT TAAGCACCCG AGTTTNAGAC CAGCGTGGAC 360
AACATGGGGG GACCCCTTNC TGTCCCAAAA NTAGCTGAGC ATGGCAGCGN 410

配列番号：3877
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04601
配列：
GATCCCAACA ATGGAACTTT CCTTCTCTGC TGTCAACAAA GGACTAAAAA ACTTCTGTGT 60
GATTTGATAC AGACAATTTA GAAAACTTTT GTTTCAAAGT TTCCCATCCA GACTAGCCAA 120
GGAGAGCAAG GGAGGGNNNC TAATAAGCCC ATTAAGGTGT CTTCCCAAAC AAATGTTTTC 180
TTTGTCCTTC TGCCCAAATG CAGAAACAGC TGCAGCTTTA AAAANTAGCA TACTTTTATC 240
TTTTGANGGA AATATGTGAA AGTTTTAGCA CTGGTTGTCT TTGGTTGGCA AGAAATTGTT 300

NAGTGTTATN NATTNCTTCC TATTTGNCTG AATTTTNCCA AATTTGTCCA CAGCAAGCAT 360
GACTACTTTN NTCATATNAA ATCTCCANTG NATTTATGCA AA 402

配列番号：3878
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04602
配列：
GATCTTGTCA CTAAAATCTA ATTTATATCA AATTTATGAG AGAAAGTATT TTCCTAATNA 60
TGGTCAAATA AATTTGGTTA ACATCCTAGT GATTCTCTTT CTATATAATA AGGCAATTAC 120
AGTTTTCAAA GCATTAAGTC TAACATAACT TTAAACATTC TCTTAGGTTT CAAGACACTT 180
CTATTTAATA TTCATTGGGG AAAAGTTGTC CAGCTATCAG CTAGNGAAAA CACATGCAAA 240
TATGGTTGTG TAAAGTTAAG GGTTATANGG NANNANANAT CAGTAGAATT ACATAATACT 300
AAANGTTGCA GTTGAAGGAA TATCCCAGTN TGTGTTGGTA GTTNCTNNAA GNNTTNTAGC 360
TGTNATTGCC TTGTTTTTNT AGCCCTTNGT TTN 393

配列番号：3879
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04603
配列：
GATCTNAAGC TTNCTNCTTG GACACCCCAT ACCCANAGTC CTCCAGGCCA CCCTTAAGTA 60
CAATGTTCTC CTACCTAAGA AGGCATCTGG ATTTTNTCTT TCCTTGGAAA TAGTAAAGAA 120
CTACTCTTTG ACTGTTTTTG ACCTCACAGT GAACCTCAAA TACACTGGAA TTCGCAATAA 180
ATCCAGTATG GTGGTTATAG ATGTAAAAAT GCTATCAGGA TTTACTCCAA CCATGTCATC 240
CATTGAAGAG CTTGAAAACA AGGGCCAAGT GATGAAGACT GAAGTCAAGA ATGACCATGT 300
TCTTTTCTAC TTGGAAAATG TTTTTGGTCG AGCAGACAGT TTCACTTTTT NCTGTTGAGC 360
AGAGCAACCT TGTGTTCAAC ATTCAGCCAG GN 392

配列番号：3880
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04604
配列：
GATCTCACCA CTGCACTCTA GCCTGGACGA CAGAGGGAGA CTGTCTCCAA AAAAAAACAA 60
AGAAAGAAAG AAAAAACTGT AAAAAAAAAT TTNCTGCAAT GGNCTTAATA TGTGTGTCCC 120
TTAAAAATGT ATATATTGAA ACTCTAATCC CAATGTGATG TTATTTAGAG GTGGGGCCTG 180
TAGGAGGTAA CTGGGTCCTA AGGGTAGAGC CCTCATGANT GAGATTAGTG CCCTTATAAG 240
ANGCCCAAAA GCTAGCTACC TCTNTTTCCA CTATGTAAGG NTACAAAGNG AAGTTGGCTG 300
TCTGCAAACT AGAAGAGGGC TGATACAGTT TGGCTGTGTC CCCACCCAAA TCTTCATCTT 360
AGGTTTTTAA CTNCCGCAAT TCCCN 385

配列番号：3881
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04605
配列：
GATCTTAAGG TAATTACAAA AGGGAAATTC CAAGAATGCA TAACACAATG ACAACATGGT 60
GAGAAAAGTG CAGTACTACT TCCAAGGTAG CTAGTGTAAA GGACACTTGA GTTTTTAAAA 120
CTGTGGTTAA ATGTTTTATG TGGAATTTGA TGAGTTTGTA TATTAAATAC CACTGCTTGC 180
TGCTTTTACT AGAATCAAGT TAAGGGNCAC GTTAGAAATA GAACAGCTTA ATATCACTGG 240
CTTCAGAGCA AAATGAGCTC GGGTGACTGC AGATTATGAT GGTAAATATG GCTTTAATTA 300
CAAACATGNG GNATGATTCA CTGAAGGTGA AAAGNTAGGG CGGNTGTGNT ATTGAAAAAA 360
AACCCANCAT TTTTGGCATT GAN 383

配列番号：3882
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04606
配列：
GATCTATTTC TCAGTAATGA GTGTGTNCTC ATGCCTGTTT CAATATTGGG TTTTGGAGCA 60
TTATTGTACC AGGCTGTTGA TTGCATACTG TAGAAGATTT GATGTTCANA CTGGTTCTTC 120
TTCATATACT ATGTTTNGTC TCAGTTNCTA TGCTATTGGA TGATACTTCA TTTGTTGTTC 180
TGGTGCTGAT GAAAAGGGNA ACCTGCTCTC CTCTATTTAG ACCTTGACAC TTATTACTGC 240
TCAGTTGTTN CTGGAGCTGA AGNAATGAAA NGTCTGGAAG GAACAGCTAT CAGATGTGGC 300
CATTTGGATT GTNACAAATG AGGAACCCTG TGTACTGGGA CAGTTGCCAN AATAATATAT 360
GTGGCCTNCT ATAATGTGCA TTN 383

配列番号：3883
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04607
配列：
GATCTGAAGC CAGAAGGGCT GAGTGTATTG TNAACTTATT CTTGCATGTN GCTGTCTGGG 60
AATGGACCAC ACTACAGCAG GTAGTNCTGG GGGCGATACT GCCGAAAGNC CGANCACATG 120
TATTTTGGCT GCAATTGAGG NNCTTGGGAT GCTATTAATT TTGTATTTCA GCAACTGCCC 180
CTTCTCCTAT CCCAAAGCAC CAATTACTNC CCTCTGCCTC AGNGGTACCA GTATAAGATG 240
ACATTCCAAA GACTGGAGGC AACTCAGCCT GAGTTAATTC ACAAAATTAT GCCATGCTGG 300
GGCTTGAGCT TGAGCTTGGG CTTAGGCTTG GGCTCAGCTT TTGACCCTCA GGCATCTCCT 360
TTNCCTTNCT GTCTTNCTTN 380

配列番号：3884
配列の長さ：377
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04608
配列：
GATCTGTTCA CAAGCTGGTG TTCAGGAACC AATGTGTGAC TGGTCCATGC CCACTTCTGA 60
TTATATGGAC TCAGAGACAA TGTACATGGG AGTGCTTTGC CAGTGGTAAA GTTTCTACAA 120
ATGGGAGGTA ATTGCATGGC AGGTGTAAAG TTATTTGGAC CATTGAGGCC AGAAAAAATG 180
TAGATTTAAA ATATACTGAT ACTGAAAGCA GANCTGTTTG ANCTAATTGC TAATTTTAAG 240
GNATTCAGAC ATTCATCCAA AGGNTTTAGG CCAAATGTTG CCTAAATTGT TTCTCTATTG 300
CATATGAAAG TGATTTCNGC GGCTTAACNG TTCTCTNCTN TTTATGTGCA TGGCCATAGC 360
TGGTTGTNTT CACATGN 377

配列番号：3885
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04609
配列：
GATCAAGGTG AAGCTCACAG TGTCAGGCTT TCTGGGAGAG CTCACCTCCA GTGAAGTCGC 60
CACTGAGGTC CCATTCCGCC TCATGCACCC TCAGCCTGAG GACCCAGCTA AGGAAAGTTA 120
TCAGGATGCA AATTTAGTTT TTGAGGAGTT TGCTCGCCAT AATCTGAAAG ATGCAGGAGA 180
AGCTGAGGAG GGGAAGAGAG ACAAGAATGA CATTGATGAG TGAAGATGTC GGCTCAGGAT 240
GCCGGAAAAT GACCTGTAGT TACCAGTGCA ACGGGCAAAG CCCCACAGTT TAGTCCTTTG 300
GAGTTATGCT GCGTATGAAA GGATGAGTCT TCTTCCGAGA AATAAAGCTT GTTTGTTCTC 360
CCTGAAA 367

配列番号：3886
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04610
配列：
GATCAAAGTA GCTTACTATA TCTAAACTGT AAAACAATAT AGTTTCTCCT GAACACCTGC 60
TTTCCTTCTG GGAGTCTGGA ATTTTGGTAT GTGCCAGGCA GAGACTACCT TTGTGACCAG 120
CTCCCAGTAA AAACCCCAGG CACTCAGTCT CTAACAAGCT TTTCTGGTTG ACAGTGTTTC 180
ACAAGTGCTG TTACAACTGG TTGCTGGGAG AATTAAGCTC ATCCTCTGTG ATTCCACTGG 240
CGGAGGATTC TTGGAAGCTT GCACTTAGTT TCCCCTNGAC TTCACCCCAT GTGTCTTTTT 300
TCCTTTGCTG ATTTTGTTTT GTATCCTTTC ACTGTAATAA ATCATGGCCG TGAGCAGAAA 360

配列番号：3887
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04611
配列：
GATCGCAAGT GACTGCTTCC GCTTCCAGGA CTGGGCCAGC TAGTGGGGGT GGCAGAGGTC 60

TCTTTGCTTC ATTCAGCCCT AGCTCTGTAG AGAAATGCAA ACCTCGACTC TCAAGGATGT 120
GAGGAACACA AGTTCATTTC TGTTGTTGCG GAGACACTGC AGACTCCACT GTGCCGAGGT 180
TGAACTCTTN NTTGTTGCTC AAGTTCTAGG AGTCCCTTTC CTGAATATAT ACTTGTTTGT 240
CATAGTTTCC TTNNCAAAGT AGTAAACTTT TCTATTNNTC TACTTGCCCA GTAGAGACTC 300
TTGATTCTGG AANATTCTNG NCAAAATAAT TTTAATAATA CACATGGTTG CTTCTTAAA 359

配列番号：3888
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04612
配列：
GATCACTTGA GGCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGAGAA TGCATCTCTA 60
CAAAAAATAA AAAAAATTAG CTAGGCATAG TACCTGAGGC CAGGAGGTCC AGGCCGCAAT 120
GAGATGTGTT TGTGCCATTG CACACCAGTC TGGGTGACAG AGAAAGACCC TGTCTCANGG 180
GCANNTTAAA TAAAATATCT TCATATATAA ATTAAGCTAA TTAAAANTAT TTTTCCCTGT 240
ATTTNTTTAN TATTTTCTAA TCTGAACCCA TATNCAGCTG ACTANTTCAT TCTTAGAANT 300
GTGTTATCTG TAATCTNTCC TAAACAGTGT AGCCCACAAG GNTCCATGGC ACTTTTTAN 359

配列番号：3889
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04613
配列：
GATCTAAAGG GGACACTGTA CTCAAGCTTT TNACCTCATG CCTTGTGTAG TAAAAAAGGA 60
TTTGGGGGTT TTGTTTGGTT CCTGAGAGGG TTGTGTTTTG TTTTTGTTTC CTTTTGTTTA 120
TGTTTTGGCC TTTCCTCTTT GTCTTTCCAT GTAGACCAGA TATTTGAAAG GGCAGACGAT 180
GGCTAGAGGT GTAATGTGCA GCTTGTTTAT ACGGTATTTT GGGAAACTTA CCTTGGATGG 240
GAAATCGAAT CGTGGATTCA CCAGGCCGGT GCTGGCACAC TCACCCTCGC CCTTTCCCTC 300
CGGTTCAGTA CCTATTGTTT CTCCTTTCAA ATATGTGATT GTACTAGCTC TTTCCATAN 359

配列番号：3890
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04614
配列：
GATCTGATGG GCTCTAACAG TGCTTACTTG CAGCCTTGTG TCCACCACCA ACTTCTCATC 60
ATGTTTCTCT CCGTTGGCCG TTGGGTTTCC AACTCTTCAA NCTTCAGGGT CTGGGNCAGG 120
GAGTGGGCCC ACCATTTGTG GGGAAAGTAT CATTCCTCCA CCTCAGGCTT GGGTAGATTT 180
GGAAAAANAC AAGGTNAGGA TACGCCTGTT TGAGCTTTGG GGNATGAACT TTGCTTTTTA 240
TATTTANCTA NGGNTACTTT TATATGATGG GTGCTTTGAG TGTNATTNAG CAGGNTCTCT 300
TNGTTTCCCG AGGGNCCTGC TTTTGNAAGG TGACCNNGGT TACTTAAGCT AAGGNTTN 358

配列番号：3891
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4615
配列：
GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
TAACGTAATC TACCATTTCC TACACTATTT GAGCATGGAA ATCATAGTCC CCACTCTGTG 120
AAAACTTAAC GCTTTTTGGA AGACATTTCT GTAGCATGTC AGTTTGGAGA AATGNNTGNG 180
CTACGCCTTG ATGAAAGAAC CGTGTTGGTG CTGCTAAGTT TAGCCATTAT GGTTTTNCCT 240
NTCTCTCTCT TAAGCCTTAT TCTTCAACTA AAAGATGAGG ATTAAGAGCA AGANGTTGGG 300
GGNNGATGTG AAAATAATTN TATGNGGTTG TCTAAAATAA AGAGTAGTTT CTTAAA 356

配列番号：3892
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4616
配列：
GATCTACAAA TGTACGTTGT TACAGGGCTG CTTCCTAAAG ATTTTTTTTA CCTCAGGTTT 60
CTCTTAATAT AGTTCTCCAG TCACTGACCT TGAATTGACT TACATAAATT ACTGCCAATG 120
TTTAAATTGC CCTTATGTTT ATATTTATTA TGTCAAGCCA ATTCGTACAT ACAATTTGGA 180
ATCAAATGTC ATAAGAATTT ATTATATAAA TTTNTCAAGA ATAAAAATGC CTCTCCAGCC 240
TTAAGTATTT ACATGCTCCC AGGTCATTGT CAGTTTATGG TATTATGTTG TTTTATTTAA 300
AGCATTGAAT TGATAGAAAA AATTGCTCTG TAATAAAAAT CTACTTTCAC ATAAA 355

配列番号：3893
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4617
配列：
GATCTCATTC TTNTTATGGC TGCATAGTAT TCCATGGTGT CTATGTACCA CATTTNCTTN 60
ATCCGGTCCA CCACTGGTGG CATTTAGGTT GATTCATGTC TTTGCTATTG TGAATGGTGC 120
TGCGATAAAC ATGCATCCAT GTGTCTTTAC AGCAGAACGA TTTATATTCC TTTGGGTATT 180
TTTTTTGAGT ATAGTAATAG GNNNNNNGGG TGGAGTGGCA GTTCTGTTTT AAGTTCTCTG 240
GGAAATCACC AAACTGCTTT CCACAGCAGA TGAACTAGTT TACACTCCCA CCAGCAGTGT 300
ATAAGTGTTC CCTTTTCTCT GCAACCTCAC CAGCATCTGT TATTTTTAGA N 351

配列番号：3894
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO4618
配列：

GATCTTCTTG TAAGCACATC CAGAGTGAGA CTTTTCTATG TTTGAAAGAA GAATGTGTGT 60
ACATTTCAAG AATTTGGGTT TTTTGGAGGG AGGAGGAACT GTTTACGTTT TTCCTCCACA 120
CGTTTGATTT TTGACACATA CACCCCTAAT TCCTCAACAG CAGACCTCCT GCAGCCACCA 180
GGGGCCAGCT CTGTGTAGGA ACCAGATGGT CTTTTTCCAA GCNGCATCTT CAGCTGCCAG 240
CTAAACTCCA ACCCCAGNCA GGGAGGGGCA GGCTCAAGTC TTNCAGAATC ACACAGGGGC 300
AACACATGCA NNNNCCGGNA CCTGTNCTGT ACNGTCTNGG TTTNTTCNTN 350

配列番号：3895
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04619
配列：
GATCCATAGG AGGGTAAAAT GTCCGTTTTC TTCATTAAAA CTTCTCAGCT CAAATTTATA 60
CTAAAGCATA TCCAGGAATT AAAAAAAAAG GTTTTGATGA TATTTGCTTT CTAGTTTAAT 120
AAGTTTTAAT ACTGAATAGG TTAAATTAAT ACAAAATAAC ATAAAATGCT AATATTTATT 180
GAGTATTTAC TTGTGTACCC ACTACGNTTT TAAGTAATTT ACTGGGATTA TTTTATTTTA 240
GTTTAACAAT GCAGGTAGCT ACTATAATCG TCCNGGTTTT ACACTTGAGG AAACAGGCTA 300
AGAGAGATTA ANTTAGTGGC CCAAGGTCAG AAAGCTCGTA ATTCTTGN 348

配列番号：3896
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04620
配列：
GATCCCAAAT ACTGCCATTG TGTTGTCTAC TTATGAGTTA ATTGTGTACC TGTTAGAAGA 60
CCGTACTCAG TAACAGGCCG GAAAATTGTG CTCTAGAAGA ATAAAACTGA AAAACTCTAG 120
AGAATTTTTT TTCCCCATTG ATGTTTAGAA AGTTTGAGAC TGAAACAGGA AAGGCCATAA 180
AATATCTGGT TCATATCACC TGTTGGACAT TTCCTTTTGG ATTCATGCTT TCTGGAAGGT 240
TTAAATTCAT TAACGTTAAT AGTTAATTAT AACTNTTTNT TTAACTTAAG AGGATTCAGG 300
GTTAAGCACC AACTAAATTA AATCATGCTA TTTAATTTAN GTATAAA 347

配列番号：3897
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04621
配列：
GATCTAGAAT CTNTNCTNGG NTAAGCATAT AGGATGCCAC TTCTTGCTAC CTCCACAGCA 60
ATACATCACC TGGACAGCTT GCCACTCTTT GTTGCCTTGA ACTTCTCTGA TGTTTAGGCA 120
GCCCATTCTG GTACTGAGAA CACAGTGAAT GAGCTACATC CTCCTGCTTT CTTCTTCTAT 180
TATNACTTTT ACCTGATTTC TTCTCAGGAG GAAGCTGTAC ATTTTAACAG GACAGATAGG 240
AGGAAAAGCA ACTATTTTTC TGCCGAGATA ACAATTGACA ACTTGGGGCA GTATGTGCAG 300
AGTTTTCCTG GAGTTGTATT AAAAATTATC TGATAAGCTG CCAAA 345

配列番号：3898
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04623
配列：
GATCAGTGTA CTGTTACCCG GACATACCTA TTCCTTCACA AGTTCTGGTT CTTCAGTGCT 60
GCTTACTATT TTGGTAACTG GGCCTTTCTT GGGGTATTTT TGATTGGATT AATTGTATCC 120
TGTTGTAAAG GGAAGAAATC GGTTATTGAA GGAGTAGATG AAGATTCAGA CATAAGTGAT 180
GATGAGCCCT CTGTCTATTC TGCTTGACAG CCTTCTGTCT TAAAGGTTTT ATAATGCTGA 240
CTGAATATCT GTNATGCATT TTTAAAGTAT TAAACTAACA TTAGGATTTG CTAACNAGCT 300
TTCATCAAAA ATGGGAGCAT GGCTATAAGG CCAGCGATAT TN 342

配列番号：3899
配列の長さ：410
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04624
配列：
GATCTGGTGC CCCTCTTCTC CTGGATTCAC ATCCCCACCC AGGGCCCGCT TTTACTAAGT 60
GTTCTGCCCT AGATTGGTTC AAGGAGGTCA TCCAACTGAC TTTATCAAGT GGAATTGGGA 120
TATATTTGAT ATACTTCTGC CTAACAACAT GGAAAAGGGT TTTNTTTTCC CTGCAAGCTA 180
CATCCTACTG CTTTGAACTT CCAAGTATGT CTAGTCACCT TTTAAAATGT AAACATTTTC 240
AGAAAAAATGA GGATTGCCTT CCTTGTATGC GCTTTTTACC TTGACTACCT GAATTGCAAG 300
GGNTTTTNAT ATATTCAATA TGTTACAAAG TCAGCANCCT CTCCTGATTG GTTCAATNAT 360
TGAATGTGCT GGNAAATTNA AGGTCGGTTN NANTTTAAAN CAAGGNTNCN 410

配列番号：3900
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04625
配列：
GATCAAGATA TAGAGCATCT CCATTTATAA AGTTCCTTCA TGCTCCTTCC CAGCCAGCAA 60
TTCTNCTTAC TGTCCTGCTG ACTCCTGTTT TCACCTTCAT CACCATCAGC TCATTTNGCT 120
TGTNCTTGAC TCATAAACAG AATCATATAG TAGGTGGTTC GTTCAATGTA GGCAGTCTGT 180
TTTNGCTTTA ATCATTACAT GAGTATACAT CCATATNGTG TGAAGCAGTA GTTCTTTNGC 240
ATTGCTGTGT AATATTCCAT TGTATAATTG TATAAATATA TGTGGTATAA ATGTAAGTAT 300
AGCACANTTG ATTCCTTATN GGGCCACTTG GTTTATTN 338

配列番号：3901
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04626
配列：
GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGNC AAAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGAGGC 60
TGTGTGATTT CATAATACAA ACAAAAAGAA AAAAAATTAN ACAAATTCTT GGAAATATCT 120
CAAATGTTAA TAACAATATG ANTTTTTCTC ATGCATACTA TTACTACTAA GCATGTACGT 180
GANTTTTTAA ATGTATAGAT GTAAACTTTT ANTAAANNTT GGGGTGTGGT AACCCAAA 238

配列番号：3902
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04627
配列：
GATCTCTATA AGTTATTAAT TTAACCTGAA ACCAAAGTGG TCTCCATTTA AAGTTACTTA 60
ATCCCTTTGT ACCACCTATT TCTAGTTAAA TATATGTNGC TANNCAAATA GGTAAAGTGC 120
TTCCTTGCCA TGATGGTAAT GGATTGGAAC TATGAAGGCT CTCAGTGTAT TGGCTTCTGT 180
AAAGATGAGG CGTCTCCTCA GAANCCCNAA CTTTTCACAT TTCTGCTTAC TAGACCTGGG 240
TTGATGTACA TGGTAAGTCT CAAACAGATG CAAGCTATGT GCAAAANGGA ACTTTAGCCA 300
AATGGAAATA GCTGGATGCT TTGNGAATTG N 331

配列番号：3903
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04628
配列：
GATCCAAACT GTGTTGTTCT TAAATCAAAA ATTGGNTAAT TTTTAATATN TATGTATTAA 60
TCACAAA 67

配列番号：3904
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04629
配列：
GATCTGCCGG AGTCTTGAAA TTCAGCTGAT TGGAAGTGGT TTCTTTGACT TTCAAGGTCA 60
TTCCCTATCA GTTACTACTA AGAGTTCTCT TACTGTCAGA ATCTCTCTTG CAGTACAGCT 120
CAAAATAGTG GATGCATTTC AAACTTGACC ACCTTTTCCT ACCAGCTAGT TAGAAGTCAT 180
CAATATTTCT CTACATTTNG TTTATCTGTA AGTCCTTTAA ATCTATTTTN GCTAGGCATT 240
CATTATGATT AATAGTAGAC TTTTAAGACA ACATTTNTGT CACTCCCCAC CTCCTCATAT 300
TTNATAAAGG AGATATTTAC CTTGAAA 327

配列番号：3905
配列の長さ：326
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04630
配列：
GATCAAAGAC CAAAACATTT TCTTAAATAT ATTTTATGTA ATATTTTATT TGTATACAGT 60
GTTGTTGATG AAATATTTAA CTAGAGCATG ATATTTTAAA TGTTAAGGTG TAACATATGT 120
TAAATAAAAC TGTTATTTTN GAATTTNAAA ATTNGTTTTT NGGGGGTATG ANCTACTAGA 180
GTTTAAAATT CTGCCAAACT ATTACTTATA TGTNCTATTG TGTAACATAC TTNCTNGAAA 240
TATTTNGGTT TATAGAATTG ANGGTTCTTA TCAGATGGGA TACTGGGGAC TATAAACAAT 300
GGAAATAAAG CCACTGTATT TNTAAA 326

配列番号：3906
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04631
配列：
GATCTAATTA AGCTAAATTT TGGTGCACAG CAGGTTGTAC ATGATTTCAT GTTTATGTAG 60
CAAAATGCAT TGAAATGTAT TAGTGTTGAA ACATACATGT AAAGGTAGTT GTGGAAATTG 120
TTATATTTNC CTTGTGTGTC ATTTATTTAG AGCATAAAGG TTTTTTTTAT TCAGCCNNNC 180
TGAATAAGGC TAAATGAATA CTGTAATTGA AAATATATTT NAAATCTTTG TCATGAGTTT 240
TTTTAAAAAA ANCTATTGCA AATTGTATCA TTCCTGATTA CACAGAACTT TGTGGGTGGT 300
TTTAANTAAN TNTNNTACTT CTAAA 325

配列番号：3907
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04632
配列：
GATCTGGCCC GAGCTCTCCT CAGACCTCCC CAGACCTGTC TTCTCATCAG CCACCGCTGT 60
TTTCTTTTGC CGAACGATGG TTGCATCTCT CGGACACAGT GTACCCCCTC CCAAGCCCTC 120
CCTGAGCCGT TCTCCTGAGT CCCTGAGGGC AGACACAGCT CCAGGGACCC AGGCCGGCTG 180
CCACACCCNC GACACTNCTG NTGTCCACTG GCCTTAGCTC CTGCAAGTTC CCCAGTGTCC 240
GCACCTGTTC CNTTCCCTGA CCTTACCTTN CTGGGGTCTG TGACTGACTG GAGATAAAAN 300
TAAAAGCAAT TGTGACANCT GAAA 324

配列番号：3908
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04633
配列：
GATCAAATAC CGAAATTGAA CTTTCTAAAA CCTACACATA GCATGCGTTT AAATTCTATT 60
ATaTAAAGCC CCAAGTGCTT TACCTTCTAA AACATGCTTC TCTATAGGTG CAAAGTTATA 120
AGATATGTAG AAGAAAACAT CCATCAGAAT CTNCTGGAGA NTATGGTCAG AGTCTTAAAC 180

AGGCCCAGTG CTGAGTNCTT TGTCCACTTA GTCACACATC TTTTGTGGGA ATGGGAAAGG 240
AAGGAGACAG CCAAACTCTG ACAANGGCTT TTCCTTATAG ATTAACCCAA AGCCTAGGTG 300
AGGGTTGATA TATTAATGN 319

配列番号：3909
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04634
配列：
GATCTGAGCA AAATGTGAAC TCAGTATGTT TACTATTGCT CTTACTTGAA AACTTTTTTT 60
CAAAAAAAGC ACAAATTAAA GTAGTAAATT CATATCCATA GATAGTTCAT TCATTCAACA 120
AATATTTACC AAGTTCCTAA TATAAGTGAA GGNCCACTTC TCAGATTACT AAGTCATTTG 180
TATGAATATG TGTGGCAGTG AAGAGAACAG GTCTTTCAAA AAGCATTTGA TTATCTTTAT 240
TTNTTTTAAA TACACTCTCT NATNTTNCTA CTTGTTTTTT TGTTAATCAT AGCAGGATAT 300
GACAACTCTT ATTTGAN 317

配列番号：3910
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04635
配列：
GATCTACTCA GATGTCATNA TACTCCATAC CTGCTTTTCC CATGGCCGCC CTACGGAAAA 60
TCCCATCCAC AGAGGCCAGG GCTACCCAAG NCCCTCCAGG TGAGCTGGGC CTTTCCTTTA 120
TGAACCTCCA TCCTCCCAGC CAGCTACAGT AGGGCCTCCT CACCCCGTAC CCCACAGCTA 180
GACAGTGTCA GCACTCATCT CCTCCTCCCA CATTTNTGGA GCTTTTTTTT TCCTTCCNCA 240
TTGACCTTTG TGGTCTTCTG TGATTATTTA TGCTGCCTCC NAAGGATAGA ATTGAAATAA 300
AATGTTTTCA ACTTAAA 317

配列番号：3911
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04636
配列：
GATCAAAGGT TCTTCATTCA AAAAGAAGCA ATATCCTTTT GCCTGATATG GGGTGGGAAG 60
GGTAGGTGGC GATGATATTT CAAATGAATT AGAAACCACC TCCCATTTGA TGATAGCTGG 120
AGAAATGGAC TGACCTAGAA GTTACAGGAC CAGAAACTAC AGTCACCACT AACCTTTCTA 180
CGTGGCACCC AGCCCCACTT GGAGACATTA TTTTTCCATC AAACACAACC GTACTGCACA 240
GACATCTTCA CTGTCTGTTG CAAAGATTGG AATACGTAGA TTTCTGTTCA AAATTAAATA 300
ATATTTTAAA TACAAA 316

配列番号：3912
配列の長さ：316

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04637
配列：
GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGAC AAAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGAGGC 60
TGTGTGATTT CATAATACAA ACAAAAAGAA AAAAANTTAA ACAAATTCTT GGAAATATCT 120
CAAATGTTAA TAACANTATG ATTTTTTNTC ATGCATACTA TTACTACTAA GCATGTACGT 180
GANTTTTTAA ATGTATAGNT GTAAACTTTT AATAAAANTN GGGGTGTGGT AACCCNGNGG 240
GNCTATGTTT TNNTTAACAT AGCTGGCACA GGGTTTAACA CATAATNGCC ATAANTATTG 300
CTTAAGGTNC TTTAAA 316

配列番号：3913
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04638
配列：
GATCCACCTG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGTGCCCGG 60
CCAAACCATT TTTGTTTAAT TTCATTTCTA CATGGTCGTC AAACGTGCCT ATCCAATGAA 120
GCCTTCATAG AAGGCCCAAG AAGACAGAGT TTGGGGAGCT TCTGGATAGC GGANATGTGG 180
AGGTTCCAGG AGGGCAGGGT GCCCAGGAAG GGCATGGAAG CTCCGTGTCC CTTCCCCATA 240
CCTTGCCCTA TGCATTTCTT CATCTGTATC TATTGTGATA TCCTTNACAA TTAAACTGGT 300
AAACATANAT AAA 313

配列番号：3914
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04639
配列：
GATCACCAGC TCACGTCATG TTGCCTTCTC TTTTCTTTGT GTGTGTGTTT ATTTAAGTNA 60
TTTTTCTTCC TCCTCTCCCT TTTCTTTTTG GCCCTCCCTC CCTCCCTCTN CTGCCATGTA 120
ACTGGAGGAT GTGCTATGAG TTTGCAAACA GCTGGACTGT CAGGCTGCTT TTTTTCCAGA 180
TGTTCCTCCT CTGCCTCCCC TTCCCCTCCT CTCCCCTCCT TTTCCTTCCT TCCTTCCTTT 240
CCTTGGAGCA CTGAGCACCA TTTGGAAGCT TGAGAGAAAC CAAAATTAAA GAGAGAAAGA 300
GAGAGCGTGA AA 312

配列番号：3915
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04640
配列：
GATCTAGAGG AAGTACAGCC ACCCACTGAC ATCTGANTTT ATATACCTNT TGAGTTTTGA 60
GTGCACCCAA ACACTCGATA AACCAGGTGA AGAAATTTAG CTTCCATGTT CTACTTCAGC 120

TAAAACAGCT ACATACAACC TAGTACCCTT GANGTCAGAC AGACATTTCA GTTGCTTACC 180
TCCAGTACTG AGCCTTGCTT TGGGAAACTA AAAGATTTAG ACCAAGTCAC TGCCAGTTTT 240
NGCCTTNGTN GCATTTNGTA CAGTTTTTAT ATNTNGGATA TCTTGTAAAT AAAGACAGCC 300
AGCTTTTCAA A 311

配列番号：3916
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04641
配列：
GATCAAATCT AAAATAAGTA TAATGCATTG TAATTCCAGA GATAAATCCT AGACCCTTCT 60
TGGCCTCCTT CTNACATAAT TCTAATCCTA CAGTCTCAGA GATGCTGTTG TATCCTGCCC 120
CCCAACCCCA TGATAGTNAT AGTGGTTTTT GCCTTGAAGG AATTGCTTTG TATTTAGCTT 180
TTCCCCCTCT AGATTTCTAG TTCCTTTTCA GTATTGGATT GGATTTGAGA TTTGATTAAC 240
CTAGTACTCA GGTTCAGATG CTCGCCTCTT TGCAATTTTA ACACTCATTC GACAATAAAG 300
TCAGTNGN 308

配列番号：3917
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04642
配列：
GATCTAATGC ATCCTATATC CAGTAAGTAG AATTATCTCT TCATCTGGGA CCTGGAAATC 60
CTGAAATAAA AAAGGATAAT GCAATAAACA CAGTTGCAGG AAAGTATGTT AGCTATATAC 120
TATGAAGTAC TCTTAGTTTA CTTATGTTGA ATGGCTTAGC TATTAATACT CAAATTGAGT 180
TAAAATGAAA ATTCCTCCTT AAAAAATCAA ACGTAATATG TATTACATTT CATGGTACAT 240
TAGTAGTTCT TTGTATATTG AATAAATACT AAATCACCTA GGTGTCTATG TTCTATCACA 300
TCTAAA 306

配列番号：3918
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04643
配列：
GATCAGCTGC AGCAGGNTGG GTCCCTCTGC ATCTGTCCAT CACTGCGACT GATGGCAATG 60
ACTGAGTATA ACACCTTTCT TCATGGTCAA CTCTACCCAG GAACCACGTA GGGAAGGAAA 120
TTCTGGAAAA CAGCTCCCAG CCTTAGCCAA CTTGACATAT CATAATCCAA CAGANCTCAA 180
CCTCTACCAA CTTGGAAATC ATGTACATTT GTCAGGACTG TATTTAATTT CCACATAGAG 240
AGAAAGCAAA ATTATACTTT TGACCAAACT AATAGANTTA TCCATTAAAC ANACAAAACT 300
GTGAAA 306

配列番号：3919

配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04644
配列：
GATCCTCCCA GCTCTGTCTC CCAAAGTTCT GGGATTACAG GCATGAGCTA CTNTGCACAA 60
GCTAAGAATA TGTGCTTTTA AATCCCATAA GGAAAAAAAT ATTTTTGGTA AATAAAATTA 120
AAGCATAAAT ATCATGATTT ACCTGACGTT TACCGTAAGC AACATAAAAG ATATGTGATA 180
CTGAATGACT AAAANGTAGT TTTGGTTAAA GAGAGTTCTA GTTTCCATGA GGNCTCTGAC 240
AATGCTGCAT TTTATTTTNC TTTTTAATGT GCACATTGGT ACANGTTTAA CTACTCTACT 300
CCTGTN 306

配列番号：3920
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04645
配列：
GATCCTGTTA TGAAAAGCCC TAAAAAATAG GGTATAGAGT TTGGGCATAT TTCAGAGGTA 60
ATAAGAAAGC ATTCTGCATT TTTAAAGTAA GGTTTAAAAA TGTTTCTAAT TAGNGATACA 120
GCAAAGTTGG TGTGAGAGGA TAAAGCTGAT ATACATAATC TGAGGAGTTC ATGAAAATTC 180
ATGTAAANCT GTAGTATGAA TTGGCCTAGG NGCAGCAGCT NAGGGCATAG NGACTTTAAG 240
ACTTTTCCAA GAGAGTGNAG GCTGGNGATA AATTGTGACT AAAATATATT TTGTGTTTGN 300
GAAA 304

配列番号：3921
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04646
配列：
GATCAAGTAA TTCTTTCACT AGGTTGGGTT TGGGGAGGGG GGAAAAGAGG GGCTTTTCCT 60
AGGAGAACGA TAAGAAATGG AAAGACTCCT TGAAGTGTTG CAAGGGAACC TCCTAGCACT 120
GTGAAAGTCA GAATCGCCTC AGCATTTCCA TGACGCACAT TATGCAAATC TNTTTAGCAC 180
TATTTTAAGT TTGAAAACTT TAACAATGAA GGGGAAGGGG AAGNTTTCCA CCAACTGANT 240
CATTTGTGCA CGTGTATAGC TCAAAGNGCT TAGACTTCAA ATATATCTGG TGAATGACAA 300
A 301

配列番号：3922
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04647
配列：
GATCTGCCTG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GAGATTAGAG ACGTAAGCCA CCATGCGTGG 60

CCAATAAGAC TGACTTTTAA TTTTCCTTTC TTGTACTGTT CTTGTCTTGT TTTGGTATCA 120
AGGTTATATT AGCCTCATAA AAGGAGTTAA GAAGTGNTCG CTCTTTCTAT TTTCTGAAGG 180
AGTCTGCTAA GTATGAGAAC TCTCTATTTC ATGAATGATT GATAAAACTC TCTTGGAAAC 240
TGTCTAGACC TTATGGAAAT ATTTCAGTAA TAGTTACAAA GCTATTCAAG TTGTCTGGTT 300
N 301

配列番号：3923
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04648
配列：
GATCTCAGTT GGATAGTTGT ACCTCAAAAA AGTAGGTGAG AACTGGCTTC CTCATTGTCC 60
CAGGATGTCA AATACTAATG ACATAAGAGC TCACTTACGT GCCAAAATTC ACTTTTATAC 120
TAGTTTTTGA GTGCTTTAAT ATTTGTAACT NAAATTTNAA AACTCGTATT TACAAACACT 180
ACTGTAACTN CAGTGAAACT GAATTGTGCG ATTGANGCTT TTTGCTTATC ATAGTATNTA 240
TTACACTACT TANTTCAGTA AATATATAAA NGTAGCCTNC AATTGANGTG TNTATTGAN 299

配列番号：3924
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04649
配列：
GATCAGAAAG GTGAAATGTT TCGAATTTAA AATGTTTAAA GCATGTTTGG TTTTATTATT 60
TTTACATAAT TGTTTACCAC TAGTTTTTCC ACTAGCTTTT TATTATATAT GTTTAATTAT 120
GTAATTGTTA TTCACTAGCT TTTATTATAT AATTCCTTTT AAATAATACT ACTATTCATC 180
AACTCTTGTG GCATAAGAAT TGCAGTTTTT TCTACCAAAC TTTTACTTCA TCTATGAGTC 240
GTGTTAGAAA TAGTCATTGA AAAAATATAC AGTAAAATAT CTAGCAAAAT AAA 293

配列番号：3925
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04650
配列：
GATCTGGTGA AGGCCTNCTG GCAGCATCTT CTCAGTAAGA CCTCATGTGG CAGAAGGAAA 60
GGGAGCTATC TGGAATCTCC CTTATAAGGG CCCNNNNGCC ATTCATAAGG GCTGCACCCT 120
CATGACCTAA TCACCTTCCA AAGGCGTCAC CTCCTGGTAC TGTCACCTTG GGCGTTACGA 180
TTTCATCATA TGAATTTTGG GACGGCATAT TCAGTCCACA CCAGGAAGTT CTTGCACNTC 240
ATAGTCGAAA GTCAGTTTTG TGGCTATAAA AATCTTGGTT CCATTTTCCG CTN 293

配列番号：3926
配列の長さ：292
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04651
配列：
GATCCACCCG TCGTCGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGACATG CATGCCCGGC 60
CAACATATAA TTATTATACA ACCCAGCCAC TGCACTCTTG GGCATTTATT CTAGAGAAAC 120
AAAAACTTAT CCCCACTCAA AAGCATGTAC GTGAATGTTC TTAGCAGTTT ATTTTATAAT 180
GGTCAATATC TGGAAACAAT CCAAATGTCC TTCCATGAGT TAATGGTTAA AATAACTGTG 240
GTGCACCCAT ACCATGGAAT ACTGTTCAGC AATAAAATGG TATGAAATGA AA 292

配列番号：3927
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04652
配列：
GATCCTATCT AAAAATATGT AGTTATTAAA CATTCTGTGG ATATTTGTNA ATAAGGTAGT 60
TNCTATGGTC CGAATATCTG GGCCTGCCCC CCCAAATNAT GCTGAAACCT AATCACCAGT 120
GTGATGGTAA TAGGAGGTGG GACTGAGCTC TGATGAATGA GATTAGTGCC CTTATAAATT 180
ATGACCAAAA GAGCTCTTCA CTCCTCCTAC CATTTGAGGA TACAGTGAGA AGCCTTCATC 240
TATGAACCAC AAAGTAGCCC TCATCAGACA CTGAATCAGC CAGTGCCTTG N 291

配列番号：3928
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04653
配列：
GATCTCACAG AAGTTATTCA ATCTCTAGGT TGCTTTAGCA TCTACTTGTG TAGTGAGAAG 60
AGTTATTTAC TTATATTGTG CATGAGGCCG TTTAGATATG TTAAATGCAA AACAGAACTC 120
TTGCTAGCTA AACACAGTAG AACTTGAATT TTTTTTTTNA GAGGTTATTT AATANCAAAA 180
TCAGGTTATT TGTGACTTGG TTGAAGTAAA CGGTGTCTCA GATAAANTAA TTNGTTAAAA 240
GAGTTGCCCA NTTTATGTCT TATANCTTNA ANCAANTANN TANTAATAAN 290

配列番号：3929
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04654
配列：
GATCTGGGAT GTGAGTGTAT CAAATCTTAT CAAATCCATT GACAAATCAG TGGTGCTATA 60
CTGGAAATGG CTACTCCTTT GGATGAAGGA CCTCATTTCC CAGTTGCTTG GAACAAANGA 120
GAATTTACAT NNNNCTGTAA GAAGGGAGAG ACGGCAGTTG TTGGTAGACA CACAGNNAAG 180
GGTGCCCAAG AATAATTCTG TCTGGATTAA AGGTCCCAGG GAAGTGACGG NGCCATTTCT 240
GTACCAAGAG GTGAATATAA TTTGCATGTT NGNGTGCAGT AATTAAA 287

配列番号：3930
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04655
配列：
GATCCCAAGA TGACTGGGGT GGGAGGTCTT GCTAGAATGG GAAGGGTCAT AGAAAGGGCC 60
TTGACATCAG TTCCTTTGTG TGTACTCACT GAAGCCTGCN TTGGTCCAGA GCGGAGGCTG 120
TGTGCCTGGG GGAGTTTTCC TCTATACATC TCTCCCCAAC CCTAGGTTCC CTGTTCTTCC 180
TCCAGCTGCA CCAGAGCAAC CTCTCACTCC CCATGCCACG TTCCACAGTT GCCACCACCT 240
CTGTGGCATT GAAATGAGCA CCTCCATTAA AGTCTGAATC AGTGCAGAAA 290

配列番号：3931
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04656
配列：
GATCCTGAAG GGAAGGGGCA GGGATTTCTC CTTCTTCTTG GTCCTGGCTC CCAAGGGCTT 60
CTGTCTTCAT CTCTGCATGA GCTCTCCTTC CCAGAGACCA ACTCTTTTTN ATTTNATTTN 120
ATTTNATTTT TNAATTTATG TCTGGAGCCT GGCTACTCTG CATTTGGGNT TGGGGATGCT 180
GGGTGGGTGT GTGGTCCATG TTCAGCGTTC TAGCAACACG TGTGTGTGTG TGTGTGTAAA 240
GGCTATGCAG CCAAAATACC ATCTGGCCAG ACGGGCCCAC CCACAAA 287

配列番号：3932
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04657
配列：
GATCACCTGT TCCTACAGTG ACAACTGGAC CTGGCCCGAA CCCCTGGCAT CTGGCAACAT 60
TATTACCTGT CGAAACAGAA GTAGAGATTT GAAATAGAGG ATGCCAGTTC CCATTTCCTC 120
CTGCTGTCTG GAAGGAAGTC TGGCTTTCCA GCCCAACTCT AAGCTCATCT TTACATACAA 180
AATAAGGGTA TGTTTACATG GAAAGCAAAA ATAGAACCAT GGATTTACAG AAGGTTCCAT 240
AGCAGCAAAT ANCAGTGCTT ATGAAATAAA CATTTTAAAT ATTAAA 286

配列番号：3933
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04658
配列：
GATCTAATTG TGAAATCGTT CACCTTGTTA AACATCTAAG TAAGTCTGTA GTCGCTCTGC 60
AAACAGCCAT TATATTTATT TACTCTAGAA GAAACTGTAG AGTAGTAATT CGTGCTAATG 120
AGAAAAACAA AATACCATGT TCAAAACAGA TGTATTTGAA AACTTAATGA CATGGTTCCA 180

AAAACTAGAG CATGTATGTA TGCTGTGCAT CATCTCAGCA GACCTAAAAT ATCCCCAAGT 240
TGTCCCTTTA CAGCCATCAA TATATTTNAC ACTCTGCGGC AAA 283

配列番号：3934
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04659
配列：
GATCTGAGTC CTAGGNNCGC CCTCATTCAC TAGCAGTAAG AATTTAAGTG GTGCATGGCA 60
CATAGCACTG TACTAGATTC TGCAGGGGCA CAAACATAGA GCCAAACACT CTCCCTCTTG 120
GAGAATTTCA GACCCAGAAA AGGCCACGCA GTTCTAACTT TTGTCATCGG TTCCTTTTGC 180
TAAAAGGCAA AGGGTATGTT CCTTGCCTAT TGTCCAACAT ACCCCTTCCA AGATTGTGAG 240
AAGATGGGTA GCTGGGCATC ATTAAATATT GAATCAATTG AAA 283

配列番号：3935
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04660
配列：
GATCCACAGC TTGCAGGAGA AAGTCAGTGG CCCCAGACAC ACGTAACAGG GTGAGCACTG 60
AAATAAGAGC ACGCTGGGGC GTCCACACCA AGGGACTACG CCCCAGTCTG CCCACCTATC 120
TTTTCTCCAT CATTAACCCA GCGCTCTTTC TCCCTGGACT TCCAAGTACC AATGACCTTG 180
GGGCTTCTTT GCAGTTTAAA GGGAAAATGC TCTACAAANT AATTTCACTN TCAAACANNT 240
CAGCAGAAGA ATAAAATNTT TTTTCTGGNA TATCTAGTAA A 281

配列番号：3936
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04661
配列：
GATCCAATCA CATGGCAAAT GCCTCCTTTC ACAATAGAGC ATGGTGCTGT TTCCTCACTT 60
GANCTGAAAC TTCATAGAAG ACCAGGTGAG ACCACAGAAT ACTAGATGNN AATGTTCATG 120
TAGGTAAGCT TTATATTTCC TTCCAAGCTC CATTGCTACA AAGGTGTAAA TAAAATACAT 180
TTTTATGAGT TGAAGTAACT TCATGGTAGA AAATAATAAC TCTGCCTTCA AAAGCAAATA 240
ATGGTTTCTT TGTTAACCAA TAAAGCATAA GANAATGAAA 280

配列番号：3937
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04662
配列：

GATCTTTAAA TTTTTGTCCT TAGTTAAGTT CTGTATTTAG TGAATTAATT GCATCCTAAA 60
AAGTCAAACT TGAAAAGCAC ATTTTAAATG GCAAATCTAT TTTTTACATG TTTGTGAAGT 120
TTTTATTTTT TAGTAAACAG ACCATCAGAA GAGAACAATG GTACAGAGCA GGGGTCAGCA 180
GATGGATTTT GTANNGCATC AACTTGTAAA TATTTTCAAG TTTATTAGCT GTATGGCTCT 240
GGTTTCTGTT CCCTGTTCCA AATGTTAAAG TCTACTGN 278

配列番号：3938
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04663
配列：
GATCGACATT TAAAAAATGA GGTGAAAGAA AGCTATAGTG GCATAGAAAA AGTATAAAGC 60
TCAGTTAGTT TTTTTATTAT TATTATTATT AAAAGTTAAT TCAGGACTGA TGTGACCTAC 120
CAGATTTCAG AACATGTGTT AATAGTATAT ATGCCACTGA AAACTTAGGT CCTGTATCAT 180
ACTTTTTNCT TTAAGACTTT TTAAGAAATA TTACTTAAAC ATGTGGCTTG CTCAGTGTTT 240
AATTGCAAGT TTTCAATCTT GGACTTTGAA AACAGGATTA AACGTTAGTA TTCGTGTGAA 300
A 301

配列番号：3939
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04664
配列：
GATCTCCCTT TTACAGATAT CAGAAAGCAT GAAAAAAATA GAATTGGATT TAATGCTTTG 60
CAGATATTCT GTTTTTTTTC CCAATTATTT GATTTCACCT ATATACATAT TCTTTNNTCT 120
TTTTCCTAGC TTTAGAAGCA AACCAACAAA AGCAGTTTGG ACTTTAGTAA CTTTTTTTTA 180
CAGCAGCATT TAGAACAGTT TGCATGTTCT GAGGAATATT ATATGTGTGT TGGGGGGAAA 240
GGAATTCACA CTGAATAAAT TTTAGAAATA ATTAAA 276

配列番号：3940
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04665
配列：
GATCTTACTG CAAAGGAAAC TGACAGAAGA AAAAGAAAGT GCTTTTGAAT TTNTTTCCTC 60
TGCCTGACTA GACAATGATG TTACTAAATG CTTCAAAGCT GAAGAATCTA AATGTCGTCT 120
TTGACTCAAG TACCAAATAA TAATAATGCT ATACTTAAAT TACTTGTGAA AAACAACACA 180
TTTTAAAGAT TACGTGCTTC TTGGTACAGG TTTGTGAATG ACAGTTTATC GTCATGCTGT 240
TAGTGTGCAT TCTAAATAAA TATATATTCA AATGAAA 277

配列番号：3941
配列の長さ：279

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04666
配列：
GATCCTAAGC CATAGACAGG CTAATTGCCC ACCACTCCCA GGAATATTGA AATAGCTACA 60
TGACCATAAT GTGTTTAAAA TGTGGTATGC TCTTGAGATA TTTAAAGTTT TGGCAGTAAA 120
ATACTCTGTT TTTAAGTATG AATGTATTTC ATTCATATTT CCTCTCACAA AGGAAAATGA 180
CTTCAGTATA GATTTGTTTT TATTAAAATG CATTTTTTAT TCTTAAGTGG TAGGAAGCAA 240
CATCCAAAAN TGCTTAATAA AATGCTTTTA AGCTGCAAA 279

配列番号：3942
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04667
配列：
GATCAACTGG CTTTTCTCTA TTATGACTTT AGATGAATCG TTTTAATAGA TTTGCTAATG 60
TTAAGACATC TCTGCATTTC TACAAGAATC TGATGTAGTC ATAGTATACT ATTCTTTTAA 120
TATACATCTC CTTTCAATGT TAACAGTGGT TATTTATGAT TGGTTGGTCC ATAGTAGATT 180
TTTATTTTGT GTTTCTTATC TGNACTTTCT GATTTTCCTA CAAAGATNNG NGNNNTACTT 240
GTATAATAAA AATAAGAGCT TTAAATNGTG AAA 273

配列番号：3943
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04668
配列：
GATCGCGTCC AGATGGAAAA CGGAAGCAGA GGCTTCTAAT CGTCGCATTT ACTGGCTCCA 60
GTGCAACACA TCCATCTGAA AACACTCGGA AGTCTGGTGC TTGGAGAGGG TGCCATTGTC 120
TCTTGTACAT AAGGTCATGA CGTGTCTATG TCAAAAGTTC TTATATATTT CTTTTATAAG 180
CTGAAAGAAG GTCTATTTTT ATGTTTTTAG GTCTATGAAT GGAACGTTGT AAATGCTTGT 240
CAAACAATAA AAATAACGAA AAGTGAAA 268

配列番号：3944
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04669
配列：
GATCTNGTGC CTGGAAATAG CCTGAGGTGG CTCAGGAAGC GGAGAAAGGG TGCCAGACCA 60
TTCTCTGGCG GGGACCAGGG CCCAAGGCCC CAGGGCTGGA AGNAGACCAA GGGGCAGCCG 120
CCCTGGAGGG ACATCAGTGC TTCCTCTTCC ACCCAATTCC CCCACGCGGT TCCATGTTTT 180
CCCACCAGCC TGTTGGCGAA GTTGCTGCTC CGGCATTCAG TACCTNNTNN NNCCAGAGAA 240
ATANNNNGAG TTTCTATTTT ATGTTAAA 268

配列番号：3945
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04670
配列：
GATCAGATGG TTTAAGGCTA CAACACGAGG CCAATATCTG TATGTNAAGG AGACAGAAAC 60
ATCAATGTTT GGAGTATATA TTGACCTTCA TTCTTACTTT CTCCTTATTC TCTTATGTAA 120
CTGTTAATTT TTCCCTTCCT TGGCTCTATG TATTTAATTA TAATAAGCTT TACCTACAAG 180
CAAAACAAAC CAAACATGAA CAATGAAAAC TACTTTTGGT CATGTAGCAG AAACAGCAGT 240
CAATAAAGGA GAGAATGAAA CTAGAAA 267

配列番号：3946
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04671
配列：
GATCCTGTGA AAGCTGATGC CCATGTGCCC TGAGAGCTGC CTCTCAATCC CTGTCCCAAG 60
CCACAGCTAT GGCGTTAATG TCACCAGTGT TCTCACCCTC TAGGCCCTGT GCCTGGAGGT 120
GCCTCCACAG CCGACCAGCA GCCACCCCGC CTGCTTCATC CACATCAGGA GGGTCCGGTG 180
AGGCTGCAGC AGTGGTTAAG GAGTAACACC TTCTTGTATT AAGGAATTTT AAACTAAATA 240
AAATGTATGT TGGAGATACT GTTAAA 266

配列番号：3947
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04672
配列：
GATCCCTAGG TCTTGGGAGC TCTTGGAGGT GTCTGTATCA GTGGATTTCC CATCCCCTGT 60
GGGAAATTAG TAGGCTCATT TACTGTTTTA GGTCTAGCCT ATGTGGATTT TNNCCTAACA 120
TACCTAAGCA AACCCAGTGT CAGGATGGTA ATTCTNATTC TTTCGTNCAG TTAAGTTTTT 180
CCCTTCANCT GGGCACTGAA GGGNTATGTG AAACAATGTT NAACATTTTT GGTAGTCTTC 240
AACCAGGGGT TNTTTCGGTT TAACN 265

配列番号：3948
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04673
配列：
GATCTAGNAA ATGCATATAT TTAGCGGGTA TTTGAAAGAT AGAAGCATTA TTTATAACTG 60
AAGAGTATAA CACTTATCTN CTTAAGTAAA TGCTCTCATA ACTTGTATAC ATTTTTNCAG 120

GTACAAATTC AAAAGTATGT AAGCATTGTA TAATGTGACA ATTGTATAAT TTATGTAATC 180
TGATGCATGA NTCAGAATTT TTATATAATA TATGATTATN GACTTATAGT TGATTAANGT 240
GTTTAANCTT AAAANANAAN ANNNN 265

配列番号：3949
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04674
配列：
GATCTCTAAA CTAGCTCTTT TGTTAGTATC GTCTCACAAA CTGATTATTT TCCTCTTTCT 60
TTGGTAAGGT CAATAACTGG GAGATGGACA AACTAGAGAT GGAAGATGCA GTCACATTTT 120
TGAAGACTAA AATCTATTCA GTAGAAGCTC TTCCTGTTGC TGCTGTAAAT GTGCAAAGCA 180
CACAATAAAG TGAAAATCAA CCTTTTCATA TTAGGAGACA TGCATTTGTA AAAATTAATA 240
AAGATGACAA GTCAGTTNTC AAA 263

配列番号：3950
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04675
配列：
GATCCACACA CTACAGGAAA CAGTTGGCTT TGGAAATCCA TCTTTCTGAT ACCCCTCCAG 60
CTGAACAATT TTCTGCATGG GACTCTGAGT TCCTTTCCTT CCCAGAGAGT TTTACCGTAT 120
GAAGCCTGGA GCTGGAGAAC GAAAGAATCT TCACTATAAA CAGAGACCCA TTCATTTATT 180
TCCATTGGCT GTGTTACTGG ATGTTTTACT GGTTGACGAG AAACTGGGTC ACAATAAAAA 240
AATGGAGATA TGAAACTCAA A 261

配列番号：3951
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04676
配列：
GATCTGTTTG TAATACAAGG TATTTGGNCT TGTCTTTAAC TGTATAGTGA TTTGTGGGCA 60
GGCTGCAGGA GCCAGGATAA AGAATGCATG TTTGAAATCT NCTCTATACA AATGCATCCA 120
CACTCTCCNG CAAAGGGATG AGTTTCTTAG CCGTTTTCAC TTGATACAAA TGCTATTGTT 180
TCCTTTGGAN GGNGTGAAAA ANTGNANGCT CCACCTGCTC CGTGAGTAGC ATTGCTCTCA 240
ACTGGTGTTC CCAGCCGTTC ACATGTCTAC CCATTCTCTC CCTTANGGTT TTCTTAGGGN 300
GCNGGNGGNT GNNTN 315

配列番号：3952
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04677
配列：
GATCTAAACT TGATATGTTA AATTTAAATT TAATTTCCCC AAGTGTGAGT ACTATATGTN 60
ATTGTAGATA ATTTGCAAAC TACAAAAAAT AAAAATAATT GGCTGGGCGT GGTGGCTCAT 120
GCCTGTAATC CCGGCGCTTT GGGAGGCCGA GGTNGGTGGA CCACCTGGGG TCAGGAGTTC 180
AGGACCGGCC TGGCCAACAT GGTGAAACCC GTCTCTGCTA AAGGTATAGA AGCTNGCCGG 240
GTGTGGTGGT GGGCACCN 258

配列番号：3953
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04678
配列：
GATCCTCACT CAACGAAAAC TCGNTTGGAA ACTGTTCCGN CTGGCAGTCC TTTTTTGTTG 60
TTTTCCATCT CATTTCCCTT CCATCTGAAA GTGGCATTCA GCTGACTNGC TCATTTAGAC 120
NGTTCACGGA GTCTGAATCT GCCAACGTGG TGTTGGAGGC TCCACCTTGA AAAGGGCCAC 180
AGTCAGGGCA ACTTTCCCCA TACAGGAAAA CTTGAAAATT ACATCAACAG TCTACGTCAC 240
AGCCAAATTA TATTTCCN 258

配列番号：3954
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04679
配列：
GATCCAGTGG CTGCAGCTTC AATCCCAGTG CTGNANTCAC ACATCCATTC TGCCCTGGGG 60
GACCCTGGAG CCTACTTGTG CGCTTTGCAT TTCATTGATT GACGNCTCCC TTCAACAAGC 120
ATTTACTGNG CGCCTACTAT GTACTAATGC TAGANGTTAG ATGTACAAAG AAGACAGTTT 180
TCATCCTCTA GGNACTCATA GGCTAATGGT GAGACACACA GACANACATC ATTATATTAN 240
AATANGCTAA GNGAAAA 257

配列番号：3955
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04680
配列：
GATCTACAAG GCCACACAGA TAATTNCAAA TACATCTCAT TTCCTTCTGA TTCAGGCCTC 60
GGNAGACCCC AAGGGGAAGG AGTTCTCATG GGNCACTATA ATCNATGAAG CTGAAGTTGN 120
AATATAGANG GCAGATTTAA AGTTACCATT TTTTTTTAAA CACCAGCTAT GGTCCTTTCA 180
AAATTGTACA AGCTGTCAGT ATCACCTGCA CATGAGCAAT TTAGTCTNNN GGNGGNGTGA 240
GAAGTTTAGG TCTTTNN 257

配列番号：3956

配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04681
配列：
GATCTGCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT GAGTGCCCAG 60
GCAGAGAAGT CCTACACCAC GTGTCAAACT CGGAACACAA AGGGNCACTG TCTTATTGCT 120
TGGTACAGTA CTCCTGTTTG TTGAGAGCCC ATTTACTAGA GCAGCTCTGT TTGTGCTTAA 180
TGAAAGCTCT TTTCTGAGAG GCAACAGAGT GTGTTCTATC ATAAATGAAG CGCTCTTCAA 240
GAACTTCCTG AGCAAA 256

配列番号：3957
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04682
配列：
GATCCACCGT CGGATTCCGT CTGCAGAGGA GGACGTAGGG GGCCGTCACA CCCACCAGGC 60
CTCCCTGCTG TGCTTTAACA CAGGCAGAAG AGGTTCATGG CAATATAATA GTCAATGAAC 120
TTTCAGTTTA AATTGTGTAC ATTTTTAAAT TGTAAGATTT TTACTGTATA TTGATGCATA 180
GTGTGATTCA ATAAATTGCT TGTAATTTAA AAACTATTTA ATATTCAAAA TAAATATAGT 240
TATATATTTA TAAA 254

配列番号：3958
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04683
配列：
GATCTGTTTT AAAGTTGGGG GGTGGGAAAT TTAGCTGACT AGGGACAAAC ATGTAAACCT 60
ATTTTCCTAT GAAAAAAATT TTAAATGTCC CACTTGAATA ACGTAATTCT TCATAGTTTT 120
TTTAATCTAT GGATAAATGG AAACCTAATT ATTTGTAATG AATTATTTAG ACAGTTCTAA 180
GCCCTGTCTT CTGGGAGTTA TCANTNTTAA AGAGANCTTT TGTGCAATTT CAAATGAAGT 240
TTTTATAAGT AN 252

配列番号：3959
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04684
配列：
GATCCGGAGT CTTTGAGGCC ATTNTTGAAC TACTAATTCA ACTAATCCTG AACCACCATA 60
TTTTCATATT CATCCATGAA GTGTTAAGTG TTCTTATGAT TTAAACCACT TAGCATTGGT 120
TTTTATATTT CTTGCAGCCA AAATCTTCCT AACAGTAAAA TAAAGTTTCA AGTTTCATAA 180
GTGCCAATGA TTTTTAAATG TTAATAAATT TGTACTAAAT AAAAATGGCA ACAGGAGCAG 240

GTAAACCTAA A 251

配列番号：3960
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04685
配列：
GATCTTCTAA CTTATAAATG TCAAATATAT TTTTGTATTA GATTGTGCCT ATNATGAGAG 60
AAATCTTTAA TGTATATTTN ATGTATGCTG AACACATTTT TATAATTTGN CACACTTGGA 120
GGCATGGTCT AGTAATAATA ATGTAATATG TACCTTGCTG GTTANTATAA CTAAGATTTT 180
GCCTTTATTG GGTTAGGTAT CTNTTNTTTA TTNTNGCACC NGNTAGCTGN CTTCTACTGA 240
GTAAAGANTT N 251

配列番号：3961
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04686
配列：
GATCCAACTT CAAAGTAAAA GTTGGAAAGG GCAAGAGTCT TTTAAGCGGA ACTTCAATTC 60
TNTTNNCATG GTTACTTATA TATAATGAAT ATAAATAGAC AAATAGGACT TGGAAAATGT 120
GGTATATTCT AAGTCAAGAT GCTATGAAGT TGTTATAGTT TAAGGGNCAT TCTTAAGAAG 180
GAATTACTTA AGTNCATTAC TCTNCTCATT TCAAGGACAT GAAAAAGTAA AGGATGGTCT 240
GGCACTATTT N 251

配列番号：3962
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04687
配列：
GATCCTGGAG ACGCCATTTC CGAGATTGTT CTGCATATTC ATTTGCACAT TGTTGTCTGG 60
GTTGGACATG CGTGTGGGCT TCAGTGTGAG GCTTTTAATA TGTATATCCT GTTATCAATA 120
AAACAATTAT CCAAGTGGTT GAATCCTGTG AGACTTGGCA AGTGTGTGCA AATNAAGTAT 180
ACTTGACTTT TCAACCTCTT CTTTCAATGT NGCNNTTATA TGANATAAAG TAATCCATTT 240
ANCAGTTAAA 250

配列番号：3963
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04688
配列：
GATCGACATG AGATACAGAC GAGAGATTAT GTCTCTTATG GCTTTATCAT CAATTAAACT 60

TAGCAAAGTC TGTTAAATTT ATTTCAGAGT CTCCCAGCTG TGAAAAGTAG AGTTCCACTT 120
ATGTCATCCA TATCTGCACA GTAATCTTTT TTTTAATCCT AAACTTTCTT AACAGGTTTC 180
TNCTCCTNAT TCTAGACAAT AATGCTATGT GTTTTCCTTG AATACCATGA TTTTAAACTN 240
TTAAA 245

配列番号：3964
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04689
配列：
GATCGGTCAT GCTGGGGCCA AAAACATGGC AAGAAACGTC CCACTGTCAA CCTCCCGGGC 60
AAGCGTGTGC ACCTGCAGCT CAGGGCCAGC CCACCACACT GCCTTAGTGA CACTGCAGCC 120
GGGGGAGCCA CAGGCCGCCA GCAGGCTGAG GAACAATGCC GTGTGACCTT TCCNNCNNNN 180
AAAAAACAAA AACTGCAATT TTTATTCAAA TAAAAAAAGG GTAAAAATAA AAGTTAATAA 240
GGAAA 245

配列番号：3965
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04690
配列：
GATCATGGAA AGTTTCAGTG AAAACCATCA TGCTGTCTTC CAGAACCACG TTCTCCTCTG 60
AGGAGGATGA ATGAAGGTTG GGTTTCAGTC ATCATGCCTG CCCTTTTTTT CTTTGTATTG 120
TTTCTTAAGC ATCTCAGAGT CCTCTCATGG AATTTGGTTT CTATTTCCCC TCCCAATCTC 180
CACCTCACTC CATATCATAA GACATGTCTG CATTCTGGAA TATTAAACGT GGACATGGCT 240
CAAA 244

配列番号：3966
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04691
配列：
GATCATGCTT TTCCCTACTA AACTTCTGTA ACTGCATGTA TGATACATTA TTGCAGAGGT 60
AAGAGATAGT TTAATGGATT TTTAAAAACA AATTACTATA ATTNATCTGA TGTTCTCTAG 120
TTGCATTTTG CTGAAATGTA GTGCTGTTCT AAATTCTGTA AATTGATTGC TGTTGAATTA 180
TCTTTCTGTT GAGAAGAGTC TATTCATGCA TCCTGACCTT AATAAATACT ATGTTCAGTT 240
TAAA 244

配列番号：3967
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04692
配列：
GATCCAAGCC CTTGTTCAGA TTTGGTGCCT GATAAGACAG GGGTTTCTCT TTTTGTGACC 60
TTTATTATTA TTATTTTGTT AACTGTTGTA ACCAGTTAGC TGTTGTGTTT TAAGATAGAA 120
AGGAACAAGA CTAAAATTGT AAATACTTTG TAAACATCAG CATTTGTACT TGAATAGTAG 180
GATTTTAAAG GGCATTGATA GCATACCAAA CAAAAGGCAA AATAAAGTGA CCTTTTTATA 240
AA 242

配列番号：3968
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04693
配列：
GATCTTCCTC CCATGAAAGA AAAANCAAGA ACCAGAGGCG TAGACTNACT NAAGACACAA 60
CTCCTGGCTT TCTNAAGCTA TGGACTTGGA TTGGATTGCT GGGGGTTTTT AGAGAAAGGT 120
GACAAATTTC AGTACCTCTG GCATGCTGTC CCAGGAAACT AGGGCTCCCA CTAACTTATG 180
AGGTTTTTAA ACACATTGAA AATGACATGA CACCTAAAAT AAATTTGGAT TTGCTCATAA 240
A 241

配列番号：3969
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04694
配列：
GATCAAGGGT AAGAATAAGT ATCCACCTCT TTCCTTTTAA AAATTTTCCC TCAGAGTCCC 60
TATGTTGCAT ATTTNATTCT GTTCAGAATC TAACCTTTCC CTAAGGCTTA TCTTTCTAAC 120
AGATACTAAT TATGAATGGG CATCAACAAC TCTAATTAAA CCATTCTTTA AAACTCCTCT 180
GGGTGTTTTC ACAAAAGAAA TTCTCCCATG TTATGATGTG TGTGGTTGCT AAAAAGTAAA 240

配列番号：3970
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04695
配列：
GATCCAGACT GGCCAGATTT GAACTCCAGC ACTATTCCTT GATACCTCTG AAACTTGGGA 60
CAAGTAACTT AGTCACTATG TATGAAAAGA GATAATAATA CTAGTACCTT CCTCATACTA 120
CAAGACTACA AGATGTGGTC AAGACCAGAA ATATATAAGC ACTGTAAAAA CAATGTAAAA 180
CCAAATGNAA ATTCTTCATT TGTATCTNCC AAAAATAAAA AAATAGCTAT TTGGGAAA 238

配列番号：3971
配列の長さ：238
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04696
配列：
GATCAACCAG AAAAAAAAAA TATNATGAAA TGGATACACA CAGTGGACAC CTGTGAAGTT 60
ATCTTAGCTC CCCCAAAACT GAGANGTACA AATTAGTCTC CAAACCTAAT TACCAGTTTA 120
CAGGAAACAT NGGGAATAAA AGANCAANTT AACAACACAA AGAAGCAAAC ANCCAANTGC 180
ACAGTTTGGG AAATTCTGCA GAGGTAATGG CCTAGTTTTT TANCCAGTAC ATGTCAAA 238

配列番号：3972
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04697
配列：
GATCATAAAT GACAGGTGTG TGGAGGTCAT TGCAAAGGAA GGACAAAACC TGAAAGAGCT 60
ATATTNGGTG TCCTGTAAAA TCACAGATTA TGGTAGGTAA TGANCCATTT NCCTAATCCT 120
TTCTAAGANT AAAANGTTAC AAAATCATTG AAAGTNCTTA AAAGGAAATC AAGANCTATA 180
TCATAGAGAC TGTCTATCGT CACTTATGCT CATNGTGACC NTACCAAANA NTAAAAN 237

配列番号：3973
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04698
配列：
GATCGTAGAA GCCAAATGAA ATGTGACATA TCTACTGACT GATGACAAGG GAATTTCATT 60
AGGAAGAAGG TAAAGAAACA TCGTTGAGTA GCCTACCTTG ATTTCTGTCA AGTTCATAAC 120
CAGCTTCATN CTTTTAAAGG CTTCAGGTTT GAAATTAAGT CAACTGCATG CAGCTTTGCT 180
GATAAATGAA TAATTCTCTT TGATGCCATT TATGAGAAAA GACTTCAATA TCTGTN 236

配列番号：3974
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04699
配列：
GATCTTCCAG TTTAGGAGCA ATTTGGTGAA AGGAGTCGGG TGACCAGAGC TGGAATAACC 60
GTCTGCATGG CTGCACTCTG GTANCAGAGT GGNGACAGAN GTAAGGATAG TGTGGAGGGC 120
ACAGTTGCAA GTTGAGTCTT TCCATGAGAC AATGTGCCAA AGTTAAAAAA AAN 173

配列番号：3975
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04700
配列：
GATCCCTAAA TAAGTAGTTA TTCTGTTTTC CCTGATTTTN AACTTTTACT AATAGAATGA 60
GAGTAAATAT TTTTGGGTAT GTGGCTTCTT TTGTTCAACA TTGTTTTAAG ATTCATCCGT 120
GTTGCTTGTG TAGCTGTAAT TTGTTTTAAT CTTTATAGTA CATTCAGTTT TGTNAATGCT 180
TATTGTAGGA CTGTACCATA ATACAGGCAG CATGCTGCTG ATAAACACTG GAAA 234

配列番号：3976
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04701
配列：
GATCCTCCTG CCTCGGTCTC CCAAAGTNCT GGGATTGCAG GTCTTGGTCT TGATNCCAAG 60
TTTGGGAAAG NAGCTAAGAA GACATCCCAC TAGGAAGAGA GAGACTACCT CCACATCAAA 120
AATATTTAAG TNATTATCTC AAACAGTGAC ATCTCTTGGG AAAATGGACT TAATAGGAAT 180
ATGGGACTGA GTTCCAGTCT TTTTNAATAA AATAAAATCA AGCAANATCA TAAA 234

配列番号：3977
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04702
配列：
GATCAACCCC GTGAAGGTGG CCAACCTGGT GAAGGCGTAC GTGGACAAGT ACAGGCACAT 60
ANCNCAGGCA CANGAAACCA GAGGCCGGGG AGGAGCCGCC CACGCAGGGG GCCGAGGGCT 120
GAGGCCAGGC AATCACGGGC TATGCCNGGG AGCTGTCGGG AGTGGCGGGA ATCGGGGCCA 180
TGCCCGGGGA GCTGTCGGGA GTNGCGGGAA TNGGGGCCAT GCCCGGNGGA GCTN 234

配列番号：3978

配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04703
配列：
GATCATCGCA TTGAAATGGT TTTGGGAAGT ATGGAAAATT AAATGGATTT TTGAGACACT 60
AGTTTATTGG CTATGCAAGT GACAGTTTTG AAAAAGGCTG AATCTTATTG TTGGAGCCTA 120
ATGTAAATGC ATATATAAAT TCTGACTGTA TTTCAGTCAG TGTTTTCTTG GAAAAATTCC 180
CAGATTGGAA GCAGAAAGTA CAGACCAAAT AAAGATTATT CACCCACCAA A 231

配列番号：3979
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04704
配列：
GATCGCTCTC ACTGGCCTGC TGCAGATNAG CCAGGGGGAG CCTAGGCCCA GCTCCTCCGC 60
GGTTGGCCCC CCAGACCATA CCTCTGACCC ACCCAGCCCC CNNTGGTAGC CCCAGCAGTT 120
CTCAGGGTGC TGACCTCTCT CTCCCACAGA CCCCAGACAC CCATTGTCCA TAGCCTTCTN 180
AGGGCAGAGT GGGCTGGTTG TGTTGACAAT AAAACAGTGT TGGTTTGCAA A 231

配列番号：3980
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04705
配列：
GATCAAGTCT TGTCAGTTCG TGCCCTCTTT CCCCATGTTC CCTGGGAAGA CGGGTGGTGG 60
CAGAGTGAGA AGGCCACTGG TTCTGTGCCG CAGCACGCAA AATTTAGAAT TCTACAGACT 120
AGCTCTATAC GTAGTGAGGA CCCAGATTTA GAGAAACTGA CCAATATTTA TCTCCGCATT 180
TGTGTGTGTG TCCAACTCTG TAGGNCAATA AACCANCAAG ACAAATGAAC TGTGCTTCCA 240
AA 242

配列番号：3981
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04706
配列：
GATCCACCTC TACACCAGCC CAGGAAGCCC CATCTGTGCC TGCCCTCAGG TGGTCCACCA 60
GTCTCCCCCT TTGGTTCCCT TCCAGTCTNT TCCCCCTTTC TATCCCAATN ACCAATAGAA 120
ATGCTAACAT CCCTGCCTGG TAGCCAGACT AGCCCACTAA AGCTCCCCTG TAAATGGGGG 180
CTCCATTAGT TCTGCTGCCG AGACTAATAA ACGATTTGGT TGGCTCTAAA 230

配列番号：3982

配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04707
配列：
GATCTATTCC CACATGANGT GCGCCACCGA CACGNAGAAC GTCAAATTTT TTTTCGACGC 60
TGTCACCGAC ATCATCATCA AGGAGAACCT CAAAGACTGT GGCCTCTTNT NAGGCAGGGC 120
CTGTNCTGCA GTCGGGGACA AGGAGCTTCC NTTTGGCAAG GCCGGGGCAC AATTTGCACT 180
CCCCTCAGCT AGACGCACAG ACTCAGCAAT AAACCTTTGC ATCAGGAAA 229

配列番号：3983
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04708
配列：
GATCCTCCCT GCCCAAGTCT TACTTCGTGA GCTGGCCTTG CTCCCCATCC CCCAAGTGCC 60
TCACCAGTCC CCCAGACTGG GTGAAGGTAC AGCTGGCTCC TTTCGGGGGT GCAGCTTCAA 120
CTCTCTCGGC GGTAGGGCGG TGCCATCCCC ACCCATAGGG CTGGCTCACA TCCAGTCACT 180
CCCAACAGCG TCCANCACAC AAATAAAAGA CCCTTTGGCC CTGAAA 226

配列番号：3984
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04709
配列：
GATCACTTGN GGTCAGNCGT NCGAGACCAN TCTGGTCAAC ATGGCAAAAC CCCGTCTCTG 60
CTAAAAATGC AAAAATCAGC TGGGTGTAGT GGTGCGTNCC TGTAATCCCA GCTACTGGGA 120
GCTGAGGCGA AAGAATTGCT TGAACCTGGA AGGTGGTAGG CTGCAGTNAG CCAGGATTGT 180
GCCACTTCAC TCCAGCCCGG GCAACAGNGC AAGACTCTGT GTCAAA 226

配列番号：3985
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04710
配列：
GATCCTGGGC CAAACTGATT TACTATTTTA AATTTNAGTT TTAATGNGAC AGGGCCTTGC 60
TATGTTGCAG GGTGGTGTTG AACTCCTGGC CTCAAGCAAT CCTCTTGCCT CAGCTTGCCA 120
AAATGCTGGC ATTACAGGCC TGAGCCACTG CCCCTGGTCT GATTTACAAT TTTNAATTGA 180
GGGTTAGGGA GTCATAATAC CANCAAAGAT GGTAAAAGGA ATTTN 225

配列番号：3986
配列の長さ：221

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04711
配列：
GATCATCCTC TAAACATTTT ATCATTTATT AATCCTCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
TCATATCTCT ACGCTGCAAA ATTTGGGTCT CAATTTTTAC TGTGCCTTTG TTTTTACTAG 120
TGTCTGCTGT TGCAAAAAGA AGAAAACATT CTCTGCCTGA GTTTTAATTT TTGTCCAAAG 180
TTAATTTTAA TCTATACAAT TAAAACCTTT TGCCTATCAA A 221

配列番号：3987
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04712
配列：
GATCATCATC TGTGAAGCAT CATGGTAGCT TCCAAGCATT TGCGGCCCAC TGGCCAGNTG 60
CATCCAAAAC ACATTCAGGA AACCCGAGAG TTGTAAGTTG CACATGTGTG GCCTACAGTG 120
ACTTCCATGT AGTAACAGGG NTGNGCAAGG CANGNTCTCC ACCAGACTTA AAGCATTCAA 180
CCACTCTGCC CCCAGGGCGA CACTGGNCAT GTGGTTCAAT N 221

配列番号：3988
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04713
配列：
GATCTTTTTA AGATNNNAAT AAAGAGCTTT CCTAAATAAA ATAAGCAATA TTTAACTTTA 60
GAAACTGTAC TCTATGAAAC GTGTTTTATG AAANCATCTN TTACAAAAAG TGCTTACTTA 120
ACTCAGCAAG AAAGGTTTAA TGTACACATT TNACANCTAA ANTCAAAACC TACAAGAAAC 180
TGCACTGCCT TCACTATTTA CAAATCGGCC TACAAGGAAA 220

配列番号：3989
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04714
配列：
GATCTGGCTA TCTCATTGAT TATATTTTTC TTCCCTTATA CTGCAAAGTA CATCATAGGT 60
ATAATTTTAT TTTGAGAAAG AACTATATTC CAATTTTACC TATATATTCC TACTGTAATA 120
ACCAAGAGGA CATTTCAAAA ATGTATATGC TACTATTTTC AGAAGGNTAT AGATACTAAA 180
TCTTTTTAAG CCTTATTAAA CTATGTTTTA TATTGAAA 218

配列番号：3990
配列の長さ：217
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04715
配列：
GATCTGTTAA ATTGGATTTT ACATGTACAT TTGAATGCCA GAATTTCTAA ATAAATCCCC 60
TGGTTAGGAA ATTTTAAAAG TCAAAGCTTG TTTTCTTCAA CCACTACCTT CTACATTGGT 120
TGACTTAGAC CGTAAGCTTT TTAAGTTTCT CATTGTAATT TACCTTCTCA TGCAGATTGC 180
TGATGTTTTA TTAAACCTTA TTTTTACAAA AATGAAA 217

配列番号：3991
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04716
配列：
GATCTTATTA GACTCATACA TCTAATTATA GAAATACATA GACTTGATAG AATTTNATTT 60
TCAGGCNTGA AGAAATATTC TTTGGAAAAG CTAAATTTTT GGTGATTGAC ATAAAGATTT 120
ACTNGCTCAT ATTANCTNGG GGGGNTAGTA CTCTCCAAGA ATTAATGTGC CCTAAAAATT 180
TTCCTCCAAA ANCTTATCCT TATCATGTGA TAATGANGAN CATTTGATTT CTTGAAAGGA 240
GACTGCTGTA GGCAGCATCT GGGAATGCAA NTNNGGGGNN N 281

配列番号：3992
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04717
配列：
GATCAGCCTG GGCAACATAG CCATAGTGAG ACACCAACTC TCTACAACAG CAAAACAAAA 60
CAAAACAAAA AAACATGCAG CTGGGCATGG TGGTNACACC TGTGGTCCTA GCTACTCAGG 120
AGGCTGAGGT GGGAGGATTG CTGGAGCTAG GATGTCAAGN TTAGTGANCG TATTCGACCA 180
CTNACTCAGC TGGNAACAGA NGAGACCTGT CTAGAAA 217

配列番号：3993
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04718
配列：
GATCATTTTT TGAGGCAGGA GCATAACACC TTCTCTAGGA TTTGTCAGCT TCTAAAAAGA 60
GCCTTTTGTA AGGACTTGTA TGAGCTTGGG TTTCACCATC ATTACTGGGG AGGCACTAAG 120
ACTGCACATA TCTCTGGGTG AAGTAATGTC TACACANCAC CTTTCATAGC AATAGTTCCC 180
AGCTAGCATA CCTGCTTCTG CCAGTCCAGG GCCAAA 216

配列番号：3994
配列の長さ：220
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04719
配列：
GATCCAGACT ATAATCCTGC TGACCCAGAG AGTGACTCAG CTGACTAATG GACTGTCCCC 60
ATCTGCAGAG AGGCTTGACT GCCACAGCAT CTGTGGCTAT GCTCAGAGGG TTATGATTTT 120
CCTTTCTTTT NNNTAAGAAA AAATTATTTT CAGGAGAATA TTCTTCTGAT AGCTTTCATC 180
ATTGAACTTA ATAAACTGAC CTTAAAATTT CAAATATAAA 220

配列番号：3995
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04720
配列：
GATCTAAGGA AGAACTTGCT GCTGCAGTAT TGAAACTGTG AAGAACTGAC ATTTGAAGAA 60
AAATAGATTA CCGTTGCGGG ACTAGAATGG GCGACTGCTT GGAGCCAGTG CTTGTTTTTA 120
TCTAGGACAC TTACTGTCCT GTGAAGTAGA ATACATTTAT CTGCATTTAG TTTGTTAATG 180
TCTGAAATGA ATAAAAAGAG GAAATTGCGA TTAAA 215

配列番号：3996
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04721
配列：
GATCCAGAGA CAGAGGCAGC CTGTCTTTTC AGTTGGTTTC TGCTTTTAAT TTACTTGTAC 60
AATTCATTGT TACTGTTCTG TTTTTCCTAT TAATCTTTTG TCAACTTCCT GATTATGTAA 120
CAAAGTATGT ACAGTCTACT TTTGACCTAT TTTTATCACA GTATNATTNA TTNCTTCTTT 180
CAATAAAGTA CTNGNGCATA TTTCCACTGC CAAA 214

配列番号：3997
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04722
配列：
GATCCGNAGT TCAAGGGAAG AGGAAGTTGC CTCTNAGCTC CATCTCTCTG CGCTGCTAGA 60
CATGGTGGAC ATTTGAGCAG CCTGACCTGT GGGGAGGGGG TCTCTCCCGA AGAGTTTCTG 120
TTTTTACTCA AAATAATGTT ATTCTCAGAT GCTTGATGCA CTGTTGGAAA NGGGGATTAA 180
TTTAATCATG CAGATAAACC ATTTAAATGT CAAA 214

配列番号：3998
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04723
配列：
GATCGAAACC AGCCTGGTCA ACATGGTAAA ACACTGTCCC TACTAAAAAT ACAGAAATNA 60
GCCAGCAATA CAAAAATTGG CAGCTGTAGT CCCAACTACT TGGNAGGCTG AAGCACAAGA 120
ATCGCTTGAN CCCAGGAGGT GGGAGGTTGC AGTGAGCTGA GATTGCGCCA CTGCACTCCA 180
GCCTGGGCGA CAAAGCGAGA CTCTGTCTCA AA 212

配列番号：3999
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04724
配列：
GATGTCAGNA ATTGGAAAAA TTGTCCTGTC TGTCACTTGT TTTGTTGCCT TAATAAGCAT 60
CTGAATGTTT GGTTGTGGGG CGGGTTCTGA AGCGATGAGA GAAATGCCCG TATTAGGAGG 120
ATTACTTGAG CCCTGGAGGT CAAAGCTGAG GTGAGCCATG ATTACTCCAC TGCACTCCAG 180
CCTGGGCAAC AGAGCCAGGC CCTGTATCAA A 211

配列番号：4000
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04725
配列：
GATCAAGGCT ATGAACATCT TGTGAAGTAG GATGTTAAGT CTGCAAATAT CAGAGTGAAT 60
CCAAACTTAT CAATTCAACA CTGGATTGTA AAACAGCTCA AAAAAAGACT AAAAACACAG 120
CTCTACACTT TAGGAGGTTG GGGCAGGCAG ATTGCTCGAG CTCAGGAGTG GGAGACAAGT 180
TTAGGAAACA TGGAAAAACC CTGTCTCAAA 210

配列番号：4001
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04728
配列：
GATCAGCATT CATACCATAG TAACTGATGT TGAAAACAGC ACAAATAAAC CAGAAGTTGA 60
AAATGGCAAT AACATGCTAA AAATTTGCAA GTCAATTTGA NNACACTTGT CCAAATCTTG 120
ATTTTTTTTC CTTCTCTATC GTTCCCCCCC CACCACCAGC TTTATGGAGG TATAATTAGC 180
AAATAAAAAG TATACATATT TAAGGTAAA 209

配列番号：4002
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04729

配列：
GATCCTATGA ATTAATTCAG AAAGCAACTA AAATAACAAT GGCCTGCCAA ATGTCATTTT 60
GTAAATATAC GTCTATGACT TTAGGAGCTG TCCTGGTTTG AAAACATGAG GACAGTTTAT 120
CCATTGGATG CCATCTATNT AGTCCCAATT AAGAAAGTTG TTTTTTTGTG AGAATGACCA 180
AGGTAAATTT AAATATACCA TTCAAACAN 209

配列番号：4003
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04730
配列：
GATCGATGAA GCACTTTTTT ATTAATATTT TCCTTTGTTA AAGGAGGAAC CGTAACTCTC 60
CATAGCTGTA CATATAACCC TTTTCTCCTA AAGAGGAGTC AGTCAGTGCT CCTATATTTT 120
TCATTTTTTG TCAAAGCAAG AAGTAAATAC TTTAGAATTG TTAAATATAT AAATAAAGCA 180
AATAAAGTTG AGTGTTCCAC ATGGTAAA 208

配列番号：4004
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04732
配列：
GATCTTTCCA CATACACTAC ATTGTATTGT TCAAAATTCA TAGAAATNAC TTGCAATATA 60
TTGATTTAAG CCTTATGTAG TGACTGTTGC TATATTTAAA GTAGCATTTT NAGTTTGCTG 120
TTTTTCCTCA CTGCTTAATC CTACAAAAAC CAGCCATCTG CCTAAAAAAT AAAAGAGCAA 180
AANTGNATCA GTGCAACCGG TATACGN 207

配列番号：4005
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04733
配列：
GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGACTTCAC CAAGGTNCAA TGCTGATGAA TTTGAACNCA 60
TGGTGGCTGA AAAGGGGCTC ATCCCANGAT GGCTGTGGGG CAAGTCATCC CAGTCGTGGC 120
CTATGGCAAG TNNNGGGCCT NACTCATGAG GGCTTCAATG TGCTGCCCCC TCTTAATACT 180
CACCAATAAA TTCTACTTCT GTCCAAA 207

配列番号：4006
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04734
配列：

GATCTACATT ATTCAGCAGC CTCGAAAATG TTAAGCCTGG ATTTAAAACA CAGCCGTCTG 60
GCCAGCTGCC TCGAATATCT GACAGCTTAG CAAAAAGGGC CANAGCTTTC CATAGGCGTG 120
CTGCACTTGC TTGGTAAATT AAGCAGCTTT TGTATCTTCC CCTTTGACTT TAGGTAATAA 180
AGCATCCAAA CTTGTAAATC TGAAA 205

配列番号：4007
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04735
配列：
GATCTGGGAT AAAACCAGAC TGAAAGGAAT ACCTCAGAAG AGATGCTTCA TTGAGTGTTC 60
ATTAAACCAC ACATGTATTT TGTATTTATT TTACATTTAA ATTCCCACAG CAAATAGAAA 120
ATAATTTATC ATACTTGTAC AATTAACTGA AGAATTGATA ATAACTGAAT GTGAAACATC 180
AATAAAGACC ACTTAATGCA CAAA 204

配列番号：4008
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04736
配列：
GATCTNCTTT TTATCACTAT AGTTTGTATT CCTAGAATTG TATATAAATG GAATCCAACG 60
GGCACAGTGA CACATGCCTG TAGTTCCAGC TACTTGAGAG GCTGAGGTGG GAGGATTCCT 120
TCAGCCCAGT TCAAGGCTGC AATGAGCTAT GACCACGCCT ATGCACTNCA GCCTGGGCAA 180
TATAACAAGA CCCTATATCT AAA 203

配列番号：4009
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04737
配列：
GATCTGAAAA GAATTTNTAT TTTAATTGGG TTGAGGGAGA GTAGATACAA TGAAACCTTA 60
AATTTCAGCT TTNATTCTAA ACCCTTTAAT TTTTTATGGG TTATGTTTTA CTTGGCAAAA 120
CTATCTGTGT TTCTNTCTTA GTGATATAGC ACCCTTAAAG TAACTTGAGT GGTAAAGGAA 180
ATAAAATACA CCAGTTTTCA AA 202

配列番号：4010
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04738
配列：
GATCCTCTTC CTGCTCCAGT TGCTGGCCGA CCACGTCCCT GGCGTTGGCC TGGTCACAAG 60

GCCGCTCATG GATTACTTGC CCACCTGGCA GAAAATCTAC TTCTACAGTT GGGGCTGACA 120
GACCTCCCGG AAGGAGGGTG TGGGGAGGGG TGGGGCAGGG AGCCCCTCTT CCCTAATAAA 180
ACTGACTCCG GCAGCGTCAA A 201

配列番号：4011
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04739
配列：
GATCCTATTT GTACAAAAAA ATGTAAAACT TAAAATTGCA CAAAATTTGT NACCTGTACC 60
AGCTTTTAGA ACTGTTTATC TTATCCTCCT CAGTGATACA TCATGAAGTT GTGTGCTTTG 120
CCTAAAATGC CCAGTTACCT GAAATTGTAT AAATNCTTGC CAAAAGTGTT TGAACTTAAT 180
ACAAACTTCC CATCTCTTAA A 201

配列番号：4012
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04740
配列：
GATCTCATTT TATTTAGCAT CAGCTCAAGA AACTNAAGTC TTAGTGCACA GTATCACAAC 60
AAAGAAAAAG CTTTGTTTTT ATAACTGGTA AAAACAAGAA AAGATTCTCA TCAAAATGAA 120
AATATAAAAT TAATCATTTC TCACCAAAGA GTATGCCTGG GAGCCTCCAG CTGTTAAAAG 180
NCAATGCTAT TACTACTTCT N 201

配列番号：4013
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04741
配列：
GATCCAAGTT GCCCTTGGGG TATAAAACTT GACAGCAGAG GGCGTTCAGG GTCCCTCAGC 60
TGCAGTGTGA AGTGGGACAC ACAGGTGAGA CTCCATCTGC CCTGGGCAGG TTCCTGAGCC 120
TTNGGGGACC AGTTCACCCT ACATCCCAGG CTTCTGTTGT CCCTTGCCTG CCTGTAAGGA 180
ATAAAGTTGC TTTGCTTAAA 200

配列番号：4014
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04742
配列：
GATCTGACCT TTTCTTCAGA TACATAAGCA TTATTTTCTC TGTTTAGGTC CAAGGAAAAA 60
CAAAAGGTAA AGGNAATAAA GGGAATATAC ATAAGGCAAA CATTTCTCTT TTTTTTTTGC 120

ATTATATCTT ACCAATTAAT TAAATTGTGG CCTTTGTTAT TATAAATGTA ATGATTCATT 180
AAACTATATT ATGTAATAAA 200

配列番号：4015
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04743
配列：
GATCCTATGA CTGACATCAA CTAAAATTTA AAAGAAGAGG AAGACTCAGT TGGGAAATTT 60
TNCCATGAGG AAAATGTGCT TTGGTGCAAG GTACAAGGCC CACACCCTCT CTGAGAGATA 120
CTATGATTAA AAAAGCTTTA TATCTTGGGA TTTTNCACAA CTGATAATGT GCAAAGNTAT 180
AAACNGATTA ACTTGTCAAA 200

配列番号：4016
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04744
配列：
GATCTTTCAA GAATGAACCA AGGNTTTTTA AAAGAATTAT AGGAAACACT TCATTCTTTA 60
TAAAACTTTC TATAATGCCT TATTTGAATG TTAATCTTAT GTGCTTTCTA AAAAATGTTG 120
TGAAATACCA AACTTATGGA TTATCACTAG GTTATCAAGC ATATATNAGT CTTTATCAGA 180
NTAAAATGAA ATTNCATAAA 200

配列番号：4017
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04745
配列：
GATCTGAGAG GCAGTAAAGC AGTGATGAAG ACAGTGCAGC AGAACATTGA AGTCCTGATT 60
GCAGCAGTGA CTCTGCAACC TTGGATAAAT TATTTCANTC TTTATTTTGT AAAACGGAGA 120
TAACGGCCTA TAGGATTNTN AAGACTGANT ATTTTAAAAG NGCTTAGAAT GGTGCCTGAC 180
AAATGAGNNN CANTAAATN 199

配列番号：4018
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04746
配列：
GATCATGTGA TTTCTATTTC TNCCCCACAG GGTAAGGGAC GAGTCTTCTG GAAGGCTCTG 60
CCATGGACAT TTGTCCTCGG GCTCAGAGGC CCCACCCTGC CCCACACCTG CCCCTAATCA 120
CTGCAGTGTC CAGCCCAGTG TTGAACAGAT TGTAGCGTTC TGTCTCATTA CGAGCAAATA 180

AATAGACTTT CATTGGAAA 199

配列番号：4019
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04747
配列：
GATCACGCGG CATGTATTGA GGTGTGGCAT GCAGCATTTT GGAAGGAAAA TTGAAGACGT 60
GTTCAAGAAA ACATGAACAG AAGCAAATNA TGAAAATGAG CATTTTACTT GATGTTGATA 120
ACATCACAAT AAATTATGGA GAAAAATACA TATTTGGCTA ACTTTTAATT GCTGANCAAT 180
AAAGTGTTTT CTTTTAAA 198

配列番号：4020
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04748
配列：
GATCCCTACC GCCAGCTGCG AGAGAAGGAC CCCAAGTACA GTGCTCTCCG CCAGAATTTC 60
TTCCGCTACC ATGGGCTGTC CTCTCTTTGC AATCTGGGCT GCGTCCTGAG CAATGGGCTC 120
TGTCTCNCTG GCCTTGCCCT GGAAATAAGG AGCCTCTAGC ATGGGCCCTG CATGCTAATA 180
AATGCTTCTT CAGAAA 196

配列番号：4021
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04750
配列：
GATCATGAAG AAGCAGGGCC TCTACCTACA AAAGTNAATC TTGCTCATTC TGAAATTTAA 60
GCATTTTTCT TTTAAAAGAC AAGTGTAATA GACATCTAAA ATTCCACTCC TCATAGAGCT 120
TTTAAAATGG TTTCATTGGA TATAGGCCTT AAGAAATCAC TATAAAATGC AAATAAAGTT 180
ACTCAAATCT GTGAAA 196

配列番号：4022
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04751
配列：
GATCTGGTTC CAGGGGAAAA AAATAGCTGG TTGGTGTCTA GCCCCCCAAC ACTTTTGTCT 60
GTTGTGTATA AAAGAAGAAA GACTGGCATG TACCTTCATT TGCTTAGCTA TTTGAGTATC 120
TAGAGAAAAA TTAAAATGCA ATGAGTTAGC AGTATACCCT GGCACACTTA ATAAATTAAA 180
CATTTGTGGA GCAAA 195

配列番号：4023
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04752
配列：
GATCTAGAAG CTGGTAAAAA TGACAATATC AATCACATTA GGGGAACCAT TGTTGTCTTC 60
ACTTAATCCA TTTAGCACTA TTTAAAATAA GCACACCAAG TTATATGACT AATATAACTT 120
GAAAATTTTT TATACTGAGG GGTTGGTGAT AACTCTTGAG GATGTAATGC ATTANTAAAA 180
ATCAACTCAT CAAA 194

配列番号：4024
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04753
配列：
GATCCAACAG CAACACCATT TTTAAATTAT TGTGAAAAGA TTAACTGGCA ATGTACAGAG 60
TTTACTCAAA GCCCTTCTTA AGGGAAAACA CTACAAAAAG TCACAAGGAT ACCAAATGGA 120
AACACATGAT GATGCCTCTG GGTCTGTATG AGACCGTGAT GAAGTAGAAA TAAAGCCCTT 180
CTGAGATGGC AAA 193

配列番号：4025
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04754
配列：
GATCCACGGT GGGCTCCAGC TGCCAAGNCA CCCAAGGGAG TCTGGGCCCT AGGCCTAGCC 60
CCATCCCTCC CCATGAGGGG CCAAGACACT GCCTAAGGTG TGGGAGGGAC TGGCTGAGAT 120
TGCAGCCCAT GGTAGGAGCT GGACCAACTG TATATAGTTT TCAATAAACT TTTTCCTTTT 180
CTGTTCTCAA A 191

配列番号：4026
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04755
配列：
GATCCAGGAA GTTGGTGAAC CATCTAAAGA AGAGAAGGCT GTGGCCAAGT ATCTTCGATT 60
CAACTGTCCA ACAAAGTCCA CCAATATNAT GGGTCACCGG GTTGATTATT TNATTGCTTC 120
AAAAGCAGTG GACTGTCTNT TGGATTCAAA GTGGGCAAAG GCCAAGAAAG GNGAGGAAGC 180
TTTATTTACA NCCAGGGAGT CTNTGGTTGA CTACTGCAAC CAGGCTTTTA AAGTAGCAGT 240
TTNTTTCACC GAGCCCTAAA GGTN 264

配列番号：4027
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04756
配列：
GATCTTCACA TATTTTATAT GNATATATAT ATCAAGAAGT TATATATATA TAACTCAAGA 60
AACTCAAGTT ATATATATAT GTCAAGAAAT GTATGATTAT TTTGGAGAGA ATGGGCCCAA 120
ATGTGAAAAA GATATAAAAA AAACAAAAAA AACNNAAAAA AAACCNCTNT TTNCCCCTNC 180
GNANTN 186

配列番号：4028
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04757
配列：
GATCTGGAAG TCACCCTCCT CTGGCCCACG GAAAATTTTG GTAATCTTCT AGGTTCTAAA 60
ATGAAGATGT ATGGGTACTC TGGCAGACTG CATGTTGTAT AATTTGAAAA ATACTAAAAG 120
TGGAAAATAA AATTGAATTA AACTTTGAAA 150

配列番号：4029
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04758
配列：
GATCAACAAG TTCAAAACAC TGCTAAGTCT AAATCTAAAA CAGACCAAGA GTACCTTCAT 60
TTAANTTTAG CTTGCACAGA GCTTGATGCC TATCCTNCAT TCTTTNCAGA AGTAAAGATA 120
ATTATGGCAC TTATGCCAAA NTTCATTATT TAATAANGTT TTACTTGAGG TAACATTACT 180
GATTTN 186

配列番号：4030
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04759
配列：
GATCCAACAC AGAGACAATA GAAACATTGG GATTGAAGAG ATTCTTGGGA CTGTAAAAAT 60
CCCAAGAATA TGGGATTGTA AAAAACCTGT CATCTTACTG CTATGATAGA TGAAGATTTT 120
GCTTGCCTAT ACCTTGTNGC TATTCCTCTC TTCCTTTCCT CCAAATATAC TTGTAGGTAT 180
AAA 183

配列番号：4031

配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04760
配列：
GATCTAGCAT TTTAATTTCT AGCATTGCTA TTCACCGGCT TCCTTATTTT ATATGTAAAA 60
ATTAAGATTT TATATTTAAT CTTCTTGTTT CTCATAGATA TTTTGTGAGC ATTTTNTTGT 120
TTATTTTGAA GAAATGTGGA TAAGATACTT GGTAGTATAA AACAGNCTCT CTGAGAGTAT 180
TTN 183

配列番号：4032
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04761
配列：
GATCAAGGTC TGTATATTAT CCCAAACTTT ATTAAGAATT GTTTTCTAAT TNGTTATAAC 60
ATTTTTNAAT TAATAGTTTC AAAACAAATT GTTAATACAA CTGTATAAAA TGAACATAAT 120
TTTCCTCACT TGTATTTTTG TTATTGAGCA AGTTTATCAA AATAAATNGT CTACTAAAGA 180
AA 182

配列番号：4033
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04762
配列：
GATCTCTTAT CAATTAGCAC TCACTAATGT ACTACTAATT GAGCAACCTA CGCACTCAGT 60
TGACTACGTA AATCTGTCAG GTCTTTTGTG ATTTCCTCTG ATGCAGGAGA GGAAAAATTG 120
TAATTGATGA AAATAATGAA TGAAAATCAA CAGATGAATA AATGGTTCTT TATAAGTGAA 180
A 181

配列番号：4034
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04763
配列：
GATCTGGAGT CCCACGTTCC CCAAGGCCAG CGGGATGTGT GCCCCTCCTC CTCCCAACTC 60
ATCTTTCAGG AACACGAGGA TTCTTGCTTT CTGGAAAAGT GTCCCAGCTT AGGGATAAGT 120
GTCTAGCACA GAATGGGGCA CACATTAGGT GCTTAATAAA TGCTGGATGG ATGCAGGAAA 180

配列番号：4035
配列の長さ：180
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04764
配列：
GATCCTGTTT GTACAAAGTC TTGCTTTTAT AAGGTTTCAA TAATATCTAA AACAACACAT 60
TAAAAAGCTG AGACCATTTT ATGAAGATAA TTGTTTGTAA TCATAGGTGT TGAAAGTAAA 120
AAGGTGCCAT CTTGTGGTAT TGACTTGTAT TTATAACAAA TAAACTGCTC AAGAGACAAA 180

配列番号：4036
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04765
配列：
GATCCTGGTT ACAGCCATTT TGTGTGATTC ACTTCGGGGG TTAAGTAATG CAGGATTCTG 60
CAAACAAGGT GTCGCCGTCC AAATGTACTG TCCTGGCATA GAGAGCACTG CTTTGTTTTC 120
CACTGTTGTA GAGAAAACTA GGGAGAACTT TATTTTTCAA TAAACTTTTC TTGTGTGAAA 180

配列番号：4037
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04766
配列：
GATCATGTAT AAAAAGAAAA AAAAGAAGTC ATGCTNTGTG GCCAATTATA ATTNTTNNCA 60
AAGACTTTGT CACAAAACTG TCTATATTAG ACATTTTGGA GGGACCAGGA AATGTAAGAC 120
ACCAAATCCT CCATCTNTNC AGTGTGCCTG ATGTCACCTN ATGATTTGCT GTTACTNN 178

配列番号：4038
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04767
配列：
GATCAGGATT TGGGAAAATT GTGGTCAATA TTTGATTTTC CTTTTCTGTT TGATAGCCTT 60
ATCTAAATTC CCCTAGCTTG AATGTAGTAA ATATGAGTGT GTAAAAATGT GTATCTAATT 120
CACCTCTTNG GGGAGGTTTA ATGTAACTAT AAATAAAAAT TCTTTCCCCA GGTTAAA 177

配列番号：4039
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04768
配列：
GATCTTACCT CCTAACCAAC TCCATACATC ATGACCAATG GCTCAGTCCA AGCNGTCATC 60
TCTTGCTTGG TCACTGCAGG TACTTGCTAA CTTTCTTCCC AATAATCCAA CCCCCACAGA 120

GCAGCCAGAG TAGCCTTTTT TTGTTTTGTT TTGTTTTGTT TTGTTTTGTT TTGTN 175

配列番号：4040
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04769
配列：
GATCTTAATA GCTAAAATAT GAAAAATATT TGGNAAGTCT GAAATNAGGT CTCCTGGCCC 60
TGGTGTGCCC TTAATGCCTG TNACAGTTGG CCTCTGTGAA TATTGGTATA ATTNTAAATA 120
ATGTCAAACT CCATTTTNTA GCAAGTATTA ATAATTAAGG GAAGTATGTC TGAAA 175

配列番号：4041
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04770
配列：
GATCCTCAGG ATATGCAGGG CTCAAGAGAA ATGAAATATC TTGGGGATAT GGTTACTTAA 60
GACGTGATAC TGTCACAGTG AATTTCACAG AAGATGGTGC TGCCCTAACT GAGGTTCAAT 120
CCATGTATAA GCCAGACCAA TCTGAAGACA AATAAAGTAT TTCACAGCCA CAAA 174

配列番号：4042
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04771
配列：
GATCTTCAAA CATTAACTTA AGCAGACCAA AAATTCTGAT GACCGCATCT AGATTATTTT 60
TTTATAAAAA TGATTTTCAC TATAGCTATG TTACGCTAAG CTACTGTCCA ATCTCTTGTG 120
ATGTGTAACT TTTACATGTG AATATTAAAG TAGATTTCTC TGTCTTGTAA A 171

配列番号：4043
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04772
配列：
GATCTTTAAA GATGTGCTAA ATGACTTTTT TGGCCAAAGG CTTAGTTGTG AAAAATATAA 60
TTTTTAAATT ATACATTCAA GGTAGTGGCC AAATGTAACA CATCAATCAT GGAATGATTN 120
CTCTGCTAAC AGCCGNCTGT ATGTTTCAAT NAATTTGTCC AAAGCTCAAA 170

配列番号：4044
配列の長さ：169
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04773
配列：
GATCCTTCCC AGTGGACAGA TGAAGAATTA GGTATCCCTC CTGATGATGA AGACTGAAGN 60
TGTAGACTCA GCCTCACTCT GTACAAGAGC CAGGTGAGAA TTTCAAGGAT TATCGACTTC 120
ATATTGCACA TTAAAGTTAC AAATTAAAGT GGCTTGGTCA AGAATGAAA 169

配列番号：4045
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04774
配列：
GATCTAGTGT GTAGTGAGCT CAGTATAGAG GACAGAGCTT TCATCATGTA AATTNATATG 60
CAAAGCCAAA TNAAACGTGG TGTGTACTTC CTACTGATGC GTCAGGGTAT AGGCCTCTTT 120
TTCTGCCATT CAAATAATGG AAGTTAATTA AATTTTAAAC AAATGTAAA 169

配列番号：4046
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04775
配列：
GATCCATACT GAAAAAATNC TGAGCCAGCC ATCTTTGGCA AAGNNCCCTG AGCTCTTGCT 60
ATCTCTCAAG AGTGCTGAGA NCCACGGTGA AAGTNCTGCT CTAGGCCCAC AAGTGTAACT 120
ATGCTGTTAA CAGCTGTCAA TAGATAATTA AAATTCATAC TGTATGAAA 169

配列番号：4047
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04776
配列：
GATCTCTGTT CTNGNTTGAA TGTATTTAAT TTCCAGCAGA ATGAGCCCCA TTCCTTATTT 60
TGATTGGCCA TTTATCATGT ACATATGGTG AAATGCCTAT TCGTGACTTA GCCAATGTTG 120
TTTCTTTTTC TTACTGATTA CTACAGTACA TTTTTATATG AAAGCAAA 168

配列番号：4048
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04777
配列：
GATCTGCTGA AGCATCTGTC CAGCTGGTAT CCTGTGAAAG TTTGTAATTT NCTGAGTAGA 60
CATTCTTATA GAGTATTGTC TTTAAAATCA GATTGTCTCT NCTATATTGA AAGCATTTNN 120

ATGTTTNCNA ATTTAAAAAT TAATATTTCC TTATAGATAT TGTGCAATAA AGCTGAAGTA 180
GAATGTGTGG TTTTTGCAAA TNCTTTAGCG GN 212

配列番号：4049
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04778
配列：
GATCTTGTCT CACAAAATAA ATTAAAAAGA TTTTTAAATA GCAGGTTTCT AAAACAATGA 60
GAAAGACAGC ATTACATATC AGTGTCTACA ATTTAAACAA AGCTATACTT AGAAGTAAAT 120
TCATTGTCTT AACTGCTTTT GTTCCAATAA AACAAAATAG CAGGAAA 167

配列番号：4050
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04779
配列：
GATCGTTACT ATGTGTCAAA GGGTTTGGAG AACATTGATT AAGGAAGCAT NTTCCTGATT 60
GATGAAAAAA ATAACTCAGT TATGGCCATC TACCCCTGCT AGAAGGTTAC AGTGTATTAT 120
GTAGCATGCA ATGTGTTATG TAGTGCTTAA TAAAAATAAA ATGAAAAAAA TGCAAA 176

配列番号：4051
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04780
配列：
GATCTATAAC TGTACTTTGC CTGGCGCTGT GCGAAGGTCA GAAAACTTAC TGCTAGTACC 60
TAGAAACACA CAAGGCTGCC CAGCCAAATC TTAATGTAAA GTAGCTAGAG CCATGGAAGT 120
ACAGTATGAA TTAAAAAGAA AAANGTATTG ANCTTCAAAT TCTAAA 166

配列番号：4052
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04781
配列：
GATCTTGTAA GTAGGAAAGC TGTAACTAAA AATTGTATTG TTTGCTTATT AGCCATGTAT 60
CTCTTAAAAT TTTGTTATGT TTACAACGAT GTACCTTATT GGCAACAAGT TATTAGTTTG 120
ATGTTTAACA ATAGTGCCTT TAGTAAATNA TTTTACAACT AAA 163

配列番号：4053
配列の長さ：162

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04782
配列：
GATCCAAAAG CTGGCTNTCT AACCACCAGC CAAGGGCTCT CTTCACCACC AAGCCAACTC 60
TCAGGGCAGC AGCAATGTGT ACCTTATTAA CCTCTGCACC CNAGGTCCTA GCACAGGGCT 120
NGTCCATAAC AGGCGNCCAA TAAACATGTG TCATAATCTA AA 162

配列番号：4054
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04783
配列：
GATCCCTGGT CCTGCCGACA CGCAGCTACT GAGAAGACCA AAAGAGGTGT GTGTNTGTCT 60
ATGTGTGTGT TTCAGCACTT TGTAAATAGC AAGAAGCTGT ACAGATTCTA GTTAATGTTG 120
TGAATAACAT CAATTAATGT AACTAGTTAA TTACTATGAA A 161

配列番号：4055
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04784
配列：
GATCGGCACC ACACCAGACA TAATCCTGGA CGACTTGCTG GAGACGGACC GCGTCACCGC 60
CCACTTCTAG CCCCGTGGAT GCCGTCACCA CCAGCACACG GAACTACCTC CCACCCCCTT 120
TTTGTACAAA ACACAAGGAA AAACATTTTT TGCTTGAAA 159

配列番号：4056
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04785
配列：
GATCTAATTC TTTTGATAAA GTTCTAGCTC TAAAAGTGAT AGTGGGACTG TATGTTTTCT 60
GATACTGGTG GCTTATGTTA TTAANCCTTT TTTAAAAAAG GTCCACTCTA AAGGCTGANN 120
NCCACCCTAN GTTTCCAGCC TCCTGGCCTC NACCNGGGN 159

配列番号：4057
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04786
配列：
GATCTTGTGT TCTTTGTGCC AATATGAAAA GGAGAGGGTT GGTTCTTTCC TTTATTGTTG 60

AATGCTCCCA TTTAATGCTT TATGGCTTTT ACTGTATTAC TTTTTTAGAC TCCCGTCTGC 120
ACAAAATGCA ATAAAAATAA TTTTATTATA CCCTTAAA 158

配列番号：4058
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04787
配列：
GATCACACTG GGGAAAAGTG ACAGAACCAA ATTTCAAACT CCAGTCTTTC TGCTTCTAGA 60
GATTGAACTA CTAACATCTG CATTATATAA AATTAAGTNT CTCAAGGTAG TTTGTGAACG 120
TAACATACAA ATAAGTGATT AAAATTTTNG GTGATAAA 158

配列番号：4059
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04788
配列：
GATCCCAAGT GATTAAAATA GGGTTTCTGA ATGGATGTTG AATGGCGTGG ACTCGCTACT 60
CCGTTCTTCA CAGCTGCCTT CCAGAATGTG TTCAAAAGAA AGACAAGAAG GAGTGTATGG 120
CTTATAAAGT GAATCTAATA CAGTATTTGT TGCATTTAAA CAAACTAGAC ATTTTCTTAC 180
GGAAAANTTA TGAAATACAG CATATTTNAT GTNCTCCCAT TGACTCAATC ATGACAATAT 240
TTCTGCTTTA ACACCATCTT TCATGATTAG NAATGTTTGT NATTGGAAAT GTTACACCAT 300
GTAAATAN 308

配列番号：4060
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04789
配列：
GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCACTCAAA GACCTGGAAA AATGGCAGAA TAATCTGCTT 60
CCATCCCGCC AGTTTGGTTT CATTGTACCT GACCACCCTC ACNGGCAANC ATGGACCCAT 120
GAAGNAGCAA NNCGGAAACN CACNAGAGGG AAAAN 155

配列番号：4061
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04790
配列：
GATCTCATTA GTATGTTTTT TAATGTGTAG AATTAACACT TTAAAATAAA CAGGTGTGAA 60
AATTATAAAG GAATATATAT GACAATTATT TNCTGTACAT TAATGTCTAA ACATTATACT 120
TACTTTTCCA TAATAAAGGA AATTTTGGAA CCAAA 155

配列番号：4062
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04791
配列：
GATCTTAAAA CCCAAGACAT TATATTTGAA GGGGCACAGC AAACAGTGCA AGAAAATCTG 60
CTGATGGAAG ATNATTTTNA TCAGTCCTCA GANCCAGAAA CTATAAAACT GGGAAGGAAA 120
GTTTAAATAA AGANTTTATT TCCAAATTCA GCAAA 155

配列番号：4063
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04792
配列：
GATCTAAGNA GGATTCAACA CCTTTNTTTG GTTGCTCAGT GTGTAATGAC TGAGATTTGT 60
AAATCTTTGT GAACATTCTG TACTGGTTCC CAAGAGCTAT TCATTCCCTG CTACCTGATT 120
TCAGCACAAT AAATATACTT CTGCTGTGGG AAA 153

配列番号：4064
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04793
配列：
GATCTTAGCT GTATGGAGTA ACTATTTCAG AAAACCCTAT AAGAAGTTCA TTTTCTTTCA 60
AAAGTAACAG TATATTATTT GTACAGTGTA GTATACAAAC CATTATGATT TATGCTACTT 120
AAAAATATTA AAATAGAGTG GTCTGTGTTA AA 152

配列番号：4065
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04794
配列：
GATCAGAGAA GGCTGAAGAA GGTGGAGAAA CTNAGGCACA AAAAGAGGGC AGTGAAGATG 60
CGGGCAACCT CCCTGAAGCC CAGGAGAAGA ATGAAGAAGA AGGAGAGACA GCCACAGAAG 120
AGACGGAAGA AATAGCCATG GAGGGTGCN 149

配列番号：4066
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04795
配列：
GATCAACTAT GGGTTTATAT AAATNCCAAA TTTAGTACAA CAAATTTAGG TCATCAGGTG 60
AATACAAGTA TTTTTTTTAA CAGGNAACAT TTTATTATAN NAAAAATATT AATGATAAAC 120
GCATATTGGT TGAAAAATAT TTTTTAACN 149

配列番号：4067
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04796
配列：
GATCTCTGTG ACCCATACCC TATTTNTACA CTCCCTCCCC TTTTGAAAAT CACTAATAAA 60
AAATTTNCTG GTTTTATGGC TCAGGGGGCA TCACAGAACC TGCCAACATG TGATGTCTGC 120
CCTGGACACC CAGCTTTAAA ATTTCAAA 148

配列番号：4068
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04797
配列：
GATCATTTTC TTGGGACCTT GAACTGTGAA TGTTTTGTCC TAACCATTTA ATATTTTCTA 60
GGTACTTGCT GCAAGTNCTT GAACTATTTT ACCAGCTTTA ACTTTGGGGC TCTTAGNTTC 120
TNTNCTCCAG ATTCTTGTTA TNNNATN 147

配列番号：4069
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04798
配列：
GATCAGAGAA GCAGATATTG ATTGAGACGG ACAAGTCAAC TATGAAGAAT TCGNACAGAT 60
GATGACTGCA AAATGGAAGA CCTACTTTCA ACTCCTTTTT CCCCCCTCTA GAAGAATCAA 120
ATTGAATCTT TTACTNACCT CTTGCAAA 148

配列番号：4070
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04799
配列：
GATCTTTCAC ACACTGGTGA CCCTGAGAGA GGAGGGAGGA GGGAACCTGG CGGGGGTGTC 60
TGAGGCCGCA CTGTCAGCTG GCCGGTCCAA GCCTGTGGCT GGAGCTGGGG TCTGTTTACC 120
TAATAAAGTC CCACAGGTGC CTCATTAAA 149

配列番号：4071
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04800
配列：
GATCCCCTTC AAGTCTCTCT GACCTTTCTT CTGCCCTCCA GCCTGGGTGA CAGAGCTAGA 60
GTCTGTCTCA AATAATAATA ATAATACAAT AAATAAATAA ATAAATAAAT AAATAAATAA 120
ATAAATAAAG TACGCTTTCC ATTAAA 146

配列番号：4072
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04801
配列：
GATCTCATAG AGCCCAGTTC TTAGAGTCAA CTAAAGAGTT GATAGGAATT TACTAGGTCC 60
AGGGAGAAAA GGCAGTGGTT GGGGTTACTG GAAATTTTGC TCATTTTCTC TAATGACTGT 120
ATGAATAAAA GTGAACTTAC TTGAAA 146

配列番号：4073
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04802
配列：
GATCTGAACT TACAGACAGT TGCCAAATTT CTCTAGATAA GAAAATAAAG AATAGAGGGA 60
ACCTAACTGG ATAACAAAAA AAAAGGAGAG AGAAAAATGC CATTGCAGTT AAAGGTTATT 120
AAATAAAGCT TAGTGTCAAT GTCAAA 146

配列番号：4074
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04803
配列：
GATCAGGAGG GACCACAAGG ACAGGAGAAT TAGCAACGAG AGACTGGCTG GCACCAGTNT 60
TGGGAAAACT TCAGAGTGAG CTCCATTCAT GGTCTATTAA AAGGCCTTTN TTGTCATTCA 120
GTGATATGTG NCTGGCCCCT GAGAAA 146

配列番号：4075
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04804
配列：
GATCAAAAAA TTATTTTTAT TTATCCTAGC TTTACGTGCA TCTCACGGAA ACAGGATACA 60
CGGTGTATAT ATTATNATGC AGTTCGTTGG AACTAGAATT TCAAAAAATT TTAATAAATA 120
TGTTTAATCT GTTGCCTCTG GAAA 144

配列番号：4076
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04805
配列：
GATCACTGGG CCTACCTGCA CTGTGGGGCC AAGCCCTGTC TTTTTCCCAA GCCCTCAAGC 60
ACACGCATGA ATGTTCATCC CGACTTGGTA GGGGGCTTTT CACCCTTACA AGATGGCAAA 120
AGATTCACAT TGCTTTTTTT AAA 143

配列番号：4077
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04806
配列：
GATCTGTCAT NNTTTAGCAG TCAAGTGGGA TGGGCATTAT ATAAACAACG TTACAATGTA 60
AGGAAAATCT NTAAGGNGAT GGGGAGAGAA AAAGGCAGCT GGTATAATCG GTTACTGCTG 120
CTTAGTTCTA CTTAATTTTN NNN 143

配列番号：4078
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04808
配列：
GATCTGCCTC TCAGGAAAAA GTACTAACTT GTTCTTTTTG TTCCTGGCTT TCATCAGTTT 60
GTGAGATTTC TCTATTTTTT TTAAATATAA TTTTATTTCT TTCAACAAAT ATAAAATAAA 120
AAACAACTTT GGNNCANTGA AA 142

配列番号：4079
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04809
配列：
GATCCTGGCT AACCCTNGCC TATTTAGATT CCTTCCTCTC ACCTGGACCT TCCCATTTCA 60
ATCATGCAGA TGGTTTCTTT TTGTAAAGAG TTCCGTTTGC CTTTCAATTT TTAGAGAAAA 120
TAAAGACTGC ATTCATCTCA AA 142

配列番号：4080
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04810
配列：
GATCTTCTTC TCTCTTGTCC ACCTATTAAT TGTTTACAAT ATTTGTTACA TCTTATGCAA 60
AATACTTGAN TGGGCCATGG TGCCTTTTTT CCTTGTNAGT ATTTAATTAA AAATGAATTG 120
TTTGTCATTT GCAATGTTAA A 141

配列番号：4081
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04811
配列：
GATCCCGTTT TCCCCATGAC AATGTTGTAG TGTCCCCCAC CCCCACCCCC CAGGCCTTGG 60
TGCCTCTTGT ATCCCTAGTG CTCCATAGTT TGGCATTTGC ACGGTTTCGA AGTCATTAAA 120
CTGGTTAGAC GTGTCTCAAA 140

配列番号：4082
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04812
配列：
GATCTGTGCA GCAAACCACC ATGGCACAGG TTTATCTATG GAACAAACCT GCACATCCTG 60
CACGTGTACC CCTGAAATTA AAGTAAAAAT TGGAAATAAA ACATTTAAAA AGAAAAGAAA 120
ACAAACAACA ACAACAAA 138

配列番号：4083
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04813
配列：
GATCTATCAA AGGAAAAGGA AACTGAGACC GAAAACTTAG GGTCTAAGTT GTTCTAAACC 60
CAGGGTTCTC AAATGTGTTG TACAAAAAGT TTCATGTAAT AAAATTAAGC AAATAAAACA 120
AATGAATAGA GGTCCAAA 138

配列番号：4084
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04814
配列：
GATCACAATG TCATTTCCTA ATACAAGGCA GGATATGTGG GAAGAATATG TACAATTATT 60
TGATTAAAAT TATTTCCCAC TGACCTAAAC TTTCAGTGAT TTGTGGGAAA AATAAATAAA 120
TGTTCTACAC CAAGAAA 137

配列番号：4085
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04815
配列：
GATCCACTGC CTCAGCCTCC CAAAGTGCTG GGATTATAGA CATTCATGAT GAATTCTTAT 60
TTTANNNNTA ATATAAAGCA AATACAATTA TTGTTAGATA ACAATGCACA AAATAAAATT 120
CAAGGGTGAA AAATAAA 137

配列番号：4086
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04816
配列：
GATCCATGCC TGTAGTCCAA GCTACTCAGG AGTCCGAGGC ACAAGAATTG CTTGAACCTG 60
GGAGGCAGAG GTCACAGTGA ACCATGTTCT GTCACTGCAC TACATCCTGG GTGACAGAGC 120
GAGACTCCAT CTCAAA 136

配列番号：4087
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04817
配列：
GATCTGGTCC CTGTAGCACA GAGGTCCGAA GAACCGCCTT CAGAAAGAGG AGGCATATTT 60
GGAAGTNATG GGAAAGACTT TNTGGACAAG GATGGAGAAC ACTTTGGAAA ATTGCATTGT 120
GCCAAGAGAC AACAAN 136

配列番号：4088
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04818
配列：
GATCTACAAC ACCTGCCAGT GACCCCTGCC CAAGGCCTAC CCCAGTTCCT AGCACTGCCC 60
CACATGCATG TCTGCCTATG CACTGAAGAG CTCTTGGCCC GGCAGGCCAC CAATAAACCA 120
GTGTGAACCC CCAAA 135

配列番号：4089
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04819
配列：
GATCTGCTGA CAGTGAGTAG TATTTTGTTT TAGGATGTTG TGACTTAGCA AAAATAATAC 60
AGATGTCTTC CCCCCTTTTG TAGCTTTGAC AATTTGAATT AGATTTCAAA TAAAATCTGA 120
ACAGAAAACT AAA 133

配列番号：4090
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04820
配列：
GATCCTTACA TATGCCATCC TTCTGTGTCA TTTTGTGGCT GTTCTGTGTT TTTCTTCCTA 60
GTTATTTATT ATTGTTAATA ACTTACTTTT TCTTACATTC TGTTGTAAAT AAAATACAAA 120
GCAATCTTCA AA 132

配列番号：4091
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04821
配列：
GATCAAACAG AGGCATGCTA AGATATATTG GGGCTTGAAG CAAAGGGAAA ACTATTTGTT 60
GCTATATGTT TGTAGGGATT TTTTGCCAGT TTTAAAAATA CATGTATCAT AAAGTTTACT 120
ATCTCAGCCA AA 132

配列番号：4092
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04822
配列：
GATCAGTGGG GGAGGGCACC TCAGCAACCT CTGAGTGTGG ACAATAGCTG CTTTCTTCTC 60
TATCCAAGAG CACCAGGCTG TGCTTGGNTC CTTGCTCTCA GAGTCTATAA ATAAAAGAAT 120
ATAATGATTA AA 132

配列番号：4093
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04823
配列：
GATCGGGGGT GGGATGGGAT GGAGTGAGCC CCATCCAGTT AGTTGGACTA GTTTTAAATA 60
AAGGTTTTCC GGTTTGTGTT TTTTTGAACC ATACTGTTTA GTAAAATAAA TACAATGAAT 120
GTTGAGTAAA 130

配列番号：4094
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04824
配列：
GATCACAGAG GGAGGAGCTC TGAGAACAGT CTCCTTCAAC AGCTCGGCCA AGCAGAACTG 60
CTGTACCTCT GACCACTTGT GTTAGGAAAA CTATCGGCTC CCTGTATAAT AAATCAAGCC 120
AGGTCAAA 128

配列番号：4095
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04826
配列：
GATCTTTGCC TNTAAGCTTG AATATTTGGC TTAAANTTTG TNCATATGAA TACTGTTAAA 60
GGTATATTTN ACTACATTTT GAAAGGAAAA AGGTAGTCCT GCTAAAATTG ACATTTAGGG 120
ATANNN 126

配列番号：4096
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04827
配列：
GATCTGAAAT TCTGAGATAT CAATCTAGGA ATTTCAAAAG AAACAGATTA TAGAATTTAA 60
AACTTAACAC CNGTCTTGTA TTAAGAGAAG TCAACATTTT AAATAAAACC TTGTTCTTAC 120
CAAA 124

配列番号：4097
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04828
配列：
GATCTCAGAA CTGTGCCAAG CAGACACTGG GACAAAGGGA GAATATCTTG CTCCCCTCCT 60
GAGTCAGCCT GGTGTTGCCC TTTATTCCCC TTATGTGCAT ATGATTAAAG AGTTATTTTT 120
AAA 123

配列番号：4098
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04829
配列：
GATCCTACAA ACAGACATTT TCCACTCGTG TTTCCATAGT TGTTAAGTGT ATCAGATGTG 60
TTGGGCATGT GAATCTCCAA GTGCCTGTNT AATAAATAAA GTATCTTTAT TTCATTCATA 120
AA 122

配列番号：4099
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04830
配列：
GATCTTCTCG CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGAGCTACAG GTGTGAGCTA CCCAGCATGG 60
CTCATTTGAG ATTTCTGAGT AGAGAAGTAA CATGATTAAA CTTGGGTATT GAGATTATAA 120
A 121

配列番号：4100
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04831
配列：
GATCAATCTC TCCCTCAGCT TTCTTTCCTA CTTTTGCAGC TTTGCTGGCT TTTAACTGCT 60
TCATTCTTCT GCTTCATTGG TATCCTTTTT TCTTTTGAAA TAAAAACATG AAATACTTAA 120
A 121

配列番号：4101
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04832
配列：
GATCGACTGA GTCCAGAAAG TCAAGGCTGC AGAGAGCCAC ATTCACTGCA CTCCAGCATN 60
GNTGNCAGAG GNAGACCCTG TCTCAAAAAA AAAAGAAAAA AGAAAAAGTG ACAATGNCAA 120
A 121

配列番号：4102
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04833
配列：
GATCGGTAGG GGGCCTGCTC CTCGGACTCT GGTTACCTCT AAGGCTGGGA AAGGCCTGGT 60
TGCCCACTGC NTCCNTCCCT GCCCCTCCTT TNATGTCCAT AAAGTGGCGT GAAGTGAAA 119

配列番号：4103
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04834
配列：
GATCACCCTT AAATCNGNGT TGGGAAAATA TCAATTAACT GGACTCTCTG GTTTGAATTC 60
TCAATATGTA TCTTAATATG AAATAGCTCA TTAAAACTTC ATGTGTAACT ATTAAA 116

配列番号：4104
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04835
配列：
GATCTGGGTG GTAGTTACTG GGTGTGTTCT CTTTGTGATA CTCTCTCGAG ATGTACACTT 60
AGGATTTGCA ATCTTTTCTG TAAAATATTT CAATAAAAGA CATTTATTTT TTAAA 115

配列番号：4105
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04836
配列：
GATCTTAGCT AAATCTCGGT AGATGTCATT ACAACCTNGA AAATAAATCA CCCTAAGTGA 60
CACAAATTGA AGCATGTACA AATTATACAT AATAAAGTGT TTTTAATAAT TGAAA 115

配列番号：4106
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04837
配列：
GATCCTNCAC CTCTTGGNAA TTAAAATTGT TGGTCACTGG GGAAAGCCTG AGTTTGCAAC 60
CAGTTGTAGG GTTTCTGTTG TGTTTTTTTT TTTTTTTTAA AAAAAAANTN NAATN 115

配列番号：4107
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04838
配列：
GATCAGACAA GGAATGAAGC AATGNCTGTG GGCTGGGAAA CTGTACCTAC CTCTCTNCCC 60
ACTGCAAATN NCTGGGATAG ACCAAAAGTG AATTTAATTA TGTNTTGGCT GAAGN 115

配列番号：4108
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04839
配列：
GATCCCAACT TGAAACAACA GCCAGTGCCT GTGGTAACTT AANNTNTTGT CAAATACTTT 60
TATTGATTGG TTTATATGCC ATTNTTGTTA TAGAAGAATA TGCCTTTTAA AAANN 115

配列番号：4109
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04840
配列：
GATCAGCTCC GTGGGACTGA TATTGGTCCA CANCANAACA GGCACTGCCT CCTTCCCTCT 60
GGGGAATGCA AAAGAAANCA TGGATTAAGN GAGAAGGGAG ACTCTCAGCN TN 112

配列番号：4110
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04841
配列：
GATCGCCCAA TAAACATTCC CTTGGATGTA GTCTGAGGCC CCTTAACTCA TCTGTTATCC 60
TGCTAGCTGT AGAAATGTAT CCTGATAAAC ATTAAACACT GTAATCTTAA A 111

配列番号：4111
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04842
配列：
GATCGGCATA TGCATATCAA AAACAGCTCC CAGCTCTGTA AGGCATTAGA GTGAAAGCAN 60
ANAATTTTTT AATGAAACAT TTATTTGCCT TCTTTTACTG CAGTGCTNNN N 111

配列番号：4112
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04843
配列：
GATCATACTN CTTTATCTAG AGNTTTGTCT CAGCTTGCAG AGNTTGAGGA GAAGATAGAC 60
CAGTTACATC AAGAACAAGC TTTTCCTGAC TTTAATATGT TTNCNGAACT N 111

配列番号：4113
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04844
配列：
GATCACAGTG CAGATAATTA CCTCACACCT GTTAGGATGG CTTTCACCAA AAAGACAAAA 60
GATACGTGTA GGCAAGGATG TGGAGGAAAG AGAACTCTTG TATACGTAAA 110

配列番号：4114
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04845
配列：
GATCTTAGTC CGTTTTTTTT TTATATATTG TAACGTTAAA TGAAAAAAGA ACCCCCCTNN 60
TGTATTATAG TCATGCGGTC TTATGTATGA TAAACAGTTG AATAATTAAA 110

配列番号：4115
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04846
配列：
GATCTGGGAC TTCCAGAAAA CAGAACTNTN AAAANACAAG TTTCTTTTGT TTAAACCACC 60
CAATCTNAAG TATTTTTTNA TGGCAGTCCT GGGCAGACTA ATACAATATN 110

配列番号：4116
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04847
配列：
GATCTATCAT AAAAAGCAAT GTCTTCTCTG GAATGGGGCT TCAGTTTCCA CATTTACAAT 60
TAGTACATAT TACAATTAGT GATATGAATA AAGGCTGTTA TCCTACAAA 109

配列番号：4117
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04848
配列：
GATCAAAACA GGTGACAGTG AAGTGGTTTC GGCCCTGCCA ATCTGATATC GTGTATGTAT 60
GAGAGTGGTC AGCATTTTAC CACTGGTAAC AAGTTCCTTN CTGTNCAAA 109

配列番号：4118
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04850
配列：
GATCTATATA ATTTATGTAT CACCTTCATT GTAAATTTAG CAGGAAATGC ATCACAATTA 60
TNATTTTTTT TTTTTGNACC AGTGAAACAA TAAAGATGCT ATTACCAAA 109

配列番号：4119
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04851
配列：
GATCATGTTG CTGGCTTTTA TAAACTCTAA GCGAAGGAGG AGCACTGCCT CAGCCTTTGC 60
ACATGGTAAT GAAGCACTGT TTTTAAATAA AAGAGAGAAA CACCAAA 107

配列番号：4120
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04852
配列：
GATCCGTGAG GGCGTGANTT GGACTGGACC CACTGCTGAT TCCCTGCACC TAGCACAGTG 60
CTTGCCACAA AGTGGGCTCT CAATAAATAT TATTTGTCCA AGGAAGGAAT GAATGAAA 118

配列番号：4121
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04853
配列：
GATCGTCTGA GCCCCNCGGG CACTGGGTGG GGCAGAGCAC GAGTTATTTA AAACAGTTAC 60
ACTGCAGGGT TTCGCCCAAT AAAGGTGGAC TGACATTCCC TCTTCAAA 108

配列番号：4122
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS4154
配列：
GATCTTTTAT ACTCAGNT AAACACTTTA CTTGGGTTTA CCAAGCCTCA ACTGGCATAC 60
CATAAACANG CCACANGA CGTTCCTGCA GGCCCACCCC ACAGGGN 107

配列番号：4123
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04855
配列：
GATCCGGAAC CCACTTTTTT ATTCACTCC CATCGTCGTT TGGCCNTTCC ATCNNTCTTT 60
NTCTTTCCCT CTGCCATCCG TACACTAT AGTTNGTCAT ATAAATN 107

配列番号：4124
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04856
配列：
GATCTCCAAT CTCCTCGGTT GCAACACCTG AATAAAGCCT TCTTCCCTCA CAATACTTGN 60
NNNCTCAGTG ATTGGCTTAC TGTGCAGTGA GCAACCTAGA CCAANN 106

配列番号：4125
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04859
配列：
GATCAAAATC ACGTTTGTAG TATCATATCA AAAATTCTAA CCTGTTTACA TTGTTTTNAT 60
GTTCATGTTC CTATGTTATT AAAATATTAT TTTGTACTTA AA 102

配列番号：4126
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04860
配列：
GATCTACGGC AATGTGAATC ATTCAGATGT TTACAATAAA AAACACCACA TGAGTAAATG 60
AATTCACTAA TGTTAATGTT AAACTTCATG GAAAGNNNNN N 101

配列番号：4127
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04861
配列：
GATCCCCCCT CAGGACAAAT CTACTCCAGC CACGATGAGA AGTGGGTGAG CCAGGGTCTG 60
AGTTTCACAT TTGAACCAAA TAAAATGCTG TCAAGAGAAA 100

配列番号：4128
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04862
配列：
GATCATGCCA TTGCACTGCA CCTGGGCAAC AAGAGTGAAA CTCCGTCTTA AAAAATATAA 60
GAAATAAAAA AATAAAAACC TGTCCCCAGA CTGGAAA 97

配列番号：4129
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04863
配列：
GATCCTGAGC TAGGAGAGTA CATTTTGCAG ACCTTTGGTT TCCATATTAA GAAATTCAGA 60
TTTTNATGTA CAATAAAGAA GTTCTGGAAT TCTCAAA 97

配列番号：4130
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04864
配列：
GATCTCTNTN CAGCCCTAAA GCTCCTTGGT TCTGTAATTC CACCAATAGC CCATTTCAAA 60
AATAATTCTA CAGTAATCAG TGGGACTCCT GTTTTN 96

配列番号：4131
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04865
配列：
GATCACACCA CTGCACTCAA GCCTTGGCAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA GTAAAAAAAA 60
AATAAATAAA TAAAAATGTT TAATTAACCA TGAAA 95

配列番号：4132
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04866
配列：
GATCGTAGGG CATCAGAAAA ACAAAAAGAA ATAGAGAGAG TAAAAGAGAA GCAACAGAAA 60
GAACTCAATA AACAAAAACA GATTGAAAAG GTAAA 95

配列番号：4133
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04867
配列：
GATCTTTATT GTTCCTCACC CCATTTTCCT CCTTGTGTAT GTACTTCCCC CACCCCCCTT 60
TTTTTAAGTA AAATGTAAAT TCAATCTGCT CTAAGAAA 98

配列番号：4134
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04868
配列：
GATCTAATAA GTATTGGAAT GCTTCCTATT TGCTGATAGA AGTACCAAAT AGTATTATTG 60
AAGTCTAACA AAGACTTTTT GTTGAGAACA CAAA 94

配列番号：4135
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04869
配列：
GATCGAGGTA AGAGGGACTT TNTTAAAGGC CTAGTCTATG GGATGGGGCG GCGGAGGGAA 60
TTTTTTGAGA AATAAAATGA AGCTGCAGTG TAAA 94

配列番号：4136
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04870
配列：
GATCACACCG CAGACATTTA GATTTTTATA CCCAAGGCAC TTTAAAAAAA TGTTTTATAA 60
ATAGAGAATA AATTGAATTC TTGTTCCATA AA 92

配列番号：4137
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04872
配列：
GATCTTTACT GATGCACTCA TGACAAGTAC CCAATGTATT TTAGCTATTT TAGTAGTATT 60
TGTTCAATAA ATACGCAAGC TGTAAGGTAA A 91

配列番号：4138
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04873
配列：
GATCTGCTTT TCTGCATGTT TGTCTGTGTG TCTGCGTTGT GTGTGATTTT CATGGAAAAA 60
TAAAATGCAA ATGCACTCAT CACAAACTAA A 91

配列番号：4139
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04874
配列：
GATCAAAAAA AATAAATCAC AATGGTATTT AGAAAATATT TTTCACTGAA GGCTAACAAA 60
ACACTACATA TTAAAATTAT AAAATGCAAA 90

配列番号：4140
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04875
配列：
GATCTTTTGA TGTGCACTAA TGCCATTATT GGTAATGCCG GTTATTGGTG AATACAGCAT 60
AGTTAAATAA ACTGTTACAG TAAATCTAAA 90

配列番号：4141
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04877
配列：
GATCTAGGGC AAACTTGTCC AACTGTTGGC CCATGGAACA GCTTTGAATG CAGCCCAACA 60
CAAATCTATA AATTTNCTTA AACATTAAA 89

配列番号：4142
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04878
配列：
GATCAGTCTC ATGGGCCATC TCTTCCTCAG ATGTAAATAA TATCTGGTTA AGTGTTATAT 60
GGAATAAAGT GGACATTTTA AAACTAAA 88

配列番号：4143
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04879
配列：
GATCTCAGTG ATGTTTGAAC CTTCTGTGTA ACTTTTTATT AAGTCTTTGT ATCTCTCGAC 60
TGATTAATAA AGAAGAGAAA CACGTAAA 88

配列番号：4144
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04881
配列：
GATCTTTATT GGTGACCTTT TGTAAGACAT TAGTTTGAGG TACTACCTAT GTACTTGAAA 60
ATAATAAAGT GGCATTTCTT TATGAAA 87

配列番号：4145
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04882
配列：
GATCCACTTT GTACTCCTAC CAGTAGGAAC GGTCTTCTAA CAGAGAAGAT TATAGCAAAA 60
AATAAAATCT CTTCTTAATT CCCAAA 86

配列番号：4146
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04883
配列：
GATCCAAAGT CCAGCTCTCT CACTGAAGCC TTATCTTTCG GAAAGCTTCC AACAGTAACT 60
CAGGAATTNA GCTTACTTGC TTTAAA 86

配列番号：4147
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04884
配列：
GATCTAAAGA AGAAGGTTCA GTTTTCAAAC AGAATTTAGA GAAAATATAA AGAAATAATT 60
TCTTGTCTCA AAAGGCCAAA GTAAA 85

配列番号：4148
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04885
配列：
GATCCAGCTG TGCCTAAAGC CTGCCCTACC TCCGGACTTT AAAGTTTTGT GAGCCAATAA 60
AGTCCCTTTC TTGTTTAAGA TAAA 84

配列番号：4149
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04886
配列：
GATCTGAAAA GGCATTAATT TATGTACTAA TTCTATAAAC ATGTATTAAT AATTGCAGTA 60
TTATTAAATA CAGATGGACT CAAA 84

配列番号：4150
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04887
配列：
GATCAGGCCC CCCAACTCTC CAGAACAGGC TACAAACATG CAAATTAGAA TTCTTTTAAT 60
ATAAAAAAAA GTACTAAAAT AAA 83

配列番号：4151
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04888
配列：
GATCAGAGGG NAGTACAGAA NCCCTGAACT AAAGCNTTAA GTACATACCA TACAGCAAAT 60
AAATGGTAGC AAAACATTCT AAA 83

配列番号：4152
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04889
配列：
GATCTAAAAT TTGTAATATT TTTGTCATGA ACTGTACTAC TCCTAATTAT TGTAATGTAA 60
TAAAAATAGT TACAGTNACT AAA 83

配列番号：4153
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04890
配列：
GATCACATGG TTCACTACCA AATNACCCTC AAATAAGCCA GATGAAAATT TGAAGAAAAA 60
GGTCACCCAG TTCTCTGGAA A 81

配列番号：4154
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04891
配列：
GATCAGAGCG TAGTTTTAAN TGTATTTTTG ATACACTTGT GAAATATTTT ATAGAAATAA 60
AAATTTTTAC TTAGGAGCAA A 81

配列番号：4155
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04892
配列：
GATCCTTCCT CCCACCCTAN GCCTTCCTTT CCTCTTTCCT CCTCACTCTC CCCGTCATGC 60
TCCCTCTGCC CNGNCCTCAA A 81

配列番号：4156
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04893
配列：
GATCCAAANT AGTAACNTTT TNTNATGAAC TGTACTACTC CTAATTATTG TAATGTAATA 60
AAAATAGTTA CAGTGACAAA 80

配列番号：4157
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04894
配列：
GATCATTAGT CAATTGCTTT AATTATAAGC CCTGTTTTTT TTTAAATCTA AAAACTAATA 60
AACATCTATA AGAATTAAA 79

配列番号：4158
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04895
配列：
GATCNACTGT CAAAAAGAAG GGTTCAAGTA AAATAAAATG AGAGCAATTA TATATATAAA 60
TATATATCAT ACACAGAAA 79

配列番号：4159
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04897
配列：
GATCACCTGA ATTCTGGAGG TTGAGGCTGC ACCACTACAT TCCAGCCTGG GAGATAGAGT 60
GAGAGCCTGT CTTAAA 76

配列番号：4160
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04898
配列：
GATCCCAAAT NTTCCCACAA GCTTTATTCC AAAAATAATT TTATTTAATA GGTATTAAAT 60
AATGTATAGA AGGAAA 76

配列番号：4161
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04900
配列：
GATCTTCCTG TTTCAGTCCC CAAGGTGTTG GGATTATGGG CATGAACTGC TGCACCCAGC 60
CCTTTATACT CAAA 74

配列番号：4162
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04902
配列：
GATCACTGGT ATGTAGATAA TAAAATGTGA AAATAAAAAT TTAAAAATAA AACAAAAATT 60
ATGTGATAAT AAA 73

配列番号：4163
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04903
配列：
GATCGTGCAA CTGCACTCCG GCTTGGGCTA CAGAGTGAGA CTCCATCAGA AAGAAAAGAA 60
GAGAGAGATG AAA 73

配列番号：4164
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04904
配列：
GATCAGCATG TAAAGTGTCT GGCGTGTAGT AGGCTCTTAA TAAACACTGG CTGAATATGA 60
ATTGGAATGA TAAA 74

配列番号：4165
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04905
配列：
GATCTCAACT CGTGGCACTA ACTTGGAAAA GGGTTGATTT AAAATAAAAG GGAAGACTAT 60
TTTACAAGCA AA 72

配列番号：4166
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04907
配列：
GATCCTAAAC AGATGCATTG TTGCTTTTCT GTGCTGTCTC TGCAGATTAA AACATAATGA 60
TTACACTAAA 70

配列番号：4167
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04908
配列：
GATCTATTAT GCCTTTTTAC AAAAAAAATG GCTGTAAATN ATTGTAAATA TTAAAGGAAC 60
TTTCCTTACT TCCTTCCCTT TCTCAGGCTT TTTTTGACTG TTCCTTTCCC TACCAACTCA 120
GGCCTTCTTA TTAAA 135

配列番号：4168
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04909
配列：
GATCTCCCTG GAGGTTTCAT AGCAAGGTTT GACTTGATGA ATTAATTAAT AAAGCTAAAT 60
ATCCTGAAA 69

配列番号：4169
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04910
配列：
GATCACCCAC GGGGAGGAGA AGGAGGAGTG AGACCCAGCC GGGTCAATAA ACCTGGACGC 60
TTGGAAA 67

配列番号：4170
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04912
配列：
GATCTGCTTA TAAATAAACT TAACAAATAC ACTATGGAGA TTAAAAACAA AATACCACCC 60
ACAAA 65

配列番号：4171
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04913
配列：
GATCTGTTTC TCTAGAAAAA AAGTCCATCT CTGGCTTTAA TAAAATTATG CATCAGAAAT 60
CAAA 64

配列番号：4172
配列の長さ：76
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04914
配列：
GATCTCATGC TNAGCAGAGC AAAAATTGTA AAATATTTTG ATTAAAAATC TAGGGACCTT 60
TATGTCCTAT TTGAAA 76

配列番号：4173
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04915
配列：
GATCAGGAAG TGGCTTTGTG TCTTCCCACA TGTATGTATA AATAAAGTGT TCTTTTAAGC 60
AAA 63

配列番号：4174
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04916
配列：
GATCCTCATT TTTTCCCATT GTAAAATTGG GCTAATAAAA GATGCTACCT ACTGACTATT 60
AAA 63

配列番号：4175
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04917
配列：
GATCACGCTA CTGCACTCCA GCACTCCAGC GCAGGCAACA GAGGGAGACT CTTTGTCTCA 60
AA 62

配列番号：4176
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04918
配列：
GATCCTGAAT TTCCCAGCCA ACAGAACCAA GTGCTAAATA AAACTCTTTT TAATAAGTTA 60
AA 62

配列番号：4177
配列の長さ：62
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04919
配列：
GATCAAAACT CTGTTCTCAA AAATAAATAA AAAATAAAAA ACAAAACAAC AACAACAACA 60
AA 62

配列番号：4178
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04920
配列：
GATCACGCCA CTGCATTCCA GCCTGGGAGA CAGAGTGAGA AATAAATAAC TGTAATGTAA 60
A 61

配列番号：4179
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04921
配列：
GATCCAAGCA AACTACTTTA AGCAAATATT TGTAAAATTA AAAACGGAGG ACCGCTCAAA 60

配列番号：4180
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04922
配列：
GATCTAACAG TTCTCCAATA AAATAGTTCT CATTCCAGAG AGCAGATGAA TATATTTAAA 60

配列番号：4181
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04923
配列：
GATCTATGAC TGTACTACAC TCCAGCCTGG TCAACAAAGC AAGACCATAT CTCTTTAAA 59

配列番号：4182
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04924
配列：

GATCCAAGTA TTTNATCTGT GTTGTCTCTC TAAACCCAAA TAAATGTGTA AATGTGAAA 59

配列番号：4183
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04925
配列：
GATCCAATAC ACACATANCT TACAACTATC ACAAATTCCT ATTAAATATT AAAAGTAAA 59

配列番号：4184
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04926
配列：
GATCTCAAAN NGAAATCTTA TACCAGTGAC AACTGTATTA GAATATATCT GTTCTTAAA 59

配列番号：4185
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04927
配列：
GATCTCATAT TAATATTTTA ATATTTCTTT TCAAAATAAA ACAGAAAAGC AAGTAAA 57

配列番号：4186
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04928
配列：
GATCTGTGTG TTCTTTCAAA GAGAAGTTAT GTCTAATTAA AATGTGTAAC GGACAAA 57

配列番号：4187
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04929
配列：
GATCCGNGAG AGAACGACCA CAATTTAAAC ACATCAATAA ATACTTTAAC TTCCAAA 57

配列番号：4188
配列の長さ：56
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04930
配列：
GATCAAGAAG GACTACCTGT CATGTGAGAC CATCACTAAG AAACCATTTG CTGAAA 56

配列番号：4189
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04940
配列：
GATCCCACTT CGGTCTGTAA ATTCCCTCAA TAAATCACCC AATATTGACA AA 52

配列番号：4190
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04945
配列：
GATCCCCAAA GCTTAAAATA TCGACTATTT AGAGTGAGAC TCCATCACAA A 51

配列番号：4191
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04947
配列：
GATCAGCCAN GCATTCCAGC CTGGTGACAG AGCGAGACTC TGTCTCNGAA A 51

配列番号：4192
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04948
配列：
GATCTTGTTT GTTGAGGGAG ATGGGACTAT AATAAAATTG AATGCTGAAG TTGAAA 56

配列番号：4193
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04950
配列：
GATCGCGCCA CTGCGTTACA GCCTGGCGAT AATGCAGGAC TCAGTCCAAA 50

配列番号：4194
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04965
配列：
GATCTGTCTT GTAAACCACA TTCTTGACAA CTATTTGCTT TTGAGTAGTT TGTATTTTAA 60
TATGTGACTT TNGTCTTGAA AAGTAGTAAA GCCATAGACT TGTGCAAAAC AAA 113

配列番号：4195
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04985
配列：
GATCATTATG CAATAAAGCT GCTAAAGTNA CATTTGTGGT TGATACTCAA GCCTTGTACA 60
AGCACATATN ATGTAGACAT TTTNAAATGT NAAGCTTTAA CAGGAATAGG ATAGCTGTTT 120
CAAACCTTGT GCAATTGTAA ATAAATTGTT TAGCTGTGTT TCTTTCATTT TNAATAAAAA 180
ATTAAAAAGA AA 192

配列番号：4196
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04986
配列：
GATCAATTTG TAATTGCTTA CATTTTTACA ATAAATAATC TGTACGTAAA 50

配列番号：4197
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04987
配列：
GATCTTTCTT TGGCAACCAC TTTTTACTGT CGCCATAGTT CTTCCTTTTC TAGAATGTCA 60
TATTGGAATC ATATAGTATG TAGCCTTTTC AGACTGGCTT CTTTCACTTA ATAATATGCA 120
ATTAAGGTTC CTCCATGTCA TTTCATGGCT TAATAGTGCA TTTATTTTTA GCACTGAATA 180
ATACTCCATT GTCTAGATGA ATAGTTTATC CATTCACCTA TTGAAAGACT TCTTGGTGGT 240
TTCCAAGTTT TGGCAATTAT GAATAAAGCT GTTGTAAACA AA 282

配列番号：4198
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04988

配列：
GATCTTTTCA GTCAAAAATC TAAGATGATT TATTTTGTAT CACTTTGTTA AAAGCTGAAT 60
ATTGTTAACT ACAGTTAATA TTAACACTGT ATTTATACTT TCTCAAACTA CATCCGCCCC 120
ACCACTTCTG GTTGCCTCTG TTGACTATTA ATCCAGATGT AAACAACCAG ATGTTTTTTT 180
CTAACTTGTA CAAACTGACG TGTGTCAACT ATCATGGAAG GAAAAAAATG TACAGATTAA 240
AATTATTCAG NGTTAAA 257

配列番号：4199
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04989
配列：
GATCCAGGNG TTGACTATAA CCAGATTTAC TCTTTGCTTA CTAGGNTTTC CATNNTCACC 60
ATTGGATGAA CCNCTGGTTT AGCCACAGTT GTGAAAATAA ATGGAAGTTG GTTGATTGTC 120
TAGAAAGTGA AA 132

配列番号：4200
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04990
配列：
GATCCGCATC CAAGCTTAAC CAAGGCTCCA ATAAACGTGC TAGGAAGCAA A 51

配列番号：4201
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04991
配列：
GATCAGTCGC TGACTCATTA GATGAACCAG GAGCCTGCAT GCTACAGCCC ACCTGCCAAA 60
TCTTGCCCCC ACCTGCTTTT TAAAATAAAG TTTTATTGGA ACATGAAA 108

配列番号：4202
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04992
配列：
GATCTTTGCT CTGTTTCCAG TGGGGTTTGA AGCAGAGTTC AGGGAACCCT GCCCAAGGTC 60
CTCCTGTTCA GACATTCCTA TGTTGAATAA AGTATGTTTG ACTTCCCCGG AAA 113

配列番号：4203
配列の長さ：471

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04993
配列：
GATCCCACCT CAAATTAGCT TGATTGCAAA ACAGATATTG GAACATGGAG CTGAGAAGAA 60
GATGGTCTGG GCTTCAGGCA CAGCTGGGTC CAGGGACTCA GACCNNNTTG TCTCCATCTA 120
TCTNCTGTGT TTTNCTGTAG GAGGTGGCCT CACTTTCCCC TAGTTCAAAA GGGCTTACTC 180
CATATGATGG GGGAAGGGAA GACAGGNCCA TGAACAGCCC TAGACTTCCA TCAGCCCACC 240
TGGGAAGCCC TCACAGGAAA ATNAGTCTCA TTCCTAGTAC ATGAAATCTC AGGGGAGGGA 300
ACTCCGATTT GGCCACCTTC AGTNATGTGC CCNGTCCCTN GGGGCCAAAT CCNCTTTTGG 360
GTTGGTGGGG GCGGGTTTCA AGTGATTGGG NAAATNGCCA ACCNAAAGTT CANGTTNGAA 420
GTTGGAGNAA NGGGGAANTT TTNCCCAAAA AGAAANGGNA AGGTTTGNTA N 471

配列番号：4204
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04994
配列：
GATCAGGAAT GGGTGATTGG AGATTATTAG ATTCTAGGTT AACTTCTACC ACTTTACCCT 60
AATACATAAA ACTTTTTCCT AAATAAATGA TGGAAGGAAT AATACTTGGT TACCTGGCAT 120
TATTTTTCAG TAAGAAAAAA GCTTTACTAA CCACTACATT TATGGAAATT TGTAGGGGTA 180
AGTATTTTAT AGGTCATAAA AAACACCATA ATATAACGAA TCTCATTTNC TTTAAATGTG 240
AATTAAATCC TAACAGTCAT CTTTATAAAA TGACCATAGG CTAAANTCTT ACGTGTAAGT 300
NCTACTACAN TAAATANTTT CTGGAAACCT TTTATAAA 338

配列番号：4205
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04997
配列：
GATCACCTTC CAGACCACAG CAGATGTGGG ACACACAGCC TCCTGACTCC AGGAAGAGCC 60
AGANCTGTGC AGGGAGGAAG GGGTGAGAGG GGGGCCCCCA CACCTAGACT CAGTAAGGAA 120
GTCGGGTTNG ACCTTAACAT CTNCATTGGA CAACTCCACC CNTNCCTTGG CCTTGCCCCT 180
GCCCGNNTAC ACTCCTACGT NTCCANGGGC TTNGGCCGTG ACTTAGGNAG AGGAGTN 237

配列番号：4206
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04998
配列：
GATCATCCGC AGNCTCATGT TAAAAGGATT TTAGCTCACT AAAAGTGTAA TAATGGAAAT 60
GTGGAAAATA TCGTAGGTAA AAGAAACTAC CTCATGCTCT GAAGGTTTTG TAGAAGCACA 120

ATTAAACATC TAAAATGGCT TTGTTACACC AGAGCCATCT GGTGTGANGA ACTCTATATT 180
TGTATGTTGA GAGGGCATGG ANTAATTGTA TTTNGCTGGC AGTAGACACA TTCTTTATTA 240
TTTGCAGATT CCTCATCAAA TCTGTANTTA TGCACAGTTT CTGTTATCAT TAAAACAAAG 300
GAATCCNGTT AAA 313

配列番号：4207
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04999
配列：
GATCACATCT NTNTGAAGCC AAAGCCCCGT GGTTGCCCAT GAGAAGTGTC CTTTTTCATT 60
TTCACCCAAA TGAAGTGTGA ACGTGATGTT TTCGGATGCA AACTCAGCTC AGGNATTCAT 120
TTTGTNTCTT AGTTTTATAT GCATCCTTAT TTNTAATACA CCTGCTTCAC GTCCCTATGT 180
TNGGAAGTCC ATATTTGTNT GCTTTTNTTG CAGCATCATT GCCTNTACAA TACTGNCCGG 240
TGGACAAANT GACAATNGAT ATGTNTTGCT N 271

配列番号：4208
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05001
配列：
GATCGCACTG TGGGCCGGGG CCCTGGAGGG CTGCTCTGTG TTAATAAGAT TGTAAGGTTT 60
GCCCTCCTCA CCTGTTGCCG GCATGCGGGT AGTATTAGCC ACCCCCCTCC ATCTGTTCCC 120
AGCACCGGAG AAGGGGGTGC TCAGGTGGAG GTGTGGGGTA TGCACCTGAG CTCCTGCTTC 180
GCGCCTGCTG CTCTGCCCCA ACGCGACCGC TGCCCGGCTG CCCAGAGGCT GGATGCCTGC 240
CGGTCCCCGA GCAAGCCTGG GAACTCAGGA AAATTCACAG GACTTGGGAG ATTCTAAATC 300
TTAAGTGCAA TTATTTTTAA TAAAAGGGGT ATTTGGAATC AGAAA 345

配列番号：4209
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05002
配列：
GATCTTACTT TCATAATTCT TTGATTCTAG CTTGCAGAGT CAAGACGNAA AGNTAACTCA 60
TGGGATGGAC AAACTGGAAG ATGTAAAATA AGTAAGGCTT TNTGGGCCAA AAAGCCTCTT 120
CTTACAGAAA ATCAAATTTT AAAAGAACAT TGACCTCAAA ACAATAAAAC TGTCCTGGTT 180
ATGCAATAGA AATAGCTATA TAAATGGAAT CATATCCTTA ATGAACACCT CCTGTGGCTA 240
CCCAACTTTT CACACATCTT ACTGATTATA GGCCTTGCTG TGAATGCTTT CTTGCTCTAT 300
CTGAAGTATT CCCACCAGAG TTGTTTCCAA CNTTATTTCC TATATTATGA AAAATGANGT 360
TTTTTTAACA TTGTAACAAA GTATTTGNAA GGTAATGTAT ACTGTN 406

配列番号：4210

配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05003
配列：
GATCTAAAAA AANNTAAATT ACATTAGTAA CACAACATAA GAAAAAGACA GGGACAAAAA 60
CAAAAAAAAA TAAA 74

配列番号：4211
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05004
配列：
GATCCTATGT GGAAGGGCTG TTTTTTAAGA AAAAATTTTT GGTAAACAGT ATTGTGTAAA 60
ATTGCTTTTT GTATACCAAT ATATGCATGT TTTGTGCATG AGTAGTACTT GTGTTGATAC 120
TCCTGTTGAT GTTAAATTAC TATATAATAT AANCAGTATG TGTTTTTATA TATCATTGTG 180
TAAATTTAAT ATAACATATG CNGTAATAAN CCATTNGTNT TACGGGCAAA 230

配列番号：4212
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05005
配列：
GATCTCAATC AAGTTAGCAT GCTTNCTCCA GCTGCCCTAT NACCTGCCAG CTCATCACAA 60
AGAACCACGG CCACCCAGGT CATGGCAAAC TCTGCTGGAC TTAACTTCAT CAATGTAGTG 120
GGCTCTNTTT GTGGGGCCCA GGCTTTGATG AGTNGGNNNN N 161

配列番号：4213
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05006
配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA ACCCCGTCTC TACTAAAGAT ACAAAAATTA 60
GCTGGACATG GTGGCGGGCG CCTGTNTTCC CAGCTACTGG GGAGGCTGAG GCAGGAGAAT 120
GGCTTNGAGG CAGTAGAACT GCTTGAACCC TGGAGGCGGA GGTTACAGTT ATCCGAGGTT 180
GTGTCATTGC ACTCCAGCCT GGGGAACAGA GCGAGACTCC ATCTCAAAAA AAATAAAAAA 240
CTTCAGCTTT TGCATGAAA 259

配列番号：4214
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05007
配列：
GATCATGCTT TAAGGTTTAT GTAAAGAAAG TGTACTGATG TTCTTACATT AAAGCTTTAC 60
AAAGATTTAA A 71

配列番号：4215
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05008
配列：
GATCTTGGTG GTAGTAGCTG TCTATGATTC TNGCTCAGCA AAGTAAAATA AATGTTAAAT 60
ATGGAAA 67

配列番号：4216
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05009
配列：
GATCAAATGA AATAATGTAC ATGAAAAGAC ATATATAAAA TGTATAATAC AGACAAAGGG 60
NCCTGTTACA CAGTTGGAAG TCATNCCCTC AGATTTTGGG CCTAGGAAGG TAGGTGATTT 120
AAACTCACTG AAAGCANNGN NNN 143

配列番号：4217
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05010
配列：
GATCACAGCC ACTGGTCCAT AACAATTAGG AAAACTCATT GGACAATGGT TGTCAGGTTC 60
CTCCATTGGA GGGAATTGTG TTTCATGATT AGGCACTGTT TCTGCTCCTT AAAAATGACT 120
TTCCAGTCTA TCCTCCACAG CTCTTTGTTC TACACTCTAG GGAATCATTC TTTTTCCCTC 180
ATCTTCCTTA GTCACTTGCA AAGGACATTA GAGAATATGC CCTTTTTGGT GGATAAATGG 240
GTTCTTCAAC CTGCTTTCTG CCTGTAGAAA ATTAGAGGCC AATAATCTGT TTATATCTTG 300
TAGAATGTCT ATTTTAGCTG GTACCGGTAC TTTTGTCAAT AAAGTTCTTT TTTAAACTTA 360
AA 362

配列番号：4218
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05011
配列：
GATCTGNGAA GAGCACATAT GTGTCAGGGC ACAATTCCCN CTCATAAAAA CCACACAGCC 60

TGGAAATTGG CCCTGGCCCT TCAAGATAGC CTTCTTTAGA ATATNATTTG GCTAGAAAGA 120
TTCTTAAATA TGTGGANTAT GNTTATCCTT AGCTGGAATA TTTNCTCTAC TTCCTGTCTG 180
CATGCCCNAG GCTTCTGAAG CAGCCAATGT CGN 213

配列番号：4219
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05013
配列：
GATCACTACA ACANTTTNTT TGCCTCCAAG GTCCTCTGAG GCAGCAGGCT CTGGGGCTTC 60
TNCTGTCCTT TGGAGGGTGT CTTCTGGGTA GAGGGATGGG AAGNAAGGGA CCCTTACCCC 120
CGGNTCTTCT CCTGACCTGC CAATAAAAAT TTATGGTCCA AGGGAGAAA 169

配列番号：4220
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05014
配列：
GATCGCGCAG GATTTCAAAA CCGACCTGAG GTTTCANAGC GCANCATCGG TGCGCTGCAG 60
GAGGCTAGCG AAGNANCCTG GTGGGTCTGT TCGAAGATAC CAACCTGTGT GCCATCCACG 120
CTAAGAGAGT CACCATCATG CCCAAAGACA TCCAGTTGGC TCGCCGGATA CGGGGAGAGA 180
GAGCTTAAGT GAAGGCAGTT TTTATGGCGT TTTGTAGTAA ATTCTGTAAA ATAAA 235

配列番号：4221
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05016
配列：
GATCAAAGTC CTACAGTGGC TGTCACGCAG CCACNAGGTC ATCTCCTTTC ATCCCCACCC 60
CAAGGCGCTG GCTGTGACTC TGCTTCCTGC ACTGACCCAG AGNCTCTGCC TGTGCATGGC 120
CAGCTGCGTC TACTCAGGTC CCAAGGGGTT TCTGTTTCTA TTCTTTCCTC AGACTGCTCA 180
AGAGAAGCAC ATGAAA 196

配列番号：4222
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05018
配列：
GATCTGCACC AGACTGTTAC CTTCTGGGGG AGATGGAGAT TTGACTGTTT AAAAACTGAA 60
AACAGCGAGG AGTCTTTCTA GAACTTTTGA ACACTAAAAG GATGAAAAAA ATTAGCAAAC 120
CGAAGTTTCT TCAATGACCC CTCGAGAACT TTGGGACCAG TTTCCTATGG GGGACTCAGT 180

TTCAGAGAAC TGAGACAGAA GCTCTTCTGT CGTTATATTC TTCTTTCCTT TTTTTGGATT 240
TATTAAATAT TTTCTGTGGA AA 262

配列番号：4223
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05019
配列：
GATCCTGCAG TGTCCTGTGG GTTCATCTCG GATGGGCGCT GCATAAACAG CCTGCAGGGA 60
ACGTCTGGGA GAACCAGCTT CACAACAGAT ATAATAAGGA AGAAGTTTGA AATATTGCAA 120
GANTTGCGAA AGTGTGACAC ACAGATACAA AGTGGGCACA TGCTCGTGGG AAAATGTTGC 180
CAATAGACTT GCTTGACTCT GGAGTTACCC CGAACCTTCA ATTTGTTTAA AAAAAAAAAN 240
GGGCANTTTN TTGNNGNGCA NTAAGGTGNC CTGCAAA 277

配列番号：4224
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05021
配列：
GATCGCGTCC ACCTTCATCG CTGTGGTGCA AGCCATCGTC CGCACGGCTG GTGGCTGGGC 60
AGCTGCCTCG GACTCCAGGA AAGGCGGGGA GCCTGCCGGC TACTGAGTGC TCCAGGAGGA 120
CAAGGCTGAC AAGCAATCCA GGGACAAGAT ACTCACCAGG ACCAGGAAGG GGACTCTGGG 180
GGACCGGCTT CCCCTGTNAG CAGCAGAGCA GCACAATAAA TNAGGCCACT GTGCCAGGNT 240
CCAGGTGGCC TNCCTGGNCT GTTTCCCCAA A 271

配列番号：4225
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05023
配列：
GATCCACGGA AGACTGTCAG CAGACTTCAC CAGAAAACTT TCACGCCAGA NGGCAGTCGT 60
GATATATACA AAANGCTGAA AGGAAANCAC TGCCATCCAG GANTACTATC TCCAACTNTC 120
CTGTGTTTCA AAANTTAN 138

配列番号：4226
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05024
配列：
GATCTGCATT TAAAAATATG GTCTTTGTTT TATATGATTA AATGGTTTGT TTTCATAGAT 60
GAAA 64

配列番号：4227
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05025
配列：
GATCCCGGCT GTTGGTGAGC AAAGAGCCCA GGCCCCTAGA GTGCGCATGT NCAGGCTCCG 60
CTGTTAGANT CACAGCGGTT CAAATCCGGC ATCTGGTCGC TGAGTGGCCT CAGGCAGTGA 120
CCACGCTCCC GGACCCAACC TTCAGCTTGC CCAAAGCAAT AATCTTTCCT AAAGAAGTGC 180
TTGGNTGGGG ATGGTGGCTC ACGCTTGTAA ATCCCAGTAC TTTGGGAGGC CAAGGCAGTC 240
TGGGCAATAT AGTGAGGCTC CCATCTGTAC TAAAAATAAA AAAGTTAGGC GTGAAA 296

配列番号：4228
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05026
配列：
GATCAGACCT CTCATGCTGT GGAGATGAAA AAGCCCTAAA GTTTATGTTT CTAATGTGTC 60
ACAGAATAGG ACGATATGAT TCTACAACAT AATCAACTCC CTATTAAATT CTTTAATGAA 120
GATTTTTTTT TTAAA 135

配列番号：4229
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05027
配列：
GATCCTCTTT CTAGCATGAA TGAAGGATGC CAAGAATGAG AAAAAGCAAG GGGTTTGTCC 60
AGGTGGCCCC TGAATTCTGC GCAAGGNATG GGCCTGGGGG AACTCAAGGG AGGGCCTAAA 120
GCACTTGTAA CTTTGAACCG TCTGTCTGGA GGTCAGAGCC TGTTGGAAAG CAGGGGTAGA 180
GGGGAGCCCT GGAAGCAGGG CTTTTCCGGA TGCCTAGGGG TGGGCAGTGC CAGCCCCTCC 240
TCACCACTCT TCCCCTTGCA GTGGAGGAGA GAGCCAGAGT GGATACTATT TTTNATTAAA 300
TATATTATTA TATGTTAATA AAAAANTCAT ATCCAAA 337

配列番号：4230
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05028
配列：
GATCCTTCGC GAGCGAGTGA ACAAGAGGCG GGTGAAGGAG ATGGTGAAGG AGTTCACACT 60
GCTGTGCCGG GGTCTCCATG GCACAGGGTA CACAGCTGAC TACTGAGGGG TGCCCCCATC 120
CCATCCACCC CTTCTCTTCA TCCTTCCCTA TTCCCAAAGN GTAAACCTGG NCCCTNAAA 179

配列番号：4231
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05029
配列：
GATCGCTGGA CGCTATGAGA GGGCGTCCCA GGGCCCAGCC TCCCACAGCC GTTTCAGCAG 60
GGACAGGGGC TGAACAGGCC CTATTCCAGC CCCCTTGCTT CACTCTACCG GACAGACGGC 120
AGCAGTCCCA GCTCTGGTTT CCTTCTCGGT TTATTCTGTT AGAATGAAAT GGTTCCCATA 180
AATAAGGGGC ATGAGCCCTT CCTCAAA 207

配列番号：4232
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05030
配列：
GATCTGAAAT AGTTTTCTTC CACTACATTG TTGAAATCAA TGAAGCAATT AGTTTCTCAT 60
TCAGAAATGT GCACACTAAT ATTTAGTTTT GCTTTCTCGT GGATAATATT AAGCNCTTAC 120
TCTGCAGTTT CCTGGAAGTT GTGTCAACTG CAGTGATACT ATTCAGGATG GTGGGAAATC 180
CCCAAAAATA TGTATGTGTG GGCTTGCTTA GATTACTATA TTTCATAGTT AATCTTTTGT 240
CTCTTGCGGT GCTCATGATG TGTGGGGCAC ACGGAAGGCA TTGCTGTAGT CAGTCATTTT 300
GGTTTTCTTC TATAGCCATT TTATTATTTT AGTGTATTAG TTATGAAGAT AATATTNNCT 360
ATTTGTAAAT NGCTACTTTG TATTTN 386

配列番号：4233
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05031
配列：
GATCTTCANA TTGCTGTGAT TAATGCATCC AGATTNTTTT CCTAGTATTT CCAGGTTAGA 60
ACCTGTGGAT TGTTTCANTT GCATATAGCT TGGTTTCCAT AACATAGAGC ATTGGTTGAC 120
TGTTTACAGA AGACTCACTC ACCAGGATAA ACATTGCNGT ATGTNACAGT AAAGCTATCT 180
GGAGAGANCA CATAAATGAT TTTGGCATAC CATTAGAGAA ACCATTTGTA AAACTCAAAT 240
GNCCACATAA NGCTTATCAG GGGGTCTAGA TTGGTNTTGT NNTATACCAT ATGGGATGAN 300
GNAAANTAGA AATGTCAGTA GAACTCATTG AGGGTGCTCT NGCCAGCTGC NGANAN 356

配列番号：4234
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05033
配列：

GATCTGCTTT TTTNAAATGT TAAGGACATA TTTTNAAGTT ACTGCTGAGT GAAGAAAGAA 60
CATAGCTCCC CCTCATTCCC TGCGTAAGAA AGGAGCTTAA AGAAA 105

配列番号：4235
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05034
配列：
GATCAGGGCC TTCCTGCCTC CCGCTGGGCA GGTCTGGCCT TGCNCTCTTG GCAGGGCCCC 60
AGCCCCTCTA ACCACTCTGC AGCTCACCAT GCAGCTGATG CCAAANTTGT GGTGTCCAGT 120
GTGCAGCAGC CCTGGGAGCC ACTGCCACCT TCAGAGGGGT TCCTTGCTGA GACCCACATT 180
GNTTCACCTG GCCCCACCAT GGCTGCTTGC CTGGCCCAAC CTAGCGTTCT GTGCCATGNT 240
AGAGCTTGAG CTGTTGCTCT NCTTCAGGGG AGGAAATAGG GTNGAGAGNG GGAAGAGNNT 300
TNGCTCCTAA GTGTTGCTGC TGTGGCTTTT TTTGCCTTCT GCN 343

配列番号：4236
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05035
配列：
GATCATTTCA AAACTCATTT CCTATGTAAC TGCATTGAGA ACTGCATATG ATTCGCTGAT 60
ATATGTGTTT TTCACATTTG CGAATGGTTC CATTCTCTCT CCTGTACTTT TTCCAGACAC 120
TTTTTTGAGT GGATGATGTT TCGTGAAGTA TACTGTATTT TNACCTTNTT CCTTCCTTAT 180
CACTGACACA AAAAGTAGAT TAAGAGATGG GTTTGACAAG GTTCTTCCCT TTTACATACT 240
GCTGTCTATG TGGCTGTATC TNGTTNTTCC ACTACTGNTA CCACANCTAT ATTATCATGC 300
AAATGCTGTA TTCTTCTGTT GGGTGGAGAN AAAGGATTTC TTGNAGGTTT NGTTTTTAAA 360
ATTNAAAGCN 370

配列番号：4237
配列の長さ：529
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05037
配列：
GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCCACC CAAGCTTGGC AGNCGAGCNN ATTGTATCCT 60
GGGGCTCCCT TCATCTCCAG GGAGTCCNNT CCCCGGCCCT ACCAGCGCCC GCTTGGCTGA 120
GCCCCTACCC CACACCAGGC CGTCCTCCCG GGCCCTCCCT TGGAAACCTG CCCTGCCTGA 180
GGGCCCCTCT GCCCAGCTTG GGCCCAGCTG GGCTCTGCCA CCCTACCTGT TCAGTGTCCC 240
GGGCCCGTTG AGGATGAGGC CGCTAGAGGC CTNAGGATGA GCTGGAAGGA GTGAGAGGGG 300
ACAAAACCCA CCTTGTTGGA GCCTGCAGGG TGGTGCTGGG ACTTAGGCCA GTCCCAGGGG 360
CAATGTATTG GCCTGGAAGG TGGGGTTTGG GATTTNGGGG GCTTGGTGCC AAGCTTTCCT 420
TTTNNANGNT GACCTTTNTT TNGTNCTTNC CCCTTTGGGG NGGGNTNAAA AGNCCCAAGT 480
TTGANANTGG GAAATAAANT TTTTTTGGGC CTCCGGNTTT CCCTTNAAA 529

配列番号：4238
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05039
配列：
GATCGTTTTC TGATTTGTAT GCTTCACAAA CTTGGATTTG ACAAAGAAAA TGTTTATGNN 60
NGAATTGCGA CAGTGTATTC GCAACTNTCC TCAGTTCAGA TTTGACTGGT TTCTTAAGTC 120
CAGAACTGCA ATGGAGCTCC AGNGGAGATG TAATACCTTA ATTNCTTTGA TTGAAAGAGA 180
AAACATGGAA CTAGAAGAAA AGGAGAAGGC AGAGAAAAAG AAACGAGGAC CAAAGCCTTC 240
ANCACAGAAA CGTAAAATGG ATGGCGCACC TGATGGTCGA GGTAGAAAAA NGTGGCTGGA 300
ANCTATGNNT ATGGTTTTNT TTCATAAATC ACTNAGCTTT ANACCNAGTA GTTCCTNTNA 360
NTTTN 365

配列番号：4239
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05040
配列：
GATCATTACA ACANTTGTNT GCCTCCAAGT CCTTGAGGCA GCAAGTCTGG GGCTTCTGTN 60
TCNTTTGAGG GTGTCTTCTG GGTAGAGCGA TGGGAAGGAA GGACCCTTAC CCNN 114

配列番号：4240
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05041
配列：
GATCATCCGC GGCGGCCGGG CTCGTGGGGC GCCTGGAGTG AGGGTTCTGG TTCCCGCCGG 60
CGAGGATTGT TAAAATNAGT CTTCGGAAGN AGACCCCTAG TGACTTCTTA AAGCAAATCA 120
TCGGACGACC AGTTGTGGTA AAATTAAATT CTGGAGTGGA TTATCGAGGG GTCCTGGCTT 180
GCCTGGATGG CTACATGAAT ATAGCCCTGG AGCAGACAGA AGAATATGTA AATGGACAAC 240
TGAAGAATAA GTATGGGGAT GCATTTATCC GAGGAAACAA TGTGTTGTAC ATCAGTACAC 300
AGNAGAGACG GN 312

配列番号：4241
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05042
配列：
GATCGGAGTA CANAGTNACA NTTGGAGGGC AGGGGGACTN TAAGGCAAGG AGATTACAGT 60
TGGGAAGGAG GCAGTGGCAG AGGGGTGAGG GACAGGGGCC CTTAAGTCCA GCGAGGAAAG 120

CTCGGTGTGG GCCCGTCTAC GCTCCGTTTG GGGTGACCTG GAACGCCTCT TCTACAGCTC 180
CTNCAGCATC AGCAGCCTCT TGTCAAGTTT TGCCTCGCCC ANTCTATCCC AACCCAAATA 240
AGACACTTTC TTCACGNCAT ATTATCTTTG TCCTTTCTTT TTTAAGAACA TCACAAAACC 300
ATGAAA 306

配列番号：4242
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05043
配列：
GATCTTAAAC CCAGTCTTGA CAGACTAGAA GTTAAGTTTA ATACAGAAAA TGTCCTGTTC 60
ACTTGAAAGA AAAGACCTAC TTTTTAAATG GACACTATCT TGGTTCTTTT TTTTTAAGTC 120
ATCTTTTTGT TATAAGTGAC CTTTGTCTGG AATGTCTGAA AAGTAGTTAA TGCTTTTNGG 180
TATTGAAGTA ATGGGTAACT AAAATGGACT TCCATAGTAT TGACTGTAGA AGGAGCCTCT 240
ACAATATTGA CTATATATNN NNATAAACTA CTGGCAAGGN ACTTAAA 287

配列番号：4243
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05044
配列：
GATCTCCACT GTTGGGTGGG TGGGCCCTGC CGGGACCCTG CTTCACAGGC AGGCTTTTCC 60
TCCAACCTGT GGCGCTGCAG CAGGGCAGGA AGGGGAAACA CAGCTGATGA ACTGTGGTGC 120
CACATGACCC TTGTGGCACA GATGCCCACG TATGTGAAAC ACACATGGAC ATGTGTCCCA 180
GCCACAGTGT TATGCTCTGT GGCNGGCTCA CCTTTGCTGA GTTCCGGGGT GCAATGGGGG 240
AGGGAGGGAG GGAAAGCTTC CTCCTAAATC AAGCATCTTT CTGTTACTTG ATGTTCAATA 300
AAAGAATAGT TGGCAAGGCT GAAA 324

配列番号：4244
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05045
配列：
GATCATTCAT ATGTGTACAT AAAATTTTAA AAATAAAGGG AATTGACTGC TTTGTTAATG 60
AGAAA 65

配列番号：4245
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05046
配列：

GATCCAGAGA ATGAATCCCT GACCGCATCA CCTAAACTGT CTTCCAAACA TGAGACAAAG 60
CTGACTGTTC ACACTGATTG CCCAGCACAT ACCGTCTTGC CAGTTTCTTC TTTTCTCCCA 120
GTCTCCTGTT CATCCATTCT GTTCTCCCTT GGGGTGGGAA TCTATGATGG AGGTTACTGG 180
GGAAACAGCT CAGCAGATTT TTGGAGACCA AACCAAAGGT CTCACTAGGA AATTTATCTG 240
TTTTAAAACA TTGCTTCCTT CCTGGCTCTG CTAAATTGAA TGCTCATN 288

配列番号：4246
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05047
配列：
GATCTCTGCT CCTAACGATG AAGACTGGGC CTATTCACAG CAGCTCTCTG CCCTCAGTGG 60
TCAGGCGTGC AATTTTGGTC TGCGCCACAT AACCATTCTG AAGCTTTTAG GCGTTGGAGA 120
GGAAGTTGGG GGAGTGTTAG AACTGTTCCC AATTAATGGG AGCTCTGTTG TTGAGCGAGA 180
AGACGTACCA GCCCATTTGG TGAAAGACAT TCGTAACTAT TTTCAAGTGA GCCCGGAGTA 240
CTTCTCCATG CTTCTAGTCG GAAAAGACGG AAATGTCAAA TCCTGGTATC CTTCCCCAAT 300
GTGGTCCATG GTGATTGTGT ACGATTTAAT TGN 333

配列番号：4247
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05051
配列：
GATCCTCCAC AGAGAGGAGG GGACCAATTC TGGACAGACA GATGTTGGGA GGATACAGAG 60
GAGATGCCAC TTCTCACTCA CCACTACCAG CCAGCCTCAG AAGGCCCCAG AGAGACCCTG 120
CAAGACCACG GAGGGAGCGA CACTTGAATG TAGAATAGGC AGGGGGCCCT GCCCCACCCN 180
ATCCAGCCAG ACCCCACGNT GACCATGCGT CAGGGGNCTA GAGGTGGAGT TCTTAGCTAT 240
NCTTGGCTTT NAGAGCCAGC CTGGNTCTGN CCNCTCCCNC CATGGGGN 288

配列番号：4248
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05052
配列：
GATCTCTAAG TGACCACCAG GGGCTCTGAA CTGCAGCTGA TGTTATCAGC AGGCCATGCA 60
TCCTGCTGCC AAGGGTGGAC ACGGCTGCAG ACTTCTGGGG GAATTGTCGC CTCCTGCTCT 120
TTTGTTACTG AGTGAGATAA GGTTGTTCAA TAAAGACTTT TATCCCCAAA 170

配列番号：4249
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05053
配列：
GATCTACATA GATTTGGAAA CTGTTTTCCT CTGTTTTGGT CTCTTGGGCA ACATTTTTGG 60
CCCAAGTTTG GGCAACATTT GGCCCAAGNT TGGGCATTTT GGCAGTAGCT GTATGGNAGA 120
AAAAGAGTAA GAGGAN 136

配列番号：4250
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05054
配列：
GATCNTTTGC TTTAGNGTGT AAAGTNTGTC TCTGAACAGA ATTATTTGTA AAAGTTAGGA 60
GTTCTTTTTT AAATCATTAA AAGAGGCTTG NTGAAGGAAA 100

配列番号：4251
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05055
配列：
GATCCTAGAG CCCTTCACTT CGGNTTACTC CCTCTTTTTT GCCTCTNTTT NTTAGTTGGA 60
AGAAATAAAC TCACAAATTA TGGTGCAGTA ATTTNCCGGG GAAAGTAAAG CCTCAGGAAT 120
GCCCACGCCT TTTTTCCAAA GCCTTTNTCT CTGAGACCTC TTAAGTTCTA AGATTAAATG 180
CCCCTCGCTG TTTCTCCTCT GAAA 204

配列番号：4252
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05056
配列：
GATCAAGGAG CAATTATGAA GGTCTACAAG CAAGANCAAG AGGAAGAATT ATNGAAAAAG 60
TTGGCAAATG NCCCCAGATG GAAGAGATAC AGGAGATGGA TGAAGAATGA AGGGCCTGGG 120
CGGTTAACAT TTGTGGATGA CTGANGATTG ATGGAATGCT ACTATGCCAA ACCTTAATTG 180
TGATATTATT TTCATAACTG ANTTATTTTA GAAATGTATC ANTNGACTGC TGCTCAGCAG 240
TAACTAAAAT TCCTCAAGTA TTTGATTAAA CAGATTAATG TCAAANTTTA AACCTTCCCT 300
TAAAACTTTN 310

配列番号：4253
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05058
配列：

GATCTAATTG CATTGGTTAA AAGCAGCTAA CCAGGTCTTT AGAATATGCT CTAGCCAAGT 60
CTAACTTTAT TTAGACGCTG TAGATGGACA AGCTTGATTG TTGGAACCAA AATGGGAACA 120
TTAAACAAAC ATCACAGCCC TCACTAATAA CATTGCTGTC AAGTGTAGAT TCCCCCCTTC 180
AAAAAAAGCT TGTGACCATT TTGTATGGCT TGTCTGGAAA CTTCTGTAAA TCTTATGTTT 240
TAGTAAAATA TTTTTTGTTA TTCTAAA 267

配列番号：4254
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05059
配列：
GATCANAACT CAAACGGGCC GGNNTTTCTA AGGTGTNGGT ATGTGGGGAG TGGTACAAAA 60
TGGTCTGATG CTCCTTCAAA AACATTCACT TTTTACAACG TCAAGGAATT AAGCATAAAA 120
AAGATTGGTT AAAAGCTTTG GTTTCTAGTA AAGGTTAGTG TGTGTGGTTT TTTTAAGAAG 180
CTGTNTTGCT AAATNATTTT TACTTGGAAT GTTTCAAACA GATTTCAGGC TGCAAACTTG 240
TTTNATAATC GTNNGCTTCT CCAAGTGAAG CTTCAGGAAT ACCTGGAAAA TAGCTGTAAC 300
GTTCGCN 307

配列番号：4255
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05060
配列：
GATCTAATAA AAATTGAAAT ATGCCTTTTA GAATGGCTTT CAAAGATAAC AAATGCTGGA 60
GAGGATGTAG AACAACTGGA ACCTCTCGGT TATTGCTGGT GAGACAGCCG CTTTGAAAAA 120
GTTTGAGTTT CTTACAAAAT TAAACTTACA CTTACACTTA CCATATGACC CAAAAATTCC 180
ACTGCTTGCT CTTTACTCAA GTATAAGGAA AATCTATGTA CACACAAAAC TNGTACGTGA 240
ATATTTATTA ATAGTCATTT TATGCCCCAA ACTAGNAATA GTCCAAATGT TCTGGGN 297

配列番号：4256
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05061
配列：
GATCTNTATT NTTTTNGCAA CAGACTTCAA GTGGTCCCTC TTTTTTCCCT ACACACTCAG 60
CTCTTCTCTA AAAGCAAGGA TTTGGAATGA NCAATTCAGT TTGACAGAAA AAGCTGAATA 120
AAATGGCATC TGTAATTGAN TTGTTGGAAA TGCCTTTTTN GCTCCTAAAT NTTAAACATC 180
ATTAATAAAA TANTGTTTCA CAAAGAAA 208

配列番号：4257
配列の長さ：208
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05062
配列：
GATCACAGGA AGACTTTGTA AGGACAGTTT AAGTTCTCCT GCAAGGTTTA ATTTGTTATC 60
ATGTAAATAT TCCAAAGCAG GNTGCCTTGT GGTTTTGGCC AGCCTTGTGC TATGTTGATA 120
AGATTGATTT ACTGCTTAAA ATCACTTTAC TTTATCCAAT TTTTACTGAA CTTTTTATGT 180
AAAAAAATAA AATCAATTAA AGAACAAA 208

配列番号：4258
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05063
配列：
GATCAGTTTT CTATTTTAAT GTGTAAAAAA AATAACTTGT CGTATCCCAT TTAAAGGCCA 60
ATTTCTGTAT TCAGGCAGGC ATATGTACAT ACATGAATAA AGCCAACAAA AGTGTGCACA 120
TGTAAA 126

配列番号：4259
配列の長さ：552
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05064
配列：
GATCGGGGTG CCCCTCAGCC TTCAGACACT CTGAGCCCCA GANGCAGCAA AGGGTGAGCC 60
TCCTGCCTTG GTTTCTACCA CCATCTGGTG GTCAATGGCG GGACTGCAGT CGGCCAGGGA 120
CTGCGGTTGA CCTACACCTT CCTCCCCCTGA GACATCAGCT GGCATGCCTC CAAGCCCTCT 180
GCGCATGCCC TCATTCTCTC CTGCCCCCTG GCTGACTTTG CATGTTGACT TGAACCCCTC 240
TGGGGAATCT NTGTGCATGT CCACAGCCCC TGGTTATGCT CTCACAGCCA CTGCCCCTNT 300
CTNTGTTCAG GCTGAGCTGG CTGACCGACC CAATCCCNCT AACCGGCCTC TGCCCGNTGA 360
NCCGGTGGTT GAGAAGCCCG AAGTCTNAGG GGGCCAGCAA GGCCCCAACC NCAAGGNAGG 420
CAATTGCTTG CNGGACCCCA AGGGGNCGGN TNGCCAATGG GGGTGNACTT TGCCGGGCCA 480
AAGGGGNTNN GAATTTCCGG CNCTTAAGTN GTNACCCTTC AANANNAANG GGGCAAACGG 540
GTTTNGNAAA AN 552

配列番号：4260
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05065
配列：
GATCAGACCT TCTTGGGGTC TTCTGGCCAG AGCTTGTCAC CAGCCCCATG GCCTCTCCAG 60
GCGTGCTCAT GCCCACAACC CGCGGCCAGC CCCACGTGGT GCCGCTCAGC CTTCTCTGCC 120
CCTCCTGGGA ATCTGTCATT CGTGGGTGCT TCAGAGTAAA ATCAATGAGT TTCTGAGAAA 180

配列番号：4261
配列の長さ：553
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05066
配列：
GATCAGCGTG CGGGGTGTGA AGATAGGCGT CAAGGCCGAT GACTCCCAGG AGGCCAAGGG 60
GAATAAATGT AGCCACTTTT TCCAGTTAAA AAACATCTCT TTCTGCGGAT ATCATCCAAA 120
GAACAACAAG TACTTTGGGT TCATCACCAA GCACCCCGCC GACCACCGGT TTGCCTGCCA 180
CGTCTTTGTG TCTGAAGACT CCACCAAAGC CCTGGCAGAG TCCGTGGGGA GAGCATTCCA 240
GCAGTTCTAC AAGCAGTTTG TGGAGTACAC CTGCCCCACA GAAGATATCT ACCTGGAGTA 300
GCTGTGCAGC CCCGNCCTTC TTGGGGTCCC CCCAGCCCCT NAGGGCCAAG TTGCCAGGGA 360
CAAGCTTGGC TTGCTGGACA AGGGATGTTG GCAACTTGNT TTNAGGGAGG GGGGCAACTT 420
GNCCAACCGG CCANNNGGGN CAAAGGGAAA GTTNGGGGGG NCCCGTTTGG NCCAANGGGT 480
TAGGGGGAAG GGGTTGGGGG GNAATTNGGG GGNGGNGGGG AAATTTNCNA GTTTTANTTG 540
TTAATTTTTT AAA 553

配列番号：4262
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05068
配列：
GATCTCCCGG ACCCCTGAGG TCANATGCGT GGTGGTGGAC GTGAGCCACG AAGACCCTGA 60
GGTCAAGTTC AACTGGTACG TGGACGGCGT GGAGGTGCAT AATGCCAAGA CAAAGCCGCG 120
GGAGGAGCAG TACAACAGCA CGTACCGTGN GGTCAGCGTC CTCACCGTCC TGCACCAGGA 180
CTGGCTGAAT NGCAAGGAGT ACAAGTGNAA GGTCTCCAAC ANAGCCCTCC CAGCCCCCAT 240
CGNGAAAACC ATCTCCAAAG CCAAAGGGCA GCCCCGAGAA CCACAGGTGT ACACCCTGCC 300
CNCATCCCGN GACN 314

配列番号：4263
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05069
配列：
GATCCAGGGA ACAATGACTA TAGGTGAGCA GATGCTTTAA ATTAAGGAAA GATGGAGAAG 60
AAGCCAACTA GGAAATTAGA GAACACAGCA AGCAAAGAGA AGCAAGCGAG TCCCCTTGAG 120
TGATGCCAAT ACTTTTTTTT TTTTTTTTTG NGANANATTT TNTNNCCANT NTGGTN 176

配列番号：4264
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05070

配列：
GATCTTTNAG GAAAGACGGA TTGCNTTAGA AATAGACAGT ATATTTTTNG TCACAAGAGC 60
CCAGCAGGGC CTCAAAGTTG GGGCAGGCTG GCTGGCCCGT NATGTTCCTC AAAAGCACCC 120
TTGACGTCAA GTNTCCTTCC CCTTTCCCCA CTCCCTGGCT CTCAGAAGGT ATTCCTTTNG 180
TNTACAGTGT GTAAAGTGTA AATCCTTTTC NTTTATAAAC TTTAGAGTAG CATGAGAGAA 240
TTGTATCATT TGAACAACTA GGCTTCAGCA TATTTNTAGC AATCCATGTT AGTTTTGNAC 300
TTTCCTGTTG CCACAACCCC TGTTTTTAAT ACTGTACCTT TANTTAAATT TCNNGGTTNN 360
TAGTTTTTTG CAACAGGTTT TTTCCCAAA 389

配列番号：4265
配列の長さ：436
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05071
配列：
GATCACCATG AAAGAAGAAT AGTTTTTTGT CCCCAGAGAC ATTCATTTAG TTGATATAAT 60
CCTACCAGAA GGAAAGCACT AAGAAACACT CGTTTGTTGT TTTTAAAGGC AACAGACTTA 120
AAGTTGTCCT CAGCCAAGGA AAAATGATAC TGCAACTTTA AAATTTAAAG TATCTTGCAC 180
TGATAAATAT ATTTAANANT TGTATGTTTA TAAAGTTATT AATTTGTNNN GNCNGTGTTA 240
CAAAATGTTC AGTTTATATT GTTTTAGATT GTTTTGTAAT TTTTAAAGGT GTAAAATAAC 300
ATATTTNTCC TTTATGGNNA TCTATAAAAC TTTCTGGTAG TAAAATGTTT TCATTTTTAC 360
TGGGTATATT ATTTGCTTCC ATGNTTTTTG TNNCCNTCCA TAAGGNTTTN NTGCCAGNTT 420
TTTTTTTTNN CAGGNN 436

配列番号：4266
配列の長さ：533
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05073
配列：
GATCTGTCCC CATCCGAAGA GGCTTTGTGA ACTGCCTGCT GAATGGAAGG AAAGCAACTT 60
TAAAACATTT AGAGTTTTGC TGAGTATAGC CAAATGCCTG TNCTGAAACT TATAGGAAAT 120
TGGAATTTTG TTTAAAATTT TACACTTTAA GGTAGCAAAT GTCAATTATT NGNCCGAGCA 180
TATTGTGAAG AATTAAACTA AAATTAATAC GTACAGTTTT CTCTAATTAG GTGACTGTTC 240
ATAATGGGTA TATTTGGAAT TTAGAAGAAA TAATTTTGTA GNACTTGTGG CCCTTATGTT 300
TAACAGATTA ATTCAGCATT GGCGTATTTN CTTTGTCCCA ATACAAGGAT GCCAAAGGAG 360
GGAAACAGGA AAAATTGCCG TCCCATTTTT AAAAATTTTA GGGGTTTGGN TGGTTTTAAA 420
CCCNTAAATT TGTTTCCCAN GGANCNTTTT TTTGGGGACC TTNCTAAATT TTTTGGGGGN 480
CATTTTNAAN TTAAAGGNAT TGNNGGGNNC NAAGGNNGTN TTTGANTTNN TGN 533

配列番号：4267
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05074

配列：
GATCAAGGAA GAGATGGAGG CTTTCCCCGA AAAGTTCTAG CTGAGTGGCA GAAGTGAGAA 60
TTTGTAAACT TATGTACAAT GTACGTGTAA ATAAATGGAT TGAATTTCAG TTTGTCATCA 120
GAAA 124

配列番号：4268
配列の長さ：451
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05075
配列：
GATCTGGGAC AGATTTCACT CTCACCATCA CCAACCTGCA GCCTGAAGAT TTTCCAACTN 60
ATTACTGCCA ACAGTATGAT AGTTACCCGC TCACTTTCGG CGGAGGGACC AAGGTGGAGG 120
TCAATCGANC TGTGGCTGCA CCATCTNTNT TCATCTTCCC GCCATCTGAT GAGCAGTTGA 180
AATCTGGAAC TGCCTCTNTT GTGTGCCTGC TGAATAACTT CTATCCCAGA GAGGCCAAAG 240
TACAGTGGAA GGTGGATAAC GCCCTCCAAT CGGGTAACTC CCAGGAGAGT NTCACAGAGC 300
AGGACAGCAA GGACAGCACC TACAGNCTCA GCAGCACCCT TGACGNTNAG CAAAGCAGNC 360
TACGNGAAAC ACANAGTNTA CGGCTGCGAA GTTNACCCCN TCAAGGGCCT TGAGCTTNGN 420
CCNGTCACAA AGGNGNTTTN AAACAGGNGG N 451

配列番号：4269
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05076
配列：
GATCTAGAAA CTGAGTTGTG GAGCTGACTC TAATCAAATG TGATGATTGG AATTAGACCA 60
TTTGGCCTTT GANCTTTCAT AGGAAAAATG ACCCAACANT TCTNAGCATG AGCTACCTCA 120
TCTCTAGAAG CTGGGATGGA CTTACTATTC TNGTNTATAT NGNAGATACT GAAAGGTGCT 180
ATGCTTCTNT NATTATN 197

配列番号：4270
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05077
配列：
GATCCCATCC CCTTGTCTGA ACTGGAGCCA TGGGCACAAA GGGCCCAGAT TAAAGTCTTT 60
ATCCTCAAA 69

配列番号：4271
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05079

配列：
GATCTTGCCT CCCATCAGCC ATCTTTCTCC CAATAAATTT TTGTTTTGTG CAAA 54

配列番号：4272
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05080
配列：
GATCTAACCA ATTNAAATAT GANTTCATAC TCNAAAGTAT CAACAAAAAA ATGAAAAGAA 60
ATAGCTGGTT TGGNTGTAAG AAATGGTGTA ATTAATGGNT TTN 103

配列番号：4273
配列の長さ：449
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05081
配列：
GATCACTGCT GGCCTACTCT GGTTACGGGG ACACTGACGC CCGGGTCACC GCTGCCATAG 60
CCAGTAACAT CTGGGCCGCC TACGACCGGA ACGGGAACCA AGCGTTTAAT GAAGACAATC 120
TCAAATTCAT CCTCATGGAC TGCATGGAGG GCCGTGTAGC CATCACCCGA GTGGCCAACC 180
TTCTGCTGTG TATGTATGCC AAGGAGACCG TGGGCTTTNN NNTNCTCAAG GCCAAGGCCC 240
AGGCTTTGGT GCAGTACCTG GAGGAGCCCC TNACCCAAGT GGCGGCATCT TAACGGCATT 300
GGTGGAAGCT GGGGGTCAGA AAAGAGAAAT GACCCATTTG NGAGGGGCTG GGGGNCCTCC 360
TAGGAAGAAC CTTTNTTAGG ACAATGGGGG GNAAGGGATG GGACTTTTNN TTTTTTTCCC 420
AAGNATTAAA ACTTNAAACT CCCTGTAAA 449

配列番号：4274
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05082
配列：
GATCTNCATA ANCAGGGTTC CTGAGCTCAC TGAAAAGACT ATTGTCCCTT AGGAAAAGCA 60
TTTCCTGTGT NTCGTNAGCA TCTGGCTCCA GGACAGACCT TCAACTTCCA AATTGGATAC 120
TGCTGCCAAG AAGTTGCTCT GAAGTNAGTT TCTATCATNC TNCTCTTTGA TTCAAAGCAC 180
TGTTTCTCTC ACTGGGCCTC CAACCATGTC CCCTTCTCCT NAGCACCACA AATAATCAAA 240
ACCCAAA 247

配列番号：4275
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05083
配列：

GATCATTTCC_CAAGATTGGT TTCCCTTGAG TTTTTGCTAA AACAAATCTT AGTAGTTTTG 60
CCCGTTTAAA ACAACTCACA ATCGTAAATG CTACTATTCC TAAGATATCT NACCTTTTNA 120
TTTCAGTTTA GCCATGTATT GTATGAGTGT ATTAGTCTAA GCAGTGAGAA TCTTTNCTAT 180
GCCTCTATTC CAGCAAAAAG TAGAAGTATC AAATAAAANG GGCAACTTTT AAAATATTAA 240
GCCTGAAGAC TTCTAAAANG ACANGANACA TGGCCTAANT ANCCAACATA GGATTTACAT 300
AGTANGTTTC ACACTACCTT ATTACCAAAA GCAAACCACC TCTTACTTTT NNNCTACATT 360
TATCCATGTA TATCTNTNGT ATGCTGGTCT TTTNCTTTTT NGCCAAANTC NANCATTTTT 420
TGNN 424

配列番号：4276
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05085
配列：
GATCTAAAAC TTCTGTTGCT TTTGCCATTC CAAAACTTTG TCTTTGCCAG AAAAGTGTTG 60
GTAACTATAA AGAAAATTAT ATATGANCAC GGCAGTTTGC ACTGTGTTTG AGTAGAACGT 120
GTAAATGAAT TGTNCCCACC TTTGGTTTGC CAGTAAGTGA CTGGATTCTT GGCACATTTA 180
TGTTCACCAA AGTAGAACAA GAAGATATTA TTNCTATTTA TCAAGCAAAA GGAATTTTAA 240
GATTTTNTTT TTNCNTTAAA ACCAANTTGG GATTTTNNNN TTTNNTTTTN TTTGGGGGAA 300
AAGGNTTN 308

配列番号：4277
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05086
配列：
GATCGAGTCC GCCATGGAGA GGGACCGCTA CATGAGCCCC ATGGAGGCCC AGGAGTTTGG 60
CATCTTAGAC AAGGTTCTGG TCCACCCTCC CCAGGACGGT GAGGATGAGC CCACGCTGGT 120
GCAGAAGGAG CCTGTAGAAG CAGCGCCGGC AGCAGAACCT GTCCCAGCTA GCACCTGAGA 180
GCTGGGCCTC CTCTCCAGAN TCATGTGGAG GGGCCAGAGG CTGCCAGACC CCCAGCTGGG 240
CCCTGCTCAC CCCTTGTTGC TGGGCTTGGA GGGGCCTNTT GAGGAACTTT TAATTTGCAG 300
GGGTGCCCGN TATGGACGGG GCATTNCAGC TGAGACACTG TGGATTTTAA ATTAAATCTT 360
TTGTGGTCTT TAAA 374

配列番号：4278
配列の長さ：510
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05087
配列：
GATCTGTGCT TTCCAGCTCA CCCCCCACAC TCACTCCTGA GACCCCTGGC CTCCGGCGTC 60
ACNTCCAGCN TCTGTTCCCC TAGTAAGTGC CTTCCATGTC GGCCTCTAAC CCCAGGCCCC 120
GAGGACCCAG ACCCAGTGGG GAGGCGGACG TTCCAGCCGG CATGGNTGGG AACTGCAGAC 180

CTGTCCTCCT GGTGGGTCCA GGGGCCCCTC CAGCTTGTGG AGCCCCACAN TGGGGTGCCG 240
CCTGCCCGTT TTTTTCCCAT GGAGCCCCAG CCCCCTTTGG GCCCAGGGAC ACCAGCCAGG 300
CTCTGTGCTG ACCCTCCTGT TGCACCCAGN CCTGGTNTCA GCAGCGACCA CCCCTTGCNT 360
TCACCCTTTG GAGCTTTTGC AATGTTTCCA NTAAANCCCN GGGNTGGGTT NGGNAAGGTT 420
GGGAGGTTGT TAAGGTTGTT TNGGTGNNCT TTTTGAAAGG GGNAGGATNA ATTAACCTTG 480
ANCCNNTGGG GCGGNGNGNC TTTTGNGGTN 510

配列番号：4279
配列の長さ：466
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05088
配列：
GATCTAGCTT GGAGAGCTTG TGAATCTTAG GAGAGCTAGG CATAGAATGA CTAAAGTTTG 60
TCACCGCATG AGATAAAATA AATGAAAAGC CACTTCTGGA GGGAATGAGG CAGTCTGCCT 120
TTNTTGGAGA GATACATATT GTTGAACAGC TCTGGGCAGT TGATTGTTTG CCTGGGAGAG 180
CTAACCATGT TTACTCTACA CTTGACCTGT GATGGTCTGT ATTGATTGTN TCACACGCTT 240
AGCTTTCTAA GGCTAACCAG GTCATCGTCC TCAGTCCCTG CCTGCAACTA GGTTGCCAAC 300
TGGCCCTTGA TTTCCCACCC AACTTGTTCA GTTTGCCCTC AATCCTGGGG CCTCACTNAT 360
TTCCCCAAAA NGATATGGTT TGGTACCACC TGTAGTTTNC CTGTTGCATG GTTAAACCTG 420
ACTTTTTGGG GAAACTNAAA ATANAACANT TTTTCAAAAC GGGAAA 466

配列番号：4280
配列の長さ：470
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05089
配列：
GATCGAGCCA CTGCTGAAGA ATGTCTAAAG CACCCCTGGT TGACACAGAG CAGTATTCAA 60
GAGCCTTCTT TCAGGATGGA AAAGGCACTA GANGAAGCAA ATGCCCTCCA AGAAGGTCAT 120
TCTNTGCCTG ANATTAATTC GGATACCGAC AAATCAGAAA CCGAGGAATC CATTGTAACC 180
GAAGAGTTAA TTGTAGTTAC TTCATATACT CTAGGACAAT GCAGACAGTC TGAAAANGAG 240
AAAATGGNGC AAAAGGCCAT TTCCAAACGA TTTAAATTTG AGGAACCTTT GCTACANGAN 300
ATTCCAGGNG ATTTTATCTA CTGAGCAATA TTTCCCTTTN GAACTTCAAG ATTTCTNCAC 360
TGNANAATTN TTAATNTTTN TTTTTTTGGG GCCCTCTGGG CCAAATTGGN GNCATGTTCC 420
TTTGNAGGTG GGTTAACCCA GTTNTCACTT TNCACCAGTC CANNTNTTTN 470

配列番号：4281
配列の長さ：476
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05090
配列：
GATCTACAGT CACCATATAT ATCAGCAGGA CCTAAGGNAA AAGATTTTGG ATGTTGGGAA 60
AAGGTTAGAT GTGACTGGAT TTTGCATGAC AGGNAAGCCT GGTATAATCT GTGTGGAGGG 120

TTTCAAAGAG CACTGTGAGG NGTTCTGGCA CACAATTAGG TACCCCAATT GGAAGCACAT 180
TTCCTGTAAG CATGCTGAAA GCGTGGAGAC AGAAGGAAAT GGTGAGGACC TGCGCCTTTN 240
CCATTCTTTT GAAGAGTTAC TCCTTGAGGC TCATGGTGAC TATGGATTAN GGAATGACTA 300
TCACATGANT CTGGGCCAAT TCTTAGAATT TNTCAAGNTG CACAAAATTT NAGGCATGTT 360
TTTTTCCNGT TACTATTTTG GGTNTTNTNA AGCAAAAANT TTCAGNCTTC NTAAAAAGCG 420
GNTTAAAGGG GGNCCTATTG NCCTGTNAAT TTTCCACTNA GGNCAGGTNT TTCTTN 476

配列番号：4282
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05092
配列：
GATCTGAATT GTNCGAAAAG CAGCCAGTGC CTAANTTGTA GCTCCACTTA TGCCAACTGT 60
ATATATACCT CTCGTGAGCA TAGCAAGTNA TTTANTATTT TNAAAAGATG GCTAAAATCC 120
TTTTAATGAA CAGCACTAAA GTTATATGTA TTAGAGGAGA ATTATTGANT GANATGGAGA 180
AAGAGTTCTG AAATTANTAT TTNCATTTGG GCTTTTTTAC AGATAATATT ATATNNCTAA 240
GTGACCAGAC GAAAGAGAAG GGNGTAGAAA AGGNTGN 277

配列番号：4283
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05094
配列：
GATCCCCAGA CCTCACTTGC CTCTGCCTCC ATCTTGGCCC TGATTCAACC CTAAGATAAT 60
AGCACAACAA AATTCTNCAT AAAGATATTT TAATTCACCT GTNCCGTGCT ATATGGAGGA 120
GGCCAAGTCC ATTTAGTGAC ATTNCTNCCC ATAATGTGAG TGGGGAGGAT TGTGGGGAGG 180
AGGGGCTTTG GGTTCCTGTG TTTGTGCATA TGAAGGGAGA TGGGGGTTAG GTGGAGGAGG 240
AGAGCAGCGT GGTTAGCTAA GGTTATTGCT TTTTGTGGCA AATCTAATTA AATGACAGGA 300
ATCTCTTCAC GAAA 314

配列番号：4284
配列の長さ：489
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05095
配列：
GATCTTCATG GAGCTGAATG ACGCCTGGTC GGAGTTTGAG AACCAGGGCT CNCGGCCCCT 60
CTTCTGAGGC CGCAGTGGTG GTGGCTGCGC ACACAGCTCC ACAGGTTGGG AGCCGTCGTG 120
GGACCTGGGT CCCCACCGTN AGGACCCCGT GGGCGACAGA GGTGTGGCCA GGGTGGGGCT 180
CCGAGCCCCG GGTCACCGCC CGCCCAGCGT TCCAGGCACA TGAAGAGAAA GCATTCCAAA 240
GCCTCTNATT GTTGTTTCCT TTTTNTCCTC CCGAAGAACA GCTGATTCAT GCTCCTCCCG 300
CAATTNTNAC GTCTGTAATT TATTTGGTGT TTCGGGCGTN GTCTCTTGGA GCCCCGGCAC 360
GTTNGTGGGG CCCACGGTTG CTTGGCGGTT CAATGGGGCC CTTGGTGTTT TGCACCGGAA 420

CTTTTGTAAA TCAAGTNCCG TGGGTTGGTN TTGTTACAAG AATTNAAAAC TAATTTTTCC 480
CGNTTGAAA 489

配列番号：4285
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05096
配列：
GATCATATTT CCCCTTGGAC ACTTGGTTAG ACGCCTTCCA GGTCAGGATG CACATTTCTG 60
GATTGTGGTT CCATGCAGCC TTGGGGCATT ATGGGTTCTT CCCCCACTTC CCCTCCAAGA 120
CCCTGTGTTC ATTTGGTGTT CCTGGAAGCA GGTGCTACAA CATGTNAGGC ATTCGGGGAA 180
GCTGCACATG TGCCACACAG TGACTTGGCC CCAGACGCAT AGACTGAGGT ATAAAGACAA 240
GTATGAATAT TACTCTCAAA ATCTTTGTAT AAATAAATAT TTTTGGGGCA AA 292

配列番号：4286
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05099
配列：
GATCCCAGTG GAGGCTGTAA CCCACCTGCC CCCGCACCAC CCCCCNTGAC CCCTGTTACC 60
GCATTTGTGT GTATTAATGC TGAAGAATTA AATGTTTAAA GAGTTTAAAT TTTGAAGGCG 120
TTTGCTATAT ACAGTTGTCC TGCATTATTA TAAAGAGTTT TCAGGAAGTT AAA 173

配列番号：4287
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05100
配列：
GATCAGAAAT GTGAAGCACA AATGCTGCTT CTCCCCCTCC TGTTCCCATG TCAGAGATGG 60
AGAAGAAAGC ACAGTGAGCT GTTCACCAGT CCAGCGGTGA CCTCGGAGTC CTTTGTAACA 120
GTGTTTCCAA TANCTTCTGC CAATAAAACA GAATTTNNGT TAGAACCTAT CTGCTGTCCC 180
TCAACTAGTG TCTGATAGCT GAGAATGTAA TTCGTTTNTN TGTCTATTAG AAAATTAGGC 240
AGGCACCACA GACAGTAGCA ACATAAAGGA ACCTGCTTAG AAGNGGTTTT NATGGGNNNN 300
NNCNCNN 307

配列番号：4288
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05102
配列：
GATCCTTAAA TCTCCATTCT GTTTGTGGTT GCCCCCTCAA CCTCCCCTAC ACCCTTCCTA 60

TTCTTTTNCA TTCTTCTTGC AGTTCTGGGA GTAAAGCTCC CAGCATATTT AGATAATAGG 120
GCAGGGGAAG CACCCTCTTT CTTTCTAGAC TGGATTATGC TCACATGCTC CCTTGCCCTG 180
ACATTTTTGT AAATNCTGTG CCCTTTGCTG TAGCTACACT TCAGATTAAA GTAGGAGAAA 240
GAAA 244

配列番号：4289
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05103
配列：
GATCAAAGTT GGCGGGGGCT TGGCTGTGCC CTCAGATTCC GCACCAATAA AGCCTTCAAA 60
CTCCCTAAA 69

配列番号：4290
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05104
配列：
GATCTTTNAT CCTTTGTTGC AAAAGTGTGG ACACTTTTNA NAGCTTGGCA GATTTNAACT 60
CCAGAAGCAC TTTATGAAAT GGTACACTGA CTAATCCAGA AGACATTTCC AACAGTTTGC 120
CAGTGGTTCC TCACTACACT GGTACTGAAA GTNTAATTNN TTAGAGCCAA AAAACTGGAG 180
AAACAAATAT CCTGCCACCT CTAACAAGTA CATGAGTACT TGATTTTAAT GGTATAAGGC 240
AGAGCCTTTN NTTCCTCTTC TTGATAGATG AGGCCATGGT GTAAATGGAA GTTTCAGAGA 300
GGACAAAATA AAACGGAATT CCATTTTTTT NTCACTGTAA A 341

配列番号：4291
配列の長さ：395
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05105
配列：
GATCTTAGAG TCACTTTGGA ATAAGNTCTT ACATAAATAC CCCCAGCCTT TTGAGAACGG 60
GGCTTGTTAA AGGACGCGTA TGTAGGGCCC GTACCTACTG GCAGTTGGGT TCAGGGAAAT 120
GGGATTGACT TGGCCTTCAG GCTCCTTTGG TCATAATTTT AAAATATGGG AGTAGAAAAC 180
AACANAGNNT GGAATGGACT CTTAAAACAA TGAAAGNGCA TTTATCGTTT GTCCCTTGAA 240
TGTAGAATTT TTTTTTGATT TCATAATTCT NCTGGTAAAT NTGNCAGTTA AAATGGTGCA 300
TTATGTATAT ATTANTATAA TTTAGANATT CCATTTTATA NTTNTTCCTA TTCCAGGGTN 360
GCATAANGCA TTTTNNANTT TNGGGGTTTT GGNTN 395

配列番号：4292
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05106
配列：
GATCATATTT TGCAGTTTTA GTAAAAGGGA AATATTGTTA TACATTTNTT AAATATACTT 60
CCCCCATGAN GTGAAAAGGT TAATTTTNCT GANTGTTTTA AGTTGAAGTT ACTTCATGGA 120
TGTCATACCC ATGANGTGCA TTTGGNTGAG ATAGCNGAAA TTTTTTTTTA AAAAGTTTAA 180
GTACCAAAGG TAGTCTAGTC TAGAACGATA AGTTAATACG TNTTGGCTTT NNTAATTTGT 240
ACTGTAACAT CCTTATACTT TCTATTTNAA GTATATCTGT TTCTTAAGTA AACAACTTAG 300
ATATTTTCCA CACCTTTTTT TTTTTTNCC CNTGNNGGGT CCNGGGTNN 349

配列番号：4293
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05107
配列：
GATCTGCCAT TTATTAGCTG TGGGATTTTG GGCAAATTTN TTGACTTTCT GTGCTTCANT 60
TTTCTTAGCT GTAAAATTGG AAGAGTTGTT ATGAAAATNC ACTGAAAGTA TATTTGTATA 120
CATCATAGGA TAGTGTAAGA ATATAGTATG GCTTTGAGAA ATGTTCATNA TTATNACTCC 180
CAGAGGAGTT TTAGGTATTA AGTGATGCCA AATATAATTT NTNAATTGTA TAATAAAAAT 240
CTATATNCTT ACTGAAA 257

配列番号：4294
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05108
配列：
GATCACCATC CCAGTAACCT TCNAGTCGCG GGCCCAGCTT GGGGGCCCAG AAGCTGCAAA 60
ATCCGATGAG ACTGCCGCCA AGTAAAGCCT TAGCCCGGAT GCCCACCCCT GCTGCCGCCA 120
CTGGCTGTGC CTCNCCCGTN ACCTGTGTGT TCTTTTNATA CATTTATCTT CTGTTTTTNT 180
CAAATAAAGT TCAAAGCAAC CACCTGNANA AA 212

配列番号：4295
配列の長さ：559
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05109
配列：
GATCCAGTGG GGATGTTGTN ATGACTCAGT CTCCACTCTC CCTGCCCGTN ACCCTTGGAC 60
AGCCGGCCTC CATCTCCTGC AGGTCTAGNC AAAGCCTCCT ATACAGGGAT GGAAACACGT 120
ACTTGANTTG GTATCAGCAG AGGCCAGGCC AACCTCCAAG GCGCCTCATT TATGAGGTTT 180
CTAAGCGGGA CTCTGGCGCC CCAGACAGAT TCAGCGGCAG TGGGTCAGCC ACTGATTTCA 240
CACTGACANT TAGCAGGGTG GAGGTTTGAC GATGTTGGGA TTTACTATTT GCATGCAAGG 300
AACACACTGG NCTCAGACGT TCGGCCAAGG GGACCAAAGG TGGNAAATTC GAACGAACTT 360
GTGGCCTTGC ACCNATCTTT TTTTCATCTT TNCCGNCATC TTGGTTGNGC AAGTTTGNAA 420

ATNTTGGGAA CCTNGCCTCC TTTTTGGTGN TGCCTTGNCT TGAAATAACT TNNTTATTCC 480
CAAGAGGAGG GNCAAANTTC AAGTTGGGAA GGTTGGTTTA ACCGGCNTTC CAATTCNGGG 540
GNAANTCCCN TGGNGGGNN 559

配列番号：4296
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5110
配列：
GATCTCTATG TATGTGTGTA TATAAATATA GTTTTTTATC TATATATAAA 50

配列番号：4297
配列の長さ：548
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5111
配列：
GATCAAACGA ACTGTGGCTG CACCATCTTT NTTCATCTTC CCGCCATCTG ATGAGCAGTT 60
GANATNTGGA ACTGCCTCTT TTGTNTGCCT GCTGAATAAN TTCTATCCCA GAGAGGCCAA 120
AGTACAGTGG AAGGTGGATA ACGCCCTCCA ATCGGGTAAC TCCCAGGAGA GTGTCACAGA 180
GCAGGACAGC AAGGACAGCA CCTACAGCNT NAGCAGCACC CTGACGCTGA GCAAAGCAGA 240
CTACGAGANA CACAAAGTNT ACGNCTGCNA AGTCACCCAT CAGGGCCTGA GCTCGCCCGT 300
CACAAAGAGC TTCAACAGGG GAGAGTTTTA AGANGGGAGA AGTGCCCCCN ANCTGGNTCC 360
TCAGTTCCAG CNTGACCCTC TCCNATCCTT TGGCCTGTGA CCCTTTTTTT TCCACAGGGG 420
GNCCTACCCN TTTTGGNGGT CCTCCAGCTC ATTTTTTTAA CCTTAACCCC GNTTNNTTCT 480
TCCTTTGGGG TTTAAATTAT TGNTTAATTT TTGGGGGNGG ATTGNTTTAA ATTAAAGGGA 540
ATNTTTTN 548

配列番号：4298
配列の長さ：415
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5112
配列：
GATCAGCGCC TGAGAAGTCG TCGGGCGATG TCCCCGCGCC GTGTCCCTCT CCAAGCNCCG 60
CCCCTGGGTG GGCTCGGTGG AGCAGACCCC GCGCAAGAGG CTGCGGTGAG CCAATTTAGA 120
GCCCAAAGAG CCCCGAGGGA ACCTGCCGGG GCAGCGGACG TTGGAAGGGC GCTGGGCCTC 180
GGNTGGNACC GTTCATGTAG CAGCAACCGG CGGCGNNTGC CCAGNAGCAG CGTTCGGTTT 240
TTTTTTTAAA TTTTNAAAAC TGTGCAATGT ATTAATAACG TNTTTTTATA TCTAAATGGT 300
ATTCTGCACG AGANGNTACA CTGGGTCCCA AAGGTGTAAA AGCTTTTTAA GAGTCATTGT 360
ATTATAAAAN TNNNTTTAAT CTNTTGGTTG AAATCTTNAA GTGNNANAGT ATTNN 415

配列番号：4299
配列の長さ：156

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5113
配列：
GATCTAATCT NAGATGTAAA CATTCAAATT NACCCTGTAG ACTNGGGTGA CAAGTTTCGN 60
TTGGTCATAG CTAGTACCTT GTATGANGAT GGTACCCTGG ATGATGGTGA ATACAACCCC 120
ACTNATGATA GGCCTTCCAG GGCTGACCAG TTTNAN 156

配列番号：4300
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5114
配列：
GATCTTACTT TCATCCAGTC TAATAGGTTT GGAGATTAAA CCTTTNCTCA ACTTGTGCTG 60
TTTATATAGC CAAGCTTCCG TCAATAAGGC TTCATTGTGA CTTTAACAAA CATNATCTTC 120
CCACATACCA GGAACTATTG GACATTTATT TTACATGGGA AAAATTATTT GGAATAATAA 180
AGCAGGNACT TTNCCTGANG TTGCAATTTA TACTGTATGG CTNCTNNTTC ATGTTTCATC 240
TAGGTTTTAN GAAGTGAAGT ATANGTAAAT NTNGGTTCGT TAAATNGTGA TGGCGCTGGN 300
NATTACATGN 310

配列番号：4301
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5115
配列：
GATCACTCAA GCACAGGATT TTAAGACCAG CCTGGGCAAC ACAGTGAGTG AGACCCTGTC 60
TCTACAAAAA AATTAAAAAT TAGCTGGATA CTGTGGTGTG TGCCTGTAGT CCCAGGTACT 120
TGGGGCATTG AGGCAAGAGG TTACTTTNAG CTCGGGTGTT TGAGGCTATG ATGAACTATG 180
ATTGTAGTGC TGTACTCCAG CCTGTGCAAA ANAGTAAAAC CTTGTCTCAA A 231

配列番号：4302
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5116
配列：
GATCGGGCCA CTGCACTCCA GCATGGGTGA AAAAGTGAGA CCCTACCTCA AA 52

配列番号：4303
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5117

配列：
GATCACCAAC AGCCGTCCTC CCTGCGTCAT CCTGTGACTG CACAGGACTC TGGGTTCCTG 60
CTCTGTTCTG GGGTCCAAAC CTTGGTCTCC CTTTGGTCCT GCTGGGAGNT CCCCCTGCCT 120
CTTTCCCCTA CTTAGCTCCT TAGCAAAGAG ACCCTGGCCT CCACTTTGCC CTTTGGGTAC 180
AAAGAAGGAA TAGAAGATTC CGTGGCCTTG GGGGCAGGAG AGAGACACTC TCCATGAACA 240
CTTCTCCAGC CACCTCATAC CCCCTTCCCA AGGGTAAGTG CCCACGAAAG CCCAGGTCCA 300
CTCTTNGNCT CGGGTAATAC CTGTCTNGNT GCCCACAAGA TTTTATTTNA TTCTCCCCTT 360
AACCCNAGGG CAATGTCANN NTATTTGGCA GTAAAAGTGG GGGTTACAAA ANCACTAAA 419

配列番号：4304
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5118
配列：
GATCTCCCTA GGGCCCCACC TGGACCATTT TCCCTCCGTT TTATTTTGTT AATTAAATTC 60
TTTCCAAATT GGAAA 75

配列番号：4305
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5119
配列：
GATCTCAGTT CACTGCAACC TCCGCCTCCN AGGTTCAGGT GATTCCNTTG TCCCAGCTAC 60
TTGGGAGGCT GAGGCAGGAG AATCACATGA GCCTGGGAGA TGGAGGTTGC AGTGAGCCGA 120
GATTGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CGAGCAAACC TGCNNCTCAA A 171

配列番号：4306
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5120
配列：
GATCCCTGGT GTGTTGTGTG GGCCTCTTTA ACGTTTGCCA CTGAGCCTTA ACCTCACTGT 60
ACTTCACTGT ACTTCACACG CATTGGTGTT AACATTTTAA TCTTAGAAGA CCCTGACCCA 120
CTGAGGGTTT GTTGTGAGAA TTGCTGAAGC CACGTAGAAG CACCTTGAAA TCTGTAAAAC 180
CACAAGAAAG TACTTTATAA AAGGTATCCT TATTTGAAGT GGATAAATCT TGTAACTCGA 240
AAAGTTGTGA TTTAGAAGAC AGGATTGTTT TTGAACATTA GGAATTAAAG GCTATATCTG 300
GTCCTTAAA 309

配列番号：4307
配列の長さ：587
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05121
配列：
GATCTAAAAA CTCATCTTTG GGGTAAAGAG TTAAGTGTCC AAAGGTTGTC ACAGTTCATG 60
AGGTCAGAGG GAGCTAGCCT GGCACCTGGA CTCTGCCCAT CCACAGCTGA CAGATTCCAA 120
CAGAAGTGTA TTTAAATTCT CCAGTAGACA ATGCTGGGTA AGGGAGGGGN TAGNNCTGGG 180
TTATTAAGAT ACAGGCTGCT GTATTTTACA TTGGTTGTGG GGGAAGGGGA GCCTGGAGAA 240
AACAAAGTCA CTATTCCCTT TTTTGAAACA GGAAAAAAAA TTATTTTTTG TTCAGTAAAA 300
ATGGGTAGGN GAATTCCAAT GTCCCTAGCC ACAAGGGNCC AGTTTCCACT GAGGAAGTGA 360
ACCAGTGGGG AACTCAAAAT TTCCAGGNAA CATTGGGGGG GAGGGGGAAA ANTTGGGCTT 420
TTCNCTTAAA TTTGGCAGNT NTTTNCCAGT TGGGGNCNGG GNGGGGGGCT CCTGTTTTTT 480
TTTTTTGGGG NTTGTGNTTA NTGNTNNTAT NGTACCGGNT TATTTTTGGC CCCGGGGTTT 540
TTCTTGGGNT TTNTNAAGGG TTNCCCCAAA NTTTGGGTNA AAACNTN 587

配列番号：4308
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05122
配列：
GATCCCCCCA TCTCTNCAGC ACTCTCTTGC TCCTCTCCCT TTTCATTTCC TTACTTTGTA 60
TCTTNTCAGA TTAGAACATA TTTTNNTTGT CATGACAAAG GACTCTCCAA A 111

配列番号：4309
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05123
配列：
GATCTNAACT CCTTGGCTTC TTTACTTAGT TCAAGCCCCA GCCTAGGAAA GCCAGTTACA 60
TAAAAGTTGG CTCAGGAGTC TTAGAGCTTT ACCTAAATAT GAGCCCAGAA AACGGAGGAT 120
GGGGGTGGGG CGCCTTCCTG GAGGTGACAC TTGATGGGGG TGTGTTCTGG TTACTGTTCT 180
AAGGCTGTGC CATCAGCTCC TTCCTCCCCT GTTCATTCTG CATTCTCTAG TCAGTTGGCT 240
AAGAAGTGAC TCTTGCAACT AAAAAAATTA AGAAATTCAC TTCCCCTCTA GGAGGTGATG 300
ATAGGGTTTT N 311

配列番号：4310
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05124
配列：
GATCAGAGTT TCTGTGGAAT TCTGTTTGTT AAATCAAATT AGCTGGTCTC TGAATTAAGG 60
GGGAGACGAC CTTCTCTAAG ANGAACAGGG TTCGCCCCAG TCCTCCTGCC TGGAGACAGT 120
TGATGTGTCA TGCAGAGCTC TTACTTCTCC AGCAACACTC TTCAGTNCAT AATAAGCTTA 180
ACTGATAAAC AGAATATNNA GAAAGGTGAG ACTTGGGCTT ACCATTGGGT TTAAATCATA 240

GGGACCTAGG GCGAGGGTTC AGGGCTTCTN TGGAGCAGAT ATTGTCAAGT TCATGGCCTT 300
AGGTAGCATG TATCTGGTCT TAACTCTGAT TGTAGCAAAA GTTCTGAGAG NAGCTGAGCC 360
CTGTTN 366

配列番号：4311
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05127
配列：
GATCACGCTG ACCTGGCAGC GGGATGGGGA GGAACAGACC CNGGACACAG AGCTTGTGGA 60
GACCAGGCCT GCAGGGGATG GAACCTTCCA GAAGTGGGCC GCTGTGGTGG TGCCTTCTGG 120
AGAGGAACAG AGATACACAT GCCATGGTGC AGCACGAGGG GCTNCCCCAG CCCNTNATCC 180
TGAGATGGGA GCAGTCTCCC CAGCCCACCA TCCCCATCGT GGGCATCGTT GCTGGCCTTN 240

配列番号：4312
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05128
配列：
GATCTTTTCT CCATCATGTA CTTAGTATTT CCCATTAACC TACACACTGA TTTTTNTGCT 60
ACTCCTTGTA GAAACAAAAT TNTGGNTGGA CTCAGN 96

配列番号：4313
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05129
配列：
GATCTGCTGG TCCTTGCAGG CAAAGCTACA GCCAGANTGT CCGTTTGANA CTCCTAGCTC 60
ATCTGTCACC GAGCTTNATC CGAATGTGCC ACGGAGCTTN CTCTCCACTT CCTCCGTGCA 120
GCGGCCCTGC CACAGCCCTC CCTCGGCACA CTTTGACCCT TTGTAGGGTT GGNATTAGCA 180
GGACTCGGCT ATTTAAAGCA CCAGTCTGGG GTCGCCTGGG CCCCTGCTGA CCCNTTCCTN 240
CAGAGCAGCC AGCCCAGCCC GGGAACAAGA CGGACTTNCT ATNCCTTCGG ACTCACAGCC 300
TTTGAAGAGT CAAGCTNCAC TTNAAGCTCA CTCAGTAATA TCCTTTCAAT GNGN 354

配列番号：4314
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05130
配列：
GATCCGCCAC TTTCGGCCGG AGCTCGAGGA GCGGATGCAG CGGTTTGCCC AGCAGCATCA 60
GGCCCGGCAG GCTGCCTCTT AGCCCACCAC CCTGGCCTGC TGTCCTGCGT CTATCCATGT 120

GGAATGCTGG_ACAATAAAGC GAGTGCTGCC CACCCTCCAA A 161

配列番号：4315
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5132
配列：
GATCCTGGCT TTCCAGGGTG GGCAAGGGCA AGGAGCAGGC TTGGAGCCAG GGACCAGTGG 60
GGGCTGTAGG GTAAGCCCCT GAGCCTGGGA CCTACATGTG GTTTGCGTAA TAAAACATTT 120
GTATTTAAA 129

配列番号：4316
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5133
配列：
GATCTTTGAG GTGAACAACT TGCCTGTGGA ATCGTGGCAG TAACTGTTTC CACTCACAGC 60
CTGAAATTCT CCTNTGTCCC AAACCCCAGG GGGCCCCAGC AGCTTCGAAC CTACACCTGA 120
GGGCTACCAG CAGGTGGCGC TNTGGCTTTG CACTGCAAAA ACTGGGGACC AGCCCNCTTC 180
TNCCACAAAT AAAGCCCAAT AAAGCCTGAG AAGTGAGGAA AGCCAAA 227

配列番号：4317
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5134
配列：
GATCTCCGTG GATGAACTGC GTCTGGACTC TTAGATTCAT AAAATATTCG AGGGTTTGGA 60
AGTNACAGAC CCTCCCCTCT CCTCAGTGCA CTTTGGCATT TNCACGGTGT CTTCCCCGGA 120
CAGCACAGCA ATAAATNGNG TGATTGCGTG GAAA 154

配列番号：4318
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5135
配列：
GATCAGGTTT GGNCTTCTCC CACTGAGCAT GACAAGCACT CGAAAGGCTA AATCAACCAG 60
AAACATCGAA ACAAAAGCTC AGTACGATGC CAACTNTTAA GCCTGCAGGA NTCCTCCTGG 120
GTTGTCCCCC CGGCACGNTC CACAGCTGGT NGACCCGGCA GTTCCTGGNT CCTTGTTCAG 180
N 181

配列番号：4319

配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05136
配列：
GATCTGCCCT TGNTNGCCTC ATACCTCTGT GCTCCACACT GCGGCCAGGC CAGCTGAGTC 60
CCTCCATCCG TGGATGCTTT CCTGCAGCTA TGTGGTATGG GGGTCATTCC TGCCTCTTGG 120
CACCAGGTTG GGGGGCATGT GCTTGTTGGG CACCAAAGTG ATGGAACCCT CAGGTGCTCT 180
CCGGGAGCCT GAACCTCCTG ACTGAGGAAC ATGGGCAGAA CATGTTTATT GCACAGAGTG 240
GGCGCTGCGC ACAGGCGTGG CTGTACACGT GCTCTCAGCT CATCATCCTT TCCAGTAACT 300
TTAAAAAAAC ATCCN 315

配列番号：4320
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05137
配列：
GATCGNGNNA CTTGGGGNGN GGCCCTAGGC ACTACCAGCA GCGCACGCTC ACCTTCGCCC 60
TCAGGGCTGA CGACCCCCTG CTCAAGCTCT TGCAGGAGGC TCAGCAAAGC TGAATTAACT 120
CAGGCAGAAG AGCACAGATG TGTGGGATTG GGGGAGGAGT GGGGACAAGA TTTTTNATCT 180
CTAAGTGAAT TTTCTAAAAA TGTATTTTAT ACCGGCTTAT TCCTAGTATT GNATAAACTA 240
GCGGGNTCAN TCAAA 255

配列番号：4321
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05138
配列：
GATCAAACAT GCATGGNTGG GTCCTCACGC AGACACACCC ACAGAAGGAC ACTAGCCTGT 60
GCACGCGCGC GTCNATCTAC ACACACACAC AAGAGTTCAT AATGTGGTGA TGGCCCTAAG 120
TTAAGCAAAA TGCTTCTGCA CACAAAACTC TCTGGTTTAC TTCAAATTAA CTCTATTTAA 180
ATAAAGTCTC TCTGACTTTT TGTGTCTTCA AA 212

配列番号：4322
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05139
配列：
GATCGAGTTA TTATGATAAC TGTGGTAATT TGTTGTTATA AATAGCAGTA ACATAGGAAG 60
GTTTTGGTAA CTNCTGACAA GAAATTTNAT GTAGAGAGTT AATTTCGAGC ACATTAAAAT 120
GACTGTCCCA CTCAAA 136

配列番号：4323
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5140
配列：
GATCTGCATT ATTCTNGGAN AGTATTCAAG TGGTATCTTG ACTATTAAAC TACGTATAGT 60
GTTNNTGNAA TAGAAAGAAA ACAGCATTGG AATTGGATTC ATGTATCGTG GGATACAGGT 120
GTTATTTCAG GTGATGTACT TGCATTATTT TCTTTAGCCA TAGTAACTTT TTGTCACAAT 180
AACTAAGTAT TCAATTATAT ATAANGAGTG AAACATTAAA ATGGNAAA 228

配列番号：4324
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5141
配列：
GATCCTGCCA CTGCACTCCA GGCTGGGCAA CAGAGTGAGA CCATGTCTCA AAAAATAAAA 60
ATAAAATAAA ATAATATCAG GNTGCATACA TCAGAGGCTG TTCCTAGTGT AAAGGCACTT 120
TGGAGGGAGA AGACTTTCAG AGTTAGGCAG ACCAACTAAG AGGTCAGCTG ANGCACCTAA 180
CCAGTTGTAA GGAGGTGAAA GACAGCACCC CAAGANGAGA TGTGCAGGAN GGAGGAAAGA 240
GGCTTGGTCA TAAAGGNTGG AGGAATTCCA AAGTGACACT GANACAGGCT GCGTTTN 297

配列番号：4325
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5142
配列：
GATCGTTCTG CTGAGTATGT TAAGCTCTTT ATGACTGTTT TTGTAGTGGT ATAGAGTACT 60
GCAGAATACA GTAAGCTGCT CTATTGTAAA 90

配列番号：4326
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5143
配列：
GATCTGCTGC TGCCATTTTA ATCTTGCTCA TTAACCTTAC TCCTTTGAGA ATTCTTTAAC 60
AATATTTAAA ATTGGTAACA AAAATAGTTT AGCCATAATT GTTTAGCCAT GTGAGTTTCA 120
GGTTGGTACA CGTTCAGACA GAACTGCTGT ATCACATTCC AATTTTGAAT AGCCAGTGAG 180
CAATCAAGTG TAGAGAAATG ATAAATGGCC TAAGAAGGCA TACAGTGGCA TAAACGATGC 240
TCTTCCTAGT AGCTTAATAG GCCACAAGCT AGTTTCTGTT GCACTCTGAA ATAAAATATG 300
CTTTAAAAAT GTAGGGANCA GTGCTTAGAA AAGCAAAANC TAGGTGTGTC ATTGANATAA 360
TAGGCATAAN ACTTAAATGT TCCATAGGCC ACTATTTGGA AGGGGGCCTT N 411

配列番号：4327
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05144
配列：
GATCTACACA TTTTTATAGT CATTTAAAAT TGTATGACTC TGTCAAATNA TTTAAGTAAT 60
TTTGGTGGAT TTTTAAAAAT AAAAAAATAA AAATAGAAA 99

配列番号：4328
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05145
配列：
GATCAGTTTT TATAGCATCT ATGGACATAG AAAATCAGTC ACTGAAAAAA ATAAACACAG 60
CTTTCAATGT CTCACTCAAA 80

配列番号：4329
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05147
配列：
GATCCAGAAT CACCAAGACC TCCAGCCCTG GATGATGCCT TTTCCATCCT GGACTTATTC 60
CTGGGACGTT GGTTCCGGTC CCGGTAGCCT TGTTAACCCT CAGAGGCCTT CAAGTCCTTT 120
CCACCTNTCA CCCATTGCCC ACCATTAANA AGCTTAGCTG NNTCTTGCCA CCTCAGGGGC 180
TTGGATATGT GGAATAGTGA ACTGGGNCCA TGTCAGTTTG TCACTNACCC AAACTGACCA 240
ATAAAACCTN NATTTATGNT AAA 263

配列番号：4330
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05148
配列：
GATCCTAANN CTGACAAGAT TCAAAGNACT AAATTTAATT CAGTCATNAA CACTACCAAT 60
TACCGTTTAT NGGTAGACAT CTTTGGAAAT TTCCACAAGA GCAAGCTAGG N 111

配列番号：4331
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05149

配列：
GATCTGACCT GTTTATTGTT GGCGCTTGTT GAAAACGAGC TTTCTTTCCC ATGATAGTGC 60
TTCGTTTTTG AAGTGTTGAA GCTGTGCTCC CCTNAAATCG TGGCAGGAGA GATTAAGGTA 120
ATTACAACAC TCAGTTCTAT GTCTTACAAG CACTTTGTCT TGTCTCTGCA AGAAAATTCG 180
ATNCCNGTCA TNTCCCATAA AATACAGNCA TTTTACCANC ATANTATGCT TTGATTGANG 240
CAGCANTATG CTTTTGGGCA GTAN 264

配列番号：4332
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05150
配列：
GATCCTCCCG CCTCAGCCTC CCAAGTAGCT GGNATTATAG GTGTGTGCCA CTGTGCCAAG 60
CTAATTTTTT AATTTTTNGT AGAGATGNGA TTTNACCATG TNACTCAGGC TGGTCTCAAA 120
CTCCCAGCCT CAAGCNATGC TCCCACCTCC ACCTCCCAAA GTGCTGGGAT TACAGGCGTG 180
AGCACCATAC CTGGCGCATG CATATTTTTN AAGAGTACCC ACTGGNGTCT AATATATAGC 240
CTGGGNTACC TGGGATGAN 259

配列番号：4333
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05151
配列：
GATCTAACCA ATTTGAATAT GACTTCCTAC TCCAACGTAT CACCAAAACA CTGAAAAGCA 60
ATAGCTGGTT TGGTTGTTAG AAATGGTGTA ATTAATGGTT TTNGTTAGTT CACTTCAGCT 120
TAATAAGTAT TTATNGCATA TTTGCTATGT CCTCAGTGTA CCACTACTTA GAGATATGTA 180
TCATAAAAAT AAAATCTGTA AACCATAGGT AATGATTATA TAAAATACAT AATATTTTTC 240
AATTTTGAAA 250

配列番号：4334
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05152
配列：
GATCGCATTT ATATAACATT CTTGAGGTGA CAAAATTATT GAAATGAAGA ACAGATTAAT 60
GGTTGCCAGG GATAGGGACT GGAGGGGGTG TGGGGTATGT ATGACTATAA AGGGATGACG 120
CAAGGAGTTC CTTTGTGCTG ATGGAACAGT TCTATATGAT TATGATGATT ACGATGTTGA 180
TTATAACATT TGATTATGAG GTTAAGCACA TGAGTCTTTA CCTGTNCTGA AGTTGTATGG 240
ACCTACATAC ACACAAATGN 260

配列番号：4335
配列の長さ：261

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5153
配列：
GATCAAGACG AGCCTGCACC GCCTGAAGCC CGACACGGTG CCAGCGCCCT GCTGCGTGCC 60
CGCCAGCTAC AATCCCATGG TGCTCATTCA AAAGACCGAC ACCGGGGTGT CGCTCCAGAC 120
CTATGATGAC TTGTTAGCCA AAGACTGCCA CTGCATATGA GCAGTCCTGG TCCTTCCACT 180
GTGCACCTGC GCGGGGGAGG CGACCTCAGT TGTCCTGCCC TGTGGAATGG GCTCAAGGTT 240
CCTGAGACAC CCGATTNCTG N 261

配列番号：4336
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5155
配列：
GATCCTCAGT AAACTCTGAG AAATAATGAA TGTTGGTTGT TTTAAAATGG TAAATNTTGA 60
GGTATTATGT TATGTGGCAA TAGATAGCTA ATATATAACT NATTTGANTC AAACAATATG 120
TTAANTTAAA GCNCAGAAGA NTAAA 145

配列番号：4337
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5157
配列：
GATCTAAGGA AAGAAATGGA GCAACTAGTG CTTGACAAAA AGCAAGAGGA GACAGCCGTA 60
CTGGAAGAGG ATTCTGCAGA TTGGGAAAAA GAACTGCAGC AGGAACTTCA AGAATATGAA 120
GTGGTGACAG AATCTGAAAA ACGAGATGNN AACTGGGATA AGGAAATAGA GAAAATGCTT 180
CAAGAGGAAA ATTAGCTGTT CCTGAAATAG AAGAATAATC CTTAACAGTC TGCAAACTGA 240
CATTAAATTC TAGATGTTGA CAAA 264

配列番号：4338
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5158
配列：
GATCGGGGCG GGGAAACAGC NGGAAGANGG NCGCACCCGG TCTGACTACA ACANCCAGAA 60
AGAGTCCACT CGGCACGTGG TCCNGCGCGT GAGGGGGGGT GTCTAAGTN 109

配列番号：4339
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05159
配列：
GATCAGTATA CAGTGTACGT AAACTACACC ATCCTCAAAC CCCGGAAAGC AAAGCAAATC 60
AGGAAGAAAA GTGGAGGTTA GCAACACACC TNTGGCCCCA AAGNACAACC ATCTTGTTAA 120
CTATTGATTC CAGTGACCTG ACTCCCTGCA AGTCATCGNC TGTAACATTT GTAATAAAGG 180
TCTTCTGNCA TGAAA 195

配列番号：4340
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05160
配列：
GATCTAATAT TCAGGAATTT TTCTCCTAAA GACACCCAGT AAAAATATCA CAAA 54

配列番号：4341
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05161
配列：
GATCACTGTG TAAAACTAAG TNTCTCTAAA TGTAATGCAT CGATTTAGTG TCTGGAACAT 60
AATAAATATT TGCTCTCATG ATTGCTAAA 89

配列番号：4342
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05162
配列：
GATCTACATC CCCATCCACC TATACGGACA TCTTTTCCGT TGTGGTTTGA GAATGTTCCT 60
ATAATAAACC CCTCTGCTTT GTTCTTAAA 89

配列番号：4343
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05163
配列：
GATCGTCTTG TATGGTGAAT TTTCTAGGAG CGATGATGTA CTGTAATTTT ATTTTAATGT 60
ATTNNGATTT ATGATTATNT ATTAGTTGNN TTTAAATGCT TN 102

配列番号：4344
配列の長さ：248
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5164
配列：
GATCAATTNT GCANCANACA NCAATCTTAA CCATTTCCAG AAACTACTAG TTATATTAGG 60
CACGTTTTAA AAACTTAAAC AAAATAAAGG CCATCCCAAA CCCTGGGCTG TTGTCGGGTT 120
ATTTTGCAGC AGGGTTGTGT TCAAAANCTT CCTTTGACTC CCTGAGACTT TATCTNCTNC 180
TTGCAGAGTA AGATGGAAAG CCANTCAGTG TTTGCNGTAA TGTAATACAG NGTAGTGCCA 240
TTCNGGNN 248

配列番号：4345
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5165
配列：
GATCCAAACT TCTACAGCAA AAACTTACTT CTTTTAGGAA AGACATACTT GAAACTACAC 60
AACAAAAAGC TTGCTGCTTT CTGGCTAATG AAAGCCAAGG ACTATCCAGC ACACACAGAG 120
GAGGATAAAC AGATACAGAC AGAAGCTGCT CAGTTGCTTA CAAGTTTCAG TGAGAAGANT 180
TGAGAACTTT TCAGAGAAGA TTTATGAAAT AGCTAATAAA CATTGCCTTT TCTTTTAAA 239

配列番号：4346
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5166
配列：
GATCAAAAAA TGTCTCCGCT CAGGGATTTA TGGTGGATTA TTGCAGACAN TGCTAAAAAT 60
ATAGAGCACA AGACAAGTTT ACTAAATTAA AATTTTATTT TTTGAGAAAC TGTTATTTGT 120
ATAAATTATC AAGATTTGTA GGCTTTCCTT TNGTAGAAAT AATTGTTTTA TGTGCCAGAG 180
AATTTCAATT TNGTTTTCAA CAATAAAGCA TTGATAAGAG AAA 223

配列番号：4347
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5168
配列：
GATCATTTGT TTATTAAAAT GTGTCCTATT ACACAGTGAG TTAACTCTCA AA 52

配列番号：4348
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5169
配列：

GATCCGAGCG ACCATGGTGG CCCGGGTGTG GTCGCTGATG AGGTTCCTCA TNAAGGGAAG 60
TGTGGCTGGG GGCGCCGTCT ACCTGGTGTA CGACCAGGAG CTGCTGGGGC CCAGCGACAA 120
GAGCCAGGCA GCCCTACAGA AGGCTGGGGA GGTGGTCCCC CCNGCCATGT ACCAGTTCAG 180
CCAGTACGTG TGTCAGCAGA CAGGCCTGCA GATACCCCAG CTCCCAGCCC CTNCAAAGAT 240
TTTACTTTCC NATCCGTGAC TCCTGGAATG CAGGNATCAT GGACGGTTGA TGTCAGNTCT 300
NNTNGGTGGC CCCTTTCAAA GGGNCNGGTG AGTN 334

配列番号：4349
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05170
配列：
GATCCATCAA ATTGAACAAT CTGTTGTAAT TTAAAATTTT GGCCACTTTT TTCAGATTTT 60
ACATCATTCT TGCTGAACTT CAACTTGAAA TTGTTTTTTT TTNCTTTTTG GATGTGAAGG 120
TGANCATTCC TGATNNNGGC CTCNNN 146

配列番号：4350
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05172
配列：
GATCTCAAGC CTCTTCTGAA CCCCAGGCTT TCTTGAGTCT CCATATGAGC ATTTGCCTCT 60
GTGGGCACAA CTTCAAGTGT CCTTTGTGAG GAAATGTGCA TCTCTGGNTG GTGAACTTCC 120
ATCCCTCAGA GAGAAATAGA AGCACAAATT TGAAACAAGC TGTCTGTCTG NGNNNNNNCT 180
TTATGTCTTG GAAACTTTAT TTATCCATCC AAGCTTTNTT TTTTTTTTAG CCTTTNNGGG 240
CAGGNAACCA TCCAGGN 257

配列番号：4351
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05173
配列：
GATCTGTCTA CTGAGAAGAC CCAAATCTTG GTTTCTAAAT GCCATTCTTC AATAAAAGGA 60
ATTGGGTTTC AAA 73

配列番号：4352
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05174
配列：
GATCTCCTTC TCCNTCCTGT CCTGTCCTTG CCCCTCAGGA CTGCTGGAAA ATAAATCCTT 60

TAAAATAGTG AAA 73

配列番号：4353
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5176
配列：
GATCCAAGCA GGGGGATGAA AAACTCAGCA GAGAAATTCG AGACCATTTT CCAAGACTNT 60
CCCCTTCTCC TCAGGACCCC CTGGCTCAGT NCTTGAAAAA CGGTGTCATA TTTAGTCAGA 120
GGCCCCACCC CCAGGAAGCA TGGATGGGGA TGAAGGCACA GGCGTCTCCA ACCTCAGAGG 180
CCCTTTGTGG GGTCAGGACA CAGAGTGGGN AGANGAGACT GATGCAGGCC TACCAGTNCC 240
TGGCTTTTTG TCTGGGGCTG GAATAAAGAG GTGNCTTCAG CTGTTTGGNN CGAGAGGCAG 300
GGTAAA 306

配列番号：4354
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5177
配列：
GATCAACTGG AACCTCTGTA TCATGCGGCT GAATTCCCTT TTTCCTTTAC TCAATAAAAG 60
CTACATCAGA CTGAAA 76

配列番号：4355
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5178
配列：
GATCAGGCTT TTAGGACCTA GGAAACAAAT AAAGAGGAAT TTGTTGCTGA AA 52

配列番号：4356
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5180
配列：
GATCCTTATT CTAGCTACAA GTCAAAGATA ACTCCTGGTC CAGACAAAAC ACCTGGCCTA 60
TCACAAGCTG ACTAAAAATC TGCACTTTGG GCCAGCGCAG GCAACAGTAA CTNTGACAGG 120
TTCAAATTAG ACCTCACACT TTCTACTCAT ATTCTAGTCA CTGGACCCAT CTGANTCAGT 180
AATCCCTNCT GCCCGGTCCT GGAGTAACTT CTTAGAGATA TTATAGCAAG TGGCAAAANT 240
AAAAGAGGGA TTTGCTANGA NTATCAAA 268

配列番号：4357

配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05181
配列：
GATCTCAAAT ATAAATTTGA GATTATACAT GTAGTTATGT ATAGNGNCAT GTAGTTACAC 60
ATAGTTTTGT ATTTNCCTGT TTTTTTCTCA TATGAGCATT TNCTTATTAA NGTN 114

配列番号：4358
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05182
配列：
GATCTACACG TGTTGTTTTG TTTTTNCTTT ATTGATGCAC GNATGCTTTT GAACAGTAGA 60
GNGAAATGCT AGACATGGAG AATCTGCTCT GTTTGTCCTN TATACATTTC TGTAGTTAAC 120
AGAACACTGT AATGTGCCTT GGAGCTTAGT AACTNGTAAT AAATTCAATN GATATTAAA 179

配列番号：4359
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05183
配列：
GATCCTAAAT CCTATGTAGG CTNNGGTTAT TAGTGTATAT TTGTGTCTTA AAACAATTTT 60
GAAAGTNAAA AAAATATTTT TTAAA 85

配列番号：4360
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05184
配列：
GATCTNATTT TGAGATTAAA AAAAATACTT CTAGCTTTAG CCAGGTGTGC ATGTNGCTGC 60
CATTTTGCAT TTTTGAATCA TCTTGTGTAA TTGTCACCAT GAAAGTGTTA CTCAGAATNG 120
TCATAGATTT NNTNTTCTTT GTGCAAAAAC ATGGAAAATT GTCACTGACT TTGTTTTGAG 180
GTTTCCCCGG NNNN 194

配列番号：4361
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05185
配列：
GATCTGCTGT ATGTTACAGT TATGTAATTT GACTTGTTTC AAAATTATTA AAGTTTTAAG 60

TGTATGCATT CTACTGGTCA ATAAGTAAAT ATATTCAGGC TCTGAATGTA GACAGATAAA 120
TATATAAATA TAGAAAGTAC ATTTGTTAGA ATACAAACAA GAATAAAAAT TGAGTACAGA 180
NTGAAAACCT TATTAAATTT TATCACTCCA TATAAA 216

配列番号：4362
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05186
配列：
GATCAAACTC AAGCTCACAC CTGTACCTGA TGGGAATGAA CATAATGTGA AGAAACTTAT 60
TTCCCAGTGT AAACGCAGTT GTACAGAAAA AAAATGTTTT GGGTATAAAT CTGGGTTTTC 120
AAAACCAGCT TTNTTCTATA TATAAATNAT GCTGCTATTA CAGATTTAAC ATTTNCTGTT 180
AAAGGAAAGT CTACATTTTC TGCCTGTNCA GAACTGTTTA ATAGCAGTNN CTCTTGAGTG 240
TATTTNCCTT GGTATGTTTT TNAACCTATT TTCCTTNAAG CCGAAAATAT TGCCAATTGG 300
ATANGGTTAG CCTTANNAAG TNNAATAAAN NAN 333

配列番号：4363
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05187
配列：
GATCAGCCAG TCTCTTTCAT CATCAAGCAG ACATACTCAA GGTACCAACA CAGCAAAGGC 60
ACAAAATGTC TCTATATCAG TATTTTTCAT GGTATATGTG AGACCCATTA GTGAGGCATG 120
AAATCAATTC TGTGAGTCAC AATGAACATT TGTCTAAAAA ACATAATAAA NTGTAAAATA 180
CCAAA 185

配列番号：4364
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05188
配列：
GATCCTTTCC CATTTATTCT GGGAAGATGT TTTTCAAACT CAGAGACAAG GACTTTGGTT 60
TTTNTAAGAC AAACGATGAT ATGAAGGCCT TTTGTAAGAA AAAATAAA 108

配列番号：4365
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05190
配列：
GATCATTTGG CTCTTTTTTT CCTTCCAGAA GAGTNGCATC AACAAAGTTA ATTGTATTTA 60
TGTATGTAAA TAGATTTNAA NCTTCATTAT AAAATATTGT GAATGCCTAT AACTTGTTTN 120

NCAATGTGNT TGTGTGTGTT TCTAAGGACT TTTTCTTNGG NTTGCTAAAT ACTGTAGGGT 180
TGAAAATGCT TCTTTCTACT N 201

配列番号：4366
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5191
配列：
GATCCTTCAT GGACANTATT CTAACTGATA CGTAGACACT TACTTGGAAA TTTTTGGACA 60
TTATATTAAA TGAGTGCTAT CTGTGAAATT GGTTATATTA GGTGGCTNNN NCTAATGN 118

配列番号：4367
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5192
配列：
GATCTGAGGT CTCAAGCTAG GAGAGACTGA GAATTTTAAT CAGTTTGGGC ATATAGTTTG 60
GACTGAATCA CATCTGTAGT ACTTAGCCAA AGACAATTTG GAGGAGAATA TCAGCCTTCT 120
GGAAGTAGCT ACTTCCTGNT CAATGTAAAG TGTCGCAGAT ATTCAATAAA ATGGCAACCT 180
GTTATAATTT TNTTGAATAT CAGCCTTCTG GNAGTAGCNA CTTCCTGTAN CAAANGTAAA 240
GNGTCGCAGN TATTCAATAA AATGGCAACC TGTTTTN 277

配列番号：4368
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5194
配列：
GATCTCTTGA CAANTGTGTA TGTTAACTTT TTAGCACATG TTTTGTACTT AGTACACGAG 60
AAAACCCAGC TTTCATCTTT TGTCTGTATG AGGTCAATAT TGATGTCACT GAATTAATTA 120
CAGTGTCCTA TAGAAAATGC CATTAATAAA TTATATGAAC TACTATACAT TATGTATATT 180
AATTAAAACA TCTTAATCCA GAAATCAAA 209

配列番号：4369
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5195
配列：
GATCGTGTCG GAGACTNTNA CACAGTTTAA ACACATCAAT AAATACTTTA ACTTCAAA 58

配列番号：4370
配列の長さ：108

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5196
配列：
GATCGAGGTA GTAAAGGCCA TCCACATTTT AAAGGGTTAT TTGTCTNTNN TATAATNCGT 60
TTGCTTTCAG AAAATGTTTT AGGGTAAATN CATAAGACTA TGCAATAN 108

配列番号：4371
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5197
配列：
GATCAAACAG GGACACAAAA GCAAGTATCA TGGGAGGAAC TTGAAATCTC TGNGGACAGC 60
AGAAGCTGAC TTCAACTCTN ATAATTGTGG CATCCATAAA TTGCAAATAT AGCCCTGAAT 120
AGATACACAC AAATGTCTAT AATGAAGGCC CAGCAGAATG GAATGTGTGA CCATCTTCAG 180
GAAGAAAATN 190

配列番号：4372
配列の長さ：241
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5198
配列：
GATCAATCCC TAGTAAAAGC CCTGGACACC TAGGCATGGG TGAGCTACTN TGGTTGGTAA 60
TACTCTGTGC ACACATCATT GTAGCCACAC ATCATTGCTG GGAGAATTAA GCATTATCCT 120
GAAGACTCTG CCAGGAGAGG ATAATTGGAA GTTCTCTTGG ACCTTACCTT ATGTGCCTTT 180
NTTCATTGCT GATTTTAATC TGTATCCTTT CACTGTAATA AACTGTAACT ATGNGTGCAA 240
A 241

配列番号：4373
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5199
配列：
GATCGTTCAT TGCCTTTCCA GGGTTATTTA GTAAAGTTTG TTGAAAACAA A 51

配列番号：4374
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5200
配列：
GATCTCAGGT GATTCACCCG CTTCTGCCTC CCAAAGTGCT AGGATTACAG ACATGAGCCA 60

CCGCACCTGG CCATACAATT GCCTTCTATA TGTTTTTNAT TTAATATGAC ATTTGTATTT 120
CCCCATGTTA TTAAAAAATT CTNTATAAGC AAA 153

配列番号：4375
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05201
配列：
GATCACCCCA CCCTGTGAAG AGGCAGTTGG TGCTGGCAGT AAGCTGGTTT CCTCCTCTCC 60
AGGGTTTTCC TAGTAATAAA GGTGTTNCTG TTGANGCCGT AAA 103

配列番号：4376
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05203
配列：
GATCACATTC ATTCCATAGG TAGCTTTACG TGTGGCTACA ACAAATTTTA CTAGCTTTTT 60
CATTGTCTTT CCATGAAACG ANNTGANGAA AATGATTTTC CCTTTGCAGG TTGCACACAG 120
TTTTGTTTAT GCATTTCCTT AAANTTAATT GTAGTCTCNA GGATACAAAC CATAGTAGGC 180
AATACAATTT TAGAATGTAA TATATAGAGG TATATTTAGC CTCTTTTAGA AGTCAGTGGA 240
TTGAATGTCT TNTTATTTTA NNTTTTACAT TCATTAAGGT GCCTCGTTTT TGACTTTGTC 300
CATTAACATT TATCCATATG CCTTTGCAAT ANCTAGNTTG GTGNAAAGCT AACCAAGTGT 360
TGTAACCANT AATCCNTTGT TTNGNGGTGN 390

配列番号：4377
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05204
配列：
GATCACATGC AGGACTCTTT CTTAATGCAG CCTGAGACAA ATCTTGCAAT ATGAAGAGAT 60
GATTTCCAGG TTTTATTGAA TAAATGAATT GTAATTTTTA CTTGAAATTA TCTTATTTAG 120
TATAATAAAT ATTACAATAT TAAA 144

配列番号：4378
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05205
配列：
GATCCCACAG CGAAACACTG GCCACTGGCT ACCAGTATTN CTTCCCAGAG CTAGGGGCTG 60
CCTTAAAGGA AATTGTAGCC TAAGTAGGTC GTGGCAAGGG CCTGAGGCCT GTTCCTCACA 120
GGCTTCCAGG TTAGGCACTG TGAATAGGCT CAGCTCCTCT AGAGAGCTGA AGCCATCTGG 180

TTCTTAGATT CCTCTCCCAG TCCTCTTTCC CATTGTTCTG TTGCTCCACC TTATTGTCTC 240
AAGGCCGTAA TCTCATCAGG TTGGGACATT AATCTTTTCA ACTCCTTTGT AAAGATTTCC 300
CAGTTTGGTT TCTCTACATG TNCTGCAGCT GGCCNCAATT CTCCTTTNAC GTTGTGTAGA 360
GAATGNTCTG CAGTTTTAGG GCAAGN 386

配列番号：4379
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05206
配列：
GATCTAAACG AAAAATAGTT TCTTGTTTAA ATTCACATAA GGCAATNAGA TATGGAAAGA 60
TGACAAGATA CGTATAAACA TTGGTTTGCA TTTTATTAAA TNATTCTAAT GCAAATCTTG 120
TATAAAGAAC CCATGATGTT TTGTAACTTT CTAATTAAAA TGTTCAAAAT GAAA 174

配列番号：4380
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05207
配列：
GATCTTGGTC AATAACTGGG AGATGGACAA ACTAGAGATG GAAGATGCAG TCACATTTTT 60
GAAGACTAAA ATCTATTCAG TAGAAGCTCT TCCTGTTGCT GCTGTAAATG TGCAAAGCAC 120
ACAATAAAGT GAAAATCAAC CTTTTCATAT TAGGAGACAT GCATTTGTAA AAATTAATAA 180
AGATGACAAG TCAGTTGTCA ATGGAAA 207

配列番号：4381
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05208
配列：
GATCAGCACC TTGGCCGTGA TTCCCAAGGT CCCAGCCAAA GCAAAGGGCC AGTTGTTTCA 60
GTTTAAACAG ACATGTCTTT AGTCTAATAA AATTAGTTAA CTGCCAGTAA AGTTATTTGT 120
TAGCTTTGNT GAAAGCTATG NNGGTATCTT TCCCTAATCA TCAAAGTAAA TAAAAANTCA 180
TTTCTNAAA 189

配列番号：4382
配列の長さ：502
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05209
配列：
GATCTGTTCT TTTTAAGTTG ATTCGGGAGT GGCATTCTTT TATACCCAAA GACTGTAGTG 60
CATCTTGAAG AGCTCAAAGC ACATGACCGC ACAAATGCTT ACAGGGTTTC CTCCCGAGTA 120

ATCCAATCTC ACTCCCCTTG TAAGGGAATT CTGGGGCAGC TATGGTTTGA GTATGCAGTT 180
TGCATCGTGT TTCTACCTTT AGTACCTTGC CACTCTTTTA AAACGCTGCT GTCATTTCCC 240
ATTTCTTAGT ACTAATGATT CTTTGATTCT CCCTCTATTA TGTCTTAATT CACTTTCCTT 300
NCCTAAATTT GGTGATTTGG CATATCAAAT TCTGGTAAAA TNGTTTTNGG TAAANCATAT 360
TTACCCNCAC TTGGGGTAAA TCCCAATTCC TGGNTAGGGN CTTTTAAAAA NGGGTTTTTN 420
NTTAATNGGG NNAATCCAAT TATTAAAAAN GGGGGGNCCN TTTTTTNAAG GGNGGAANAA 480
ANGGNGAGGG GGNAGNTNGN GN 502

配列番号：4383
配列の長さ：383
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5210
配列：
GATCTCTGGT CAGAGTGAAC TCTTGCTTCC TGTATTCAGG CAGCTCANAG CAGAAAGTAA 60
GGGGCAGAGT CATACGTGTG GCCAGGAAGT AGCCAGGGTG AAGAGAGACT CGGTGCGGGC 120
AGGGAGAATG CCTGGGGGTC CCTCACCTGG CTAGGGAGAT ACCGAAGCCT ACTGTGGTAC 180
TNAAGACTTC TGGGTTCTTN CCTTCTGCTA ACCCAGGGAG GGTCCTAAGA GGAAGGTGAC 240
TTCTCTCTGT TTGTCTTAAG TTGCACTGGG GGATTTCTGA CTTGAGGCCC ATCTNTCCAG 300
CCAGCCACTG CCTTCTTTGT AATATTAAGT GCCTTGAGCT GGAATGGGGA AGGGGGNCAA 360
GGGTCAGTCT NTCGGGGTNG GNN 383

配列番号：4384
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5211
配列：
GATCAAACTG TTGGAGGAGA AGCTGAAGGA GGCTGAGACC CGAGCAGAGT TTGCCGAGAG 60
GTCTGTGGCA AAGTTGGAGA AANCCATCGA TGACCTAGAA GAGACCTTGG CCAGTGCCAA 120
GGAGGAGAAC GTCGAGATTC ACCAGACCTT GGACCAGACC CTGCTGGAAC TCAACAACCT 180
GTGAGGGCCA GCCCCACCCC CAGCCAGGCT ATGGTTGCCA CCCCAACCCA ATAAAACTGN 240
TGTTACTAGN CTNTNAAA 258

配列番号：4385
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5212
配列：
GATCAATGAA AGGAGACATC TGGAGTGTGC GTGCTTCTTC AGAGGGACGG GTGATGGGCA 60
GATTGGAAAA AGCACCGCAG ATGGGAACCT TAATCTTTCT TTTCTAAAAT TGATGCTATG 120
AAAATTTGCG TTTTCTGTAA CTTGTAAAAA CTAAAAGTTG CTTGTCTACT GAAA 174

配列番号：4386

配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5213
配列：
GATCAGGCAA AAATAGTTTT CCAAAGTTAT TTTTAATAAA GTATATACAA AATTCTTATA 60
AA 62

配列番号：4387
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5214
配列：
GATCTAACGC CACACCTCCG TGAAAACACA ANTCNCACAG CAGGAACCAC NTGAACCTGG 60
ACATCAGCAG TTTATTCAGC AGATGCTTCA GGCTCTTNCT GGAGTAAATC CTCAGCTACA 120
GANTCCAGAN GTCAGATTTC AGCAACAACT GGAACAACTC AGTGCAATGG GATTTTNGAN 180
CCGNGAAGCA AACTTGCAAG CTCTAATAGC ANCAGGN 217

配列番号：4388
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5215
配列：
GATCTATGCA GACAACTGTG TATTCTGTTT TATAACAGTT TGTTTGAATT TACTTACAGT 60
TAAAAAATTT AAATATATTT ATGTTTGTAC GGAAA 95

配列番号：4389
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5216
配列：
GATCTGGGTG AAGGGGAGAA CCTGCCATCT TATCCCTACC CCCCCGGGGC CCTCAAGCTT 60
ATTTTCTTGT TGAAGAAACA CAAAACCCTC GAGATTCATG TACTGTATGT TGGAGAAAAA 120
AAATTACCTA ACTGTTCCCC CAAAAAAGTC AGTATNTTTT GTACTTTGTA AAAGTGTNGG 180
TTAAAAATGA AA 192

配列番号：4390
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5217
配列：

GATCTGCAGC CTTTTGGGTA TCAAATGGGT CAAAACCATG GGACCTGCCA CCTCCCATCA 60
GCAATTCTGG AAATGCACTA TTTCTACTGG TGNTCTTGCT TTTTTTTTTT TTNNATTTTC 120
TNGNTGAANT GCCAN 135

配列番号：4391
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5218
配列：
GATCGTANTT AGTCCTTTTC ATCTCAGCTG CTCCTTAAAT CAGTGCAACC CCTCCAAATT 60
AATGTGAATT GAAACTTGCA TTGCTTTTCA ACTTAATTGA ATACTTACTA TATGTGAACC 120
ACTGCACAAA ATAGGGGAAG AAGATGTGGG AGACAAAGAT GTGGAGCCTG TCTTCAATAA 180
ATTTACAGTT AGTTTCAGGG TACATTGTTT TNCTNCTGCT GTTAATTAGG TGTATCCCCA 240
AGACAATAAA TACATGGNTG GGAAAGTAAA 270

配列番号：4392
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5219
配列：
GATCAAAATT GGNTAAATTC TATTGTAACA ATTTCGTTGG TCATTTTGGG CCATAAAATT 60
TTTTTGTAAT AGGAATTTGT ATAAAGCATT ACTCTTTTTC AATAAATTGT TTTTTAATTT 120
AAA 123

配列番号：4393
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5220
配列：
GATCNCACCA GTNTNCTNCA NCCTGGGCCA CAGAGCAAGA CCTTGACTCA AAAACAACAA 60
CAACAACAAC AAAAATTCTT GAAGATTTTG CATTCTGTCC CACTATCCAT TGGTTTTCAT 120
GTCAAGATAA TGTGAGAAAT TCTTTACAAT TGCTTCCAGA AGGANTAGCC TTTTGATTTA 180
GTGCACAGGT GTCCAGTCTT TTGGCTTCTC AGGCCCACAT TGGAAGAAGA ATGCTCCTGA 240
GCCACACATA AAATACACTA NTGNTAACAA CAGCTGATGG AGCTTAAA 288

配列番号：4394
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5221
配列：
GATCCTNCGT TCTNTTGTTA TAGATTAGTT TGCGTTTCCT ACAATTTTAT ACACATGGAA 60

TAATACTATA GGTACTCTTG TTTGGCTCCT NCCATCCAGC ATAATAAGTT TGAGATTCAT 120
NCATGTTGTT ATATGCGTCT ATGTTCATTC CTNNNN 156

配列番号：4395
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05223
配列：
GATCCTNCTT TTCCTTCATG NCAGCACAAG TGCTCACCGG GGCCAGAGCC AGGGCATGGA 60
TATGACAAGC AGGGCAGCCT GGACACTGCC CTCACAGGAC AGCGCCAATA ACAATACAGT 120
GTCTGAGTAT CTCCAGGGGA AAAAATAAA 149

配列番号：4396
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05224
配列：
GATCCTGCTT GGNCTATCAC AGAGCATTGA CCATTGGCTT CCCTCATCTG AGNCGTGGGA 60
GAGCANACTG GATAGATGAG AATTGTTTTA AAACAATTGT GAACAGAAAC TGNAGATGGT 120
ACAGTNCTAC ATCTGCACCT GCCCTTTTTT CATACCACAA AAGTATTTTT NNAGTACTGT 180
ACTGGACTTT TTGCNAGTNN CTAN 204

配列番号：4397
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05227
配列：
GATCCTGATG TATGAGGAAA AAGCGAGAGA AAAGGAAANG CCAACAGGCC CCCCAGCCAA 60
GAAAGCTATC TNTGAGTTGC CCTGATTTGA AGGGAAAAGG GATGATGGGA TTGAAGGGGC 120
TTCTAATGNC CCAGATATGG AAACAGAAGA CAAANTTNTA AGCCAGAGTC AACAAATTAA 180
NTAAATTACC CCCTCCTCCA ANAANTANTT TNN 213

配列番号：4398
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05228
配列：
GATCCATCTG AGGAATCACT CTGTGTTGCA CTTATGCCCT CATAAAANAT ATTTATTGAA 60
GAATAAA 67

配列番号：4399

配列の長さ: 70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05229
配列：
GATCAATGCA TTTNATACGG ATATAGACCT AGGGCTCTGG AGGGTGGGGN ATTGTTAAAA 60
CACATGCAAA 70

配列番号：4400
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05230
配列：
GATCTCTATA GAGGCTGGAA TGGCCACAGA GAATCTAAAT NTGAAAACAA ACATGTCCTG 60
AGGGTGTGCT CCAATACCAC CCNNTAATAC TCTCCTGAGA TGTGAAGGCT NGAAATGAGA 120
ATGCCATNTT ATTGTNACTT NCAAACGN 148

配列番号：4401
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05231
配列：
GATCCTTGTT TTGAGCTCTC AGAATCACTC AGACAACATT TTGTAACTGC TGCTGTTGCT 60
TTCTACATAC ACCTTATAAA GTGACATTTC AAAAGAAATA AGGTGCCACA GTTTTAAACC 120
AGAAGGTGGC ACTCTGTGGC TCCNTGTAGT ATTATAGCTA TACTGGGAAA GCATAGATAC 180
AGCAATAAAG TACAGTAATT TTACTTTAAA 210

配列番号：4402
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05232
配列：
GATCCTGTTG CAAACTGTGA ATATTCTGAT GATGCCAGTA CAGTTTGATT TATTAAATGT 60
GGGTCCTCAA A 71

配列番号：4403
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05233
配列：
GATCTGAACC CGTCTCCCGG GTGCTGTAAA TAGTCTGATA AACGTTCACA CAGTCTAAAA 60

TTACCCTTTA TATTTGCTGA ATACAACTCA TCTTTTGTAG TTTAAAATTT CTATTGTTTT 120
GGAGCTAGCT GTGAGTTTCT AGAAGTGTAC AGAGTTGCTC CNGTGTTCCC GGGTCANGTT 180
GAGTAGGGAA TAAATAAATC TGATGCNGCC TCCTGAGGCT GCCGGGGGGT TTCTGCTAAA 240

配列番号：4404
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05234
配列：
GATCAAGNAT ATTTTTTATT TTTAAGAAAG CATAACCAGC AATAAAAATA CTATTTTTGA 60
GTCTAAA 67

配列番号：4405
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05235
配列：
GATCTAATTC CAAGGACTTC TCCACAGCTA AGTNAGATGC CTCANACCAT TAGGTGATGC 60
TTTGGACAGA ACAGAGTATT TNAATCTTGT GTTTAAAGCA ATTCCTTGGC TTCGGCTCCT 120
CACCACTTTC TATGCCAGTN TCCCATTTAT GTCCCTAGTA ATGCCTATGC AAA 173

配列番号：4406
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05236
配列：
GATCCCAGCA GTGATGTTGG TTGAGGCAGC AAACAGATGG CAGGATGGGC ACTGCCGAGA 60
ACAGCATTGG TCCCAGAGCC CTGGGCATCA GACCTTAACC ACCAGGCCCA CAGCCCAGCG 120
AGGGAGAGGT CGTGAGGCCA GCTCCCGGGG CCCCTGTAAC CCTACTNTCC TCTNTCCCTG 180
GACCTCAGAG GTGACACCCA TTGGGCCCTT CCGGCATGCC CCCAGTTACT GTAAATNTGG 240
CCCCCAGTGG GCATGGAGCC AAA 263

配列番号：4407
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05237
配列：
GATCAGAATG TTCTAAATNT TGACTAGTTA CTTTTTATTA TGAGTTAATA TAGTTTAGCA 60
GTAAA 65

配列番号：4408

配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05238
配列：
GATCTCTATA TTAAATNCTA AAATGGGATT AAAAGAAGAG TTGGAGAATT CACACTTATT 60
GAGTAACTGA TGTCATACAA CCTGGAATTT CTGAATTCCA AATAAATAAA TTTCACTCTT 120
TAAA 124

配列番号：4409
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05239
配列：
GATCTATGCA GTATACATTT TNCAGGCTGA AATTCAAGGG GAATCATTCT GATTATNCTT 60
ACTACAAATG GAGATGGCTA TTATGAAACA GCATGAGCAT GAGCCTTTNA TCTNTNATAC 120
TTAGTGATAT ACTTTGCTTG AAAATCACTC AGCAAAGTAG TTCACATGAT GTGTTATCAT 180
ATTTGANGTG TGGNTTNTCT CAAAATCATT GNCTTTAAGG NGCTCATTNC TGAN 234

配列番号：4410
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05240
配列：
GATCTNTTTG TATGTNACGT GTTAAGGGCT TGTTTGGTAT CCCACTGAAA TGTTCTGTGT 60
TGCAGACCAG AGTCTGTTTA TGTCAGGGGG ATGGGGCCAT TGCATCCTTA GCCATTGTCA 120
CAAAATATGT GGAGTAGTAA CTNAATATGT AAAGTNGTAA CATACATACA NTTAAAATGG 180
ANATGCAGAA A 191

配列番号：4411
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05241
配列：
GATCACCTGA GCTGCCTCAG ATTCCATTTG GTCCTCTCCT TCCTGGAAGG CTTCCTTTTA 60
TGTTTTGTTT TAATCCCAAA TGTCTGAATG TTTTGCAGTG TGTAGGGGTT TGAGCCCCTT 120
GTTCATTCTC CTTCCTTTTT CCTCCCGCTT CCCTCTCCAT GAAGTGATTC TGTTGACAAT 180
AATGTATACT GCGCGTNCTC TTCACTGGTT TATCTGCAGA AATNNCTCTG GGCTTTTNTC 240
GGTGTTAGAT TCAACACTGC GCTAAAGCGG GGATGTTCCA TTGAATAAAA GAGCAGTGTG 300
GTTTTAAA 308

配列番号：4412

配列の長さ_: 210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05242
配列：
GATCCACCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGACACN CAAACCCAGC 60
CACCAATTTT ACTTTAGGTA AACTTTTATT TTCAAGCTTT TGTTGGTGTT GCAAGTGTAA 120
ATCTGTTTTA TAAAATGTTC TATAAATATA ACCACTATTC CTTGTAAGCT ATTTAAAATA 180
AATTTTAAAG TCTTTCAAGT AAACACCAAA 210

配列番号：4413
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05243
配列：
GATCTGAATT TAGGNACATT TCCTTTTTCT GTGGGAATCA CAAGAGTTTA TCCACTAAAA 60
AAAGATATGT AAAAAAGATA CTTTCCAGCA CATAAATAAA GGCTGGAATT TTACAACCTG 120
ATGTATATAT TAGACAGTTC TAGGATGTTA GTTCCCTNCA TNCCAGAGCT ATGCTTGTGA 180
TACAGCCCCT TTTCTTATAA AGTCAGTTAG ANGGACTTCC TTAACAATGA CTATTATAAT 240
GNCTTNCTTA AAATACAGTT TTGTATTCTG TCAATGCAAA TATAAGACAG GTTGTGCCNT 300
AATCATGTAN CANGNNTATT TTGNAGNTTT ACATATN 337

配列番号：4414
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05244
配列：
GATCAGCTAG CTACCTTCTA CTTTCCATTT TTCAAGTGGA TTGTTCTCTT AATTTGTATA 60
TAACCTGTTG TCTAAATTTT ATGTACAGTC TTTTATAATA AACCATTCTC CTATATGAAA 120

配列番号：4415
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05245
配列：
GATCTGGCTC ATCCATCTGC ACACTGACCA CGCTAAGAGC TGTCTGCAGT GATGGAAACC 60
TTCTCTAGCT GTGCTGTCCT CTATAGTGGC ACCAGCTGCC TGTGGCTACT GAGCACTTCA 120
ACTGTGGCTG CAGAGACTAT GTTAAATTGT ATTTAATCAT AATTAATTTA ATTGTAAACA 180
ACAAA 185

配列番号：4416
配列の長さ：58

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5246
配列：
GATCTTAAAA TTCGTTTGCC TTTTTAAAGC TATATTAAAA ANGTATTGTT GAATCAAA 58

配列番号：4417
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5247
配列：
GATCCACAAG ATTNAGAAAA TATTATATAG TTAGATAATA ACATTCTTGT CTACTGATAT 60
CCNANCTNGT TACAAAATTN TTTAAAACTT AAATAAAAAC ATGCATCTN 109

配列番号：4418
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5248
配列：
GATCCCTCTA CAGAGCTTCC CTGACTCATT CTGAAGGAGC CCCATTCCTG GGAAATATTC 60
CCTAGAAACT TCCAAATCCC CTAAGCAGAC CACTGATAAA ACCATGTAGA AAATTTGTNA 120
TTTTGCAACC TCGCTGGACT CTCAGTCTCT GAGCAGTGAA TGATTCAGTG TTAAATGTGA 180
TGAATACTGT ATTTNGTATT GTTTCAATTG CATCTCCCAG ATAATGTGAA AATGGTCCAG 240
GAGAAGGCCA ATTCCTATAC GCAGCGTGCT TTAAAAAATA AATAAGANAC AACTCTTTGA 300
GAAACANCAA TTTCTACTTT GAAGTCATAC CAATGAAAAN ATGTATATGC ACTTATAATT 360
TTN 363

配列番号：4419
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5249
配列：
GATCACATTC AGGATAAGTG TACAGAAGAA AATACGGGTG TTTACTCTTT AGGGAACTGG 60
AAACACTCCC TGCATTGATG TACATTTTAA GAATGGCACT TTTGATACAT GTTATCATAA 120
AGGTGCTTAA TAGAGCTGAA TTAAAGTTTT TCAAATCTGT AAACANNGCA AAAANGTAAA 180
TTGTAGTCAT TTGATTATTT TTTAAATNGG NGCTTTATAT TTNGTNCTCA CTCAGAGTAA 240
AAGCTGCAAT TTATTGTNCA CCCAAA 266

配列番号：4420
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名_: HUMGSO5251
配列：
GATCAAAGCA ATTTACAGAT TCAATGCTAT TCCTGTCAAA CCACCTATGA CATTCTTCAC 60
AGAACTAGAA GAATAAACTA TTAAAAGTTC GTATAAAGTT TAAA 104

配列番号：4421
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5252
配列：
GATCTCAACA GTGTGGGGTG AACAAGAAGA CTGTATCTTC AGCCTTTTTC CTATAATCAT 60
GGATGATTTG GTCTTATTCA AAAGGACCGC ACATATTAGT ACTCTTAAGA GCATCTTCCA 120
AGACTCCAGC AGNGAGCATT TAGAGAGTGT GTTGTCTTCC AGAGTCATGA ATGATTTTGT 180
TTAGCTATCA GGTCTACTAC CTCTAAGGAC ATTTCATAGC AGCATCTCTT GAGTTGCCTG 240
CATCAGTGTG GTGGTN 256

配列番号：4422
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5253
配列：
GATCTGAATA TAATTCTGGT AAACAGCTGT CTTCATTTTT NTCCTCTAAA GAACTTAATT 60
CATTTGTTAC ATAAAATATA AGGAAATCTT TGTACTATTT TACAGTAACC ACAATCTAAA 120
TATTTACATA TACCCAAAAT TANCTTATGC TCATATATTA GGATGTGAGA NTATCATCTG 180
TTTATGGACA CATGAAACCT CCTAATGACC TGGAATTGTT AGANTATNTG ACTTTTTATA 240
TGCAAAGTTT TTCGN 255

配列番号：4423
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5254
配列：
GATCCCCGGT GGTTTTGTGC TCAAAATAAA AACTGATTAA ACCTTTGTGG CTGTGAAA 58

配列番号：4424
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5255
配列：
GATCCTTTTC TTCTCTTATA AATCATCCTC TTAATGAAAA TTAGCCTAAC AAAAGTTTGG 60
AGACTGGAAT CCTACTTTGA GCCACTGACT TGAAATAACT CTTTTGGCAA GTTGCCTGAC 120

ATCCTGTCTT ACCAAGGTGG CAGGTTTGCA TTTTTACTGC TTAAAACATT TTTNTTTTTT 180
TAACCATCTT NANCCAAATT NATCATATNN GNGGTNGGCC TANCAGGNTT TTNN 234

配列番号：4425
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05259
配列：
GATCCACCTG CCTCAGCCTC CCAAANTGCA NGGTATTACA GNCANGAGNT TCTGCGTCTG 60
GCAATAATGT AACTTTGAAG CTTAAAAATT AATCCCAGTT TGTAGCAATA ACAGAAGACT 120
ATCTACAACG GAAGAAAGAA GCAACTGCCT TACAGTTCTG TAAAGANTTG GCAAGAAAAT 180
AAAGCCTATA GTTGCCGAAA 200

配列番号：4426
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05260
配列：
GATCTAGTCA TCTTCTGTAG CTACATAGTA CTCCTAATGT TAAGATTACC AAATTCAGCA 60
ATAAAGCCAA AATCAAAACT GAAA 84

配列番号：4427
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05262
配列：
GATCATAAAC CAGTGNNATC AGACCTATGT GTAATAAGAC TCCTGTTAAT ACAAAAATAA 60
AAAGCTAAAA GCAAA 75

配列番号：4428
配列の長さ：424
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05263
配列：
GATCTCAAAC TTGTCTTAAA TCAACAACCT TCTACTCATG TTAATGTCTT GATTAAATAT 60
CACAATGCAA AATACACATT AAGTAAAAGA ATTCCAGCTG GTAAACATGA CCTGGACATT 120
TGTAAGAATA TATTTAATAT ATGTNCACCC ATTATGTTTT TAGGTAACAG GNGGNNAAAT 180
GCANCNCAAT TTTTTTTCTC TTGAAAGGCA CTGTCATTTA ANCATAAACC TGGAGTACTC 240
GAAATAGAAT TCAGGTTTAC ANGATGAAAG CGTGTGGAGA AGTGTCAGAT GGCAGTGGNA 300
GCATGTGTGT TTCTAAAANG TAAAANTCTC AAGGAAACCA NGANATGGCA TGCTTTTACC 360
CATCTTNCCT TAGTGAAAAG NGTGCTTCAG GTTTGANATT GTTTTAAGAA AGNTAGCCGG 420

GNTN 424

配列番号：4429
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05264
配列：
GATCTGCTCC CTCTCGCTCT CTCACTCCAC TACTTTTTGG AACAAAGTGA TGGCAGAATG 60
CGGTGGTGGT GGGGGTCTTT TGTACTGTTG GATTAATAAA ATGATTTNAA ATTNCNNNTA 120
AA 122

配列番号：4430
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05266
配列：
GATCAGTATA ATTTTTNAAA GTTACTTTGT NAGAGGCACA AAAGGGTTTA AACTGNTTCA 60
TAATAAATAT CTGTACTTCT TCAAA 85

配列番号：4431
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05267
配列：
GATCACGTAG ACATGTAACC CAGCAGCAGT TTGCTTCTGT TGTCCACTGA TTAATCAGCC 60
TATGTGCCTG ACACTGGTCT TGCAGTACAA CTGNAAGCCA AAACAAGGTG GAAGATGTCC 120
TGAATTAAGA TGTTTTCACC ACATTGTATT ACAGAGACAG CCAATAAATC TACTATTTGA 180
TTTCAAA 187

配列番号：4432
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05269
配列：
GATCTTTTAT TTNTGAAACA CTCAAACACC TTACAAAGTG CTGAGTAGGT AATAGTGACC 60
CAACTTGTTT GCTAAATGAT TATTTGTTTA AATCTGTACA GTTTTAAGTG TTCACTTATA 120
CAAAGAGTGT ATATACTTTC AAATAATTNA AAATGCTTTA NATTATNNGG CTAGAAATTG 180
CNGTTTTNAA TAAATGTGAA TNTNTNAAAA N 211

配列番号：4433
配列の長さ：62

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05270
配列：
GATCTGTTGT TAGGATTCTA GTTAACACTT TTNTTTTTAA AAACTAAGGA CAAATGAACA 60
AA 62

配列番号：4434
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05271
配列：
GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCTCCCCATC CCAAGTCATC CAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
ATGAAACCCC AATAAATATC CTCATTGACA ACCAGAAA 98

配列番号：4435
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05272
配列：
GATCGTATCC CGCTGACACA GAAGGNTGCC GGGTGGGGGG AGGGCACCCA TGAAATTCAA 60
AGAAAACCCT AAGTGTGGAT GTTCAGAATT TTGGAAAAAT GTCACTGAAG TGATTGAAAG 120
AGTGCCTGGC ATGCAAGGNT AAGAGGTTCT TTACATAACA TTTCCTAAAT GCTTAATAAA 180
CGTTTGTTGC ACTTGGTTTT GACATTGCCA ATGGGGTTTG AACCAGTGCT CTCTCTAAA 239

配列番号：4436
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05273
配列：
GATCTGCAAT GACTGGAACT TGCCGGTGCC TGGGGTGCCT TTCCCCCAGC CAGGGTCCAA 60
AGAAGCTTGG CTGGGGCAGA AATAAACCAT ATTGGTCGGA AA 102

配列番号：4437
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05274
配列：
GATCTTCTTT TGGGAGGATT TGATGTAAGT NACTGACAAG CCTCAGCAAA CCCAAAGATG 60
TTAACAGTAT TTTAAGAAGT TGCTGCAGAT TCCTTTGGCC ACTGTATTTG TTAATTNCTT 120
GCAATTTGAA GGTACGAGTA GAGGTTTAAA GAAAANTCAG TTTTTGTNCT TAAAANTGCA 180

TTTAAGTTGT AAACGTCTTT TTAAGCCTTT GANGTGCCTC TGATTCTATG TAACTNGTTG 240
CAGACTGGTG TTAATGAGTA TATGTNACAG TTTAAAANAA AAGTTGGTAT TTTATANGCA 300
CAGTCAATNC TNATGGTAAC TTTTGGTNGT CTN 333

配列番号：4438
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05275
配列：
GATCAATGTT TCAGCCCTAG ACTGCCCAAG GAGTATTATT AATTATTAAT AAATGAATTC 60
TGTGCTTTTA AA 72

配列番号：4439
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05276
配列：
GATCAGATTA TTTTACTACC AACAGTTATA GTTTGAAAGT CCAACTGTAT TAATTGACTG 60
ATAATATGAT AATATAGAGA TTAAATTGTT TGTNTTCAAA 100

配列番号：4440
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05278
配列：
GATCACAAAG AGCAAACAAA TGTCAATATC TCTTATGAAT GGTGAAAAAA AGGAATTAAT 60
CGATGCAAAT AAACTTTTCA CAGTATTACT TTTAAA 96

配列番号：4441
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05279
配列：
GATCTAGCAA GCCATGGCGA CAGGTAGCAT TTNTAAGATG NTGNACAGGA GCAGNATTAT 60
CCCCAAAGAT ATTACAGGGT AGACACGTTT TAACTAAAAT CAATCAAGNT AACTTN 116

配列番号：4442
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05280

配列：
GATCTGACAT ATATCACCTT CTGGGNTATT TACTCATTGT GCCAGGACCT GGCATTTTCA 60
TGTGCCTTTG ACCAAGTGTT CAGAATTTGC TTGNCTCTAA CCTGGAGAGC TTCTTAAGTG 120
ATGCCCCTTC ATGGAGCTTC TATGACAGTG AATAAACTAT TAATTGAAGG AAAATGTTAT 180
AATTAANGTA TCTATTTGCT GCATTGTATA TGGATTAANT GNTAAAAAAC AAGTAATCTA 240
CCCTCAGAGC CATGTATTTG AGAATGCTTT CAATCATATT TNCCTATGNA CTTTTTTTTT 300
ATAAACTTAG TTTTANGCCT ATGTTGTAAA ANTGGGAAGG TTNGTAAACN TATGTTTGGN 360
AAAANTAGGG GAAATGTNGG CTTAAANTTN TTTTNCANTT ATNTTNGTTT N 411

配列番号：4443
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05281
配列：
GATCTATCTG GGGGTCCTAG TGTACCACAA GCTGAACCTG AAGATTTGGA AAAATGTTTC 60
TAATTAAATA AAACAGAGCA AAAAGACAAA 90

配列番号：4444
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05282
配列：
GATCTACATT TAAGTGGAAA AATTAGCAGT ATTTGAAAGC TCAGTTTNAA TCATTGTCTT 60
AACTTCAGAT ACAAATAACT GAACAGAAAG TTTTAACCTT TAATATCTCA TGTNCTGTTT 120
NTTATTCAGT ATTTTCCTNT ATGTTAATTC AATTATATAC TTCTGAATGG CACCTTACTT 180
TTTGGAAACA AATCTTCTGT TATTTACAAA ATAATAATTT TTANAAAACA TTTAAAAAAA 240
ATCCAAAGCT GCTCTCGATA ATAGTCAACA TTTGCATATA TATGGAATTT CTTACTTTNT 300
TTCTCCCAAA CTCTATTTAA TAAACTNATT TTAATGGTTA AA 342

配列番号：4445
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05283
配列：
GATCACAAAA ATGTATTTTA TAAAATGTTC TGTACAATAA AGTTACACCT CAAAGTGTAA 60
A 61

配列番号：4446
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05284

配列：
GATCATTATC AGTAATTTCA TAGCAACTGT TCTAGNGTTT TGNGTTTTTA AAACAGAATT 60
AGGAATTTGA GATATCTGAT TATATTTTTC ATATGAATCA CAGCTGTTGA CAATGTCCCA 120
TATATTTAAG AAATTATATC ATACTGATAC TATTTGTAAC ATTTTGATTT GATTTAATCT 180
CCAGGGACAG AAATAATTCA TTGGTAAAGN GTAATAATGC GTTTTTTAAA AATGCTTTGA 240
GAGGTAATTA CTTGCATATG AGAGAAATAA AACATTTGGC ACATTGTTTA CAGGTGTGAA 300
A 301

配列番号：4447
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05285
配列：
GATCAGACCG AGAAGCAGGG TGAGAGATTC TAACGACTGG ATGCTGCTAG TAACACATTG 60
TTTGTATTGC TTTACCATTT TTAACTGTTA GATTTGAGAT GAACATACAT TTTGCTTTTT 120
TAATAAATGT TTAAAAGAAG TCCACATAAG AAA 153

配列番号：4448
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05286
配列：
GATCACTACA GTGAAGTATT ACAGTTGTAC AGTTCCCAGT CTGGCCTTGG CTTGCTCGGA 60
TAAAACTTTG TATGTATTTT GTATGGCATA GATTCTATAT TGTAATGATG TCCTATGCAA 120
AAAGAAAAAT TAACGAAATT GTAAATTTTA TTGTTTTAAC GTGTATGCAT GTTTAGTGAC 180
GTTTACATTT TGAAATAAAA TTTATGATTC ATTAAA 216

配列番号：4449
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05287
配列：
GATCTGGAAA CGTTTTGTAC CGATTATCCA CAGCAAAACA AAAATAAGCT TTTATTTTAT 60
TAATAATTTC GTTCCTCTTG TGCCCAATCA AATCTTTTAG GAACAAACTG CAAGAAAAGC 120
TAAGAATGTT TTAGAGTGAA CTAAATACAG ACATTGCTTA CTTGTTTTGA AA 172

配列番号：4450
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05288
配列：

GATCTCCCTG TGGCAGCAGG CATGGAGAGT CAGGGCTGCC TTCATGGCAG TAGGCTCTAA 60
GTGGGTGACT GGCCACAGGC CGAGAAAAGG GTACAGCCTC TAGGTGGGGT TCCCAAAGAC 120
GCCTTCAGGC TGGACTGAGC TGCTCTCCCA CAGGGTTTCT GTGCAGCTGG ATTTTCTCTG 180
TTGCATACAT GCCTGGCATC TGTCTCCCCT TGTTCCTGAG TGGCCCCACA TGGGGCTCTG 240
AGCAGGCTGT ATCTGGATTC TGGCAATAAA AGTACTCTGG ATGCTGAAA 289

配列番号：4451
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05289
配列：
GATCTCTTAA AAATACCACA GTTTGTATTT TTCCTTTAAG GAGTAAAGAT TTGCCTTTAA 60
ATAACTTGGT ATTTTCCTGG CTTTCGTTTA ATACAATAGA AAATAAAGTA TTACACCGAA 120
A 121

配列番号：4452
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05290
配列：
GATCAATGTG ACGGCAGGGA AATGTATGTG TGTCTATTTT GTAACTGTAA AGATGAATGT 60
CAGTTGTTAT TTATTGAAAT GATTTCACAG TGTGTGGTCA ACATTTCTCA TGTTGAAGCT 120
TTAAGAACTA AAATGTTCTA AATATCCCTT GGACATTTTA TGTCTTTCTT GTAAGGCATA 180
CTGCCTTGTT TAATGTTAAT TATGCAGTGT TTCCCTCTGT GTTAGAGCAG AGAGGTTTCG 240
ATATTTATTG ATGTTTTCAC AAAGAACAGG AAAATAAAAT ATTTAAAAAT AAA 293

配列番号：4453
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05291
配列：
GATCTAGGTC CTTCTATCTC GTCCCTCTAC AGATGTATTT TCCACTTGCA TAATTCATGC 60
CAACACTGGT TTTCTTAGGT TTCTCCATTT TCACCTCTAG TGATGGCCCT ACTCATATCT 120
TCTCTAATTT GGTCCTGATA CTTGTTTCTT TTCACGTTTT CCCATTTCCC TGTGGCTCAC 180
TGTCTTACAA TCACTGCTGT GGAATCATGA TACCACTTTT AGCTCTTTGC ATCTTCCTTC 240
AGTGTATTTT TGTTTTTCAA GAGGAAGTAG ATTTTAACTG GACAACTTTG AGTACTGACA 300
TCATTGATAA ATAAACTGGC TTGTGGTTTC AATAAA 336

配列番号：4454
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5292
配列：
GATCTGCTGC AACCATTATC TTNGTTCTTG AGTTCATCAT GCATTTAAAA TGAGATGCAA 60
GAGCATTTAG CATACCATGT AAATATGGAC CTTTTAAAAT TAAAATACTA TTGGAAGTGC 120
TTTCAACTCA GCCACATCTT AGCTATTAGT TCTTTGTGTT GTCTTATCAA AGTTTAATGG 180
ATACAGTTCC ACAGTTGTTG ATGTGTTTGT GTGTATATTC GATTNNNNNA AAGATGGTAG 240
TAAGTCAATA AA 252

配列番号：4455
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5293
配列：
GATCATACCA CTCCACTCCA GCCTGGGCAA CACAGCGAGA CTCCATGCTC CCCCAAA 57

配列番号：4456
配列の長さ：564
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5294
配列：
GATCAGGCTC TCCTCATGCT GTTTAGTGAT GGCACTGTCC AGGTGAACTN CTACGGGGAC 60
CACACCAAGC TGATTCTCAG TGGCTGGGAG CCCCTCCTTG TGACTTTTGT GGCCCGAAAT 120
CGTAGTGCTT GTACTTACCT CGCTTCCCAC CTTCGGCAGC TGGGCTGCTC TCCAGACCTG 180
CGGCAGCGAC TCCGCTATGC TCTGCGCCTG CTCCGGGACC GCAGCCCAGC CTAGGACCCA 240
AGCCCTGAGG CCTGAGGCCT GTGCCTGTNA GGCTCTGGCC CTTGCCTTTG TGGCCTTCCC 300
CNTTCCTTTG GTGCCTNACT GGGGGCTTTG GGCCGAATCC CCCAGGGAAT CAAGGGACCA 360
GCTTTACTNG AGTTTGGGGN CGGGNTTGTT TTCGNTGGNT TCCTACCCCA TNTCCAAGAT 420
AAGCCTTNAG CNTTAANTCC CANGNTAGGG GGCGTTATTT NATGGACCAA TTTTTAATTT 480
ATTNTAAGAA ANTTTNTTTA NTTGGGGATT TTAAGCCCAA AGGGGGGCCC TCNTCCTNAG 540
GTNANAAAAN AATTTTTTAA GAAA 564

配列番号：4457
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5295
配列：
GATCTTTATT TTTGATTAAT TTGTTCTGAT TTTTTGGTTT GTTTTTTAAG GAACTGTAAT 60
GAACAAATGT CAGGATATCC AATGCCAAAT AAAGATGTTG TATTTATTTA AA 112

配列番号：4458
配列の長さ：152
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05296
配列：
GATCACACCC NGGTGAACCC ANGGTGCTAA GANTGAAAAT AACCTTGGTG AAATGTACAA 60
NTTAAAGACA AAGAACTACA TGTGAAGATA GACTTGCTTT CTATTTTNAA ATCAGTAGTA 120
GTACTGTTGC TGAATAATAC TAGGTTTTNN CN 152

配列番号：4459
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05297
配列：
GATCTGGTGC TGCTTTCAGA TGTTTATCTT TTATTTTTTT CCCTTAAGCT TTAATCTTCG 60
TCATTGTCTT AAAGTCAACT GGTGTTTCTT GTTCATTGAC TTTGGTACGA TGGTGCTTTG 120
CAAGGATGTA TTTATGTTAT AATGGCCAAC ATTTGGTCAG CCCTTGTCCA CTTATTCACT 180
TCCCTCCNTT TGTAAAATAA GTGCTTTAAT TATAAACTGT ATAAAAATAC CTTGTATAAA 240
CCCCTTTTTT GATTATTACA ATAAATAAGC TGAATTGTAA CAAATGAAAT TTGATTTTTG 300
TAATAAAACA GTGGAAAAGT AAA 323

配列番号：4460
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05298
配列：
GATCCTTTTT AGTTAATACT ATGACAGTAC TAAAAATATA TGAATAACAT TTCAGATACC 60
ATTATATTAA AATATTTGTG TATGTGTACA AAAGCGTTGA TAAATACTAA TCTTTAAAGT 120
TTGTGGAGTT CCTTTATTTG TAATATATGT GCTCTTAAAA GCAATGGGAT GTGAAATTAT 180
GAAAGTATTT TATTGTTCAT AGAAATAAAA AACACAGTTA CTTTGCAAA 229

配列番号：4461
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05300
配列：
GATCTGGACC TAATGAATTC CTCAGAAAAT TCCCATGAGT CAGCTGATTT CAGTGCTGCT 60
GAACTAATTN CTGTGTCTAA ATTTCTTCCT ATTTCTGGAA TGGAAAAGGA GGNCATTCTG 120
AGCCACACTG NNNNN 135

配列番号：4462
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05301
配列：
GATCTGGGTA AAGGACCATC TGGGGATTCT TTGTACTATT TTTCTTTCCG CAACTTTTCA 60
AGTTTCAAAC TATTTGCAAA TAAAGAGTTT TTGTTTGTTA AA 102

配列番号：4463
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05302
配列：
GATCACATGG CTAAGGTGGT GTGTGCCAGG TTTCTCCACT GTAAAATTAG GAATTTTCCC 60
TTTGAAATTA ACAAGAATCT TCCACTTTGA AGCTGTGTGA ATGTCTTATT CTTAAAATTT 120
TGCCTACTGA TTTTNANNNN CATCATCAAT GATTCTTGCT TATAACAGGT ATTAATGTTA 180
TGCTTGAAA 189

配列番号：4464
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05303
配列：
GATCATGTTA ATTTAAAGCT TTATACACAT TGTTGTTTTT GCTGGTCTCA TCTTTGGTAA 60
TATGCTATAC CCCACTGCTG CCCGACACTG CCCTNTAGCT GCAGAGCTGG ATTAGCTGTT 120
GACCATTTGA TGCTGTTGTC TGTCTGGCAG GGACTGAATG ACCTGATGTC AGATTTAGAT 180
TCTTCCTGGG GATTACACAG CTATGAATGT ATTTGCTTCT AAAACCTCCC AAAGTGAATC 240
TAATCTTAAA ACTACAAGTT GTAAGTATTC TGAAATTGGG AAACATTTAT NTNAAATGCA 300
ATCAGGNNAG TGTTGCTTTT TACAGCATAA TNAATATANG TNTCAANNAN NGTGGANGGT 360
NGTN 364

配列番号：4465
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05304
配列：
GATCACTTGA TGTCAGGGAG TTTGAGACCA GCCTGGCCAA CATGGTGAAC CCCATCTCTA 60
CTAAAAATAC GAAAATTAGC TGGGTGTTGT GGTAGGCACC TGTAATCTCA GTTACCTAGG 120
AAACTGAGGC AGGAGAATCA CTTGAACCTG GGAGTTGGAG GTTGCAGTGA GCCAAGATTG 180
TGCCACTGCA GTCCAGCCTG GGTGATGAAA CAAGACTCTT TGTCTCAAA 229

配列番号：4466
配列の長さ：496
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05305
配列：
GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTN TTNCTTATAG GCTTTATGCT CAAATGTCAT 120
AGTCTCCTTT CAAAGAATTG TGTTGCATTT TAAATGCACC CAGCTTAAGT AGAAGACATT 180
GAAGGATGCA TTAATTTTCA GGAACTATTT TGGATTATGA AAAGATTCCC AATTGAAAAA 240
ATTATTCAAC AAGTAAAAGC TAAGAAATTN CATTGAAATC ATAATGGCAG TTTAAGCATA 300
AATTTGATAA ANAATAGCTG TGTACTACTA AATTAATTAG GAAAATTCNA TTCCAANCCC 360
AAGNNGAAGG AGTCCANGGT GGAAATATCC GGTTTGGTTT TATTTTGNNC TTAGGNTGAN 420
GTTTTCCTTT GGTNAACCGN TTGNNTTTTT TATTTAANAT NGNTTAATTA TTTTTNGGTT 480
AANGNTATGC CCCNTN 496

配列番号：4467
配列の長さ：415
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05306
配列：
GATCTTGGGA GATATTAATA TCTGCTGGCC AGACCTAAAA AAAACTGAAG GCCCAAGGAA 60
AGTGACTGGA CTCACTGGAA AGTNTCTAAC AAATACTTTG GATTCCAAAG TATTTCCAAT 120
ACCTTGAAGA TTCCTTTGAA AACATCAAAG CACAAACTCA AATCTGCACA AGATTACAAA 180
AGCACAATTT TGGTGTTATT TTTAGANTNC AATACACAAA GCTATTGTTC ATTTCTNTCA 240
GCAAGCATTT TCCTGGGTAG TAGTAATAGC TTAGGAATCA AATGCCACTT TTNTTTTTCC 300
TTTTTTCCAC TAGTTTGAAA TACCACAANT NACAGGTNAG TCAGTCCTCC CAGAGGNNAA 360
NGGNCAGTCC TAGGGNGGNA TCAACAGGNC TNGCAAGNCA AGNCCCACAA NTTNN 415

配列番号：4468
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05307
配列：
GATCGCAAAT TGAAATATGG ATATTTGTAC CAGGCTGCGT GTTTTTCATT TTAAACACAC 60
AAGATTTAAT TGAAAGGACA TCAATAATCA TAATTGTGTA TTTAACAGGT GGTTTTNTAT 120
TAGTTTTCTN GTGTTTCAGA CTTTATGCAG CCATATAAAC TGTTCTCTAG GCATGCTGTG 180
ACATTTTAAT AAAAAGCAAA AGGAGCAAA 209

配列番号：4469
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05308
配列：
GATCGCACCT TTTATACCAG AGACCTGAGG CAGATGAAAT TNATTTCCAT CTAGGACTAG 60
AAAAACTTGG GTCTCTTACC GCGAGACTGA GAGGCAGAAG TCAGCCCGAA TGCCTGTNAG 120

TTTCATGGAG GGGAAACGCA AAACCTGCAG TTCCTGAGTA CTTTCTACAG GCCCGGCCCA 180
GCCTAGGCCC GGGGTGGCCA CACCACAGCA AGCCGGCCCC CNCTCTTTTG GCCTTGTGGA 240
TAAGGGAGAG TTGACCGTTT TCATCCTGGC CTCCTTTTGC TGTTTGGATG TTTCCACGGG 300
TCTNACTTAT ACCAAAGGGA AAACTCTTCA TTAAAGNCCG TATTTCTTCT AAA 353

配列番号：4470
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05309
配列：
GATCCTCTAA CACTGTACTA AAACATTTCA ATAAAATCAT TCTGACTGCG TTCATAAAAA 60
CAAA 64

配列番号：4471
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05310
配列：
GATCTATTAC TGACCGTATG ATGAGGCCAA CTTTTTTNCC TTGTGGTTAG CAAGACTGCA 60
AGAGATGGAA AAAAAGTAGT TTGAATGTTT TGTGTGTAAG GAGTATACCA TGAGATGAGA 120
TGACCACCAA TCATTTCCTT GGGGGGAGGG GGTGTCTGCA CCNTAGAAA 169

配列番号：4472
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05311
配列：
GATCACTTGA ACCCAGGAGT TTAAGTCCAG TCTGAGCAAG GCAGTGAGAC CCTGTCTCTA 60
AACAATAAAA ATTAAAATAA GTATTATCGA GAGTTCCTGG AGGGGTGAAA TTAAAGACTT 120
TCAAAACTTA AA 132

配列番号：4473
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05312
配列：
GATCACCAGG CTGCCCAAGG GTGCTGTGCT CTACAAGACT TTTGTCCACG NGGNTCCTGC 60
CAAGCCTGAG GGCACCCGTC AAACTGGTAG CTATGCTTNG ATGTCCTGTT GAGGCCATCG 120
GACAGAGACT GGAGCCCANG TGACAGGAGA TGGTGATACC AGAAGTCAAG GGTTGGGGTG 180
GCGACACGGC CTCCCGAGGA AGAGGTCTGC TTGATGGTGA CTCTGCAGGA GACTCTGAAG 240
TGACTGCTGG GAAACCCTTT GGGAGACCTN ACCTGNGGCC AAAANTAAAG TNNGCCAGCN 300

TCATGAACCG CATNCTATTT AAGGGAAA 328

配列番号：4474
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5313
配列：
GATCTGGACA TGCTGTNACA AGAAATAGTG ACCTTGGGGA ATATGTACAG AAAAGACCTT 60
TTTCTAAGAG TTGGGAGGGG GTGGGGGACT GTATAATGAA AAGAATTAGC TTACAAAAAA 120
GAAATTGATA TTCAAAGTAT TTTAGGCAAA GCCAGTCAAA ATGCTTTCAT GATATTTTGA 180
GATGTAAATT TTGTCTGATT TGTATTGTNC TTTTCATTTG CCTTCTTAAC TTTATATGTG 240
ACCTGAATTT TCCATAACTT GATGACTATA GATTGCACCT AGGCATTCCA ATAAAAGCCA 300
ACCCAAA 307

配列番号：4475
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5314
配列：
GATCGTAAAA ACATGTCTTA TGCGGAACTT TCATGTCAGA TGCCTGGAGT GTGAAGTGTT 60
CATTGGACAT TCCATTTTAC TGTTCGAAGT ATGGACTTAC ATATCAAATT AAAAGGCTCT 120
TTTGTTCTGC AAA 133

配列番号：4476
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5315
配列：
GATCAACTGT CCTTAACCAC AGCAGCATGA TACGCTGGNT TACCCAATCG CTTGTAAGGN 60
AAGNCAGAGA TGACGTTATC CTGACTGCTG AGATGAGCAG TTTACCCTAG GAGGNCCNAT 120
TNGGACTATN 130

配列番号：4477
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5316
配列：
GATCAGCCAC ACAACTGTTT TGTACATACT TATTTTCTCA TGCACTTTTC TGTATGCAAA 60
TAAAGCTATA AATTTACTCA TTTCAATAAA CTGGAGTGGC AGAAA 105

配列番号：4478

配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05318
配列：
GATCTGGGAC AGANTTCACT CTCACCATCA GCAGTCTGCA ACCTGAAGAN TTTNCAACTN 60
ANTACTGTCA ACAGAGTTAC AGTGCCCCGT GGACGCTCGG CCCAGGGACG AAGGTTGGAC 120
GTCAAACGAA CTGTGGCTGC ACCNTCTNTT TTCATCTTN 159

配列番号：4479
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05319
配列：
GATCTGAAAA GAAGGTGAAT ATTTTGCACT TTTGATACTC TTAGGAACAA ATAACTTATT 60
TGGCAAATTG TTTNTTTTTT ATGTTTTGGG TGTTGTTTTT GTTTTTTGAC TTTTTTTGTA 120
TTGTGAACAG GCACTGAAGC TGATGTTATT TTAAGATTAC AGAATGGAAA 170

配列番号：4480
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05320
配列：
GATCATGTAA AATTACAGTA CTCAACCCTT CTAGCAAAGT ATTTGGNTGA AAAATAAACT 60
AAATGCCTTT AAA 73

配列番号：4481
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05321
配列：
GATCCGCAGA GGGTGGTTGG GATACACCGG ATACCTCTGC TCTCATTGCT TGTTTCCAAA 60
TGCTCTATGG ACATTTGTGT GCTAAATCCT ATTAAATAAA AAAGACGGGT TAAAACCCAG 120
ATGCTGTAAA 130

配列番号：4482
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05322
配列：
GATCAAATTG AGAGACAATA AGTGTACATT GTTGAATAAA AAATTTTAAA GTTAAA 56

配列番号：4483
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05323
配列：
GATCTTGAGA GTATGTTCTT ACTCATTTCT GTAATTGCAG TAGTGTAGTC ATCTGCATAT 60
AGTTTTAATA AATGCATGTT AAAATTTAAA 90

配列番号：4484
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05325
配列：
GATCACGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGGGA CAAGAGTGAA TCTGTGTCTC ACCAGAAA 58

配列番号：4485
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05326
配列：
GATCTGGTGA CTGTNCTCTC CCTGTTTTCC TTTCTTTTTG GGTGTTTGAG GAGCANNGCT 60
TAGCTTGAGA CACACACAGA CACTGTGTAC TTCAGTNAAG GGCTTAATAN ACAGN 115

配列番号：4486
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05327
配列：
GATCATTTCT ATGTGTGTGG GTAATCTGGT CAGTAAGATT GAGACTTAGT TAAGATTCCC 60
CTTGGAAATT CCTTAATGTT TATTAGCTTC TAACTAGTGT TGTAAGTCCG ATGCCAGAAT 120
TTGGAGATTT GAGTTCTTCT TTTCATGGCT TTTATTCACT GTGACTAATA AGCTTCCTAA 180
TAAATCCTTG CCAGACTTAA A 201

配列番号：4487
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05328
配列：
GATCTAGTTC GTGTATAACT GTTAACTCAT TTTACATTTT TTNCTTCGTT GAATGTTTAT 60

CAGATTATAA ATATAGAGGC ATTTCTNCAT CCTGTTTAAT GTTTATTTTG TAATCATTGG 120
AGTATGTGAA AAATTTTNGT TTGTTTTGCT TTGGTCTCTA AGTAAACATG TTCAGCAAAG 180
TATTTNTNTT TTNAAGAAAT AAATNGNGNT TTGTATGTCC TNCCTTTTAG GTTTGAGGCA 240
AAGAGGAGAT GGGAANCCAA AGGCAACANG GGNN 274

配列番号：4488
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05329
配列：
GATCTNTGCC ATGCAGAGCA TCTTCCAGAA GACCAGGACT CTGGGAGGCG AGGAGAGCTG 60
AGCTGGGCCA CCTGGTCTCA GCCACCTGTT CTTGGCTCCC CAACAGACTC TGCACTGCAC 120
CATGGGAGGC TCCTGGGATG TTTGGAAGAA GAAACGGGCT TCTCCTTGAG GGGGTAGTGG 180
AGGGATTTTT TCCCCAGCAG TGGCCTCTGA GAGTNNNTCA GTGCCTGGTG GGGCAGGGCA 240
GGCCTCTTGG AGCACCTCCT CCCTGGNTCA GGGCCTGGAT GCAGGTGCCA AGCTCTCCAT 300
GTGGTGCATG TTNGACCCAG CCACGTGGTG AN 332

配列番号：4489
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05331
配列：
GATCTTAACT ATGAGTAATT CACTATCAAG AGCTAATTAT TTGAAAAAAT ATAAGATGTT 60
ATGGAGCAGA TAGCTCAAGC AGTTAAAAGA AATTNTGCAA CTNTAATTCT NTTCCTTATT 120
TTAATACTAC TACTTAATAA ATAGTATTTG CTAAA 155

配列番号：4490
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05332
配列：
GATCAAATCA GAGATTGACA GCCTGTGGAG GGTGCTGAAC TATACAGAAT TAGACACAAC 60
TATGTCATTA TTTTTTGTAC CTACTGNTCA GAATAAAAAC ACTTGAAATA TGAAA 115

配列番号：4491
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05333
配列：
GATCCCTTCT GTTGGTGTCA TGTTGTAAAC ATTTCTTTCA ATAAACTAAA GAAAAATTAT 60
TAAAGGAACA CATACCTTTG GTTAAATAGT CTAGACTAAA AGATTGAGAA GTTACTTTCC 120

ATTGCTATCT ATTGATAATT TAGACATTGA GTTCAAATTG CCTTCATTTT ATGATAAATA 180
ATGATTTAAC TGACAAA 197

配列番号：4492
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5334
配列：
GATCATTTTT ATTTTGTAAA TATTACCTAA CTTTACATAA ACTATATCAT AATAAACTAT 60
TTTTGCATCA CCCTTTAAA 79

配列番号：4493
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5335
配列：
GATCTCCAAG CTGAAACTTA CACGTTAAAA CTTTTGCCTG TAAGAATTTG CACATGAATG 60
TTAATGGAAA ACACAAAACT TAAGATGGCC CAAAACNAAA GCCACAAACA GTTCATCATT 120
TGGTGCTTAG TCTTTGTAAG GGCTCTCTGT GGTTTGACTT ACTCCAGCTA CCGTTAGATG 180
AGGGCAAATC ACCTTAGAAC ATGTTCATTT GATTCATAAC ANGGAAAATT GGGTCTATGA 240
TTTTTNGCCA ATCTTAGCCT AAAAGAAATT GCTTTAGCTT CTGGTCAGCA CTGATTAAAA 300
TGTGAATAGT GAAGTGGCTA TCCTAAACTG GTTTATCTCC ACCCACACTA TCATAGANTT 360
CTTAGGTAAT ACAATTN 377

配列番号：4494
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5336
配列：
GATCAAACAC ACACACCTAT ACACATACAT ATTAANATGC AGAGGATTTT AAATAATTGC 60
AAATGTCTTG TGGCTGTTTT ATTTCTACAA AATTCTGTAA GATGTATACC AGAAAACATA 120
ATAAAGATAA GCTCAGTTCT TCATTGGGNA AAANTATTTT TAAGNNNNNN 170

配列番号：4495
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5337
配列：
GATCTGTAAT GTGTCAAAGC ATTTTTCACT TTTCAAATAA AGATACCTAT AATGAAA 57

配列番号：4496

配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05339
配列：
GATCAGAATC TNCCAACTTT AGAGGTGCAA TGGAAGACAC TACGCTACTT GGTTGAGCCT 60
GGTGAAGAAT GTATTAATGA GACTNCTTTG CATAAAACTG GGAAGAAAGA GAAGACAGTT 120
GGAGATGGAA GATGGTTTTN TATATATNTN GGAACTTTAG TTCCTCTGTA AGACGAAAGA 180
GGAGAGCTAT GTTTNNTNTC ACATTGTCTG ATATATATNG TGTACCTGTC AGGTGAGTTG 240
ATTTAGACAN CATAGCTGAC CTTTTATGAC ANGGCAGTTT GANTAGGGNC TATTGTAATA 300
CCCTCACACA TTATAGGGGC ATCAGAGNAT GGCCATGGNA GGGACAGTCT TACAGGGGGC 360
TTTANGGNGN CCN 373

配列番号：4497
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05340
配列：
GATCTGAAGA AGTTGCTGTT CTGAAACAGA AGTTGGAGCG ATGTCATTCT GCTGAGCTTG 60
CACTTAACGT AATCACGAAG TAGAGGAAAG GCTATGNAGT TGATGATTAC GTCTCAAAGA 120
AATCCAAACA TGAGGAGGAA GAATGGACTG ATGACGACCT GGTAGAATCT CTCTAACCAT 180
TTGAAGTTGA TTTCTCAATG CTAACTAATC AAGAGAAGTA GGAAGCATAT CAAACGTTTA 240
ACTTTATTTA ANANGTATAA TGTGAAAACA TAAAATATAT TANNCCTTTN CTATTGTTTT 300
CTTTCCCTTT CACAGTAACT TTATGTNAAA TAACCATCTT TCAAAAGGGC TANAANNNAN 360
ANANNTNN 368

配列番号：4498
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05341
配列：
GATCACATCA CCTCTCTGCC TCAGTTTCCC CATCTGTAAA ATGGGAGAAT AATACTTGCC 60
TACCTACCTC ACAGGGGTGT TGTGAGGATT CATTTGTAAT TTTTTTTTTT TTTTTTAANA 120
GNGTTTTAAN GNNTAAAAAN CAGTNAAATN 150

配列番号：4499
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05342
配列：
GATCTCCATC ATTTCTTACA GGTTTTCCTC CCTCAAGCAA TTCGACATCT CAAGTGAAGA 60
CATGGCCCCT GAAGGGCAAT AAAGCTGCTA GTTTATTAAT ACAGTCAAA 109

配列番号：4500
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05343
配列：
GATCTACAGG NCAAAGGGAG GGAGCAAGCC CTACTCGGAT GGGGCACGGA CTGTCCACCT 60
TTNCTAATGT GTGTTGTCAG CCTGTGCTGT GGCATAGACA TGGATGNGNG GACCACTTTG 120
GAGACTGGGG TGGCCTCAAG AGCACACAGA GAAGGGAAGA TGGGGCCATC ACAGGATGCC 180
AGCCCCTGCC TGGNTTGGGG GCACTCAGCC ACGACCAGCC CCTTCCTGGG TATTTATTCT 240
CTATTTATTG GGNNNNGNTG AAGAGGCATC CTGCCTGGNT GGGNCAGCCC CTTCAGCCCC 300
TTNTNCCCTN CCCGN 315

配列番号：4501
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05344
配列：
GATCAGACTG TTGCTTTCGC ATGNTGTATG TAGTGTCTCA TGNCTGGAGT TTGCTTTGTT 60
TTATAGTATC TGTACTCCTT GTATTTTTCA AGAGCTATTT TGTAAACAGA TGATGTATTT 120
CTCCATTGAA AACACAATAA AAAAAAANCA GCACAAA 157

配列番号：4502
配列の長さ：397
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05345
配列：
GATCTAGTCT TTACTTTCAG TTGTNTGTTA GGTCCATTCT GTTTACTAGA CGGATGTTAA 60
TAAAAACTAT GCGAGCCTGA NTGANTTCTC AGCCAAATTT AGTCTTGTNT CTCATCTTGA 120
TTGGNTTAAT TCCAAATTCT AAAATGATTC ANTNCACAAT AGCTCTAGGG GATGANGAAT 180
TTGCCTTACT TTGCCCAGTT CCTAAGACTG TGAGTTGTCA AATCCCTAGA CTGTAAGCNC 240
TTCAAGGAGC AAGAGGCGCA TTTNCTCCGT GTCATGTAAT TNNNCTAAGG TGCTTGGCAG 300
CACTCTGTAC CCTGTGGAGT ACTCAGTACC TNTGGTTTGA NGTTGCTGAC AAGACCTGAA 360
AAAAATCCCT TAAAAANNAA ACCCTTTAAG GTGTGGN 397

配列番号：4503
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05346
配列：
GATCAGACTT GTTAAGTATG CCGCAAGTAA GAGCTAATTC ATTCATTCCA TGTNTGCCAC 60

TAAATAAAGA GATTGAGCAA GAAA 84

配列番号：4504
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05347
配列：
GATCTNAACC CCAGACATCA AGGATAACAT CGTTGCTCAG CTGAAGCAGC TGTACCGCAT 60
CCTTNAAACC CAGGAGAGCT GGCAGCCCAT GCAGCCCACC CCCAGCATGC AACTGCCCCC 120
TGCCCTGCCT CCCCAGTAAT TGTNAATGCN ATCTTCTTCC TTCTNTTTTT TATAATATTG 180
TACATATGGA TTTTTTNAGN GNTTAGATTT AACCAGCTTT TAAATCTCTC TTTNNTCTAA 240
CAGTGTTAGA AGTTTGTNAT TCTNCAAATA TGCCTAGATT TAAAGCTGNT TTGAATTTAT 300
GGNAAAAAAA AANAAN 316

配列番号：4505
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05349
配列：
GATCAAAGTG TTAGGGGAAA AAAATTCCAA AAGTAGTTAC AAGCTATATC AATGTCAAAG 60
TAAATNCACT TCATCAAAGC TAAGAAGTCA CAGGAATTGT NCTCAGGTTT TTAAAAAAAT 120
TTTNCCTGAA TTCAGGAAGT GTCTTCTGAA TAGCAGCTAG CCANNTAAAG CGGTGTGTGT 180
GTACTGCAGC TGTAGGTGAA CTTAAAAATA ATAATAAA 218

配列番号：4506
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05350
配列：
GATCAGCCAG TTACCTTCTC CATTGTNTTA GTTCTGTCAC CCATTTCGTC AAGTGACCTC 60
TCATCTTCTA TAAACTAATA CAGGAATTCT TTCCAAAGCA ATGTCTAAAA ACTCTTTTTT 120
TTAAAGTAAC AGTTTGGTAT GTTTATTGTA GATAAATNAT TTTTNAGGCC TTCATTTTAG 180
CTAAGTTTAG AATTNATATT AGGCANCTAT GATTTGAGTG GTTATNCATT GAGTAANTTT 240
CCACTATAAA GAATTTNATT GANCANTTGT TAAAGNATNN TGGTAATGCA TGGNCAN 297

配列番号：4507
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05351
配列：
GATCAGAGCA CTGAGAAACT CCAGAGGCTT CTGGTTCACC GCCCTGATTC CACAGATGTG 60

GGTCAGAGGC AGAGATGGAA GTTGGAATGG ACAAGCCTGC CCTCTCCTCA GCTCTCCATG 120
GCTCTGTCCT CAGGCTGTTT CTGCAATTTG ACATGAGGCC TGGCCCCAGG GAAACCAGTG 180
GGGCCTCATC TCCTCCCTGT GCTGCTCTGA GGTGGAGCCT TCTNAGGGTC AGTCCAGCTC 240
TGGAGNCCCT CTCCAGCTCG GTCACCAAAG CTGTCTGGTC CCAGGGCGGT GTGGAGTGAC 300
AGGCACGGCA GCCCAATNCN GN 322

配列番号：4508
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05352
配列：
GATCGCGCCA TTGCACTCCA NCTTGGGTGA CAGAGTGAGN CTCTGTCTCA AAAAATAATA 60
ATAATNAATT AATTAATTAA TTAAAAAATA AACAGTGGGT TAGTTATCTC AAAAGTGGGC 120
TTGTTATAAA ANCNNGN 137

配列番号：4509
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05353
配列：
GATCATAAGA CTGTCATGTA AGAGGTGCTC TCCTGGCACC CAGAGAAAAG GAGCATCCTT 60
ACCTCCAAAA GCACAGGGAC ACAAAGAGGA ATCTAAACAA ACAGGCCTCT NAGTTTCCCC 120
CAGTTTATTA CATTTAGCTT GTTCACACTT TGCCCTATGA CATTNCTACA TCACTGGNTG 180
CTCTTCATCA AACCTACTAT AANNNNCATT CAAGTTCAAC TGTTTCTTTG GGCCTTNNTT 240
NNCTTATGGA GGCCCTCGTG TCGTGTAAAA CTTNTATTNG GTNAN 285

配列番号：4510
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05354
配列：
GATCAGCAGA GTGGAGGCTG AGGATGTTGG GATTTATTAC TGCATGCAAG CTCTACAAGT 60
CCCGGTCACC TTCGGCCAAG GGACACGACT GGAGATTAAA CGAACTGTGG CTGCACCATC 120
TGTNTTCATC TTGCCGCCAT CTGATGAGCA GTTGAAATCT GGAACTGCCT CTNTTGTGTG 180
CCTGCTGAAT AACTTCTATC CCAGNGAGGC CAAAGTACAG TGGAAGGTGG ATAACGCCCT 240
CCAATCGGGT AACTCCCAGG AGAGTGTCAC AGAGCAGGAC AGCAAGGACA GCACCTACAG 300
CCTCAGCAGC ACCCTGACGC TGAGCNN 327

配列番号：4511
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05355
配列：
GATCCTCCAC TCCAGAGCAC CTGAGAAGGC CGGGACCAGA GGCCCTGTGT GATGTGTACT 60
CCGCAGCTGT TTGGGGTGGG ACATTTCTGT ACTTCTCGAT TTGCTTATGG CTCAGCCATT 120
ACCTGTGTCA GTCCATGATT CTGTTGTAAC AGTTTTAAGA GTAAATAAAT AAAGCTGCCT 180
GATGTCCCAT CAAA 194

配列番号：4512
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05356
配列：
GATCACTTTT CCCTGTCTAA ACTCCAGGNT ACAGTATCCA ATANATCCAA ACAGAACTCT 60
GGTGTCAAAG TGTAANTAAT NGTGTAAAAT AGCCTTCCCA AGNTTN 106

配列番号：4513
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05357
配列：
GATCTCACCA CTGTACTCCA GCCTGGNTGA CAGAGCGAGA CCCAGACTCA AAAAATAAAA 60
ATAAAAACCC TGAATATCTT CCTTCTAAA 89

配列番号：4514
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05359
配列：
GATCTCTATA CCTCAGCTTC TTCATCTGCA AAGTGAGATA ATTGTACTAT TCTACTTTCC 60
TCATAGTGCN NTTATAACAG ATTATGATAA TATTACAAAG TACTTAATAC TTGGCATATA 120
GTATATATAT NANCTATTAG TATTTTGCAA TTTGGGGATA TTGAAAATTA GAAATTGCNT 180
GTTAGTTCAT GCTGCACTAC CATATTGTCC TTTTGGGGCT CTTCAATGGG TGAAATTCCA 240
TTTNACAGTT TATCATGTGC ATCTGTATCA CAGGNGTATT TTGGCAAAAT GATTCTGTNC 300
CAAAAAGGAG TACTATANNN NGNGGGTGCC AAATATATTG AGTCTNTTAT GGGGAAAANA 360
AATTTN 366

配列番号：4515
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05360
配列：

GATCTCTGGT AAAAAGCAAC ATCTGAGAAA ATTNCTTGTT TTTAGGAACC TGTGTACATT 60
CATACTTAAT TCTNCCAATN ATGCTTTTCA GTTTTTTGGA TTAACACTCA AAAGTAACAA 120
GTCCTCAAAA TTAGGTTTGT CCTGTTGTTT TAAGTGGACC TTTGGCAAGA GATTTCTAGT 180
GAAGCTTGAT TCTNAGTACT TTCCTCATGT ATTAAAAAGA GGCTGGAGGA GGGAACCTGG 240
GACGTGGAGA GTGAGGAGTG ATAGCCTGAG GTTCTTGGTT TGCCAACCTG GGGAAACCCT 300
GTCTCTACTT AAA 313

配列番号：4516
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5361
配列：
GATCACTAAA CTATCTCCCC TCTTGCTGAA GTTCTTTGTA GTAATAGCTC ATAAAAATTT 60
GTTTATTAAT AAA 73

配列番号：4517
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5362
配列：
GATCTTTTAA AAAGAGATTA AACCGAAGTG ANTTAAAAGA CCTTGAAATC CATGACGCAG 60
GGAGAATTGC GTCATTTAAA GCCTAGTTAA CGCATTTNCT AAACGCAGAC GAAAATGGAA 120
AGATTAATNN GGAGTGGTAG GNTGAAACAN TTTGGAGAAG NTAGAAGTTT GANGTGGAAA 180
ACTGGANGAC AGAAGTACGG GAAGGCGAAG AAAAGANTAG AGAAGATAGG GAAATTNGAA 240
GNTAAAN 247

配列番号：4518
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5363
配列：
GATCGCAGAA CATACTGTAT TTTNACTATA TCTTTTTTTT TAAATCTGAC AAACTTTTTT 60
NCTTTNATTT NAATTGACAT AATTGTACAT ATAAA 95

配列番号：4519
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5364
配列：
GATCTGCTTT GGAAATTAAT TGCCTCTAAT ACATACCTAA GTAAACATAA CATTAATACC 60
TAAGTAAACA TAACATTACT TGGAGGGTTG CANTNTCTAA GTGAAACTGT ATTTGANACT 120

NTTNAGTNTA CTTN 134

配列番号：4520
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05365
配列：
GATCTGGCAC TGAGCTTTTT GTCACTGAAC CTTCCCGATG CCAGCTGGGC TCTTGGACTC 60
CCCTCTTCCT CAAGGGTAGA TGAGAGGAAC GATNNNTAGA GGTTGGCTGT GGGTCCTGGG 120
TACCACCTTC TGAGCCTCAG TTTCCTCATC TGTAAAGTGG GGAGAAAAGT CTGTTTGCCT 180
CAGGAGTGTG AGGACTACAC TAGTGAAAGC NCCTGGCGGG CAGCCGGCGA TGCCCAATAA 240
ATGTGTGNTT TGCTGTTTGT TAAGTGAAA 269

配列番号：4521
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05366
配列：
GATCAGTTTG TAATTTTTTT NCTCCTTGAA GGCACAAAAT AATTGGTTTN AGGTATGTAA 60
AACACTAGAG GTCAACCTTA CATAGTATAT AGAACTNATG GGTTTACCCA GCTACCCAGT 120
AGCATAACTT TNCACAGCTC GGGGATGAAT TAACATGGCT GAAATAAAAC TAAAAGTATG 180
GTTTTNAAA 189

配列番号：4522
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05367
配列：
GATCACAGTA CACCATATGC ACTCTGGTAC CTTAATTTTT TTTTATAAAT AATAAAAGTG 60
AATATTGAAG CTTCTTAAA 79

配列番号：4523
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05368
配列：
GATCTGTTGA ATTTGGGAAG CCTCCAGTTT TAATAAAATT TTTTTATTAT GGTGGAAACN 60
TGTCTGTAAA NCTTAGGACT ATAGAAATGC AAAGAATAAA GANCTGAGGG AGTTACACAC 120
ATTTGTAGTC AGAAATTAAG TTCAAAANAT AATTTAGGTC ATTTGCATTT TTTAGTATGC 180
AAAATAAATG GAAAANTTAA NGTGCAATAN ANNTATAATT NGGGAAATGA ATGCAGTAAA 240
NTTGANAACA TTGAN 255

配列番号：4524
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05370
配列：
GATCTGTCAG GGCCACTTAG TGATAATAAA TTCTTCCCAA CTGCAGACAA A 51

配列番号：4525
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05371
配列：
GATCCGCATC GACTTGGCCG TGGGCGACGT GGTCAAGACC TGGCGTTTCA GCAACATGCG 60
CCAGTGGAAT GTCAACTGGG ACATCCGGCA GGTGGCCATC GAGTTTGATG AACACATCAA 120
TGTGGCCTTC AGCTGCGTGT NTGCCAGCTG CCGAATTGTA CACGAGTATA TCGGGGGCTA 180
CATTTTCCTG TCGACGCGGG AGNGGTCCCG TGGGGAGGAG CTGGATGAAG ACCTCTTCCN 240
GCAGCTCACC GGGGGNCATG AGGNCTTCTG AGGGCTGTTT GATTGCCCCT GCCNTGCTNA 300
ACAACCTGTN ACAGGCACTT CCAAGGCCAG AACCACAGGG GCTNACTNTC GAN 353

配列番号：4526
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05372
配列：
GATCTGGAAT AATTATGGTA AAATAATAGT ATTTGCTAAG ACTAGATGAT TGGTGTACTG 60
GATTTCATCC GCTATTTTCT AAGTTTGTTA TGAACGCTTA AAATATATAT GTATGTAGTA 120
AAATTAATGT AAATTTGTAC AAATAAAAAT AAATGGCATG TGATATATGG CAAA 174

配列番号：4527
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05373
配列：
GATCATGTGT TTGGGGGCTT TTAGGGGACC CAGCTGCACT GGGGCACTGC CCGTGGCCTG 60
GGTAGGACAT TTCCCAGCAA GGGCTGGAGG AGTTGCCGTG CCTTCAGCCT GAATCGAATG 120
TCAGAACCAG CCAGCGGTGC TTCACCCTCT TGGGGATAAC TTGCTTAGTT TTTTAATAAA 180
TGTTCCTGGT TGGTTTTCAA A 201

配列番号：4528
配列の長さ：308

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05374
配列：
GATCTATGAA GCCCACCAAC AAGGCCGAGG GGCTCTGGAG GCATTGCTAT GTGGGGGACC 60
CCAGGGGGCC TGCTCAGAGA AGGTGTCAGC CACAAGAGAA GAGCTCTAGT CCTGGACTCT 120
ACCCTCCTCT GAAAGAAGCT GGGGCTTGCT CTGACGGTCT CCACTCCCGT CTGCAGGCAG 180
CCAGGAGGGC AGGAAGCCCT TGCTCTGTGC TGCCATCCNG NNNGGNTCCT CCAGCCTCAG 240
GGCACTCGGG CCTGGGTGGG AGTCAACGNC TTCCCCTCTG GACTCAAATA AAACCCAGTG 300
ACCTCAAA 308

配列番号：4529
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05375
配列：
GATCTTCTGA GCTTGTTTCC CTGCTGGGTG GGACAGAGGN CAAAGGAGAA GGGAGGGTCT 60
AGAAGAGGCA GCCCTNCNTT GTCCTCTGGG GTAAATNAGC TTGACCTAGA GTAAATGGAG 120
AGACCAAAAG CCTCTNATTN TNAATTTCCA TAAAATGTTA GAAGTATATA TATACATATA 180
TATATNCCTN TAAN 194

配列番号：4530
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05376
配列：
GATCTTGATT GATAACTGCC ATGATATTTT GCTTTGATGT GTTTCTACAT GTGGTTGCAC 60
ACGGTTCAGT AAAAATAATG CTGCTATCGA GTATGCAAAT ATTGAAGTAT GATGGTTTGA 120
CTGTATGGNA GTGTTGTAGC AGCCTCTTGT TTTTTTCCCC ATTGCCTCTT TTTTTAAAAA 180
ACTTATAAAG TCACTNTTNA TTTTNCCTCA GTCTTCAATG ACGAGAGCAA TATTAAGANG 240
ACATTGCTAT CTAATNNTNA ATCTTNTTAA ATGAAAAATT CCTATGTTCA GTAGCGTGGT 300
TGATGCTATT GTGN 314

配列番号：4531
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05377
配列：
GATCGAGTCA GCATAAATTT CTAAGTCAGC CTCTAGTCGT GGTTCATCTC TTTCACCTGC 60
ATTTTATTTG GTGTTTGTNT GAAGAAAGGA AAGAGGAAAG CAAATACGAA TTGTACTATT 120
TGTACCAAAT CTTTGGGATT CATTGGCAAA TAATTTCAGT GTGGTGTATT ATTAAATAGA 180
AA 182

配列番号：4532
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05378
配列：
GATCATGAAA CTGGTTTCTG TTTTATGCAG TTGTCATTTG TAAAGNCTAA TAAAATATNC 60
TCTATAATTN CTTCTAGATT ACAAAAATAT GACAATCTTG TAAGTAGCAG ACTATGGAGA 120
AAAATGAGTT ACCTGGNGGG TCAGGTAACT TGCCAAACTN AAANGTNTGT TAGTTGAGGC 180
AAAGTCCTAA GCAAGGTTGT GCTATCANGG CTCAGCATAC CTTCGTGGGC CTTTGANTTA 240
CCANCACTGG AANTGCCTGC CANCTAATCT GGGGTAGATT CTTTAAGGCA TTCCACTTAG 300
CTTGCCAGTT GNGN 314

配列番号：4533
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05379
配列：
GATCAACTAA TAGCTCTGCT AGTAATTGAT TTATTTTNCT TCAATAAAGT TGCATAAACC 60
AATGACTTAG CTGCCTGGAT TAATCAGTAT GGGAAACAAT CTTTTGTAAA TGCAAAGCTG 120
TTTTTNGTAT ATACTGTTGG GATTTGCTTC ATTGTTTGAC ATCAAATGAT GATGTAAAGT 180
TCGAAAGAGT GAATATTTTG CCATGTTCAG TTAAAGTGCA CAGTCTGTTA CAGGTTGACA 240
CATTGCTTGN CCTGATTTAT GCAGAATTAA TANGCTATTT GGATAGTGTA GCTTTAATGT 300
GCTGCACATG N 311

配列番号：4534
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05381
配列：
GATCGGAGGA CGACCCGAGT CCCAAGAGTG GGGTTTTGCT TTTTAAAAGG AGAGAGGAGG 60
GGTGATGGCA GGGGAGTGGA GGGTGGCCGG GCAGGTCCTG CCGGCGCAGG GAGCCCTCTG 120
CCCTTCACAC TCTCCTCCAA AAGAGCCTCC ATCTGTAAGG AAGCAGGTCT CCGCGAGGGG 180
TTTCTTTCCA TGTNTTTTCC TCCTGTNGTT TTAGAACTTT TTNGAAAAAA ACNGNCCTCG 240
TTTTAGATTT ATAGCATTGA CTTTTACACA CATTCACACA AGANAAAAAT CCTTNCAAAA 300
TTCTTAAANT NNNCTGGTNC CNNCTTTNNN 330

配列番号：4535
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05382

配列：
GATCTCAGCT CCCGTTCCCC AAGCACACTC CTAGCTGCTC CAGTCTCAGC CTGGGCAGCT 60
TCCCCCTGCC TTTTGCACGT TTGCATCCCC AGCATTTCCT GAGTTATAAG GCCACAGGAG 120
TGGATAGCTG TTTTCACCTA AAGGAAAAGC CCACCCGAAT CTTGTAGAAA TATTCAAACT 180
ANTAAAATCA TGAATATTTT TAAA 204

配列番号：4536
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5383
配列：
GATCACTTGG AGACTCTTTT TTTGCTGGTT TCTAGATAAC TCAGGTAAAT CAGACCTTTA 60
CAGAGTACAG GGCTAGGTGA NAGANTTACT GANAAATCAC CTTGAAAATC CGANGGGCTG 120
ATATACCCTT NNTGTN 136

配列番号：4537
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5384
配列：
GATCTATGCT GTGTTTGCTT ATTCTTTAGT TGAACACACT ATGAAGAATT CCAGGTGTAC 60
TAGTGAATGT AATTTATAGT TGCCAAA 87

配列番号：4538
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5387
配列：
GATCGACAAC GAGGCCCTCT TCAGCTGCGA GGTCAAGCAC CCAGCTCTGT CGATGCCCAT 60
GCAGGCAGAG GTCACGNTGG TTGCCCCCAA AGGACCCAAA ATTGTNATGA CGNCCAGCAG 120
AGCCCGGGTA GGGGACACAG TGAGGATTCT GGTCCATGGG TTTCAGAACG AAGTCTTCCC 180
GGAGCCCATG TTCACGTGGA CGCGNGTTNT GAGCCCGGNN NNNGGACGGN AGCGCTGAGT 240
TCGACGGGAA GGANCTTGGT GCTGGAGCGG TTTCCCGNCG AGNTCAATTG GCTCCATGTA 300
TTNGN 305

配列番号：4539
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5388
配列：
GATCATAAAA TGAATTCTTT ATTGTATCTA CACACTCCAC ATTCTTTACT GTGTCCTACT 60

ACTGTATCTT GGCTCCANTG CTGTATTAAA CACCATCTTA AGCAAA 106

配列番号：4540
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05389
配列：
GATCCTCCTT TGCATGCAAC TGTAGCTGCA TTTAATGAAT AGTTTGAACC CTTGTNAATN 60
CATTTTTTNA AAAAGAAAGA AAAAAAAAAC TTCGTGTATG NAACTCAAAG CATGNAACCT 120
TAAGATGTTG CATTCTAAAC TNACANTAAA GACCTTTCCC AANTAAA 167

配列番号：4541
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05390
配列：
GATCCATACG TGGCCGCACC CACACAGCAC GTGCTGTGAC NGATGGCTGA ACGGAAAGTN 60
TACACTGTTC CTGAATATTG AAATAAAACA ATAAACTTTT AATGGTANAA A 111

配列番号：4542
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05391
配列：
GATCAGTTCT GCAAGATGCC CATCAACAAC AAGATGGCCC AGTGGGGCAA CAAGCCTATA 60
TGCTGAGCAG GAGGCAGACT TGCAGAGCTT GTTTTGTTTC ATCCTGTCCG TAAGGGGTCA 120
GCGCTCTTGC TTTGCTCTTT TCAATGAATA GCACTTATGT TACTGGTGTC CAGCTGAGTT 180
TCTCTTGGGT ATAAAGGCTA AAAGGGAAAA AGGAAA 216

配列番号：4543
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05392
配列：
GATCGAAAAT AGTTGGAAAA AAGAAGAAGA GTTGCATCTC TACTGAACAT GTACAGACTT 60
TCTTCTTCTT ATTATTCCCT AAACAATACA GTGTAAAACT AAA 103

配列番号：4544
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05393
配列：
GATCAGAACA NTNCAAAAAA TTCACACCCC CAAAAAAGNC AAGCTATTAT ATGGCAATTT 60
CGTGATAAAA TATTCATCCT ATTTGTCCTG CATTTCTAAT TTTCCCGTAA CTAGACACAT 120
CAGTTTTATA ATTAGGGNAA AAATACCTTN TAAAAGTAAA GCGAGCANAG GTTTCNNTTG 180
CANTGTTCAT TCCN 194

配列番号：4545
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05394
配列：
GATCTGGTAG GTTGCAGCAG AGAAAATAAA TGTGACTTGN GAGNCCACTC AGAGAGGGTC 60
CAAGGGTGAT GGAGAAGGAA GCATGGCCTG GNAGCTTGGA AGGNANGN 108

配列番号：4546
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05395
配列：
GATCTGCTCT TGCAATGGCC TCACCATCTG GNAGGAGCGA GGCCGGCCCA TCGTTGGCAA 60
GGGCCGAAAG GAGTCAGCGC ANCCCCTGCC CACCTTTNAG CAGGACCTCA CCTTGGCTCT 120
GTTGCTGTCC TCCAGGGCGA GCACTTTCCA CTTCCAGAGG GGGCCAGAGG GACTTTGCCT 180
GCCCAGTCTT TGGAGAGCTC AGTACAGGGC AGGAGCTGCT GTGGTGTTCC CTTGGCAAAT 240
NAAAGTTTTA TTTTCGTTTG GGNAAA 266

配列番号：4547
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05396
配列：
GATCTCCGTG TGTGCATGTN ACTGTGCTGG GTTGGAATGT GAACAATAAA GAGGAATGTC 60
CAAGTGTTCA AA 72

配列番号：4548
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05398
配列：
GATCATGGGG GTGGATTTCT TATGAATGGT TTAGTACCAT CCACTTTGTA TTGTCCCCGT 60
GGTAATGAGT GAGTTCTTAA GAAATCTGGT CATTGAAAAA TAAA 104

配列番号：4549
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05399
配列：
GATCTTCACA TCTTGGACCT TNGTCAGTTT TGCTATTCAT TATTAAACAC TAAAACTTTG 60
GCGGTTNTTG CAAA 74

配列番号：4550
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05400
配列：
GATCTGAAAT CACATCCAGC TCCTGATGTT TTCTTCTCCC TCTGACTGCA GAGGAAGTGT 60
TCCTACCTGC AGGAAGGCAC CTGTCACACA GGGCGTTCAC TCAGACCATC TGTGCTCTGC 120
CCTGAGTTCA GTTGAGAAAA TCCTATTATC AAATTTGGNT TTCCTGGCCC CAGAACTTCC 180
CAAAGACCTG TAAAATGGAG GGATTTACCA CCTCACATAT GTCCAGTTAA ACAGTTTGTG 240
GACTTGTAAC CGTCGCAGCC CANTGGTACA ACAGTAGTTT AATCACGGGA AA 292

配列番号：4551
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05401
配列：
GATCGGATGG GCAAGTCCCT GCCAGGGTCT CCAGATGGCA ATGGAAGCTC CTCCTTGCCC 60
CACTGGGAGT AGCGGCTAAA GCTGGGGGAT AGAGGGGCTG CAGGGCCACT GGAAGGAACA 120
TGGAGCTGTC ATCACTCAAC AAAAAACCGA GGCCCTCAAT CCACCTTCAG GGCCCGGCCC 180
ATGGGCCCCT CACCGCTGGT TGGAAAGAGT GTTGGGTNGT TGGCTGGGGG TGTCAATAAA 240
GCTGTGCTTG GGGGTCGCTN GGAAA 265

配列番号：4552
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05402
配列：
GATCTATGCT CTTTCAAATG GAGACTGGGA TATTGTTGTT TTAAGACCAC TGTTTTCCTG 60
TTTCCTCCCA AATNTTAGTC ACATATATNA TTACCCTTAA GTTGGTCACT ATCTATCTAT 120
CTGTCAATAA TTCAGGATTA AAGTTTGAAG TGTAATTACA TTTGANTTTT AAA 173

配列番号：4553

配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05404
配列：
GATCGACCAG CAGGTGGTCT ATATCCATCC TTCCAGTGCC CTCTTCAACA GACAGCCAGA 60
ATGGGTNGTG TACCATGAGC TNGTGCTCAC CACCAAGGAA TACATGCGTG AAGTTACCAC 120
CATCGACCCT CGGTGGCTTG TGGAGTTTGC CCCAGCCTTN TTNAAGGTCT CAGACCCANC 180
TAAGCTAAGN AANCAGAAGA AGCANCAGCG TCTTGGNACC GTTGTACAAC CGNTATGAGG 240
ANCCCAATGN CTGGGAGAAT ATCTCGGNGN 270

配列番号：4554
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05406
配列：
GATCGGGTTG AGCCCAGGAG GTTGTGGCTG CAGTNAGCTG TGATGTGCCC TTATGCTATA 60
GCCTGGGCAA GAGCGTGAGA CCCTGTCTCA AAGAAGAAAA AAAGAGAAAA ATAACTCTTT 120
TGAACAAACA GNCAAATTAG CTAGTAGTAT GGAGATGTAT ACCCTCTATT ACACACATAA 180
AACCGTAACA AAATTCATTG NGGTGTATTA TAGTTAGTTT TGTGAATAGA GAAATAAAGC 240
ACTGATGNTT AANNTTGGTT ACAGTGACTT TTAGAAGGGN TTNNTTGNTG GTTCACATTN 300
GTCAGAANTT TTTTTCCNNC NNGGCTGGTT CAN 333

配列番号：4555
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05407
配列：
GATCTCCCCC TTCCCTTGNG GGGCACAGCT GGCCTGGGCC TCCAATCCTG CGGANTTTCC 60
TGGGTGTGGC TTTGACCTCA GAAGTGGCTC TGGTTTGGCC TCAGGAGTGT GGCCTGGCCC 120
AGCCTGCTGC AGCCTCCTGT GGNGGGCCCT TNATGCCACT AATCCCCNGA CCCCCCGGAT 180
NTTNCAAACT GNACAGACAC ACGNATTGTT AAGGCCGCTT ANGGCCTCCA GCGTGCACTC 240
TTNTTTANGN 250

配列番号：4556
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05408
配列：
GATCAATGCA NCGACGTNGG GCTCATGGCC TACCTCGGCA CCATCACCAA AACGNGCAAC 60
ACCATGAACC ATTTTGTGAA CAANTTCAAT GTCCTCTACG ACCGACAAGG CATCGGCAGG 120
AGAATGCGCG NGCTCTNTTT CTGATGAGGG TACTTGAAGN GGCTGATGGA CAGGGGTCAN 180

NGCAACTATC CCAAAGTGGA GNGCACTACA N 211

配列番号：4557
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05409
配列：
GATCTTTTTT CCATTGGTTA AACATTTAAC TCCATGNCAG ACCTTGTTTT AACCCCTCTC 60
ACATCATGTT CTTTCCTTTT TTGCGAGTTA TTTTGCATTA ACCAACTTTG TCAGTGACAG 120
ATGCGTATCT GAGGGTGTCA CACACGACCN TCAGCAGGGA AGACTTCTGG GCCATGGAGG 180
GCCGTCTAAT ACATGGACTT ATAAACTGAC TGCNTGGGCA ATGAAAAGGC CAAATTATTC 240
TGAATTTTTT TNGAATCACT GTAAAAAAAC TGATTTNTTN NTGTATAGAG ANCACTTAAA 300
CGGTGGAN 308

配列番号：4558
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05410
配列：
GATCCAGCTG GCTCATCCCA GCCCAGGTGG GCCAATTATT CAATTTTNAA GAATTTTGTT 60
GCAAGCCAGT TGTCAAACAC AGCCATTATA ATTATGTAAA TTTGCAANTT ATGTTAAAAA 120
CAAGGACAAT AAATATTCAA AATGCATCCC TAATTACTAC ATTTGACCAC GNAAA 175

配列番号：4559
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05411
配列：
GATCTTNACA ACTGTTTAAT CAGTTTTATT TTTGTACAGT ATTAGTGACC TAAGTNATTT 60
TGCTGTCCCG TTTTTGTAAA TCAANTGAAA NTATAAAAGA GGCTTGTGAC AGTAGGTATT 120
TTGTACATAT GTATATATGT TGTCCAAATA AAATTAATAA ANTGGTNAAA GGCTGAAA 178

配列番号：4560
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05412
配列：
GATCTTCAGC ATCTTTTACT TTCACCAGCG TTTCTGGGTG AGCAAAAACA GGNAGGCAAA 60
ATGCCGCAAA AAAGAAA 77

配列番号：4561

配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5413
配列：
GATCCCAGGA ATATTGTAAA TNTTCTAACT TTACTCTGCA TTTTGTATAT CTGGCCTCTA 60
TTGCCCTTGA AGGTGAAGAT GAAACTGTCT TTAGAAGATA TCTCTTTGAT TCTGTGATAG 120
AAGTCCCTCA CATCTTGTAT TAATTTTATG TATATATCAA CGGTGGTTGG TCTTTAAAAA 180
AATAAATCAA AAGAATANGT AAA 203

配列番号：4562
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5414
配列：
GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
TAACGTAATC TACCATTTCC TACACTATTT GAGCATGGAA ATCATAGTCC CCACTCTGTG 120
AAAACTTAAC GCTTTTTGGA AGACATTTCT GTAGCATGTC AGTTTGGAGA AATGATGAGC 180
TACGCCTTGA TGAAAGAACC GTGTTGGTGC TGCTAAGTTT AGCCATTATG GTTTGNGCCN 240
TTNTCTNTCT TAAGGCCTTA TTCTTTCAAC TAAAAAGNTG GGGGATTNAG GNGCCAAGGN 300
AGNTTGGGGG GGGGNTNNTG NAAATTAANT TTTNTTGAGG GGTNGGCNTA GN 352

配列番号：4563
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5415
配列：
GATCCGCAAC CTGGACCCCA GTGAGAGGCG GTGGGCTGAC TGGGAAGNAG AGGCCCCCAA 60
CCTACTCAGG ATTTNCACGT GTGAACTAGG CTGCCTGTGG GGTGCCCCTT AGGCTTGGAG 120
AGCCCCAGAT TGGAGGCAGA CAGACTGCAC CACCCCTTCC CCCCCTGCAT CTCAAGAATA 180
AAGCAAGCTG CCTTTGTACT TGGTTGNAAA 210

配列番号：4564
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5416
配列：
GATCANATAG TTGCTGTTTT GTAAAATGTA ATGTATATNT GGTTTTAAGT AAAATAGGGC 60
ACCTGTTTCA CAAA 74

配列番号：4565
配列の長さ：303

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05417
配列：
GATCCAGAAA CTGAGAAGCT TATCCGAGAG AAAGATGAGG AGCTGCGGCG GATGCAGGAG 60
ATGCTACACA AAATACAAAA ACAGATGAAG GAGAACTATT AACTGGCTTT CAGCCCTGGA 120
TATTTAAATC TCCTCCTCTT CTTCCTGTCC ATGCCGGCCC CTNCCAGCAC CAGCTCTGCT 180
CAGGCCCCTT NAGCTACTNC CACTTCGCCT TACATCCATG CTGACTGNCN AGAGACTNAN 240
GNGGCANTAA AGTTTAATAA ATCTGTAGGT GGCNNANAGA AAAAGAAAAN AACAAAANAA 300
AAA 303

配列番号：4566
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05418
配列：
GATCGTGTTT TAACTTTTTC TTTTCCTGTT TTTATTTTGG TATTAAGTCG TTGCCTTTAT 60
TTGTAAAGCT GTTATAAATA TATATTATAT AAATATATNA AAAAGGAAA 109

配列番号：4567
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05419
配列：
GATCTGGAGG CAGCAGTGCT GGATGGAATT GTCTAGGCTG TGGCATGTTG GTTTTGTCTT 60
TCTTTTCTCC TTTGATTATG TAAGAGCTAT TTCATTATAA CTTATTATGG TGATTATACA 120
GGCAAGAAGA CAAAAAGGAG AGAAAATGTA CCTCTTCTAC TGGAATAATG TTTATGATTA 180
CAAGTGAGAT AAGGTATTTT NATCAATATG AAGGCAACCT TGGCTGATAA AACCTCTATA 240
GTGAATACTC ACATCTTTNA CTTCACTCAC TATCAATAAT AAATATATTT NCTGACAANG 300
AAA 303

配列番号：4568
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05420
配列：
GATCTCTTTT GTAGAGGATT TCAATGTATT TCTTTATCAT TTGAGTGTGT GTGTGATGGA 60
CGAATATGTG TGTGAGTTTG AGAAGCATAT CGTTCGTGTC CAGTTACTTT GCAAATTTGT 120
GGACATTTGT GATTGGACAG AGGGGTTTGT GCTGTGGCCT AACACTTGCC AAGTGAGGTG 180
TAGGTTATGC CTATATGCAA ATTAAACTTC ACCTTTCTTG AATATTCAAA 230

配列番号：4569

配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5421
配列：
GATCCCCAAT TGACTCAGAG TTTGAGGAGT TAGTATCACA GAATTAGATT TTTTTAAAGC 60
ATTTGTACGT TTCCATTCCC AAATATGTAG CTGTGGTTCT TGAAAACACA TCCTACATTG 120
CATATGGGCA TAGCAGTTTT TGACCCAGGC AGAATAAGTT AATATTTAAT TAAATATTGC 180
TTTGAAGATG GCGCTCTGGG CATGAGCATG GGGCTCCATG ACTTCCCTTC TATCCCCATG 240
AGCCCCTCCT NCATCCAGCG ACAAGCCATG GGCATGCATA CAATGCAGCA AGACCAACAC 300
ANGNGCAATA TTGAATTGGN TCATTCTATC TAAAAATTAC ATGGGGNGGG ANGTN 355

配列番号：4570
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5422
配列：
GATCAGAAAT AAACGACAAA TAGTGTGAGA TGTGTTGTGA ACAGGCATGG TGACCGTGGT 60
CAGCGCCACT CTTGTTTCCT GAAATGTGCT TCTAAGACAG AAAATGTATT TNCTCATCAA 120
GGGTGTCTGG AGACACAGAC CGTGACCTTG GCGCANGGTG TGCATCAGAG GCGTGTGCTG 180
AGAAGGGTGG TGTTAAGCTG TGGAAAATGA CTCAAGAGCA ATAAATCAGT GCCAAAGCTT 240
CCCTGCGCAT CTGAATAGNC ACAAGTGAAG CCCGTGTGCG CACAGTGCAG AGGCCNAGNC 300
TGTATTTCCA GGTAGNGTGG CTTTATTTGA CTGTGAATCC ATTTACCTGT TAN 353

配列番号：4571
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5423
配列：
GATCGGGTCT ATTTCACCCA ATAGTCACTT GTGTGTCCCC CGAAATTGGG ATGGGTGAGC 60
ACCCTTGCTG TGGTGTAAAC TTCCTGTTAT TTAATCTCCC CCACGGTTTC ATTTTTNTNT 120
TCTGTTAATA CTTAGAACTT TCTAAGAAAC TCCATGAAAT GAGGAAATAC TGTTTCTAAT 180
AATATGAGGA AAGANGTAAA ANTGTTCATT CCANGTGGCA AGTCTTATTG GACACATTTT 240
ANATAAGNTC ATGCATACCT GATAAA 266

配列番号：4572
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5424
配列：
GATCGCCCGC ATGAGGTGCT GCTGTGCTCG GACCTGGTCA AGGCATACCA GCGCTGCGTG 60
AGCGCCGCCC ACAAGGGNTG AGGAGCAGAC ATCATTCCCT GCCCTGGCAG TGACTTGGAG 120

CCCTGAAGAA GGGCCAATCA TGGGACCACA GCCACTGTGC CCTGCCGTTT CCTGCTGGGC 180
CCCTGCATAT GCCCCTGAGC CTGGGGCTGC CACGTGTTTA GGAAACAAAG TATGCGCTAC 240
TGTCTGAAAA CAAATAAAGC AGATGCCTTT GTTTTCAAA 279

配列番号：4573
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05425
配列：
GATCTAGGCC AGTGGCTGCT TGTCCTTGTG GAGCTGTGTG TNTNCTNCTN TAAGCAGCTC 60
CTCCCCGGAG TCCCCCAGCA CAGTCCCAGG AGATGACAGG AAGGAAGCAC CAGGGCAAGN 120
CGGACGNTCA N 131

配列番号：4574
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05427
配列：
GATCTCACCT TCCACCTCCT CCGGGAAGTC TTGGAAATGG CCAGGGCCGA GCAGTTAGCA 60
CAGCAAGCTC ACAGCAACAG GAAACTCATG GAGATTATTG GGAAATAAAA CGGTGCGTTT 120
GGCCAAAAAG ANTCTGCATT TAGCACAAAA AAAATTTAAA AAAATACAGT ATTCTGTACC 180
ATAGCGCTGC TCTTATGCCA TTNGTTTATT TNTATATAGC TTGAAACATN GAGGGAGAGA 240
GGGAGAGAGC CTATACCCCT TACTTAGCAT NCACAAAGTG TATTCACGNT GCAGCAGCAN 300
CACANTGTTA TTCGTTTTGG NCTTCGGTTT NGTTNCCGGG GNCAGGTGTT TTTATTAGTG 360
GNGTTTTTAA AAGGNGGNTN GTNGGGACCC TGTTGGAGNA NAANCGGTTT TGN 413

配列番号：4575
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05428
配列：
GATCACGCCA CTGCACTCCA GCACCCTGGG CGACAGAGTG AGACCCTGTC TCAAA 55

配列番号：4576
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05429
配列：
GATCTGGCGT TGCCAGGCAT TCTGTAAGGG AGGGCTTTTC CAGTTCCTGG AAATGGAACT 60
GGAAAATNTG GCTGGAAACA TTAATATGGC TGGAAATGGA AA 102

配列番号：4577
配列の長さ：420
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5430
配列：
GATCCAAGCT GCTTGAGGGG GTCAACCTTG GACCAAAGTT GCCTTAAGCC TGTGGTAAAA 60
GGGCTTCAGG GAAGGTAAGT GGGCCANCTG CTGGAAGCTG CCAGCTGCCC GGNTGGCAAT 120
GGTGTGAGTG TCTTGGCCCT GTCCCTGCCC TGGGGTCCAG CAGGTNATCC CTCCCTTCTT 180
CTCTCTCCTT TGGCGTTTGT TCCTGTAGTC ACTGGGCTAA TCTCCCCCTA GCTTGAAGCT 240
GTACATAGGG CCTCCNAGTG CAAATGNTNC TGNCCATACC GTGCACCCTT AGAAGCCTGC 300
GTGTGCATAG AGCGCCCNNT ACTTNCCAGT TAANTTCCNA GTTCTTGTTN CNTGAGCTTG 360
GTATTTTGTC ATGTGNCAAA TTCTGACTTT TGAAGGTTGG GNAAGTGAAG GGGAATTNAN 420

配列番号：4578
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5431
配列：
GATCTGGGAC GTCCACGAGT GAGGGGCTGG CCACCCAGCC CGACAGCCTT GCCTGACCAC 60
CCTCCAGCAG ATAGACGCCG GCACCCCTTC CTCTTCCTAG GGTGGAAGNG GCCCTGGGCC 120
GAGCCTGTAG ACCTATCGGN TCTCATCCCT TGGGNTAAGC CCCAGTCCAG GTCCAGGAGG 180
NTCCCTCCCT GCCCAGCGAG TCTTNCAGAA GGNGTTTAAA AGGGTTGCAG GTNCCNACCA 240
CTGACCCTTC CCGGNTGGCC TNCTTGCNCA GCTTANAANC TTAAAGTCCA GNACGCAGTA 300
ACCTNTN 307

配列番号：4579
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5432
配列：
GATCCCTCTC CAAAGTGGTT GTCTTTCTNT ACCTTGTGTC TTCTCTTGTA AAAATGAAAC 60
TCAAAAATAA AATAAATGTG TCAAATTTTG AAAAAAAANG AAAACTGAAA AAGCTAACAT 120
GANTTGTGTG AAATTGCATA ATGCTGTANT GCTAATCTAC AATATGTAAT GCTATCTTGT 180
ATGTNGNATT TGTTAATGCA CCACACAAGT GCAANGTAAA GACTGATTCA CNTTGNNNN 239

配列番号：4580
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5433
配列：
GATCTGACTG TACTAAATAT GAAAAATAAA GCAGCACATA CTTTCTCTAA A 51

配列番号：4581
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05434
配列：
GATCCATATA ACTGTTGGGT GCATCAGTGC TTTTNAAAGG GGCTGCTTAC TATAGGGTTA 60
ACTATGTATA TNCATTGTTA AGAGTTAACT TGTGGTTTGG CTGTTTCCTG GATTTNATAA 120
CATACATGTG CAGAAATGTA TTCAAATGAA AGGNAGCATA CCTTTATCAN GATGCTATTA 180
AANTTGANCA TCGNGTNTAA A 201

配列番号：4582
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05435
配列：
GATCATACAG TGAGGCTACA GTGACTGAGG GGAGAATCCC CTCCTGTTCA CTCTCCCAAC 60
CCTGCTCCAG CCCCTCAGCT TCCCAGACCC TCATGCANTT GGTTGTAAAT NCTCCCAGGA 120
GCTGTTTTAC TGTCTACTTT TCAGGATTAA AAAAAANNNN AAAACTTAAA 170

配列番号：4583
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05436
配列：
GATCGGACTC TGCCCCTGGA CCTGGGAACG ACTGGACTGT CACGGGGTTA CCTCCTAGCT 60
CTCCCAGTGA ACTCCTGCCA GGCACACACA GCCCCTATAG CACTGAGCTC ACATGGGACT 120
GGGATATGGG GGCATCTCTT CCCCAGAGAG GCACTCAGTG AGCCTCCTGT GCCTGGNCCC 180
AGCCTGGGCC ATCTCTTAGG TGAGACAGTT GCCCGAAACT AAGCCAGGCC TGGCTGGAGG 240
AGCAGCAGCT TGGGGAGAGG GATTTCCCTG CAGACCTCAA GCCATCATGC GGTGGGTGCT 300
GCCATGACAG AGGCTGGACC NCTGGGCCAG CGGGGTTGCT CAACCACCTT TTGTGCAAGG 360
TGGCCTTTGT GCTTGCGCCT GCAGGCAGAN GTN 393

配列番号：4584
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05437
配列：
GATCCTGCCC GAGGAGGAGG ACGAGGGTGC CGACTCCTAA CCCCGCCAGG CAGCCTCGTT 60
CTGCACAGGC ACTTTAGCCC GAGCCAGGNA CACCTGCGAG GGGGCAGGTG TGCTCCGCCG 120
CCCTGCTGAT AAGCTGGCTT CATTAAACTG ACACTTCTCA AA 162

配列番号：4585
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05438
配列：
GATCTGTAGG GTCAGGAACA CAGCACCTAA CACAGTGCCT TATGGATAGT AGTTTTATAA 60
TACAGATGTG TTGGAAGAAT AAATGAATGG GTCCTTTTCA AACAAATTCA CCAGAAGTTA 120
AA 122

配列番号：4586
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05439
配列：
GATCTGTCAC CTTCAGCGAG ACCTATTTCC TCCCCACCCC CAGAAACCTC TTGTGTTCTT 60
GCCTAGGCCC AGGTGTTCCT GGCAGCCAAA TCGAGTCTCT CATTTTCTCT TGTGGACCAG 120
TTAGTTTTGC CCATAACGCA GTATTCTGAG TTTGCAACTG TCTCTCTGAT GTGTGCCTTT 180
TGTTCAACAC AGTAACCCCT GCATTCTGCT CTGCTCTAAT ACACTACCTG GAGAAAGTCT 240
TTTCCTTATT TTCAATAAAT GTCAGACATT ATTGNAAAGA AAAAANTN 288

配列番号：4587
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05440
配列：
GATCCCTATG TGGCTAACAG AATTAATGNT TCCAAAAAATG TTGNAAATTA TATAGTNCTC 60
TTAATTCCCC ACCTCTAACT ATATTTTTGG GTTATTTCTT TAGGAACAGA TGCCCAGGAG 120
TCATATTACT GAGAATCTAG AAATCTTTTG CAAAGTTCTT GTTATNTTGN CAAATTGCTT 180
CCCNNNNN 188

配列番号：4588
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05441
配列：
GATCTGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CAGTGCCCAG 60
TCCTGCCACA TCTTTTTTGT TAGTTGCAGT AGCAATACAA CCTTATCTAG AAAAGCTGGC 120
CAAAAAAGAA AATACCATGA TAATAGGGTA CCTAATTTAT TGCTTTATTT AAGAAAAATG 180
TAATATTTCA TTCGAATAAG TACTTTTGGG CTGGGATGNT ATTTCATTTA GCTACTTGGC 240
ATGCCACCCA TCTTAGGGAA TTATATGAGG GTTTATACTT TAAAGTN 287

配列番号：4589
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5442
配列：
GATCAAAATT TCAAGTTGAC AAATTTGGAT TTGAAAACTC ATTCACTTTT TCAATTTTTT 60
TAATGAGGCA TAACATGCAT ATGGTTAAGT GCACAAATCT TAAGTGTACA GTCAGTGAAT 120
TTTTGCATGT ATGTATGTAC CTGANGCAAG ATATAGAACT TATTTACTTG TAAATAACAG 180
CTATATTGAT ATGTCACATA CCAAANANTT TACCCTTTAA NTTATACAAT TCAGTGGTTT 240
TTNGTATATT TGCAAAATTG TGCAACCNTC CCNACCATCT AATTCTAGN 289

配列番号：4590
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5443
配列：
GATCCTCAAA GAAAGATTTG TTAGAGATAG ACAGGTTCAC AATTTGTGGA AACCGAATTG 60
ACTGAATCTG TGGCTTCATG CGCTGAAGAA GCTGGGTCCT GGGGCAACAA GTGCTGTGTT 120
GCCAGGACAA ATAGATGCTA AACATGGCAC TTAAATATTT ATTTAAAAAC TTAAATTATT 180
ATTGGCAAGC AAATCTTAGT ATCTTTCTTC CAGTAATATG GCCTGGCTGA GGGTCAGACC 240
ACAGGACAGG NGCGACCTCC GGCCTTGACT GTCTGGGAAG CTTGATGGAT TTN 293

配列番号：4591
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5444
配列：
GATCCACTTA GAGCAATAAC CACTTTTTAA ATGTAAAATA AAAAGACAAA TGNAAAGGCA 60
AA 62

配列番号：4592
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5445
配列：
GATCTTCCCA CTGCACTCCA GCCTGGCCAA TAAGACCTGT CTCCAGCAAG ACCCGNGTCT 60
CAAA 64

配列番号：4593
配列の長さ：323

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05446
配列：
GATCTAGATT CATTAGGAAT GTNTTCTTGT CAGCCAGGCC AGGACCCGGG CTTGCCAAGA 60
GCAGAGGCCC TCCCAGCAAC CAGGATACCA CCACTTTGGG GGCTTTGTGT ACAGAGGTCC 120
GGGTCTGAGA CCTCATAGGC TGCAGAAATC TGGGGCAGCC ACCATCAAGA AGCCCCTCTC 180
AGGGGCCAGA ACTCCTTTGC CAGCGTGGAT TTCTCAAGTC GGGACTGCAT AATTAAAGCA 240
GTTGCAGTTT TATTTTTTTT ACAGCTTTTT TCCCAAAAAT GATTTGTAGT TGTGTGTGCA 300
GCACTTTCGG CCTGATATGT GTN 323

配列番号：4594
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05447
配列：
GATCAAAAAG ATAAGTTTAC AAAGTTGAGA CCTCTCATAA AACAAATGAA TAAAAATTTC 60
CTCTTGTAAA 70

配列番号：4595
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05448
配列：
GATCACCTGT GCCTCCCCTC CCCCTTTGTT TGCCCCTGTG TGGTTGGTCA AGGAGGGATG 60
TGAGGGNAAT AGGGACCCCC CGACTTGCCC TCCTGCCTCA GTCTTTCCCC CACCCTGTCT 120
CTTCCTTGTC CTTCTCTGGA AAATGCCAAA ATACACGATG TGAATAAAAG TACAACGGCT 180
AAA 183

配列番号：4596
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05451
配列：
GATCTATAAT TATGCCAATA CCACACTGTC TTGATTACTG TAACTTTAGA ATAAATCTTG 60
AAAGTAGAAA 70

配列番号：4597
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05452

配列：
GATCTGCCTG TCAGAGTCCA CGTGTCCTGG TCACTGGTCT TTATAATTGT TGTGCAATAA 60
CTAAAGGCTA AGGACTAGAT GCACTATCGT GTAAAGAGAT TACACATGAC TGTACCATGT 120
TGCACTTAAT CAAATAGTAT GTGGGGNTTT AAAATCGCTT GCATTGTTTC ACAAAATAAA 180
TATCTCAATG TCAAATACTA AA 202

配列番号：4598
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5453
配列：
GATCCTGGNG CCTGGACCGG GCTGGANGAC AGCTGAGNAT GGGCCTAGCA GATGAAGCTT 60
GCCAGCAAGG CCAAAGCAAA CGGTTTCTNC TGTGGATAGT GGACAGAGAC CTTTGTAACC 120
AATGGAATTA TTCATTTTNC TCTATCNNN 149

配列番号：4599
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5454
配列：
GATCAAGCAA TGGAAAAATT TGCACCACCG TGTCCCATGA AATTGTTTCA ATGTTTAGTT 60
TAGATATTGC TAACTTGTGC TATTAACCTT TTGACAAGCG TGTAGTATTG TTTGTTTTGG 120
GTTTCTTTTT GATTTATAAC TATTTAGTAG TCCCCAGCTA GCTACCAGTA CAGATTTTAC 180
CCCATGGGTA GGATTCTATT GTTAAGCCAC ATAACAAAGC ACACTAATTC TGACANCACT 240
GCAAATGGAA AATACGAACC AAAAAAAAGT TACACCGATA AGTTCANCAA ACTGTCCATT 300
TTTGGATATT N 311

配列番号：4600
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5455
配列：
GATCCTGCCT TTTCNTTTTC CCCACAACTT CACGCCAGNA GTTCGTTCAC ATCAGGTAAA 60
TCTTGAGAAA GCCTTGGTGC CCTCCTCCCC ACCCCCCACT CAGTAACCAC GTGCGTGCAC 120
CCCCGNATCC TTTCTCAGTA GTTAAGACGT TCTAGGCAAT ACCATAGACA CATCTGACTG 180
TGTCTCTNTC TTTGAGTGCA AGAAACTCAA GTNATCTTAA A 221

配列番号：4601
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5456

配列：
GATCAGAGCA GCTACACTGA AGCAAAAACC CCAGCGCCCA ACGCTAAATA TATTGCAATG 60
GAGAAACCGT CCACAATGGG GTGTCTCTGT CCTTAGCAGA GCCTTGGGGC TGCCGTTTAA 120
GACCCTCCTG CTACTCCCAC CCTTTTAGCA TCTAGTAAAC CACGCGCTGT AACAAA 176

配列番号：4602
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05458
配列：
GATCTCTATC ACTTTGCCAC CTGTTTGATG TGCAGTGGAA ACTGGTTAAG CCAGTTGTTC 60
ATACTTCGTT TACAAATATA AAGATAGCTG TTTAGGATAT TTTGTTACAT ATTNGTAAAT 120
TTTNGAAATG CTAGTAATGT GTTTTCACCA GCAAGTATTT GTTGCAAACT TAATGTCATT 180
TTCCTTAAGA TGGTTACAGC TATGTAACCT GGTATTATTN CTGGGNCGGG CTTNTTTAAA 240
ATACNAGNCC NGGCCAANAN AAANTAGGAN CAAAAACCTN GGGGGTTCTG AAA 293

配列番号：4603
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05459
配列：
GATCAGGGAT GGGGATGAGG TGAGGGGATT TGCTAGAAAG GGGTGCAAAG GAATTTAGCG 60
GGTGATGGAG CTGTTCTGTG TCTTGATTGT GGAGTTATTA CAAGACGGTT ATTACAGTTT 120
TGTNGTATTG AATTTTACTG TATGAAAATC ATACCGCAAT AAACCTCACT CACATACGCA 180
CAAA 184

配列番号：4604
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05460
配列：
GATCAAGGAA TCTTTCATGA AGGAAATTTA AATACAGAAT GAAACATTAA NGGTAAAAGT 60
GGAGTAATTA TTTAAATTAT GTGTATAAAA GGAATCAAAT TTTGAGTAAA CATGATGTAT 120
TACATCATCT TCGGAAATAG ATATGATGGA TTCTAGTGAA GACCAAANTT ACTTCTGTTT 180
ACTTTCTATC AGGAAGCATC TCCATTGTAA ATATGTATTT NCATGTTTAT TACAAAGACC 240
CAAATGANAA NTTTTNNGTC CATTTTTNGC ATAGCCTAAT GGTAGACTNG GAATAANAGT 300
TCTGTATTTN TGGGATTTCC NGNGTATAAN NCTGGTTTCT AGNTGGGGCG TTAAGTCCCN 360
TTTGGGTAAA NN 372

配列番号：4605
配列の長さ：279
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5461
配列：
GATCATGTAG GACGCGGCAT CCTGCCCCTG GTAGAGAGGA CGAATGTNCC ACACCATGGT 60
GTCTACGAAA AANAAATAGT TAGTCACCTT CTNACCTTCT CCTCTTTCTC AAAGCCTTCT 120
GTCCCTGGTT TTTGCAAGTN CTGCATTTCC GCCGAGAATC CGCGTTGCCT ACTGCTGCCA 180
CCTCCTGTNC ATTTAGAACT ATGCAAAGAC TCCGNTTCCG TTTTCCTGAG CTCCTNGGGC 240
CCCAGAGTCT CTGTTTGATT ATTTATTTAT TTATTNAGN 279

配列番号：4606
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5462
配列：
GATCGAATTT CACATTGTAG AGATGTATAG CTGTGATTAA GCTGCATATG TATGCTGGGA 60
AACGGCTTGA GTGGATGGCT AATATAAAAG TTGTTGGCCA TAATGCCACA CCTCTCATCT 120
GCTTGAAATA TGGACCAGTA TTCTAAAGTA TCAGCTACTG GGGTCTCATT CACTACAAGA 180
TAANTTCAAA CTTCACAGNA CTTTGCAGCA GTTCACCACC AGGCGGGACT GTGTCTGCAA 240
ACTCNCTTGT CTTCACAGAC GNCTGATTAA NGCNANNNCT CTGGNNTCTC AAAGATNTAT 300
TGGGGAGTGN NGGTTTTNTG GGNN 324

配列番号：4607
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5464
配列：
GATCACAGAC CTAAGGCCCA GGCCACCTNT CCANACCTGG AATCTATGCA NAANTAATTT 60
CCCCTTAACC TGGGAGGCAG CGACACGTGT NACTTCTGTA AGAAACGTGT GTACGTAATG 120
GAACGGCTGA GCGCCGAGGG CCACTTNTTC CACCGGNAGT NTTTCCGATG CAGCATCTGT 180
GCCACCACCT TGCGCCTGGC CGTCTACACC TTTNANTGCN ATGAN 225

配列番号：4608
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5465
配列：
GATCTAAATN CAGACTNNGG AGTTGGGAGG AGGNACCAAA GTGAACCATC CTTCATTTAT 60
TCAGTCATTC GTTCATCTGT CAAACACGTA TTTGGACATC AAGGTTGCAG AGATGAACAA 120
TGCATGGNTT TCATCTTTNA GGAGTTCAAA ACCTAGTGGA GAGANCACAT GGTACAATCG 180
TAACACATGA AGGTCAAGTA AGTNCTGCAG TAAAGGTACT AATAACATGT TCCTTGGNNC 240
AGNAGGATGN N 251

配列番号：4609
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05466
配列：
GATCCAAGTG TTGCCTGTCA GCAGAGATAG GAGTGAAGTT GATGATGATG GTTAGATGGC 60
CTCACAAGGG ACTCTAGTGA TAGTAAAGGT TCCAGTGGCA AACACACAAG TGAAAAGTTT 120
GAATATAGTT TCATAATGTT TGAGAGTGTA AAAAATGCAT TTTTAAATTA ATACATTACT 180
TTCTGTACTA TTTTAAATAA GTGTGTATCT AAATAAACAC ATAANATGTT ATGAGTAAA 239

配列番号：4610
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05467
配列：
GATCATCCTG GCTGGGAGAA GTGGGACCGA GCCACCCAGC TNCACTATCC CCAAGCNGCG 60
CTACAGCCGG GATGGGAGGC ACGTGGCCTC TCTTTTATCC GTCTATTTAT NTTGTAAGTG 120
TATTCGTGTG GAGGAGGTTG TTGCTTTATT TTTTTAAGGC TCTGGAGTNT TGTGTATGGT 180
TTCTTTTCAC ATCNGGGCNT CCCATGGGCA CTTCTAAGAA GAGAGGGGAT TTCTTTGAAA 240
AGGAGAGAGG AATCCCCTAG AGCAGGGGAA GCANTGCCTG CCAGCTNTTG TGCACCTTNC 300
GGGNGAANTT AAATATNCNN NAAATTTTCA AACCAGNGAA AANN 344

配列番号：4611
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05468
配列：
GATCTCTCTC TCTCTCTCCC TTTCCTCTCT CTCTGTTGGA TGCTTCTGTA TCTTTTTCCA 60
CAGCATAATG TCTGGTGTGA TGGGGAGCTA TTTATTGAAA TNAAAGATTA TNTATTTGTG 120
CCATGAAA 128

配列番号：4612
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05469
配列：
GATCCATTTC TGGGATAGAA TTGTATTTTT TAAGTCATTT TTTTTCTTG AAATGGATAT 60
GTACAAATAA AATAAATGGA AGACAGGATA AA 92

配列番号：4613
配列の長さ：130

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05470
配列：
GATCCAACAC ATTCANGTCA GTAGAANCAA ACCAAAACAT GCAAGCTTCA GCCTGNTCGA 60
GTTCTATAGT TGTCACCTAA ATCGTATGTT GTATGATACA TANGGTTATG TATTAGCNCG 120
TAGCCGNGGN 130

配列番号：4614
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05471
配列：
GATCACAGCT NCCCTTGAAT CTCATTGCCT CAGAGAAGAC TAGAGGGCTC TTGGACTATC 60
CCTAGGGCTA CACAAGAATA GTTCAGCCTT CTGCCATGCC ACACAGCCTC AGCTTGAATC 120
TGGTTCATTG CGTCCTCGTG TTCTTCTCTC ATCCTTGCCT TANACCAGGG ATTCTGATAC 180
CGAAGAAGAG GGGCCAATGA AAACCATGGA GTCTGTTCGT GACTCCCAGG GCTGGGACAT 240
TATGTAGGAG CCACTTCATA AACATTCTCT TTACTCAAA 279

配列番号：4615
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05472
配列：
GATCAGTCAT GTGTCCGTAA CCTCGTTCCA TGACATCAGG ATAGCTGTGT TTGCACACCA 60
TGCTCCATGT NCATTCGGAG CCAGGAGGGG TTCTNAGTGG AGCCTGGCTT AGGGAACAGG 120
GAGCGATGGA AGAATGCCAA CATTAGCGTT GGTCTTCTCT TGTNAGGAAT NAAGGATGCT 180
TGCACACATG CACCCCCTCA CTCTCACACT TGCACACATA CACACACACA CACACGAANA 240
TGGTTGGTTT GTCAAANCTC ACTGTAGTAC ATAAAGNTTG CACTCTGNGT NNNNATATCT 300
AGCNGNATGG GGGGTACGNT TTGGGCNGGT GTN 333

配列番号：4616
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05474
配列：
GATCTCTTCC CACCTACCCT ACCTACTCCT ACCCAANACC CCCCTTCCCC ATTAATGTGA 60
GTAATGAATT AGCCTGACCA CAGGTGGTCA CTGTAGGCTA ATGGAAAATA CCCAAGGGNG 120
GGCAAAGCGC CCCATCAGAT GCATGAAGGT TTGCNAATGT TGACTGCCAC TGCCCCACAC 180
ACTGTGTCTT TATAGANTTN CCCTTTGCCN CACCCTCTTC CTGTNTCCAA CCTGGGACAC 240
ANCTTNGCTC AAAGNGCTGG TGGNTTGTGG GGCATTAATC TACAACCANA GTCCTGAATG 300
GAGGCAAAGA GGGCCCCACN GGNTTTGNGG GGNTN 335

配列番号：4617
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05475
配列：
GATCCATTCA CATTGCAAAC TTATCCTACT GTATAGCCAT CCATTGTAAG AATACATTTT 60
TCNATTTATA TTGTGTACAT TACTCCAGTG AACATTCTNN ANCTCCTCTT TTNGTATCCT 120
GTGCAAGANT N 131

配列番号：4618
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05476
配列：
GATCTCAGCT ACGTGGGAGG CTGAGGCAGG AGAATCTCTT GAACCTAGGA GGCAGAGGTT 60
GCAGTGAGCC AAGATTGTNC CAGCCTGGGC GACAGGGTGA GGCTCTTGTC TCAAAAAAAA 120
AAGTCCACAT CTTCATGANC CCTCAGACTC TGGAGTTGGG TGTCGGCTTT TTTAGCCAGN 180
TTTTGTGGGA ATTGCCTTTN NCCTATTAAA GANGGAANGT GGGTAATGGA GTCCCAGCCA 240
CTCANGAGNC TGGNTATCCC CCGAGANTGG CTTGGGTTAC CAGCTATGGA CCCTTGGAAG 300
ATGANTCTAN ATCCTTCTCA CNN 323

配列番号：4619
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05477
配列：
GATCACCTCT CTGTATCCCC CACCCACTAT CCCATTTNCC CTCCTCCTCA GCTAGGGCCA 60
CGCGGCCCCA CATTGCACTT CTGGGGGGTG ACCGACTTCG TACACGGGTT TAAAGTTTAT 120
TTTNATGGTT TAGTCATTGC AGAGTTCTTA TTTTGGGGGG AGGGAAAGGG GGCTAGTCCC 180
CTTCTTTTGG CCCTCCGCCC CCGCAGGCTT CTGTGTGCTG CTAACTGTAT TTATTGTNAT 240
GCCTTGGTCA GGGCCCCTCT ACCCACTTCT CCCAGTAAGT TGTGGCCCCA AGCCCNTATC 300
CNTGTGCTGT GTGGAGTGGN CAACCTGACC CCCGNAAGNG GGNNAN 346

配列番号：4620
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05478
配列：
GATCTTTTTA AGGATAGACG TGGTCTCATG CTTCCTTTGT NCGACTCCGT TTTAAAGGAG 60
CATTGTAACC ACTATCCTCA TCCCTACAAA AATCCAGTGG ATGCACTTCC AAATTACTTC 120

TGTCATTTTG TATGTGTTGT GTTTAGGGNT GCGTAATTTT CACTGGATGN TGAGATACAT 180
GGTGATACTA TGTCAGTTTA TTCTCTGTGA ATATGTCTGT ACATAGNCAG GAAGCTCTAC 240
TTATTTGTNC ATAGGCTGTC TGANGTATGT ACTTCTGTCA CATGGNCTTC ATTCTGATAA 300
AGGGTGTTTC TCCCTTGNTT CACTGTCCAT ACCTTTGTGN NGN 343

配列番号：4621
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05479
配列：
GATCCTTCTG TGCTTGCTTG CATCTTTAAT AAAGACATGT TCCCGGCAAA 50

配列番号：4622
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05480
配列：
GATCCAGCTA GGCTGGGACA CTCCCTAAAT CAGCTGCGTG TTGTTAGCAT CAGGCAGAAT 60
GAATGGCAGA GAGTGATTCT GTCTTCATAG AGGGTGGGGT ACTTCTCCAT AAGGCATCTC 120
AGTCAAATCC CCATCACTGT CATAAATNCA GNGGNAATNG NCTGNACAAA 170

配列番号：4623
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05481
配列：
GATCCTCTCT GTGTAAATCC TGCCCGGTGC TGTNAAGGCT GGACGGTGGA GGACCTGCTG 60
GGGTCTCCTG GNACCCGCCT GTTGCTTCTN CCCTCCCCTG TGGAAAGGTC TATATNACGG 120
GCTGCCTGAG GCCCCAGAAC TCGTCTGTAA ACCACCTTTT CCAGCCAGAG TTCCCAAAGC 180
TGGAACGCTA GCTGCCTGCT CTTCCTTAAG NTGGCCTCCC CCNGACCCGT CANGGTCCTC 240
AGTTGCCAGG GCTGGGGCCA NCCACTGTNA CACTGNGGNN TGCANGANAN 290

配列番号：4624
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05482
配列：
GATCCAGCTT CAGCTGCACA CCTCTGTCCC CTTGGATGGG GAACTAAGGG AAAACGTCTG 60
TTGTATCACT GAAGTTTTTT GTTTTGTTTT TATACCGTGT CTGANTAAAA ATNCCCACNG 120
TTAAA 125

配列番号：4625
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05483
配列：
GATCCTGACC CCAGCCAACA GCTGAGCTGC CGGGCCTCCT CGAGGCCCTA AGCCAGCCCC 60
AGAGGTCCCA TCTNAAGCTG GAGTACCCTG GGGTCAGCAG CAAGAGAAAG AAGNGGAGAT 120
TTTNTGTTTN TTTTTCCCCT CAGCCCTGCC ACCGTGGGGA GTCTGGTTTT TNTCTTCATC 180
CTGTCTCTCT CCTCCTTACT CTTGGATAAA TAAACAGCCT GTGAGCACAC AGGCAAGCCC 240
GGCCCAGTGA AA 252

配列番号：4626
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05484
配列：
GATCGTNACA AATCTNCCCT CCTCACCAGC TAGTCTGGGG TTTCCTCTCC CTGCCCCAGG 60
CCAGAACTGC CTTCTTCATT TCCACCCACG CTCCCAGCCT CTTAGCTGAA AGCACAAATG 120
GTGAAATCAG TAGTCTCGNT CCATCTNNAA TAGACTAAAC CTAAATGCCT CTAGGACGGA 180
CTGTTGCTAT CCAAGNGTTT GGTGTTACCT TCTCCTGGGA GGTCCTGCTG CAAACTCAAG 240
TTCCNCAGGA TGGTCAAGNT GTCANGANAT ACAAGTTTNC ATCAATTGTA ATTATTACCT 300
GGTCTTTNCA ANTTTGCAAN GGNGTTTTGG GNTN 334

配列番号：4627
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05485
配列：
GATCTTCCAT CAGGGCCGGA GTAAATCCCT AAGTGNCTCA ACTGCCCTCT CCCTGGCAGC 60
CATCTTGTCC CCTCTATTCC TCTAGGGAGC ACTGTGCCCA CTCTTTCTGG GTTTTCCANG 120
GGANTGGGCT TNCAAGGTNG GNGTNTCTGT AAAATCAACA GGTAATAAAA ACTGTGTATG 180
AGNCCNGGCA AA 192

配列番号：4628
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05486
配列：
GATCTACAAT NAGATATCAC TTAACACTCA CTGGAATAGA TATATAATCA AAGTGATAAT 60
ATCAAGTGTT GGNGAGGATG CAGAGAAATT GGNACCCTCA TGCACTGTTG GTGGATACCC 120
ACGTGATATN AAAACAAATG TCTACACAAA AACTTGTGCA CAGATGTTCT TTGCAGCATT 180

ATTTATAATA GCCCAAAATT GANACAGCCC TANTTTCTAT CAACTNACAG GTGAATAATC 240
ANAACGTGGC ATATCCATNC ATGGNGTATT ATTCAGCATT ANANNATGGG ATGAAGTACT 300
GGTATGCACC ACTCN 315

配列番号：4629
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05488
配列：
GATCTGAAAT NATGGTTCAA AAAATACATT CATAATAAAA GTCTTAACAA A 51

配列番号：4630
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05490
配列：
GATCAATGCC CNTNTNTCAG TCTCATCTGT ACTCACGGCA GCCCTGTGGA GTACGGTGTA 60
CTGGCCCAGC TTACAGATGC AGAAAGCGAG ACGTTCTGCC ATNAGATAAA GTCACGTGGC 120
TCTTTAGTAN CACGGACAAG GCTCCTCGCC AAGGAACTCG TGGCAGAAGA GGGCAGCAGT 180
TGGCAGTAGC TGCCGATGTC TGTCCCCAGC TNCACCATTC CTCCCTGTGG CTGTGCCATG 240
CTCGTGGTTT CAGTNTCCGT GTGTNCATGT GNCTNCCCTT NAAGAGCTCG CANCTGGTGT 300
GCTTNGGGGG TCCCAGGGCT GTGTAGNGTN TTCTNCN 337

配列番号：4631
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05491
配列：
GATCTGTCTA TTTCGTTCAT CCATAGTTGC CTNACTCCCC GTCGTGTAGA TAACTACGAT 60
ACGGGAGGGC TTACCATTTC TTCCCTGAAA 90

配列番号：4632
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05492
配列：
GATCAAAGGC TCTTTCCTCT TTTGTTTGAG AGTTGGTTGT TTTAAAGCTT AATGTATGTT 60
TCTATTTNAA AATAAATTTT TCTGGCTGTG GCAGAAA 97

配列番号：4633
配列の長さ：320

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05493
配列：
GATCATCGTA TGCAACAGCT GGGTAATAAG ACTGGCATAG CTCAAACTAT CCTGCCAAAC 60
GCTCTCATCT GATTTTTCCT CCCTTCTCCC CCAACCTCCA ATCACCCTGA GTCACCTGTA 120
AATTCATTTG TCATTCAAAG CGGAATAACA AGTTGTCCCT AGCAAAACCG CTGAGCGCTT 180
TATAATTTTG TGGTGTATTT TTGTCAGTAG GTAGCAGAGG CGGAAGTATT TTTTGGTGTA 240
ATTCTTGAAA TTTTCTGACA GGAAACCGGN TAAAGATAGA TGTGTCTGAG GNTAAAAAAN 300
GTTNGGNNNG NNNTGNTTTN 320

配列番号：4634
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05494
配列：
GATCTATGAA ATAGGTAACA TTTGAGTAGG TGTCATTTAA ANATAGTTGG TGAATGTCAC 60
NTATGCCTTC TATGTTGTTT GCTCTGTAGA CATGAAAATA AACAATATCT CTCGATGATA 120
ATTTGTATTA AGTAATCTAT AAGAAA 146

配列番号：4635
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05495
配列：
GATCTATCCA GCTGCTTCCT TGTAGCCAAG AATGTGTTCA ATGAATTGTG ATTCACTGAT 60
TTTATTGATT TTGTTTTAAA ACAGGGAGAC TGGTATTTTT GAAGCTGCTA TCATTTTCTA 120
TTTCTNTATT AATNNCTTTG TAATCATCTT ATTAAAGTTT TCTTATTTAG TGGGAAA 177

配列番号：4636
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05496
配列：
GATCCTCTCC TTGTATGTAA TACCTTTTTT TCCCCTTTCT AGCAAGTACT TTCAAAAGAA 60
CTCTGTACAT TTTAACATAA AAAATAAATT ATGTTGAGCC AAA 103

配列番号：4637
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05497

配列：
GATCCATTTG TAACTACTCT TAATATATGG TACATAGTTT AAAAAATTTN ATTGAGCTTA 60
AAGTGTATCT AGTTTTGTGT CCTAATTATC CTGCTTAACC TTCTATTGTA AGGNTTTNCC 120
ACGTCAATAA ATATTATAAT GTAAA 145

配列番号：4638
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05498
配列：
GATCANCAAA CTCAACACCA TCTTGCAGGA GCAACGGGNT GGCCTTTAAC ATTGCTGAGG 60
CTTTCAAAGA TGTGTCAGAA CCCATTGTAT TTCTGCAACA GATGCAGGAG TTTAGAGAGA 120
AAATCAAAGT AATCAAGGAA ACTCCTTTAC CTCCCTCTAA TTTGCCTGCA AGCCCTTTAA 180
TGAAGAACTT TGATACCAGT CAGTGGGAAG ACATAAAACT AGTCGGTGTG GATAAACTTT 240
CTTTGCCTCA AGACACTGGC ACATTCATTN GCAAGGNTN 279

配列番号：4639
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05502
配列：
GATCAGAGCA AAGAGAAAAG AAAGCATAAG GACACTTACT CAACAGAAGC ACCTTTAGGC 60
GAAGGAACAG AACAATATGT CAATAGTATC TCAGATTGAC CATTTCTGTT ACTTGTCATT 120
TCTACTTTCA GAAACTAAAT GACTTTCAAA TTTGGGTATA GACAATAAAG AACTGAAGTG 180
CTCACTACTC AGTGATTTGG AAATTTTGAT GCTTGTATAA ATGTCAGATA ATTAATTTCN 240
AN 242

配列番号：4640
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05503
配列：
GATCTTGTTA GACACATGAA TGTGTATAAT CATGTTAAAT GCAAATAAAA CTAGTTCATA 60
GAAA 64

配列番号：4641
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05504
配列：
GATCATNAAG GTAAGGACTG GAGTNATGCA GCCACAAACC AAGGAATATC AGTAGCCATA 60

62

AA

配列番号：4642
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05505
配列：
GATCAGTNCT AACCCTGAGC TGGCGGCTAT CTTTGAAAGT ATCCNGAAAG ATTCATCATC 60
TACTAACTTG GAATCAATGG ACACTAGTTA GATGTTTGTT CACCATGGGG ACCATTACAT 120
ATGACCATAC AATGCACTGA ATTGACAGGT TAATCATAAG ACATGGAAAG AGAAGTGTCT 180
AAAAGCTTCA AAATGTTCCA CTTTTTTTTT CCTTCATGGN GACTGTTTGT TTGGCTTTCT 240
TCCATTGTNG TTTTTGTAGC ATTTATTTCA GAAATGTGTA TTTCCATAAT CCAGAGGTTG 300
TAAAACCACT AGTGTTTTAG TGGGTTACAG CANCATTTN 339

配列番号：4643
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05506
配列：
GATCTTCCTC CTTATTTTAA TGCTTCTTTC TCTTTACAAT TAAAAGTTCA TAAAATCTTT 60
CAACATTAAA 70

配列番号：4644
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05507
配列：
GATCAGCCCT AATNATGCTG TGTCCATGAT GCTTTTAATA AAAACAACCC CCACAAA 57

配列番号：4645
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05508
配列：
GATCTCTATG CCCAATATGC TGCCTCAACT CTGAGCTGTC TGCAAGGCTT AGTAAGTATT 60
GAGTGGTGTT TTTTTTTTTC NTTTTATACA ATACCATNTT AACCACATGA GTTAAATAAA 120
TTTGAGAAGT TNTTTTAAAA CAGTGCTTCA AACTGAAA 158

配列番号：4646
配列の長さ：153
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05509
配列：
GATCCCCGGG TACNANTNAN CCATGCAGGC ATGTTTTTTT TNATTTTTGC ATAGGCAATC 60
CATTCTGTAC AGGTAGCTAA CTTTGTAAAC GCTGTGTATT CCCTCTGCCC CCATGGCTGC 120
TGGTGTAAAT AAACTGCATC TCCCGTTGGT AAA 153

配列番号：4647
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05510
配列：
GATCCAGAAG TCATTAAAAG AAACATAAGG CTGGGGAGGC AGGGGGAGTA AGTTCTATTA 60
GAAAATCCTA ANAGCTTAAC AAAACTAGGG TACTAAATTC AGTTATAACA TGTTACAGAC 120
TTAAATCATA GAGCTGCCCC AACATCTAGA CAGTCTCTCC TACTGATTAT AAATGAGTGA 180
AAACTATCAG TTAGAAAAAT CTAATTTAAG TTGTTAATAC ATGTTTCTTT GGTGAGCACC 240
TGGATATANT TATCACAAAT NCTTTTATAC ATATGTCGAA AATGCTTTCA ACAAACCTAA 300
GTGTCCTAAT TACATGCCAC TTTTTTNAGG CTCACTTTAT GN 342

配列番号：4648
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05511
配列：
GATCGCTACG GTTCTAAATA CTGAAGTCAT GATGTGTATT TCCNGGAGAA ATTCCTCTTT 60
AAATGAACAA GTAACCACAT CTCAGGCGGC AGTGAAGTCC AGATAGTTTT GCAGATTGTT 120
TTGCTACTTN TNCATATGGT ATATGTTTCT GNTTTTAAAT ATTNCTNTTG AGAAATTCTG 180
AGTNCTGATG TAGGAGCTTT CCTGTNATNN CTGTTTCACG TTCCTTCCTG TCACACCCTC 240
CTTGTGGCGT CTCTGTGTAT ATCCTNGGCT TTATTTTCTN GGANCCTTGN GATTTCAACA 300
CTGNGGGCCT GGAGACCTCG GCTCCTNCTG GTN 333

配列番号：4649
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05513
配列：
GATCATGAGA AATTACCAAA ATGTCCACCA ATAGAATGAG TGAATCACCT GTGGTATATT 60
TATAAATAAA AATATTAANT AGAAGGTAAA ACAAATCAGA CATACACACA TTAGATAGAT 120
AAATTTAGAG GAAAAAAAAA AAACCATGCA AGNTTCAGCT NCNCGNGTNC TNTGGTGNCA 180
CCTAANN 187

配列番号：4650

配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5514
配列：
GATCGAGGGG GTATGCGTGG GGGAGTTGTG AGTGAGCTCA GCTCCTTTCA GGCCTGGCCT 60
CTCCCAGAAC AGAGTGAAGC CCCTGCCCTG GACCCCTGCT CCCTTCTACC CTTGAGGGCC 120
ACCAATGGAA GAGCCCGCCC TTCATTCTGC AGCTCCTGCG GCCAGGCTGA GCTCTGCCCC 180
CAACTTTGTT TTCTCTCATG TTCTCAATAC ACTCTGCCTC AAATCAAA 228

配列番号：4651
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5515
配列：
GATCTGTAGT TAAGGGAACC AAGGGGTCAT TGGGGCAAAA GCATTGTTTC TCAAAGCTCC 60
TTGATTAAGA GAAAGAACAG AAATTTGCAC AGAAGATAGT GTCAAGGAGT GAGAAAGTTT 120
GTTTGAGGGC AGTAGCTCAG TGTGGAAGAA AATCCTGAAG TTTCTGTTGA AGCCATACAA 180
TGTTCTATGG GGTTACTCTC TAAGACATTC TCTGAGGTGT GTGAGGAAGT CACTACTCCT 240
AGCCTTTGTT AAGATGTAAT TTTAAATATT CAGTTATGGT ACTATGTTTG CAACTCTCTN 300

配列番号：4652
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5516
配列：
GATCAGTTTA TATTGCTCTT AAATGATAAT CCTCAGCTTC CAAGTTTTTG TGAACTCACT 60
TTGGTTTATG TGTTTGCTAC ACTCACTGAG AAATTAAACA CCTTGCTTGA TTTATTGTAA 120
AAAGGAAAAA ACAACAGAGC CATACTTAAG CAAA 154

配列番号：4653
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5518
配列：
GATCTTTATG CTGTTATNAC AGGAGAAGTG ACATACTTTA TATATGTTTA TATTAGCAAG 60
GTCTGTTTTT ANTACNATAT ACTTTATATT TCTATACATN TATATTNCTA ATAATACAGN 120
TATCACTGAT ATATGTAGAC ACTTTTAGAA TTTATTAAAT CCTTGACCTT GNGCATTATA 180
GCATTCCATT AGCAAGAGTT GTACCCCCNC CCCAGTCTTC GNCTNCCTCG GGNTTAAGCT 240
GTTTTATGNN 250

配列番号：4654

配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5519
配列：
GATCCCCACC CCAATTCAAT CCCGGAAGGG ACTTACTTAG GAAACCCTTC TTTACTAGAT 60
ATCCTGGCCC CCTGGGCTTG TNAACACCTC CTAGCCACAT CACTACAGTA CAGTGAGTGA 120
CCCCAGCCTC CTGCCTACCC CAAGATGCCC CTCCCCACCC TGACCGTGCT AACTGTGTGT 180
ACATATATAT TCTACATATA TGTATATTAA AACTGCACTG CCATGTCTGC CCTTTTTAAA 240

配列番号：4655
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5520
配列：
GATCCAAATA GTCAGAAAGA AAGGAAGGAA GTGCTGGTAA GAAGGAAGGG AGGAGCGTAT 60
CCTAAAGAAC TACTCCCAAC TATACAACTG TTGTTTTCCT CCCAATTTTC CTAGGGATTC 120
CTCATAATTA TCTCCTTTCT CTTCATAAAT TCTACTTACT GACCTGAAAT AAAATTTCTC 180
ATTTGGTTGT CCTCAAGGTG CAGAATATGG ACTTAAGGCT CCTCCAGACA ATTCAAATGT 240
ATTGTAGACA GTTAAGNTAG AGTAAAACTC ACCGTTTTGT CCCACTGAAA 290

配列番号：4656
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5521
配列：
GATCGACAGG CATCCACAGT TGAGTATCTC CCAGGCATGC TACATTCAAA TTGCCCTAAA 60
GGTCTCCTAC CCAAATTCTC CACGCTGGTC TTNGGTTAAA CTAGGCCCTG CTAAGTCTTA 120
TAACTTTCAT ACAGGTTTGG ACCAACAGGG CTTTATTCCA GGANCAAATT ATCTTATGCC 180
TTGGGACATT GNCATCAGGA CTAGAGCTGN AGATGAAGGA GACTTAGACA CAAACTCTTG 240
GCCTGCTCCA AATAAAGCTA TTCCTNGNAA GAGNAGTGCG GTTGTAATGG NTAAGAGNGN 300
AGANCGGCGA GATGACATTG NTCGAGCTTN TNNTGGNCTT TGAATATNGA AGTCN 355

配列番号：4657
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5522
配列：
GATCCGCAAA CGATTAATTC TGTCAGACAA AGGGCAGCTG GATTGGAAGA AGATGTATTT 60
CAAACTTGTC CGATGTTACC CAAGGAAAGA GCAGTATGGA GATACCCTTC AGCTCTGCAA 120
ACACTGTCAC ATCCTTTCCT GGAAGGGCAC TGACCATCCG TGCACTGCCA ATAACCCAGA 180
GAGCTGCTCC GTTTCACTTT CACCCNNGGN CTTTATCAAC TTGTTCAAGT TCTGGNATCC 240

CAGCACATGA CAACACTTCA GAAGGGTCCC CCTGCTGACT NGAGAGCTNG GGAATATGGC 300
ATTTGGACAC TTCATTTGTT AAATTAGTGT ACATTTTTAA ACATTGGGTT CGGNNAACTT 360
TCAGNGGTNA GGTCGGNGNN TN 382

配列番号：4658
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5523
配列：
GATCATTAAA AACTTAAAAT ATATTTTATT AGAAAACATT TATCTATGAA TGAATATTTC 60
CTTGATGCTG GTCTCTGCAC ACATATGCTT GGTTACTTGC ATGCATTCAT TGGTTGTTCA 120
ATAAGTGAGA TGATTACAGA TAACTTAATA CTGTATTTNC CTTATATGGA AAACCGTTAT 180
AGACCCAATA ACAACTAANC CTTTCAAAAG AAANTATTTN CTATTATGAN TGTTGATTTT 240
CATACCNAAG AAGATGGAGA GTCTAAAATT TGGGNTATGG ATNCTNGATG GNNTTTTTAN 300
TNGGNAAGCC TTCTTNCAAG TTTNAN 326

配列番号：4659
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5524
配列：
GATCAGCTTT GCAGTAGATT ATGCTGCATC CTCGTGGCAA AATTCTGTAT TCTTAGTGAT 60
TGTTACAAAC CCCTTTATTG CTGTCTGAGA AAGTGAAAGA TTGTGTATTT CTATTAAAAC 120
ATTTACAATC AAA 133

配列番号：4660
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5525
配列：
GATCAACATC CGGAGATGGA TTTTNCCAAG GCTAAATTCA ACTAGCCCCT GTTTTTTCCT 60
CCCTGAACTC TTGGGGCTGA GCTGCAACCA CCCAACTTTC TTTCCCACTC TTCTCTGGGA 120
CTTGTGGGCC TCAGGGCTTG GGGCAGGCAT GGGACTGGCC CAGGCACACA GGTCCCGGGG 180
CATCAGGAGA AAGGCTGGGT CTTGGGACCT TGTCCTCCCC AGTTGGCCTA CTGTTACACA 240
TTAAAACGAT TTGCCCAGNT CAAA 264

配列番号：4661
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5526
配列：

GATCACCTNT TCCCTTCAAT CCTTGTGGCT TCTGGGAATC TTCAGAGCCT GGGTCTGAAA 60
GGTGTTTCCT ACATGTCTCA GGGCTGGATG CAAACCTGGC TGGGGACCTG AGCATCAACT 120
CCCATTTAGA ATCAGACATC TCCCTTCCCT GCAAATTGTC TACAACTACC AAATTGCTCC 180
AGGTTTGAGA TGGTATTGCT AAATTTAAAA TTAAACAAGN GACCCANCAN CAGCTTTTTA 240
AAGTGTCTNC TATTTCATNN GTATTTTNNT NAACCTTGGC CCCANTTGNT AGAAAAGTCT 300
TTTGCNGAAA TGNATTTNN 319

配列番号：4662
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05528
配列：
GATCAAAACA GTGTGGTGCT GGCAAAACAA GAGACATAAN TCAGNAGAAG AAAGAGTCCA 60
GAATTAGACC CACACACATA TGGACAATTG ATTTTTCAAT AAGGGCACCA AAGCCATTCA 120
ATGTATAATA GAGAAGACAG TTTTTTTCAA CAAACAGTAT TGGANCAGTT GNNCNNNTAC 180
AAAAAGTAAA CTTCANCCCA TACCTCACAC TATATCTAAA ANTTAGCATC AAATGGNTN 239

配列番号：4663
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05529
配列：
GATCTATTTA GTCCTACAAA TCAGGAGTGG TGTAGAGACA TCCAAATTTA AAGAAAAAAA 60
AACACAAA 68

配列番号：4664
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05531
配列：
GATCGAGTTT TAAATTGATA GGAGGGAACA TGTCCTAATT CTNCTGTCCT GAGAAGCATG 60
TAATGTTAAT GTTATATCAT ATGTATATAT ATATNTNCNC TATGTATATA CATATATNTN 120
AN 122

配列番号：4665
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05532
配列：
GATCAGGGAC GGGGCTGAGC TGGAGAGTGT GCAGGATTGA TTAATGATGT CTGCCACGGT 60
CAGGCCAACT GCTGTGTTTC TGGGGCCCAC AAGCTAAAAA TGGTTGGAAA AAAATCAAAA 120

CATTAATATT TGTGACATAT GAGAATGCTA TGAAAGTCAA CTTTGCTATC CATAAATAAA 180
GTTTTATTGA CATAAA 196

配列番号：4666
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5533
配列：
GATCAGATTG CTCAACTCCA TTATAATTTG TTTCCAAACT AATCTGTTCA GGCAAGATAA 60
AGATATAAAT GTGGATTGTT GCTGAGGTTA AGTCTGGTCA GATTTTNCCA NTTATGCTTG 120
AAAAGTAACC ATATTTCAAT CAAATATATA ATATGTATAT NTCATAATAA TATANGCAAT 180
ATTAGTCTCA TTATTAATTC AAAANTCTCA TCTATATTTC ANCACTGTAG AACATTATTA 240
NNTGANTAAN TGACCTATAA NTATTTGGTG CCTGANGAAG TCACTTTGCT ATTANTNATA 300
CGGTGTAGNG TGTGGN 316

配列番号：4667
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5534
配列：
GATCTCAGGG AAGCCTGGGA GTCCCTTCTC ACCCCTCAAC CTCCGGAGTC CAGGAGAACC 60
CGTACCCCCA CAGAGCCTTA AGCAACTACT TCTGTGAAGT ATTTTTTGAC TGTTTCATGG 120
AAAACAAGCC TTGGAAATAA ATCTCTATTA AACCGCTTTG TAACCAAA 168

配列番号：4668
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5535
配列：
GATCATCCCA TCCTTGACCA CAGGGACAAG AGGGGCCCCC TCGCCCCAGC CCCACCCCAC 60
ATGGAGCTCA GGGGGAAGCA GGGAGGGGTT CCCAAAAGAG CCCTGCGGAG GCTAGGAGTG 120
GTTCTTGATG CTCACCTGAA GCCCCTAGAC GCTGCTAGGA GGGGGGGCCC TCCTGGGCCC 180
NAAATACCCN TCCGCTTGCC GCTGCTAGCG NACCCCTGCA GTCCAGCGTG CATCCACCCC 240
ACGNACGTCC CGTGCTGTGT TCCTGGGCCN TGTCCATGGC CTNAATAAAC TCTCTGCTTG 300
GGTGTGACAA A 311

配列番号：4669
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5536
配列：

GATCGCAAGC TGTTGATGCA CAGGCGTCTT GTTGGCAAGC CCAGCTTCAG TTTATGTTAG 60
ACAATCAGTA CACATGCTGG TGTGTTTTCC AATGGCCAGT NATAAGAAAT TAAATAAGTA 120
TTTGTGAGAT TTGCTATTTT TTAATAAAGT AATTNTTTTA AATTAAA 167

配列番号：4670
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05538
配列：
GATCTCATAC TTGTATAGAG TAATAACAAC AGTTGTACTT CCACCAAAGG CATGTGGCAT 60
ATTTACCAAT GTCATGTATT CTGAACAAAG GCAAAAAATA CAAATTCCTA CCATTAAA 118

配列番号：4671
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05539
配列：
GATCCTTCAA ATAGGCCCTG AGATGTGAGG TCTGCTGCTT CACTGGGGCC CGATGACTTT 60
GGCTGGGGGA GGGGGCCTAG GGCTCTNCTC ATTGAAAGCT CTGCTTTATA CAGACCCAAG 120
CATACACACC AGGCCGTCAC TTTGGGTTCT GGCATAAGTT CAGAACAATT CAAGTCCATG 180
TGTCCCATGG CTGGTCAGAG CCCTGGGTCA AAACCACTCA GCCCAGGGGA GGGGATGAGG 240
CATTGTCACC CTAGACCCCT CTTCCTCTCT CCCNCACCAT AGTGTGCAAT AAAGTGTCTG 300
TTCTTACCAA A 311

配列番号：4672
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05540
配列：
GATCTTGTCA GAGCTGCACC TCTCTGTGAA CTGGCCATTC CTTTCGGTGC TGCTGTCCTT 60
TTTGGGGGGG TTCCTGATTT CTGTATACAT GTAGCTTTGC CAGATATGTA CTTAGTAATA 120
TAAACTGTAT TAATAAAATC CATTTACTGT GTAATACACG AGTTTAAAAA TTAAGAGCGA 180
TTAGCTGTTC ACTTTGGTAA CAGGTAGTTA AGTGTCACAC AAGGTGTTGT TGCAATGGCA 240
TGACGGTGAC CTGTTGGNGG NACTAAGCCT TACAGCAAGG CATGTGCCGN ACGTGCTCCG 300
TGGTACTTAG AGCCCTGGGG GCCCCGNTCG GACTCCGN 338

配列番号：4673
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05541
配列：

GATCTGTTTA CAAGGTTTGT AGATACTTTT TTTGTTCCTG TTCATAGATG GGAAGCTTCC 60
TTATAACTGA TGCAGAGAAA AATTAGTCCT TCAAATACTG CTGTATTTTC AGGAAAN 117

配列番号：4674
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5544
配列：
GATCAGTGTT GCTAGTAGCT TGGCAGCTCT TCATAAAAGC ATATTGGGTT GGNAAGGTGT 60
NTGCNTATTT TTCAAATNAT TTAATAGATG TNTGGTACCA TTTAAAAGTG GTTGTGTCTG 120
AATTTACTGT GGGGATAACA TACACTGTAA TGGGGAAAAA TTACCTAAAA CCAATTTCAA 180
AANGGCTTTC TNTGTATTTC AGTTTAAAAA CCCAGTGCAT GATNCGCCCT CTGGAGATGC 240
AATAAACNCC TTNGTGCCAA AGGNGATTGC CNGNGGAGN 279

配列番号：4675
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5545
配列：
GATCTGTAAT AAAATAGTAT ACTGGACTGT GCATCAAAGG GATGTAAAAT TACAGTATTC 60
CAAAGGTTGA AGTTCTGCTG TTTTGTTATA ATGCCTGATA CACATCTTGA ATAAAGTCTT 120
AACATTTTNC TTATAAA 137

配列番号：4676
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5547
配列：
GATCATAAAA ATTAAAATGT GAATGTCAAC AATAAAAAGC AAGACTATGA AAGGCTCAGA 60
TTTCTTGCAG TTTAAAATGG TGTCTGAGGT TGTNCTATTT TGGCCAAGTC TGTAGAAAGC 120
TGTCATTTGA TTTTNATTAT GTAGTTCATC CAGCCCTTGG GCATTGTTAT ACACCAGTAA 180
AGAAGGCTGT ACTCAAGAGG AGGAGCTGAC ACATTTCACT TGGCTGCGTC TTAATAAACA 240
TGANTGCAAG CATTGGAAA 259

配列番号：4677
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5548
配列：
GATCATCATG ATGAGTTTTG CCTTATGCCT TGAATCTTNA GGTTAATAGT CATAAAATCC 60
CTGCTTTCTA AATTCGCATT TTTCCTGGTG TACCNTTAAT GTGAACNTTT TGGCATTCTT 120

CTGCAATNTT CTGATTGGAG ATTGCATTTT GACCTAGTCT GTAAGTTTTT CTGTCAGAAG 180
AGGACTTTCA TCAACTTTCA NGGNAAGATT GTTTATTGGC ATACTGTAAA GTTAAGTNAN 240
GCANTTTNAA AGTNGTCTAA A 261

配列番号：4678
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05551
配列：
GATCCGATTT TACCTTGGAC CCCTGCGTCT TGCCCCTGGG AACCCANATG GGGACTGCTC 60
TGAACCTTTG GATGACATNT GTGGCCCCGG AGATGTTCTC AACCCAGGGG TGCCCTTCGT 120
AAATGTTNCT CCATCCTCAC TGTACCAGGA GTGTGTGAAT AAACACAGAC CCCCTCTGTG 180
AAA 183

配列番号：4679
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05552
配列：
GATCCCAGTG ACGTGGAAGT CATCAGAACC CCACGGTACT TTGAGTACCT CTCTGCACCA 60
AGATAGCTGA CTGNTTTTCT GCTCAGTCAC AATTTTACTT GNAAGCAAGN ATTGTCCTAG 120
NTCCTNTTCC ATTATTCCAA AACGTTTAAC GTTCAAAGCA GGGTCTCATT AAAANCCCAA 180
CTACTGGTTG ATATAATTGA GATATTACAA TTTCAGAATA AACATTTGAT TAAA 234

配列番号：4680
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05553
配列：
GATCAGAATC TTCAAGAATC AGTTAGGTTC CTCACTGCAA GAAATAAAAT GTCAGGCAGT 60
GAATGAATTA TATTTTCAGA AGTAAAGCAA AGAAGCTATA ACATGTTATG TACAGTACAC 120
TCTGAAAAGA AATCTGAAAC AAGTTATTGT AATGATAAAA ATAATGCACA GGCATGGNTA 180
CTTAATATTT NCTANCAGGA NAAGTCATCC CTATTTCCTT GTNTTACTGC ACTTANTATT 240
ATTNGGTTGA ATTTGTNCAG TATAAGCTCG TNCTTGTGCA AAATTAANTA NATATTNCTC 300
TTACCTNATA NCANAN 316

配列番号：4681
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05555
配列：

GATCATCCTG GAATCCGACT CTGTCTCAGC TCAAGGGGGT TCNGAGATTT CCTAAGCTAG 60
CCCTCTCATT TTACAGCTGC AAAAACGGAG GCCTGTTAAT TCAGTCATTT TATGAAATCC 120
TTTGAAATTT TTATTGAGCT CTAATTGTGT GTGAAGTATT ATGGAATGCT TCTGTACTGG 180
AATGCATAGG TTGAACAAGA CAGAAAGGCC CAGATGGCAG AAGTTCAAGA NCTTTCACCA 240
ACCCATATAG NGAACCTAGT AATATTAATG ACTAATGTTA ATGGANTCCA TGCTTTGTTA 300
CGAN 304

配列番号：4682
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05556
配列：
GATCAAATCG GAGTACTTAG CATATCTATC ATCTCGTGCA TTTATCATTT CTTTGTGGCG 60
AGAACATTTA AAAATCCTAT TTTCTAGCTA TTTTGTAATA TACACTACCT TACTGTTGCG 120
AACCATAGTC ACCCTACTGT GCAATAGAAC ACCTGAACTT ATTCCNCCTA TCTAGTTGTA 180
ACTTNGTACC CATTGNCCCC CCNTCCCTNC CTTCCACTCT CCCCTCCCCA GNCTCTGGTA 240
ACCACTGTTC TGTTCCCTAT GAGATAAAAC TTTTTTTGNC TTCCAAA 287

配列番号：4683
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05558
配列：
GATCTTTTGA AGATTGCTGG AATACTGGTG TCTGTTAGAA TGCTTCAGAC TACAGATGTA 60
ATTAAAGGCT TTTCTTAATA TGTTTTAACC AAAGATGTGG AGCAATCCAA GCCACATATC 120
TTCTACATCA AATTTTTCCA TTTTGGTTAT TTTCATAATC NGGTATTGCA TTTTGCCTTC 180
CCTGTTCATA CCTCAAATTG ATTCATACCT CAGTTTAATT CAGAGAGGTC AGTTAAGTGA 240
CGGATTCTGT TGTGGTTTGA ATGCAGTACC AGGNTTCTCT TCGAGCAAAG TAGACCTN 298

配列番号：4684
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05559
配列：
GATCCATCTT CCTTACACTC CTTCCAAAAT AATGTTAATA CTCTGTCTAT CAAATGCTTA 60
CAGTGTTCTC TAGCACATAT AGGGTAAAGT CAAAGCTCAT TAGCAGGGCA TAGGAGGCCC 120
TTCATGACCA GCCTNACCNG CACCTCTAGC TACATCTCCT ACTGNGNNCA CCTCCACATT 180
TACCCTTCGG CATGCCAACC TGCTTATGGT TACGGGGCAC AGCTTGCTGT TTTGGNTNNT 240
GTGCCTCCCN TTGTTTTGCT TCCTGNTGNT GAANTNATGN TGGGACCATT CTTGTGN 297

配列番号：4685
配列の長さ：120

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05560
配列：
GATCAGATTC ACTGTTTCAT CATATTTATT GTAATATATT TTTTGTTTTG TAAATATGTT 60
ACAACAAAAT GTGATTGGTC TAAAATATTT GTAATGTATA TTAAAAGGTT CAAAAATAAA 120

配列番号：4686
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05561
配列：
GATCAGAGGA GTTCAGGGAG ACATACATAA AAATGTTAAT CACGGTTTTC AAA 53

配列番号：4687
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05562
配列：
GATCGCCAAG TGCAGGCACG GCATCGCATC CCCAGGTGTC ATCCTGTGAC CCAGGAGGGG 60
AAGATGACAC ACCCAATTTA GGTAATGCTG CACTTCTNGT TATAATTGGT TATTGGAAAA 120
TGTGCCTTTA TTATCAGAAC AGTGGTGTGC GCATTTCTGA TTATGGAGCT AACTTTTGGA 180
TATCTGACTT AGATACTAAA AACATTTGGG TGTTGCAGTT TTGCACTTGT AGATACAACT 240
TAAAAGCATG AAACTGGTGA TTTAATTAGA TGTTTTCTAT AAAATGCACC TTGTTACATT 300
TCTGTGAAAG GGGTCTTACC AGCGTGGAAT AACNTGGCTC AAGGGTTTGA GGGGANCANC 360
NGN 363

配列番号：4688
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05563
配列：
GATCCACGTG TACTGGCACC TCAGAAGACC AAATCATGGN CTGTACAAGT CTCTATACAA 60
TGTCTTTATC CCTGTGGGCA GNANGCAATG ATGATAATGN CAANCAGGN 109

配列番号：4689
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05564
配列：
GATCAGAAAG CATTCAGTCC AGTCAGAATT CAAGGTGGGA AAAGTAGGTG TATTTCTGAN 60

CCATTTGGGA AGGAAAATCA TTTTTCTGAA CANCACTACC TGCATTTCTG TTTCTGCAGA 120
CAATCAAAAA ACAAACCANT AAAANTAAGT AAGTGAANGA AAGGCCANTT AGCATTATTC 180
ATTTGCCTTA GGTTTACAGG GTCACAGATT CATTAGCTTA ATTACATCCT CATTTTGGNT 240
GCCAAAGAAT GGAGCAAGAG CANTCAGTAT TGCTANCTGG CTCTTGCTTC TTCTTCCTGG 300
GTTTGTTTTG GTTTTNCAGA GAAACAGGGA AGNGAGGGCA TTNGCNNAGT ATAATTGGTN 360
TATAGGAGN 369

配列番号：4690
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5565
配列：
GATCATAAAT GTACTTGCTG AATTCAATCA TTTTTAACAA GCCAATAAAG TTTGATAATT 60
CATCTCCAAA 70

配列番号：4691
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5566
配列：
GATCCTCAAG GCCTTGCTCT NCCCCGTGGA GACGCTTGCT CGGATGAGCT CAGGAAACAG 60
TACCGGCTGC GTGGCAGGTC TGGGTGTTGT GTGCGAGGAC GTGGCCTTTG CACACCGCTG 120
TGTTCTCAGA GGTCCTTAGG AGATATTTTT TTTTGTCTTA GGGGGACTGT NTTAAGTTCA 180
GACAAATCAN GCTGGGTGTG GAGAGAGTCT GAAATACGTC AGTGAAGTAA GTAGCAGTGA 240
GCGATTGTGA ATTTGNANTN TAAATGGAAA ACCGGGTTTT TACCGGNGTT TTN 293

配列番号：4692
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5567
配列：
GATCAAACTC TTCATTGAAG TACTCATNAG GCGTGATGGC TGTGGGGTTG TTTGCAGTAG 60
CACATTNCGT GGTGAGGTCC TGCTGAGCCA GNACTCAGGA GAGTCAGAAA TGCCAAANNN 120
TGTTCACAAG TGAAGGCCTG TGGCACTCAG TGTCTGAGGT GGACGTGTTA ACCAGCTAAA 180
GACCGGGAAG TTCTATTCAC TAACTTTTTT GCATGGAACA AGAAAATCTA TGAGGATATC 240
ACCAAACTAA A 251

配列番号：4693
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5568

配列：
GATCCATCTT GCTTTTGCCT TATATAAAGA CTACAGTTAT GGAAGTNTGG AAAACTGTGG 60
CTTCTCAATA AATATTCAGA TGTCCTAAGA NTATAAA 97

配列番号：4694
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05570
配列：
GATCTCACAA AGTACAAAAC GAATGCCTTT CTTTTCTTGT TTATAATGGT CACTCACTGT 60
GTTTGGTTAC TGTCAAGAAA TCAATAAATG TGTTTAACAA GTTAAA 106

配列番号：4695
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05571
配列：
GATCAGTNGA TATTAAGATG AGATTACAAA TTTTNTTAAG TTCAGCCATT ATTACTTTTG 60
GTATCCCAGA ACATGACAAA TTATGAATAA AACAAGTATA CATAAA 106

配列番号：4696
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05572
配列：
GATCCATAAA ATTTTATTAA TCAAGATATC ATATTAAAGT ATTATTATAT TAATTTATGA 60
CACCAAATTT TTAAACCAAT TTTATGTTTT TCCTTATGTA TCATTATAAA CCCTATTGCA 120
TTTTATAAGT AATANANTAT TTTNAGAAA 149

配列番号：4697
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05573
配列：
GATCGCGACG GCTGGTTTGC ATCGCCAGCT TCTATATATT ACGGCCTTTT TTTTTGCTGG 60
ATATTATCTT GTAAAACGTG AAGACTACCT GTATGCTGTG AGGGACCGTG AAATGTTTGG 120
ATATATGAAA TTACATCCAG AGGATTTTCC TGANGAAGAT AAGAAAACAT ATGGTGAAAT 180
TTTTGAAAAA TNCCATCCAA TACGTTGAAG TCTTCAAAAT GCTTGCTCCA GTTTCACTGA 240
TACCTGCTGT TTCTGAATTT GNTGGGGCAT GTTTCTTATG GCANTTGGAG GCTNATTGNT 300
AATNTGTATG TTGGCACCTT GTNATTAAAA TACGGGGCCA TGNNANAAAA AAAAAA 356

配列番号：4698
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05574
配列：
GATCCACCTG CTTTGGCCTC CCAAATGTTG TGTCTTTTTA AAGTATCTAC AGTAACCTTG 60
TATCAACTTA GTTTGTCAGT CTATTAATAC TAAATTTAGC TCCTTCAAAG CAGTTGGAAC 120
TATGTGCTAC ATAAATTTCA GTTTCACCCA AGGGAAGAAG TGAAATTAGT GAATAGACAG 180
TTACAGCAAA 190

配列番号：4699
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05575
配列：
GATCCGNTCC CAGACGGCCT TGGACTGCTT GCATTTCCCC GGAGAAAAAG GGGTTAATAA 60
ATGGGCCATC CTTTCCTGAA A 81

配列番号：4700
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05576
配列：
GATCACTGTG GGGTCAAGAA TGTCTTACAT GTTTTATTCA TCATTCTTGA NGGAAGAAAT 60
AATTCAAACC TTGGAATTAA AAAGTCAAA 89

配列番号：4701
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05577
配列：
GATCTTGGCA AGAAACCCTA ATCTCCCTCC AGAAACAGTG GACTCTCTAA AAAATATCCT 60
GACTTCTAAT AACATTGATG TNANGAAAAT GACGGTCACA GACCAGGTGA ACTGCCCCAA 120
GCTCTCGTAA CCAGGTTCTA CAGGGAGGCT GCNNNNACTC CATGTTACTT CTGCTTCGCT 180
TTCCCCTACC CCACCCNCCG GCATAANGNC ANACCAATCA ACCACGACAA AGGNAGTTGA 240
CCTAAACATG TAACCATGCC CTACCCTGTT ACCTTGNTAG CTGCAAAGTA AACTTGTNGC 300
TGNCCTGCAA A 311

配列番号：4702
配列の長さ：94
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05578
配列：
GATCTCTCTT GCACGGGCCT TGCCAAGGCC CAGGAGGGAC TTGGGCAGTA TGTTCATGTG 60
GTCATATGTT TTTGTAAAAA ATTGTGAAAG TAAA 94

配列番号：4703
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05579
配列：
GATCCGAATC CGACTGTGGG GGGCGGGCTG GGAGGTGGGA GCCGCGTCTC AGGCCCGGCC 60
GTTATCAAGG CCCCTCCGCC CCCGAACCCT GGGGAGCTGG ACCAGGAGGT GGAGGCTCAG 120
GGGACCCCAT GGGGACAGGC AGAGCTGGTC TCCTCCCAGC AGACGGAGCC AGGACGGGCA 180
CAAGAGTCTT GGAGGTTTGC GTGTTTCTGC TAGAATTAAA AAGTTAAATT TAAAAATGAA 240
AATGNAAA 248

配列番号：4704
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05580
配列：
GATCAGCAAA GTGAGACAAA AGAAGATACT TCCCCAAAGA AGAAAAAGAA AAAATTGAGG 60
CAGAAA 66

配列番号：4705
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05581
配列：
GATCGGGTCT CGGAAGGGAA GTAGCCATCA CACCATTAAA AAGCCTGTGG ACCTTTAAAG 60
GNAAA 65

配列番号：4706
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05582
配列：
GATCTTCTTA GGACATCTTT TTTAAAAAGC TGTTTAGTAT CATTTTGTGT ATATTGTTGA 60
AATGCTTTTT CATCAATAGC AGTCANCATT TTATCCTTTC TTTTTATATT CATAATGTTA 120
TTTAAGTGTC ATTGATGTAC TGTATTGACT TGGGGTTTGC TTATTTGTTA CTTAACATGT 180

GTACATGCAT GAAAGCATTT TTNGTTGTTC CCTGATAGTT ACATTTCAAC CTTGGGATTT 240
TNCCAAATNA CTTAAGANGT TTAATGTCAG TNAAAGATTT TNTTACCCTC NTTTTGGGAA 300
CATCAATN 308

配列番号：4707
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05583
配列：
GATCCGGAAG ACCACGGCCA GCCAGGTGTA CGAGACATTG CTCACCTACA GTGACGTCGT 60
GGGCGCGGAT GTGCTGGACG AGGTGGTGAC TGTGCTCAGT GACACTGCGT GGGACGCAGA 120
GCTTGCAGTG GTGAGAGAGC AGCGCAACCG TCTGTGTGAC CTTCTGGGCG TACCCAGGCC 180
CCAGCTGGTG CCCCAGCCTG GTGCNTGCTG AAGCCAGTCC TTGGAGCCCA TANCTCACCC 240
CTGCCTGGTG AGGATGTCTT GTTTCCTGAG GGTAGGCCGG TTGTGGAAAA GCCTCANNAC 300
NAGTGNTGCC TNNAGGCTGN GAN 323

配列番号：4708
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05585
配列：
GATCTTCCTT TGGAACCAGG CACATTTGGC CCCTTCTCAG TGACTGCACT GTGGAACTCT 60
TCTTAAGAAA ATATTGAAAA CAGCTTAATG CTTTCATATA GTGACCGACA TTTAGTTGAA 120
AACTACTGCT GCATAGCAAA TATTGTGACT CTTCATGTGT CCACAGGAGC TCTTGTGTGG 180
GTTTAAAGCT ATGAAGTGTA TTCACATTGT GAAGTTTTAA TTATCTTTAT TGAAATTAAT 240
TGTGTAAAAA TGGTATGTGC TCTATTAGGT ATTCAGTTTG TATGTGAATT CTATAAAGAA 300
TN 302

配列番号：4709
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05586
配列：
GATCCCTCTC AGCTACTGGG AGCTGCTTTG TGCCTTGGAA GCCTCAAGCT GAAATGGATG 60
TCAGCCTCAA GTTTAACTCC AAGAGGGTTC ACCTTGTTTC TTTGAACAAA ATGTGCTGCC 120
TGTTGCTTCC CTTTGCCAGG AGTGGTGTTC CCTTTTCCAC AGGTCTGGAC CACAGTGTCT 180
CTAGCTCCCG CTCCTGGATA CTTGGTTACT GTGTGTTTCG GGAAAAAAGG ATNCACAACA 240
TGAATATNCA CTAAGCTGTA ACAGGGGCCT GCTGCANCTA TAGTATTTCC TGAAAAAGTA 300
TN 302

配列番号：4710
配列の長さ：161

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05587
配列：
GATCTTGCCT CTTTCCTCCT TCATGAAAGC AGCACACATT GTGTTAACTT ATGTCTCTTG 60
TTAAATNAGC TTAATGTCTT TGTGTTTTGT CCAAAACTGT ATTGNNNNAA TATTGTTTAA 120
TGCAAATNAA GGAATGCAAT AAAGAGTAAA TATACTTGAA A 161

配列番号：4711
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05588
配列：
GATCAGAGCG TGGGAGGAGG TGGGGGTGGA CGTCCATCCG GTGAACAGTG AAGGCGTTTG 60
TGAGGTCTTT CTGGTCCCAG CATGAAATAA AGCCTTGGCC TGGGGGCCGC TTCATTCAAA 120

配列番号：4712
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05589
配列：
GATCTGGCAG TACCCAGCCC TTGTGTGTGT GCGTTANTCA GCACCTGCCC ACACTGCGAG 60
CCCCCGTAGG ATGTGCCTTG TCCTTCCCTG TTTCAGCACT TAACACACTA CCTGGTACAG 120
AGTATGTAGT GGGCATCTGT TGAATGAATG CTTTTCCCAG TAGCAGTGTA TTCATACAAT 180
ATTAATATAA TTGTCCCCTG GCTTACAGAT ANAAATGAAA GCATCAAGTG CCCAGTTGAG 240
TGAGACCCAG GTGTTCTTCC TNCACCCCTT AGTGGTTCCC CTGGGGGCAG NTCTTTN 297

配列番号：4713
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05590
配列：
GATCTCTGCG CTAGGTCGTT TACCGCTATT TATTTTTATG GGGAAAATAA AACTCTCAAA 60
AATGAAA 67

配列番号：4714
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05591
配列：
GATCACTAGA TGATTCTAAC ATCGAAATAA ACCTCTTTTT ATATGGCAAA 50

配列番号：4715
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5593
配列：
GATCTGGTGC GTGTGGCCCT GTGGGAGTCC ACTTTCCTCT CTCTCTCTCT CTCTGTNCCA 60
AGTGTGTGTG CAATGTTCCG TTCATCTGAG GAGTCCAAAA TATCGAGTGA ATTCAAAATC 120
ATTTTTNTTT TCCTCCTTNT CAATGTGATG GAATGAACAA AAAGGAAAAA ATTCAAAAAA 180
CCCAGTTTGT TTTAAAAATA AATAAATANA GCAAATGTGC CANTTAGCGT AAA 233

配列番号：4716
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5595
配列：
GATCTTGCCT TGAGGAAGAC CCAGGCCATG TTCCCAAAGG NCAGCGGGGG CCCTGGATTG 60
TAATGCAGCC TCGGGACAGG GCTGAGGCCT GCGGGGGAAG ACCTATACCC CACGACTGGG 120
CCTGGNTTCA CCTCACCCTA ATCCCCCGGG AGGAGCTGAC TGATGCAAAA AGCTGAGGNN 180
GCCTGCTGGG NNGTGGCTGT TTTNATGNCC CAGCCCCGNN AAGTTGGGGA GTGTTTGTGG 240
GGGTNCAGAG CCCTNCCCCA GNCAGGAGAG AACCTTCCTN TN 282

配列番号：4717
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5598
配列：
GATCTAGGAC TAATTCAAGG GTCTAGATTT ACCTCCAAAC TTTGTTTATC TACAAAAAAT 60
AAAACTCTAT CTTCTTTAAA 80

配列番号：4718
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5599
配列：
GATCCTTCCC CTCTCAGACA CCCCTCTTTC AGCTTAGAAT TTGGGGAACC TATAGAGAAG 60
TCACAGAATC CCATGAAAGG GAATGGGGCA GGAGCCAGGG GTGTTTTTNC CCAGTGCAGG 120
GTTGTGTCTT TGTGTCTCTG TCTCTGTGAC TGTAAATCCT GCCCTGCCCC ACTCCCAATA 180
AAAGCTTTGG TGTATAGGCT CAAA 204

配列番号：4719

配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05600
配列：
GATCAGTTTG TTTCTTTCTG TGCTGGTAAC AATAAGCGTC GCACAGACAT GGTTTCAGGT 60
AANTAAATCT ATTCTATGAT AAA 83

配列番号：4720
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05601
配列：
GATCTCTGGA TTGTGTTATG TCAGTGTTGG TAGGTTAGGA ACTAGATTTC CCAGAATCCA 60
TTCCATTTGT NATTCCATGA TACAATTGAC CAGTAACCTA TCTTACATGA GATTCGGAAG 120
TAAGTTAAGA AGGCATTAGT CATGGTTTGG AAGCACCATA CAGGGAGACA GCTGTGTGAA 180
TACAGGCTGT ATGGACACTT GCTTCCATCC CATTNNCCTG CTTCTTTGGG TTGCCAATCA 240
AGTGTATCCT CAAAACGACT TGACTTTAAT TTTCTCGGAG GTGATAGTN 289

配列番号：4721
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05602
配列：
GATCAAGTCT TACATGCCCA TTCAGCTTCT AGGCCCCCCT CACCTCCCTG CCCTCATTCA 60
CAAGTGGCCC TGAGACACGT GAACACCTCC CTNCTATGCA TCACAAACCT TCTCCACCGA 120
GCTTTGGTGC TTTNGCCTCT GGNACACCTA ACTAGCATTG GCAGAGGAGA GTCTACACTC 180
TNTTNCTNAT TCAGGGTNGA TGCTTTAAGA AATNCTGNCT CTTGTGNANG CAGAN 235

配列番号：4722
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05603
配列：
GATCGTCAGC ATCATCGGAG GCATCAGTTC CTTCTTCATC TTCATCTTCC CAGGTTTGTG 60
CCTCATCTGT GCAATGGGTG TCGAGCCTAT AGGACCAAGA GTCAAGTGCT GCCTGGAGGT 120
CTGGGGAGTG GTCTCTGTGC TGGTCGGCAC CTTNATCTTT GGGCAGAGCA CGGCGGCAGG 180
GTCTGGGAGA TGTTCTGATG GGCAGCCAGT GCCGGGCAGG AAGGGGCCCT CCGGGGGCTG 240
ACCCTACGTG GCTGCTGTAT GCAGNNGGGA GANCAN 276

配列番号：4723
配列の長さ：278

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05604
配列：
GATCAAGGTC ATAGAAAGTG AAGATTATGG CCAACAGTTA GAAATCGTAT GTCTGATTGA 60
CCCGGGCTGC TTCCGAGAAA TTGATGAGCT AATAAAAAAG GAAACTAAAG GCAAAGGTTC 120
TTTGGAAGTA CTCAATCTGA AAGATGTAGA AGAAGGAGAT GAGAAATTTG AATGACACCC 180
ATCAATCTCT TCACCTCTAA AACACTAAAG TGTTTCCGTT TCCGACGGCA CTGTTTCATG 240
TCTGTGGTCT GCCAAATACT TGCTTAANCT ATTTGGAN 278

配列番号：4724
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05606
配列：
GATCTGGAAT GCNACCGGAG CACTTGCTCT GAGGAATCCC AGGGTGACTC TGTCGGGGAA 60
GAATCCGGTC ACAGCCTCCC CTCAGAGACA GGCCTCANTT CGAGGGCAGC CCATTATCTG 120
TCGCAGCATC TGCCATGTCC CTNAGACTGC GGGAGGCAGG GNATGCATGG GTGTCCCCAT 180
CTGTCCCTGG TGAGAAGCAA GGCTAGCTCT GCCTTCCACA TGCTTNTNAG GATGCCAAGA 240
GGCCTAGGAA CCCAGNAACC CCCTTGNGAG GAGCTGTGNN 280

配列番号：4725
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05607
配列：
GATCTGCATT CACCTTAGGG CTTAGCCTCT NATTTTATGA ATTTTCAGGC TGTGATTNGT 60
GTTGGATGGC TAAGNTCTAA GATAATGCAA ATAGCCCCAA TCTTTAAATA TAGCGGTGCT 120
AAGTTGAACA NGTAACACAN TACAGAAAAT GCTGATATGA ATACTTAGTA ATAATACAAA 180
AGTTCCTGCT AAATTATATA TGTGTATCAC TGCCTGNCNN GANACCCCAC TTNNCTTTTC 240
TAATCCAGCN CAN 253

配列番号：4726
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05608
配列：
GATCCAGATA GCCTAGGGTG AGGGTGACAG AGGGACAGTG GGCTATGCCA CTAGGCCCTG 60
GTCTGGCTTT GGAAAGACCT NTGAGGGGAA ACCTTCACCC AGCACCCATG CCCCACTCTG 120
CTGAGGCCAG AGGAAGGGAG GCCTGAGGGG CAGATTNGTT CATGCCTGGG GTGGAGGCTA 180
AGCCTGGACA CAGTCAGGGC GGGGCTGGCC AGCTGTGCGA GAACACAAGC CACGCCTGCN 240
ATGGTGCTGC ACCCCTGGGT GTCCCTGCCT TGGCCCTGCT CTGGTCACTT CAAACATNGT 300

N 301

配列番号：4727
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5610
配列：
GATCATAAAA CAATAAAAGT AGTTTTCTAA TGTTGCTCAT AAACTGGGAC TGAAAATCAT 60
TTCAAATCCA GGAGACAGTC CAAAAATGGT TATTGAGCAN TGGCCACATA TTGGAATAAA 120
AATTTTNATT TTCAGTCTGT GTTTTGGGAA AACAGCATTT CATTGCATAG GTGGATAAGT 180
NCTAGAATAT TGGCTAANCA TATNGTCATT TGCTATAATG CATATGCATT NCAGAAGTTT 240
TCTNGCTCCT GANGTATNAT GGGGGGTTTT CTAGCTCCCN TATNGCNAAA ANTTN 295

配列番号：4728
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5612
配列：
GATCACTTGA GCCAGAGGTT AAGTCTGCAG TGAGCTGTGN TTGTACCACT GCTCTCCAGC 60
ATGNGCAACA GAGCCGGACC CTGTCTCACC AAAGNCAAA 99

配列番号：4729
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5613
配列：
GATCCATTGT CGGGAGCTTG TGGCACATCA CCTTTCTACT CTGCAGTCTT CCCTGCCTCT 60
NAATTCCGTT TATGTCTACC GTCCCCTCAA GCACACCCTG GTGACCTGTG ACAAAGGAGT 120
GTTCAGATTA CATCCCTCCT CTGTCCCAGG CCCAGACTTC TCCAAGGACA ACAGCAAGCC 180
AGAAGTGCCA GTCAGAGGTT NAGTAGCCTT TTACCATCAT CTCCCAGNTG CCAGTGGGTG 240
CAAGCAGACC TCTACTAAAC GNAAAGTAGA GGGAAATGGN AGTGGATGAC TTNTGTGATG 300
GANTCAAACG GCTCTATAAT GGANGGTTN 329

配列番号：4730
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5614
配列：
GATCCTGCCC TTTCCTGGGT NGGTGGGNGG TATAAGCACT GCCACCAGAA CTGTTGGGTG 60
CTAGCTTCAA AGCCCAACAC AAGAAATACT ACCAATTATG AAATTACAAC AACAANTNTA 120
AATGACATAA TTTTTTGAAA 140

配列番号：4731
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05615
配列：
GATCCATAGG ACTACCGCAG CCCGGACTCA CCAACTTGCC ACATGTTCTA GGTTTCAGCA 60
ACAAGACTGC CAGGTGGTTG GGTTCTGCCT TTAGCCTGGA CCAAAGGGAA GTGAGGCCCA 120
AGGAGCTTAC CCAAGCTGTG GCAGCCGTCC CAGGCCACCC CCATGGAAGC AATAAAGCTC 180
TTCCCTGAAA 190

配列番号：4732
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05616
配列：
GATCCCAGCC AGGAAGGCTG GGGGCCCTAC TGTTTGTCCC CTCTGGGCTG GGGTGGGGGN 60
AGGGAGGAGG TTCCGTCAGC AGCTGGCAGT AGCCCTCCTC TCTGGCTGCC CCACTGGCCA 120
CATCTCTGGC CTGCTAGATT AAAGCTGTAA AGACATAAA 159

配列番号：4733
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05618
配列：
GATCACAGAC AAGCTGGGCC TGCATTCCCT TCGTCACCGT AACTGGTACA TTCAGGCCAN 60
CTGTGCCACC AGCGGGGACG GGCTGTACGA AGGCCTGGAC TGGCTGGCCA ATCAGCTCAA 120
AAACAAGAAG TGAAAGCCAG ACAGCCCTAA CAAAGCACCC CACCCACCCC TGACATACCT 180
ACTGTNACCC TGCCCCAGTC CTACCCCTTC CTCTCCATGC AAGTNTGGCC AGGGCCCTGG 240
GTATCATGTC CACATGCCCA GCAAGAGCCT TGCCTNCCNT TGCCTGCNCT GCTTN 295

配列番号：4734
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05619
配列：
GATCCACCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT AGTATTATGG GCGTGAACCA CCATGCCCAG 60
CCGAAAAGCT TTTGAGGGGC TGACTTCAAT CCATGTAGGA AAGTAAAATG GAAGGAAATT 120
GGGTGCATTT CTAGGACTTT NCTAACATAT GTCTATAATA TAGTGTTTAG GTTCTTTTTT 180
TTTTCAGGAN TNCATTTGGA AATTCAAANC ANTTGGCAAN CTTNGTATTA ATGTGTTAGG 240
TGCAGGNGGN CATTGGTATT CTGGGCACCT TCCTAATATG GCTTTACAAT CTNNN 295

配列番号：4735
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05621
配列：
GATCTCAGCA ACAGCTGGGT AATAAGACTA GCATAGCTCA AACTATCCTG CCAAACGCTC 60
TCATCTGATT TTNCCTCCCT TCTCCCCCAA CCTCCAATCA CCCTGAGTCA CCTGTAAATN 120
CATTTGTNAT TCAAAGCGGA ATAACANGTT GTCCCTAGCA NNNCCGCTGA GCGCTTTATA 180
ATTTTNTGGT GTATTTTTGT NAGTAGGTAG CAGAGGCGGA NGTATTTTTN GGTGTAATTC 240
TTGANATTTT CTGACAGGN 259

配列番号：4736
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05622
配列：
GATCACTGCA TGTTATGATG GCTTGTAAGT GCGTTGTTAA GACTTTTNTT TCAGTGTTTG 60
TNTCCCAGTA TTTGAACCTA ATTTAAAGAA AAAGACGTTT CCAAGTTGTA TTTATTAAAT 120
GTNTTTTNCC TTACCTTTTG TNCTGCTACT TTNCTAATCT CATTAGCTTA GCTGTGTTTG 180
TNCATAGGTT ATATNTGGTA ATAAATNTAT AGAGTGTTNG TTGTCATCGA AA 232

配列番号：4737
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05623
配列：
GATCTGTAAG TTTATTTGCT CAATGTACGA CAGCTACATA ATGACTCACA TTCATGATAT 60
TCCATCACTG AGGAAACTGC TAAAGATGGT CCGTGTGTGA AATAATTCCT TAGAGAAACA 120
CGGAGCTGGA AAAATAAA 138

配列番号：4738
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05624
配列：
GATCCAACTG GACAACGTGT GGGATGGACC TGGAAACAAG CACCTCCCCA AACACATCAC 60
CACTCCCTAG GGCGGGGCCT GTGCATGCTC TCGCATGACA TCTCCATGCT GGTTTCTGCA 120
TAGCATAAAT GGAAA 135

配列番号：4739

配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05625
配列：
GATCGATGTT AAACGTCACA GCAGTACTTT GCTCAATAAA GGTCATATTG GAAACATAGT 60
CAAA 64

配列番号：4740
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05627
配列：
GATCTGTGGT AGGGTATTGA GGGATGAGGG AGAAAAACGA CCTAATTCAN GTAGGACTNG 60
CAACGGCTCC CACCCTCCCT GGGGACANGG NTTAATAAAA ATTGACATCA CAAGAAA 117

配列番号：4741
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05628
配列：
GATCAGAAGG GCTGCGTGTA GCACCCTTAT GGTCTTGCAG AACACACCAA GAAACCCGAC 60
GGCTTCCATA TTTNCTGACC CTACAAACAG GTGCCTAATA CTGATGTGGA GAAAGCTCAA 120
GAGGGAATCA TCTGGCCTGA GCCTACCATG AGGCTGTTTG TGGTNCTGGC AGAAAAGCAA 180
CAACTCGCTC CCCTTCCCAT GTATCAGTGA AAACCATTAT GCAAATAAAG AGCTGGGCCC 240
CAAA 244

配列番号：4742
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05629
配列：
GATCTTTTTT CCTCCTTCTG TTTATNTTTT TGTTTGTTTT ATTTATAGTC TGATTTAAAA 60
CAATCAGATT CAAGTTGGTT AATTTTAGTT ATGTAACAAC CTGACATGAT GGNGGAAAAC 120
AACCTTTAAA GGGATTGTNT CTATGGTTTG ATTCACTTAG AAATTTTATT TNCTTATAAC 180
TTAAGTGCAA TNGAANGNGT TTTTNCAAA 209

配列番号：4743
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05630

配列：
GATCATATAC TGTATATATA AAANNNTTGA GATGGTAGAA ACATGTATGA NTGTACTAAG 60
TAGTATTCCA CTGTACTCAT TCATAAGGTA GGTTTTCTTA CAAAACTCAC ACCAGGTACT 120
TAAAGATGTG CTCTGCTTTT TTCCAACTAC GGAGTGTCAC TGCTTTCTAG GTCAGTCCCT 180
GCAGACTCTT CTCAACTCTT TCCCTATAGG AAACTTACTC CGCGTCCTGC CCCCACCTCC 240
TAAATAAATA ANGGAATCGG CGAAA 265

配列番号：4744
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5631
配列：
GATCCCTAAC ATACTGTACT ACTTGCTTNT ACAATGTGTT AGCAGAAACC AGTGGGTTAT 60
AATGTAGAAT GATGTGCTTT CTGCCCAAGT GGTAATTCAT CTNGGTTTGC TATGTTAAAA 120
CTGTAAATAC AACAGAACAT TAATAAATAT CTCTGGTGTA GCACCTTTTA CTGTAAA 177

配列番号：4745
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5632
配列：
GATCAGCCGA AGAAAGCAGA AGCTCTGGAG GCTGCCATCG AGAACCTCAA TNAAGCCAAG 60
AACTATTTTG CAAAGNTTGA CTGCAAAGAG CGCATCAGGG NCGTCGTTTA CTTCCAGGCC 120
AGACTCTACC ATACCCTGGG GAAGACCCAG GAGAGGAACC GGTGTGCGAT GCTCTTCCGG 180
CAGCTGCATC AGGAGCTGCC CTCTCATGGG GTACCCTTGA TAAACCATCT CTAGAGAGGA 240
CATCCCTGCT GGGCTGCTGT GCAGAGTATA AGATTTTGGA CTTGTTCATG TCCCCTCTCT 300
CCCTATAAGG GGTGTATTTG TGACACCCTA TCTNGTCANT AAACAGCATT TCTGATTAAA 360
AANAANAAAA AAANAAN 377

配列番号：4746
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5634
配列：
GATCCTGAAG TTTTTGGTCA ATAGGCTCTG TCTTCGTGAG AGACGGGCTG AGAGTCAGAA 60
ATAAATCAAC CATTTNTGGT TTATTCAAA 89

配列番号：4747
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5635

配列：
GATCTTTCTT CTCCCAGCTA AGAGTTCTTC AATAAATTTA AGAAATACCT GGAAA 55

配列番号：4748
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05636
配列：
GATCAGCAGG GACCAAACCA TTGCCACATC CCAAGGNTGA ACAAGCATGG CTGAGCACCA 60
GAGTNTGCAC CAAGTNTGAN TTTAGGCCTG CCAAGTGGAT TTACACCCAG CACGTCCCAA 120
ATTTGGGTGA GTGCATGCCA ACCCTGTAAA CATGTAGGGG TGGACAGGTC AACAGACAAG 180
GTGACCCCAG CNTCCCGGCA AACTTGATTA ACACATACTG GNCACAGCAA TTANNNNGAN 240
NTGN 244

配列番号：4749
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05637
配列：
GATCGCAGGG CCNTAGGTGC CTGGACCCAG GGTGTGCCAG CCCGTCTCTN TGCAGTCCCT 60
GGAAGGGCGC TGAGAAAGGC ACCAGCTCCT TGGACCCCAC CTCCCATGCT CTCACTCTCA 120
TCCCCGTTCT CTTGTCCACA CAGCTCTTCC AATAAAGGTG TTTCTNTTCC TCCTTCTCCT 180
CAAA 184

配列番号：4750
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05639
配列：
GATCCTAGTT GCCTTTGTGT ATATTTACTG CCTGCTTGAG TGTTTCTATG TGTGGGTTTT 60
CCCTGTATCT TGTAGAAATG TTGGGGTGTT TTCCTCTGCC ATATGGCTCG TGGCCTGCGA 120
GCCAACTATT TCAGNTGTGT TTNACCTTCA TTTTTGATGA GGTGATTTAA ANNTNGTTTC 180
ACTTTGTGTA GTGAATTCCA CAGTAGTTTT CTGANTGTNG TTAAAAATGA CTTAACATAT 240
TACACAGATA TTCAATAAAA ANGTTTTATT TCCTGTTGNA AA 282

配列番号：4751
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05640
配列：
GATCCCATTG TGTATAAGTT AATATGTGAT AACTATTGAA TCTTGTACAA AAACAAAAAT 60

TGAAA 65

配列番号：4752
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05642
配列：
GATCCATCCG CGGTGTTGCC TGAATCAACC GCTCATCCCT CGGATTGCTG AGCAGGATTC 60
ACAGGGTGGA GGCACCACAA TGTATCTGTG TCCCCAGAAA GAATACTTGC AGTTTCCAGT 120
TGGACACTTT ATCAATAAAA TCACTATAAA CATCTGAAA 159

配列番号：4753
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05643
配列：
GATCTTGAGT TGCAGTCCAC AGCATTCACA TTCTCAGGAT AAACATGCTT GTCTCCATAT 60
ATACTATCTG TGCCTGTAAT GAATGAAAAA TCCATCCACT CTGCTGCCAT TCACAGCCTA 120
ATCTTCTGGA GTAGTCCAAA CAATGTTTGG AAAAACATGG GACTGTATGT CATTACTATG 180
ACTGATAGCA GAATAATAAT GCATCTNACT TCTATATAGN GATAGNCTTA CATAGGTTAC 240
CCTTGANATT CATTAGTNTG TCATANGTTT TAGGAAAGGT AGGACCCGGN AAGNNGTTCT 300
ANTTAGTTGT CTAAATNTTT TNCAGTGNGC CAAGNNATTC ACCATGANAN AN 352

配列番号：4754
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05644
配列：
GATCGGCTCA AAGCCTGTCA GCAGAGGGAA GGACAGAACT ACCAGCAGAA CTGTATCAAG 60
GAAGTGGAGC AGTTCACCCA GGTGGCCAAG GCCTACCAGG ACCGCTATCA GGACCTGGGG 120
GCCTACAGTT CTGCCAGGAA GTGCCTGGCC AAACAGAGGC AGAGGATGCT GCAAGAGAGA 180
AAAGCTGCAA AAGAGGCCGN CGCTGCCACC TNCTGAGGCA GCTGTGGGTG CCCCTGCTGT 240
GTGGCTCTGT ATNACTTGTT TGCTTGAAAT NTAAAAGGCC TNGCAAACCC TGGGAAA 297

配列番号：4755
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05645
配列：
GATCCCAGGC CTGTGGCTAG CAGCACTGGG GACAGGAATG GCTGGTCCCT TGAGGAGGTC 60
GTGACAGGCT CAGCCTNGTN GTCTNGAGGG GACTCGGAAA TAAATTGTAG CAGCTTTCCT 120

GCCAAA 126

配列番号：4756
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05646
配列：
GATCTAAAAA GTCAAAAATC TGAAATTTAA TAATATGAGA CTTACACTGA NTATAATGTT 60
CATTTAGAAG TTGCTGTGGT CCACTTCATT TATANGGAAC AAATATTTTT ACAGTACACT 120
ATAGCAACAG CAAAAGCCCT CTCTCACCCT GATAGGAATG GGTTTGCTGG GTGTCTAGAA 180
GTTAGATTCC TGCTGAATAG ANTTAGCCAT CCTTAAAAGA TNTTAATCCA ATACTGAACT 240
GGTTTATAAA ANGCTTTCTC TATTGTANTG NACTGTAAGT AGTGAAATTC TGTATATACT 300
GCTATTNGCT GNCTGTN 317

配列番号：4757
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05647
配列：
GATCAGTAAT CCTATTAAAG AAGCGGAAGA AGATACCTCA GAAAGGTCGG AAGAAAAAAG 60
GTTTTCGGAG GCGGCGGTGA TTATGGGTGT ACATATTTGT ATATTTTTTG TCATCCTGAG 120
ATACTTCTAA TTTCATTGTA TATAGGTGGT TTTCCCTGGA ATTCATTAAT TGTTTGCTTT 180
GGACATGTGG AAAGAGCCTT ACTAATAAAA TTGATTTTAC TTATGAAA 228

配列番号：4758
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05648
配列：
GATCAGTTCT GAAACAGTTT CTTTCTGAAA CAGAGAAAAT GTCCCCTGAA GACAGAGCAA 60
AATGCTTTGA AAAGAATGAG GCCATACAGG CAGCCCATGA TGCCGTGGCA CAGGAAGGCC 120
AATGTCGGGT AGATGACAAG GTGAATTTCC ATTTTATTCT GTTTAACAAC GTGGATGGCC 180
ACCTCTATGA ACTTGATGGA CGAATGCCTT TTCCGGTGAA CCATGGCGCC AGTTCAGAGG 240
ACACCCTGCT GAAGGACGCT GCCAAGGTCT GCAGAGAATT CACCGAGCGT GAGCAAGGAG 300
AAGTCCGCTT TN 312

配列番号：4759
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05649
配列：

GATCAAGGTA AGAAACATTG TAAAAAAAAA TTACAAAAGT GCTATTTGTT TCCTAAAAAC 60
AGTGATTTCT ATTAAAAAGG TGTCAGANCT GGAAA 95

配列番号：4760
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5650
配列：
GATCCTNTTT CCANTTNAAA GGAACTGTAA GCTTTTATCT TTTAACCAAC TGAACAATAC 60
ACCAAAAGCA GCCTAGGGAT GAGCATTTCT TTGAAAGCAA TTAGGTTATT CACCTGGTAT 120
TAAAACTATT TACTGTTAAA AAATCTGTGA CTTCATGAAG TTGATTTNTA AAGGCAGCAT 180
CANAAACTGA NANGGAAGGG AAANANTAGG CAGCTTCTCT GCACTTGTTT GGAGCTCCCC 240
AAANCAGGGT GCCATGGGGN AGTGGGCATC AAGNCCGGGC TGCCCTTTCG NGGTCANCCT 300
GTGGCAGTTC AGAGTCANGG TTTTTCCTNC GCTGGN 336

配列番号：4761
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5651
配列：
GATCCAAATT CCCAGGTCGG CGCCTGCATC GTGAATTCAG AAAACAAGAT TGTCGGGATT 60
GGGTACAATG GGATGCCAAA TGGGTGCAGT GATGACGTGT TGCCTTGGAG AAGGACAGCA 120
GAGAATAAGC TGGACACCAA ATACCCGTAC GTGTGCCATG CGGAGCTGAA TGCCATCATG 180
AACAAAAATT CGACCGATGT GAAAGGCTGT AGTATGTATG TTGCCTTGTT CCCTTGTAAT 240
GAATGCGCTA AGCTCATCAT CCAGGCAGGT ATAAAAGAAG TGATTTTCAT GTCTNGATAA 300
ATACCATNTN 310

配列番号：4762
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5652
配列：
GATCCCCTCC AAGGAGCACC CATATNACGC CGCCAAGGAC TCCATCCTGC GCAGGGCCAG 60
GGGCATGTTC ACTGCCGAAG ACCTGCGCTA GGGGACTCCT CATAGCCCTC AGCCCTTCCC 120
TCGTTTCCAG GCCTCTCCCC AGGCTTGCCA TCAGCCTTCT TTACTTTTTG AGCCTCTGAT 180
TTCCAATTCC CTGCTNCNNN CCACTCCATT AAGAGGCTAG GTGAGGCGCT TCTAGGTTGC 240
TGGGGCTCTG CTGGTTAAGG AACAGGAAGC CTGACCATCT CCCTCCACTA CCTCTTCCCT 300
GTGCTGTTAC ACAGTGTCAT TGTTGATGTT AAATTAAAGT CATATTCTTG CTTCTTTCCG 360
NAAA 364

配列番号：4763
配列の長さ：333

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5653
配列：
GATCGTCTGG AAGCAGCAGA GATGTACAGA AAAGCTGCTT GGGAAGCGTA TTTGAGTAGA 60
CTTGGTGTTT GAGTGCTTCA GATACATTTT TCAGATACAA TNTGAAGACA TTGAAGATAT 120
GTGGTCCTCC TGAAAGTCAC TGGCTGGAAA TAATCCAATN ATTCCTGCTT GGATTCTTCC 180
ACAGGGCCTG TGTAAGAATG GGTTCTGGAG TTCTCATGGG NCTTTTAGGA AATATTGAGT 240
AATTTGGTAA NTCACCGNAT TGGTTACTAT ANATAAGGTC CCANTNCNTT AAGGCTTGAT 300
AAGGTGAATN GNGGTGNGNN NTNTGGGGGG AGN 333

配列番号：4764
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5654
配列：
GATCCTCCAA AATTCAAACA AGGAAAAATC TCTCCCAATC TCTCCTTTCC TCCATCCCTT 60
TTCTTTACTT CTCATCCCAT ATATAATATT ATATAANGCA TACGTAATAA AAGACATTCA 120
CTATTATTAA A 131

配列番号：4765
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5655
配列：
GATCTCTTTT GCTATGGCTC ACATTATTTT CATAAAGTTG CTGGCCAGCT TTTACCTCTT 60
GCATATAATC TGTTGAAGAG GAATCTGTTT GCAGAAATTA TTGAGGAGCA TCTGGCAAAC 120
AGAAGTCAAG AGAACATAGA CCAACTTGCT GCATGAGTAA GGTGGCTTTG NTTGGTGTAC 180
AGTATTTCAA AGGACTAGTA TTAANCTTGT GATTTNGGTT TTGTTTTTAA GGGGTACANN 240
NNGTAAGCCA TTTNCTTAAN AACCGTTGAA A 271

配列番号：4766
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5656
配列：
GATCTTTCTC TTGAGTCATT TTATTTTTAT CATGGACTAG TGCGTGCTCC GTGTCCACCC 60
CAATAAAAGG GTCTTTCCTA CTTGAAA 87

配列番号：4767
配列の長さ：293
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05657
配列：
GATCTGGGCA ATTTTGGCCT TGACTCTTTC CTGGCTCCAG AGCTCAAGCT TAGANGCCAG 60
CCCTGCTATT TCCAGCCTCC TGAAGGCTCA GCACGGTGAG GCCTGACATC CTGGGGAAGG 120
GCAACAGGGA GACCTACAGG ATGNTGGCTG CTTGCAGACT GGTCAATGGG GGATGACGGT 180
GGGGAGGTTG NCAGATGTGA GACTTNNGTA GCATTTNGTA CACATGGCCC TGTAGTTGTC 240
CTTTNGAAGA ACATCANTNA AAATATANGG GTNNTTAAAT TNTGGGNAAA AAN 293

配列番号：4768
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05658
配列：
GATCTTGCTA GGGAAGGCCA CCTTGTATGC CGTGCTGGTC AGTGCCCTCG TGCTGATGGC 60
CATGGTCAAG AGAAAGGATT CCAGAGGCTA GCTCCAAAAC CATCCCAGGT CATTCTTCAT 120
CCTCACCCAG GATTCTCCTG TACCTGCTCC CAATCTGTGT TCCTAAAAGT GATTCTNACT 180
CTGCTTCTCA TCTCCTACTT ACATGAATAC TTNTNTCNGT TTTTNTGTTT CCCTGAAGAT 240
TGAGCTCCCA ACCCCCAAGT ACGAAATAGG CTAAACCAAT AAAAAANTGT GTGGTTGGGG 300
CCTGGGGNGC AAA 313

配列番号：4769
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05659
配列：
GATCCCCTCA TCACCCCTGT GCCCACTTCG GAGAACCCNT TCCGGGAGAA GAAGTTCTTC 60
TGTGCTCTCC TCTGAGCTCC CCTGTCCCTT CTCACAACTN CTCCCTTTTC CCTCTCCTGG 120
GCCCTTCCTT AGGTCAGTAA TTGTTGTGAG CCCCTTAGGC TCCTTGCATC CCATCCCTAA 180
CCCTTGCCTG ACCATGTGAG GTTATCTGAA GCACAAGNNC CACCCTNANG NNGNNTNTCG 240
ACCCGATTTC CTACCACCTT TTTTGGGCCG ANCCNAAGN 279

配列番号：4770
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05660
配列：
GATCCATGTA ATCTGACGTC ATCTTGTCTC GAAGTCTCTT TTTTTGGCCC AGGCCTTGAA 60
GAATACACTG TGACTTAAGA AGCCTTACCA CGCAGTAACT AAAGCTTTAG GATGACTGTN 120
TTCGAGGAGT GCCGTGTGTT GCATGCAGCT ACCCGTAGGA AGACTTCGCG CATATCACTA 180
ATAAACCTGA AGTCGTGATG AAA 203

配列番号：4771
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05661
配列：
GATCGTTGTG CTTTNTTTNC TGTGTTGGTT GCCAGTTTAT AGTGCCAACA CGTGGCGCGC 60
CTTTAATGGC CCGNGTGCAC ACCNAGCACT CTCGGGTGCT CCNATCTCCT TN 112

配列番号：4772
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05662
配列：
GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATNAGATGGA GGAAGGAAAA 60
AGGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACTCCT ACAGAGTGAA ATNAAAACGG GCTGAAAATA 120
CCACCCCAGG AGAGGACCTC GNCCCANGCA AGCCAGTGAG CAGCCCTGCC AGACTACTGN 180
CAGNCTGNGA AACCCAGANG CTGGGTAGTC ATGTGGGGCT TGCCTTCTTT TGCCAAAACG 240
NCTGGGGGAA NCCAAAAATN GGGCCCCACC CTTNNTGTTT CTTTCCTTNG N 291

配列番号：4773
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05665
配列：
GATCCCAGGC CTNTGGCTAG CAGCACTGAG GACAAGGAAA TGGNTGGTCC CCTTGAGTAG 60
GTCGTTACAA GGCTCAATGC CTGGTNGTCT TGGAGGGTAC TCGGAAATAA ATTGTAGCAG 120
CTTTCCTGCC AAA 133

配列番号：4774
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05667
配列：
GATCACCCAG CAGGAGTCGT GGCAGAACGG AGCATCAGCC AGACCCTGTT GTGGGCGTTG 60
TCATCAAGGG AGCTTGAATG GAGGGTCTGG TGTCAGATAC AGCCGACTCC AGCCCCAGCT 120
CATCCCCCAT GATGCTGTGT GACCCACTGG GCACTCTGGT GAGGGAGCTT TCCAGACATC 180
AACAGCCCAC TCTGCTTCCC TTTCTGAGTC CCCTGTCCAG CACTGCCTAG TGTTGGAGGG 240
TAGACCAAGG CTGTGCATGA TTCACCCCNT CCTTCCATCC TGGAGCTGGC AGTGAATAAA 300
AGCCCGTATT TACAAA 316

配列番号：4775

配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05668
配列：
GATCTCCAGA GACCCAAGTT TAGGTTCTCA TAGTGTATTT GAAGTAGTTA TACTCCTGGC 60
TTAAGTAGTT TAGTGCCTGG GAGAATCCAT TACTGAAAAG CATTTAACTT AAA 113

配列番号：4776
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05669
配列：
GATCTAACAA AAATGAAACA TGAAATGCAG TAGCAACCAC TAAAAAAAAA AATTCAAGGN 60
CATCTAACTN TTTCTCTCAC TTTNGCCCTT TGTTTATCCT TCCCTGTGAT TAGATAANCA 120
NAATAAAAAN CAAAATGCTG TATTTCTCTN CTTACGN 157

配列番号：4777
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05671
配列：
GATCACTTAG AGAAACAGGC CGTTAGGAAT CCATTCTCAC TGTGTTCGCT CTAAACAAAA 60
CAGTGGTAGG TTANTGTGTT CAGAAGTCGC TGTCCTTACT ACTNTTGCGG AAGTATGGAA 120
GTCACANCTA CACAGNGANT TCTCAGCCTA CAAATTGTGN CTATACATNT CTAAGCCTTG 180
TTTGCAGNAT AAACAGGGCA TTTNGCAAAC TAAA 214

配列番号：4778
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05673
配列：
GATCAGTTTN CAGCAGCAAG TACAAAAGGA GAAGAGGAAC ATCCGTTGAA TNAGTGTGTT 60
TTGTACATAA CTTCAGATAC TTGTNAACAT GCCTTATATT TGTCCAACAA CTGTCAGANT 120
AAAGAACATT CTAAAATNAA A 141

配列番号：4779
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05674
配列：

GATCTTGTGA AAACACNGTN TTNTCGACTA AAAATTCCAC TNTCTTCATC TNGTTGTGAA 60
GCTAAAAAGA GGGACTGTTA AATACAATGT ATGATACCAT GGCAAAAATC TTTCCTGAAT 120
TGTCTTTNGT AAAAGTATTA TTGAATTTTN CAAN 154

配列番号：4780
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05676
配列：
GATCAAAATA GCTATTGCTA CAACATTTTC GAAAACAAAG TTGGGGCTGT ATTTCTTTAA 60
AAAGATAAGC CTCTAAAAAT GCTTGGCAAA AAAAATATAG TGTTAAAATA GGCCAGTGAT 120
ATTAATGAGA AAATGAAAGT ATGTATCAGG ANTAANGTGA TATTGCATAG GNGTATTGTA 180
TTTTNATGAA TTTNATGCCA GTTGTTTACA TGTACTATAT ATGTNAANTT ANNNNN 236

配列番号：4781
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05679
配列：
GATCTCAGTT GCACGTGCAA ACAAATCCAA ATTCGAACAT TCTTAGGAGG TTTTTNTTAA 60
GGCATGACAG ATGATNTAAA CAAATAAATA GCATGCAACA AAANGTCTTT ATTGNAAGAA 120
GTGGAAGTTA TCTTAATGCC ACGGNTCACC ANCAATTNAA AAGTANAN 168

配列番号：4782
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05680
配列：
GATCAGTGAA CACTAACATT TTGGGGACAA CTTAGTCAAT TGGTTTTCCT TACAACAAAA 60
TAAAGTAAAA TGTAGCAAA 79

配列番号：4783
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05681
配列：
GATCACCATT CAATTTGAGT TTCCAGGGGG AAGTGCATGT ATAATGNAAT GATAATGGAC 60
TTCAATGANG GATGTCATCA ATNATGNACA TATAGATNGC CTTATAN 107

配列番号：4784
配列の長さ：319

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05682
配列：
GATCTAATAA GACACGTAAT AGATTAGAAG TAGGGAAATT AATGAAAAAG CAGAATTAAG 60
GATGACTTCT CACTGGCTTG AAATNCTAAA TGGATGACGG TGCTGTTTAG TGAGTTGGGG 120
AAGACTGGGC GTGGTGATGG GTGTAGAAAT TGAGAAAGGA AAATCAAGAN TTTCCAGAAC 180
TTTCAGAGCA ATGTTAAATA CTTTCCTTGA TAGTGGGTCA GTCATCATTT ATAAGTGCAT 240
TTCTAAAAAT NTTGCTTAAT TTTNTTTTTG AGCTTTGTAT AAGTGGAATT TTGTGTGTAC 300
TGATTATNTT GCTCAATAN 319

配列番号：4785
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05683
配列：
GATCTTTCAT CTGTGATTCT TATAAGAGCT TTGTCTTCAG AAAAACTAAA AATAAAAGGC 60
ATTGACTTAA ACAGCAAA 78

配列番号：4786
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05684
配列：
GATCAGTTGT AAGTTCATTT CTTTACAAAT AAAAGCCTCT TCCATTTGAA A 51

配列番号：4787
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05685
配列：
GATCTTTTCC ATCTGAGGGT ACAGGAAGTA CCAGGACCTG TTTCAGTTTT TNAATCCTGC 60
AAGCACATTC CAAGACTGGC CTGAAACTGC ATGAGCAACA TCACTCGAAA TAATTTTTTT 120
TTTCAAANGC ACCTTAACAA CCANTTGCGA TGCTGTCCTG TTCCTTTTTA CTCACACCCT 180
TCTNTCCTTT CTCGTCCCNA TGCTCCACCA NCTCAGTGCT NTGTGCTGTA TGCGTGTGCT 240
CTCTGTTNTN GTATACTCAA TATANGTGNA ATAAACTGGT GTTTTGTN 288

配列番号：4788
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05686

配列：
GATCATGCAT GCAGTCATGT CTCCAGTATT CTGTGAAAAG CCAGGATACG TTAGGATGTG 60
AGTTTAGAAA CTGAGTCCAT TCGGTGCATG GAAATNCACC GCGGAGTTAC ACAANGCTCC 120
TCACTGTAGT CCAGGCGATT GGTNGGCCGC CANCACCCTG CGGGCTTCAC AGGGACGCGT 180
GCTTGTNCTC CAAGNCCCGN AACCCTTACT GTGCACACAN CATCNNACAC ACCTTTGTTT 240
TTGAAATTAA AATGTTNATT AGTTNAAAAA AGGGNGGN 278

配列番号：4789
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05687
配列：
GATCCCGGTG TGTGGCCCAG CTTGTNCAGG CCCTGGNATG CTGCATCTCC AGGCAACTAT 60
GCACTTTCCC GGGGAGAGAA CCAGTATGAG AAGTGGGGGC AGGGCACACA TTCATCTTTG 120
TAGGAAGGTC TGGCCTGGGG TCGGGTGAAG GAGGGCCCAG GTCAGTNCTG GGGTCCCAGT 180
GACCTGCTTT GCCATTNTCC TGGTGCCGNT GCTGCTCCCT GTTTCTGGAG CTGGATGTTN 240
CCNAGCTGGC AGTTGAGCTG CCTGAGCCAA TNTAGTCTAG NCTTTGGTAA CTTGNGTGAA 300
CCATAATAAN GGGGAACCAT TNTNGGCCTT GTGNAAA 337

配列番号：4790
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05688
配列：
GATCACAAGG CTGCCTGCCT CAGTCTTGGA GTCCTGTTGG GTGAATNAGG CAGATGGGAA 60
ANAGCCTCAC CAGCAGCTGC TTTTGGAGCA GGGGTCCAAG GAAGAGAGGG TGGCCTCGAC 120
ATCAAACTGC CTGGATTTTT CTACCACCCT GTTACATCAT AACAACTTCT GAAACACACA 180
CCAGCCCTGA GTTCTGGGCT CATTTGAAGC CTGGAATAGC AATAAATCTT TTTAACTTGC 240
GGACAGTTAA A 251

配列番号：4791
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05689
配列：
GATCGAAGAT GTACAATGTT AAATGTNCAT ACCAGTTAAA CTGCACTTTC CCAAGGGGNC 60
AGCTGGNATC TACTTGAAAT GGGNATCAAG AGACCACCAA ATGTTTACAG TTTCTGTGGC 120
CCGTTTAAGT GTAAAATGCA GAAGTGGCTC TGTCCCCCCA GAGTTAAGGN TTTGCTACAC 180
TGGTCCTCTG GAAGCATTTA NGTAGAAGAA AAGGCTTATA GTCAGNNTCA CTTTTAGTAA 240
TCGTCTNCTG GTCCTTGGNC TNTTCTGGTT CTGTNANTGC TTGTAACCAA TGANTGATGG 300
TGTTGCCAAT CTNAGN 316

配列番号：4792
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05690
配列：
GATCAGTCCT GTCATCCAGC TGCAGCCCAC CTTCACACCC ATGCGGGTCG CACTNGCTGG 60
CACATTCCAC TACTACAGCT GCGAGAGAGC CAAAAAGGCC ATGGGCTACC AGCCACTAGT 120
GACCATGGAT GATGCTATGG AGAGGACCGT GCAGAGCTTT NGCCACCTGC GGAGGGTCAA 180
GTGAGGGNCA CTNGNGGCTG GGCTCTCTNG ACACGTTGCT CAGCCAGTCA CTNCTTCCCC 240
TGNTGGATTG ATGAGNTAAC ATCCTTTNGA ATGGAGTTTN GCTCTTTGCC TGTGACTCCT 300
TCTGCTAGGC AGNGGAGCGC ACCNTACTNT TTNCGTNGCG GTGNGN 346

配列番号：4793
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05692
配列：
GATCCCAGGG ACTCATCCTG TGACTTTGTA ACCACACTCA TTCCTTTCAA ACACAGAGGA 60
GGAATTATTG CTTCATCTGA CTTTATTCAA ATCTAGTTAT GTATTGGCCT AAATTATTTG 120
TGCAAAATTT GAANNNNNNT TTNATTTAAA TATTAGAAAT AGCACAAAGT CATGGNGTTT 180
TTAANAN 187

配列番号：4794
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05693
配列：
GATCTCAAGA GCCCTGTCAG TAGAGTAGAA GTCTCTTCCA GTTTGCTTTG CCCTTCTTTC 60
TACCCTGCTG GGGAAAGTAC AACCTGAATA CCCTTTTCTN ACCAAAGAGA AGCAAAATCT 120
ACCAGGTCAG AATAGTGCCA CTAACGGTTG AGTTTTGACT GCTTGGAACT GGAATCCTTT 180
CAGCAAGACT TCTCTTTGCC TCAAATAAAA AGTGCTTTTG TGAGCAAA 228

配列番号：4795
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05694
配列：
GATCTGCTTA AAGTTTTAAC TTTTATACCT ATCTGAGTGA ATTACAGACA ACCTATCATT 60
NATNCTGCTN CGAGGGTCCC CAGGGCCCTT GTACAACCGA CAGNTCTTAC TTTTAAATGC 120
AATCTCTTGT CTACATACAT NATTTTCTTA ATTNGTTAGC TATTTATAGA AAGCTGCAAT 180
AGAACTGTNT CAACTGTATA ACTATTTACN ATTCANAATA NAANTATTTN 230

配列番号：4796
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5695
配列：
GATCTCATTT GCTGAATGAT TGATTTAAGA GTAAAATTNG CCACTGCGTG CTTTTTGTAT 60
AGTAACCGGT TTTGTTGCAC TNGTCTGTGG CTGAAACACT TACCTGCAGT GGAANGCCGA 120
GCAAGGAGGA GGTAAACATT GGAGATGTTT GTGAAAATAT TACTCTTGCT GTGAGGTTTT 180
AGTTTGTTTT GAATGAGAAA GGGGCTAAGT AACTTAATCC ATCTCAATGT AGTGTTTTAA 240
TAAAAANGGN GCCTAATATT TGAAATGGGG TCTCAGGNCA TGNTCTACAA ATNTGGGGNA 300
NCTATTTTTN ATGCCCCGTG TAATTTTNCA CCATTTTGNN NATGAGTTNA TTGTAGGGGT 360
CANNATN 367

配列番号：4797
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5696
配列：
GATCTTTTCT CAGAGCGTCT CCATGCTATG GTTGCATTTC CGTTTTCTAT GAATNAATTT 60
GCATTCAATA AACAACCAGA CTCAGAAA 88

配列番号：4798
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5697
配列：
GATCACAAGT GCAGCATTCC TTAATTCCTT CTGCTATATG TCACACAGTT GTTATTTGGA 60
GAACCAAGTA TGTATTGCAT GAAAACATTA TGACTTTTTT CTCTTAGTTT AAATAAACTC 120
CAAGGTAACT GGACTTCTAA AGCACCTTTC TGTTTGCCTG ATATCTACTT TAGCAATAAT 180
TTTTTTTACA ACCCTCTGAC TCAACAAAGT AAATAAAAGT ATATTTTATC ACTATTAAA 239

配列番号：4799
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5701
配列：
GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTGGGCCCT CAGAAAGCCC GGAGGCTGTT TGATGTCCTG 60
CACGAGCCCT TCTTGAAAGT ACCCTGATGA CCCCAGCTGN CAAGGAAACC CCCAGTGTAA 120
TANTAAATCG TCCTCCCAGG CCAGGAAA 148

配列番号：4800
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5704
配列：
GATCCTCAAC AGACACCTTC CTTGACTGAA AGTTTTAATC GTGATGCAGA GNCAGTCAGT 60
NATNTNCCGC CATCCACAGG AAATTCAGCA TCTTTATCTC TNCCACTTN 109

配列番号：4801
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5707
配列：
GATCAATTCA ATTAGATTAA AATNAAGAAC CTTGGGGCAG AGTTTGGGTT TTGTAAAATN 60
AAAAGAGTTC TGGAGTTAAG CATCGTGAAC ATGCTTAACA CTACTGAACT GTACACTCAT 120
TTTATAATAA AACTATTAAA TTGTAAA 147

配列番号：4802
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5708
配列：
GATCTAATTT AAAATTCATT GGATTGAAAT NTATTGAATA TAATTCANCT TTTGTAACTA 60
GGTAGACTTT NCTNATAGTT TAGTTTTAAT ATAGTTTAGG GTATTACTGG CTTTTCCCCA 120
GGTGACACAC TAAGGNCTGT TTACATGGCA ATTCCAGCAG CAACAGGNGG CTGGAATTNA 180
GACAAGGAAA GCTCATTTGT TTCTTTTATG AAGGTTAAAG AAGTCTACAG CTTGGGCTGG 240
CCGGTATTTA TTNATTCTGT GGCCAGAGGA TTTTAAATTT NNCNCNAATN TTNTN 295

配列番号：4803
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5709
配列：
GATCATGCCA CTGTCCTCCA GCGTGGCAAC AGAGTGAGAT TCTGTCTCCA AA 52

配列番号：4804
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5710
配列：

GATCAGATGG GGACACACAA CCCCTGGATA TGTTTCATTG TCAGATTTTG TGCTGNNATT 60
TTAAGAATGG AATGGTGGGT ATCTTTCCTT TTTTTTAATG TATCTTAACT GTTGCCTGTC 120
AGTGNNNACA AACTAGTGCG TTGACGGCAC CGTGTCCAAG TTTTTAGAAC CCTTGTTAGC 180
CAGACCGAGG TGTCCTGGTC ACCGTTTCAC CATCATGCTT TGATGTTCCC CTGTCTTTCC 240
CTCTTCTGCT CTCAAGAGCA AAGGTTAATT TAAGGACAAA GATGAAGTCA CTGTAAACTA 300
ATCTGTCATN GTTTTTACCT NCCTTTTCTT NTTTNAGNGC AGAGGTTAAA AGTAAGTATN 360
AAGCACCCGT GAAA 374

配列番号：4805
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05711
配列：
GATCTGACTG TGGAAACATC CTCTCACTTG CATTCTTTTA ACTTAAAACT ATTTAAGAAC 60
TGATGTTCCG ATTATTGTAT ATATTNNNCT AAAANCCAAA TAAAGCTACC TATGAAAATG 120
AAA 123

配列番号：4806
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05714
配列：
GATCAAACAG GAAATTGAAA GCCACTGNAA CTATGCAGCA TTTCAGTTTT CATTTAAACA 60
CTTAGTTCAG AAACCTTAAA GGATTTGANT ATTTCAAATT GCACACGTCA CTCCAGCATC 120
TCTGTAANAT AATTGGAATG AANATACTTC TTGCACTTAA ACACTGCACA TGCCGTNCTT 180
TGCGGTTNGT CTGCATCTTG AACTTTAATA CCAANTTNNT TTTGCATGCT TTTGTTTCCT 240
ACGNGATAAT GGCATGGTTT CATATGTNAC TACTTTGGAC CAGTGTTTTC ANNATGGNN 299

配列番号：4807
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05715
配列：
GATCTGGACA AATGACAGTA ACTGTTTCTA ACCTTGATTT TCTCATCTNT AAGATGCCAA 60
TTGTAACTCC TAAGGNTACT GAGGATTTTT TAAAATGCGT GTACAGTTCC TGACCAGTGG 120
TTTGTGCCTA ATAACTNATT ACAAATNATT ACCNAGTAAA ANCCTTGCGC CANGTGTGAN 180
AACGTAAAGC TANTTAATCC ATNN 204

配列番号：4808
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05716
配列：
GATCAAGCGA CCTTGAGAGC AGAGNACAAA TCCCAGTGTT GCTGATATAT GGCTTCTNCT 60
TCTCTTGTGT GTGCCTCAGC TCTGAAGNAG TTCCTGAGAA TGGGTTACAG ATGTCATGTT 120
AGCTGGGAGT CTTCCCACAT GTGGCACTTC AAAAGGCAGC ACCACTGGGC GCCTGCACTT 180
ATTTGAAAAT GGNACTTTGG GNGAAGTATC CCTGCTAGTG GCTCTGTAAC TTAACAGATG 240
TCANTTAGGC TTTTGTCATT GTTGCCATCA TATNNANGCT AATGTNTACA TCCTTTTAAA 300
CANNTTGNGT ATGACAATTN CCTCAGGATT TNGGGTAAGN CTTCCCAN 348

配列番号：4809
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05718
配列：
GATCCTCCTG CAGACCACGC CCGTCCTGCC TGTGGCGCCG TCTCCAGGGG CTGCTTCCTC 60
CTGGAAATTG ACGAGGGGTG TCTTGGGCAG AGCTGGCTCT GAGCGCCTCC ATCCAAGGCC 120
AGGTTCTCCG TTAGCTCCTA TGGCCCCACC CTGGGCCCTG GGCTGGAATC AGGAATATTT 180
TCCAAAGAGT GATAGTCTTT TGCTTTTGGC AAAACTCTAC TTAATCCAAT GGGTTTTTCC 240
CTGTACAGTA GATTTTCCAA ATGTAATAAA CTTTANTATA NAGTAAA 287

配列番号：4810
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05719
配列：
GATCACCACC CCGAGCCCTC TNATCCTCTA TGGNTTCACT CCCATCATGA TTTGGAATTA 60
TTTATTTGTG AACTTGATTA GCCGAGATTG TAAATNACAT GAGGTCAGGG ACTGGACTGG 120
GTATGTTTTC TTCTCTGTTG CTTTCCTGGC ATGAAGTACA GTAAATACAG CACCTGATAC 180
ATTATACATG GCCACAAATA TTTGTTGAAT GAATGANTAA AAGCACATTG GGTTCTGACC 240
ATTCAGTGTC CCTGNAANGA ATGCAGTTTT TCAAACTTGT GCNTCACCAT CCATTAGCGG 300
GNGTGTGAAT CCAATTTAGG TNGGTGATGT CTAGCATTNN AN 342

配列番号：4811
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05720
配列：
GATCATTAAC CAGAGTACCT CTACTCTTAG CAAACTCTAG TTTATGACAA GTATTTAAAA 60
TATTTAAAAC AAGCTTATGC AGTTCTTAAG GNCGNAGGTA AATGAGATGT ANCTTAAAAA 120
TAGTATTGGG AAAATGTTGA TAGTTAACAT TAGTGGATTT AGACTAGCCA AATGACATAG 180
TAGGCTCTGA AACATCTTGT CAAGTNTATG TNTTTTGTGC ATGANTTTTT GCTGGAAAGC 240
TGTCTTTCTC TGAAAAACAC ANCGTTCTTA GACTGNNANG CCANTTATAA CNTAANNCN 299

配列番号：4812
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5721
配列：
GATCTTNATG CCCAACATTG GTTATGGAAG CAACAAAAAA ACAAAGCACA TGCTGCCCAG 60
TGGCTTCCGG AAGTNCCTGG TCCACAACGT CAAGGAGCTG GAAGTGCTGC TGATGTGCAA 120
CAAATCTTAC TGTGCCGAGA TTGCTCACAA TNTTNNGNTC CAAGANCCGC AAAGCCATCG 180
TGGAAAGAGC TGCCCAACTG GCCATCAGAG TCACCAACCC CAATGCCAGG CTGCGCAGTG 240
AAGAAAATGA GTAGGCAGCT CATGTGCACG TTTTCTGTTT AANTAANTGT AAAANCTGCC 300
ANANAAANTN 310

配列番号：4813
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5722
配列：
GATCCCTTTT CTTTTGATGG ACCAGAAATN ATGGGTTGTA CAGGGTGCCA GATAGATTGG 60
AAA 63

配列番号：4814
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5723
配列：
GATCCCAGTG CTCTACTGGG GGATGAGAGA AAGGCATTTT ATAGCCTGGG CATAAGTGAA 60
ATCAGCAGAG CTCTGGGTGG ATGTGTAGAA GGCACTTCAA AATGCATAAN CCTGTTACAA 120
TGTTAAA 127

配列番号：4815
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5724
配列：
GATCGAATAC AGATGACCCT GCTGTCGTGT CTTCATTTGT AAAATNCTCC TACAAATGGA 60
GACATTGAAG GATTATGTGT ATGGAAATNT TTACAAAATT CCTTTCTGTA CCTATTCTGT 120
AGATGCCTGT ATAATCGGNC TGGATGTACA GCTATAAATG TGTTGTGAGA GCAAGAGAGA 180
GAGAATGGGT AGAGCCTGCT GTACCTTTTT CCTTTTAAAT TCTTCGAGTT GGTAAATGAG 240
TAAGATATTG GAAACCTTAA TGNAAAGCTG CTGTTCATGN TTTGTGTGTA TAGTGAGCTG 300
CCTGTAGTAT TTNNCTATTG TCTGNTAAAA AAAGNAAANC CTGTAAAACN 350

配列番号：4816
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05725
配列：
GATCTTGAAC AAAGNCACTT AGTTNCCCTG GGCCTTGGTG TCTTTCGTCT ATAAAATATT 60
GTACCAGATT ATCTCTGAAA TCACTNCAAG GTTTAATATA TATANTTATC AATATTTTAA 120
AATTCAAGCA ATATTCACTT TAGANATTAT TATAACATTC TATANTNGTN GGGGGGGN 178

配列番号：4817
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05726
配列：
GATCGAATCG GGACATNATG GGAGCTGACA AATTTATATT CTNTTTCAAT NATTTTAATC 60
CCACTTCACT GTGAGGGGAA GGCCTTTTCA CGGGAACTCT CCAAATATTA TTCAAGTGCC 120
AAA 123

配列番号：4818
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05727
配列：
GATCCCAAAT TTGTCCATAG CTGAAGTCCA CCATAAAGTG GATTTACTTT TTTTCTTTAA 60
A 61

配列番号：4819
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05729
配列：
GATCTATAGA ATTAGATTTN NTTATATCTA AAGAAATATA TATAAATACA TAAACGTAGG 60
TATGTATAGC ATGANCAGAA TACAGTGCTA TTTGACCATT GTCACAAGAC TTATTTATAA 120
AACCTCCTCA AGCTCTTGCC AATATCTTAG TTAAGNTTGC ATCTAAGGTG GGCGGNGGAT 180
GNNGATTGAG GCACTGTCAG GTCATGNTTG ATTACCTGGG TGACAANATT ATGTTTACAC 240
CAAACCCCCA TGNCACACAG TTTACCCATG TGACANNACN TNCACATGTC CN 292

配列番号：4820
配列の長さ：61
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05730
配列：
GATCCCCCAT ATACTCTGCT ACAGCTCCTA TCATGAAAAA TAAAATGTTT GTCTTTGCAA 60
A 61

配列番号：4821
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05731
配列：
GATCCGNTGG GGTGAAAGCA GCCAGCTCAT CCCAGTAACT CACAGGACAC AGCCATCCAG 60
CGGCATCTTT CCTTGTCGAA TGATACTGTA ATNACCTTCC AAAGTNAAGA GTAGCACATT 120
AAAGTNATTT TATTGTTAAA 140

配列番号：4822
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05732
配列：
GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTAAGAG TTTNCTNACC TGTNCAGTCT CATCTAACCT 60
TCCAATGTCT GATGTTCCTG CCAAATTCCT GCCTGATTCT GGGTCCGTCC TGACCTCCAA 120
AGGTCAGCTT GGTGCTTGAG GTCTCCCTGC TCTTGGTGGC AGTGGTAGCA GCAACAGCAG 180
CAGCAGCAGC AGCAGCAGCA GCAGCGNCCT CTCCACTTTN CCTTNGCCCN TCTNCTGGGT 240
AGAGAGGCAC TTTCAGGGAC TTTCCTCCAG GNTGGNTCNT CAATATGGGA ATGNGCTNTG 300
NAAGGNTTN 309

配列番号：4823
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05733
配列：
GATCCTCCTG GCGGCAGTAG CCTTGACAAG GGCCACCTCT TCACAGGATG CAGTCTGTCT 60
GTGCACCAAA CTCTTCACCA AATAGAACAC TTGTGTCTCT CTGTGGAAA 109

配列番号：4824
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05734
配列：
GATCCATTTG GNAGGAAATG AGAGGGCTGT NATCAGCTCT NATTAAGAAA GGAGATTTCT 60

TCATGCTTTC GATTCTGCAT GGGGTACAGC CAGTCACCTC ACCAGAGANT GACGGCTGGA 120
GAAGTNAACT CTGTAATACC ATAAATAAGA GTGCTTGTAA TAAAAGNCTG TGCACANGGA 180
TTAATATTTC CCNTCTTAAG TATCAAACGA CCTCTGGANC AAATTNTACC NTN 233

配列番号：4825
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05735
配列：
GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTNTTTTTTT TTTAAANTTG AAGGACCACT 60
GATGAAGCCC TNCCANACCC CTCCCGGGTC TAANAAAACG TN 102

配列番号：4826
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05736
配列：
GATCAAGAAA TNTCTCTNCT CCTACATCCA GCTCCTCTAG GGGCAGCCTC CGTCATCCAT 60
GCCCTCCCAG GACCCTCCAC TCACTGCTGT GAGTGCGCCT CACCAGAACC AGTTAAGAGA 120
CAACTATCAA TTNNGGGGAC CCAAATTATA AGGGCCCTGN CCTGTACTGA AGNAAAGGGG 180
NGCACAAGGC CTTAATGGAC ATTGNCTTGT GAAAACGCAN ACATGAATAT GGTTGGAGAG 240
CNTGGCTTAG GAGGGTGTCA TGGGGNAGNA GNGGCTN 277

配列番号：4827
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05738
配列：
GATCCCCTCT CCTGCCCAAG CACTTCACAG CTGGACCCTG CTTCACCCTC ACCCCCCTCC 60
TGGCAATCAA TACAGCTTCA TTATCTGAGT TGCATAAA 98

配列番号：4828
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05741
配列：
GATCTGGGAT TTTNTTTTTA TTTTGAAATG GGAGCTTTTT TGTTTACAAG TTCATTAAAA 60
ACTAAAAACT GTTTCTGTAA A 81

配列番号：4829
配列の長さ：234

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05742
配列：
GATCGATTTC TTTCCTCCAG GTAGAGTTTT CTTTGCTTAT GTTGAATTCC ATTGCCTCTT 60
TTCTCATCAC AGAAGTGATG TTGGAATCGT TTCTTTTGTT TGTCTGATTT ATGGTTTTTT 120
TTAAGTATAA ACAAAAAGTTT TTAATTAGCA TTCTGAAAGA NGGAAAGTAA AATGTACANG 180
TTTANTAAAA NGGGGCCTTC CCCTTTAGAC TAANTTTCAG CATGTGCTTT CAAA 234

配列番号：4830
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05743
配列：
GATCCACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTNCT GGGATTACAG NCATGAGCCA CCATGCTCAG 60
NCGTGTGTGT NTGTGTGTAT TATTTATATG TATATGCATA CTATATACAT NTATATATAC 120
ACTATATAAA 130

配列番号：4831
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05747
配列：
GATCTTTAAT CAAGCACTAT GTTAATACTG TAATATCAGA ATACTATGTT GCATTATTTA 60
AAATGTTCAA ATTGAATAGN TTAAAANGTT TTTAAATNCT AAA 103

配列番号：4832
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05748
配列：
GATCCTTGGT GCTGTGTGCC CCACTCCAGT CTGGGGACCC CACTTCANAA GGTAGGGGCC 60
GTGTCCCGCG GTGCTGACTG AGGCCTGCTT CCCCCTCCCC CTNCTGCTGT GCTGGAATTC 120
CACAGGGACC AGGGCCACCG CAGNGGACTG TNTCAGAAGA CTTGATTTTT CCGTCCCTTT 180
TTCTCCACAC TCCACTGACA AACGTCCCCA GCGGTTTCCA CTTGTGGGCT TNAGGTGTTT 240
TCAAGCACAA CCNACCACAA CAAGCAAGTG NATTTTAAGG GGGTTGTGCT TTTTTGTTTN 300
GTGCTAACGT CTNACTAATT TTAAN 325

配列番号：4833
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5749
配列：
GATCTGAAGA GAAGCCAGAG TATAATTTNC TACTATTTTC AATACAAAGN TGTGTTTTCA 60
TTACAATTAG NGGAATATAG GCTTCTGTGA GCTAGCCTGG AAGCAAACAT AATCATTATT 120
GTNCATTGTT TCTGTGNGAN ACTGTAATGC TGTTTCTAAA TATTGACCTA ACANTAAACT 180
CTGNGGAATT CATGCTTGTN ACTGGNTGGA AN 212

配列番号：4834
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5751
配列：
GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTGGGCCCT CAGAAAGTAA GAGCTCTGGG AAAGAACCCA 60
AGGAGTTGGG GGAAGGAGAG AGCCCCAAAT AAACACAACC TGAGACCCCA AAGTTTTAAG 120
GTGNAAAANG NACCAAAGAC CAGNCACAGT GGCTTCCGCC TGTAATCCCA NCATTTTGGG 180
NGGCCAAGGC GGGAGGACTG CTTGAGGCCA GAAGTTGGNG ACCATGCCTG GGCANCGTGG 240
NCACCTCATT TTTACTACAA ATNAAANAAN CTTCGCTGNG TAAA 284

配列番号：4835
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5752
配列：
GATCCTACTG ATGAAATTCC CACTAAAAAG TCAAAGAAGC ATAAAAAGCA CAAAAACAAA 60

配列番号：4836
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5754
配列：
GATCAAAAAA TTGAATGATA AATATGAATG GCTTTTCAAT TCTGTGGACT TTGTACCATT 60
TGGCTTCACC TTGTACTGCA AGATGAATTT GTAAACAAAA CAAAATTGGN CTGTCTGGAA 120
AGCTAAAGTN CTGAAATATG GAAA 144

配列番号：4837
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5755
配列：
GATCACAATG ANGGCCAAGC TTGCNCGCNT AGAGGCCCAG GAGCAGGCCT TCCTGGCTCG 60
TTTCAAAGGC CAGGACCCTG GGGCCCCTCA ACTGCAGTCA GAGAGCAAAG CCCTTAATAA 120

ATATTTNACA TCCTTAAA 138

配列番号：4838
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5756
配列：
GATCTTGTTC ACATCTTGCT CACTGCTATA TTCTCATTGC TGAGCACACA GTTGCAGCTC 60
AATAAATTTT GAATGAACTC CAAA 84

配列番号：4839
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5757
配列：
GATCACCTNA TGGATGTCGC AATAATACAA ACCAGTGTAC CNCTGACCTN NTCATCAAGA 60
GAGCTGGGGT GCTTTGAAGA TAATCCCTAC CCCNCTCCCC CAAATGCAGC TGAN 114

配列番号：4840
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5758
配列：
GATCTGCACT ATNAACTTTG TGAAGAGTTT CTCCTAAAAA CTTTAAGTAA AATGTTAATG 60
GTAGCTTTGA TAACATCAAA TTCTAAGGGA GAAAAAAACA ATATTAAACC GCCCAAGCAG 120
TGTGCCCTAG CAGAGGAAAA TGCAACATCT CGCAAGCGCT GCTGTAACGC CTTCAGGAGT 180
CACTGATTCA GCACTAGTTT CCGGCTGTGA AAACTCATCT TTCATTTTTN CCGTGGNTNG 240
GCGCTTTTNT TANTNGTNGT CCTAATGANA TTTCTGNCAT TGTCATATAC AANCGNTGAA 300
TATCATTAAA ANTTTTTNAN TNN 323

配列番号：4841
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5759
配列：
GATCAAAAAA ACGTTCTTTG AAGAGCTGGC AGTAGAAGAT AAACAGGCTG GGGAAGAAGA 60
GAAAGTNCTC AAGGNGANGG AGCAGCAGCA GCAGCAACAG CAACAGCAGC AGCAANANAN 120
N 121

配列番号：4842
配列の長さ：351

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05763
配列：
GATCTTCACC AGCTGCTCGT GGTGGCTCGG TGTCTGTCTC TCAGTGCTGG TCAGACAACG 60
CTGTCAAGAG ANCGATGGCT GAGAGCAAAG CAGCTAGAGT CTTTAAGAAG AACGAGGCTT 120
CAGCAGCAAA AATGTGTGAA TGGAAATNAA CTTTAAAGAT GTAATACCTA TGAAGAGTAA 180
TGGGCAAACT GTAGCCACAT AATTGTAAAA TTCAGATATT CATTTATACC ACATTGTTTT 240
ATAGGTAATT TCTATCACAA ACCAGTGACA TTTCCTGAAA TCANGCCTGG TAACACCTGA 300
TGTTTATATG ATATTCAGTA AGGACTTTTA CCTTACTGAT TTCATGGNGN N 351

配列番号：4843
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05765
配列：
GATCTGAATT TCCCCATGCT TCCTGGTTTT NATATGTTTC TTGACAAATA AAGCTGATTT 60
AAATCTCTAA A 71

配列番号：4844
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05767
配列：
GATCTTTTTC TTTATCTCCC TTCCCCTTCC TAAGTCCCAT TTCTTGGTCA TAAATATTGC 60
ATTATTCACA CTTTCAAACT GTGTATTTTC TTACAATAAA AAATGATGAA A 111

配列番号：4845
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05768
配列：
GATCTCACCA CCCACCTGGC CTCGCAGGGC GTTCATCTCC TCCTCGTGGT TCTTCTTCAG 60
GTAGGCCAGC TCCTCCTTGA GGTTCTCAAT CTGCATCTCC AGGTCGGCTC TGGCCAGGGT 120
CAGCTCATCC AGCACCCTGC TTCAGTCCCT TCCCCATGCT TCCTTGCCTG ATGACAATAA 180
AGCTTGTTGA CTCAGCTATA AA 202

配列番号：4846
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05769

配列：
GATCANAACC CTAGCGCCTT TGGTCCTAAG AATGGNAGGC TGCCTTCCNT CCCAATCTCC 60
CTGCCAGGGC CCACAGCGTG GCCCTAGCCC TCCCCTCCCC GGAATGTAGA ACGGGGACCC 120
TCGCAGGGTT GGGGCGGGGG CTGATACTCC TNGGNCCCTC CCTACCCTGC CCTGTGTGTT 180
GGCTTTNTGG CCGTCCAAGT GCCAATTGGG TTTTNGCCCA AATAAGGGCT GGTATTTNTN 240
CTNTGTNCTT GGAGGTGNGN TN 262

配列番号：4847
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5770
配列：
GATCTGTATG TNAGGCACCC ATAACAGTAG TTTTCCCTGT NAGTCGTCTT CACACATGCT 60
GTTTTCTCTG CCTGGCTCTC TCTTCCCCTC CTTACCTGGC CAGTCCTGTT TATCATCAGG 120
CCTTGTNTTG GATATNACGT CCTCTGGGAA GTCTTCTGGG NCCCTCTAAC CTAGGACCCT 180
CATTACCGGN TCTCATAGNA CAGTCTACTG NTTTGTACGG AATTCTAAGT ATTTCNNGTG 240
GNACTNAATN 250

配列番号：4848
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5772
配列：
GATCATTCTT CAATTAGGAC ACAAACCAGA CAGGTTTAAT AGCGAATCTA ATTTTNAATT 60
CTGACCATGG ATACCCATCA CTTTGGCATT CAGTGCTACA TGTGTATTTN ATATAAAANT 120
CCCATTTCTT GANGATAAAA AAATTGTNAT TCAAATTGTT ATGCACAGAA TGTTTTTGGT 180
AATATTAATT TCCACTAAAA ANTTAANTGT NTTTTAAGGG ANNNGAN 227

配列番号：4849
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5773
配列：
GATCTAAATA TAAGAGCAAA AACCATAAAG CATCTAAAAG TAATTGAAGG AGAAAATCTT 60
AGTGCCTTTT GTNCTGGCCA AGATTTTTTA AAGAGGACAT AGAAGTCAGG AACTATAAAA 120
GAAACAATTT TAAATTTTNC TTTATCAAAA TTAAAAGCCA TAGACCGGGA TAANNCATTT 180
GCAANATATA TNTCTGACAA AGTTCTTGAN TCAAGANTAT GTAANANCNG N 231

配列番号：4850
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5774
配列：
GATCAGCCTG AACAACATAA TAAGACCCTG TCTCAACAAA AAATACAAAA ATTAGCTGGG 60
TGTGGTGGCA TATGCCTGTA GTCCCAGCTA TTCAGGAAGC TCCATTGCAA TCTAGCCCGG 120
GTGACAAA 128

配列番号：4851
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5775
配列：
GATCCTTCCT TCAACCCCAA GGCCAGCTCC CATCTCATTT CCAGAAAGGC TCATACCTGG 60
CTTGCAGGGA AGCATCTGTC TTGTCATTCC AGGTGGCAGA ATCCTCTCAG AGTCATTGAA 120
GGGTGTTCAC CCATCCCACC CAAGGCTTGG CACACTGCCA GTNTCTTAGC AGGGTCTTGT 180
GAGGGCTGGG GGCATCCAGG CACTCAGAAG GCAAAGGAAC CACCCTACCC ATTTGGCCTC 240
TGGAGGGGGC AGAAGAAAGA AAGAAACCTC ATCCTATATT TTNCAAAGCA TGGGGGTTCT 300
NGCATTTAGC TCTGGNGGGT GANCCANTGT GCTTNCTTGN TTAAGTGTCN 350

配列番号：4852
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5776
配列：
GATCTCAGTT TCCCTCACTC AGGAACTCTG TTTCTAAAGT CTTCAGTTAA GTTTNAGTTT 60
ATNACTGAGT GGCCTGTACT GTCAGACGTG AATGGGCCTG ACGGGCAAAT CCATCCCTCT 120
CTCCCTCACA GTTCCAGGAG CGGCTTCCCT CGTCTCCCCT TACTCCACAG GGAGCCTCCC 180
TTGCCAGGAC CAGGGCTGCG ACGGCCATGC TGGGGCAGGT GAGTGCTCTG TTAGCTGCTC 240
CCAGTGCTGT CCNCAGGCTG CAGTTCTGGT CCNNGGGGTG TNAGGGTAGG GAAGGGTGCA 300
CTTGAAGGAN GGTGGTTCAA TNTTGGGNTN CCTTAACGTT TATAGTCTNN ACAAN 355

配列番号：4853
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5777
配列：
GATCCAGGAG TTTAAGGTTA CAGTGAGCTA TGACCGCTAC TNCACTCCAG CCCAGNCAAC 60
AGAACAAGAC CCTGTTTCAA A 81

配列番号：4854
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05778
配列：
GATCCTCCGT AACATTNCNA GACCAGANAG AACATCCAGA AATCCCTGGN TGGAAGCTCA 60
GGCCCCGGGG CCTCCAGCGG CACCAGCGGA GACCACGGTN AGCTCGTCGT CCGGATTGCN 120
ACGATTAAAG ACTGAN 136

配列番号：4855
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05779
配列：
GATCAAATAT TTTTNATTAA CCTATATAAA GAATTTGACT GCTTATGATT CAATACATAT 60
GATTTAATAA AATAGATTGC ATTTTTNAAA ATAAAGAATG ATTNGAAA 108

配列番号：4856
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05780
配列：
GATCAACCTC TGATTTTACA TCATGATGTA ATCACCACTG GAGCTTCACT GTTACTAAAT 60
NATTAATTTC TTGCCTCCAG TGTTCTATCT CTGAGGCTGA GCATTATAAG AAAATNACCT 120
CTGCTCCTTT NCATTGCAGA AAATTGCCAG GGGCTTATTT CAGAACAACT TCCACTTACT 180
TNCCACTGGC TCTNAAACTC TCTAACTTAT ANGTGTTGGT GAACCCNCAC CCAGGCAGTT 240
ATCCATGAAA GNACAAGTGG ACTAGTNCTA TGNNGTACAA AGGCCTGTAT CNTCTTGTNG 300
ATGGATTTCC TGGTGCTCTT NGCTTGTTTG CAAGTTGCTT AANTTAAAGG CAGNTNTTTN 360
TN 362

配列番号：4857
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05781
配列：
GATCCTACCG GAAACCAACC TGTTTACTGT ACTGTTGTAA ATATCATGCC CTTTATATCC 60
TGTATATTGG CTTCTTTTAA ATAAAGTGAA ATGTCTTAGA AA 102

配列番号：4858
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05782
配列：
GATCTAAACT TTATGCTGCA TAAATCACTT ATCGGAAATN CACATTTCAT AGTGTGAAGC 60

ACTCAANNTN TAAACCTTAT TATCTAAGGT AATATATGCA CCTTTCAGAA ATTTNTTTTC 120
GAGTAAGTAA AGCATATTAG AATAATTGTG GGTTGACAGA TTTTTAAAAT AGANTTTAGA 180
GTATTTGGGG TTTTN 195

配列番号：4859
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05783
配列：
GATCCCTTTG AAATNTTTTT TTTGTTTGTT TGTTTAAATC AAGCCTGAGG CTGGTGAACA 60
GTAGCTACAC ACCCATATTG TGTGTTCTGT GAATGCTAGC TCTCTNGAAT TTGGATATTG 120
GTTATTTTTT ATAGAGTGTA AACCAAGTTT TATATTCTGC AATGCGANCA GGTACCTATC 180
TGTTTCTAAA TAAANCTGTT TACATTCAAA 210

配列番号：4860
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05784
配列：
GATCTTTGTT TGTCTGAACA GGTATTTTTA TACATGCTTT TTGTAAACCA AAAACTTTTA 60
AATTTCTTCA GGTTTTCTAA CATGCTTACC ACTGGGCTAC TGTAAATGNG AAAAGNATAA 120
ANTTATTTAA TGTTTTAAA 139

配列番号：4861
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05785
配列：
GATCCTGAAA GAATAATTGG TGCCACAGAC AGCAGTGGAG AATTGATGTT TCTCATGAAA 60
TGGAAAAGNTT CAGATGNGGC AGACTTGGTG CTGGCGAAAG AGGCAAATAT GANGTGTCCT 120
CAAATTGTAA TTGCTTTTTA TGNNGNGNGN 150

配列番号：4862
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05787
配列：
GATCGCAGAT TTNTNTAGAA ACACGGATGT NCATGTCCAG ATTCCCTTTT NCAGGTATTA 60
AAAATAATTA AAAATAGTCC TGCCTGAGGT TGCAGTGAGC CGAGCTTGCA CTACTGCACT 120
CCAGCCTGGG TGACAGAGTA AGACTCCATG TCAAA 155

配列番号：4863
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05789
配列：
GATCTGTACA ACTGATTTTA AAAAAATGCT ACAAAAAGCC CCAAAGCATA TAATCTCTAC 60
TCCTTACAGT CTCTAGAATT AAATGTACTC ATTTAGACAA CATATTAAAT GCATATTTNA 120
GCCACTTTAG AGAAACCTCA TAGGCACAGA GTTTCCAAGN TTAATTTTAA GNATATCTTC 180
ACGAACTTGA CCCTCCTACT CCACATTGCA NCATTTCCNT CAGNCAGCAT TTNAATTCCN 240
GTATTATGTN TNTNGCAANT NN 262

配列番号：4864
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05790
配列：
GATCAAGAAG GCCACTGGTG TGCAGGTGTN AGGCTCCTAC AGGCCCACTC TCTTCAGCAG 60
CCACCCGGCC CTCCCTCCAG CACCCGTTTT AATCCCACAG AACAACGGGA ACGTTACTGA 120
CTCTGGTGCC TTATCTCGAA GGGACCAGAA GTGCTGCGTG TTCAGGCCAT CNNTGGCTGT 180
NTTCCTGTCT CTCCTGTCTG TCCACCTACT ACTNNNTNCT NTACTTTANC NN 232

配列番号：4865
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05792
配列：
GATCAGAGCC GACACCAGAC GTGATTAGCA GGCGCACAAN ATTCAATTTG TTAAATGAAA 60
TTGTATTTTG CCCAAA 76

配列番号：4866
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05793
配列：
GATCTCTTGG GCCCAGGACT GTTGATGCCT TTNAGTTTTG TATTCAATAA ACTTTTTTTG 60
TCTGTTGATA ATATTTTAAA 80

配列番号：4867
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05794
配列：
GATCCATGCA TTATTTTCCT AGCTTCCTGC CTTGCTCCCT ATTCACTTTA CACTGTGAAA 60
GGTGGGGGGT GAGTCCCACT TGAGCGCTTC CTGTTGAATA AAGCAGGCAC TTGACCTGGC 120
TGTAGCCTAG GTCTTGAGTG AACCCCAAA 149

配列番号：4868
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05795
配列：
GATCATGTCT GTACATTGTG TAATGAATGA AAAGCACATA AATNTAATCT ACTTTGAACT 60
TTGTAAAAAT AATGTGTGGA GGCTATTCTT GTTTCTCCAT CTCAAGTCCT GTGTGTGCAC 120
GTGTGTGCAA GTGCACATGT GTGTGTGTAA TAACACATTG TAAAGANCAG AAATNACTTT 180
AAAAAATAAA CAGAAATGGA GACCTGAAA 209

配列番号：4869
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05796
配列：
GATCCGNCCA CCTTGACCTC TCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACGCCCGG 60
CCACGCTGTT GGTTCTTAAT GACACAGCTT ANCTTTATTG TGAAAAGATT GCAGCAACAA 120
ATGAGATTTT ACCTGTATTT GTTAAAAATG CTTATCCTTG TCTAAGACTG GCAACATAAG 180
CAGTTCTTNG GCTTCTATGC CAATGGNCAC TAGGCAGTAA TACATGTGCA GTGCTANATA 240
GAAAATATTG GAGTNAGGGT GTACTNAGGG AAGTTCTCAA TCTTTNCCCT NTCANTNTCT 300
TCTGTAATAG TAACCTTNAA TAACATGNGG ATTCN 335

配列番号：4870
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05797
配列：
GATCTTTCTG CAGGAAATAG TCACTCATCC CACTCCACAT AAGGGGTTTA GTAAGAGAAG 60
TCTGTCTGTC TGATGATGGA TAGGGGGCAA ATCTTTTTCC CCTTTCTGTT AATAGTCATC 120
ACATTTCTAT GCCAAACAGG AACAATCCAT AACTTTAGTC TTAATGTACA CATTGCATTT 180
TGATAAAATT AATTTTGTTG TTTCAAA 207

配列番号：4871
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5798
配列：
GATCTGTCAC GGAAGGCGTC CTTTTTCCTT GTAGCTAACG TTAGGCCTGA GTAGCTCCCC 60
TCCATCCTTG TAGACGCTNC AGTCCCTACT ACTGTGACGG CATTTCCATC CCTCCCCTGC 120
CCGGGAAGGG ACCTTGCAGG GACCTCTCCC TCCAAAAAAA GAAAAAAAGA AAAAGANAGA 180
AAAANTAAAT GAGGAAACGT GTTNCAAA 208

配列番号：4872
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5799
配列：
GATCAGACCA TAATGTTACA TTATTATCAA CAATAGTGAT TGATAGAGTG TTATCAGTCA 60
TAACTAAATA AAGCTTGCAA CAAA 84

配列番号：4873
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5801
配列：
GATCCTGGCC GAGGTGAGGA ACAGACAGGG GGGGTCTAGA TTCTAAGGGG GTTGGTGGAT 60
ATTGGGCAAG GCAGGAAACC TCTGGAGACC TCATTTTCTC CATGGGGAAG ACAGCCATGC 120
TCTTCAGGAG GAGACTCCAA GGGCAAAGNA GGGTGTCTTG GCTGTNCTTG AAGGCGAAAC 180
CCTGCCATAT CCCCAGTGCC AGTCCCCTCA GNCTGTGGTG GCCTTGCATC CTGACTGGAT 240
GTTCTCAGCC CNTTGTTCTG GGCAAGAACC CAGAGCTCCC CAGTNTGGAT ACTTATTAAA 300
CCTNTTTGGA GNCNCAAATA NAAAAAAANA AANNAGN 337

配列番号：4874
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5804
配列：
GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCGAGATGGA 60
GCAGCAGAAC CAGGAATACA AAATCCTGCT GGATGTGAAG ACGCGGCTGG AGCAGGAGAT 120
TGCCACCTAC CGCCGGCTGC TGGAGGGAGA GGATGCCCAC CTGANTCAGT ACAAGAAAGA 180
ACCGGTGACC ACCCGTNAAG TGCGTACCAT TGTGGGAAGA GGTCCAGGAT GGNAAAGGTN 240
AATCTTCTTC CGTGNAGCAN GGTNCAACCA GACCAACCGT TTGAGGGACT TANGTTACCN 300
NGNGCCGGGC CAACCNAAGG AGGGNNTTN 329

配列番号：4875
配列の長さ：142
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05807
配列：
GATCACTTGC TTTTATGTCC ACTTTTTNAG TGGTACTTAA ATGTAAAGTA ACAACCTGAA 60
TTGAGTCATT GCTTTCTGAA GGAATCATTG TCCTTTCTCC AGTTTTTGTN CCAGAATAAA 120
AGGAAATATT TTAAAAGCCA AA 142

配列番号：4876
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05808
配列：
GATCCTNCAG CACAGGAATT CTCAAGACCT GAGTATTTTT AATAATAGGA ATGTCCACCA 60
TGAACTTNAT ACGTCCGTGT GTCCCAGATG CTGTCATTAG TCTATATGGT TCTCCAAGAA 120
ACTGAATGAA TCCATTGGAG NAGCGGTGGG GNACTAGCCA GACAAAATTT NAGANTACAT 180
AANCAACGCA TTGCCACGGN AACATACAGN GGATGCCTTT TCTGTGATTG GGTGGGATTT 240
TTTCCCTTTT TATGTGGGAT ATAGTNGTTA CTTGTGACAN GTATAATTTT GGAATAATTN 300
CTATTAAATA TCANCTCTGA NGNTACTNGT N 331

配列番号：4877
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05810
配列：
GATCATGCCA TTGCACCCCA GCCTGGGCAA CAACTTAACT TTTTTGAAAC TCTGTCTCAA 60
A 61

配列番号：4878
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05813
配列：
GATCCTCTGG ACACGTAACC TATGTCAGNC ACTACATGAT GACTCAAGGC CAATAATAAN 60
GCCATTTCCT ACCTGCACAA A 81

配列番号：4879
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05814
配列：
GATCCANAGA GGACCCCCGN CCCCAGAGAC TTGGTTTTGG CTCCAGCCTT CCCCTGGCCC 60

CGTGACACTC AGGAGTTAAT AAATGCCTTG GAGGAAAACA AA 102

配列番号：4880
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05815
配列：
GATCAAAAGG TCTCAGATGA TGATAAAGAA AAGGGAGAGG GAGCTCTTCC AACTGGGAAA 60
TCCAAA 66

配列番号：4881
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05816
配列：
GATCTCTAGA GTCCATTAAA AGCAAGCTAG ATTGAGAGCT CTTGGAGGGC AGGGACTGGG 60
CCTAGCTCAT GGTTTACAGC TCTTGAGGGT GACTGCACAG TGGACTCAGT CAGTCATGGC 120
TGAGTTGTGT TGGCTTNATT ATCTCTAGAA TGTAGTTCTC CATTCAAATG CAAATCAGCC 180
TGGNNGGNTC ACCTGTAGTA AAGGGGGTTT CTACCTNGNG GATGGAAANA GNNNTCTTAG 240
GNACCTTCCT TGGGCCTCCA GNACTTATTT TNGATATCCC NTTATGN 287

配列番号：4882
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05817
配列：
GATCATACCA TTGCACTCCA GCCTGAGTGA CCTGACTGAG ACTGTCTCAA AAAGNGTAAA 60
ANATAAAAAT TAAA 74

配列番号：4883
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05818
配列：
GATCTNACTC CAGCAGAGTC TGTNCCAATN TGGGGTGAGC AGGGCCCCTG CCATGGAGCA 60
GCAGGAATTT NAGGGATGGA GCAGGTTAAA GAATGGGAAA CATAAA 106

配列番号：4884
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5819
配列：
GATCTTAGTG GTGAAAGTAT GTGTAACCAT GTGATGGTTA AAACANGACT TACAATNCCT 60
AAATGTGTAA CTGAGAATAA AACGTACTCT NTTAAA 96

配列番号：4885
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5820
配列：
GATCCNAAGN CTCCGGGCAG CCGTTATCCC GTGGTTTAAT AAAGCTNCCG CGCGCTCACC 60
AAA 63

配列番号：4886
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5821
配列：
GATCCTGCTG TGTGTCCTGT TCCATGTTCC GGTTCCATCC AAATACACTT TCTGGAACAA 60
A 61

配列番号：4887
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5823
配列：
GATCTCCTTG TCAGGAGCAC CTAAGAACTG GCATGACTCT ACACCCTNTC TCCTTCTNCA 60
ATGACCTCGT GTCAAGATGG CAGACCTGCA GAGATGAATT TGCCTNGATA CCTGAGTCAC 120
CAGNGNGGAG GAAACTCCCA TTNGACATGC ATCACACTCC ACATATGAAA CCCTNCTTTT 180
GCTGCACTGT CACTGGGGGN TAGGGGTTAT TACTCACTGC AACTTAGCCT AGCATTAAGT 240
TGNTTTGACT NATNCANGTT TCAGTAAANG TCGN 274

配列番号：4888
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5824
配列：
GATCTGTGTT GGTTTCTTAG ATTGCTAGCT TTTCCTCCAG GGGACCACAG CAGGTGAAGC 60
TCAAGAGCGC ATGGCTCTGC TAATAGTAAA TTGTTTTCAG GGCCTTGTCC AGCTGAGAGC 120
TTCATGTCCA CCAGATTCTG AGAGGTGTCA GCAGCACTTT TTTTTTNATT TGTNGTTNGG 180
TTTCCNCCCG GTTATCGGAC CATGGGCTNA GCTCAGGCAC TTGCTGTAGG AGACTNGNNA 240

TTNCTGTAAA GGANNGGTNA TTTANCCN 268

配列番号：4889
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05825
配列：
GATCAAACTT GGTCTGGGTA TTGATGAAGA TGACCCTACT GCTGATGATA CCAGTGCTGC 60
TGTAACTGAA GAAATGCCAC CCCTTGAAGG AGATGACGAC ACATCACGCA TGGAAGAAGT 120
AGACTAATCT CTGGCTGAGG GATGACTTAC CTGTTCAGTA CTCTACAATT CCTCTGATAA 180
TATATTTTCA AGGNTGTTTT TCTTTATTTT TGTNAATATT AAAAAGTCTG TATGGCATGA 240
CAACTACTTT AAGGGGAAGA TAAGATTTTC TGTCTACTAA AGTGATGCTG TGGTACCTTA 300
GGCACTNAAG CAGNGCTAGT ATN 323

配列番号：4890
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05826
配列：
GATCTAAGAG TATGGCTAAA CATCTATATA TGCAATCTAT TAAAAGAACT TAATTCGGCT 60
ATTAAA 66

配列番号：4891
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05827
配列：
GATCTCTGGA GCTCAAGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCCGA TGTGCCAGTA CACTGCAGCN 60
TNGGTGACAG AGCAAGACCC TGTCTCAAA 89

配列番号：4892
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05829
配列：
GATCGCCACT TACCGCAAGC TGCTGGAGGG CGAGGAATGC AGACTCAGTG GAGAAGGAGT 60
TGGACCAGTC AACATCTCTN TTGTCACAAG CAGTGTTTCC TCTGGATATG GCAGTGGCAG 120
TGGCTATGGC GGTGGCCTCG GTGGAGGTCT TGGCGNCGGC CTCGGTGGAG GNCTTGCCGG 180
AGGTAGCAGT GGAAGCTACT ACTCCAGCAG CAGTGGGGGT NTCGGCCTAG TNNNNNGGGC 240
TCAGTGTGGG GTGCTCTTGG CTTCAGTGCA AGCAGTAGCC NGAGGGCTGG GGGTGGNCTT 300
NTGGCANTGG CGGNTNTAGC AGNTCCAGCG TCAAATTTTN CTCN 344

配列番号：4893
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05830
配列：
GATCAGGNAG CCTCCTGATG CCAGAACACC TNAGGCAGAG CCCTACTCAG CTGTACCTGT 60
CTGCCTGGAC TGTCCCCTGT CCCCGCATCT CCCCTGGGAC CANCTGGAGG GCCACATGCA 120
CACACAGCCT AGCTGCCCCC AGGGAGCTCT GCTGCCCTTG NTGGCCCTGC CCTTCCCACA 180
GGTGAGCAGG GCTCCTGTCC ACCAGNACAC TNAGTTCTNT TCCCTGCAGT GTTTTCATTT 240
TATNGGGGNC AAACATTTTG CCTGTTTTCT GGTTTCAAAC ATGATAGTTG ATATGAGACT 300
GAAANCCCTG GGTTGTGGAG GGGAAATTGG GNTNAGAGGG GN 342

配列番号：4894
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05831
配列：
GATCCTGGAC TTTNCCCTCA GCAAAGATGC CTCCNTGGTG GTGACCACGT CAGGAGACCA 60
CAAAGCGAAA NTNTTTNTTT TCCAAAGGCC TGACCGTTAA TGGCTGCAGC CCCTGCCTGT 120
TTGTNTGGTG TTGAGGGN 138

配列番号：4895
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05832
配列：
GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGGGAGCCA CAACACCCGG 60
CCATGAATTA ACTCCGTTAA AAAATAAACG TATACATTCT GTGAGCAAA 109

配列番号：4896
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05833
配列：
GATCGGTTTC GCCATCATGA CGCAGTGTCT CCCAGTGGCC CTGTTCTCCC TGGTGGGCTT 60
CACCCAGATG ACCATNTGGG CCAAGGGCAA GCACCGCAGC TACCTGAAGG AGTTCCGGGA 120
CTACCCGCCC CTGCGCATGC CCATNATNCC CTTCCTGCTC TGAGCGCTCA CCCCTGCTGA 180
GGCTCAGCCC CTNAACCCGG TGGCATTCTG GGGGAGGAGT GGGGCCCACA GNTCTCCAGC 240
ACCCGGAATA AAGCCCGNCT GCCCCAGTCG GAAA 274

配列番号：4897
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5834
配列：
GATCTTGCTG GATGTGAAGA CGCGGCTGGA GCAGGAGATT GCCACCTACC GCCGCCTGCT 60
GGAGGGCGAG GATGCCCACC TTTCCTCCCA GCAAGCATCT GGCCAATCCT ATTCTTCCCG 120
CGAGGTCTTC ACCTCCTCCT CGTCCTCTTC GAGCCGTCAG ACCCGGCCCA TCCTCAAGGA 180
GCAGAGCTCA TCCAGCTTNA GCCAGGGCCA GAGCTCCTAG AACTGAGCTG CCTCTACCAN 240
AGCCTNCTGC CCACCAGCTG GCCTCACCTC CTGAAGGNCC GGGTCAGGAC CCTGCTCTNC 300
TGGNGNAGTT TCCCAGGTAT NTTCNNTGGT TCCTGTTGGT GAN 343

配列番号：4898
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5835
配列：
GATCAGNAGC CCCCAACACA GGCAAGTCCA CCCCATAATA ACCCTGCCAG TGCCAGGGTG 60
GGCTGGGGAC TCTGGCACAG TGATGCCGGG CGCCAGGACA GCAGCACTCC CGCTGCACAC 120
AGACGGCCTA GGGGTGGCGC TCAGACCCCA CCNTACGCTC ATCTCTGGAN GGGGCAGCCC 180
TGAGTGGTCA CTGGTCAGGG CAGTGGCCAA GCCTGCTGTG TCCTTCCTNC ACAAGGTCCC 240
CCCACCGTTC AGTGTCAGCG GGTGACGTGT GTTCTTTTGA GTCCTTGTAT GANTAAAAGN 300
CTGGAACCTN ANAAAAAGTG NGNNGNGGTN TNTGNTAN 338

配列番号：4899
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5836
配列：
GATCAGCCCC TGACTTTNTT AAAAGATATC AGAAGTGTCT TGGAGCCAAC TAGAGGCAGG 60
GTCATCCTTG CCCTTNTCCT CCCCTTTCAT CCCTATGTGG AAAACGTAGG TGGCAAGTGG 120
GAGAAACCAT CAGAAATTTT GGAAATCAAA GGACAGAACT GGGAAGANCA AGTGAATAGT 180
CTGCCTGANG TTTTCAGAAA ANCTGGTTTT NTTATCGAAG CTTTCACCAG ACTACCATAC 240
CTGTNTGAAG GCGACATGTN TAANGNCTAC TNCGTTCTGG NTGACGCTNT CTTTGTCCTC 300
AANCCAGTAT AAACACGTGG NGGTCGAAGT CTTCAGAGTC CGTACCNTNC TGGATN 356

配列番号：4900
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5837
配列：

GATCCCCCAG AAAAGAAAGC TACAGAAGAA ACTGGGGCTC CTCCAGGGTG GCAGCAACAA 60
TAAATAGACA CGCACGGCAG CCACAGCTTG GGTGTGTGTT CATCCTTGAA A 111

配列番号：4901
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5838
配列：
GATCTTAATG GGTTCGATGG TAGGGAATAC GGAAAGGATA CACTGCTAAT ATTGTGTCTA 60
ACAATAAAGC AAACAACTCG ATGCTGTAAG AAGACAAGCT GTTTGAGCTT TCAAACACAC 120
AGGGGCACAG CACAATTCAG AAATACCCAG GAGGATTCCT GCAGGCTTAA CAGTTGGCAT 180
CGTACTGAAA TGAAACGTGT ATTAACANGA AANTGTCAAA CTTTTGGGGA AACAAATTTT 240
CTGTTACTTC CCACCCNACT AAAAGGGAAG ATAAAACCAT CATCACCAGN NNN 293

配列番号：4902
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5839
配列：
GATCTACATA AGGAAAGGAA GAATATTAAA GAAGAAATAA ATGAAGACGA GATAAAATCT 60
TTTTTCTTAA TTATCAAATA AAAGTTTGTT AAAAGTAAA 99

配列番号：4903
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5840
配列：
GATCAGGCAG TTCCTGGACT GTTCCACCAC TCAGAGTGAC CTGTCCCTGT GTGAGGGCTT 60
CAGCGAGGCC CTGAAGCAGT GCAAGTACTA CCATGGTCTG AGCTCCCTGC CCTGAAGAGG 120
TCGGTGCAGA CTCGGGGGCC AGTCCTGCAC NCACNTCTAC CCCTCGCCGA CAGCCAGACC 180
ACAACACCAG ATTGTACCCA GATAGCTGGG ATTGGAAGTN AGGAGGTTTC TCACCCCACA 240
GATAACCCAA GACACAAATG TGCAATTAAA AGTTTATTTT AGACCACAAA 290

配列番号：4904
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5841
配列：
GATCTGCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GNGATTNCAG GCATGAGGCG CTGCATCAGT 60
TCTGCAAA 68

配列番号：4905
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5842
配列：
GATCTGCAAG CNGGAGCCCT CCTACCCGCA GCTTNAGCAC AGNATCATCC AGCCCTGGGG 60
AGGCGCACCC TTAAGCAATA CAGACTGGGC TGAGGCTGAC AGGCAGAAGA CTAACAGAGC 120
GCANTCTGCA CACGCAGGTT CTGGGGCGAC CTCTGGCCCT GGNCATCTCT GNACTAACTN 180
ATCTGAATTA TGGAAGGTGG CAGTNTTGGT CANTAGTTTT NNN 223

配列番号：4906
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5843
配列：
GATCCGTCCG CTTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG TCGTGAGCAC CGCGCCCGGN 60
CTGNGGTCAA TTTTCTATGT CAAGTGAGTG ACATTATTTT TACAAGTATT TTCTTCTTTT 120
TAAAATTATA CCAGCAAATA CAGTTAATGC AGAAACCTAA GTAATTTGAG TGTAGCTATT 180
CACAATCTAT GTGAAGNNNN CAAAATAGAA TGACCAGTTT TATTATAAAT TAAGGGGCTT 240
AATTTTCTAA AAAAGNANAN AANTGAGCCN TATCTCTGTG TTTTATAATT ATN 293

配列番号：4907
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5844
配列：
GATCACTTGA GGCCAAGTAT TTAAAACCAG CCTGGGAAAT ACAGTGAGAC CTTNTNTCTA 60
CCAAA 65

配列番号：4908
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5845
配列：
GATCCTGAAG GCCTTCGAGT ATTTTACTAT TTGGTACAAG ACTTGAAATG TTTNGTNTTC 60
AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAN CCAATTTAAA TTGTATGTNT TCAGGCTGTT 120
TGTATATTTN ATTAAGGGAT GGGAGGGGTT ATTTGTCATT TACAGTATTG GGGTTTTNAT 180
GAATGTGAAG CAAACAANAN ANATTTGTNT GTAAACTGTT TTNTN 225

配列番号：4909
配列の長さ：135

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05846
配列：
GATCAGGTTG GGGGGCAGCC CCCAGTCCCT TTCTGTCCCA GCTCAGTTTT CCAAAAGACA 60
CTGACATGTA ATTCTTCTCT ATTGTAAGGT TTCCATTTAG TTTGCTTCCG ATGATTAAAT 120
CTAAGTCATT TGAAA 135

配列番号：4910
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05847
配列：
GATCCAGTAT TTGATGAAAC TCATGAAAGT GGGTGGAGCC CATCTNGCCC CTCCTCTTTT 60
CTAGGACGCA CTATATGTGA CTGTGACTTT CAAGGACATT TGTTTGCCAT TTGCTGATTT 120
TTTTGGGAAG TNAATTNCTA ACTNCTTTCA CTGATAAATG NAGAAAAGTA TTGCACCNGT 180
GAAATGCACC AAATGAATNG NGTTTTGTAA TTAAAAAAAN NTNTN 225

配列番号：4911
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05848
配列：
GATCCCCTAA GGTCCTGGCC CAGGNCTGCC CAAAGAGAAG CCCAGGATGG TCGGCTGCCT 60
GGGGGCATTG TCACCACGTN GCCATGACGG CTGGTCCCNA CAGGNCCAGC TGGGAGGACT 120
GGTTGTGCTG CTGGAGAAGG GCTGGAGAAG GCAATGGCAT GCTGCCGCTT TGCCAGTCCC 180
TAGAAGTCGC GGTGCAGGTG ATGTGTNGNG AGCCGTNCCT NCANTGGGCA GGCCNGGGAG 240
TNTACTTGTG TGCAGCTGAC CCAAGGGCAG CCACATNTNN N 281

配列番号：4912
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05849
配列：
GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGC CTTGAGGATA 60
ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGG ANTTTACATC ATTTGGGCAA 120
GGCCTATTTT CAAGGTTTNT TTGGTNTGNT TGGNTNGCTT GTTTTTGGNT TNTGGCAGN 179

配列番号：4913
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05850
配列：
GATCGAGGGC TGGGNACCCC GGTGTNAGCA GGATGGGGCC CTGCCCTCCC GTGGNAGTTG 60
TGGACTCGAG CCCAGGGGCT GCCCGTAACA GCGGTGTCCC AGGTCCCTGC CATCCNATTT 120
TACCTGGAAT GTCTTCTCTG GAGTTTGGAA TTGCTTGAGG AACCCTGCGT GTGCTTGGAG 180
AGGCCAGAGG GCTTGCTGAG AACCCCATGG ACAGTGGAGA GCGGGATTCG AACCAAGGGC 240
TGGACTCCCA CACCTNTGGC CTGCGTCGCC CAGTTCTTTG TGGCTCTGAA GAATTGGNCG 300
CTGTGGAAAA GTN 313

配列番号：4914
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05851
配列：
GATCTTATGT GTTACAAAAT TGGAGAAAGT ATTTAATAAA ACCTGTTAAT TTTTATACTG 60
ACAATAAAAA TGTTTCTACA GATATTAATG TTAACAAGAC AAAATAAATG TCACGCAACT 120
TAAA 124

配列番号：4915
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05852
配列：
GATCCCCTGA ATGCCTTTGG AGGCCAGTAG AGCACACAGG GTATCCACAT GTTACCCTGC 60
AGCTACATTG TTGAGTTAGT GATGATATTG TATATGCTCA TGGTCTNAAC TGGATTACAA 120
AAAGCAAATA CTAGAACAGC TAGCTCATCT TTNACCCAAT GTACTTAGTA TTTTCNTGCA 180
CTGGTTTAAT CATGNTTAAT ACTACAAANC AAAANTAANT ATTTCACAGT GGTTGGNTTG 240
TNTTGTTTTT AANCCACAGT TNGANTTAGT TAGCCTTGCT GGGGCCATAA TATGCTTCAG 300
GGTGTGTAAN TGN 313

配列番号：4916
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05854
配列：
GATCTGGGGA CTACCAGAGA CTCTGGGAAA TGGACAAGGT GGGGGGCCCC ACTCTTTCTC 60
TCCTGCAGTC CCGTAGCTGG GGCCTCCTTC CTTCTCAGGG TCTCCCCAGC CCAGTCCCCT 120
TGCTCCCATC CCACTCGGTG CTGTTGGGTA GGGGCCCTGC CAGGAACTGA CCAGCTNAGC 180
GAGGAGCCAT AATGTGCATA TGTGCACAAG CAGGGTTTGG GGAGGGGGNT GTGAGGGGNT 240
GTGCCCAGGT GTTGCCCCCT ATCTCCTGGG GAGGGTGAGG NAGGGCAGGG ACAGTNTCCA 300
GGGGTNAATT TN 312

配列番号：4917
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05856
配列：
GATCTAAATA TTCTGGTTTG GATTAGGCAA TTAAAATTTT TTTGGCAACA GGAAA 55

配列番号：4918
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05857
配列：
GATCCAAGGA NCGTTTGGNT TTTCCTAGCT ACATCTGGTA CCTTGGCTGG CATTATGGGA 60
ATNAGGTTCT ACCACTCTGG AAAATTCATG CCTGCAGGTT TAATTGCAGG TGCCAGTTTG 120
CTGATGGTCG CCAAAGTTGG AGTTAGTATG TTCAACAGAC CCCATTAGCA GAAGTCATGT 180
TCCAGCTTAG ACTGATGAAG AATTAAAAAT CTGCATCTTC CACTATTTTC AATATATTAN 240
GAGAAATAAG TGCAGCATTT TTNCATCTGN CATTTTACCT AAAAANAAAG ACACCAAANC 300
TTGGCAGAGA GGTGGGAAAA TCAGTCATGT TTTACCAANC CTANCNGAGG TTGGCGTGTT 360
TTGTTACCTN 370

配列番号：4919
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05858
配列：
GATCTTGAAA GGAAGTATGC TGTTCTCTAT CAGCCTCTAT TTGATAAGCG ATTTGAAATT 60
ATTAATGCAA TTTATGAACC TACGGAAGAA GAATGTGAAT GGAAACCAGA TGAAGAAGAT 120
GAGATTTCGG AGGAATTGAA AGAAAAGGCC AAGATTGAAG ATGAGAAA 168

配列番号：4920
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05859
配列：
GATCATGGGA GGGAGCTGAG GGGTTAATAT AT..AC ATACACATAT ATATATTTNN 60
..AAATAAAC AGG ACTGAT TTNCTGCCTC CATCCCACCC ATGAGGGCTG CAGGNACTAC 120
..GAGAAA 128

配..番号：
配..の長さ．6
配列..型：核

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5860
配列：
GATCGGGTCC CCAGAGCCAC CATCTCCTGA GCCTCCCACC CCGCTGCCTG GGCCCTGTGG 60
TTGCTGGGCC TCCCACCTCA AGGAGGGGAA GGTTGTACAG CCCGAACCCG TGGAGCAATG 120
CCCTGTNTGG NCTCCAAAAC CAAAATAAAA CTGGTGTCAC TTTAAA 166

配列番号：4922
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5862
配列：
GATCTTTAAA CTGCTTTATA CACTGTCACG TGGCTTCATC AGNTGTGTGC ATTTCAGGAT 60
GGTTTTTAAA GNAACCTCAG AAAGNTATTT CCTTAAA 97

配列番号：4923
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5863
配列：
GATCACAGAA AAATTAAAAA TCCAAGTGCT CTCTAGATTT GTTGATAAAC ATTTTATGCT 60
TGCATTTAAA CTTGAAATGT ATGAGCAGAA TGAGACAATC AGTTAAATCA GAAATGAGAA 120
GTATTATAAT GTAAAGGCCT TGTTTTGCTG TAGCAATANN ATGACCAAGT GCAATGACTT 180
GATTTAATAA AATCATATNT TAAAAGTTAA A 211

配列番号：4924
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5864
配列：
GATCAACGCC TCACTGAAAC ATGGCTGTGT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
GCCTGGCTGC CCATCATNTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA GAAGGAGGAA TGCTGGACTG 120
GAGGCCCCTG GAGCCAGATG GCAAGAGGGT GACAGCTTGC TTTCCTGTGT GTACTCTGTC 180
CAGTTCCTTT AGAAAAAAATG GATGCCCAGA GGACTCCCAA CCCTTGGCTT GGGGTCAANG 240
AAACAGCCAG CAAGGNGTTA GGGGNCTTAG GGCACTTGGG CTTGTTTGTT CCCATTTGAA 300
NGGCGGNCTT NTGGGCCCTG GGCCCTTNAG GTTTGGTN 338

配列番号：4925
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5865

配列：
GATCCTGTCT TCTTTCATGT TTACTACGAG GCATGACATT CATGGCAAAA CAGGGATGCC 60
GTTTCCAAGA GCAGCTATAA AACAATCTGT TTTCCTAAAG ACAGCCACTC TGAGAAGGNG 120
ATGANGGAAC ACGGCAGGGT TCATCANTTC ATAGACTGTT TCCAAAAATA ATTTTTAAAC 180
TTTTCCACTA GGCATCTGTG TCTTTAACCA CTGCACANTG GCNTTGCCTG TTTAATANAA 240
GGTNNTCANN ACGTGGAAA 259

配列番号：4926
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5866
配列：
GATCCACCCA CCTCGGCCTC CGAAAGTTTT GGGATTACAG GCACGAGCCA CAGTGCCAGC 60
TGAAAACGTT TCCTAAACAG AAGTGCGCAG AGCATGATGG AGCCCAGCCT GGGCTTGACA 120
TTTGGAGAGA ACTACAGAGA AGTATCCAGA CTGTTGTTAC TAATAAATAA ATACATAAGC 180
TCCGCTGNAC GGAAA 195

配列番号：4927
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5867
配列：
GATCCAACAA TAAAATATTA ATTTATAAAA AAGAAATTTT AAAAAGTAAC AAGAAA 56

配列番号：4928
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5868
配列：
GATCATCCTC CAAGCAGTCC TGTTCATTCA TGTCTGCCTC AAATTGCTGG TGAATACATA 60
AAATAGTTAC TTGCTAATCA AA 82

配列番号：4929
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5869
配列：
GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCAAAAGCCA ACACACCCGG 60
CCTGGATATG AATTTATAAT ACCCTACAGT GCAGCACAAG AAGATGCACT CAAAGCACTG 120
ATGTGAGGAA GTACTTGCCC CGTAGCAGCT ATTCACTCTA CCAGTGTAAA CAAACTCTAA 180
GGCTAGGGCG GGGCAGCACA GGCACANGNN TATACTAGCC AGGGGTTTAA TATAANTACA 240

ACCAGCATAG NAAGNCCCAA ANCTNTACAG NNNCCAANAC CNGGNN 286

配列番号：4930
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05870
配列：
GATCTGTGCC CCATGCCTGT CCAGCCTGGG CAGCCAGGCT GCCAAGGCCA GAGTGGCCTG 60
GCCAGGGGCT CTTCAGGCCT CCCTCTCTCT TCTGCTCCAC CCTTGGCCTG TTTCATCCCC 120
AGGGGTCCCA GCCACCCCGG GCTCTCTGCT GTACATATTT GAGACTAGTT TTTATTCCTT 180
GTGAAGATGA TATACTATTN TGNTNAAGCG TGTCTGTANT TANTGTGTGA GGANCTGCTG 240
GGNTTCANTT CGNGTGNACG GTGGGAGAGN TTGGGTGCCC GNGAGAATNG ACGGGCTNAT 300
GGNTTCCTTT N 311

配列番号：4931
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05871
配列：
GATCAAAAAA CTACCTATCT GGTACTATGC TTTTNATCTG GATGATGAAA TAATCTGTAC 60
AACAAACCCT GGTGACATGC AATTTACCTA TATAGCAAGC CTACACATGT GCCCCTGAAC 120
CTAAAAAAAA AGTTAAAAGA AAAACGTTTG GNTTATTTTC CCTCTTTNGA ACAANGNCAT 180
TGGTTTGCCC AAGGNCTACA AATAANCCAA CGGGAAAAAN GANAGGTTCC AGTTTTGTNT 240
GANAATTCTG ATTAAGCCTC TGGGCCCTAC AGCCTGGGGA ACCTGGNGAN TCCTACACCC 300
GGGAN 305

配列番号：4932
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05872
配列：
GATCCAGAGA CACACAAGAG CACCAAAGCA GCTCATCCCA CTGATGACAC CACGACGCTC 60
TCTGAGAGAC CATCCCCAAG CACAGACGTC CAGACAGACC CCCAGACCCT CAAGCCATCT 120
GGTTTTCATG AGGATGACCC CTTCTTNTAT GATGANCACA CCCTNCGNAA ACGGGGTCTG 180
TTGGTCGNAG NTGTGCTNTT CATCACAGGG ATNATNATTN CTNACCAGTT GGN 233

配列番号：4933
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05874
配列：

GATCTACTAA AACACTAAGT TTCATACTAA ACCGTTTCAT GTATCTTTAT CATATTCTGT 60
AAAGTTTACA CTTTGATGTA CCTGTATTTT ATTGAAATAC TGTCCAGCTT CAAATGGAAC 120
AATATTGTAT GTAGAAATTC CAATTACTGG TTTGTCAGTN GGATTCTTAG CTCTGTAAAA 180
CGCCAGTGCA GTCTCTCCTG GCACCACCTG TNTTAAAGAG TATATATATN ATCAGTNCTT 240
TGNNTCTCAC AAAGNGCCTC NNTTTCCCTG CTAAGN 276

配列番号：4934
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05875
配列：
GATCTGGTGG GCTGGGTCCC CCTCTCGACC NCAGACGCCC CTAACTCGCC CCTTCTCATT 60
TTATACAATA AACATTCTCC ACCTACAAA 89

配列番号：4935
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05876
配列：
GATCAGGAGT TCTAGGCTGT AGTGTGCTAT GAGCACATCT ATGAATAGGC ACTGCGTTCC 60
AGCCTGGGCA ACATAGTGAG GCCCCATCTC TTAAAAGGGC ACACGTGTAT AGGACAGCTC 120
CATTATAATC TTATGGGACC ACTGTAATAT GTGTAATCCA TTGTTGACTG GAACATCCTT 180
ATGCAGCACA TGACTGTGTA CATAACTTAA AATTTATCAT TTAAACCATT TTTAAGTGTA 240
CAATTCGGTG GTATAAAGTA CATTTACATT ATTGTGTAAC TATCACCTCT ATCCATCTCC 300
CTAACTTTTT CNN 313

配列番号：4936
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05877
配列：
GATCCGGGTT CAGAGTGACG TTTTTCCTCA CAAGCAGAAG GTAACAAATT TCATGCTCTC 60
CCTAAATTCT GTCTGATTTT GCCTNGTGGT GATAGATTGT CANGAACACA ATGTCCTCTG 120
GAGAAATCTA TTGACAGAAA TTGGTGCAGT GTTANCAACG CTAATGTAAA ACACAGANTT 180
TACAGAAAAN TAGAGAAAAT AAACACATTT GTNNGCCTCA GAAA 224

配列番号：4937
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05879
配列：

GATCCTCTCT CCCAGGGAAT CCGACACAGG AGGAACCCCT TCTNTGGTTG ANCTGGGCCA 60
GGCCTAAGAG TAGCAGGAAC TCTAAGACCA CAGAGTTTTT TATAAATGTA TAAATGTATC 120
AAGCCAAATN TGCAGATGCT AACTGGACAT TCTGGGGAAC TGGGCACCAG GNGTGCCTTC 180
ATACACTGTA CCCCAGCTCT NTTCTAAAAG AGAAGTNGGT GGGCACACTT GAACTGTTTG 240
GTGGNCCNAA CCACAGGANG CTGCAATTNT NTGGNTTAGG GTGATACTTT TGGCCCTNCN 300
TGTGGCCCCT NTTN 314

配列番号：4938
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05880
配列：
GATCTGAAAG TATAAAACTG CTAGAAGAAA ACATGGATAT TTGATTGGAC AATGATATTT 60
GGATATGACA CCAAAAGCCT AGGCAACTAA TGCAAAAATA GACAGGGAGA GTACATCAAT 120
CTTAAAAACC TTATGATGGC AAA 143

配列番号：4939
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05882
配列：
GATCTGAAAT ACCATCTCTA CCAGAGACTC TGGGAAAAAT AATGGATTCC AAGTGTTAAA 60
CGGAATTAAG TTTGGCCTAA AACTGCCTCT GTACATAGTG ACTTATAACC TCACTTAATG 120
TATAAGCAAA CTGGGACCTG ACTTGAGAGT ACACTTCTGT AACAAGCAGC AGAGTCTCAC 180
CAATCACATG CTGAAGGCTC CCAAAACATG NCTATGTGAG GTGGAGGCTG ACCTGCAGTC 240
AGTCTGGCCA TGTACATGNG TCTTTCCCTT NCTGTGGCTA TAAATAAATA CAGCCTGNAC 300
ACANCGGACA GGNGGACCGT TCTGNACCAN GNTTGGGTCC TGNGNGNTAC CNAGGTNGAN 360
GNAACTTTTT TTNNGCTCAN TTAAACTGN 389

配列番号：4940
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05885
配列：
GATCTCTCCG CCTTAGTTAA GAGCATGTGT CGGGAAATTC CTCAGAGTGC TCAGAGTCCC 60
TGTATNTTTA TACCTTTTTA CAATGTTAAC TGTTCAGAAC TGNTTTTTGT AACAAAACCT 120
NNTGTTTTAA A 131

配列番号：4941
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05886
配列：
GATCATGGCG CAGTTGGNCA GGAGATGTTC TGCCCCATCT GCTGTAGCGA ATATGTGAAG 60
TGGGAGGTGG CAACNGAGCT GCCNTTCCAC CACTATTNCC ACAAGCCGTG TGTNN 115

配列番号：4942
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05887
配列：
GATCCTCCCG CCTTNGTCTG CCAAAGCACT NGGGTTACAG ATGTGAGCCA CTNCACCCAG 60
CCTAATCTTN ATAAATCTCC ATCCCCATTA CTCTGGTTCA CCCNN 105

配列番号：4943
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05888
配列：
GATCACGGAC GTGCAGCTCG CCATCTNCGN CAACATGCTG GGCGTGTCGC TCTTCTNGCT 60
TGTNGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAA CAATCCCAAG AAGCAGGANT GAAAGTGGCG 120
CTTTCTCCGC CCCAGGGTTC CAGGACATAG TCTGAGGCAA GATGGAGGGT ATGAGGGGCC 180
TTCACACTNC ACTTCATCCC TTCTACCCAT CACAACATAC AAAGCAACTA CACCTGGGAT 240
TTTNCCAAGC AGCTTTNATT TCCTCAGNGT CTTCCTTAAT CCTATGGGNA CANGGAAGCT 300
GCCACTNGNN TAGGGNCCAG TATAGGGGGC TTNGCTTTTT TAACTGCNTN 350

配列番号：4944
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05889
配列：
GATCCAGCGG CAGTGACAGA ATCCAAAGAG GGAACAGAGG CATCAGCATC GAAGGGGCTG 60
GAGAAGAAAG AGAAATGATG CAGCTGGTGC CCGAGCCTCT CAGGGCCAGA CCAGACAGAT 120
GGGGGCTGGG CCCACACAGG CGTGCACCGG GTAGAGNGCA CAGGTAGGCC AAGGGGNAGC 180
TCCCAGGACA GGGCAAGGGG GCAGCANGGA TACCTGCNAG CCAGGGNCTC TNTGGCCTNT 240
NTTTTCCTAN TCCNTTTTTT TGGCCCTTCT TTTTTNTNTG CCGTACANCN TGCAGGCAAA 300
AGNN 304

配列番号：4945
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05890

配列：
GATCAAAACA AAACAAAAAA GTTGTCTCTG AAAAAAAAAC AAAACAAAAA AGTTGTCTCT 60
GAAA 64

配列番号：4946
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05892
配列：
GATCAACCTT TGTNTGCGAG GGTCTAAGTA GGGTCGAACA CAGAAGTGGG AAGNAGAGGG 60
GTGGGCCAGG GGCTAATGGT GTCACTGTGT AAAGTTTTTG ACATACTAGC TCTATAAATA 120
TATGAATATG GACAAA 136

配列番号：4947
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05893
配列：
GATCCTCTGC TACCAAACAA TGATGTGGAT TCTTTTGCAC AGAAATATTT AAGGTGGGAT 60
GGTAAAAAAT GTCACAAAAG ACTCCTCACC AATACTTNAT GTTGATATCA CTTAATATTA 120
ACCAGACTTT GCTGTATTGC AATAAAACAG AGAACTGTTA AA 162

配列番号：4948
配列の長さ：405
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05894
配列：
GATCATCGCC TCCCTGGTTT ATAGTAGACA GACCTTTTCT GTTTTTCATC CGACATAATC 60
CTACAGGTGC TGTGTTATTC ATGGGGCAGA TAAACAAACC CTGAAGAGTA TACAAAAGAA 120
ACCATGCAAA GCAACGACTA CTTTGCTACG AAGAAAGACT CCTTTCCTGC ATCTTTCATA 180
GTTCTGTTAA ATATTTTTGT ACATCGCTTC TTTTTCAAAA CTAGTTCTTA GGAACAGACT 240
CGATGCAAGT GTTTCTGTTC TGGGAGGTAT TNGAGGGAAA AANCAAGCAG GATGGCTGGA 300
ACACTGTACT GAGGAATGAA TAGAAAGGCT TCCAGATGTC TAAAAAGATT CTTTTAAACT 360
ACTGNAACTG TTACCTAGGT TAACCANCCC TGTTTGAGGT ATTTN 405

配列番号：4949
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05895
配列：
GATCTGCTCG GAATCCTCCT GCTAAAGAAG GNTCTGGGCG TGAGCTCAGC CGCCCCGCAC 60

CCCAAATCCA GTACAGGAGG CTGCTGGTAC AAATACTGCA GTAATGACAC CAATAATGGG 120
GCAGACACAA CAGCGTGGCT TAGATTGTGC CCACCNAGGG AAGGTGCTGA ATGGGACCCT 180
GTTGATGGCC CCATCTGGAT GTAAATCCTG AGCTCAAATC TCTGTTACTC CATTACTGTG 240
ATTTCTGGCT GGGTCACCAG AAATATCGNT GATNCAGACA CAGATTATTG TTCCTGCTGT 300
ATTTGCTGGT TTNCCTGGTT GAATTGGTTN 330

配列番号：4950
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05896
配列：
GATCCAGAAT TTATTAGTTT AAAATGCAGG TGAACTTTTT TTTGCGTTTG GTTTACTTGT 60
CTGTCAAATG TTTCCTTAAA CATGAAACTG AATAAGGAGA AGAGTATTTT TAACACTTAA 120
ATTTCTTGGC AAATTTTAAA ACATTTTTNA GTCTGTAATA CACTCCACTT GANGCACTTA 180
AGTNTTCCTT AAATGACTTT CCTTAGGTAA TGATACTGGT GTGTTTTCCN AAGGCCCTTT 240
TAAAAAAGTN TNNNTAANTG ACTATCTGTT GAAANGGTGT CCTGTNCCTT NCTNCTAGNA 300
ATNTGGGN 308

配列番号：4951
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05897
配列：
GATCGGAAGC AGAAGATGGC CTTCTTAAAG AGTTTAGAAG AATTTATGGC AAATGTTGGT 60
GGTCTCCTTT GTGTAAAATA AACAACAGAA CTTTAAA 97

配列番号：4952
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05898
配列：
GATCTGATAT TAAAACATCC AGTAGTACGA GTCTGTTTAT TGAATTTTAT GGTCCCTTTC 60
TTTGATGGTG CTTGCAGGTT TTCTAGGTAG AAATTATTTC ATTATTATAA TAAAACAATG 120
TTTGATTCAA AATTTGAACA AAATTGTTTT AAATAAATTG TCTGTATACC AGTACAAGTT 180
TATTGTTTCA GTATACTCGT ACTAATAAAA TAACAGTGCC AATTGCAAA 229

配列番号：4953
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05899
配列：

GATCCAGAGC CCCTCCCCAT CTTCCTCTCT CTAAAAACAA CCCTACCCCC CATTGCCACC 60
TTCACTCCTG TGTCTCCAGC TGATTAGCCT CAGACTCTTC TTNTATTGTT TTTCTTTTGT 120
AAATAAAAAG CACCAGGTTC CAAA 144

配列番号：4954
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5900
配列：
GATCCGTGCC CTGTAAAATG GATATNATGT TTTACTGATG TCTNTAATAC ATTTGTAAAC 60
TTCCAATAAA ATTTGAATAA AAGAAATNTT GCCATTCTTC TCAAA 105

配列番号：4955
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5902
配列：
GATCTGGCAG CCCTGGAGAG GGACTATGAG GAAGTGGCGC AAAGTTTCTG AGGCATGTAT 60
GATGGGTGCA AATGAATGTC AAGTTAAAAT GGCATGTTTT CTTTTCAAGC CGNTATATGC 120
CTAGTGGGTA GTTCCCCTGA TGAGCAGAAA AATTGAACTC AAATCAGGCA AGACTCTAGG 180
NTCCACACTA AATTAAGTGG GTCAGTANCG NCANTGANCA CATTATTTCC TGGTCTACTG 240
GGTACANGTC AGCTCTGCTT ACCTGNGGAG CNTTTTGGAA GCTTAAGAGT NCTTTTGAAC 300
CTGGCTTGAG GTCAACTTGT TAGGN 325

配列番号：4956
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5903
配列：
GATCTGTACA GACAGGACAG AATGAAACTC CTGCGGCTCT TTGGCCTGAA AGTTGGGAAT 60
GGTTGGGGGA GAGAAGGGCA GCAGCTTATT GGTGGTCTTT TCACCATTGG CAGAAACAGT 120
GAGAGCTGTG TGGTGCAGAA ATCCAGAAAT GAGGTGTAGG GAATTTTGCC TNCCTTCCTG 180
CAGACCTGAG CTGGCTTTGG AATGAGGTTA AAGTGTCAGG GACGTTGCCT GAGCCCAAAT 240
GTTGTAGTGT GGTCTGGGCA GGCAGACCTT TTAGGNTTTT NCTGCTTTAG TTCCTGAGGN 300
ANNTNGGNCA CTCTTTNTNT N 321

配列番号：4957
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5907
配列：

GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCTGAGATGG 60
AGCAGCAGAA CCAGGAATAC AAAATCCTNC TGGATGTGAA GACGCGGCTG GAGCAGGAGA 120
TTGCCACCTA CCGCCGCCTN CTGGAGGGAG AGGATNCCCA CCTGACTCAG TACAAGAAAG 180
AACCGGTGAC CACCCGTCAG GTGCGTACCA TTGTGGAAGA GGTCCAGGAT GGNAAGGTCA 240
TCTNCTNCCG NGNGCAGGTT CACCAGACCA CCNGTTTGAG GNCTCANCTA CCCCGGNTCG 300
GNCANCCATN TNN 313

配列番号：4958
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05908
配列：
GATCATTAAT GTCATTGCAA TNGTTATTTT TTAAAATAAA TTTATAAAAA TAAA 54

配列番号：4959
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05912
配列：
GATCTACAAG AGCAAGCCAA CAGAGTAAAG TGGAAGGAAG TTTATTCAGA AAATAAAGGA 60
GTATCACAGC TCTTTTAGAA TTTGTCTAGC AGGCTTTCCA GTTTTTACCA GAAAACCCCT 120
ATAAATTAAA AATTTTTTAC TTAAATTTAA GAATTAAAAA AATACAAAAA AGAAAAAATG 180
AAAATAAAGG AATAAGAAGT TACCTAAA 208

配列番号：4960
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05913
配列：
GATCCAAGTT ATAGATGGAA TTGAAGCCCT TGTNGCTGTA GATGTGCGTG CAGTCTGNCA 60
GCCTTAAGCC CACCTNGGCA CTTTTAGATA AA 92

配列番号：4961
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05914
配列：
GATCAACAGT AACTGGATGT TTTTNAGGNG CTCAATTGGA ATAAAAATAT TNNAATCTAT 60
TTGGAGACCA AAGGCAAAAT CGGTTTTCTT ACCTTTGGAA TTATTCGTAC CTTTTATGGT 120
AAATTTCAGC TTTGACANGT ATTATGAGGA ACGTACCAAA AACCGGTTTG TAACAAATCT 180
NTAGAGNAGG TCTGAATCTN TCGNNCTTGC CTTTTCAGGT GCCATTTCTA CTGGCCTAAT 240

ACAGNGCCAT TTGGCTTGTG AAGNNCCATN 270

配列番号：4962
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5916
配列：
GATCTATGCC CNTNTTAATC TCCATCCATA TAGGAGTCAC GTTCTTTAAG ACAGATGGTG 60
GTAGTTATTT TTGTGGCATG GTTAGATTTG ACTGGTTTTG CAGAAGATTA CAGTTATGTA 120
CTGCATAATG NCATATACAA TAGTGGTCCC ATAAANNNNN TAATGGAGCA GAAAATCTAT 180
TGCCTCATGA TGTTTTAGCC GGTTTANTGT CATAGNCTAG TGCATNACTC ACGTGN 236

配列番号：4963
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5917
配列：
GATCGAGTAA GGAATGACCT NTAGATTGTG CGACTTTTGT TTTTGTTTTN TTAAATTTTT 60
ATAAACCAAG AATGATTTCT CCNGCTTCCN TCTCCTCACC ATCTTCCCAG ACGGAGTTCA 120
AAGGCCACTT CTCAAGCAGC TTTTGGCACC TTCAGCCTCA GAGTGGAATC TTTTAAAGAC 180
AGGACCCCTA TGTCCAGGNA AGGGGAAAAG GAACNTTGCC ANTGATAGTG ACCACAGCAN 240
NNGCAANTAA TAGTAATNTT NATAN 265

配列番号：4964
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5918
配列：
GATCACATTT ATACAGTTAT AAAAATAAAG GTTTGATTTT GGTCGTTCTT CAAA 54

配列番号：4965
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5919
配列：
GATCTCTATG GCTGTAAAAT ATTTCTTTAT AGCGTTATTA AAGTGTGTCT TAATAAAATT 60
AAA 63

配列番号：4966
配列の長さ：233
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05920
配列：
GATCCACAAA AGAAGTGAAA GTAGCCTTAA CTGATGACAT TCCACCATTG TNATTTGTTC 60
CTGCCCCACG CTAACTGATA CCATATATTC TTCCCCCGCC CTTGAGAATG TACTTTGTAC 120
ACCTATCCCA AACCTATAAG AACTAATGAT AATCCNACCA CCCTTTGCTG ACTCTCTTTT 180
TGGACTCAGC CCGNCTGCAC CCAGGTGAAA TAAACAGCCC TGTTGCTCAC AAA 233

配列番号：4967
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05921
配列：
GATCTCTGCG TTTTTATACT GAGTGTGCCT AGGTTGCCCC TTATTTTTNA TTTTCCCTGT 60
TGCGTTGCTA TAGATGAAGG GTGAGGACAA TCGTGTATAT GTACTAGAAC TTTTTTATTA 120
AAGAAACTTT TCCCAAA 137

配列番号：4968
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05923
配列：
GATCTGTAAA CCCTTACCCC TTGCTGTTCA GAGAGCTACT CTTTGTAGTG TTCTTGCATG 60
CATATATAAT AAATATTTTT TCTATTGAAA 90

配列番号：4969
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05925
配列：
GATCTAAATC AATGCAATAA AGTAAGAAAA ATAAATAAAA GTATTGAAAA GATTGAAAAG 60
AAAGAATTGA AGCTGTCTTT ATTCACAGAT AATGACTGTG TATGTTAATA ATCCTAGANA 120
TCTACAAAAN TCTGCCAAAN CTAATTAGTG AGTTTGGTAA TGTTGCAGGA TATAAGCTCA 180
ATAGAAGTAG TCTTTNGTAT TTCTGTGTAT TAGCAGTGAG CATTTGGAAA ATGANATAAN 240
ANTACAGTTT CATTTCAAA 259

配列番号：4970
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05926
配列：

GATCTGTGCC CTTGGTCCCA GGTCAGGCCC ACCCCCTGCA CCTCCACCTG CCCCAGCCCC 60
TGCCTCTNCC CCAAGTGGGG CCAGCTGCCC TCACTTCTGG GGTGGATGAT GTGACCTTCC 120
TTGGGGGACT GCGGAAGGGA CGAGGGTTCC CTGGAGTCTT ACGGTCCAAC ATCAGGACCA 180
AGTCCCATGG ACATGCTGAC AGGGTCCCCA NGGAGNCCCC GTCAGTAGGG ATGTTTGCCT 240
GGNTGTTTAC GTNGGGGTGT NCAGTGNACG TGNAGGAGCA CGTGGGCGGC TTCTGNGGGG 300
GNCAATGGTT TGGGGNANGG GAAGGTGTGC CAGCAAACCT NGGNNGGATN 350

配列番号：4971
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05927
配列：
GATCCACGGG CTGCAGAATG GATATTGTAT TAGCAGGCAT GAAAACAACA TTCATCTCCT 60
TGTGCATCTC TGTCTGAGTT CTTGGGTGAC CAAATGCCTT GTCAATGAGT GTAGTATTTT 120
GAAAGGAATC TTTTTTTTTT TTTTCNCAGC AGTAGGNCNC AANGGTGGGC TTCAATTATT 180
CAGTAAACTA TGTAANCAGA AA 202

配列番号：4972
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05928
配列：
GATCCCAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGCAGA AAAATCACTT GAACCCAGGA GGTGGAGGTT 60
GCAGTGAGCA GAGACCACAC AACTGCACTC CAGTCTGGGC AACAAAGTGA GACTCTGTNT 120
TACTAAA 127

配列番号：4973
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05932
配列：
GATCCTATCA ATTAGACAGT AAATAAGTGC ATCTTTTTTG AGACAAATGC AGTAGGCAAA 60
TGTTGACATT CACCAGGGCA CAGTCAATCC CTGACAATTT CAGAAGTTTT GTTGCCAATA 120
CTGATTTATG TGGGCAGATT CTGGNAGTCT GCTGCTCCTT CNCTCATGGA TNACCTNCNN 180
NNNCCTACAG TTGCACCTAT TCTACACAAG AGTGGCATTC ANTNGTATCC AGGAAAGCTA 240
GANCAGGTN 249

配列番号：4974
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05933

配列：
GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTGCCCG TNTTCTCACA GTTATTAACC AGACTCAGAA 60
AGAAAACCTC AGGAAATTCT ACAAGGGCAA GAAGTACAAG CCCCTNGACC TGCGGCCTAA 120
GAGACACGTG CCATGCGGCN NCGCTNAACA AAGACGGGNG AACTTAAGGC CAGGAGAGCA 180
NNGNAGGAN 189

配列番号：4975
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05934
配列：
GATCATCATC TTTCAGGTGG TCTTCCTGGG CCTCCTGGCT GGCCTGGTGG TCCTATTCTA 60
CGNATATGCT GTCCNCTGTG AGTGGTATGA GTTCCTCACC TGCATCCCCT TCACTGACAA 120
GTTCTGTGAG AAGTACGAAC TAGATGCTCA GCTCCACTGA GCTNGCTGCG GGGTTNCAGC 180
GNNGGGTGTG CTCCAGCAGG GCCAGAGNCA GNCAAGANCT ACNCTGNGGN 230

配列番号：4976
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05937
配列：
GATCATTAAT TATATGTAAA ATAATATACA TTCAGTTATT AAGAAATAAA CTGCTTTCTT 60
AATAAA 66

配列番号：4977
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05938
配列：
GATCTATGTC TTTCAGCTAT GTGCTTTTAA AACTTTGTAA TTTAGACATT GATATTGTCA 60
TCAGATTGCT TATCAGCATT GCCATAAATA TAATTATTAA TGAAA 105

配列番号：4978
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05939
配列：
GATCTGCCCA CCTCGGCCAC CCAGAGTGCT GGGATTACAG NCGTGAGCAC CGTGCCTGAC 60
CAAAATAAAT AAATTTTAAA ATAGAAGTAA CTCAACTTCT GAGCTATGGA ATAGTTCTCT 120
GTACCTCCAG TACCTAATAA AGAACCCAAA TACTGCAATA AA 162

配列番号：4979
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05940
配列：
GATCGAGGAC TGGTACAGGA ACCACCAGGA GGAAGACCTG ACTGAATTCC TCTGCGCCAA 60
CCACGTGCTG AAGNGAAAAN ACACCAGTTN CCTGGCAGAG CAGTGGTCCG GCAAGAAGGG 120
AGACACAGNT GCCCTGGGNG GGANGAAGTC CAAGAAGAAG AGCATCANNG CCAAGGCAGC 180
AGGNGTCAN 189

配列番号：4980
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05941
配列：
GATCTNTTTA AAAAATGTAT AAATTNCTTG AGTAATTCCT GGATTAAAGA ATATGCACTT 60
TTTAAA 66

配列番号：4981
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05942
配列：
GATCGCTGGC ATCAAGAGTG GAGAGGACCG NACAGCCGNG AAGGCAGCCT TTCANGAACC 60
TATGCTGGTG AGTGTAGGAG ATNGCTTANG AAGAGCTCAG ACCCTCTATC AAN 113

配列番号：4982
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05943
配列：
GATCATAGTT ATTATACAAT GTAGTGAGTC CTGCATGGGT NCTCGATGTG TAATGAAACC 60
TGAAATAATA AGATAATAAG AAAAGCAATA ATTTTCTAAA GCTGTGCTGT CGGTGATACA 120
GAGATGATAC TCAAATTATA ATAAAACTCT TCATTTTGTG AATTATAGAA GCTACTNNNN 180
NTAAAGCCAT ATTTTTTTAG GGAAACTAAG GAGTGACATA GAACTGATGA ATGAGCAAAA 240
GTAAGTTTTG CTGGATTTTT GTAGAACTCT GGACGTTGAG GATTCATTAT GCTGTGGTTA 300
ACTTTAAATA TTTTTN 316

配列番号：4983
配列の長さ：338
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5946
配列：
GATCAGCCCA CTTCAGTCTC CCAAAGTGCT NGGATTACAG ACATGAGCCA CCTACCTGNC 60
CGGAGTTATT TCTAAACACA ACTAATATCA GAATCGCCTA TTTCATAAAA ATTGGATTCA 120
TCAAATNAAT CTTTGGCCAA CAACCATTTG AGAATGATNN NNANCATCAT ACATAGGAAT 180
GCTACGTTTT CTAGGATTTG ACATTTACAG CANTCGAGAN TTACCCTATT TTGTAAATNG 240
AAATAACCAT TACTAAAATC ATGCAAGCTT CAGCTNCTCG GGTTCCTATA GNGTCACCTA 300
AATCGTATGT GNATGGATAC ATAAGGNTTA TGNATCAN 338

配列番号：4984
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5947
配列：
GATCCGCCCG CCTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGTAG GCGTGAGCAC CCCTGGCCTC 60
NAATNTTCAC ATTTATATAC TGAATTATAC ATTACATTAT GTACATATGA TAACTAGTTG 120
CTTAAATATT TTAATAAATT ATATCTAATG TAAA 154

配列番号：4985
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5948
配列：
GATCATGCAG AGAATATATA TTGTACTGTA GTAATTTTNT ATTTACATTT GTATGATGTG 60
ACATAATAGA TGTGAATGTT AATCACTGNT TGACTATGTT AATAAAGTTG TTTAACTATA 120
AA 122

配列番号：4986
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5949
配列：
GATCTCTATT TTAATNNTAA TTCTAGTTAG TTGTGCCTNA ACTCCAAAGA AATGNGAGTA 60
TAGTGAGGTA TGTCTGACTC CCACTTCTTA TCATGCTCTG AACTAGTTNT TTATGTTTCT 120
TTGTGTTNCC TTN 133

配列番号：4987
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5951

配列：
GATCGCACAC ATGCTTTNTT NNNATATGGA GTGAACACAA TTATGTACCA AATTTAACTT 60
GGCAAACTTT CTATTGCCTG TCCCATGTGC ATCTTATTTA AAATTTCCCC CATGGAAATC 120
ACTCTCCTGT TGACTATTTC CAGAGCTCTA GGTGTTTAGG CAGCGTGTGG TGTCTGAGAG 180
GCCATAGCGC CATCATGGGC TGATTTTTNA TTACCAGGTC CCCCAGAAGC AGGTGGGGAG 240
GCTCTGCTTN CTGCTGCCGG TCTNCAAGNC TTGGACCTNT GGACCCTGNT TTGTAAAGNG 300
TAAATTNGTA TCCTTNAGGG AAACCCAAGT GTCAACCTTG TTTNTTCAAT N 351

配列番号：4988
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05952
配列：
GATCGACACA TTCGNATCTN NAATGNGTGC TCTGGGGCCT GTCTGAGTGC CGTGGATGCC 60
CATTCCCAGG TGTGCTCCAT CCTCTGGTCT CCCCATTACA AGGAGCTCAT CTCAGGCCAT 120
GGCTTTGCAC AGAACCAGCT AGTTATTTGG AAGTACCCAA CCATGGCCAA GGTGGCTGAA 180
CTCAAAGGTC ACACATCCCG GGTCCTGAGT CTGACCATNA GCCCAGATNG GGCCACAGTG 240
GCATCCCGNA GCANCAGATT GNGACCNTGA GGCTATGGNC GCTGTTTTGA NGTTGGTACC 300
NTGCGNNGGN 310

配列番号：4989
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05953
配列：
GATCTGAAAC AAAATCTTTC TAAAACATTG TTTTAGTTGT CAAAGCACCA ACAGGACATT 60
TTGGGATGTG AAATGTAATT TCTTGGAATC TGTAATTTGT ACTTAATATT TNAGGCTTGT 120
ATTTAATATA ATAAATAGGT GTTTGTTAAA 150

配列番号：4990
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05954
配列：
GATCATCCCT TCACAATCCC AGAGTGGCAG GCGGGACCAG CCCCATGGTC TGGCTCCTGT 60
CACCTGGGTC CGTGCCAGCA CAATCTGCCA AAGTTCTAGA GACCCTGTTC CCTTCCCCAT 120
NAGGTCACAT GCTTCTTCTG TGTGTATTTC TTTTTGTTTT TATGGTTTTT GGAGCAATTT 180
AAACTCCCAG TTGNNTATTT TCACAAAAGA AANTAAAATT GCAGTTGCAA GCCCTTTAAA 240

配列番号：4991
配列の長さ：323
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5955
配列：
GATCCTTTTT TGTACATTTA AGAATATTTT GATTATATTA AACAAGACTG CTGATTTTGC 60
TACTTTTTTT AAGGGGTCTT CANGTANGTA AAACATACAT CGTAGCTAGA AGAAAAATGT 120
ACCTTAAATT TGCATCTTCC CTCTCATACC CAAGCTGTAA ACAATTGAAA TATTTTGTCT 180
TAAATCACTT GGTTCAATAC ATGCTTATTT GTTTTAAAAC CTGTATCATC ANACTCTCTC 240
TCNAAATTTA AAATGCTGTT GAATATGATA CTTTTGAGGA GAGAGTGTGC TCAGAACTTA 300
GACGGGGTTT GGTAGGCCAA NGN 323

配列番号：4992
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5956
配列：
GATCTTAACC ATCACAAGTT TTTACCCTCT TCCTTCATGC CTGACCTCAA CCCCGCTCTC 60
CTCATCCTAT TCCTAAATTA GGCTAATAAA GTGAAATTGG TATACTTAAA 110

配列番号：4993
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5957
配列：
GATCGCTTGA GCCCAAGAGT TTGGGACCAA TCTGAGCAAT ATAGCAAGAC CCCATCTCTA 60
CAAAGAATAA AGAAAAATTA GACTAGCTTG GTGGCATGTG CCTGTGGTCC CAGCTACTCA 120
AGAGGCTGAG GTAGGAGGAT TGCTTGAGCC TGGGAGGTGG AGGCATCAGT GAGCCATGAC 180
CGTACCACTT CATTCCAGCC TAGGTAACAG AATAAGACCC TGTCTAAA 228

配列番号：4994
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5959
配列：
GATCAAGCTA CACATCAGTT TTACAATATA AATACTTGTA CTACCTTAAT GATAAGNACT 60
CCTTAAAGTT CCATTTGCTA ATNATTAATA CACTGTTTGG GCTGGCCAGT TTTTCATGCA 120
TGCAGCTTGA CGATTGAGCA CAGTCAGGCC TTTGTATTAA AAATGAAANA TGAAANAACA 180
AA 182

配列番号：4995
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO5960
配列：
GATCAACTGG TTTGTGTTTT GCTGCTGCAT TTATCCCAAG TNAAACAGGT TTAATCTCCA 60
GANGAAAACC AAAATACCAT GGGATTTATG CTGNATTGAC ATCTTGCCCT AAACGNACAA 120
CATCATAGTA ATTTGTCATG GGCAACATGA CCAGNGAGAA GATTTTTGTC ATGATTTTAA 180
ATACACTGNC ACGCTACTGT TGGTTAAATT TAAACANGTT TTACCTGCAG NAATTCTCTC 240
ACAAATAACC NGCAATAACT TGAAATGCAT NCCCTTTTGA ACACTTCCTT TNCTCATGGN 300

配列番号：4996
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5961
配列：
GATCCTGCTC CCTTCTGGGC TCTGACTCTC CTGGAAATCT CTCCAAGGCC AGAGCTATGC 60
TTTAGGTCTC AATTTTGGAA TTTCAAACAC CAGCAAAAAA TTGGAAATCG AGATAGGTTG 120
CTGACTTTNA TTTTGTCAAA TAAAGATATT AAAAAAGGCA AA 162

配列番号：4997
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5962
配列：
GATCTCAACA ATATTCTTCC AAAATGGCAT ACATCTTTTG TACAAAGAAC TTGAAATGTA 60
AATACTGTGT TTGTGCTGTA AGAGTTGTGT ATTTCAAAAA CTNAAATCTC ATAAAAAGTT 120
AAATTTTTGT CTGAAA 136

配列番号：4998
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5963
配列：
GATCTGACCT CAGAATATGC TTTCAGTGTT ATTTCTGACT AGTCCTTTTT AAA 53

配列番号：4999
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5964
配列：
GATCTGCATA AAGTNTTACA AACAAAATCC TCTTNATGAG CAACACATTT TTCAGCTGCC 60
AGTCAGACCA ACTGCTGTAA AGAACTTATA TCAAAGTGAG AAGCCACAGA AATGGAGAGT 120
GGAAATATAT AGTGGTCAAA AGANGATTAA GACAGTTTGG CAACTGAGTG ACAGCTCACC 180

CATAGACCAT CTGANTTTNC ACAAACCTGA TTTTTCGGAA TTATCACTAN ACGGTAGCCT 240
NGAAGAAAGG NTATNCTTTN CTANCATGGT TACCTGCAGC CAGGTGCATT TGCAAGTGAN 300
GTGTGCTGGT TGANGTCCTC TTNTAAGGGN ATTN 334

配列番号：5000
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05966
配列：
GATCTTCCAC TAGATGTCAC CAAAAGGACT GAGAACTAGA GAAAAGGGCT GCGATTTCTG 60
CTCTCCTTGT AAGATTGCAC AAAAGANTAA ATTGCATTTA TCGCTGTTTG CATGAAA 117

配列番号：5001
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05967
配列：
GATCCCCCTT CNAGGTAGTG AAAATNAAAT NCGCCGGAGT GTGGCTGCCT TCACCGCGGA 60
CCCTCTGTCT CTCCTGCGCA ACGTCTGAGC ACAGGAGCCC ATCCTTGGCT CTAGGNTTCC 120
NCCGCTGGAA GCCTTCTGTT CANACACCCC TTATGNTCCA AGGCCTGATG TGAGCCAGCG 180
GGGGGTGCAT GGGAAACTGN ACCCNACAAC CCACATCCTN CATCCTGACT GCAGCANTGG 240
GGTTCCCCGG CAGGGNTGGG TGAGGNAGGA AGGGGGTCAA GCCTGGNGTN 290

配列番号：5002
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05968
配列：
GATCACCGTG AATCCGGCTT CCTCTGAGCA TTCGATGGCC TTAGCACCTC ATCAAGCCAG 60
CACATCCTGC CTGCTGTTGC AGCCTGGCTG GGTTTATTCT TCAGTTACCC TAATCCCATG 120
ATGCCTGGAA CCTTGATTAC CGTTTTACAT CAGCTCTTGT ACTTTTNAGT ATATTTTCAT 180
AATGAGTTAT ATTGTCATTT AGACTTTGAA CAGCTCTGGG AAATAGAAGA CTAGGGTTGT 240
TTCTTAAAGT TTAGCTCATG TTATAATAAA AAGTTGNAAT GAAA 284

配列番号：5003
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05969
配列：
GATCGTCCCT GGTCACCCGA CTTTGGAATT TGCACCATCA TGTTTCAGTG AAGATGCTGT 60
AAATAGGTTC AGATTTTACT GTCTATGGAT TTGGGGTGTT ACAGTAGCCT TATTCACCTT 120

TTTAATAAAA ATACACATGA NGACAAGAAA GAAATGGCTT TTCTTACCCA GATTGTGTAC 180
ATAGNGCAAT GTTGGTTTTT TATAAAGTCT AAGCAAGATG GTTTTGTATA AANTCTGAAT 240
TTTGCAATGT ATTTAGCTAC AGCTTGTTTA NCGGCAGTGT CATTNCCCTT TGCACTGNAA 300
NGAGGAAAAA NNNGGNATTA AAAGGGTTGC CAANTTGGCA AAAGGN 346

配列番号：5004
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05970
配列：
GATCTGCTCG CCTCGGCCTC CCAAAGGATG GGATTACAGG CACCAGCCAC TGNGCCTGGC 60
TGGCCTCTGN TTTTTAATAA AACNTGACTA GAGTGACTCC ATCTTAAAGT GAGTAGCTAG 120
GCACTTACAA GGTTCATGCT TATGGCCTGA AAATAACCAC ATCCCAGGCT GACCACCAAT 180
TATAATTACA GANTATTTAT GGCCATACAG NNCATGNTCC ACCAAGCCTG CAGAATGTCC 240
AAATNTCCTA AGAATGCAGC CNCCATTACT TANATATANC ATAAATGAGC ANGCTTAGGT 300
TGCAGGNTTA ATGGTCGTGG ATANCAGCAT TNGNCCN 337

配列番号：5005
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05974
配列：
GATCAGGGTT ACATAGGTTT GGTAAAATNA GTGCTGGAAA TNAACTTTCT CCCAGTAGTC 60
TTAGGTCATG CTCAGTGAAC TTAAACTTTA TCCAGATATG GTTTTCCTTC AGCCTTTCTA 120
TTCCCTTTCT AGCCAGTGAA AGACCCGCTG CCCTTTGACC TCAGCCCCTC CAAGCCCCCA 180
AGTTTAAAAC GCCACCCNCT GCCACCAGAA A 211

配列番号：5006
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05975
配列：
GATCCTCCTG CCTTGGCCTC CCAGGGTGCT GGNATTGTAG GTGTAAGCCA CCAGGCCCAG 60
GCTAACCCTT TATAAGAAAT AAAGTCTCCT CTCAAAATTT AAA 103

配列番号：5007
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05976
配列：
GATCCGTCTG GGCACGCTGG AGCAGGAGGC CACAGCAGAC GTGGAGTGGC GCTGGCACCC 60

TTACACCAAT ACCGCACGCA AGAGAGTCTT CCTGAGCACC GAGTGAGCAC ACTCACCACT 120
CAGTCAGGAC ATGGACTTGG AACTCAGGAT TGGGCTGTCA TAGACAGACC CACCAGTAGG 180
AACTGTCACA GAATGGCCTG CTGAACTGGG ATGTGGAACT GTGGCGGGTG GAGAGGTCTG 240
AATAAACCGT CTGTGTCATG GCAAA 265

配列番号：5008
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05978
配列：
GATCATCAGC AATNCCTTCT GCACCANCAA CTGCTTAGCA CCCCTGGCCA AGGTCATCCA 60
TGACAACTTT GGTATCGTGG AAGGACTCAT GACCACAGTC CATGCCATCA CTNCCACCCA 120
GAAGACTGTG GATNGCCCCT CCGGGAAACT GTGGCGTGAT GGCCGCGGGG CTCTCCAGAA 180
CATCATNCCT GCCTCTACTG GCGCTGCCAA GGCTGTGGGC AAGGTCATCC CTGAGCTGAA 240
CGGGAAGCTC ACTGGCATGG NCTTTCGTGT NCCCACTGGC AANGTGNTCA GTGGTGGTNC 300
NGANCGTN 308

配列番号：5009
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05980
配列：
GATCCGATTT GTGGAGGATG AGAAAGATGA AGAAGACAAT NAGACGAGAA CACTTCTAAG 60
GCGAGCCACT CCACACCCAG GGGAGTTAAA GCACATGAAA AAGACAGTGG AGAATTTACG 120
GAATGACATG AATGCTGCTA AAGGACTGGA CTCAAACAAA AACGAGGTCA ATCATGCCAT 180
TGACCGAGTG ACCACTTCTG TGTAGAGTTT CACCTCCAAG TTTTACCTCC TGTGTCTTCC 240
TCTGCTGTCG AGACGTTCCT GTCTGCTTNC CGGGAGCCTC ACGTGCTCCT TGTCCTAACC 300
AGCCCCCGNG NGCCATCTTT CCCGTGGAGT GTTGTN 336

配列番号：5010
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05981
配列：
GATCGCTTTT NTGACTGTTC ATCTGTCCTT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTACTTTNTT 60
GATTTGTTGG TATTGGGGAC ATTTTAAAGG CTGAGTTATT TTTGAATGTC ATGTTTATGT 120
CATAGACGTA GTTTTCGCAT CCTTGAATTA AACTGCCTTA ACTCCTTTNG TGGTATAAGC 180
AAAACTCCAT GGNCNNNGTC CTGGTATCCT TTTCCTGTGT GGTTGCCCTG TGTCCTCTGG 240
CCTAGGGTTA AGTNTGCAAG ATAACTACTC GTGAGTATTC AGAATGTNGT NCCTAATAAA 300
TGCACTTGTN GTCTGTCTTC TTTTTNN 327

配列番号：5011

配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5982
配列：
GATCAAGTTT TAAATCCTCC TCCTTCCCTT TTTNCTGGAG TNTTGAGGGC CAGAGTTTTN 60
NTTTTTNTTT TTGTTTTTGT TTTCCTGCTT GCTACTGTTT TGTGGTGTTG AAAAGTGGTT 120
TAAACCTGAG ACTAACTTAA ACACTTCCTT GACCTTCTNG TTGCCTGTNC ATTTTTGTGC 180
CAAGGAAGTA GCTGCCCCAG TGTATGTCTT GCCTTCTCCG CGTCATTGTT GGAAGAGGAG 240
AGATGCATCG AGCAGTCCCA GCTGCTTTTC ATTTATAACG GCTTCTTTCC AGGACCTGAC 300
AGAAGTCAGG GAAGAGTCCC TGGGNN 326

配列番号：5012
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5983
配列：
GATCATTTGA CTGGGCTGGA GAACATCCTT TTACATGGCC NTCCCATGGA TGTGCTGTAC 60
ATCTGCTTAA AAGAAAATAA TTACTTTNAT GAGCGTCTTC AAAAGGACTC TTGGTGCAAC 120
AGACTNAATT GGAACTCAGC TTTTCTAACT GTCACTGCAC CAAGCTCTGC TGGAGGAGTG 180
ACCAGACTCA CGATTTGGTA TAGTGGGGCT CTCAAGCATC TTCAATTTGA ATGTACATGC 240
TGCTGAGGAG CCGGTGAAGT CATCAGTTCC GCACATCCCT TCTACCCTNC AACTGCATGG 300
GAAGCCAAAG TNCTGGTTTT GAAGAN 326

配列番号：5013
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5984
配列：
GATCTGGGGG CTAGCAGTGA GTACCCGCAT GGTATCAGCC TGCCTCTCCC GCCCACGCCC 60
TGCTGTCTCC AGGCCTATAG ACGTTTCTNT CCAAGGCCCT ATCCCCCAAT GTTGTCAGCA 120
GATGCCTGGA CAGCACAGCC ACCCATCTCC CATTCACATG GCCCACCTCC TGCTTCCCAG 180
AGGACTGGCC CTACGTGCTC TCTCTCGTCC TACCTATCAA TGCCCAGCAT GGCAGAACCT 240
GCAGCCCTTG GCCACTGNAG ATGGAAACCT NTCAGTGTCT TGGNATGACC CTACCNAGGT 300
GGTGGGTCTC CAACANAGCC ACTTGTN 327

配列番号：5014
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5987
配列：
GATCTCAAAA AAGAAGGAAT TTCTCCTTTG TTTCTTGCAG TTAATGTAAG AATACTTTAA 60

ATCTCTAAGC TTCTGAAGTG TTAGAGGTAG AGATGGTCTA GTAAAGATGT AGTAGTAATG 120
TTTTATCCAT TTAGCATGTG TTTATNTNTC CATATGTNCT CAAAGGTGAC TTATTGGTTC 180
ACCTCAGTGA TATTACAGCT AAANNNNTCA TTCATTAGCA AAAGGNAAAG TGGTCTCAAC 240
CTAACATCAG ANGTGTTTCT NATTATGNTN TNATATTGCG TTGGANTATT GGN 293

配列番号：5015
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5988
配列：
GATCTATACA GGTATGTCTG ACGGGACGCA GCACCGTGGG CACGCACCAA ATAGAGTTTT 60
TAAAAGAGAA A 71

配列番号：5016
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5989
配列：
GATCCTNTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCAGTTC AAATTTCATG GTTTTAATTT 60
TCANCTCAGA AGCACTCAAA AATGCAAAAT GTGATAATGG GCACTTGTTT AAAAGANTTA 120
GTGTATCCAG CCTTCACTCC AGCTGGTTAA AAATGTTGCA CTTNTCAGCA ACCCTACCAC 180
TTTCATCTGC TGAAAGGNCA NATGTGCTTG GTTTTACNAT TATGTAATCA CAACTTACTT 240
TCTGCTTGTN GTNGCTTAAA ATTATGTATT TGGTCTTTGG GCTGCAANTT GGTTTTATGC 300
TGGATTTGAT GNTNACTGGC NGNNAGTTTG ACCTTTGCTG NTATGGGGAA ANTN 354

配列番号：5017
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5991
配列：
GATCGGAAGA GGGAGGAGAG GCAGTCTCTT NACAAAATAA AGTATTTTAA TTCATTTNTA 60
TTTATTAAAT NAAAAAACAA TCCCATGGTG TCCCTNTTGT TTGGTGGAAC CTAATGACTG 120
TNGAAATAAA GTCCTGTNTT TNCCCTAAA 149

配列番号：5018
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5992
配列：
GATCCAAAAA CCTCCACCAT AGAGACTGAT AAATTGTAGC TATTGAAGCT GTACTNCTTT 60
GTACATAGGT GCTTTGGGAG ACTCACTCTG ATTATTGTAA ATTTNCTCAC TAGCTACCCA 120

ACATTAAATT CAAATAACAG AGAATTTCTA TTGTACAGCC TTGCAACTTT NCTTTAAGTT 180
TAANCTTTNC TNNAAAATAA AATTTTAAGT GGCAAAAATN ATTATTAGAN GAGAAAANGT 240
GTGCTCATTT TTNANTATN 259

配列番号：5019
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5993
配列：
GATCACCTGA GGGGAAAGGN TTGTNTCTCT CCTTTCTGTT GGGNGAGGGG GATGGGGGAC 60
TTTTNTTGGT GGCTCCCACC CATATATCCC TCCTTNACCA TAGTACTCCC ACCCACTTCC 120
ATCACCCATC CAATAAAATG CAGCCAGGTT TAGCCTTTGG CTTTGGTCAC AAA 173

配列番号：5020
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5994
配列：
GATCTACCCT CTAGTTTACT TGCTCGGGAG AAGAAACTGA CTCGTTTTAT TTAGTGCCTA 60
TTTAGCGAGC CCAGAGTAAC GTACATTTGT NCTGTTTTCA ATTTTGTGCT ATCGCAAATC 120
ACAAAAAAAC TGTTATCAAT TCACATTCAT CATCAGCACG AGACCCATTT CCTTGTGCTC 180
CTGCCAGCTC AGGNTATNAT GTTTCTTTTT TCATGTTTGC CAGTCTGTTA GGTAAAANGT 240
CATATGCGGT TGTTTTAATT TGCAAA 266

配列番号：5021
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5996
配列：
GATCAAGGTG ATTCTGAAAG TTTTAATTTT TAATGTTGTA ATGTTATGTT ATTGTTAATT 60
GTACTTTATT ATGTATTCAA TAGAAAATCA TGATTTATTA ATAAAAGCTT AATTTCTCAA 120
A 121

配列番号：5022
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO5997
配列：
GATCTAGTTG TATTTCTCAT ACTAGCAATG AACAATTGGC AGTTGAAGTA AAAGCAAA 58

配列番号：5023

配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05998
配列：
GATCGTAATA TCTCGAACAT TACATAGACA CTTAAAACCT TTAGTTGTAT TTCATCAAAA 60
ATCTGTTCAT GCCCCACGTT GGTTTCAAAA CATACTATGC TTTTNCTTCG TGTTATTTCC 120
TATATNCATT TTNGTGTGTA TGTGTATGTC ACAAATATTG ATATGCCTGG TTGTTTATTT 180
TGGTNTGCTA TTATGCCTTT TTCAAAATAT AAAANTAAAC TNGTAANTNC TAACNAAA 238

配列番号：5024
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05999
配列：
GATCGAGACC AGCCTGACCA ACATGGTGAA CCCTGTCTCT ACTAAAATAC AAAAATTAGC 60
TGGGCGTGTT GGCACACACC TGTAATCCCA GCTACTCAGG AGGCTGAGGC AGGAGAATTA 120
CTTTAACCTG CGGGGGGAGC CTAGATTGCG CTACTGCACT CCAGCCTAGG CAACAGAGGG 180
AGACTCTGTC TCATTAAA 198

配列番号：5025
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06000
配列：
GATCTTGTGT CAAGTTAACA GGAAGACTGC CCACAGATGA CACTGCATTT GTATCCCTGT 60
GGATGTAGAG TATTGGGAAG GCATTTNTTT AGTTTCATGC CTCCAAACCA TGCATTGTCT 120
GTNATGTATC TGCCCAGCCT TCTCAGAACT CAATGTTGTA CATTTTTCCC TCTAGGACCT 180
GAATTGGTCT TGGAGGCAGC TTTTAGAAAT CCTCTATGTA GTTCCTGTCC ACATGCACTA 240
TATATNGGTT TCTCCNNGNN CCTCTCATGA ATCTGCTCGT TTCTCTACNT CTTGGCTACG 300
N 301

配列番号：5026
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06001
配列：
GATCCTGGTA ACTGTTCCAG GATTGCTCCA GGTTTGAGAT GGTATTGCTA AATTTAAAAT 60
TAAACAAGAG ACCCAACAAC AGCTTTTAAA GTGTCTTCTA TNGCATTGTA TTTNNNTNAA 120
CTTGCCCCAA TGATAGAAAA GTCTTTTGCT GAAATNATTT TNATGATTTT GGTTTATCGT 180
TTATAAAANG GAAAAGANAT ATACAAACTT TGACTTTGGT GACTTTGTGA AGGTTTCTTT 240
AAGATGTGCA TTCCTTTCTG CTTGCNCTCT AGTAAAGGNT TTACTACCGG GAAAAAAAAG 300

N

配列番号：5027
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06004
配列：
GATCANGAAA AAGACAAAAT CTNTCAAAGC CTTCAAAACC AGGAAAAGAT AAGGAGCCCA 60
GGAAAAGNAA AAGGTAAAGT TCGAAGAANT TTAACCATTT TTNACTAGCG ACAGCAN 117

配列番号：5028
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06005
配列：
GATCAGGAAT GGTGTGGATT GAGAACTTGT TACTTGAAGA AAAAGAATTT TGATATTGGA 60
ATAGCCTGCT AAGCGGTACA TGTGGGTATT TTGGNGTTAC TTAAAAANNA TTTTNGGGAT 120
AAGAGAATTT CAGCAAAGAT GTTNTAAATA TATATAGTAA GTATAATGNA TANTANGTAC 180
AATGGAAAAN ACAATTATAT TGTAAAATTA TANCTGGGCA AGCATGGNTG N 231

配列番号：5029
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06008
配列：
GATCATGGAA CAGAATCACC CTCTCCTGCA TGTTTTTNTT TCTGTCTCCT GCTTTNCTGT 60
TCTTTTTCCA CTTTCTCTAT GTGTGAGTTG ACTTGGCTGC CTGTAGCTTC ATCGTCAAAG 120
CTGGTCCACG TGGGNTCAAC TTGGTGCTCT CACTCTCCTC CAGCATTGTT TTTGGCATCA 180
AAGCTAGAAT TAAA 194

配列番号：5030
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06010
配列：
GATCNTTTTT AAGAGCGTTT CCATACTATG NTTACATTTC CATATTTNTA TGAATAATTT 60
TGCATTCAAT AAACAACCAG ACTCAGAAA 89

配列番号：5031
配列の長さ：174
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06011
配列：
GATCTTGGAG AGTTTCTCCT TGTGATTTTA GTTCATAAGT ATGTCACCTT TCATTTTATA 60
GNGTTCATCA TTGAGTAATG GATTAAGTGA AAATCCAGGA GTATCCATCT NCAGTTATGT 120
NCTGAGGTGA TAATNCATCC AACATATTTN TNAGCATAAA TATNANGCTT CAGN 174

配列番号：5032
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06013
配列：
GATCTAAAGC AGCCCTTTTT ACAGTCTAGT TAGGAGAGAG AAAATAATTG CAAATATCCA 60
CTTAGAGGCA AAGAACAATT TTTNATTATC AAAAAGGTTT CTGCACATTG TTGTGGCAAT 120
ATTGTATCTG TTTAGAAAAT GGGCTTTTCC AAAAGCAAAC AAAGATAGGT TCCTCAGGTG 180
ACCAAAACTG AAAATCAATA TTTCCATGTT TCATTAATCA NGGCATAAAA TACAATTAAN 240
GCAAAATATT TTACATTAAA 260

配列番号：5033
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06014
配列：
GATCTCTGGA GGTCGAGGCT GCAAGTGAGT CATGTTCGTG TCACTACACT NCAGCCTGGG 60
CGATAGAGTG AGAACCTGTC TCAAA 85

配列番号：5034
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06015
配列：
GATCCAGAAC ATGACAACAG AGAGCTGCGT CCACAGGGAA CAAAGCCCTG ACCTNTCTCT 60
CCACATTACC CTTACAAAAA CAGGCCCTCC CCATGAGAGA GCTACACGGC AGGGGCAGAC 120
ACTGTGAGTA TAAGCTACTT TCCTCCCTGG AGTGCTCTAT GTGGGCAGAA CATGCTCTCC 180
TTGCCTCTCC TGGAAGGTGT CTTCTCTATG GCCTGGCTAG AGCTGNAAAA AAGGGACACA 240
CCCNACTTCG GTAAAAGAAA NTAGGGAAAG GCCATATACA NNGNCAGACT TTGTAGTTTA 300
TTTTGTATTT TTTTNTAAAT NNTTTNCACT TTTACATTTA ANGGNAGATT GN 352

配列番号：5035
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6016
配列：
GATCTTAATG GCAAGAAGGC CACAGAGGTA CTTTNCCTTN TTNAGCTCAG GAAAATATGT 60
CAGGCTCAAA CCACTTCTCA GGCAGTTTAA TGGACACTAA GTCCATTGTT ACATGAAAGT 120
NATAGATAGC AACAAGTTTT GGAGAAGAGA GAGGGNGATA AAAGGGGGAT ACAANNGATG 180
TACAGAAATN NTTTCCTGGC TGGNCN 206

配列番号：5036
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6017
配列：
GATCTGGCCA TGTATATGGT AGCTGTGTTT TAATTTGAGA ATCTTGAGGG TAGAGCCACA 60
AATTTCAATT CTNACATTTC CATTTGCAAA GTGACTAGAG AAAAAGAAAT CAGCTTAAAT 120
GAGGTATTAA GTAATGTTTA GAGTCGTAGG TATTAACTAG AATATAAATC CTTAGAAATT 180
GTCTTTATAC CTTCAAAAAT TATNCTATGC ATTTNTCATA GANCTGTGAT TACAANGNNG 240
TCTGACTACC ATGTCTTTAA ACATATGGCA TCTCTCATCT TTCCTTCCCT TATGGGGGCT 300
ACATTTNGTN CCATTTTCCA GNAGTAGNCT TTAACTTNCC GGTGCCNNNC N 351

配列番号：5037
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6018
配列：
GATCCTGAGA CTATNTGCAT GCTNCTNTCT AAATGATAAT TAANAGGAAA TTTCATGGAT 60
TAACCCATGG GTTTAATGCA GCAAGGAAAC TTACAATGTC CCTNTATATA TAACATGCAN 120
CTTGTTTTGG N 131

配列番号：5038
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6020
配列：
GATCCTNCAG GAGATTCAGC GTCTCCGCCT GGAACACGAG CAGGCCTCCC AGCCCACCCN 60
TGAGAAGGCA CAGCAGAACC CCACGCTGCT GGCAGAGCTG CGGCTGCTGA GGCAAAGGAA 120
GNATGAACTG GAGCAGAGGA TGTCGGCCCT GCAGNAGAGC AGGCGGGAGC TGATGNGTCC 180
ANNTGGAAGA GCTGATGAAG TTGNNCNN 208

配列番号：5039
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6021
配列：
GATCTGAGTG ACAGGGTCAA GTTCTCTTTG AAAACAGGAG CTTTTCAGGT GGTAACTCCC 60
CAACCTGACA TTGGTACTGT GCAATAAAGA CACCCCCTAC CCTCACCCAC GGCTGGCTGC 120
TTCAGCCTTG GGCATCTTCA TAAATGGAAA 150

配列番号：5040
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6022
配列：
GATCTGCTGG GTTTTAAGGA GTGATTTNCT TTCTNCCCCT TGAAGGGGAA AAAGCTATTT 60
CAATTGGTAC ATTTAAAGTC CCCCAACTAT GGGGAGGTAC CAATTCTGGA CANNNTGCCA 120
CTACAACAAC ACTAAACCTG AACTTTTCAA CTCCGTTGGT GGTGGGAGGC AGCGGGCAGA 180
AATTTACTGT TGGCCACTGN CAGGTCTATT TNATATTTCA AAGGAATATT GGGTGCTGCA 240
TATAGGNACT GAAGGGGTCA ATGNATTAAA CCTGTGATTA GGTTGNTTTC CTGTCATTTT 300
TGAGAGACTA AAATNGTGGG GGGGCAGATG TNCANAATAC CTGGTACANG TTTTTAAAAA 360
NTGGN 365

配列番号：5041
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6023
配列：
GATCTTNACC TTATTCAGTC AACTCCCTTT AAACCCCTGG CACTGAAAAC ACCACCTCGT 60
GTACTTACGC TGAGTGAAAG ACCACTAGAT TTTNTGGATT TAGAAAGACC TCNNNCAACC 120
CCTCAAAATG AAGAAATCCG AGCANNN 147

配列番号：5042
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6024
配列：
GATCCGTCCT CATTTTATTG GTGATGATGA ATGGGAATAA AATNAGGGGG CTGTCTACTA 60
GAGCCTGGAA TAAATATGCT GCTTTGTGGA TTTTTAAA 98

配列番号：5043
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6025
配列：

GATCTGTATG TNAATATCGC CAAGCAGGAT ATCATGTTGT CCCTGGCAAA CCTGGTGAGA 60
CTCAACCAAG CCCTTTTTCC CCCAAGCAAG AGGAAAATGG AATCTNTGTA TCAGTGTGGT 120
TTTGATGACA CTGTTAAGTT TNTACTTAAA GAAAATTGGT TTGAATAAAA TGCATAAAAG 180
TTTATANTGC ATTNNATTGT NNANNTGN 208

配列番号：5044
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06026
配列：
GATCTTTGCC CACCTCTTCC TCAGAGCCCC CACTGAGGGG CCGTAGCCCT ATCTAGGGCT 60
GTGGAAGGAG CAGACTGGTT CCTAACTCTC TCCCTCCTCC TGCCCACACA CATCAAAAGA 120
ATCTTCCCTA CACCCTTCTC TGCCTTTATT TTTTGATTTG TGCAACTTGT AACTAGGTGT 180
TTATGGAGTA AAGGAGAATG GAAAAAAGAA A 211

配列番号：5045
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06027
配列：
GATCTTGTTT ACAGCAGTGC TTTTGTGAAC AATTATTTAT TTGCTGAAAG NGCTCTTCTG 60
AACTGTGTCC TTTTAATTTT TGCTTAGAAT AGAATGGAAC AAGTTTAAAT TTCAAGGAAA 120
TATGAAGGCA CTTCCTNTTT TTCTAAGAAG GAAGTTGCTA GATGATTCCT TCATCACACT 180
TACTTAAAGT ACTGNGAAGA GTATCTGTAA ATAAAAGGGT TCCAACCTTT TAAANAAGNN 240
GGAANAAACT TTTTGGTGCT CCAGTGTAGG GCTATCTTGT NNANAAANTG TCAACAAGGG 300
GGAAANGTAA GNCTGTCNAG CTNGGGGATT GGTCACTTGN NTTAN 345

配列番号：5046
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06028
配列：
GATCTTATAA ATTTCCTGGG CAAGAGTGTA TGCATACAAA GTTTTCACTN TTGTGAAATG 60
TAATTTTNCT GTTTTTGCAA NGGGATGAGG TGATTGGAAT TGCTTTNACC ATGCTGCCTT 120
TATTCTCAAA CTGGCAAACT TAGCATGTTA GGTGTATTAA CCTCATCAGT CTTGAAGAAC 180
ATGTGGCTCA TGAGTATAAC ACTTCTGTAG NGNNCNCCCN NACANAAGTG AAGAATTAAC 240
TTCTCCTNCA GAACAAGTGC ANTTCAGAAG GCAAGCTCTG CATTCTACCT TGNTTGAN 298

配列番号：5047
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06030
配列：
GATCGGGGAG CCACAGGGTG TCCAGACCCA GCGGGAGCCG AGGATTCAGG AGAATCTCCC 60
CAGTCAGCTT CAGAGGTGCC CACAGTNTGA GCTCTAGTGT CTNCCAGGTA GGGGGNCAAA 120
GCGGNAANCT GNCCGGGCCT NGGGGGTGCA AGN 153

配列番号：5048
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06031
配列：
GATCAACATT CGCAATGCCC GGAAACACTT TAAGAAGCTG GAGAGAGTGG ATGGCCCCAA 60
GCACAGTCTC CTTATGCGTT GAATATTGCC AAATNCTCTT NCTGAAAATC CTGAATTGCC 120
TTTTTNGTTT GCATCCTTTA TTTTNAATAT TCATAATGTC GTGTGCTTAA AAGTGGGCTT 180
TGAAGTGTGT GCTGCTTACT CCTNTCATCT TTCTCCCCGC TTCCCCAGTC TTTAAACATT 240
GGACGNTATT TACTCAGCTA CCCAGTAGAG CTTGAAGCTG ACCTTTCTGA GAAAGTTGGG 300
TATGGTGGTA ACACTTAAAG TAGGTGGTTC CGTGTGGTGT TCTTCANTNN N 351

配列番号：5049
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06032
配列：
GATCAACAAA TTGCTCAACC TGCAAAATCT TTGATTAGAC TTAGCCAGCC CATCTGGCCT 60
GCTTTGGGTT TAAAAAAAAA AAAAANNTTT TTTTAACCNC ANAANTGGAA AAAGGGGAAG 120
GGNN 124

配列番号：5050
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06034
配列：
GATCATGACT ACTGGGTTGT CATTTCAATG GACAGTGCTA TGAAATAAGT ATTTTTGAAA 60
NCAACGGAAA TAGTTTATAT CGATATTTCT GATTCAAATT TANCCATCCA ATTGTTTAAT 120
TAACCTTACT GATTTTTTAC CTATATCACT TTNCTCTNAC ACTGNAANTA TTAGTTCTAN 180
TAGCATTATG NCANTTACCT ATGTTGCTTT ATGAANGN 218

配列番号：5051
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06035

配列：
GATCAATGCT GGCTTCCACG CCTGANTTCT ACCAAGTATG CCACACCAAA AAGGATTATN 60
AAGAAATTGG ACCTAGCATT TNTCGTCACA ATCCAGTGTT TGGAGTCATG TCGTAAAATT 120
GNCNCCNN 128

配列番号：5052
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06036
配列：
GATCTCATTC AGATTCCAAA GAGAATCATT TACAAGTTAA TTTCTGTCTC CTTGGTCCAT 60
TCCTTCTCTC TAATAATCAT TTACTGTTCC TCAAAGAATT GTCTACATTA CCCATCTCCT 120
CTTTTGCCTC TGAGAAAGAG TATATAAGCT TCTGTACCCC ACTGGGGGGT TGGGGTAATA 180
TTCTGTGGTC CTCAGCCCTG TACCTTAATA AATTTGTATG CCTTTNCTCT TAAA 234

配列番号：5053
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06038
配列：
GATCTGCAAG GCATAGGCAA GCCTCTTAGA GAATCAGAAA AGTGATTTGG AAGGAACTTC 60
AGCTGTTACT ACTTTGTTTA AGCAAATCAA ATGCTGTTCT TTAATGTTAC TGGACGTTTC 120
AAATTAAACA CAAGAAAACC TGAAA 145

配列番号：5054
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06039
配列：
GATCAACTGA AGACCCCCAA AGGCCCCTAC TTGATGGTTT TGAGGGGCAA CATTGACTCA 60
TTTGCCCCNT CCCTCTCGGA ATGTTGGACA AAGGGAATAA AATTGGGGAT ATGTCTACTT 120
CAAA 124

配列番号：5055
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06040
配列：
GATCTAAAAC ANCTTCAGAC TACCTANGAA ATANTTNNAC CAAATAAGAA ACAGCACTGT 60
GGAATAAAAT ATACCATTGT GAACATATCT GATGCTGCAA TGAAATGTAA AGTTCCTN 118

配列番号：5056
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06041
配列：
GATCTCCTAC TCCATCCAGT CCTGAGGAGC CTTAGGATGC AGCATNCCTT CAGGAGACAC 60
TGCTGGACCT CAGCATTCCC TTGATATCAG TCCCCTTCAC TGCAGAGCCT TGCCTTTCCC 120
CTCTGCCTGT TTCCTTTTCC TCTCCCAACC CTCTGGTTGG TGATTCAACT TGGGCTCCAA 180
GACTTGGGTA AGCTCTGGGC CTTCACAGAA TGATGGCACC TNNNNNAACC CTCATGGGTG 240
GTGTCTGAGA GGCGTGAAGG GCCTGGAGCC ACTCTGCTAG AAGAGACCAA TAAAGGGCAG 300
GTGTGGAAAC GGCAAA 316

配列番号：5057
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06042
配列：
GATCTATTTC TTTNCACTTG TATAACTTTG NAATAAATNC CTCATCCCTT AGACTAAGAG 60
AGTGGGTGTC TGTGAAAATN GTNTTCTCCT TCATAATACC TAAATN 106

配列番号：5058
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06043
配列：
GATCGAATTT AAAAGAACAA TGGAACCCTG ACTACGTTTC AACAAAAATA AAACTNGTTT 60
TTTTCCCTCC TAAA 74

配列番号：5059
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06044
配列：
GATCTCTGGC GCTGGCAGAA GCAGAATCCT TCAGGCTTTG GCANGCAAGC NTGAGGACCC 60
TCCCCTACCA AGGACCAGGA AAAGCAGCAG CTGCCTGCTC TCCAGCCTNT GGCAGGAACT 120
CAGGGCCCTG GAGCTGCTGG GGCCAAGCCA AGGCCTNCCC TACCTCAAAC CCCAGCTGGG 180
CCCGNTTAGC CCACCAGGCA TGAGGCCAAG GGCTCCACTG ACCAGGAGGC CGAGGTCTCT 240
AACTCTTATN TTCCACAGGG TCCAAGAGTT CATCAGGACC NNNAAGAGTG AGTTNAGGGG 300
GGGCAAGGNT TCTNGNAACA AAAGN 325

配列番号：5060

配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06045
配列：
GATCTGCCTN TAAAGCCAGT TTAAGAAGCA CTNATGANAA CACCTGGACT GTGTATAGNG 60
ATTGCACATT CCTTATCCTT CAGCTNCAGG ACAGGTGGAG CAAATGN 107

配列番号：5061
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06046
配列：
GATCTCAGAG CATTTCAATT AGGGATGCTC AAACGCAACT TTTTCTACTT CCCCATTTCA 60
GGTGTGAGAT GTAACCCACC TTNACCATAA ATTGGCTTTN NATAGTGCTA AA 112

配列番号：5062
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06047
配列：
GATCACAACA TACAAATTCA ATTCAGTGCA TGCTTTAGGT GTTAAGCATG AGATTGTACA 60
TGTTTACTGT TAGGTCCTTG CATCTGTGGT GCTAGGTGAG TATGAGAAGA TGTCAAGGAC 120
TGGACGTATT TTGTTGCCTA AAAAAAAAAG GNTGTTTGTN GGCGTTTTAA ATATGCTTAT 180
TTNGTGTGTC NCNNNCTACC TNTTACACAC TGTTGCTTTG TGGGTTTGTT TNGNATGTGC 240
GTGTGTTATA CAGTNGTTAA ATTTCCNTGC AGAAAAATAA ATGTCCNGAA TTCTCAAA 298

配列番号：5063
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06048
配列：
GATCTCCCAG TGAGCCATCA CGATGCCCGN TTTCAAATAA ATNTTAATAT TGTCACCAGA 60
AA 62

配列番号：5064
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06049
配列：
GATCTNCTGC CATGATGCCT ATTTGGTGTN TTTCTAATTA AAATGAAATC ACAAA 55

配列番号：5065
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06050
配列：
GATCGCATCA TTGCACTCTA ACCTGGGCAA CAAGAGCAAA ACTCCATCAA A 51

配列番号：5066
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06051
配列：
GATCTGCTGA AAGGNAAGCA AGAACTATAA GGAGGNTGTG TAGTTGCAAA AATGGCTCCA 60
TCGGTAACTC AAGCTTCAGA ATGTTATGAC ATACAGAAAA TCAAAGATGC TGTGTCTTAG 120
CATTGAGTAA TATGGGTGGT GCTGTCTGGT CAGATTCAGT NAACTGTTCA GAACAAAATT 180
NCCTCTGAAA TNCNGTTGAG AAAGNCTGTN 210

配列番号：5067
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06052
配列：
GATCAAGTCA GCATTTGGGG TCGGGATTTG GGCAGGGAAC TTTGGGGTGC AAATATCTGG 60
TGAAACCACC AGAGAATTTN TTTGTCAAAG TGACATGTAT AATTTTAGTT GAGACGTGTT 120
TGTGTATATA TGTGTATTTG CCTTTNTTTA GTAGCACGGT TATTTGCTAA AATAATTGTC 180
AAAAAATTGC TCTGTCGGTC GGTCTTTGAT N 211

配列番号：5068
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06053
配列：
GATCTAGAAT CTTGTCCTCA GGCTTCTAGG GGNTTATCTG AGTCTTTTAT CTAAGACAAA 60
TGCAACAGTT TTCTTTTCAA ATGCTCAGAA AAATAGTGAT GATGATGATG ATGATGATGT 120
TCATTTGTAT ACATTTACAT GCAACCACAG CATTGTTTTT ATTATAATAC CTTAGCAATA 180
ACTAATGAGA ACATGTTAGG TGATGTTAAA TAAAATAATT TTTTCCCAAA 230

配列番号：5069
配列の長さ：108
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06054
配列：
GATCGCACGG ATGCAGCAGG AAGACCAGGA GGGGCCGCCT ACGTAGCCCC AGCTCCAGCC 60
ATCCACCCCN CAGCCCTTTN CTNCAACGTC ACCANTAAAT TTNTTTTN 108

配列番号：5070
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06055
配列：
GATCACTGTT AATGATTTGC CTGTGGGACG CTCCGTGGAT GAGGCTCTGC GGCTGGTCCA 60
NNNNTTCCAG TACACAGACG AGCATGGGGA AGTTTGTCCC GCTGGCTGGA AGCTGGCAGT 120
GACACGATTA AGCCCAACGT GGATGACAGC AAGGAATATT TNTCCAAACA CAATTAGGCT 180
GGCTAACGGA TAGTGAGCTT GTGCCCCTGC CTAGGTGCCT GTNCTGGGTG TCCACCTGTG 240
CCCCCACCTG GNTGCCCTAT GCTGACCCAG GAAAGGCCAG ACCTGCCCCT CCAAACTCCA 300
CAGTATGGGA CCCTGGAGGG CTAGGCCAAG GNCTTTTTN 339

配列番号：5071
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06056
配列：
GATCACAACC TCANCNAAGA CCACGANGAA GCCCNCAACA GCCACGCCCA CGACTGCCCG 60
GACGAGGCCG ACCACAGACG TAAGTGCAGG TAAAAATNGA GN 102

配列番号：5072
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06057
配列：
GATCGCCTTA ATACCAGAAA TGATTAGAAG TGCTGATTTA GATTCAACAA ATACCATATG 60
TCCTTATCAT TTTTTGTAAG AAGAAATTGG TTAAGTCCTA ACTTTCAATG TGTACCCAAA 120
TACTTGTATT TTATGCTTTT NATAAAATGT AATTTTCAGC ATTANTACAC ATCCGATTAT 180
GCCTTATTTA TATATGGNGG ANTAAAGGTT ACCATGTTTA TACCTGTTAA A 231

配列番号：5073
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06059
配列：

GATCTTGGTT TCATGTGTTT TTGAAAGTGT TATTGTTTAA AAAATGAAAA AAGCATATNT 60
GCTAAAGAGC TGTCAGGTTT TCATTACTGA CTCTGTANAA TACACTGNTC TTTGTGTACT 120
GTGTGTTATT TTGCCCAGCT NGCTGCATTA GCCTTCAAAN GTATTTGGGA AACCTNAAGG 180
ATGAACCTAC AGTTTCTNGC AAAGGTACCA TTNCCTTTCC TGGGGGTANT TTNGGTCCCN 240
GTNAACTGGN 250

配列番号：5074
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06060
配列：
GATCCTCGCG GGCCTCGGAG AATTCCCCCA CTGCCATGCC CTCCCCCACG TACCAGTGCA 60
CTAAGGCGCA CTTGGCCGAA CTTATGGTCC AGGCAGGCCC AGGCCTCCGT GATGGCCGTG 120
GTGTTGCTCA GCATGCACAC CGNCCGCTGC ACTTTGGCCA GGTCTCCCAC AGGGACCACC 180
GTGGGGGGCT GGTAGTTAAT NCCCACCTGT CAGAGATGGG CAGCATAGAA TGAAGTTTAT 240
ATTGGGCTCA GAAATGGGGA GCTCATTAAA AATCAGAGCT TGTGGNACCA GTTNCAAA 298

配列番号：5075
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06061
配列：
GATCACTGTG TCAAATGGAT GGGAAATNTT ATNTTAATAT AAACAGTAAA ATAGCATTGT 60
TTTCACTTGC AGCTTTNAAA 80

配列番号：5076
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06062
配列：
GATCTGTATG TNCAATATGG TAGCTACTAG CTACATACAT CTATGAGCCA GACACTTAAG 60
CACTTGANGT TTGGCTACTG CACATTGACA CATGGTGTTA GTAAAANCAT ACACTGGATA 120
CACTGGATTT TTGGNCTTAG TATGGAAAAA TATATTANGT ACCTCANTTT AAAAATACTT 180
ATTACATGTT AATATTTTGG TTGTANNNNN 210

配列番号：5077
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06064
配列：
GATCATGTTG TATTTNATTT TACTTATTTT TTTTACATTT CCCAAGGCTC TGTCATCCAC 60

CTTTTCATTA AATCATTCTA CCAATCTCAA A 91

配列番号：5078
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06065
配列：
GATCAATGTA AATCCTCACC TGCCCTTTGA AGAGCCAATA AGGGCATCTT TGTCTTTAAA 60
TACAGCAAAT GTTATTCAGA TTTTGTACTT GTCTATCTGT TTACCTCAGT GTAGATGATA 120
TGAGGATGGN ATAACTATGT AAATTGTTTT TGAAAATAAT TTGTTTCCCC ACAACTTTTG 180
AAGGTTTTAT TTGTNGTTGT TATTACTAGT TCAGTCCCAA ACTNACCCTG TCCTTTTCAG 240
AGAGCTAATG GCCATGCTTT NCTTCAAAGG AAAGAATAAT TNATTTGGAA TGANAGTGGG 300
GATTACTTTG CATAANN 317

配列番号：5079
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06066
配列：
GATCTTTATT CTAACCTTTT TTTGTAAAAN ATATCTATTG ATTTCCATAT GCAATAAACC 60
TTTTTTTCAG AGAAA 75

配列番号：5080
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06067
配列：
GATCGCACCA CTGCACTCCA GTCTGGCGAC AGAGTGAGAC TACATCTCAA AAAAAAANGC 60
CGCAATTTTN CATTCGNTTC ANCAGANCTC TGCCATTCTA AACATTTCTA AACTTTTACT 120
CTCAATTNCT GTACTTAAN 139

配列番号：5081
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06068
配列：
GATCTCATTT TCAGTTTAAG TAACTNCTGT TACTTAAGTG ATTGCACTTT TCTCAAATTG 60
AAGTTTAATG GAATAATAGT TCTCAGGATA GTATTTTGTA AATAAAGATG GNCTTGAATA 120
TGAAA 125

配列番号：5082

配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06069
配列：
GATCCTACCA TGGCAAGAAG AGCTTCGAGA CTTTCTCTCA CCGCCGCTCT TGCCTGGTGA 60
GGCCTCTAAT GAATGATGAA GGCCTGAAGG TCAGATACCC CCCGAGCCCG GCCAAGATGA 120
CCCAGCACTG AGGAGGGGTT GCTCCGCCTG GCCTGGCCAT ACTGTGTCCC ATCGGAGTGC 180
GGACCACCNT NACTGGCTCT CCTGGCCCTG GGAGAATCGC TCCTGCAGCC CCAGCCCAGN 240
CNCANTNCTA TGNTGACCTG CTGACCTGTG CACACCCNAC TTTN 284

配列番号：5083
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06070
配列：
GATCTAACCA TGACCTGTTT CACGTCATTC ACATTCAAAA TGAATGAAGG GATGANCATT 60
TTCTCTGGTC ATTTTTTATT ATTTATACCC TTTTGCAAAT NCTAGTAGAG AATGAAGTGG 120
AGGAATAAGT TATAAATGAA CAGTGGCTTA TGACTCCAAG AGTTAATCGT GTTATTTTGG 180
TAGCTGTCTG TGTAGGTGTG CATGTNGTTG CGAGTTTGTA TTGNGNTTTA CAAGCAAAAN 240
TTATATNATG NTTCAACTTT CTGGAAATGC TTNTAATTTN 280

配列番号：5084
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06071
配列：
GATCATAATA TGAATNTCCC ACTTATTAAT AGCCTTTTAA TAAATATATA ATTAATTTCA 60
AA 62

配列番号：5085
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06072
配列：
GATCTATAAT CACCAGTGCA CTCCACCCTG GGTGACAGAA TAAGACCCTG GCTGAAA 57

配列番号：5086
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06074

配列：
GATCTCAGGA TTNAAGCACA GTGCCTGGCA TACAGCAGGT GCTCAATAAA TACTTATCAA 60
ATTGGAAA 68

配列番号：5087
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6075
配列：
GATCAAGGTT TAGTTTAACT TCCACTGTTA AAATAAAGCT TACATAGTTT TCTTCCTTTG 60
AAAGACTGTG CTGTCCTTTA ACATAGGTTT TTAANGACTA GGATATTGAA TGTGAAACAT 120
CCGTTTTCAT TGTTCACTTC TAAACCAAAA ATTATGTGTT GCCAAAACCA AACCCAGGTT 180
CATGAGTATG GTGTCTATTA TAGTGAACAT GTACTTNGAG CTTATTGGTT TTATTCTGTT 240
ATTAGATNTT TCAGGGTGTA AACANGNNN 269

配列番号：5088
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6076
配列：
GATCGGCAGG GCAGGAATCT GAGCGCTGGC CCCGTGGTGA GGCCATGTTC TCATAATCAG 60
GCTCCAGCCA GAAAAATAAG AAACACCGCA ACAGGCTTCA GTATCAGGGC TGAAACTGCT 120
GGATGANTAA ACTATTTATT AAAAACGGAA A 151

配列番号：5089
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6077
配列：
GATCTTGGCT TAATTTAATG TATTAATCTG TTTGTGCAAA CATAGTACCA CCATTTAAAA 60
ATGTTAGGGA GATGAGTTGC AGTTTTTATA ATAGATTTTT TTTAAAGTTT GGTATTGTAA 120
ANCATTCACA CCTCTGTCCC TCAAANTTGN TAATTACGGT TAAAGTGCAG TCATTTGTGG 180
NTAGAATCTT GTTTNGTTGC TNCCATTATT GGGGTCCNCC NAAGGAATTG AGGAGAGGNC 240
CGAATAGAGC CCAATTCNTA TAANGAN 267

配列番号：5090
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6078
配列：
GATCTCAGGG AAAAATTTTA ATCACTGTGT ATAATGATAC TGAACCTTGA TTAATAACAG 60

AAATTCAGGA TGTAAAGCCA CAGAATGGGN TTTATTAATG TGGGATACCT CAGACTGTTT 120
GTTTTCTTTC TGGGNAGCAA AGTGTGTTCT ATAATGAATA AATATAGAGT GGTTTTTAAA 180

配列番号：5091
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06079
配列：
GATCTTCCTG GNACCCTGAG GGTCGTCCTC CAGCAGGGGC TTCTTNGACC CCTGTCTGAG 60
GGGTCGCGTC TTAGTGGGCG GGATTCTTTT CCCTTTGAAT AAAAATGGAT TCAAACCCAA 120
A 121

配列番号：5092
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06080
配列：
GATCTGTNTT GTTCCTGCAG CAAAAATCCT CTATGGACAT AGGAGGTGCT GTGTCCCATG 60
CCCTCTTGCC CTGNCAGTGT CCCATGGGCC CCCTTCTGCT CCCTGCCCCC TCCCTGCTAC 120
TGCTGATGCA CTGTCCTCTC CCTGCAGCCC CTGGCTTCCN AGCCTTCCTC CTGACCCCTT 180
CCAACAGCCT TGGAACTCCA GCTGCCACCA CCCTNTGGGT CGGACACTGG GACCCANTGG 240
NCCAGTCTTG GNTGCTGNTT ACCCCTAGCC TTGATGNCTG CCCAGGGGAC CCCNAGCCCN 300
CTTCNGTTGN CNTGCAGCTT TAACAGAGTG AACCATGTGT ATTGTACAGG CGGGGGTTGT 360
TAATTGNAGA AAACNNAN 378

配列番号：5093
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06081
配列：
GATCACACCA CTGCACTCCA ACCTGGACAA CAGAGCAATA TTGTGTCTCA AAAAATAATA 60
AATAAATAAA TAAATAGTAA A 81

配列番号：5094
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06083
配列：
GATCACCCGG AAGTTCAGGC TGAATTCTGA AGGCAAACTT GAGCAGACGG TCTCCATGGC 60
AACCACGACA CAGCCAATNA CTCAGCATCT TCACGTCACC TACAAGAAGG TGACCCCGTA 120
AACCTAGAGC TTCTGGAGCC CTCGGGAGGG CCTGGCTACT GTGCCTCAAC GGTTCGGCTC 180

CTCAACAGAC AGTCCCTGCG GCAGAAGTGG GTGTGGCCGT GAGCCTCTGC AGGCTCAAGA 240
GTGTTGTCCA GATGTTTCTG TACTGGCATA GAAAAACCAA ATAAAAGGCC TTTNTTTTTA 300
AA 302

配列番号：5095
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06084
配列：
GATCTGACTT CAGTTGTGCA GATNACAGCA TGATAAATGA GTCGGGACCA TCAAA 55

配列番号：5096
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06085
配列：
GATCAACAGA TGCTGGCAGA AATGGCTGTN TCCCTGGCCT TGAGAAGCAG ATNCAGCTCC 60
CTGTCCCCAG AGGCCTACAG TCATATGGTA CCNCCACAGN CTCGCTTGGN TGCGCTACAG 120
GAGGCGGCGT CANGGAAGCT TNCTN 145

配列番号：5097
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06086
配列：
GATCTCATGA GAATTCACTC ACTATTATGA GAACAGCATG GGGAAAACCN CTCCCATAAT 60
TCAATCACTN TCCTCTCTCC ACACGTGGGG ATTACAATTT GAGACAAAAC CTGGGTGGGG 120
ACACAGAGCC AGACTATATC AGGGGGCTTA TGTTTATCCA NTTGTNATGG CCTCACTTNT 180
TGNAAAGACT GTNCTNNCN 199

配列番号：5098
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06087
配列：
GATCACAGAC TGTAGAGTTT TGAAAAGTCA CTTTTATTTT NAATTATTTN ACATATGCAA 60
CATGAAGAAA TCGTGTAGGT GGGTTTTTTT TTNAAATAAC AAAATCACTG TTTAAAGAAA 120
CAGTGGCATA GACTCCTTCA CACATCACTG TGGCACCAGC AACTACTTCT TTATATTGTN 180
CTTCATATCC CAAATTAGAG TTTACAGGGN CAGTCTTCAT TTACTTGTAA ATAAANTATG 240
ANTCTCAAA 249

配列番号：5099
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06089
配列：
GATCTGCAGT CCTGCCTCTG CCACAGTCTC TCTGTTGTCC CCACATCTAC CCAACTTCCT 60
GTACTGTTGC CCTTCTGATG TTAATAAAAG CAGCTGTTAC TCCCACAAA 109

配列番号：5100
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06090
配列：
GATCACGGAC GTGCAGCTCG CCATCTTCGN CAACATGCTG GGCGTGTCGC TCTTCTTGCT 60
TGTCGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAA CAATCCCAAG AAGCAGGAAT GAAAGTGGCG 120
CTTTCTCCGN CCCAGGGTTC CAGGACATAG TCTGAGGCAA GATGGAGGGT ATGTGGGGCC 180
TTCACACTTC ACTTCATCCC TTCTACCCAT CACANCATAC AAAGCANCTA CACCTGGATT 240
TTTCCAAACA ACTTTTATTT CCTCAGAGTC NGNNGNAATN CTATGGNNCA AGANGCTGNC 300
ACTGAATAGG GCCNAGTATA GGGGCTTGCT TTTCTACTCT N 341

配列番号：5101
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06091
配列：
GATCTGGTAC CGCAGTAGCG CCGCCGCCGC CGCCGNCGGA GCCTGTCGTC GTCCTGTCCC 60
CAGCCTNCTT GTGTCCCGTG AGGTTGTCAA TAAACCTGCC CTCGGGCTGC CGGCAAA 117

配列番号：5102
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06092
配列：
GATCCAAAAG GACTCATCTA AAACACAAGT TGGGTAGAGG AGATAGGTGA GTACTATTAT 60
ATTATGTTCA TGGAAAAATNA GTTCATGGGC TTTCCTCTAA TTTTTATTTT AAAAATAAAT 120
GTAAATATTA AATAAAATTT TTTAAATGAA A 151

配列番号：5103
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06093
配列：
GATCAGCTTT TAATATCTGT CAAATAAAAA TTGAAATTGA AGATGGTATA TAAGATTTCA 60
GNAAATAAAC TACTCTGAAT ACTAAA 86

配列番号：5104
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06094
配列：
GATCTAATCC GTNTCCCACA TGTCCCAGGG AATCCNAGGT CTGCCCTGAG CTTCCTGTGT 60
CCTTGGNAAA GTCGGTTAAT CTCTGGGCCT CACTGTCCTC ATCGCTGAGC TTGGGGACTT 120
GTAACANATG ATTTCTAAGT ATCTNCCAGC TTTGANTAGA GCATTTGTNT TGGGTGGCCA 180
GGCTTAANGT TTAAAGGCAT AANGAAAANN 210

配列番号：5105
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06095
配列：
GATCATATTG GTCATGTCTA TTGGTGTATT ATTTCAGTAT CACCAATGTT TTCAGAAATA 60
CAGTACTAAT TCATCATTAA ACTCTTTGAA GTTAATATTT TCCTGCCTTC TAACTTATAG 120
ACTCAACTAT GTATCTGTAG TTTTTGGGAA TGGGGTGGTG TTTTTNNCTT TGTGTTGGGA 180
AGTTATTGAG AAAACCTATA TAATANAATT NAANATTATA GTTTTAAAAA AANNNCANNN 240
NN 242

配列番号：5106
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06097
配列：
GATCTGCCCT TGGCCTCCCA AAGTGTCGGA ANNACAGGCA TGNGCCACTG AGCCTGANCC 60
ACTTTAGCTA TTTTNAAAAA TAGGACCTAT TGTTTTGGAT TACTATCTGA GAATTTCATG 120
GATTCACTCC TGGGTATAGG AGNTAAGAAT ACGTTTAATT CATAACTTTT ATATTANCCA 180
ATATAGTAAA AAAATAAAGC TCACACATAC ANAANCAAA 219

配列番号：5107
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06098
配列：

GATCTATTTT TTGGGCTTTT AATATTCTGT TCCATTGACC TATNTCNCTT NTCTTTTACC 60
AATACCGCAA CATCTTGGTT ACTGTAGCTT CACGGTAAGT CTTAAAACTT GGATATTGTC 120
AGTCCTCCAA CTATGTTCTA CTCCTTCAAT ATTGTGTTGG TTATTCTGAG TCTTGNNGGG 180
TCTCCATATA AATNGTAGAA TTAGAAAAAA AANNGNGGGG GGGANNN 227

配列番号：5108
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06100
配列：
GATCAGTTTG GACTCTGTAA CTCATAGGTG CATTCTTTTT TTCTTTGGTG TCTCACAAAT 60
NACCCAATTG TTGAATAAAA CTATAAATAT GTTAATACCA GCTTTTTCCA ATAAAATAAC 120
AAATGTTACA TCAAA 135

配列番号：5109
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06101
配列：
GATCTNATGG GTTTAAAAGN GCGGCATTTC CCTCCNCTTT CTCCCTCTCC TGCACCATGT 60
TAAGATGTGC CTTGCTTCCC CTTTGCCTTC GACCATGATT GTAAGTTTCC TGAGGCCTCC 120
CCTGCCATTC AGAACTGTGA GTAAATTAAA TCTCTTTNCT TTATAAA 167

配列番号：5110
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06102
配列：
GATCTTCTGC CACCATCAGG GNCAAACGGG TGCAGGAGGA AAGTCACTGA TGCCCAGATG 60
TTTGCNTCCT GCACAGCTAC AGGTCCTTAA NNAAAAGTNT N 101

配列番号：5111
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06103
配列：
GATCTGTGGC TACTTTCACA CCACAACAGA GTACCATGGT TCTGACAGAG ACTAGGAGAC 60
ACAGTCTAAA TGACTTCTGA CCTGGACCTT TACTGAAAAT CCTGCCAATC ATTCTGTTGG 120
CAAGANTGAT GTATTACTTT TAGCAATAAG AAACAAGTAA CCTTTGCAGA AA 172

配列番号：5112

配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06104
配列：
GATCTCCAAA GCTGTCCTCT GGCGTCCAGG AGTGCCTCTT ATGTGAGTCC TAATAAACTC 60
ATCTATTCAC CAAA 74

配列番号：5113
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06105
配列：
GATCTNTTCC CACCCATAAA AAGCCCAGAG AACAAAAAGT TGGCCCAGGA AATGCAATTN 60
GGAAGCTGAA GAAGATTATA GTATTTNTNG CAGTCAAGAT TTGGAAAGTT ACCNACTAAG 120
AAGCTACAAT ATNN 134

配列番号：5114
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06107
配列：
GATCTTGAAA TNAAACTAAG ATTTTCCTGG GGAAATGTTC AGATACAGTT TTGTGAACTG 60
TAAATCAAAA TACCTTTTNC TACAGTTTAT CTTTNATNTC CTGCAAATTT AGGAACATAT 120
TTCCTCGTTT NCACATTGAA TCTTAAGTTT AAGCNCTTCA TTTGGNATTT NGGCAATATA 180
TGNGAN 186

配列番号：5115
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06108
配列：
GATCTTTNTG ACTAGAGTTA GTGTCCTAGG AAAACCAGAA CTCAGAACTT GCCTCCATGG 60
TTGAGTAACA AGCTGTACAA GAACCCCTTT TATCCCTGGA AGAGGCTGTG TATGAAACCA 120
ATGCCCAGGG TTTGAAGGGT GTTAGCATCC ATTNCAGGGG AGTGTGGATT GGCTGGCTCT 180
CTGGTAGCAT TTTGTCCTNA CACACCCATC TACTATGTCC AACCGGTCTG TCTGCTTCCC 240
TCACCCCTTG CCCAATAAAG GNCAAGNNCT TCAAA 275

配列番号：5116
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6109
配列：
GATCGAGTGG TCTGTGTTCC TATTGCTGGT GGGGTGATAG GGTGGGCTAA AAACCATGCA 60
CTCTGGAATN TTTTGTATTT TCTCCCAGTA AAGCTTTTCT TCTCCCGAAA AAAAAAAAGA 120
AA 122

配列番号：5117
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6110
配列：
GATCACAAAC TACAGCCTGC AGGCCAAATC CAGCCCACAG CCTGTNTTTG TAAATAAAGC 60
TTTGTTGGAN CAAAGCCACA CCCCTTAATC TAAA 94

配列番号：5118
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6111
配列：
GATCTGAATC CAGNTCATTT GAGGGAACCC CCAAGGTTCT CTGGTTGTGG CCTCTTGAAT 60
AAACCTCTCA CATTTGGAAA 80

配列番号：5119
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6112
配列：
GATCTATTAT CTAGCTGCAA AGCCTGGCTT TGNTTTGNAA TTTTGTAAAA ATTTCATGGC 60
ACCCAAGGTT TCTGNTTCTG ACCCAGCAGT GGTCCTGAAG AGAGCTGATG GCAAGTNTTG 120
TAGTCATTTT GATTTTAATT GAAGGGTGAG CATAACCTTG TGAACCAGCA CTAGCTTGTT 180
CCAAGCTGGA ATTTATCTAA TCTATTTTTG TGTTTAAAAA AGCTGTACCT ACCAAATAAA 240
TAAATAGTTT ATAAAATGTA TTACTTAAGG TAAA 274

配列番号：5120
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6113
配列：
GATCTTTGAA GATATCCTCA ACGTGAGGCT CTNCTGCCAT GAAGGTGAAG ATTAAGTGCT 60
GGAACGGCGT GGCCACTTGG CTCTGGGTGG CCAACGATGA GAACTGTGGC ATCTGCAGGA 120
TGGCATTTAA CGGATGCTGC CCTGACTGCA AGGTGCCCGG CGACGACTGC CCGCTGGTGT 180

GGGGCCAGNG NNCCCACTGC TTCCACATGC ATTGCATCCT CAAGTGGCTG CACGNACANC 240
AGGNGCAGCA GCACTGNCCC ATGGTGCCGN CAGGAATGGA AGTTCAAGGA GTGAGGCCCG 300
ACCTNGNNTC TAGNTGGGAG GGGNATNCTG AAGACTTCTT TNCTTNATTN 350

配列番号：5121
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6114
配列：
GATCTTATTC AGTCTGCTGN TTTGTATAGT GTGATGACCC TAGTAAGCAC ATATTTGGTA 60
GCCTTTGCAT ACAAGANTGT GAAATTTGTT CTCAAGCACA AAGTAGCACA GNAGNGGGAA 120
GATGCTGTTT CCAAAGAAGT GACTCGAAAA CTTTCTGAAG CTGATAATAG AAAGATGTCT 180
CGGAAGGAGA AAGATGAAAG ATTCTTGTGG AAGAAGAATG AAGTNNCNNN ATTATGAAGC 240
TACANCANNT TCCATCTTCT ATAACAACAC TCNGTTCCTG GTCGTNGTCA TTGTTGCTTC 300
CTTCTTCATA TTGGAAGAAT TTCAACCCCA CAGTGAACTA CANATTTGTC CATAAGTTGN 360

配列番号：5122
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6115
配列：
GATCTGGTCA CACCTAAAGT CATTAAAATC ACTGAAATGT TTAGATACAC AGCCCAATAA 60
ATTCTCTTTA TAAAACACAA GCAGTAAA 88

配列番号：5123
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6116
配列：
GATCAGGCCA CATAAGGAAC AGGGGAATTC CAGGGGTGGG ACACAGCTNG GGGAGTCCAG 60
ACCAGGGCAG GGAAAGGAGA CTCACAAGCC AAACAGAGCT GCTTTGGGGA AAGTTCTTAT 120
CAGCTGGTGC TGCTTCCTGA GCCATATGCC CATTCCTCAA GCTGTACCCN NNNNNNN 177

配列番号：5124
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6117
配列：
GATCTTGGAC CTCCCAGCCT CCAGAACTGT GAGAAATAAA TNTGTTTTGT TTCAGCTAAA 60

配列番号：5125

配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06118
配列：
GATCTGGCTG ACTCACACGC GACTGGAGAA TAAACAAACA GCAACATAAG GAAA 54

配列番号：5126
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06119
配列：
GATCTCCCAT GGGTCACCCA GGTCCTATGC CTCCGCATGG TATGCGTGGA CCTCCTCCAC 60
TGATGCCCCC CCATGGATAC ACTGGCCCTC CACGACCCCC ACCCTATGGC TACCAGCGGG 120
GGCCTCTCCC TNCACCCAGA CCCACTCCCC GGCCACCAGT TCCCCNTNGA GGCCCACTTN 180
GAGGCCCTCT NCCTCAGTAA ATTCACATTT TNCTTCCTNC TGTTACATTT TNCNAATATN 240
TTTTCTATTC CTTGGACCAA TCAGAGATGC TGTAGCTTNC TTGGGGCAAA GGGTACTAAA 300
TCNCNTTTNA GCACNN 316

配列番号：5127
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06122
配列：
GATCCTGTTC CTGTCACCAT TGCTCTCGAT TCACTCAGCT GGCTGCTACT TCGCCTTCCC 60
TGCACCACAC TCTGCCAGGT CCTGCATGCT GTGAGCCATC AGGACTCTTG TCCTGGTGAG 120
ACCCCTCCTT CATTGTTTCC CCTCATACAT CTCCCTCTGC CAAGGAGTGT GCCCCTTTTC 180
CTTTCTACCC TAGAATAAAC ATCTGGGTTC TCCAGTCAGA AA 222

配列番号：5128
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06123
配列：
GATCGACTGG AACAAAGTGA CCGCTGNGTA AAACTACTGC CTTGCCACTC ACTGTTGTAT 60
ACATTTCTTA TTTACGATTT TCATTTGTTA TATATATATA TAAANATACN GTATANANAT 120
GCAACATANN 130

配列番号：5129
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06125
配列：
GATCTTAGAG CTAAAAAGGA CTGTAAAAAT TACCCAGAAC AGCGTCCTCA GACTTAACCT 60
TCTGCAAGTT ATGTCTGTAT ATAAGANGAT TCTAATTGCT AACTGTTTAT ACTTTNCTGN 120
ATAAAATAGT TGTTTCTAAT TAAAANGTAG CCAAGCTAAA 160

配列番号：5130
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06126
配列：
GATCTTCGTT CAGGGCATCA TCTGGGACAT CAACAGCTTT NACCAGTGGG GAGTGGAGCT 60
GGGAAAGCAG CTGGCTAAGA AAATAGAGCC TGAGCTTGAT GGCAGTGCTC AAGTNACCTC 120
TCACGACGCT TCTACCAATG GGCTCATCAA CTTCATCAAG CAGCAGCGCG AGGCCAGAGT 180
CCAATAAACT CGTGCTCATC TGCAGCCTCC TCTGTNACTC CCCTTTCTNT TCTCGTCCCT 240
NCTNCCCGGA GCCGGCACTG CATGTTCCTG GACAACACCC AGAGCACCCT NTNGTTGTGG 300
GNTTTTGNNC NNCGAGCCCT TTAGCNGGGA ANGNCTTGGT CTTCNCCAN 349

配列番号：5131
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06127
配列：
GATCCTCAAG GACCTGTAAT TNTTTGGTAT TTAAAATTAA AATAACATTA TTTTTATTTT 60
GANTTTTTTT CAAACAGTAA GAATAATATA TCAGCAGCAT GTATCTGCCA ATCATATGTA 120
ATAAATTNTT TATTTTGCCA AAACCAAA 148

配列番号：5132
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06128
配列：
GATCTAATAC AAGANCTAGC AAAGCAAAAG TNTTTGCAAG TGACAGCATA AAGACGGANC 60
ACAACAAATC CTTCCTGNAG TGAATTAGGA AACTCCANGG N 101

配列番号：5133
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06129
配列：
GATCCTCATT CTTTCCCCCG TACAGTGGAA AACATCTTTN ATGTTTCCTT CATTATACGG 60

GATGGTTTTN CAAGAATAAG ACTTGACCAA GACCGACTGC CAGTAATAGA GCCTGTNAGT 120
ATTAATGAAG AAAATNAGGG ATTTGAACAT AACACACAAG TTAGAAATCA AGGAATTATA 180
GCTTTGAGTT ACCGTGACTG GGNGGNGATT GTGAAGACCT TTTGAGATTT CAGAGCCTGT 240
GATTACTCCA AGTCAGAGGC AGCAGNNGNC AAGTNCTTTG NTTGCTAGCT GAAAGGACTT 300
AAATGGNTAG TGAAGGTCCA AAACCGGGNA AGCGGCATNG TGTTGGN 347

配列番号：5134
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6130
配列：
GATCACACTG CAGTTTCCAT GTTAGCACTG TGGATGGGTT TTNAATCAAT AAAAACTGGG 60
GGTTTCTTCA AA 72

配列番号：5135
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6131
配列：
GATCTGTAAA ATAAAAACTC AGCTGGGTCC AGATATCAGG TGTTCTAAAT CTAAGAATGT 60
AAGAACAATC TTAATAGAAA TATGTNTTTA ATAAGTGGCT AATATCTACA AATAGTACCT 120
TTGCTAAATG ANTTCTTTTT NATGACTATN TTGTTTTTNA GNAATTGGGT GAAAANNCAA 180
CTGANATGAG ATTATTTATN ATN 203

配列番号：5136
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6133
配列：
GATCTTAGAT TTNATGAAGC ACAGTATGCA GGTAGGCCTA ATGGGGGAAG ATGGTAATAT 60
AAAAGCAAGA AGTATTTTTT TTTTTGAAAT GCCTGAANGC TGTNCTGNGG NTGCCCTCCC 120
CTTNCCTTN 129

配列番号：5137
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6136
配列：
GATCACCTGA GGTCGGGAGT TCGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCCATTTCTA 60
CTAAAAATAC AAAATTAGTC AGGCATGGTG GCGCATGCNT GTAATCCCAG CTACTTGGGA 120
GGCTGAGGCA GAAGAATCGC TTGAAACTGG GAGGCGGAGG TTGCGGTGAG CCGAGANCAT 180

GCCATTGCAC TCCAGCCTGG GCAGCAAGAG TGAAGCTCCA TCTAAAAATA AATAANTAAA 240
TAAATAANTA ANCCCTCANA NNNAAAAATN 270

配列番号：5138
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6137
配列：
GATCTGTAGG GGAGGGAGTT CAAATAAAGC TTTATTTTTT TCATTTTCAA A 51

配列番号：5139
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6138
配列：
GATCTGGGCT CCCTGACTTT CTGAAGCTAG AAAAAGGTTG TGTCTCCCAA CCACCTTTCC 60
ATCCCCAGCC CCTCTCATCC CTGGAGCACT CTGCCGCTCA AGAGCTGGTT TGTTAATTAT 120
TGTTAGACTT TGCCATTGTN TTCTTTTGTA CCTGAAGCAT TTTGAAAATA AAGTTTACTT 180
AAGTTATAAA 190

配列番号：5140
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6139
配列：
GATCGGGAGG ACCTGTATGC CTGACCGTTT CCCTGCCTCC TGCTTCAGCC TCCCGAGGCC 60
GAAGTCTCAG CCCCTCCAGA CAGGCCGCTG ACATTCAGCA GTTTGGCCTC TTTCCCTCTG 120
TCTGTGCTTG TGTTGTTGAC CTCCTGATGG CTTGTCATCN TGAATAAAAT ATANTAATAA 180
ATTTNGTATA AATAGGAAA 199

配列番号：5141
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6141
配列：
GATCCAACCA CCTCAGCCTC CCAAAATGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC TTGCACCTGG 60
CAAAAAAATT TTTTTTAAAA AAGGAGAAAG CAGTTTAACC ACAAACAGTG AAACAGAGCT 120
GGCAGACGCC TGAAACTCCA TGGAACCATG CAGCTGTACC CTAGGGCTCC TCCCAGGAAA 180
AGAGAGATGT CAACGTGGCC CAAGGTGTCC TGAAGCACTG GGATTGGNTT ANCTCGAGCG 240
NTGGCCTTCC CAGCCCTNCG TGCTGCAGAG CCTCTGCTCG CTAGGCTNCC TTCATNCTNA 300
CTCTGTGTGC TN 312

配列番号：5142
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06142
配列：
GATCTAAGAC AGCAAAGAAG TGTGCAAGGA GGGCCCTGTT AGCTCCCACT GTCCTGGTTT 60
CTCCTCCTGG AGTCTAATTT CCTTGGCCCT CTGAGCCTTT TGAGTCTGGG CCCTGGTCCA 120
ATGCTGCTGT TGTCTGAGGA ATGGTTTGGT GAGAACAGAT GTTAGAACTT GTTTGTTGAT 180
TCTTGTCTGG CTAATAAATC ANCACCAACT GNCTTCTCCN ACAGGGAAA 229

配列番号：5143
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06144
配列：
GATCTAAGAT TATTCCCATG AGAAATGTTG AATTTATGAA GAATAGATTT TAAGGCTTTG 60
AAAATGGTTA ATTTCTCAAA AACATCAATG TCCAAACATC TACCTTTTTT CATAGGNGTA 120
GACACTAGCA AGCTGGNCAA ACTATCACAA AAGTATTTGT CACACATAAC CTNTGGTCTG 180
TTGCTGATTA NTACAGTACT TTTTCTTTGT GTGATTCTNA ACATTATAGC ACAAGTATTA 240
TCTCAGTGGG TTATCCGGAA TAACATCTGA AAGNGGGGTT CATCTNTGGT NGNGTTTGCT 300
CNNTAAACTA GNGTNTCTCC TGGTCCCANT GN 332

配列番号：5144
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06145
配列：
GATCACATCA CGGAATATTC TTTGCCTTTC CACTTTCCAG GAAATCTCTC GGACTGGGCT 60
AGCCTCCTTG TGTGTGATGA AAGATGGGCT ATATTTCAGA ACANAGTGCT GTGTTGTCAT 120
GATTTGCCTG GACTCCCAGG GCGTCTCTTA CCCAACTTGA TAACGATGCT GTTCATTAGC 180
AGCCTGTGTT AACTGATAAC CAAGAGCGGT AATGTGATAC TCATAAGCAA TTTTCTGTGT 240
GTAGGATAAA ATANNCCATC TTGTATNATT NCAAA 275

配列番号：5145
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06146
配列：
GATCTCTTTT CAAGTTCACT CATTCTTTCT TCTGTAATGT TCAATCTCTC TTAAGAAAGT 60
CCAAATAAAT TTTTCATTTC AGAGAGTGGA AA 92

配列番号：5146
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06148
配列：
GATCTGGGCA TTAAGTCAGT GGCTTTGCAT AGCTTTCACA AGTCTCCTAG ACACTCCCCA 60
CGGGAAACTC AAGGAGGTGG TGAATTTTTA ATCAGCAATA TTGCCTGTGC TTCTCTTCTT 120
TATTGCACTA GGAATNCTTT GCATTCCTTA CTTGCACTGT TACTCTTAAT NTTAAAGACC 180
CAACTTGCCA AAATNTTTGG CTGCGTACTC CACTGGTCTG TCTTTGGATA NTAGGNATTC 240
AATTTGGCAA AACAAAGTGT AATGTCAGAC TTTGCTGCAT NTTACACATG TGCTGATGNT 300
NACAATGGTG NCGAACATNA GTN 323

配列番号：5147
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06150
配列：
GATCTTTTGA GTGGAGGTGG GTAGAGAGAG CAAGNAGGGC AGGACACTTA GCAGGCACTG 60
AGCAAGCAGG CCCCCACCTG CCCTTAGTGA TGTTTGGAGT CGTTTTACCC TCTTCTATTG 120
AATTGCCTTG GGATTTCCTT CTCCCTTTCC CTGCCCACCC TGTCCCCTAC AATTTGTGCT 180
TCTNAGTTGA GGAGCCTTCA CCTCTGTTGC TGAGGAAATG GTAGAATGCT GCCTATCACC 240
TNCAGCACAA TCCCAGCGAA AAAGGGTGTG AAGNACCCAC CATGTTCTTG GAGCANTCAA 300
GGGTTNCTAA ATNNNNCGGC TGGGACCANT NANATAGTGA GTNNNNN 347

配列番号：5148
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06151
配列：
GATCTGCCAT ACCACTGTGA CTGCATTGAA AGATGTCCCT TTCTCTCTCT GCCAGTCGGT 60
CGGTGTGGGA CAAAACACAG ATATACAGCA GATAGCGGCC AAAAACTTCA CAGACACCTC 120
TCTCATGTAC CCAGAGGACA CTTGTAAATC TGGACCAAGT ACGAATACAC AGAGTGGTCT 180
TTTCAACACT CCTCCCCCTA CTCCACCGGA CCTCAACCAG GACTTCAGTG GATTTCAGCT 240
TCTTAGTGGA TGTTGCACTC AAACGGGGCT GCAGAGATGG AGGCTTNAGG GNANANCTTT 300
ACAGNTTAAC CCNATTTTCA AGCANAAACA GTTCTCANGA AGTGTCATGA TTGNCCGGGG 360
TAGAAGGGAA AGAGATTGAA TTTGCTTN 388

配列番号：5149
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6152
配列：
GATCTATAAT GGGATACATT GTCATCCTCT AGCAACTCCT ATATAGAAAG TTTTAACTGA 60
ATATGTTACA TATANGAATT AAATTCTTCT CAAATAATTC TTAACCTCAG TNATGAGCCT 120
AAATTTACTC TGCTTGGCTC TCTACACATG GCATTTCAGG GTATAAGATG TAGCATTTNA 180
ATGTGTAAGA TATATGTACN NNNCATATGT GTTGCTATCN TCATCATTAA CATCCTTCTT 240
TNCTATTGCT TGGCTGTAAT TTTTGTAAAG ATAAATTATA TTGTNTNNNT GTATGTGTGT 300
TTGTAGTN 308

配列番号：5150
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6153
配列：
GATCTGTCCT GTGAGGCATT TAGGGGCTTT CAGGAATTTA GTAAAAGGTG GAGTATGCCT 60
TTCCAGTATC TTCCATCTTC CTTTGTATAC TTGTCCTTCC TCCCATTTCC TCCCTTTGGC 120
CCGAGGTAGG AGGATGGAGG GAGGCTGCTA CTCTACCACT TCCTGTGTGC CTCTACTGTG 180
GCCTCAACCC TGGCAATTAT AGCTACTCCC ATCCCTTACC TGGGCATGTG TGAGCCCTTC 240
TCACTGGATT TTATACCCTT GTGTCTGTGT ACATAAATAT ATATACATAT ATATATACAT 300
AAAANCTTTG TACAAA 316

配列番号：5151
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6154
配列：
GATCAGGCAG GAGAAAAACT TTAGATGGGA GTCTTGTCAT CAAAAATAAA TACAGTTGCA 60
TGGAAA 66

配列番号：5152
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6155
配列：
GATCAGGACA AGAGCGANGC ACCAGGGGAG CTCTCTCCCA AAGGCCTTGT CGCCCCAGAC 60
CTAACTCGCT CCCCCTCAAC CTGCCTGAGG AAGAAACTCT CAGGATTGCA CGGATATTTT 120
CTTCTCAGTA CTCCCAGAAA GACTGACGCA GCCTGAGGGG CTGGGGTTGA AGGAGACACC 180
TGCCCANCNN NCGTCAGNTT TGTCCAGCTT GCAGGAGGCA CCAGGTCTGG CTCCTTCAGG 240
GCTGTCACAG TCCTGAAACC ACCACTTGCC TAGGTCACGG ATGCCTNAAG AGACCCGGTN 300
AGGCTAGATN N 311

配列番号：5153

配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6156
配列：
GATCTAGGGC TGGCCCCTAG TGAGTGGGCT CGAGGGAGGG TTNCCTGGGA ACCCCAGGAA 60
TTGACCCTGA GTTTTAAATT CGAAAATAAA GTGGGGCTGG GACACACGAA A 111

配列番号：5154
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6157
配列：
GATCTCCTNN TCCAGTGCTG CACACTCCTG TNTTTGGAAC TTTAATAGCG TTGCAACGAA 60
ATCCTATATC CAGTTTCCTG TAATTTANTT GAAGAAAAAT ACATCCAAAT AAAGACTTTA 120
TTATTAACAG ACCAGATAGC ATCAGAAATC ATGTGACTGT TNTGCTTATC AGANTATGTC 180
TNAACTNTTT AGGGCAAAGT TAACACTGAA AGTTCTAGCT TAAGTGTTGA NCCTNTNGTG 240
GGAAAAANAA TTCCACTTGT GAAACNTCAG GCTN 274

配列番号：5155
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6158
配列：
GATCACTCTG GTGCGGGTGT TTGGTTTTGT TTTAAAATAG CTTTGCAGTG AAAGCTTTCA 60
TGACCATACA AATNATCTTT TTTCTTCCTA TTTCCTTGTA GAGGTTTTTT TCCTCCTTGT 120
CTTAAGGTCA TAAAAATATT GTTATGTGGG ACAAA 155

配列番号：5156
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6159
配列：
GATCTGTGGC TTTGCTCCAC CATCCCTAAC CAACCTCTCA TCACAGCTTT NTGTGTGGGC 60
TGAGTGCTGG CCTTAACCCT AGGCGTGGAA GAGAAAATGT GAGGTTGTTT AGATACTCAT 120
CAGGACCTCA CAGGAGCTGA GACTTATCAG CCAGAATNTG TTCTTCGGAC AGTCGTACAC 180
ATCTTACAGA AAACCCTCCT TNGTAGAGTT GGNTTGTGGT ATGTGTTTGA TGCTATAAAG 240
CTCATTTTTA ATGGTGTACA CCTGNTTCTA GGGNCGATTT CGTTTTGGAA GNGGGTAANG 300
NTGCNTTAAC CAGGTAACTN ATCCTTGGGN TTTAAGGTGN AAAAAATNTT CTNGNCAAAG 360
GGAANCCNN 369

配列番号：5157

配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6160
配列：
GATCAAAATC AAAAGAACCG TGTAGATATA CTTNATTGTA TAAGTAGAAA ATTACTTAAT 60
TNCATACTAG AAATGGATGG ATGCTGCAAG TTGAAATGGA CTGTCCATTG ACGGTCCTAA 120
TGTGGTAGCA GAAAAANATG GTGTCTTAAG TNCTTAGNGT TTGATGTCAT TAACAGTTTC 180
GTAAAACTCT ACAGTGTAGN AAGTTTTTTC AATACTAAAC TGTGCGTTGT NCATAGTTCT 240
AATGCATTGT NTTNGCCNCC CGGTACTTTC TNTNAANGN 279

配列番号：5158
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6161
配列：
GATCTCAAGT GAGATAGCAG AGCAAGATGC CAAAAGACCA TAAATAGAGT AAGGTTTCTA 60
TAGATGTNAG ACAGATTTGA GAGAGCATTT ACTCTGTCTC CCTGTGGATG AAACTGCTGC 120
TGAAATGGTT CCAATTTTNA GGAATCTGCT TACCCNCTTC ATTATTTGAC AGCTTTCCTT 180
GGTGACCCAA ACCTTGTAGC CTAAGCCATT TGTCTTTTTC TCAGTGGAGG GAGTGTATGG 240
ACCTGGCCCC ATGGCTTTGC ATGTTAGAGA CCTGGCNGAC TAAAGTCNCN GGGTGTTTGT 300
TTGCTCACAT TTGCTGAGTG ACAGNTATGG TGNCCNN 337

配列番号：5159
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6163
配列：
GATCTACAAC CCCTTGGAGC AGTGCTGTNA CAATNACGCC ATCGTGTCCC TNAGCGAGAC 60
CCGCCAATGT GGTCCCCCCT GCACCTTCTG GCCCTGCTTT NAGCTCTGCT GTCTTNATTC 120
CTTTNGCCTC ACAAACGATT TTATTGTGAA GCTGAAGGTT CAGGGTGTGA ATTCCCAGTG 180
CCACTCATCT CCCATCTCCA GTAAATGTGA AAGCAGAAGA CGTTTTCCCT GAGAAGACAT 240
AGAAAGAAAA TCAACTTTTC ACTAAGGCAT CTNAGAAACA TAGGCTAAGG TAATATGTGT 300
ACCAGTAGAG AAGCCTGAGG AATTTACAAA ATGNTGCAGC TCCAAGCCAT TTGTATGGCC 360
CATGTGGGAG ACTGNTGN 378

配列番号：5160
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6164
配列：
GATCAGCCCC ACCCTGGCCT AGACCAGCAG ACAGAGCCAG GAGAGGCTCA GCTGCATTCC 60

GCAGCCCCCA CCCCCAAGGT TCTCCAACAT CACAGCCCAG CCCACCCACT GGGTAATAAA 120
AGTGGTTTGT GGAAA 135

配列番号：5161
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6165
配列：
GATCTCGTAA GATTAAATGT AGCATTCTAT ACTCCCTACA TGCACAGTAN GATTTGTTTA 60
ATGAATGGAA GGAAAGACTA AATACAATGT CAAATGTNAC TATTAATTGG ACAAGAAAAT 120
CCAAGTAGCA AATGACCATT ATGTGTAAGA CTTACTCTAA AAAGACCNTT TTAAATAGCT 180
CATATATTAA TNTNGTTTAA AACCTGCTAT TTTCCAAAAC TGCAAAACTA GGGCTATAAA 240
AATCTAAGTT AAAAAATCAG CTNATCCTCA TTGGTATAGT GGTNTGGNNA AAAAAATCCA 300
GTTTTAAACC NGNNTNNATT GANAGGNTGT CTCCATGCCT NCCATTGGGN 350

配列番号：5162
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6166
配列：
GATCACTTTT ATGTAAAAAT TATAATTTAA TTAATAAAAA ATTTCTTAAG AAGTAAA 57

配列番号：5163
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6167
配列：
GATCAGGCCT TGGCCTCTNA GCCCTGCCTG CTCTGGGCCA TGCAGAGGAA GGACAGAGNG 60
TGGGCGCAGG GCACCAACTC AGGGACATCC CCTCTCCTGG GCGACGTCAG TGGACCTTCC 120
TGCACCCCCA GCCTGGAATG TAAATNAGCT GTGTGGTGCC CGCGTNGCTG GAAGGAAATA 180
GACCCTTTTN TAGCTCCCTG AAA 203

配列番号：5164
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6168
配列：
GATCCTCTGT GATACCAAAA TCCATGGATG CTAAAGTCCC TTTTTAAAAA TGGCATAGTA 60
TTTGCATATA ACCCAAACAC ACCCTCCTGT GTATTTTAAA TCATCTGTAG ATTACTTATA 120
ATACATAATG TAATGTAAAT GCTATAAAAN TAGTTATTAG ACTGTATTTA GGGAATAATG 180
ACAAGANGAA AAAGTCTGTA CATGTTCAGT ACAGAGGCAA CCTTTGTAGG TCTAAATANN 240

TTTTTAATAC AGNANTNNGG ATGTNAGNNN NGGN 274

配列番号：5165
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06169
配列：
GATCTCTTTT TATTTAAATG TGAATTTCAA CTTTTGACAA TCAAAGAAAA GACTTTTGTT 60
GAAATAGCTT TACTGTTTCT CAAGTGTTTT GGAGAAAAAA ATCAACCCTG CAATCACTTT 120
TTGGAATTGT CTTGATTTTT CGGCAGTTCA AGCTATATCG AATATAGTTC TGTGTAGAGA 180
ATGTCACTGT AGTTTTGAGT GTATACATGT GTGGGTGCTG ATAATNGTGT ATGTCCTTTG 240
GGGGTGGAAA NGGATAACAA TTCAAGCTGA GAAANGTATT CTCAAAGATG CATTTTTATA 300
ANTNTNATTA ANCAATNTTG TNANAGNNNG ANGNGTGGGN NTN 343

配列番号：5166
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06170
配列：
GATCATACGA GGCATGTAAT ACCAAGAATT GTTACTTTAC AATGTTCCCT TAAGCAAAAT 60
TGAATTTCCT TTGAACTTTT AGTNATGCAC AGACTNATAA TAAACCCTCT AAANCCTGCC 120
CAAA 124

配列番号：5167
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06171
配列：
GATCTTGGAC CCAGTCTGGC CCGTGCCCAG CATGGGGCTG CTTCTCCTCC ACAGCTCCTT 60
CCCAGAGGGC TGGGGCCTCA GCCTCCCTGC CACGTCCACT CTGGGCTGGC CTGGAACATA 120
CTACTATGTT GACAGTAACA ATAAAGCTCC TCAGGGACCA CCGTACAGGC CCGCAGCCCC 180
ACTGNCTGCT GTTGGAAGAA AGCTGTGGAA AGAAAGCAGG GGGNCCCTGC CCCAGGCCAA 240
GGCCCTGCCC TTGCCACACA CGGTACACAN ATGCAGCCTC TCTNTCTCTN TGTGTCCACT 300
TGTGAAAATA ANCTGCAGGN CTGGNTNGGA CAACAAAGGN AGNNGNACAG TGTCTNGGNN 360
GGCANNN 367

配列番号：5168
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06172
配列：

GATCAGTTCA GTATATTGCA CTAATTATTT TAGGTATTTT CATTATATGA AAGCTACCAT 60
GTGTCAGAGA TGATTTAATC TATTTAAGTG TTGGACTGCT AGGAGAACTT GTACATTTAT 120
GATAATGCAG AATTAGGAAA ACGGTTCACC AGTGTTTAGT TTTATATTGA GGTGCTCAGG 180
TTGGTATAAA GTGGTATAAA AAGCAAA 207

配列番号：5169
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06173
配列：
GATCATGCCC TTTGTAGTAN CACAAATGGN GCTGGAGACC ATTATATTAA GCAAACTAAC 60
ACAGTNCCAG ANAACCAAAT ACAGTATGTT CTCACTTATA AATGGGAACT AAAGNN 116

配列番号：5170
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06174
配列：
GATCTGCTAG GGATTGTCAA AATAATCTCC TTGAGGCATC TTTATTTTTA AAATGAGATT 60
AAAGTATGTG ATTTGCTTGT TATGTGGCTA AA 92

配列番号：5171
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06175
配列：
GATCANCAGA AAAGGCAAAT TTCACTCGNC TAAACACTTT CAATTTTCAG TTNTAATTTT 60
ATNTTCTATA TACCCAGTCA TAAAGTATAA GCATCAGTTG TCATTAAAAG TTTTCAGAAA 120

配列番号：5172
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06176
配列：
GATCTGTAAT GAAAAGAATC TGNTACTGCA AGTAAAACCT ACTCCCCAAA AATGTGTGGC 60
TTTGGGTCTG CATTAAACGC TGTAGTCCNN GTTCATGCCA AA 102

配列番号：5173
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06177
配列：
GATCACTTNT NGTCTGATTC CAGCCTGCTT GCAACCCTGG GNTCCTCTTG TTCCCTGCTG 60
NCCTGCCCCT TGGGAAGGGG CAGTGATGGC TTTGAGGGGA AGGAGGAGAC CCTCTTTCTC 120
CCATGCTGCA CTTACTCCTT TTGCTAATAA AAGNGTNTNT AGATTGTCAA A 171

配列番号：5174
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06179
配列：
GATCTAAACT GTATTGNCCA ATTTAAATAA AAAATNNAAT ATAGATTCAG AAAGGTTCAT 60
ATTTTTCTAA TGACTTCATT CTATATTATN TTGTTAGGTT GCATAAAGAA GCAAGGAATT 120
GTACTTGTAT TAAAAGATGA AGAAAGCTAT TAGGTATATT TGTACATGNC TGCANNTGTG 180
TCTATNNN 188

配列番号：5175
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06180
配列：
GATCTTGAGA GGTGGAGGTT GCAGTGAGCC AAGATTGTGC CACTGNCTTC CAGCCTGGGA 60
GACAGCAAA 69

配列番号：5176
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06181
配列：
GATCTGTTAA TATGTAACAT ATTAATGGGT AACTTGCTGT GTAAAATTAT AAGCCATATT 60
TTAAAAGGTT TTAAAAATAC TTATTGTGCT CCATTTGTGA TATAATTNCT AACATTTCTG 120
CTCTGTGANN NNNN 134

配列番号：5177
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06182
配列：
GATCTTNGAG ATTGTTCCAC ATCAGTACAT AAAGTACATA AAGATTGTCA CCCCACAAA 59

配列番号：5178

配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06183
配列：
GATCTGTCTA CTTNNCTTAT CCTGATTCAA ATGGAATGCC AGTATGGAAC TCCTAGGATT 60
TGTCACGAAT GGGAAGCCAA GTGCCATCTT CAAAATTTCA GGTCTTAAAC NTGGAGAAGG 120
AAGCCAACAT CCTTTTGGAG CCATGAATNT TGTCCGAACT CCANNNTGTT GCTCAGANTG 180
GANTTTCAGT GGN 193

配列番号：5179
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06184
配列：
GATCATTATT TGGNAATATG TCCTATGGAA AGAATAAAAG CATGTNCTTC ACAGCTAGCA 60
TGTTCACAGA TTTGAAAGAA GTTTCATTAA AAGCACCATT GCTTTCAAA 109

配列番号：5180
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06185
配列：
GATCTTAATT TAAATAGGTG CTTTAATTTT ACAGCTTTCA AAAGTAGTTA CTGTAAATTT 60
TACTCCTGTT AATGCTGGAT TGGTTTAAAG GATTTATAAG GGCTGTGTTT NCTCTNTACA 120
AGGCAAGATG CCATACAGNG TTCANTAATA GAAGGTCTNG ATACAACCGA CATTTTAAAT 180
ATTCTNTATA CATGNGGACT GCGTCTTTTT CACTGACCCT ATGANTTCAC TGTGGAGTAG 240
GGTGAACTGG NCTGCANATT AGTTTATTTG TTGCCATAAT CACATTNNNG AAAAGAN 297

配列番号：5181
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06186
配列：
GATCTNATTG CTTATAAACT TTGGTGACGG TAGTGTGTAA GGCCGTATTT NNAGCATCTN 60
ACAGGTGTTT ACAAAAAAGT GGTTGTCGCA CTGGGAAGTG GAGTGATGGC CTCGTCTCCA 120
GTGCTCCTCT GGGCTCTTGA GTTGCTGCTT GANTTGCCGT GTAGACATTT NCTTGGAGAG 180
TCCACTTGTN ATTTGACGGA GGTAGGTTTC AACCCAGAGT TAATGTCAAG CATGCTAATT 240
TANCTAGTCA CTCACAGATG ACTTTCCTTT AATAAAAGTC CCTTTTCCCT AAAANAAAAA 300
A 301

配列番号：5182

配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6187
配列：
GATCTTTGGG CAAGTCACTT AACCTCTCTT TNCCTCAATT TCCTCATCTT GAAATGAGGA 60
TAATAATACC TGCTGTACCT ACCTCACAGG GCTGTTGTGA GGATTAAATG AGNTGGCATG 120
TGAAAGCACT TTGAAAATTG TAAAGCGCTA TGTAAATGTA AGGTATTATA GAANCATCTT 180
TAACATATAG TTTCATACCA TTCATTTTTT ACCAAAGAAA GGGAAAGTNT GCTNGTANGC 240
TGGTTGAAAA AGTTANNCTT GGTATAANNT TGNGTTTGGT TGANGNANAA GGN 293

配列番号：5183
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6188
配列：
GATCACAAAA GTATATAAAA AGTCTACTAG AGCAACATTT TCCCATATTT TTNGGTTCTC 60
AAAGCAACTT ATGTATGNTT TAGAGANGNC AAAAGAGGAA GCCTAGGGGG AAAAGAAAGA 120
NAATTAGAAT TTGCAAATNC TAGAAAANN 149

配列番号：5184
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6189
配列：
GATCGAAAAG AAATTTNTTT ATACTTGATG CCTTAAGATN CCCAAAGCTG CCCAAAGCTC 60
TGAAAGACTT TAAGATAGGC AGTAATGCTT ACTACAATAC TACTGANTTT TTNTAGAGTT 120
AACATTTGAT AATAAAACTT GCCTGTTTAA TCTCAAA 157

配列番号：5185
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6190
配列：
GATCTTGCCT GGAAGGTGTT TTAAGTTTTN TAATAAACAA GATGATGTCT GAAAATNTGA 60
AA 62

配列番号：5186
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6191

配列：
GATCTAGAGC AGCATGGAGC TGTTGGTAGA ATATTAGTTT TTAACCATAC ATTGTCCCAA 60
AAGTGTCTNT GCATTGTGCA AAANGTAAAC TTAGGAACAT TTNGGTATTA AAAGGATTAT 120
TTTAATTGNN AAAAGCCNGA NGCGN 145

配列番号：5187
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6192
配列：
GATCAACAGC TCCGCCTACC GCAAAGCATT TGANAGCAGA CTAGCCANCA GTNGTGCTCT 60
GAGAGTGAAC GNGCACCTCC AGGTNGAGGG CCACAGCAAC GTN 103

配列番号：5188
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6195
配列：
GATCTGATAG AGGGGGAGGC AGAAGCAGAT ACTAGAAACA AACAAAACTT TGGACCAAAA 60
TCCCAGTTCA AAGAAACAAA AAAAAGAGTG GAAACTATTC TATCATAACT ACCCAAGGAC 120
TACTAAAAGG ANAAATTGTG TTACCTTTTT TAAATTCCCT GTTAAGTCCC TTCCGTAATT 180
TTNATGTTCT TGTGAGGANA AAAGTAAANC ATGTTTANTT TTAANNAAGG NGANAGNGGG 240
NGTNTAGN 248

配列番号：5189
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6196
配列：
GATCTCTTAT ACAGACGCAC CAAAGCCCTC ATTGACTATG AGAACTCAAA CAAAGCTCTG 60
GATAAGGCCC GGTTAAAGAG CAAAGACGTC AAGTTGGCTG AGGCACACCA GCAGGAGTGC 120
TGCCAGAAAT TTGAACAACT TTCCGAATCT GCAAAAGAAG AACTGATAAA TTTCAAACGG 180
AAGAGAGTGG CAGCATTTAG AAAGAATCTA ATTGAAATGT CTGAACTGGA AATAAAACAT 240
GCCAGGNACA ATGTCTCCCT TTTGCAGNGC TGGTNTTGAC TTGTTCAAGA GTAACTGGTT 300
ATGCCTTCAC TCNGTAGGAA NNGGAGTTGA ATTGTTGTAA GGAAGCCNAN GTGN 354

配列番号：5190
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6197
配列：

GATCTCTATT TTAAAACTAG CTTTTTAAGC AGCTGTATGA AATAAATNCT GAGTGAGCCC 60
CAGCCCGCCC CTGCAAA 77

配列番号：5191
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6198
配列：
GATCTAGCTT CANAGGAAGT CTACACCCCA TTCCCTTCTG CTTACAATGT ACCCATGATA 60
TGTGTTTAGC ACAGTAATAC TGTAACAGGA CATCACATGG AAAAATCAAA GCAGCTGGCT 120
CACTGTATTT AACTGAAAAG AATGCCTACA GATTGGATAT TTNGTAGGGG NAATTAAGGC 180
ACTTTNNTAA CAAACTTCAT TNTGTGAAAC TNGGTTGAAT ATTAACATAC AATTNNGNCG 240
GGNNTATTAA TGCCATN 257

配列番号：5192
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6199
配列：
GATCCCAGGC TGCCCTGGAC TTAGACCAGT GTCTGAGGTG GTAACAGCGG CCGCACAGGG 60
TTGGCCTAGA CCTNGGATTT GTGGGGAAAG CTGCTGGTGT GACCANCTGA GCACCCAGCC 120
AGGAGACCTG CAGCCCTNCG NCTTCCAGAA GCAGGTCCCA AATAAAGNCA GTGCCNACCT 180
NCAAA 185

配列番号：5193
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6200
配列：
GATCTGTATA TAACTTTAAT TTTAAGGACC ATAATCAACT TTGTAATATT CTNATATAAA 60

配列番号：5194
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6201
配列：
GATCACCCTC TACGGGAGAA CCAAGGAGCT GACTTCGGAA CTAAAGGAGA ACTTCATCCG 60
CTTCTCCAAA TCTNTGGGCC TCCCTGAAAA CCACATCGTC TTCCCTGTCC CAATCGACCA 120
GTGTATCGAC GGCTGAGTGC ACAGGTGCCG CCAGCTGCCG NACCAGCCCG AACACCATTG 180
AGGGAGCTGG GAGACCCTCC CCACAGTGCC ACCCATGCAG CTGCTCCCCA GGNCACCCNG 240
NTGATGGAGC CCCACCTTGT NTGCTAAATA AACATNTGCC CTCAAA 286

配列番号：5195
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06202
配列：
GATCTCTTGT TCTCTCCTGA GTGTCTTNCT ACTNTGCTGA GNGTCTTTCT GCTGTCCTTA 60
TCCTGTTCTC TTATCCTNAT CCCCTCCAGT CTCTGCCTAA TTTTNAGTGT TTAATAACAA 120
CCGNATGTCT AGTAAATN 138

配列番号：5196
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06203
配列：
GATCAAGAAC TTGGAACCGC AGAAAACGAA ATCCCATAGT AGCACAAAGC TTGGCTGTTC 60
AGTGAATAAC ATTTAAATAA TCGTAAANTA CAGAAA 96

配列番号：5197
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06204
配列：
GATCTTGCAG CTTTATTTGA GTATTTGTTC TTTTGTGTAG TTTCCATCTT TTAAAATATT 60
TAAAATATTT TCAAGATAAA GTATTATCTT CTCTGCAAAA ATTCCTGGAG TAATTTNCTC 120
TCATAATATT TGAGGTCAGT GGTTCTCAGT TGTATTAGTG GGGTAACTAC ATCAAAGTAA 180
ATAANGTCTT ATTTTTNANA TGCAAATTTT AGACCATAGA AA 222

配列番号：5198
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06205
配列：
GATCAAGTGA ACCATCCCTA GTCTTCCCTC AATAAATAAC TTTTAACTCC AAA 53

配列番号：5199
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06206
配列：

GATCANAGTG AACCCTCAGT TTGTACAAAA GAGTATGGGC TCACAAGANG ATGATTCAGG 60
AAACAAACCA TCCAGTTATT CTTGAAACTA ACATCCATCC TGAGCTAAAC NAGAGAAACT 120
ACCATCTTGG CCAGTGNCAN GTGTTCGGAG GGCAGCAGAG NGGACCAAGC CTGTGTCACC 180
TGGNGACTAA GAANTTAAGT TTTGTNTTGA CATATTCAGT CCTGTGTGCT TNCAGNAAN 239

配列番号：5200
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06207
配列：
GATCGAATAC GTGGATGNGA CGGGCCGGAA ACTCACACCC AAGGAGGCTT TCCGGCAGCT 60
GTCGCACCGN TTCCATGGCA AGGGCTCAGG CAAGATGAAG ACAGAGCGGC NGATGAAGAN 120
GCTGGACGAG GAGGCGCTCC TNAAGAAGAT GAGCTCCAGC GACACGCCCC TNGGCACCGT 180
GGCCCTGCTC CAGGNGAAGC AGAANGCTCA GANNGACCCC NTACATCGTG CTN 233

配列番号：5201
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06208
配列：
GATCAAAAAG GGGTTGATTA CAAGGGCAGG AAGGAATTGT TAGTGTGATT CTACAGTTCT 60
GCATCTTGNT TATGGTATGA CTGTGCGTTT GTCAAACCTT AACAGGATGA ATTTTGCTGA 120
ATGTAAAATC ATACTTCAAT AAACATGACT TTAAAANCTT AAA 163

配列番号：5202
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06209
配列：
GATCAGTTTA TGTGTAATAT TCTAGTGCTT TAATGACTCT TTTTTTCTTT GGAGGGAGGG 60
TAACATTATT TGGACAGATG CAGAAGGAAC TGTTAGTGAG TCAAGACAAA CACATCTGAA 120
ATAAAGGAAC TGTGTATTAA CATGTTAACA ATTCATAACT GCACTTTTTA TGACATTTTG 180
AAAATCTATT TATAGGTACA GANCAATGGG TTTTGTTAAN CTGTATCACA TTTATNCTTG 240
CAGAAATTTA TTNCATTGTT ATTAGTAGGA ATTTTNTTGG TTCAATAAAA TTGGCAAAAN 300
CTGGGAAAAN NAAANNTTN 319

配列番号：5203
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06210
配列：

GATCTGTCTA GTTCCCATTC TCTGTTCAAC CTCAGTGNTT CAAAAGTTCC TAATAAATAA 60
ACTCATTTGA GTTGAACCTA AA 82

配列番号：5204
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06211
配列：
GATCAAGAAA GAAGCTATCT GGGANCANTG TAGCANTTAC GTCAGACCAG GACACTTCCT 60
GTTTACAGGA GACTATAAAA CCTTTGTCCT ATCATCACTT GATGTGGACG NCATTTTAGG 120
CCTCAGCCCG CCTGCACCCA GNNNN 145

配列番号：5205
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06213
配列：
GATCAGAAGC ACCTCTTCTT TTATAGAAGT TGATGGATGG TTCATTCCAT TCTGCTACCA 60
AGAAGTGCAT GCTGCTGCAG CGACACCTCA TTGCAACCTA TTATGAGAGA GTAAAACACA 120
CACTCAGTGA CATTTCAGCC TGCTCTCAAG NCCCAATTTT TATTCCATCA TTAAAATAAT 180
CCAGTAAACT TNCAAATTTG GAAACCANAA ACTAAGGCAT ACCTGGCTTA GATTCTTTCA 240
GAATTTTCTG NTCTTTTGTA CGTAAATTNA AAAATAATTT GTGGCAGGGN TTAAA 295

配列番号：5206
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06215
配列：
GATCTTTAAA ATNAAGTGTA CGCTTATAAT ACAAGTAATG CTTGTGTATT TCTCACTTTA 60
GGAAATAAAA TATTTGCCAA TTTGAAA 87

配列番号：5207
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06216
配列：
GATCCTCCCA TCTCAGCCTC TCGAGTAGCT NGGACCACAG TTGTGTGCCA CCACACTTGG 60
GCTAACTTTT TAATTTNTTT GCGGAGACGG TATTGCTATG TTGCCAAGGN TGNTTACATG 120
CCAGTACAAT TTATAATANA CACTCATTTT NCCTNCCGTC TGAAA 165

配列番号：5208

配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06217
配列：
GATCTTCTTC AGAAGCTTCA AGTCTCANCT GCATTAAAGC TCTCCATTGA ACCCGNTCAC 60
AAAAGTACAA GCTTAAAGGG GCTAAAATCC ATTAATACAT NCCATNTTAT ANCCCN 116

配列番号：5209
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06218
配列：
GATCCCGTGN ACCGAGTACA CGACCCAGGT ATGTACCAAG TAGGCACCCT TGGGCGCACC 60
CACTGGGGCC AAGGGTCGGG GGAGTGTTGG GAGCCTCCTN CCCACCNNAC CTNCCTN 117

配列番号：5210
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06219
配列：
GATCAGCCAC TTGCTGACCC TGGTTCTTAA GGACACATGA CATTAGTCCA ATCTTTCAAA 60
ATCTTGTCTT AGGGCTTGTG AGGAATCAGA ACTAACCCAG GACTCAGTCC TGCTTCTTTT 120
GCCTCGAGTG ATTTTCCTCT GTNTTTCACT AAATAAGCAA ATGAAAACTC TCTCCATTAA 180
A 181

配列番号：5211
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06220
配列：
GATCANAACC AGTTTGTAGA TTTCTTTGTT CCTTCTCCAT TCCCACTGCT TCACTTGCCT 60
AGTCTTGAAG NAAAAAAACA AAAAACAAAA AAAACCTTGT TCCTTTATAG GTTCCTGGTA 120
GAATCAGTAG AGATGATTTC AGCTCATTGA CATTTTTTTA AGCTATATCC CCTTGTCATT 180
CCATTGAGAA AGCTGACAAC TGGGATAGGG AGGGGATTCG ATAATAGATG GGGTCAAATT 240
CTGTGTGAAT GTGAACTTGC CTAGTAAGCA CTTTGGTCTG TGGTTCACTN CTGCGGTTAG 300
NGGAAATCTA TCTCCCCTAT CTTNGGGTCC TTGAACTACA GCNN 344

配列番号：5212
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6221
配列：
GATCACATAA CTAGGAAGTG GCAGAACTGA TTCTCCAGCC CTGGTAGCAT TTGCTCAGAG 60
CCTACGCTTG GTCCAGAACA TCAAACTCCA AACCCTGGGG ACAAACGACA TGAAATAAAT 120
GTATTTTAAA ACATCTAAA 139

配列番号：5213
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6222
配列：
GATCGTAAAC CATTATCCTT TAAAGGTNTA TTTGAAGATG CTGTTAAAGT ACAGAATTTT 60
GTGTACAGGT AGATTTTNCC GTCCCTCATT AATAGTGCCT TCTTAATTAA TACAGACTGG 120
TGTTAGCTAT AACAAAACTC CAGTANNGGG GGGTGNATCC CAAGTNCTTT GTGGCNANN 179

配列番号：5214
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6224
配列：
GATCAAAATG TTCTGGAATT AGATGTGATG TTTGCACAAC TCTGTGAATG TACTAAGAAC 60
CACTGAATTG TATATTTTTA AAGCATGGTA TGTGAATAAT ACCTCAATAA AGCTGTTATA 120
AAAAATAAA 129

配列番号：5215
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6225
配列：
GATCTTCAAG CATAGNNTTG CATATTTTAA CATCTGAAAT CAGAAAGTGT CTTNNCTGGG 60
AGTNTGGTTT TAGAAACATG AAATAGTACT GTATGTTAAA ATCGATGGCA GTGTTGCCTC 120
GATGATATNT N 131

配列番号：5216
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6226
配列：
GATCTTTGAG CGGGACCTGA AGAAGAAGGG GCCCGAGCCG GTGCCACTGG AGTTTATCCC 60
AGCCCAGGGC CTGCTGGGAC GGCCGGGTGA ACTCTGTGCC CAGCACTTCA CGCTCAGCTG 120
ACCCTGGCCC ACCTGTNAAT AAATCTCAGC TGACCCCAGC CCACCTGTNA ATAAATNTTT 180

TTGCAGGAAA 190

配列番号：5217
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06227
配列：
GATCCCTGGT CTTCACACTG TAGCAGCCAA AAGGAACAAG CTGAAANTGG ATACCTAATG 60
TAAGTGGAGT CTTCTAAGTG TTTCCTGGAA GAAGTCGGGT CCCAGGCTCN AGTTGCTGGT 120
TCTNACATGC CACCATCCAC AGTCCTTCAG CAGATTNATT CAGTGGCTAA TGCTGATATC 180
ATAAATGCGG CAAAGAAGTT TNTTTCTGGC CAGANGTCAN TGGCAGCAAG TGGAAATTTG 240
GGNCATNCAC CTTTTTGTTG ATGAGTTGTA ATACTGNNGC GCNCATTACC AGGTGAGAGC 300
TGGANCGTNT TTTCAGNCCN TGN 323

配列番号：5218
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06228
配列：
GATCAAAGTT CAAATTAATT TTAACTTAGC TAATNAACTC ATCACCAGGA CAGTTGGAGG 60
GGGTAGGCCG AGGTTAAATG GTCCACGTTT CAAAAATGTT AATGGCTAAT CCATAATTAA 120
AGAAGGTTTA ACTGTTACTG AAGTTTACAA GTTTTATTGT CATGNACATG AANTACAAAC 180
ACGATGGCTT CGAAATGTCT TTCAATAANT GTTTCTGCAT TTAAA 225

配列番号：5219
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06229
配列：
GATCTCATTC TCACCTCAGA AACCATTTAC AACCCAGATT ATNATAGTAA TTTGCACCAG 60
ACTTTCCTTA GACTGTTAAG TAAAAATGGA CGTGTACTTT TGGCCAGCAA AGCACATTAT 120
TTTGGTGTAG GTGGAGGTGT TCATCTCTTT CAGAAGTTTG TAGAAGAAAG AGATGTTTTT 180
AAGACCAGAA TACTCAAAAT AATTGATGAA GGATTGNNGA GGTTCATAAT TGNAATAACT 240
TTTAAGTTTC CTGGNTTANT TAACATTCAC TTGNGTGTCC ANAATTGGNG ATAGACNGNN 300
AGGCACANGN TGTCNTN 317

配列番号：5220
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06230
配列：

GATCATATAC AGTTCCCTTT TTAAAAAGCA ATAAATNCTT GGAATTAGAA A 51

配列番号：5221
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6232
配列：
GATCAAGAAT GTTTCCCAAA GTTNTGAATA GAGTGTCACA ATGTATCCAA GANTTGTGAA 60
GCAATGATTC TTTACAATAC AATAAAGTTT AATTATTTAC AAA 103

配列番号：5222
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6233
配列：
GATCTCACAG ATGTNTGGAA TTTCAAAAAG CCAAACTCAC AGAAGCAGAG TAGGATGGTG 60
GTTGCCAGGG CCTGGGACGT GGGGGAAATA GGGAGATGTT TGGTGTCTGT TAGGAAGAAT 120
GAATAAGCTC TGGAGAGCTA ATGTACAGCA TAGTGACTNN NGNTAATAGA ACCGTATTAT 180
ATACTTGANA TTTGTGAAGA GAGTAGATGT TAANNNNN 218

配列番号：5223
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6234
配列：
GATCTGTCAC TTACTTCTGT GTGACCTTTG AAAGGCTACT TATTTCCTCT CTTAGCTTTC 60
TCATTAAAAT CAATGAACAA TGCCAAA 87

配列番号：5224
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6235
配列：
GATCTCAGGC TGAGCAAAAT NAAACCTTGA TGTTACGGGC TAAATCAAGA GCAGCTTAAT 60
CCTGTTTACA ATGTGAGCTT TTTGTGCGTC TGTGAAATGT TTTACAGTGT TTCTCATCAT 120
CTGTTTCCCA GCAAGGTCTT TNNTTTTNCN ACATTGAAGT NCTGNCTATG TATCTNAATC 180
ACAAATGGNT TCATTCACTN TN 202

配列番号：5225
配列の長さ：148
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06236
配列：
GATCACAAGC GTATCCATNG TGAGGTTCCG TGGATGGAAG CTNATGGATN TNCCTTCCTG 60
ATGTTCATCT GCCACCTTGC TATTNAATGC ATCCTGTTTA TAACTGTCTT CTAAATATTG 120
AATAGAAATA AAGCATTTGT ACAGTAAA 148

配列番号：5226
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06237
配列：
GATCGAAATT GCGGGCTATG GCGCCGAAGT TTTTCGTNAG TACTGGGATA TCCCCGATGG 60
CACCGATTGC NACCGCAAAG CCTACAGCAC CACCAGTATT GCCAGCGTCG CTGACTGACC 120
GCCGCTGCCT ACAGAGTCAC ACTCAATCCT CCGGGCACCT TCCTTGAAGG AGTGGCTAAG 180
GTTGGACAAT ACACGTTCAC TGCAGCTGCT GTCGGGGCCG TGTTTGGNCT NACCACCTGN 240
ATCAGCGTCC ATNTCCGTNA GAAGCCCGGA CGANCNCNTG AACTACTTNN CTCGGTGGCT 300
TTCGCCGGAG GCTTNACTTT TGGGGGNANG GACGTACAAT NTACGGGGTT TGGGGCCGCC 360
GNNTTTGGTN 370

配列番号：5227
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06238
配列：
GATCTGTGTG AAGAATGGTA ATNACGTAGT TGNAAAGGAA AATGTACTGT TGTGTGTTTC 60
ATTTGTGTGA TTTCGTACCA AAAAAATGTG TTTGAACTAT ATTGTATGTA ATTTGGAAGT 120
CGTGTTAATA AAACCCTGCA GTTTCCAAA 149

配列番号：5228
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06240
配列：
GATCAGGCTT TGAAGGCTGG ATTCTATCTA CATAAGTCCN TTCAATTCCA CCATGGGNCA 60
GAGCAGCTCC ACCACGTGTG CACTTAGCCA TNGNTGGCAA CAGAAACCAA GAGACACANN 120
TACGCAGGN 129

配列番号：5229
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6241
配列：
GATCATTTAG GAAAAATAAT TCTATTTTTA GCTTTTCATT TCTCAGCTGT CCTTNTTTCT 60
NNTTTGATTT TTGACAGCAA TGGAGAATGG GNTATATAAA GACTNCCN 108

配列番号：5230
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6243
配列：
GATCAAGAGT TGTCATGCTA GGGAGACTAT TCTGCCTAAA ATTCTGGGGN ACTATTTTGT 60
GTTTAAGNAT ACTATGTATA TTAAAAGGGT ACATATTTGA AA 102

配列番号：5231
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6244
配列：
GATCTTAAAA GTGTTATTTT TGCTTTTATT TTTTAAAAAA GGNNGAGGNT TATTGGCAAA 60

配列番号：5232
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6246
配列：
GATCTGCAGA TAGTTCTTTT TCAAAATATT GTTTAGACAA AATAAATTTC TTTAAATATA 60
ATATCTCTAC TTCAAA 76

配列番号：5233
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6247
配列：
GATCGNTCTG GTCGCAGCTT AGGAACAGCA GACGTGCACT TTGAGCGGAA GGCAGATGCC 60
CTGAAGGCCA TGAAGCAGTA CAACGGCGTC CCTNTGGATG GCCGCCCCAT GAACATTCAG 120
CTTGTCACGT CNNNGATTGA CGCACAGCGG AGGCCTGCAC AGAGCGTAAA CAGAGGTGGC 180
ATGACTAGAA ACCGTGGCGC TGGAGGTTTT GGTGGTGGTN NNGGCACCCG GAGAGGCACC 240
CGCGGAGGCG CCCGTGGAAG AGGCAGAGGT GCCGGCAGGA TTTCAAAGCA GCAGCTTTCG 300
GCAGAGGAGC TTTN 314

配列番号：5234

配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6248
配列：
GATCAATACC AAAAGACACT TGGAATCTTC TTTTAGACTT CAGTACGATG ATTGCAGATG 60
ACATGTCTAA TTATGATGAA GAAGGAGCAT GGCCTGTNCT TATTGATGAC TTTTTGGAAT 120
TTGCACGCCC TCAAATTGCT GGGNCAAAAA GTACAACAGT GTAGCACTAA AGGNNCCTTC 180
TAGAATGTAC ATAGTCTGTA CANTAAATAC ANCAGTAAAT TGCACAGTCA GNANNNNN 238

配列番号：5235
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6249
配列：
GATCTGCAAA CAATGAAGAA TTATGTAATA TATTGTACAA ATGTAAGCAA AGGCTCTGAA 60
ATAAAATGCC ATAGTTTGTG AAA 83

配列番号：5236
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6250
配列：
GATCTTAAAT ATCTTGCAGC CTTAAATCAC TACAAACATT TGCATTNTTA TTATGCCAGT 60
TATTTCCAAA ANGTATTGTN ATACATGTCA CTTATGTTTT TAAGCTANTA TTGACTGTAG 120
GATAATCTCC TTGTTCCCCT CAAAATAGTC ATGNAAGTGT ACATGAANNT NTTTTTAN 178

配列番号：5237
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6251
配列：
GATCTGAAGA GCTTTGCAGC TCTNTTAAAT AGGTTGCTGN ACATGTTCTA AGGTTTTGTA 60
GAACACGTGT GCCTGTTTAA GTGTATTGAT GTTAATANTA TTAAATATCC TAATGATNGA 120
ATGCATTGTA TGGNTNCTN 139

配列番号：5238
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6253
配列：

GATCTAAGCC ACAGNGGGGA CTGGAGCCTC GTTTTCCCCC TAGGCAGACC TAAATCAAGC 60
AGCTTACCAC AATAGTGCAT GCTGAGTAGA TTAGTTCCAA GGAAGGGAGA CTGGAATGCT 120
GGTGTCAAGG AAAAGCCTCC CTCATCATCT AGTCTAAGAC CATAACGGGC AGAAGCATAA 180
GAGGTTCCAG GGCCATAGGN GANTGAGAAG TAGGGCACAT ATAGGGAGGA AAGAAAAGTG 240
NAGNNGGGGG ANATCTCCGA NTTTTTTTAC TGCTTGGGAA AAGTGTACTA CATGANGGNT 300
GCTTNGGGCT TTGCTAACCT GCTCACCGCT AACCCTNCCA AGTNTTAACC ATCCCCAGNG 360
GTN 363

配列番号：5239
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06254
配列：
GATCTGAGGA ACAAAATGAT GTCATTTAAT CGGAATCTAA ATGTGACACA AACAACGTGC 60
CAGCAATACC TGCTTGTGAA ATAATGTTCT GAGCCCACAG TGTTCCTGGG TATGTGAGTT 120
TATATCAAGT GAAAAGGCTG CTTAATTGAC ATTAAAGTTT TGGAATGTAA A 171

配列番号：5240
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06255
配列：
GATCATAAGT ATAAATGTCC TCGTTTAATC TTTCCATATT GAGGACAGCC TCTGCATATA 60
AAAATGTTCA TTGGGAGAAA AATTATTTTT AAAACTAAAT TTTTATAGTA GTCCTCCATT 120
ACTGGCAATT AAGGAGCAAC CCACAAAATG TCATTATGTG GTTCTTTGAT TAGGCATAAA 180
ANGTATTGCA AACAGCTTTN CTATTCCTTT GGAATATGAN TCTTTTTAAT GTCTAANGTT 240
AACCTGCAAC ATATTCTAGT AGGACANGTC AATGTAAATN AGGTAATTNT NGCCTGTNTT 300
ATACCTNCTG TNGCCATTTG GTNCAAATGN NAACCATTTN TNAGNCCN 348

配列番号：5241
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06256
配列：
GATCAACAAG AGAAATAAAA AAGCCCAAGA GGAAGTGGTA GGGGAAGGAA TTTAAGAACA 60
GCAATAAGTA AAACTCTTAA GTAACTCCAA AAAGAAAATG GTACATTTTG CCAAAGACCA 120
CTTATACTTG AGAACATGGA AGAATTTGCC TGATACTNNN NGNNGGGGAA AAGAGTCTCT 180
CCTCTTTTCC TCAAACCCCA GTACACTCAG CCTCTNTGCC CCACCTTCTC CTGACTTTGT 240
CCTCACTTGC TTCTGCAGTA CATTGGAACC TGNNTTGAAA GAAAGTCTTC CTTGANTAAT 300
TGGAGTTTGT CTTTGNGNGG CAAATTTAGN CCCNNGGNTC ACAAGNTTTC GGGGGTN 357

配列番号：5242

配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06257
配列：
GATCGGGGAC ATCCTTAGGC TGGTGGCCGG CCGCATCAAG AACACCTTCT GATTGAGCGG 60
TTGCCATGGC CGGTCTCCGT GGGGCAGGGT TGGGCCGCAT GTGGAAGGGC TCTGAGCTGT 120
GTCCTCCTTC ATTAAAAGTT TTTATGTCTC GTGTCAGAAA 160

配列番号：5243
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06258
配列：
GATCAGACTA AAAACNATAA CACCATAGGT CAAAANAAGT TGTTCTGAGG TTTTTTTGAA 60
ACATTAAAGN TCCAAAACAT GACATTTTTA AGAATAAATT TGNAATAGAG TATAATTGNN 120
TN 122

配列番号：5244
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06259
配列：
GATCTCCCCT CTCACCCCTC CCACCCATTA ATCTCCTCCC AAAAAACAAG TAAAGTTATT 60
CTCAATCCAA A 71

配列番号：5245
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06260
配列：
GATCTGTTGT AATATATGGT GGATATTTTC CTTTAATTTC AAACATAACC TCTGAAATNT 60
GTATCTNTCC TNTTTNATCT TACCATTANT TTTAAATCTA GTGGATTGGT TTTN 114

配列番号：5246
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06261
配列：
GATCAGACCG CTCAAAGGTC CCCGTNTTCA CTGTTACCCA GAGGCTCTTG TNACTACCCA 60
CTTCATTCCC CACCGCTGCC AGTGCCACTG CCAACCCTGT TCACAGGCGN TTCCAGCCCA 120

CTCCAGCCAG GGGAGCAGGG AAGAAGAAGG GGCTCCCTCC TCTTCACATT CCCCCCGACC 180
CCAAAGCCAG AGAAAGCCAG ATGGCACCAG CTGCTCCGGA TGTGCCTGCC CACATTGGGG 240
GACAGGGCCG GGCCTGGGCT CGGTTCCNAG GTTTGAGCTC TGCAGNCTGT GTCCTGGNGT 300
GAGGGGGCTG AAGTNAGNCC AAAGGAAGAA CTNAGTN 337

配列番号：5247
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06262
配列：
GATCACCTNA TTTTTTNAAC AAAATATTTN TAACAGGAAT GGGTGGGAGT NCTGGTGAAA 60
AGAGGTGAAA TGTGGTTGTA TGAGCCAATC ATATTTGTAA TTNTTTAAAA AAAGTTTAAA 120
AGGAAATATC TGTCCTGAAA CCCCACTTAA GCATTGTNTT NNTATAAN 168

配列番号：5248
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06264
配列：
GATCAACAAA GAGGACTTTG TGGCACTGGA GAGGCTTACC CAGGGGATGG ACATTCAGTG 60
GATGCATGTT NCTGGTCATT CGGGATTTAT AGGCAATGAA GAAGCTGACA GATTAGCCAG 120
AGAAGGAGCT AAACAATCGG AAGACTGAGC CATGTGACTT TAGTCCTTNG GAGAACTTNA 180
GCCAGCGGCT GTCTTGCTGC CTGTACTTAC TTGTGTGGAA AATAGCCTGC AGGTAGGACC 240
ATTGCAGTGA TGGGCAGATT GGGTCTTTCA CACGGNGTCA GGCACAGTGG CCTTCTGTNG 300
NCATGGTNGT TTTATANANA AATNGGTTAA GGTATATAAA TAAAGTNTGG NCCANCTTTT 360
GNNAAGGNAN GANATGGN 378

配列番号：5249
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06267
配列：
GATCANCTAC AGGAAAAGTA AATGTGAACG CAAGCAGAAT GAAACACAGT AAAAGCCGGT 60
CTAGCCTGCC TGGCCACACT CTCAGCGCCT TGTGAGGATG GGNCANTANA TAAANTCATC 120
TTTAGTAGAA A 131

配列番号：5250
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06268
配列：

GATCATCACT AGCAGATGTC AGTTGCACAT TGAGTCCTTT ATGAAATTCA TAAATAAAGA 60
ATTGTTCTTT CTTTGTGGTT TTAATAAGAG TTCAAGAATT GTTCAGAGTC TTGTAAATGT 120
TATTTTAATA ATCCCTTTAA ATNTNATCTG TTGCTGTTAC CTCTTGAAAT ATGATTTATT 180
TAGATTGCTA ATCCCACTCA TTCAGGAAAT GCCAGGNAGG TATTCCTTGG GGAAATGGTG 240
CCTCTTACAG TGTAAATNTT NCCTCCTGNA CCTTTGCTAA TATCATGGCA GANTTNNCCT 300
NATCCCTTTG TGAGGCAGTT TN 322

配列番号：5251
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06269
配列：
GATCAAAAAT AAGATTACAG TTAAAATATT NCTATATTCA GATGGTTTAG AGACCAGGCT 60
GTAGAATCAG ACAGCCCTGA AATTGTATCA CACANGGCTG TGTTACCCTG TACAAATAAC 120
TTAGCCTTAC TAAGCCTGTA TTTCCTCATC TGCAAANTAG GGNTGNTAAT ATACCTGTNG 180
NTAAANATGT TTTCATTAAA AANCGTTGGC GCAAA 215

配列番号：5252
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06270
配列：
GATCTAAAGT GCAGCAGAGT GGCTGNTGCT GCAAGTNATG TCTAAGGCTA GGAACTATCA 60
GGTGTCTATA ATTGTAGCAC ATGGAGAAAG CAANTGTAAA ACTGGATAAG AAAATTATTT 120
TGGCAGTTCA GCCCNTTCCC TTTTTCCCAC TAANTTTTTN CTTAAATTAC CCATGTAACC 180
ATTTNANCTC TCCAGTGCAC TTTGCCATTA ANGTCTCTGC ACATTGAAA 229

配列番号：5253
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06271
配列：
GATCGTGAAA GAGGCTTACC CAGACCACAC ACANGTTTGA GAAAAACAAT CCCCATTATN 60
ACCCATCTAG CAAAGAGGAC AACCCTAAGT GGTCCATGNG TGGATGTACA GTTTGTNCGG 120
ATGATGAAGC GTTTCATTCC CCTGGCTGAG CTCAAATCCT GTCATCAAGG CNCACAANGC 180
TACTGNTGGC CCCTNAAAAA ATATTGTTNT NTGTCACTN 219

配列番号：5254
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06272

配列：
GATCACGCTG AAAGAATACC TTGCAGACAC TTAATCTCTG CGGCAAATGC ATGAAAGTAG 60
AAGGATGAAG CCAACTTTCC AAAAACTTTT ATGAAATTAC TTCAGTGNGA AAACCTATTA 120
AATNAANTNC AGCCNTTCTN TAAA 144

配列番号：5255
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06273
配列：
GATCCCGGGG ACATGATGCG GGAAATCCGC AAAGTNTTGG ACGCCAATAA CTGCGACTAT 60
GAGCAGAGNG AGCGCTTCTN GCTCTNCTGC GTCCACGGAG ATGGGCACGC GGAGAACCTC 120
GTGCAGTGGG AAATGGGAAG TNTGCAAGCT GCCAAGACTN TCTCTNNACG GGGGTCCGGG 180
TNTN 184

配列番号：5256
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06274
配列：
GATCAATGTG GGCACCTAAA AGGGTATGTT AAAATCACCA TTTCTCAGGT CAAAATACTG 60
TGAATAAGTC TTCAATAGAA TCACTANTGG TTNNAAA 97

配列番号：5257
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06275
配列：
GATCATATCT ACATGTATGA ACTTAACATG GAAAATGTTA AGGAAGCAAA TGGTTGTAAC 60
TTTGTAAGTA CTTATAACAT GGTGTATCTN TNTNCTTATG AATATNCTGT ATTATAACCA 120
TTGTTTCTGT AGTTTAATTA AAACATTTNC TTGGTGTTAG CTTTTCTCAG AAA 173

配列番号：5258
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06277
配列：
GATCTTTCTG GGAGCTGCGC CGGACAGAGT GGGGAGCTCC TAGTTTNTGG GGGGAAGCTT 60
TGATATCCAT GCCACGTCCA TCCACCCCAC CCCTNTTCGT CACGAGCACA ATGGTCTTAC 120
ATTNGATNTN TGTAAAAAAA TANAAATAAA TGGAGACTTT AACTCAAGCA ANNAAN 176

配列番号：5259
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06278
配列：
GATCATTTGA ACCTAGGAGT TAGAGGCTGC AGTGAGCTAG AATTGCACCA CTGNATTGCA 60
CCTTGGACAA CAGAGTAAGA CTCCGTCACC AAA 93

配列番号：5260
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06279
配列：
GATCAGGAGG CCACCCCCTT CTGTGGCACT TCTGAGATGA CAACTTGTTT CACAGTTGGA 60
TGGGGGTGGG GAAGGAAAGA GCGGCCCCAT TATTCCAGAA CATTTTATCC ACACAGGCTC 120
AGACACCCTG TGATGAAGAG TCCAAGAACA GCCTGAGATA AGGATGTCAT TNTTNTTTCA 180
CAGGNCCCAC GATGGGTTTA TNTTTTGGGA CCAAGACATT GGGTCCCTAC ATGTTTTCCC 240
CTACCCTTCT NNGGGAATAA AATATCAAAC ANCCCNCANA GNTGTNNTAT TNNTGN 296

配列番号：5261
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06280
配列：
GATCTATTGA CTTGTAGAGG TTTGGGACAA ACAGGAATAT AAAGATTATG GAATTGGGAA 60
A 61

配列番号：5262
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06281
配列：
GATCACTGCA AAACTCAAGG AGGCCCGGGG CAGAGGAAAA AAATTTACCA CCGATGATTC 60
CATTTGTGTG CTGGGAATAA GCAAAAGAAA CGTTATTTTT NAACCTGTGG CAGAGCTGAA 120
GAAGCAAACG GATTTTAAGC ACAGGATTCC CAAAGANCAG TGGTGGCTCA AGCTACGGCC 180
CCTCATGAAA ATCCTGGCCA AGTACAAGGC CAGCTATGAC GTGTCGGACT CAGGCCAGCT 240
GGAANCATGT GCAGNNCTGG NGTGTCTGAC CCAGTCCCGN CTGCATGTGC CTGCAGCCAC 300
CGTGGNCTGT CTCTTTTTTG TNACACTTAA GTTNTTTTN 339

配列番号：5263
配列の長さ：258

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06282
配列：
GATCTTATCT ACTTTCTCAT CTCCATATTT TGTTAAAGAT AATATTGCCA GATGTAAAGA 60
AAATGGTTTA TTCTACCTAA AGAGTGGATA AGGAGAGAAN ATTATGATGA AATAAAAATT 120
ATAAGCAAAG TTTATTTAAN CTAAATTTAA ATGTGAAACA TCACCTTTTT CCTANTCAGA 180
TTTGATATTG CTACGGATAT ATNTTGNTGA TATNGTCACT ATATANNCAT ANGGGGANTT 240
TNACTNTCTA TTACCCTN 258

配列番号：5264
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06283
配列：
GATCTCTCTC CTCTCTGACC TGGATACGCT TTGGTTTCTC AACTTCTCTA CCCCAAAGAA 60
AAGATTATTC AATAAAGTTT CCTGCCTTTC TGCAAACATA AA 102

配列番号：5265
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06284
配列：
GATCTAGATT TGAAAGTAAA TNTTATGAAG ACATTGCCCA TTTTTACTTC CTCATTCATT 60
ATTGTACCAG CATCATAGCT TTATTACTCT AATCCCAGGT AAGTCAAGCC TACACTGCCC 120
TAGNGGNNGC GTAAACCCAG AANTTCATGC TGGCTTAANT AATCTATTTT TGTTTCTNAT 180
CNTTTGAATN TTTAAN 196

配列番号：5266
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06286
配列：
GATCAGCCTG GGCAACATGG TGAGACCCTG TCTCTACAGA AAAGACCTGA AAATTTTAAA 60
AAAAAGTATA AAGCCAAGCT GTTACCCAGC CACCTTGCTC ACATATTCTC AGGACCTGCT 120
GAGGTGGTTT CACAGGTCAT AGTCCTCACA TTTGCTCAGA ATAAATATCT TCAAATATTT 180
AAANNNNGGN NANAATNTNT GNN 203

配列番号：5267
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGSO6288
配列：
GATCTGGACT ATCCACGTGC TTTGAAACTT TTCCCCTCAC CCTCCAGCCC TGGAGGCTTT 60
TGCTGGGATG AATGTTTTTA TAGGGTTTTT GTTGTAACAT AAGCTATTTT CTAATATGCT 120
GCCAGGTACC CTTAAA 136

配列番号：5268
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6289
配列：
GATCTNGGAC TACNACTGGA CTACTAGCCT CCAGAACTAT NAAATAATAC ATTTCTAATG 60
TCTAAGCCAA A 71

配列番号：5269
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6290
配列：
GATCGGTTTT TGTGGGGAAT CTCCCTTATA AAGTTGAAGA ATCTGCCATT GAGAAGCACT 60
TTCTGGACTG TGGAAGTATC ATGGCCGTGA GGATTGTNAG AGACAAAATG ACAGGCATCG 120
GCAAAGGGTT TGGCTATGTG CTCTTTGAGA ATACAGATTC TGTTCATCTT GCTCTGAAAT 180
TAAATAATTC TGAACTCATG GGGAGAAAAC TCAGAGTCAT GCGTTCTGTT AATAAAGAAA 240
AATTTAANCA ACAAAATTCA AATCCACGAT TGANGAATGT CAGTAAACCT AAGCAGGGAC 300
TTAATTTTAC TTCCAAAACT GCAGAAGGNC ATCCTAAAAG CTTGN 345

配列番号：5270
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6291
配列：
GATCTCTGCT GTGCAGGTGC TAAGATTAAA CACTAAAAAG AAAGAGAGAT ATATGTAATG 60
TACAACTGAC ACTGCCATTT TNCCTTTTTG GAGGAAATGG ACATAGATAA AGAAGATATT 120
TCTNCGGTTA AA 132

配列番号：5271
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6292
配列：
GATCTTCTGC CAAGTAATTT TNTTGCACAA TTTTCCTGTN CCAAANTTTA CTCAGTTAAA 60

AGTAAAANAA TNCTTTACAC GTTTTAGGTT TTAGGACATT AAAAGTATGT N 111

配列番号：5272
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06293
配列：
GATCATCTTA CGATATCAAG CTGAAAATTT CACCACTACC TGGACAGTTN CACATGTTTT 60
ACTGGGAATA TTTTTTCTTT NTTTNNTGTA TGCTCTGTGC TAGTAGGNTT GATTCAN 117

配列番号：5273
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06294
配列：
GATCATATTC ATTATGAAAG GTCAAGCAAA GACAGCAGAN TACCAATCAC TTCATCATTT 60
AGGAAGTATG GGAACTAAGT TANGGAAATC CAGAAAGANG CCAAGATATA TCCTTATTTC 120
CATTTCCAAA CAACTACTAT GATAAATGTG ANGAGGATTC TNTTTTNTTG TGACCTATAA 180
TANTTNTACA NGCTTTCATG CATTTACTTG GTCCTAAGCA AATTTANNGC AN 232

配列番号：5274
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06295
配列：
GATCAAGTAT AATGTTAGCT GCAGGTTTTT AATAAATACC TTAATTCAGT TTGAAA 56

配列番号：5275
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06296
配列：
GATCCTGAAC ATGTGCTGAT TTNAATTGTG CTATATAGTA TATAAANTAA AATANTTTTG 60
GTATTTCTGC AACGTGACCT GATAATNAAT CTATTCATCC TGAGNAAGCT ATACTTCTGT 120
CCNTN 125

配列番号：5276
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06297

配列：
GATCATTGGT TCCANNCACA GGTNTAGTAA TNNTGGGTAC TTTAAGGTTT GGAGCACTTA 60
CAAGGCTGTG GTAGAATCAT ACCCCATGGA TACCACATAT TAAACCATGT ATATCTGTGG 120
AATACTCAAT GTGTACACCT TTNACTACAG CTGCAGAAGT GTTCCGGNTA GACAAAGTTG 180
TGACCCGGGG NNCTCTGN 198

配列番号：5277
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06299
配列：
GATCTCAAGT TGTATAAAAC CAATAAATTT GTGTTACTGC AGTAGTAATC TTATGCACAC 60
GGTGATTTCA TGTTATATAT GCAAAGNAGG CAACTGTTTT CTTAGTTACA GAAGTTTCAN 120
GCTTCACTTT TGTGCAGTAG AAACAAAAGT AGGCTACAGT CTGTGCCATG TTGATGTACA 180
GTTTCTGAAA TTGTTTTACA AGACTTTGAT AATAAAACCC TTAANCTTAA A 231

配列番号：5278
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06300
配列：
GATCAAGNGC CATAGCCTTT ATTCAGGGGG CCTATAAACC CTTCCAGTTC TTGCCCCAGG 60
GCTGGCCTGC TAGCGCTTCA AATTCCCAGG TGTCCCTAAT TTNAGAAGTA ACCTTTTGGA 120
ATAGCATTAG ACCCTGGCTG TCCCCTCCCC ACCAAATAAA CATGATATTT CATTCTNAAA 180

配列番号：5279
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06301
配列：
GATCAAGNNT ANTGCAGCCN TTCTTTTCCT ATTTCTTTTT TTNAAGGGTT AGTATTAACA 60
AATGGCAATA AGTAGAAAAG TTAACATGAA GATTTTAGAA GGAGAGAACT TACAGGACAC 120
AGATTTGTNA TTCTTTGACT GTNACACTAT TGGATGTN 158

配列番号：5280
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06302
配列：
GATCGAACAT NACGTGGTGA TGAAAGCCAN CAGCAGCCTA CCCAAGAAGC TGGCACTGCT 60
GAAGGCCCCA GCCAAGAAGA AAGGGGCAGC TGCCGCCACC TCCTCCAAGA CACCTTCCTG 120

AGGACGCTGG CCCCAGTGCA GGCCAACATC NCACCCCCTA CCTCCATATG GGACCTTGCA 180
GGTAATCCCA CAGGCTGCAC TGTCAGGGGG GGGACCCTGT CCCCCAGCAC TGGGCTTCAC 240
CTAGAACTTC AGTGGGGGCC AAGGGTGCTG AGAACCCAGC AATGNCCAGG ANGATACAGT 300
CACTAAACTT CATCTGTCCC CGTGCCCCTT CCCAGGTCCT GNTTCACAGG TTTAACCCAG 360
NACANTAAAN CCTNN 375

配列番号：5281
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06303
配列：
GATCAGGATG AGATTTAATG CCCATATCTT ACCAGTTCAG TAATCTCCAG AGCCATTTCA 60
CCCTTTAGAG TGAGTCACAT GCAGGGAGTG TGAATGTCAG AGGTGGTTTA TTATCCAGTC 120
TGCCTTACCC TTAATCTGTT CACAGATATT TATTTACTAA TGCTTTTTTT TTCTTAAGAG 180
TTATGGGATA GGAAAATGAA GTGTTTGCTC TTCATTTACT AAATGATTGT AAACTTGAGT 240
TTTTCATCAA AATAAAATTC CATTGTTTTA AA 272

配列番号：5282
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06304
配列：
GATCCAAGGC CACAAGTAAG GCTATGGCTC TAATTCTAGA AGACAACCTT CCAAGATGCC 60
TGGCAAAACC ACCTCCCTGT GCCACACAGA CACACTAGGC CTGTGTATTT ATTTCCCCTT 120
CAAAGCAGAC TGAGGAGGGA GGAGACGAGG TTCTCTTGGC ATCACTTTCT CCCTGGCTGC 180
AGAACTAGAC ACCCTTGAAG ATTTGGCCTG GGCCAGTNAG ACTGAAATCA AGAAAAACAG 240
AAGGGATGTG CAGGGTGGGG GGGTNCACTT CCTGCTCCCA TGTCAACCCC CAGGGCCTCC 300
AGCGTGCAGA CGCGTGTCCT ANTTNATCTG CTCCCACGGA TGANCCTGGT CTTCAATGGG 360
TTAGCAGNNG NGAGATNTN 379

配列番号：5283
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06305
配列：
GATCCTCTGA AAAGGCCCAG AAAAATAGCT CAGTTCAAAT ACAATGTTCT AGGACAATTG 60
GAATATAAAT ATTGTCCAAA AATATAATTA AAAGAAAAAA GTTTAGCACT GTGTAAAGTA 120
AGTGTTAACT GAGGAAGTCC CAAAAAGGTG CTGTCACTTT AAGTTCTGGA CTTGGGGTTC 180
TTTGTATTTG TAAACAGCAA NGCATTTGTG TTTGTTTGTC TATTTGTAAA GCANCCACCT 240
TCCTTATTGG NAGGNGANAA NNNGGGGTNC ATNCATGTNA NTACTTGCTG CAGCATTTNA 300
TATGTTTNAT TTTGTGTTAN GCTTTTTGTT GCATCGTGNN CACATTTATT GTTACCAATG 360
GACATGGGTT CTTTGTN 377

配列番号：5284
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06306
配列：
GATCGTAGTG TNTTTAAATA AACACAGTCC AGACTCAAAC GGAGGAAGCC CACATATTCT 60
ATTATAGATA TATAANTANT CACACACACA CTTGCTGTCA ATNTTTTGAG TCAGTGCATT 120
TCAAGGAACA GCCACANAAT ACACACCCNN N 151

配列番号：5285
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06307
配列：
GATCAACTGA GGAAACTCCA GGCCATGGTG ATTGANATAT CAAACAAAAC CAGCAGCAGC 60
AGCACCTGCA TCTTGGTCCT ACTAGTCTCC TTCTGCCTCC TCCTTGTACC TGCTATGTAC 120
TCCTCTGACA CAAGGGGGAG CCTGCCAGCT GAGCATGGNG TGTTGTCCCG CCAGCTTCGT 180
GCCCTCCCCA GTGAGGACCC TTACCAGCTG GAGCTGCCTG CCCTGCAGTC AGAAGTGCCG 240
AAAGACAGCA CACACCAGTG GTTGGACGGC TCAGACTGTG TACTCCAGGN CCCTGGCAAC 300
ANTTCCTGCC TGCTGCATNA CNGAN 325

配列番号：5286
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06308
配列：
GATCTGCCTC CTGGGAAGGG AAGGGGCCAA TGTCAGCCTC CAGGTGATTT CTTTAATCTG 60
ACATTACAAA GAGACCAACA GACTGCCAAT TCTACCACAT TCCCCTGGTG GGTACTCGAC 120
TATGTAGTTT TNTCTATGCT TCTGGTCAAC TCTGACACAT CTTGGAATTC TTGTAATAAG 180
AAAAGAAATT TTTATACTTT TAAA 204

配列番号：5287
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06309
配列：
GATCCTCAAA CAGTCGGACC AGATGACAGC CAAACTCTGC TAACCCGGGA CTCCTTGCCA 60
TGGACTTTTC CTGTTGTTGT ACACACACAA CAGAACAAAA TGANGCAAAA CAAAACAAAA 120
AAACCCACAA AANTTTGTAA AATGTAATTA ATATTCAANG AAAAGGNGGA AANTCTTCAT 180
TTGTTGGAAA TGAAANCGTT CTAGCAACTG TAANNNANN 219

配列番号：5288
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06310
配列：
GATCTTAAAA TTCATCTAGA TTTCAAGCAT TCAGCTGACT TGCCTCATAA ATGTAGTGAC 60
TGCTTGATGA GGTTTGGAAA TGAAAGGGAA TTAATAAGTC ACCTTCCAGT CCATGAGACA 120
ACTNGATTAT TCTCTNTAAC TTACAGAATG TTAGTNTAAA ATAATAAATN CATCCTTNTT 180
TTGGAGATGA TTAAATGGAT GATTGTAAAC ACAACTTATG AAATCTGCCT NTAACAAGTA 240
NCTTTNTTAA ATNNTANNN 259

配列番号：5289
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06311
配列：
GATCTTATTG GCTGATGGTG TTGTTGAATT CTATATCCTG TTGATTTGCT GTCTAGTTGT 60
TCTATCAATT ATTAAAAGAG GAATGTTAAT GTTTCCAAA 99

配列番号：5290
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06313
配列：
GATCAAATAC TTTAAAGGAA AAAATGTTGG ATTTATAAAT NCTATTTTTT ATTTTACTTT 60
TATAATAAAA GGAAAAGCAA A 81

配列番号：5291
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06314
配列：
GATCTGAAGG CCGTTCCAAG CGAGGGTGCT TCTGAGGACA CTGAGAAGAG TTTTGCCATT 60
CTGAAGAGGC GAGCCTGTGG AACTNTTTAA GGTCCTGTTC CCAGAAGAAT AAAAGTTTCT 120
CATTATGGCA AA 132

配列番号：5292
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06315
配列：
GATCACTCTC CCTGACATCC ACCTGTATGA CTTTGTCACC AAATGCTGTC TTCTCTTTCT 60
CCAATCAAGA AATAATAATC CCTCGAGTTT ACAAAACACA AA 102

配列番号：5293
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06316
配列：
GATCTCANCT TCATGCCAGG CCTTGGGTTT GACAAACATG GCAACCGACT GGGGAGGGGC 60
AAGGNCTACT ATNATGCCTA TCTGAAGCNC TGTTTGCAGC ATCAGGAAGT GAAGCCCTAC 120
ACCCTGGCGT TGGCTTTCAA AGANCAGNTT TNCCTCCAGG TCCCAGTGAA TGAAAACGAC 180
ATTGAAGNTA GATGNN 196

配列番号：5294
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06317
配列：
GATCAAGAAG TTTGTGTACA CATAATCTCA TTTTNAGATA TATAACTATT TTTNTCTTTC 60
AGAAGTGAAT CAAAATATTT CAAAATGCTG TCTTATGAAA CTACAATATT CTCACAGATT 120
AGAAAAGTTT TNCTGTAAAA GTCAGATAGT AAATATTTNA GGTTTTGCAG TGTCTNTTGC 180
ANCTNCTCAA CTTTCCTACT GTNGCACANG NGTAGCTGTG GTACTGTGCA AATNAAN 237

配列番号：5295
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06318
配列：
GATCACTACC TTTTTTTCTC TNATCTGCTG CCATNTGAGA TGTGGCTTTC ACCTTCCGCC 60
ATGATTGTAA GGCCTTCCCA GCCCCGTGGN CCTGTAAGTC CANTAAACCT CTTTTGTAAA 120
TTAAA 125

配列番号：5296
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06319
配列：
GATCTTACAG ACTGTATCAG TCTAATTTTT AAATTTTAAG TTATTTTGTA CAGCTTTGTA 60
AATTCTTAAC ATTTTTATAT TGCCATGTTT ATTTTGTTTG GGTAATTTGG TTCATTAAGT 120

ACATAGCTAA GGTAATGAAC ATCTTTTTCA GTAATTGTAA AGTGATTTAT TCAGANTAAA 180
TTTTTTGTGC TTATGAAA 198

配列番号：5297
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06320
配列：
GATCTAATTT CCCTNTTCAC ACAAACTTTA CACTTTAATC TGATGATTGG ATATTTAATT 60
NNAGTGAACA TCATCTTGTT AGCTAACTTT AAAAANTGGA TGTAGAATGA TTAANGGTTG 120
GTATGATNN 129

配列番号：5298
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06321
配列：
GATCTGTGCC ACTTGTGTCA GAGAAGAAGA AACACGTAGN GCAAGTTGTA AAATAATTGG 60
TATTCCTAAC AATCCTGATG TATAATTNTT TGTTACTTTT GNTTTGAGAA CTCTACANAT 120
AAAAGTGCTG GGACTAGATT AAA 143

配列番号：5299
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06322
配列：
GATCTCTTCG ACTCCTACGA CCTTGGGGAC CTGTTGATTA ATTGAGTGGC CCTGCCTGCC 60
CCCAGCAGCC TGCCCCCGAC TCTACCTCCT CACAGACAGG CTGACAGCCC CTCTGCCTGC 120
ACAGGGACAT TGGACACTAG GTGCTGCCCT CAGGGCATGG GGTCTCCTCG CCTTTCCTGC 180
CCCAGCCGGC AGAAGCTGTG TGGGGNGNNA TGAATGGTAC GGGTGAGGAG TGGATAAGGG 240
GTGGTCCTCA CCTTNCTAAT GGAAGCTGGG CCTAGGGAGG CCCATNCAGT CTTCTGACTT 300
CTNGACCTCT NACAAGAAGG NTGCAGGTGA GGTN 334

配列番号：5300
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06323
配列：
GATCTGGAGC CAGCTGGCTT TGCTCCGTTC CCTGGCTAGT CTGTGCCTGG TCACCAGGGA 60
GGCTGAGTGA GGGGCTGTGA ACAGTTGCCG GAAGCACCCC CTCCCTCCCC GGCCCGTGCA 120
GCAGTGTCTG AGCTGTAGTG AAAGTTTCAG GGCCTGCAAA AGAAGAGGCT TGGGCACAGG 180

ACTGACCATN GCTCCAGGGG TTTAGGACCC CCAGGNCNGT GAAGGTGGGA GCAGCTCACC 240
ACCTTTNACG CAGGCTTTGG TATGTTCTCT NAGGCTTAGT TGATTTTGGG CCCNAAANCA 300
AATNCAAAAG GTTTCTGGGC CAACCTTTTG TTAANTN 337

配列番号：5301
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06324
配列：
GATCACAGCT CCAGGACCAG TGCAGGCTGG CTGCCCTCTT TTGGCCGCGT CTGGAATAAT 60
GGACGCCGCT GGCAGTCCAG ACATCAATTC AAAACTGAAG CTGCAGCAAT GAAGAAGCAG 120
TCACATACAG AAAAAAGCTA ATCATGCTCT CTACCAACTA CCATGAGGCT AGNAAGCAAA 180
GTCAACAAAC CCCTATTATA CCTTCCACCA AATTCTTTAT CATTGTCTTT CTTAGGAAAC 240
AGNCATACTC ATTCATTTGA TTTANTAAGG TTTTATTTTT CCAANGTNTG NTGTGGNTGN 300
TTNGGNNNNN TTGTGGTGGT TGNGNN 326

配列番号：5302
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06325
配列：
GATCTTTNAT TTACCTGTAC AGGAGTGTAA ACTTTTTNGT GNTTTTATTT TTCAATTGTG 60
AGAACCACTG ATTGGTATGT TCAACAAATT TGTGTATACA AAGAAATGGA TAAATCACTG 120
CTATATANGG GAAACTACCT TAGGAAAGAN TGTTTACTGA ATGTTTATNN NATN 174

配列番号：5303
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06326
配列：
GATCAGTGAT ATTTGATGTT AGTGTTGTAC TATAGGGTGC CAATAACTCT GCCTATACAA 60
GATGGTGTAC TTAATCAATA AACGTGTATT CTGACTGCCT TAAA 104

配列番号：5304
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06327
配列：
GATCCTTCCG TCTCAGCTCC CCAACCCCAG TAGCTGGGAC TACAGTTGCA CATCATCATG 60
CCTGGCTAAT TTTTTNATTT TTGTAGAGGT AGGTTTCACT ATGTTGCCCT GGCTGGTCTT 120
GAACTCCTGG GCTCAAGTGA TTCACCTGCC TCGGNCTCTC AAAGNGCTGG TGTTTACNGG 180

CATGAGCCAC TGTGTCCGAC CCANACCTAC TANTGTTAAT NGANNTTTTN TTAACTNN 238

配列番号：5305
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06329
配列：
GATCAACAGA GTGAGACCCC TGTCTATATA TTNNTTAAAT TTAAAAAATA AAAGANTAAA 60
ATTGTGTAGC TCAGTATAGT ATCAAGATTA ATCTGCCTAC TCACATTTCT ACACTTTATA 120
NNANTGTAAT AN 132

配列番号：5306
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06330
配列：
GATCCAGCCA TNACTAACCT ATNCCNNTTT TGGGGAAATC TGAGCCTAGC TCAGAAAAAC 60
ATAAAGCACC TTGAAAAAGA CTTGGCAGCT TCCNGATAAA GCGTGCTGTG CTGTGCAGTA 120
GGANCACATC CTATTTATTG TGATGTTGTG GTTTTATTAT CTTAAACTCT GNTCCATACA 180
CTTGTATAAA TACATGGATA TTTTTATGTA CAGAGGTATG TCTCTTAACC AGTTCACTTA 240
TTGTNCTCTG GCAATTTAAA NGANNGTCAG TAAATTNTTT TNCTTGTNAA AGN 293

配列番号：5307
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06331
配列：
GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGC CTTGAGGATA 60
ACCTNCACTG TAATAGCCTA AACACANCTC TAATTTACTT ACAGCCTTAT GTTTTTGTAT 120
TGNCTTGGTA GACTAGGTAA TTTTTTTTTA AAGGNCAGGN GACGGNTATT TTAAAGNCCA 180
ATTTGTTCTA CGTAGCATNT TAACTAGTTT TNNTGCCAGC NATGTTGN 228

配列番号：5308
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06332
配列：
GATCCCTGAA GTTGCCCTGG TCTCTGCACC TTCTAAACCT AGTTCTTAAG AGCTTTCCAT 60
TACATGAGCT GTCTCAAAGC CCTCCAATAA ATTCTCAGTG TAAGCTTCTG AAA 113

配列番号：5309

配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06333
配列：
GATCTGTCAC TGTCTCCCGT CACCCNCAGA TGGGGCTGTC TAGTTGCAGG AAAACAAGCT 60
CAGGGCTCCC ACTGAGTCTC TGTGATNGTG AGTTGTAGAA TTATTTAANN ATATGTTACA 120
ATGTAATANT AGTAGAANTA AAGTGCACAN TAAN 154

配列番号：5310
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06334
配列：
GATCTCTTTC CCTGTCTTGG AGGTGAAAAG TNATATCTAA GGNTNTGTTT GCAGTGACCC 60
CTAGTTTGGG GTACACAGAC CAGTGTTCCT NATTGACAGT GTTCAATAAG GCCCCGTCAT 120
TCTCGCCAGT NTNTTGTTGT NCTTAATGGG CTCCTCCTTG AANTGTGTGT GTGTTTGTGT 180
CAAGAGGAGT TNGTGTTCTT GGTAAATAAA GNTN 214

配列番号：5311
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06335
配列：
GATCTCTNCG ANTNAAATTC AATCTAGGGA AAAATGGCAG AGAAGTAAAT GGATGTNCTG 60
GTGTCAATAG ATATGAAAGT GTTGGTTGGC GACTTGCAAA TCAACAAAGT TTAAAAAATC 120
GAATNNN 127

配列番号：5312
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06337
配列：
GATCGAGAAT NACNATNTTT TGTAAATGGA AATACCACTA CTAAAGACAG AATGCTATAA 60
ATAGAAA 67

配列番号：5313
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06338
配列：

GATCTTCTGT ACTTCTGTCT TCCATAGGAC AAATNATAAG TACTACATAC CTCATCTCTT 60
GGGTTATNAT TGTAGTCTTG CATTCATGAT TATNAATTTA AAAATAAATA CCAATTATGG 120
AAATTGTAAA 130

配列番号：5314
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06339
配列：
GATCTACATN AGGAAAAGTA TAAGCCCCCT CCCTAATGGC CGCTGGGNGG TGAGGGCGGT 60
GTGTTGTATG TCTTTGGGTG TTTGTTNNTT NATAAAGCAT ATAATN 106

配列番号：5315
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06341
配列：
GATCTNAAAA AGAGAGAAGA AAATAAAAAG TATTATTTAT ATGTCAGTGC CAACTTTGAA 60
GGTAAAACAG TAGTAGTAAC TTTTGGGAGA AATTCTAAAA ACTACTTTAA AAAGAAGCGT 120
GCACATAAAA TAANTATCTT TCTATCCAAG GCTTGTCATT TNATATGCTT TNNTTGTAAA 180
TTTAANATNN NGCTN 195

配列番号：5316
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06343
配列：
GATCTAATTA CTTATAGATT CTGTAGTCTN GNGAAGGNGT GGGTGACGTG ATGAGAGGTT 60
TGAGAAATGG GTGAAATGAA ATGGGGGGAT ATGTAGGTCA AATCANATNA AAGATGATTT 120
TTTTNATGTG AATAAN 136

配列番号：5317
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06344
配列：
GATCAGCTTA AGGNTTTAGC GCTGGTGGAT AGACACTCGA GACCAGAAAT CATATTTTTN 60
CTGAAAGTAG ATGATTTACC TGAGGATAAT CAGGAACGTT TTAATAGCCT TTNCTCTCTA 120
AGGGAGAAGT GGACAGAAGA AGATATTGCT CCATATATTC AAGATTTGTG TGGAGAGAGN 180

配列番号：5318

配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06345
配列：
GATCGCGGTA TATAGAGATA TGCATTTTAT TTTACTTGTG TAAAAATATC GGACGACGTG 60
GAATAAAGAG CTCTTTTCTT AAA 83

配列番号：5319
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06346
配列：
GATCTCCTTA GGTGATGCAC AGTCCAACTA CCTGCTAACC ACCGCCGAGA ACGAGCTGGG 60
AGTGGTGGTA GCCCACAGTG AGTCAGGTAT CCAGATGGTT CCCATCAGCT GGTGTGAGAT 120
GCAGTGCCCT AAGACCCACA CTAAAGAATT CCGGAAAGTA GCCCGNGTAC AACCCGAATN 180

配列番号：5320
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06347
配列：
GATCAGAGAA TCACAAGAGC AGCAAATGTG GTTTCATCAA GTGGGAAGAA AGCAGCAATT 60
TAAAATANCT TTTTGGGNGA CTGANTTGAG TAATAATAAA NCTTCAGTCT TTCGCTAATN 120
ATANTN 126

配列番号：5321
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06348
配列：
GATCTAGACG CCCCCAAATC CTTGAGATGT GGGTATAGCT CAGGGTAAGC TGCTCTGAGG 60
TAAAGGTCCA TGAACCCTGC CCCACTCCTG TCAGCCCCTC ATCAGCCTTT TCAGCAGGTT 120
CCAGTGCCTG ACTTGGGATA GGACTGAGTG GTAGGAGGAG GGGGAGTGGA GGGGCATAGC 180
CTTTCCCTAA TTCTGCCTTA AATAAAACTG CATTGCTGAT TCAAA 225

配列番号：5322
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06350
配列：

GATCAGCAAA TTGTTATNTT AAAAAGTTTT CTTGTTTAGG CAATTTGGTA AGTGGTTTCT 60
AGTTATAAAC TAGCCACTGT TGATTAACTT GAGAAGGTGA AGCAGGGGAG TTCTGAAGAG 120
ATTACCTAGA GCTACTTAAC CCTAAGTTAA GTAAAATTTT CACTTTCATT CTTTTCATTC 180
TCTCATAAAC TGGTTGAAAA AACACTGTAC TACCAACAAA GGTGTCAGTT GCTTGTGCTG 240
CCCTGTCTAT GTTATGCTCT GAATAGGTCT CGGTAAAGAT TATATGGAAA TACTATAAAG 300
NNTACATAAG GTAAAATACT AGTCAGANAG GGTTCAGGTT N 341

配列番号：5323
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6351
配列：
GATCTGAAGT NCTTCCATTA TATCTATATC TGTATATGNA CATATATGTG GGTGTGTATA 60
TATATGNGTG TATGTATATA TATACAATTN CCTGAGAACT CACTNTTTTT TGTGAATTTN 120
CAATAGTGTT CGCCATGTTT TCCACCAGNA TGTATAN 157

配列番号：5324
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6353
配列：
GATCAAGTTT TGATGAAGAT GTGAAAAACN GTTGGGCAGT ACTACTCAAG CTGAACCCCA 60
TGCATCAGAG AAATTACACT TTTATATNTC CAAA 94

配列番号：5325
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6354
配列：
GATCTGCCCT NCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTAGAG GCGTGAGCAC CATGCCTGGC 60
CAGGTCTTNC TAACTAAAAA ATAATAATAA TAATAATAAA AAANAAAAGA NGATACTTGC 120
AAAATAAA 128

配列番号：5326
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGSO6355
配列：
GATCAAGAGT ATTTNCTNTA GCTAGCTTAA AAAGAAAACA TATATTTAAT GTAAAANCAC 60
ATACATGGCC AAATGCAATA CTGANGAGAC AATCATCCTG TATCTTTNAT GGTTTTN 117

配列番号：5327
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06356
配列：
GATCAATGCG CTAGTGCAGG AGCTCGGCTT CTACCGCAAG GCGGCGCCCG ACGCGCAGGT 60
GCCCCCCGAG TACGTGTGGG CGCCCGNAAA GCCCCAGAGG AAACTTCGGA CCACGCTGAC 120
CTNTAGGTCC GGGGGCGCGG CGGANCTGGG ACCTACCTGC CTGAGTCCTG GAGACAGAAT 180
GAAGCGNTCA GCATCCCGGG AATACTTCTC TTGCTGAGAG CCGATGCCCG TCCCCGTGGC 240
CAGCAGGGAT GGGGTTGGGG AGGTTCTTCC AACCNGACTT TNTTTCCTTC CNCAAGNTCC 300
ACTAAAATTT CCCTTCTGCN TTAAAAAAAA AANN 334

配列番号：5328
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06357
配列：
GATCAGCCAA ATTGGGCGGC CACCCCCGNC TCCACCACTT TCCACCATCA GCTGCCAAAC 60
TGGTCCCTCT GTCTCCCTGG GGCCTTGGGT TCTGTTTGGG GGTCATGACC TTCCTAGTTT 120
CCTGACGCAG GGGNATACAG GGGAGAGGGT TGTCCTTCCC CCCAGCAAAT GCAATAATGC 180
CCTCACCCCT CCTGAGAGGA GCCCCCTCCC TGTGGAGCCT GTNACCTTCG NATTTGACAC 240
GAGTCTGCTG TGAACCNCGC ANTCTGCTTC NCACCTNCNA TCTNTCCTNC CAGGGCCATN 300
CCTGGGCCAG AGCAGGAGGG GAGGGAGGTN 330

配列番号：5329
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06358
配列：
GATCAAAAAT NTGTGGGTTT ATTTCTGGAG TCTCTGTTCT ATTGGTCTAT ATGTCCGTCT 60
TCATGCTGGT ACTATGCTGT TTTATTTACT GTAGCTTTGT AATATATTTN GAAATCAGAA 120
GGTGGGATGC CTTCAGCTTT GTNCTTTTTN CTCAAAATAA AAAATNCTTT TGAAA 175

配列番号：5330
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06359
配列：
GATCAAATCA GAGTAATTTG GATATTCATC ACCTCGAATA TTTATCTTTC CTTTGTGTTG 60
GGAACATTAT AATTTTCCTC TGCTAGCTAT TTTAGAATAT ATAATAAATN ATNGTCCCCT 120
AAA 123

配列番号：5331
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06360
配列：
GATCAAAGCC AGCCACCCCC ACCCCAACAC ACTCGGTGTC CCTTTCATCC TGGGCCTNTG 60
TGAATCCCAG CCTNGGCCAT ANCCTCAACC TCAGTGGGCT GGAAATAACA GTGGGGNCCC 120
TGTAGCAGTG GCAGAATAAA CTTAGATGTT NTNACAGGAA A 161

配列番号：5332
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06361
配列：
GATCNTCTCA GNGANGNCGC TTNGGTCGCA GTTTTAGGGG GTTCTCGGTT TGCAGGAACC 60
CTGGGTGCAG GTTCGCAGCC CTGTCAACCA GCTCCGAGCC GGCAGCGAAA CCTGAAGTGG 120
ACCCTGTGGA AAATNAAGN 139

配列番号：5333
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06362
配列：
GATCTNCTCA CCCTCGGTGA NAACAGTGTC AGCCATGCAA GCAGGACAGA ATGGTGACTG 60
GGTGCCCTTG GTGAGCTGTG TATTTCCTAG NAGGTAGAAA ACTGTGGGAA ACTGTGGCTA 120
ATAAAAACTA AGTGTGAGCG TCAAA 145

配列番号：5334
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06363
配列：
GATCTTAAAT NACCTATTTC TAATGTGATT CATACACGTT TTTNACTTAG TGGTTTAAAA 60
TATGAAAGTA TATAAACACA TTACCAAACA CTTTGGGGTA GGAGAAGTAC GCTTAGCATG 120
TCTGTGTCAT ACCTAATTTT TTTAAAGCTA TAATGAACTG ATACACATCA ATTTANNNCG 180
NGGTTTTATT CTTTCAATGA ACACTGTATC AAAATTTTTT NATGANGTAA TGTTAGTCTT 240
TGTGGTCAAT AGTTATTGGT AATACTACTA GTAATATGGG TNCATGGCTA TAAGATGCTT 300
TAGCTTAGTG GTCAGTTGTT ATNCTAAGGG GTTTNAATCN AATTNGGTNG N 351

配列番号：5335

配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06364
配列：
GATCACAAGT AGAGAACTTG TTTCTTTTCA CCCCTCTTGC TCCTCCCCGG AGTTATGAAA 60
AATTTCAAAC CTGCCAAAAG TTTGAAGTTT ACAACAAATA CCCTCCAACG TTTGGNTTGC 120
CTCCCTCCCC CTTCTCTCCC TTNCTCCCTC TGATTTCTTA CAGAACCACG CTTTCATGAC 180
CATGCCCGGG AACTTCACGC TGGCGCGGTG AGGTCCTGCG CCTCCGNTTN CNGCACACAC 240
GTGCTTCTNA ATAGCTGCAG GCTATTTCAT GAGAGGAATT TGCTCACGTT AACATNGCTG 300
TTCCCAAATG CCAGGCTGNT TTTAAGTGGT TTCCTAATTT ATAAAGGN 348

配列番号：5336
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06365
配列：
GATCTCAATA GTCAGTTACT GATGCTCCTG AACCCTATGT GTCCATTTNT GCACACACGT 60
ATACCTCGGC ATGGCCGCGT CACTGCTCTG ATTATGTGCC CTGGCCAGGG ACCAGCGCCC 120
TTGCACANGG GCATGGTTGA NTCTGAAACC CTCCTTCTGT GGCAACTNGT ACTGAAAATC 180
TGGTGCTCAN TAAAGANGCC CATGGCTGGT GGCATGCAAA 220

配列番号：5337
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06366
配列：
GATCCCAGCC ATAAAGTACC TGGGATGAAA GAAGTTTTTT CCAGTTTGTC AGTGTCTGTN 60
AGAATTACTT ATTTCTTTNC TATATTCTCA TAGCACGTGT NTGATTGGTT CATGCATGTA 120
GGTCTCTTAA CAATGATGGT GGGCCTCTGG AGTCCAGGGG CTGGCCGGTT GTTCTATGCA 180
GAGAAAGCAG TCAATAAATN TTTGCCAGAC TGGGTGCAGA ATTTAAA 227

配列番号：5338
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06367
配列：
GATCTTNACT CTTGTTTCCT TTGTCCTTTT NTTCAGACAG AGTTGTACCT GCAGCAGACA 60
ACTCTGAATT AAAGCATGAA AACACAGCAA A 91

配列番号：5339
配列の長さ：269

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06369
配列：
GATCTCTCCC CACACAGAGG CCAGCAGACC TCTTCCTGAG GACTTCTGTT TAAAGGAGGA 60
CGAGGAGGAG GTTGGTGACA GTCAGGCCTG GGAGGAGCCC ACAAACTGGA GCACAGAGAC 120
ATGGAACCTA GCTACTTCCT GGNAGGTGGG GCGGGNACTA CGGAGAAGGT GCAGCCAGGC 180
TGTGGCAAAG GGCCCCANTC ACAGCCTTGG CTGGGAAGGN GGGNNCGACA GCTGANGGTC 240
GACTAAAACA AAGTCTGTTT TCATGNAAA 269

配列番号：5340
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06370
配列：
GATCTCTTGT NATGGGGCCA ATAAGTCAAT TGAATTCATG GGCCAAACAG TTCCCATTCT 60
CTTCAAA 67

配列番号：5341
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06371
配列：
GATCCTNATN ACGNAGCTGA TGCCTGCCTT GGTNCCTACC ACTCTGGTGT AGACAGAGGA 60
CTTTNTCCAA GTGTCACACT AAACATGCCC GGGCTTCGAT GTGCCTGGAG GATTTCCCCA 120
CAGGGACCCA CGCACCTCCC TGTATCTGCG CAGTTGCTCG TGTGGCTGGA AGCGCTGTCG 180
ATAAGCTTCN NGGCGCTGGN TTGCCAGTTC TTCAGCTCTA GGACTTGTAG CTTTAAGCAA 240
ACGGTGTGGC ATGGGNTTGA NGTNTGGCCA CCTGGCAGNG NTGTGCAGGG TCTTGCCTTA 300
NNAAAGCTGG CTN 313

配列番号：5342
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06372
配列：
GATCAAAAAA TATATGAAAG TTCCTTGTAG ATACATATCT ATAGATATAT ATGTNTATGT 60
ATATAAAGAT AGATATATAC ATTGAAA 87

配列番号：5343
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06373
配列：
GATCTTTTTA TATTCTTCTA CCACACCTGG AAACAGACCA ATAGACATNT TGGGGTTTTG 60
TAATGGGAAT NTNTATAAAG CATTACTCTT TTTNAATAAA TTGTTTTTNA ATTTAAAAAA 120
AGAAA 125

配列番号：5344
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06374
配列：
GATCAGGTGG AAATGTTTAA GCTAAATAAA TCTAGGGGTT NTTTNAACAA A 51

配列番号：5345
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06376
配列：
GATCTGAAGA AACAACGCAG TGTNCACGCA AGCCACTCAG ACAAGCCCAG GGGTTCCTTG 60
GCCTTCTCAG TCAGCTAACT TTCCTGAGTT CTCCTTTGAC TTCACTAGGG AACAGTTGAA 120
CAAGAGATTT TTCAATCAAG NCTTTGGAAC TACGAAGATG GAAGAGATTT GAAGAGGGAT 180
ATNGAATGAG TAAATTAAGC AACTTTTTAN TATCCTATTT CTNTAAATNT CCAGATTTTA 240
AAACATTCCT GTATTATANT ATCTAAAAAC AAA 273

配列番号：5346
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06377
配列：
GATCTAGATA TTTTCCTCTT TTTCTGAAGN TACTTTCTTA AAAAATAAAT AAAATGTTTA 60
TAGCATTCCT NGTAAA 76

配列番号：5347
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06378
配列：
GATCAATTCT CCTTTGCGAG GNGACCACCA ANGGACTGCA GAGCTGNCCG GGCATTCGTG 60
CGTGTTCATG ACCGAGAACT TTNCACACAG AGAGGACTTC TGTCCTGACG AAGGAGCGCA 120
GAGCTGGCCG NGCATTCGTG CGTGTTCATG ACCGNGAACT TTTCACAGCT AGGACTNCTG 180
TCCTGACGTC TTTATNGGTA TAATAGTTGC GTTTAAGNCT GCAGACTTCA AGTTTATATT 240

TCTCTTTATT GTAACACTCT GTGCANNNTT TGATTNCTAG TTTATTTNCA TTGTN 295

配列番号：5348
配列の長さ：416
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06379
配列：
GATCGACCTG AGCACAGTGG ACCTGAAGAA GCTCCGAGTT AAAGAGCTGA AGAAGATTCT 60
GGATGACTNN NNGGAGACAT GCAAAGGCTG TGCAGAAAAG TCTGACTACA TCCGGAAGAT 120
AAATNAACTG ATNCCTAAAT ATGNCCCCAA GGCAGCCAGT GCACGGACCG ATTTGTAGTC 180
TGCTCAATCT CTGTTGCACC TGAGGGGGTA AAAACAGTTC AACTGCTTAC TCCCAAANCA 240
GCCTNTTTGT AATTTATTTT TTAAGNGGGC TCCTGACAAT ACTGTATCAG ATGTGAAGCC 300
TGGAGCTTTC CTGGATGATG CTGGNCCTGC AGTACCCCCA TGAGGGGATT NCCNTTCCTT 360
CTGTTTGCTG GTGTACTNCT GGGGGNGNGA AGTGTGTCTG GGGNNTTTTT TNNTGN 416

配列番号：5349
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06380
配列：
GATCTGAAGA AGTGGTTAAG ACCAAGAGTT TATGTACCTT TTTAAACAAA GATTAATAAA 60
TTTTTGAAGA AGTGATGAGA CAAAGAAA 88

配列番号：5350
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06381
配列：
GATCAGAACA TGAACTTTTT TTTTAAAAGA AGATTTGAGC ATTTTCCTGT AATCACATCA 60
AAATNATGTT TTCTGTGTAA AGCGAGATAC ATATTNCTNA TAATGCAGCA TTGTGAGAAG 120
TCAGTTCGGC CCACTGCACC ANCACTGTCG TATCCTTGTT AAAATGGTGT GTACCTTACA 180
ANTTATAATT TATGTGCCAG GTTCGTTTTG TNCTTAATTT GCTATTATTG TGCTGTGTNT 240
ANCCCCTGTN NNCTNGGTN 259

配列番号：5351
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06382
配列：
GATCTTATAA AGTACTTGTG TGGAGCTTTG ATTCCACAGA ATAAAAGATA TTTTGTGTGT 60
AGAAA 65

配列番号：5352
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06383
配列：
GATCTCAGCC CAGGACAAGG TGGGAATNAG TCAAGCCTGG ACTCTGGCCC CCCTGCCTGG 60
CCAGTAAGAA GGGCAAAGTC CAAGGGGAGG GATGAGGNAG GGGCCAGATG GGGTCCTGGA 120
GGAAGAATTN CCTGGCAAAA GCCATTGGAG CTTGTNTGTG TGTCTTTGGT GATGACATNT 180
GTTGTGAGGG TAGATGGGAA CCATNTTAAA AGGATGAAAT GTGAAA 226

配列番号：5353
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06384
配列：
GATCCTTTTG TAAGGNCCTT CCTGAAGAAG AAAGGTGGCA AATACAGTNT TCAGTTCAAG 60
TTGCCCGACG TGTATGGTGT ATTCCAGTTT AAAGTGGATT ACAACCGGCT AGGCTACACA 120
CACCTGTACT CTTCCACTCA GGTATCCGTG CGGCCACTCC AGCACACGCA GTATGAGCGC 180
TTCATCCCCT CGGNCTACCC CTACTACGGC AGCGGCTTTC TNCATGATGC TGGGGGCTCT 240
TTCATCTNTC AGCATCGGGC NGGCTTTGCA CATGNAGGGN GAATGNTGGA NGTCCGANTT 300
TTNGN 305

配列番号：5354
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06385
配列：
GATCTACATT CTTCAAAAAA AAAAATTGGC TTAACTGTTT CATCTTNAAG TAGCATTTTG 60
CTGCCATTTG TATTGGGCTG AAGAANTCAC TATTGTGTAT ATACTCAAGT CTTTTNATTT 120
TCCCNCTTTT CATAAATNCT CTTGGNCATN ATTGGGCTTG CAGAGTTCCC TTATNCTGGG 180
GATTACAATG CTTTTATCGT TTCAGGCTTC ATTTNNGCTT CAAANCAAGC TGGGCACACT 240
GTTAAANCAT GATTTTGCAG ANCCTTTGGT TTTGGACAGT TTCATTTTTT NGGATTTGGG 300
ATAGATTNCA TAGGAGTATG GAGTATGCTG TAAATAAAAA TNCANGCTAG TGCTTN 356

配列番号：5355
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06386
配列：
GATCTTTAAC AGCTCCTTTA CTTGCNCTTT GTAAAAAAAA ATAAAATTAG NTTGAATTAT 60

TCTACCTTTG TAAA 74

配列番号：5356
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06387
配列：
GATCCTGCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGCGCC TGGAGCAGCA 60
GAATAAGNTC CTTAACTTAA AATAAATTAA TTTTTTCAAA AAACATAAAT CTGGAACTGT 120
TGTTTCTATA TTTNATAACA AATACAGTAT ATNTNATNTA TAAGCCATGG TCTACTGATA 180
CTGTATGAGG ACTTNCCTGA N 201

配列番号：5357
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06388
配列：
GATCAGAACG TTAACATATG AACCTGCAGA AATCTGGTAA GACTTAAATT CAGTGTGAGG 60
AATAACTCTA GTTCTCTCCT ATGAGCATTT CCTAAAAGCC ATCTGATTTG GCATTCTTAC 120
TGGAGCTGCA GACAGAAATC TACAAAGNCN NAAGTAAACA AAATTAAGTT ATTATTCCAC 180
TGTTAGGAAT GGAAATAAAC TTGTGAAGTC TGTTTATTTT GAAGTATTGG TGAACTAGGC 240
TTGCTAATNG GGAGCTGCAG CAGTTTGTGT TTACTCCAGT TCATCAGCTT AGGTCATTTG 300
AAAGNTATAA GAGCTTAAGG CAAGAAAGGA ATACCATGGG ATTCTATTTN AGGGCCACCA 360
GNCCATTCTT GGNAAGCAGC TCCNGTTTGG TTTTCCAGCT GTCAAACTN 409

配列番号：5358
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06389
配列：
GATCTGCCCG TNTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACCG GCATGAGTCA CTGCGCCTGG 60
CCGACAAAGG CTTTGATATC AGAATGAACT GTCAAGGGAG GTGCTGGAGA GGGATTAACC 120
TGTGCAGAGN CCAANNGGTA TGGAANNAAA ANTGGGATTG GGACTAGGTG NTCTN 175

配列番号：5359
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06390
配列：
GATCAGGCTC AGGCGGCCCC ACTCACCCAC AGCATCCGCC GCCACCCCTT CGGGTGTGAG 60
CGCTCAATAA AAACAACACA CTATAAAGTG TTTTTAAATC CAAA 104

配列番号：5360
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06392
配列：
GATCTTTCCC AAGAGAAGGG GAAGCACTCG TGTGCAACAG ACAAGTGACT GTATCTGTGT 60
AGACTATTTG CTTATTTAAT AAAGACGATT TGTCAGTTAT TTTAAA 106

配列番号：5361
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06393
配列：
GATCTACGCT GCCTTCAAGG AAGTGCTGGG TTCGGGCATG CACCACCACC TCCAGAACAA 60
TGAGCTACTC CGTGACATCT TTGGCCTGGG CCCTGTGCTG TTGCTGGATG CCACTGCCCT 120
GAAGGCCTGC AAGGTTCCAC GCTTTGAGAA GCACCTGTAC AATGCTGCTG CCTTCAAAGC 180
CCGGACCAAG GCTCGAAGCC GTGTGCGGGA CAAGCGGGCA GACATCCTGT GAAGCAGGAC 240
CTGCTGAAGA GGAGACTTTC TATGCCCTTG GTCCGTATTT TTAACAGAAG ACAGTGCAAC 300
AACTGGTCTT CACCAGTATT TGTCACTTTA TTTTTTTTAA TGTCAAAACC AAAAACAGAC 360
ATGGGGTTGG GTAGCTGGGG GN 382

配列番号：5362
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06394
配列：
GATCCNATCA TTCCTTAAAC ATANTACCCT TNGTCTTGGA GTAGAATACT AAGTTAGAGT 60
TAGTGGATTT CTAGTTTAGG AGAGGAGCTC AAAACTATAA TCTNTAACAA ATTGAAAAAT 120
GAAATAGGGT GTTTTCCCTT TTTGTGCACA CCTACATNAC CTTAAGAAAT NNCCTTCCAT 180
AGACAGCTGC CTCAAAGGGA AATCCTCTTT AAACCGTAGT TGGCGCAGAG GTCAGTCCTA 240
GTCGGAGCTT AGGAGGTGCG GNGACGCTCA CATCGTCTGG ACTTGAGTCG NCACTGGATT 300
GTGGCANCAN NTTTNGCTCA TGNGTCAAAA ATTTNGGCAA TTTCTTTTGG ATTN 354

配列番号：5363
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06395
配列：
GATCCAGGGC CTCCCCGCCT TCCTTCTTCC TTTTTATATA CAATTTGTTA TTGTCAAATA 60
AAAGTAGGAA ATATTCAAA 79

配列番号：5364
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06396
配列：
GATCTTTGTG GCCAAGGAGC TGCTATAGCC TGGGGTGGGG TCATGCCCTC CTCTCCCATT 60
GTCCCTCTNC CCCATCCTCC AGCAGGGAAA ATGCAGCAGG GATGCCCTGG AGGTGGCTGA 120
GCCCCTGTCT AGAGAGGGAG GCAAGCCCTG TTGACACAGG TCTTTCCTAA GGCTGCAAGG 180
TTTAGGCTGG TGGCCCAGGA CCATCATCCT ACTGTAATAA AGATGATTGT NAAATAAA 238

配列番号：5365
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06397
配列：
GATCCTTGTC CGTGGCAACC TTAAACGTGT GCTGCAGTGC TGATGTATTT ATAGGCTTAG 60
CATGTCTGCT TTATTAGTTA TCCTGGAAAG AATGCTATTC AGTTTTTTTT TTAATGTCTA 120
CATCANGGAA TGAATGCTAA ATNAGCCCAT TTAGCAGCCT GAAATCAAAT NCTGCATTTN 180
TTTTTTNAAA CTCTTGGTAG CAAAAGAAAA AGCTGATTAA ANTATGATTG TGTTACAATG 240
ACTAAAGGGT TANCTNCTCA TTAATTCTAA ATNCTTCAAA ATGNACAAGC ATCATAATAA 300
AGGCTTTTGA TGNGAANTAA A 321

配列番号：5366
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06398
配列：
GATCTACAAG TCAGTGCCCT GTATGCTCTC CAGGTGCACT GCTATAACAG CAACTTCCCA 60
AAAGGCATGT TACTTCGCTT TTTTGTGCAC TTCTATGACA TGGAAATTAT TGAAGAAGAA 120
GCTTTCTTGG CTTGGAAAGA AGATATAACC CAAGAGTTTC CGGGAAAAGG CAAGGCTTTG 180
TTCCAGGTGA ATCAGTGGGC TAACCTNGTT AGAAACTGCN GAAGAAGAAG AATCAGAGGA 240
NGAAGCTGAC TAAAGAACCA GCCAAAGCCT TAAATTGTGC AAAACATACT GTTTGCTATG 300
ATGTAACTGC ATTTGACCTA ACCACTNGCG NAAANTNATT CCGNTGTAAT GTNTTCACAA 360
TATTTNAAAG CAGANGCACG TCAGTTTNGG NTTTCCTTCT GCANAAAGN 409

配列番号：5367
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06399
配列：

GATCCTCAGT ATAGCCGGTG AACCCTGATA CCAGGAGCCT GGGCCTCCCT GAACCCCTGG 60
CTTCCAGCCA TCTNATCGCC AGCNTCCTCC TGGACCTNTT GGCCCCCAGC CCCTTCCCNA 120
CACAGCCCNA GAAGNGTCCC AGAGCTGACC NCACTCCAGG ACCTAGGNCC AAGCCTTN 178

配列番号：5368
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06400
配列：
GATCATTGTA ATATATTTAN TTGTATATNA AGCATGACTA CTTTAAGTNT TAAATAAACT 60
GCAATAATCC TTAAA 75

配列番号：5369
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06401
配列：
GATCAGTGNC TGGCACCAGA CACTTCTGGG GATGGTACAG GGTGTGACAA CATGACCTGC 60
ATCATCATTT GCTTCAAGCC CCGAAACACA GCAGAGCTCC AGCCAGAGAG TGGCAAGCGA 120
AAACTAGAGG AGGTGCTCTC TACTGAGGGG GCTGAAGAAA ATGGCAACAG CGACAAGAAG 180
AAGAAGGCCA AGCGAGACTA GCAGTCATCC AGACCCCTGC CCACCTAGAC TGTTTTCTGA 240
GCCCTCCGGA CCTGAGACTG AGTTTTGGTC TTTTTCCTTT AGCCTTAGCA GTGGGTATGA 300
GGTGTGCAGG GGGAGCTGGG TGGCTTCACT CCGGCCATTC CAAAGAGGGG TCTN 354

配列番号：5370
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06402
配列：
GATCACTGGA ATGTGGGGAT TCTGAAACAG AAATGAAACT GTCCTTTTGA CAACTCTCTT 60
ATATAATAAA GTATCACCGG CTTGTGTATG AAA 93

配列番号：5371
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06403
配列：
GATCATGCAT TATCTTTATA ATTCAAAAGA ATTTATATAT ATGTAAAGGA GGAGAAAATA 60
AAAAAAATTA TAATCTTAAA 80

配列番号：5372

配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06404
配列：
GATCATNTTG ATAATGCTCG GAATATTTTN AAATGTCCAT TCCGCTGTGT TGATTGAGGA 60
CGTTCCCTTC ACGGAGAAAG ATTTTAAGAA TGGCCCCCAG AACATATACA ACCTTTACGA 120
GCAAGTCAGC TACAACTGTT TCATCGCTGC AGGCCTTTAC CTCCTCCTCG GAGGCTTCTN 180
TTTCTGNCAA GTTCGGCTCA NTAAGNGCAA GGANTACATG GTGCGCTAGG GCCCCGGNGN 240
GTTTCCCCGN TCCAGCCNCT TCTCTATTTA ANGACTGCNN GCACCGTGTC AN 292

配列番号：5373
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06405
配列：
GATCCTNCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGNGCC TGGGGGACCT 60
CTACGAGGAG NAGATGCGGG ACTGCGCCGG NAGGTGGACC AGCTAACCAA CGACAAAGCC 120
CGCNTCGAGG TGGAGCGCGA CAACCTGGCC GAGGACATCA TGCGNCTCCG GGAGAAATTN 180
CAGGNNGGAG ATTN 194

配列番号：5374
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06407
配列：
GATCCTGGAT TCACTCACTC ACTCATTCCT TCACTCATCC AGCCACCTAA AAACATTTAC 60
TGACCATGTA AA 72

配列番号：5375
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06408
配列：
GATCACGCAC GAAGTGTACG AACTGACCCA GATTATCGCC GACGTGTCCC AGGACCCCAC 60
GTTGCCGCGG ACCGAGGACC ACCCGTGCCA AAAGTGCGGC CACAAGGAGG CTGTGTTCTT 120
CCAGTNACAC AGTGCGCGGG NCGANGACGN CATGCGCCTT TACTACGTGT GNACAGCCCC 180
ACANTGNGGC CACCGCTGGA CCGAGTGNCC TNCTNTGTN 219

配列番号：5376
配列の長さ：65
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06409
配列：
GATCCAACAA GAACATTTCC AAAAGTATCT AGGTGTTCTC AAATAAAAAG CTTTCTTTGC 60
ACAAA 65

配列番号：5377
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06410
配列：
GATCTGCTAA TGCTTTTTAG GAGTCTGCCT GGAAACTTTG ACATGGTTCN TGTTTTTACT 60
CAAAATCCAA TAAAACAAGG TAGTTTGGCT GTGCAAA 97

配列番号：5378
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06411
配列：
GATCCCAGAG AGCANCTTCA GTGACAAACA TATCCTTTCA AGACAGAAAG AGACAGGAGA 60
CATGAGTCTT TGCCGGAGGA AAAGCAGCTC AAGAACACAT GTGCANTCAC TGGTGTCACC 120
CTGGAATAGG CAAGGNATAA CTCTTCTAAC ACAAAATAAG TGTTTTATGT TTGGAATAAA 180
GTCANCCTTG TTTCTACTGT TTTAAA 206

配列番号：5379
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06412
配列：
GATCACTTAA ATGATTTTNT GGTGATTCGT GCCATTGCTT TTTTATTTAA AAGAAAATTT 60
TGTAATTAAA TGCCTTTTTC TAAA 84

配列番号：5380
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06413
配列：
GATCACACCA GAGTACATGT CTCTGCCTCT NTTTTCAGTG TGGCTTTGGA CAGGAATATA 60
TGAATAANTC ACTGCCATAC AGGTTTTCCA ATACACAAGT GCTAGAAAAT ACACACAATT 120
CCCCAAA 127

配列番号：5381
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06414
配列：
GATCAAAAAT GCAACTGAGA AAATNATGGC TCTTGTTGCT GAGCTGTCCA TGAAACAAGC 60
CCTAACCATT GAACTCCAAA AGGAAGTCAG GGAGAAAGAA GACTTCATCT TCACTTGCAA 120
TTCCAGGATA GAAAAAGGTC TGCCACTCAA TAAGGAAATT GAGAAAGANT GGTTGAAAGT 180
CCTTCGAGAT GAAGAAATGC ACGCCTTGGC CATCGCTGAA AAGTCTCAN 229

配列番号：5382
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06415
配列：
GATCCCTAAC TGTTCCCTTA TCTGTTTTCT ACCTCCTCCT TTGTTTAATA AAGGCTGAAG 60
CTTTTTGTAA A 71

配列番号：5383
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06416
配列：
GATCACTTAC AAATTTTTTG AATAACACAA AATCTCATTC TACCTGCAGT TTAATTGGAA 60
AGATGTGTGT GTGAGAGTAT GTATGTGTGT GTGTGTGTGT GTGTGTGTGC GCGTGCACGC 120
ACGTCTTGAG CAGTCAGCAT TGCACCTNCT NTGGAGAAGG GTATTCCTTT ATNAAAATCT 180
TCCTCATNNN NGNTTTGCTT TCAGTTGGTT TTCAATTTNC TCACTGGCCA GAGAN 235

配列番号：5384
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06417
配列：
GATCTTCCCT CTTCTGAACA GCAACTCCCC CCAACTCATA CACTGCCGTT TTCAGGGTAA 60
GCGGCCTTCA CCCCTAAGTG AAAATGTTAG TGAACTAAAG GAAGGAGCCA TTCTTGGAAC 120
TGGACGACTT CTGAAAACTG GAGGACGAGC ATGGGAGCAA GGCCAGGACC ATGACAAGGA 180
AAATCAGCAC TTTCCCTTGG TGGAGAGCTA GGCCCTGCAT GGCCCCAGCA ATGCAN 236

配列番号：5385
配列の長さ：135
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06418
配列：
GATCCAGTAC TTGGCAGCCA TAGTTTAGAC AATATTGTTC AGTGCTGTGT TGCTNNCATG 60
TTAACAACAA AACCTTTTAG AGGNCCCACA AATCATNGGT ATNGGACACA GGTCCGAGGN 120
ATTCCAGAGC ATCAN 135

配列番号：5386
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06419
配列：
GATCAGCTCG CACAGAGGTT GTCTGCAAGC AGTGTGAAGC TCATCTAGGT CACGTGTTTC 60
CTGATGGACC TGGGCCCAAT GGTCAGAGGT TTTGCATGAA CAGTGTGGCT TTGAAGTTCA 120
ANTCAAGGGA ACACTGACCA TCTTCAAGAG TCCCGTTCCC TTGCCACCCC TTCACGTGCA 180
CCCTCAATTT CCACAATTCA CTTGAATGAC TTGTNTTATT NGCAATAAAA CTGGGCTGAA 240
TTTGCTGCTG TCTCCAAANA N 261

配列番号：5387
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06420
配列：
GATCATAGAC ATGATTATAT GTGAGTATCA TTAATCATTA GTTTATAGCA NTTNCTCTTT 60
ATTCCAATAT TATAATAATC CNCACTCTAC AATCATAACC TAGGAAAAAC CAGGCCATAC 120
AGAGATAGGA GCCGAGGGGN CATAGTGCGA AGTGGCCAGA AGACAAGAGT GTGAGCCTTC 180
TCTTATGCCT GGACAGGGCC ACCAGAGGGC TTGGTCTAGC AGTAACACCA GTGTCTGGGA 240
AGATGCCTGT TGCAAAGTGG ACCATGGTCT AGCGGGGGGC ATCAGTGTCA NGGTANNGAN 300

配列番号：5388
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06421
配列：
GATCAACAGT GGCAATGGAG CTGTGGAGGA CAGAAAGCCA AGTGGACTCA ACGGAGAGGC 60
CAGCAAGTCT CAGGAAATGG TGCATTTGGT GAACAAGGAG TCGTCAGAAA CTCCAGACCA 120
GTTTATGNCA GCTGATGAGA CAAGGAACCT GCAGAATGTG GACATGAAGA TTGGGGTGTA 180
ACACCTACAC CATTATCTTG GAAAGAAACA ACCGTTGGAA ACATAACCAT TACAGGGAGC 240
TGGGACACTT AACAGATGCA ATGTGCTACT GATTGTTTCA TTGCGGAATC TTTTTTGAN 299

配列番号：5389
配列の長さ：134

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06422
配列：
GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGCAG GTGTGAGCCA CTGTGCTCGG 60
CCTTATTTAT ATTTTATATA TTGTTGATAT GGTTGAATTT ATGTATGCCA TTAAATTATT 120
TGTTTCTATT TAAA 134

配列番号：5390
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06423
配列：
GATCAACGTC CTCCATGAGC ATGGNATAGT CCACCGTGAC ATTAAAGGTG CCAATATCTT 60
CCTTACCTCA TCTGGTTTAA TCAAACTGGG AGATTTTGGA TGTTCAGTAA AGCTCAAAAA 120
CAATGCCCAG ACCATGCCTG GTGAAGTGAA CAGCACCCTG GGGACAGCAG CATACATGGC 180
ACCTGAAGTC ATCACTCGTG CCAANGGAGA GGGCCATGGG CGTGCGGCCG ACATCTGGAG 240
TCTNTGGGTG TGTTGTCATA GAGATNGTGA CTTGGCANGA GGCCTTGGCA TGAGTATGAG 300
NAN 303

配列番号：5391
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06424
配列：
GATCCAGAAG AAGTGACCTG AAGTTTCTGT GCAACACTNC ACACTAGGCA ATGCCATTTC 60
AATGCATTAC TAAATNACAT TTGTAGTTCC TAGCTCCTCT TAGGAAAACA GTTCTTGTGG 120
CCTTCTATTA AATAGTTTGC ACTTAAA 147

配列番号：5392
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06425
配列：
GATCAATTCG ACAGACAGAT GGNGTGTATG CCCCTCCCAN GTTTGACTTC ACACACACTC 60
ATAACTTTCC AAATGAAGCC CCACAGTATA GCGCATATTT TNGATATTTT TGTGAATNCC 120
ANNAGGAN 128

配列番号：5393
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06426
配列：
GATCCCTAGG AGCTGNCCTN CTTCCAGCCA NTGCCAGGAA CCAGCACTCC ATGAAGATAA 60
ACTCTGGGCC CGACCACCAG CAGGNCCTGA CGACCTGAGG TGACCCTNGG CCTTTCCCCC 120
NN 122

配列番号：5394
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06427
配列：
GATCACAAAT TTTGATATGT GCTATACAGG AAATAAAGTG TTATGATTGA GAATAAA 57

配列番号：5395
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06428
配列：
GATCTGAAAT CTTCAGTAGG TTGATGTGGT TTCCTCTGCA GTGATTTTCC TAGGAAGTTC 60
AAATTTGACA GCGAGTTCAG CTCAGCTGTG GCCCTCTGCC CTTCCAGCTG TGCCTAGCAA 120
GCAAAACCCA GGNAAGAAGC AGTNGCCTCC TGGCCTTACA TACAGAATGC CTGGACAAGA 180
GAGAACTTGC TGCGGNCTGC TTTGTATTTT AAAACACAGC TTGNGAGTTC AGAGTTGGTG 240
GTTTGCTCAC TTAGCGGTTG TTANGNTGGC TTGAAAAGTT TTCATTATGA TACACTGGGT 300
ACCCTGGGCT TNGAATGTTN NCAACTTNGG NNNATCTNAT GGTTACCTNT GATTANNAN 359

配列番号：5396
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06429
配列：
GATCTACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGTCA CCACGCCCGG 60
CCCTGNTTAT CAATCTTCAA TATTTTGTAT TTTGAGCACT TTGTTGGATT TGTTATTTAG 120
CACATGTATA CATTGTTTTA TTATAATATT GTGTGTAATT TATTTCTGAT TAATTTTATA 180
TCCTTCCTTC ACATTTCAAA TACTTCTAAT TAAAAGCAGA CTGTTCAAAA AANNNNNGNN 240
NGNNNN 246

配列番号：5397
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06430
配列：

GATCTGGCTG AGGGCTCAGG ACACAGGCCC AGCCACCCCC AGGGGCCTCC ACAGNCCGCT 60
GCATGACAGC NATACAGTAC TTAAGTGTCT GTNTAGACAA CCAAAGANTA AATGATTCAT 120
GGTTTTTTTT AAA 133

配列番号：5398
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06431
配列：
GATCCTGAAC CAAATTTATA GCAATATAAT TAGTGTTTNT CTAAGGCATT ACTCATCAAA 60
AAAATTGCTG CAGTCTTTAC AGTTGAATAA ATAAAAACAA CTGCATAAAT ATGCCCAAA 119

配列番号：5399
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06432
配列：
GATCACCACC TGTAGAAACT GTTCTTCCTC TGTGAAACTA ACGGCCTGCT GGTAATAAAA 60
GTAGCTACCA TTTCTTGAAA 80

配列番号：5400
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06433
配列：
GATCACTCAT TGCTAATTTT GTCCTGTACA GCTTATGTAA TATTTNNATG GTGGAGACGG 60
ACTCTGTGTG CTCAGGGCCT TGTCTCTAGG AAGATTTTGT CAATTCCAAA TACAGTTTTG 120
AAGATTCAAA 130

配列番号：5401
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06434
配列：
GATCAACTGA TAAGTTGCCT TATGTCACCA TGGGTTCTGG CTCCTTGGCA GCAATGGCTG 60
TATTTAAAGA TAAGTTTAGG CCAGACATGG AGGAGGAGGA AGCCAAGAAT CTGGTGAGCG 120
AANCATCGCA GCTGGCATCT TCAACGACCT GGGCTCCGGA AGCAACATTG ACCTCTGCGT 180
CATCAGCAAG AACAAGCTGG ATTTTCTCCG NCCATACACA GTGCCCAACA AGAAGGGGAC 240
CAGGCTTGGC CGGTACAGGT TGTGAGAAAG GGGACTACTG CAGTCCTCAC TGTGAAANTN 300
ACTCCTCTNG AGATTTGAGG TTNTTGGAAG AAACANGTCC AAACAATGGA CCACTTCCTG 360
AATTGGCATC ANTGGTNNN 379

配列番号：5402
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06435
配列：
GATCTGTAGT AAACAATGGT GATTTTATTT ATTTTNACTC TCTGGAAAAG GAGATAATAC 60
AATTCCAGAA AGTGAACTCA TATTTCTAAG GTTAAGATTC CCTTTTATTG CACCTAGAAT 120
AGTGCTATGC ACAGAGCGGG TGCTTGAGTT GTTGTCGTTT TNTGTTTGTT TTTTAAATGT 180
AAACTGGTAA ATNTTGTGCT TATCTTCAAG GCTAGCTTAN GTATAAAATN GTTTTTTAAA 240
CACTTGNAAA ATTAAAGGAT TTGTTTTAAN NANCGANNAG GGGNGGTGGT TNGGTNN 297

配列番号：5403
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06436
配列：
GATCAAATAG TTGCATAGCA GTATATGTNA ATTTGTGTGT TTTTAGCTGT GACACAGCTG 60
TGTGATTAAA AGGTATACTT TAGTAGACAT TTATAACTCA AGGATACCTT CTNATTTAAT 120
CTNTTCTTAT TTTTGTACTT TATCATGAAT GCTTTTAGTG TGTGCATAAT AGCTACAGTG 180
CATAGTTGTA GACATGGTAC ATTCTGGGGA AACAACATTT NTNTGTNGCC TTTACTGTTT 240
GATATACCAN ATNANAANAA AATTGGGTCT NATTNCTNAT GCTGGGGCAC CNTN 294

配列番号：5404
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06437
配列：
GATCCTCACC NCTTGGAATT AAAATNCTTG TTCACTCAGG CAAGCCTACA GTTTGCAACC 60
AAGTCTAGGG TTTCTGTTAA TCAANGNCGT TTTTTCANTT AAA 103

配列番号：5405
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06438
配列：
GATCTGCTGG ACATCATGCC CCATGTCATA GAGAATAAAG CTGATGATTG TACCAGTAAA 60

配列番号：5406
配列の長さ：91
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06439
配列：
GATCATACCN ATAAAAATAA TNCCAAACAC CAAATATGAA TTTTATGAAT GTACACTTTG 60
TGCTTNACAT TAAAAGAAAN AAACACACAA A 91

配列番号：5407
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06440
配列：
GATCGTCGCC TGCTGGCTAA GACCAGGGAG CTAAAAACTT NAGGAAGGGA ACCTGCCTGG 60
TTGGNTGCTA CTTCTGATTC ATTGTCCTTN TCCCTNTCAT AAGTNCCN 108

配列番号：5408
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06441
配列：
GATCTTATGT TTAAAGAGAT TCTGTTATTA GCACCATGAA CTCGTACTAT GAAATNTTTA 60
AGCCTTTTAT TTTTCTAACT ATATTACTGT AGGACTGGAT ATTAGGTGTC ATATAGGAAA 120
CACAAAAGTT ATTGCTGTTT GCTAAAGCAA AGTAGCAGAA AATTTTGTAT ATGCAAAACT 180
GTTGAAGGNC CATAGAGAAA TGTGTACTAC TGACGGGGCT TTTACTAGGC TTCCTGCGTG 240
TGTANAAGTC GAGGTTTTGG CTTGGCATTC AGGGTGACAT GGTGGTGCTA AATTGTTTTC 300
CNTTTAAAAG GCNTTCTATT N 321

配列番号：5409
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06442
配列：
GATCCGCAGC AGAAGCTCTT CCCTTCTGTA TCCTATGTAT GCAGTGTGCT TTTNCTTGCC 60
AGCTTGGGGC ATTCTTGCTT AGACAGTCAG CATTTGTCTC CNCCTTTAAC TGAGTCATCA 120
TCTTAGTCCA ACTAATGCAG TCGATACAAT GCGTAGATAG AAGAAGCCCC ACGGGAGCCA 180
GGATGGGACT GGTCGTGGTT TGTGCTTTTC TCCAAGTCAG CACCCAAAGG TCANTGCACA 240
GAGACNCCGN GTGGGTGAGC GCTNGCTTCT CAAACGGNCG AAGTTGCCTC TTTTAGGNAT 300
CTCTTTTGGA ATTTGGGAGC ACGATGNCTC TNGAGTTTGA GCTATTAAAG NACTNCTTGG 360
CACATTAANA AAANANAAAT GNGGTNNGNN 390

配列番号：5410
配列の長さ：197
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06443
配列：
GATCCCAGGG AAATATCAGC CTTGGGCAAC TGCAGTGACC AGGGGCACCG GCTGCCCACA 60
GGGAACACAT TCCTTTGCTG GGGTTCAGCG CCTCTNCTGG GGCTGGAAGT GCCAAAGCCT 120
GGGGCAAAGC TGTTTTTCAG CCACACTGAA CCCAATTACA CACAGCGGGA GAACGCAGTA 180
AACAGCTTTC CCACAAA 197

配列番号：5411
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06444
配列：
GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCCTGAT TGAAGGCTTT GCCACATGCT GGAAGGCCCC 60
CTCCCAGGAA GATGGGGGTC ATTAAAGGAA ACTNAACATT GAAA 104

配列番号：5412
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06445
配列：
GATCACCTGA ACAATCTAGA TGTGGACAAA ACCATTGGGA CCTAGTTTAT TATTTGGTTA 60
TTGATAAAGC AAAGCTAACT GTGTGTTTAG AAGGCACTGT AACTGGTAGC TAGTTCTTGA 120
TTCAATAGAA AAATGCAGCA AACTTTTAAT AACAGTCTCT CTACATGACT TAAGGAACTT 180
ATCTATGGAT ATTAGTAACA TTTTTCTACC NNGNNGTCCG TAATAAACCA TACTTGCTCG 240
TAAA 244

配列番号：5413
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06446
配列：
GATCTNAGAA AANGCACCAC GTNAGCTTAC TAANTNATAA TATCTGTTTC TACTACGGAT 60
TTAGGCAACA GGACCTGTAC ATTGTCACAT TGCATTATTT TTCTTCAAGC GTTAATAAAA 120
GTTTTAAATA AATGGCAAA 139

配列番号：5414
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06447
配列：

GATCGGGGTC CATGGGCCCA CCACCCCCTG CAAGGAGGTC TCCATGAAGC ATGTAGGCAA 60
CCAGCAATAC AACGTCACAT ACGTCGTCAA GGAGAGGGGC GATTATNTNC TGGCTGTGAA 120
GTGGGGGGAG GAACACATAC CTGGCAGCCC TTTTCATGTC ACAGTGCCTT AAAACAGTTT 180
TCTCAAATCC TGGAAA 196

配列番号：5415
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06448
配列：
GATCCATTAA TCTGCTAATT GGTTGCCTAT GAAATCACAT TGTCTGTTAT TAAAGCTTTT 60
TACCATAAA 69

配列番号：5416
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06449
配列：
GATCTAGTAA AGTGTTTTAG AACCCCTTTT TATCCCATGC ACCATTCAGT AAACATAAAA 60
ATCACAATTC TGCTAATGTC ATTTGGAACT TCAAAATAAA TATCTTGTCT AAAAACAAA 119

配列番号：5417
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06450
配列：
GATCATTGCA TGAATAGAAT CAAGGAGCTC ACTCAGAGTG AACTTNAATT ATNACTTTNN 60
AGGCTCATTT GTACTCTCTT CCCCTCTCAT CGTCATGGTC AGGCTCTGAT ACCTGCTTTN 120
AAAATGGAGC TAGAATGCTT GCTGGATTGA AAGGGAGTGC CTATCTATAT TTAGCAAGAG 180
ACACTATTAC CAAAGATTGT NGGTTAGGCC AGATTGACAC CTATTTNTNG NCNNTATGCG 240
TATATTTNCC TGTGCTATAT ATGAAAANTA ATTGCATGAT TTCTCATTCC TGNGTCATTT 300
CTCAGNGN 308

配列番号：5418
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06451
配列：
GATCTGAAGG GAGAAGGTGA TATTCATGAA AATGTGGACA CAGACTTGCC AGGCAGCCTG 60
GGGCAGAGTG AAGAGAAGCC CGTGCCTGCT GCGNCTGTGC CCAGCCCGGT GGCCCCGGCC 120
CCAGTGCCAT CCAGAAGAAA TCCCCCTGGC GGCAAGTCCA GCCTCGTNTT GGGTTAGCTC 180

TGACTGTCCT GAACGCTGTC GTTCTGTCTG TTTCCTCCAT GCTTGTGAAC TGCACAACTT 240
GAGCCTGACT GTACATNTTT TGGATTTGTT TCATTANAAA GAAGCACTTT AAA 293

配列番号：5419
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06452
配列：
GATCCTGGNA CATTTCATAA GCTTGGGTAA AAAAATTTTT TGTTATNNTC CATGCACAAT 60
AAGGGAAATG TTTTAATTGG CTTTGNGCCT CCTGCTTTAC AACAGTTCTG GCCTCAAGTT 120
ACCAGGTAGC CTGAACTTTG NTTTTATTTT ACCATTAANT TGCTTTAATA CCATNGTAAA 180

配列番号：5420
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06453
配列：
GATCACTTGA GCCCANGTTG AGGTTGAGGC TGCAGTGAAC TATNATTGTA CCACTGCACT 60
TCAGCCTGGG CAACAAAGGA AGACCCCAGT TCTGGGAAA 99

配列番号：5421
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06454
配列：
GATCCCTGCA TTNCCTGAAG ATNTTTAAAC GTGAGAGTNT GGTAGGCAAA GCAGTCTGAG 60
AAAGAAATAG GAAATGCAGA AATAGGTTTT TTTTGGTTGC ATATAATCTT TGCNCTTTTT 120
AAGCTCTGTG AGCTCTGAAA TATATTTTNG GNTTACTTCA GTGTGTTTGA CAAGACAGCT 180
TGATATTNCT NTCAAACAAA TGACTNNGN 209

配列番号：5422
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06455
配列：
GATCCAGTGG ACAAAAGAGG GGAAACTATG GGAGTTCCCA ATTAACAATG AAGCAGGTTT 60
TGATGATGAT GGTTCAGANT TTCATGAACA TATATTTNTG GAGAAACACC TGGAGAGCTT 120
TCCAAAACAA GGACCAATTC GCCACTTCAT GGAGCTGGTG ACTTGTGGCC TTTCCAAAAN 180
CCCATATCTT AGTGTTAAAC AGNNGGTTGA NCACATNGAG TGGTTTAGAN ATTNTTTTNA 240
TGNNAN 246

配列番号：5423
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06456
配列：
GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGNGAACC CCCTTCCGTG NTTTGTAACC 60
CTCCCTNTAA GGTGAAGCCC TTTTNCTTGC TAAAACCGGN AATTN 105

配列番号：5424
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06457
配列：
GATCCTGGGG GTCGTGGCTA CCCCGTCCTC GTGGCCGNNC TCCTTGCTGC TCCTGTCAAT 60
AGTGAGCTTG TGCCGTCCCN CTAGGATGGG GGCATGGCCN TGGGCTGCCA GATGCCCACA 120
GCACCCTGGC ATGACCTNCC ACCTNGGGTT CCANACCGN 159

配列番号：5425
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06458
配列：
GATCACCTAT CCCCTGTTTC AACAATGAAT AAGGAACAGC AAATNTTTGA GACGTGCCCT 60
GAAACTGAAC AGAGATGCAC TCTCCAGTGA CTCCCCAGCA AACACAAGGT GCAGCAGGGT 120
CCCAAAGGTA GCTGGNTGGC TGANCTGCTG GNTATGGGAG ATACATGACG CGAAGACGGN 180
TTTNACATCC ACAGGGCGGT NTTNANGAAA N 211

配列番号：5426
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06459
配列：
GATCCACCAC AGGGTTAGGG GACAGGAAGC CTGTTCTATT CTCAATAAAT CTTACAAAAT 60
TCCAAA 66

配列番号：5427
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06460
配列：

GATCATTATT TCCATTCTTA ATGTGAAAAA AAGTAATTAT TTATACTTAT TATAAAAAGT 60
ATTTGAAATT TGCACATTTA ATTGTCCCTA ATAGAAAGCC ACCTATTCTT TGTTGGATTT 120
CTTCAAGTTT TTCTAAATAA ATGTAACTTT TCACAAGAGT CAACATTAAA AAATAAATTA 180
TTTAAGAAA 189

配列番号：5428
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06461
配列：
GATCTAGACA TGCCTTAGGT AACTGCAGAA ATAGCAAATT AAATNATTAA TGAGCTTATT 60
AGTCATAGTA AACATACAGA TTCCTANTTC TATGACAGTG TACATNTATG ANAATAAATG 120
ATGAAAAAAG AACTATAGTA TNTTTAAAAA TATGCTTTTA TTTNTATTNC ACATAGTGNA 180
AAGTTCTACA NAN 193

配列番号：5429
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06462
配列：
GATCACATTT CTGGGAAGAT GAGANCTNNT TTCCAGACCA GCATCCAGTG GCCATCAGGT 60
CTTGTGGCCC AAAGGCTATG CTTGCCTCCG GCTGAGTGCC TGGNATAGGC CTTTNCTATG 120
TCTCCCCAAG GCTGGGGTGC TGAGCCTGCC TTCCTCACCA CCTAGCCATA GTCTCAAACC 180
TGTGGGGAAG GNGGNNTTCT CCCTGCCCGG GAAGAGGACA GATAACTGAT TTCCGTTCTT 240
TTGACTGTGT TTTAAAATTC TCTTTCTAAA 270

配列番号：5430
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06463
配列：
GATCTCCTGG GACTCCGAGC AAGGCCTGCA CGAGAGAGGG CTGAAAGGCT GCTGGGGCTG 60
CCACCTCGCT ATTCCCGCAT AAGCATCTGC CCCCAACCCC TTTGACCTTC ATCTGATGGA 120
CATTTTTATA CAGAAAACAA TAAAGATTTC CCTCTCAGCA AA 162

配列番号：5431
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06464
配列：
GATCAGTTGT ACTAGAGGAA CATCATAGAA GAGAAAAATC CAACTCTTTA TATTAAAAAT 60

NAATACAATA AGAAAATTGC AAA 83

配列番号：5432
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06465
配列：
GATCTGCAAG CCCTGCTGTA CAAGAAAATC ATTAAGGAAC ATTTGGAGAG TTAGCTACTA 60
GCTGCCTAAG TGTGCACTTT CAATCTAACT GTGAAAGAAT CTTCTGATGT TTGTATTATC 120
CTNCTTATAT TATATTANCA AAATAAATCA AGTTGTGGTA TAGTCAAA 168

配列番号：5433
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06466
配列：
GATCCACCCA CCTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGCAT GCATGAGCCA CTGCACCCAG 60
CCAAGATACA TTGTTGACGT GAAAAAAAAA TTTCAAGATA TATAGAACAG TGTAAACATG 120
CATCCAATTG TGTTTTTCAN GGAGAAAATA ATGTATACTT GTATTGGTTT ACGTATGAAA 180
CAAAANTATC TAGAAGGATG AATAAAAATC TAGTAACTGA TTNTACACTA GGGCAAATTG 240
GAAACAANTG GGNGACTTCA TGGATGACTT TTTTATATTT GTAAAGTGGA NGTGANTGTN 300
TTACTTATTC CACCAGTTAN GTTGAAACCT TTNNNNGGNA GGTTNGTGGT GNTTNTN 357

配列番号：5434
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06468
配列：
GATCAGATGG CTTAGAGAAA TTNCTGGAAT ATTCACATTC GAAGATTCCT TATTAATNAA 60
TGTCTTTNAC TTAAATCTAA CCAAAAACTG CAACATTATT CTTTGTACAT TTNCATTATA 120
TAGTGTTAAC AAGCTTAGTT GCANACAANT AAAATACTTA AGCTATTTGT TTAAA 175

配列番号：5435
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06469
配列：
GATCTGGTGA AACTNGCTAA ACGNCTCAAG AAGGAGAAAG TTAATNTTGA CATTATCAAT 60
TTTNGGGAAG AGGAGGTGAA CNCAGAAAAG CTGACAGCCT TTGTAAACAC GTTGAATGGC 120
AAANATGGAA CCGGTTCTCA TCTGGTGACA GTGCCTCCTG GGCCCAGTTT GGCTGATGCT 180
NTCATCAGTN CTCCGATTTT GGCTGGTGAA GGTGGNNN 218

配列番号：5436
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06470
配列：
GATCACAGTG GGCAGCCGGC ACCCNGCACC ACTTTGGCGA GCGTCCTGCT TCCGNCCTCG 60
CCCTCATCTA CGCTGCTCCG CTTTCCTCAG ACCCCTTTTT GCCGTGCAAA GGGAATTCTT 120
GACATTAAAT AAAAGGTATC CAGNTTGCAG AAA 153

配列番号：5437
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06471
配列：
GATCAGTTGG GTGCACGAGT GGGTTACATC GAACTGGATT ATAGGAAGCT TATAACAAGA 60
ATGGAAGATT CTTAAATAAC TCACTTTCTT TGGNATCCAG TAACAGTAGA TGTTCAAAAT 120
ATGTAGCTGA TTAATACCAG CATTGTGAAC GCTGTACAGC CTTGTGGTTA TTACTAAGCA 180
AGTTACTACT AGCTTCTGAA AAGTAGCTTC ANAATTAATG GTTATTTNTA NACTGCCCTT 240
CCNTGGCTGN TACTTTNCCC TAAGNTNAAT CTNCGAGAAT CTGAAATGNT TNCTNCANTT 300
NTCAGGGAGN 310

配列番号：5438
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06472
配列：
GATCACATTN GATNAAAGAG CAAAACTTGT TAAGTCCAAA ATAAATTCTT ACTGTTTATA 60
TCCTAAA 67

配列番号：5439
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06473
配列：
GATCCACAGA AGGTCCTGGT GGTATTTGTA ACTTTTTGCA AGGCATTTTT TTATATATAT 60
TTTTGTGCAC ATTTTTTTTT ACGNTTCTTT AGAAAACAAA TGTATTTCAA ANGTATATTG 120
ATAGTCGANC AATTCATATA TTTGAGGTGG AGCCATATGA ATGTCAGTAG TTTATACTTC 180
TCTATTATCT CAAACTACTG GCAATTTGTA AAGCNATATA TATGNTATAT AAAGGTGATT 240
GCNGCNTTNC ANTGTTAGCC CCNGTGNN 268

配列番号：5440
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06474
配列：
GATCCAGGCT CAGAACTTCT TCTCCAGCTT CACCCTGATG AAGCTGAGGC ACTCCTCCGC 60
TCTGGGTGGG GCCAGCCTAG GGGCCAGGCA CATCGGGCAC CTNCTCCCCA TGGACTATAG 120
CGCCAATGCC ATTGCCTTCT ATTCCTACAC CTNTTCCTAG GGGGCTGGTC CCGGGCTCCA 180
CCNGGTCCAA GCTCAGTGGA CACTGGGTCT GAAAGGAAGG AGTCTTTTGN TTCCTTTCTC 240
CTNTTTACAN GAACAAACAT AGATGGTAAA TAAATNNACT TTNTCCNNCT CCCCAGAANN 300
NAATNN 306

配列番号：5441
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06475
配列：
GATCAGCTAC ATAAAACGGC CTGAGTGCTG TTTTAAACAG CNCTTGGGTG ATGGTACAAC 60
ATNACTTTTT AAGATAATNA NGTAGTAAAA GTTTCTAGTG GAAACATGAA A 111

配列番号：5442
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06476
配列：
GATCCCAACA TTTTTGGCAG TGAGCATTAC GATGTTANCC GTGGGGTGCA AAANATCTGA 60
ATAAAATTTA CAAAAGGAGA ATTCAGACAG ACCAACCTGG GTNATGTGTT TCAAGCTCTG 120
CCCCAGGAGC TTGAATGTCT NTNCCTNGTG GCAGGAGCAT TCCTAGAGAC TGGTGCATCA 180
GGTTTTATGT TGTTGTCTCT CTGCTCCAGC TCACCCNTNA AANCTCTNCC CTNGGATGTT 240
GGAACTCANA TTCTN 255

配列番号：5443
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06477
配列：
GATCCCATAA AGCTACGAGG GGGACGGGAG AGGGCAGTGC AATGGGAAGT AAAGAGATAT 60
TTNCCAGTAG GAAAAGCAAT GCTTTCTTGT CTTTAGACTC AAATGCTTAG GGAACGTTTC 120
ATTTCTCATT CATGGGGAAA GGCAGCCTCC TTAAATGTTT NCTGAAGAGC GGTAAAATCT 180
AGAAGCTTAA GANTTTNCAG TTCCTTCAAT AACCATGATG ACCTGAAGTN CACCTATCCC 240
ATTTTAGCAT CTNCTTGTTT TNCCCATCTC TNCCTTTCCA ATTTTNCTTA TNCTGCTGTA 300

ATATTTTTGT AAA 313

配列番号：5444
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06478
配列：
GATCAGCTCA CACCCAGTCT CTCACAAGTN TTCATTCCAT AAAAGTGGTT GACTAAAGTG 60
AATATGTCCA TAGTGGGGTC TTTTAATCCC TCTGGTCTTA CCANGGGTTA GANGTCTNTN 120
GGTTNTAACT TTTCCATATT GTTAGAACAT CATGGNGACA TCATGTNCAT CTGTTCAAAA 180
TTACAAGAGG CTTTTNCAAG CTCTACCATG CTTTGNAN 218

配列番号：5445
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06481
配列：
GATCATTGTG AAGGCAGGGG AATGTATGTG CACATCTGTT TTGTAACTGT TTAGATGAAT 60
GTCAGTTGTT ATTNATTGAA ATNATTTCAC AGTGTGTGGT CAACATTTCT CATGTNGAAA 120
CNTTAAGANC TAAAATGNTC TAAATATCCC TTGGACATTT NATGTCTTTC TTGTAAGGCA 180
TACTGCCTTG TTTAATGGTA GTTTTACAGT GTTTCTGGCT TNGANCAAAG GGGCTTAATT 240
ATTGATGNNT NGGATN 256

配列番号：5446
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06482
配列：
GATCCGGAAG CGAATTCATC TCCGAGCTGA GGATNCCTTG TTTTTNTTTG TCAACAATGT 60
CATTCCACCC ACCAGTGCCA CAATGGGTCA GCTNNACCAG GAACACCATG AAGAAGACTT 120
CTTTCTCTAC ATTGCCTACA GTGACGAAAG TGTCTACGGT CTGTGAAGCT GCTGCCCCTG 180
AGCTGGAGGG GGGTCTCATT CTACAAAGAG AGAGGTGGCC CCCCTTTCTT GACCTGCTCC 240
TCCTTCAAGC TTAAACANCA CCTCCTTATT CAGGACCGGC ACTTCTTAAT GTTTTGTGGG 300
CTTTCTNTCC AGCTNTCTTT NGGNGGGGTA ATGGGTNGGA GTTN 344

配列番号：5447
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06483
配列：
GATCTTTCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCCCT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60

CNATCCCTCC CCAGTTCATT GCACTTTGAT TAGCAGCGGA ACAAGGAGTC AGACATTTTA 120
AGATGGTGGC AGTAGAGGCT ATGGACAGGG CATGNCACGT GGGCTCATAT GGGNCTNAGA 180
GTAGTTGTCT TTCCTGGCAC TAACGTTGAG CNCCTGGAGG CACTGAAGTG CTTAGTGTNC 240
TNGGAGTATT GGGGTCTGAC CCCAAACAAC TTTCAGNTTC NNTAACATAC TGGGNCTTGA 300
CTGTTTTNTC TNGGTNCCNN ATGGGTCCTG GTTN 334

配列番号：5448
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06484
配列：
GATCTAGAAA GCCCTAAGCT CTCACCACTG GCTACCTTGA GCCTCTACAG AATNAGGAAG 60
TAAAGTCTAA GGCAGTTAAA 80

配列番号：5449
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06485
配列：
GATCGCANCT CCGAAGACGG AGAGGAGGGA AATGGGGCCC TTTCCCCTCT ATTGCATCCC 60
CCTGCCCGNC TCCTTCCCCG CACCCACGTG CCCTAGATTC ATGGCAGAAA ATGNCCAAAT 120
CCNGNGTATT TGTTGTANAT ANTTAAN 147

配列番号：5450
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06486
配列：
GATCATTGTA TATNACACAC ATGTATCAAA GTATCACATG TACTCCAAAT GTTTGTACAA 60
CTATNATATA TCATTAAAAA AATACAAANT AAAAAATGTA GCTATGAAA 109

配列番号：5451
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06487
配列：
GATCCAGTGT GCAGAAGAGC CAGCAGGGAA CCGGAAGCTC TNATGTCAAG GCCAGAGCAG 60
TTGAGANTGG GNCCCAGAGT AGATGCTGAC CTGGGCACTC CACCATTCCG GGGCCACCAC 120
AGAGATGCCA GCAGGATGCC ACTTTNCCAG CCCGACACAC GGACCTTTNT AAAGANCAGC 180
AACAGGCAGG AGAGGCAGCG TNTGNCCAGA TTGTTTCCCG TCATTGGGTG GCATNTGTTA 240
NCTAGCTGNC AAACANCTTC ANCCCGTGTA ATTN 274

配列番号：5452
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06488
配列：
GATCACGGCT CTTTTTAAGC CCTGGCAGCA TTTTGGTCCC TGCTCCTTGC CCATAGTAAA 60
ACAGCTTGAA ATATCCCATG CAAGAGAGTA GTTTCAAGTG GGCAACTCTG CTCTCTATTT 120
AAAAGCGTGC ACAATCAAAA GTACTATGCA ATTTTAGGAC AATAAAGANC ATACAGTTTT 180
AAA 183

配列番号：5453
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06489
配列：
GATCACCAGT GGGCACTAGA TGATGTNGAA GAAGAGCTCA TGGCCAAANA CCTCCACTTC 60
GAAGGCATGT TCAAAAAGGA ATTACAGACC TCTATTTTTT GAAGACCGAG CAGGGATTAG 120
CTGTGTCAGG AACTTGGAGT TGCACTTAAC CTTGTAACTT TGTTTGGAGC TGGCACCTCT 180
TGAAATAAAA AGGGAGGNTG CACGAGCTGG GCAAA 215

配列番号：5454
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06490
配列：
GATCAAAAAA TTCAATTTNC TACAAGTTCT NCTATCTGAA ATAAATAACA GACTCATTTT 60
TGACAATAAA 70

配列番号：5455
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06491
配列：
GATCANGNTA GTGGTGTCTG TCAGCTGTCT AAGAGGTTGG AGAATNAACT ACTCAAGATA 60
GTCACGAAAA NACTGAAAGT TTNATTTTCC TTTCCATATT TAAN 104

配列番号：5456
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06492
配列：
GATCCCAGTT ATCCTTGNAT CCATGTAATT TCAGATGAAT TATTAAGCAA ACATTTTAAA 60
GTGAATTCAT TATTAAAAAC TATTCATTTT TTTCCTTTGG CCATAAATCC NCTAATTNTC 120
ATTAAAATTC TAAGGTCATT TCAACTGTTT TAAGCTGTAT TNCTTTAATT CTGCTTACTA 180
TTTCATGGAA AAAANTAAAT TTNTCAATTT TAAA 214

配列番号：5457
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06493
配列：
GATCCAGAAT AACTTCTCCC ACTCATATCT NCAGTTCACC NAATGAAATN AATGGATAGC 60
AAGAGCCCNT TGTTCCCAGG ACTTTAAGGC AAAATATTAA AANTN 105

配列番号：5458
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06496
配列：
GATCCTTTTA TAAATTTAAA AAATTTAATG TTAATAAAGC GAGGTGTAAT TGTAAA 56

配列番号：5459
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06498
配列：
GATCCGNGAA AGGCTGAAAG GCCAGGAAGA CAGCCTAGCC TCTNCAGTGG ATGCTGCCAC 60
CGNACAAAAG ACCTGTNACT CCGACTGAGG CATGNCCTGC CCN 103

配列番号：5460
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06499
配列：
GATCNTGGAT NTAGAAGAGG TNACATTGCA CAATGTTTGA ATAAGGAAAC TATTGGAAAG 60
TTTTTCCAAG CTGACATTGC AGAAAATGCT TTGNAAAATT CCTCAGAAAC AGAAATACCT 120
ACTGTCAGCG TNTTAGCTGA TGAAGANTTC CTTCCCTNCA AAGAAAATAC ATTTGACCTG 180
GTGGTNNGCN 190

配列番号：5461

配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06500
配列：
GATCCCGCCC ACTCAGAAAA GGCGAGAAGG CTTTGTAATT TTCTACATGA ATCAAACACA 60
GAAACAACTT TTGGAGAAAT TAAATTCTGA GTGTNACTTC TGAAA 105

配列番号：5462
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06501
配列：
GATCTTCTTC ACACCAAGCT CTGTTTACAT TCCGAGAGTT GTCATGAAGA AAGTNCTNNT 60
CAATAAGNTT TTGGAATGTT AAA 83

配列番号：5463
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06502
配列：
GATCAGGACA CGAGGAAGAG TAAATGTGAG ACAGTCAATG TGACTTCTGC GATAAACAGA 60
TTTTTAAACC CCGAAATTTT GCAAAATTTT GGTGAACCTG ANCTTNCTTC GTTGCATATG 120
CTGGCACTAT CTGTACCATC ATACANCTGT CTCACATTAA AGCTATTTTC CTTGGGCAAA 180

配列番号：5464
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06503
配列：
GATCATCTCC CCTGGCAACG TGACTCTGTT TTTTGTGTGT GTTTCCATGC TGACTAGTCC 60
CCTACTGTTA ATATCACTAC TAATTAGGCT ATAACCAGGT CTTTCCTGGC CTGAGAAATA 120
TTCTCTTAAA ATNACCTTTG TTTTAATCTC ATTCATGATG TTGATTTTTT TTCAATGTGG 180
TGCAATATAT ACANTAAAAN TNGTCATANC TAAA 214

配列番号：5465
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06504
配列：
GATCTGTCCA GGGAGGTGGC TGAAGAGTGG GCATCTCCCT TAGGGACTCT ACTCAGCACT 60

CCATTCTGTG CCACCTGTGG GGTCTTCTGT CCTAGATTCT GTCACATCGG CATTGGTCCC 120
TGCCCTATGC CCCTGACTCT GGATTTGTNA TCTGTAAAAC TGGAGTAAAA ACCTCAGTCG 180
TGTAAA 186

配列番号：5466
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06505
配列：
GATCTTTGCT TCCTTNCTAT TATGTTTGTA CACAACACCT AAAACCAGTT TTGCTGCTAT 60
ANTTCTATAC TGTTGATTCG TCTGCNANNT ATCTGTAACC AAATAAACAT AATAGGN 117

配列番号：5467
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06506
配列：
GATCCAAACC AAAGACTGTA GAACCCTGGG GTGTGGCTAA CTGGCCCNTN CNGCACCCGT 60
AGCCAGGTCT TCCTGGCCCT TNAGGCTGGG CTGGCGGACA GGCACCTNCC TGTTCCTTAA 120
GCTGAAGCTC CCACACTGTC TTCCAGGGCT GAGGAGATGC TCTCCTTTTC TACTGACCAT 180
CTTGATACTT ATTTATACGA GAGNCAGTTG CTGGACGGGG TAGTACTGGG AAGCAGGAGG 240
CAGAATGGCT CTGCTGAGCC TNCNACCCAT GGNCAACANC CTAATAAAAC AGANCATTTC 300
AGAGCCAAA 309

配列番号：5468
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06507
配列：
GATCCCATAC CAGAAGATGA GAAAAAAGAA TAAGTGTTGC CTTGTTTTGT GTGTTCTAAA 60
TACTTTTTNT AATGAAAAAA TGNTTTTTNG TTTTAAA 97

配列番号：5469
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06508
配列：
GATCATCTAA ACTAAGTCCA GCTGCCTAAT TCTAGATATA TATATATATA TAGAGNTCCA 60
CCATAAA 67

配列番号：5470

配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06509
配列：
GATCTTGGGA AGTATTCCCA AGGAAAACAG TCCTGGGCAC AGTCTCCAAA ATAAATTCTN 60
AATTTTGGGA AA 72

配列番号：5471
配列の長さ：467
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06510
配列：
GATCCCATGG CTTTCTTTAC TGGGCTCTGG GGCCCCTTCA CCTGTGTAAG CAGAGTGCTG 60
AGCCATCACT GTTTCAGCAC CACTGGGAGT CTGAGTGCGA TTCAGAAGAT NACGCGGGTA 120
CGAGTGGTGG ACAACAGTGC CCTGGGGAAC AGCCCATACC ATCGGGCTCC TCGCTNCATC 180
CATGTCTATA AGAAGAATGG AGTGGGCAAG GTGGGCGACC AGATACTACT GGCCATCAAG 240
GGACAGAAGA AAAAGGCGCT CATTGTGGGG CACTGCATGC CTGGCCCCCG AATGACCCCC 300
AGATTTGACT NCAACANCGT GGTCCTCATT GAGGNCAACG GGGAACCCTN TNGGNGACAN 360
GTATTNAAGA CACNGTNCCC ACCTAGGCTG TGGNAGGGTG AAGGGCGAGT TTTCCCAAGN 420
TGGTGGGCCT TNGTTNAGAN CTTTGTGTTG NGTTTGGNNC NNGNTAN 467

配列番号：5472
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06511
配列：
GATCTTAACT NTCTTGACTG ATTTAAAAAG CTAATCAATT TATTAAAGCC AGANATGTNC 60
TCCTCTGGGA AAGCAATTTC TATCTATTTA TCTACCAATC CCCACTCACA TATATATGTT 120
TGTNTTTACA TAGAGATAGA TGGTTTTAAG GGTTTTCCTA TTGTTAAATT ATTTCCTAAG 180
ACATTGTGGG NTGGAGACCA CTAAACTTAT AAAAAACCAA GGAAAGTAAA GTTTTNCAAA 240
TGTTTATACT GTTTAAGGTG TTTATTTATN TAANCCATGC ATGGGGTNNC ATGCATAANT 300
NNNGNGGTTT AAATTTCACC AGTGANN 327

配列番号：5473
配列の長さ：70
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06512
配列：
GATCAAGGAA CTTGTGCCTG TCTATAGATT TTATTTCCCC TGTACAAATA AACTTGGCTG 60
CAATCCCAAA 70

配列番号：5474
配列の長さ：414
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06513
配列：
GATCTTGCAA GACTAAAATT GGCCATTAAG TACCGTCAAA AAGAGTTTGT TGCCCAGCCC 60
AATTGTCAAC AGCTGCTGGC ATCTCGCTGG TACGATGAGT TTCCAGGCTG GAGGAGAAGA 120
CACTGGGCAG TGAAGATGGT GACATGTTTC ATAATAGGAC TTCTTTTTCC TGTCTTCTCT 180
GTGTGCTACC TGATAGCTCC CAAAAGCCCA CTTGGACTGT TCATCAGGAA GCCATTTATC 240
AAGTTTATCT GNCACACAGC CTNCTATTTG ACTTTTTTGT TCCTGNTGNT GCTTGCCTCT 300
CAGGACATAG GCAGGTCAGG NNTGANCNGG GAAGGTCCAC CANCACCATC GTCGAGTGGA 360
TGATATTGNC NTGGGTNCTN GGNNNATGTG TTANNTAGGA AATGTNATAA ANCN 414

配列番号：5475
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06514
配列：
GATCAACAAT NAGCATCAAA TCTATGGCTC CTGGCTCCAG CANCAAGACG CAAGAAGACA 60
GGANGAGAAG CANGAAGTGA GACTGGAGGG AAAGGGAGCT GAGTCTNCTA GN 112

配列番号：5476
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06515
配列：
GATCATTCTT TTATAGAGCA TATTTGCCAA TAAAGCTTTT GGAAGCCGGA AA 52

配列番号：5477
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06516
配列：
GATCTAACTT TGCACTCTTT GATAATAATG TTTTAGATAA TGTGCGTAAT CCAAATTGGT 60
ATTGTAGCCT CTGTTAACAC AGACAGTATA TGTTTTAAAC TTTGATGTAA ACCTTTTNAG 120
ACCCAAACTT GTGGAAGTAT CATGTGTTAA GTNCTCTGTC TCTGTTTCTT TGTTCATTTA 180
TTACTAAAAT GAACTTGTTA TTAAAGTATA TGCAAATNTG AAA 223

配列番号：5478
配列の長さ：144
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06517
配列：
GATCCGGGGN AGCTGTATCC CCAGTAGAAA AAACATTTTA ATCACTCTAA TATAACTCTG 60
GATGAAACAC ACCTTTTTTT TTAATAAGAA AAGAGAATTA ACTNCTTCAG AAATAACTAA 120
TAAATGAAAA ACCTTTAAAG GAAA 144

配列番号：5479
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06518
配列：
GATCTTTTGA CGNNTATANA AATGTACTAA TGTNATAAGT TAATGCTGGN CATTTCATTT 60
ATATATATTT TTAAGAGGCT AGAGGCTTTT AGCTTTTTAA AACTCCATTA TATACAN 117

配列番号：5480
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06519
配列：
GATCTTTCAT TCTCATGCAG ATATTTCTAT TGTGGGCTTA TACATTTGNT CACCTATTGT 60
TGATGGNACT TGNGACTTTC CATTTTGGCG CTATTACAAN TAGGCACTAT GAATGACTGA 120
TGNACCACTT ACTTGAGCTT TATGNCTTAT TNTCAAAGCN GCAAAATN 168

配列番号：5481
配列の長さ：395
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06520
配列：
GATCAGTTAT GAAGAAGGGA AAGCTTTGGC AGAATCTTGG AATGCAGCTT TTTTGGAATC 60
TNCTGCTAAA GAAAATCAGA CTGCTGTGGA TGTTTTTCGA AGGATAATTT NGGAGGCAGA 120
AAAAATGGAC GGGGCAGCTT CACAAGGCAA GTCTTCATGC TCGGTGATGT GATTCTNCTG 180
CAAANCCTGA GGACACTGGG AATATATTCT ACCTGAAGAA GCAAGCTGCC CGTCCTCCTT 240
GAGGATAACC TATGCTNCTT TTTNCTCCTG TTAACCTGNA AGATATCATT GGGNTCAGAG 300
CTCCCTNCCT TCAGATTATG TTACCTCTGA GTCTGTCCAA TGAGTCACTT CCATTTCAAA 360
TTNNNNGCAT CNNTTTNCAN TGTGTATGTN GNATN 395

配列番号：5482
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06521

配列：
GATCTTCCAG AGAAGGGAAC ATCTGTCACA GACAATGACT GTATCTGTNT AGATATTTCT 60
TATTTAATAA AGACGATTTG TCAGTTAAA 89

配列番号：5483
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06522
配列：
GATCAGAAAT GCCTCCTTTA CCTACCAGAG CCTACAACAC TACCTGCCAC TAATAGTTAT 60
GTCACCCTCT TATTAATCAT CATCTAGCCC TAAGTCTGGN CTATNAGTGA CTACAAAAGA 120
TTAGCTGAGT GAATAAA 137

配列番号：5484
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06523
配列：
GATCAGGGGA AGAATACCAA CCTGCATAAG TGTACTAANT CTACGTCTGG TTAATGTATG 60
TACTCTCCTG GACTGAATGC AGTGTATAAT TCCTGTCTAC ANTAGAAGTG TGCCCCAGTT 120
CCACATTTGA TTACACATGT GAGATTTGCT GCTGTTGCAT ATAACACTAG GNTAATAGNT 180
TTGNATNCAT GCAGTCATAA AAATTGGAAT GAGAATTAAN CTGCAGGAAC ATTTGNACGN 240
TNTCTNCNCN 250

配列番号：5485
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06524
配列：
GATCAGAACC AGAAAGAACT NTGCTTNACC GAGAAAATAT CTAAACATCG AAAAACTTAA 60
ATATTATGGA AAAAAAACAT TGCAAAATAT AAAGTAANTA AAAAAAGGAA GGANCNN 117

配列番号：5486
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06525
配列：
GATCTAATGC AGGATGTCAG ACTTNTNTCT ATCCAGGAAT AAAACCAGTT ATGCCAGAAG 60
TAACTATTAT NCACCTNTCT CCTACTGAAT TAAAATACTA TCAGTTGTAT ATNAAATN 118

配列番号：5487

配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06526
配列：
GATCACAGTT TTCAGCANNT CAGACATGGT CTTGNGTAGT TGTTCAACAG TGTTTGCCAG 60
CTACAGAGGA AANGNCAGAC TCACAGAAGG GTGTCATTTA GAAGAAAGAA CACTAATN 118

配列番号：5488
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06527
配列：
GATCCTCAAC GAAATCAATC TCACAATAGG NAAGGAAAAG NCAATACAAG GAAGAAACCA 60
TTGAGAAGAT GCAGAATAAA GTAATCTTAT ATACANGCTT TGATTAAAAC TTGAAACAAA 120

配列番号：5489
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06528
配列：
GATCGCCATC ANTTGGGTAG TGACAGNGTA TTAATTTGCT TATACANTTN CTTTACTNTC 60
CTTTTTTCCT TTCTGGAGCA TCACATGCTG GTGCTGTGTC TTTATAATGT N 111

配列番号：5490
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06529
配列：
GATCCTACAG ATACAAGTTG CTAAANGGGC ATATCAACAG TCCAACAAAT AAAGAAGATG 60
CCTGGATTGA GCATGATGTT TGGAGATGGA GATTTATGTG TCTCTGGGAT TGTGGGTTGG 120
ANTACTGGTC TGTGGCTGTN ACANCTATTC CTCTGTGAGT GACTCTTGCA TGGAGAGATT 180
CATATATTCA GGCAGCTAGG ATTGTTCCTT CTACTGGGAC ATACACGATT GANTTTNCTG 240
AATANGGGTA GTTAANCATT GTATGTTACN CNCACTTTTG TGCTTTTCCT CCATTGTGCC 300
NTATTAACGC TCTTTCGCNT CTGNGAGAGT CTGAGTTAGC TGGTGGAGCG CCAAATACAA 360
CTGGTTGTCC GTGTGTNCTT TCCCTTTGTC ANTGGTTTGC CACATCAGTT TGTGNTGTAT 420
GN 422

配列番号：5491
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06530
配列：
GATCCCCCAG ATACCAGCTC TTCTGGNTAT ACACAGACCA GCTATAATTN GCTAAGCATA 60
AANTATTNCA GTGTATTAGC CAGCNGTGGC TCCAGAGTCT GTGCCCTTGA CCACCGTGCC 120
CAACTGTTTC ACATGCTGTG TTTGGTAGTT TNNCCTAGTG CTCTCCTTAA TAATGGTGGT 180
GTNTAGCAAA NN 192

配列番号：5492
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06531
配列：
GATCATTAGG TCAGAGTTTA CACGNCCTCT CGTCACTAGA ATCCACCCAG CCCACGAATC 60
ATCACCCNCT TGAAGGACAT TATTACTACT GNAANTTNGA ACAAACTN 108

配列番号：5493
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06532
配列：
GATCCATCCA GAACAGCGGT ATCTGAAGCC CAGGCCATAC TCCCTGCCTC CTTNCTTCTG 60
CCTACCAGAG GCTCCANAGT TGAGCTTGTC CNTTATCTAG AAACATGTGA AGATGCCCAA 120
GAGCCTGGAG GCACTGCTGT CCTTCCTNCA GAAACAGTTT CTCCTCCTNC CCTCAGCCTT 180
GTGGCCANTT CCNCTTCACA TGAAGCCCCT TGGCATTTNC TNGGGAAGGG ACTNGCCTGG 240
TACTTGCTGT TAGGGCAGGA AGGGGCAAAN GGNNGACTTT GGGTAAGTAA TCTGGGGGGT 300
TTAGATGGGN AGCANTAAGC CAGCTNGGN 329

配列番号：5494
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06533
配列：
GATCATGCTT GTNTNAGGCA ATCATGGTGG CATCACCCAT AAAGGGAACA CATTTAACTT 60
TTTTTNCTCA TATTTTAAAT TACTACANGA TTATTAAAGA TAAAATNATT TGAAAAACTC 120
TTAAA 125

配列番号：5495
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06536
配列：

GATCATGAGA CTGAAATTGG TCAGAATTGT GTCCAGAATG TGCTCAGCTA ATTCAGTATT 60
CTTCCCCATT CTGGGTTGGA GTTTACTGCA GAGTAATTCT TACAGTGCTG ATGTCAAGAC 120
TGTTACTGTT CTTCGACTTT GATTCCTTGC TCATGACATG AGTAGGGTGT GCTCTTCTGT 180
CACTTCACAC AGACCTTTTG CCTTTTTTAG CTGCAAGTCA AGGACTAGGT TGATGATGCN 240
CATGACCTGT AATTGTAAAG ANGCTTGGNC ATCTGCAAAT GATATTNAGA CCATCTNGGC 300
TTGTGCTTNN ATTCAAACTA ATGTGAACCA ATANGTN 337

配列番号：5496
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06537
配列：
GATCCATGAT GATAATTAAG AGAAGAGAAA AAAAGATATT ATTTTTGTNA GGACAAACCA 60
TTGTAGGTTT TTAGCAATGT GTATCTGTGT GTCCCTCACA CCTTTTCCTA TTCTACTTTT 120
TTTTCCTTTT TTTAAAAATA TTATGTACTA TATTTTNAGT CTCAAACACA CTATATATTA 180
TATATNTNNN NNNN 194

配列番号：5497
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06538
配列：
GATCATTTCT AGGCAAAATT GTGAAGCTAA TGACCAACCT GTTTCTACCT ATATGCAGTC 60
TCTTTATTTN ACTAGAAATG GGAATCATGG CCTCTTGAAG AGAAAAAAGT NACCATTCTG 120
CATTTAGCTG TNTTCATATA TTGCATNTCT GTATTTTTTG TTTGGATTGT AAAAAGTTCA 180
CATAATAAAC GATGGTTGTG ATGTAAA 207

配列番号：5498
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06539
配列：
GATCCAAGTG ACCAAAGGAG TTCAAGGCCC AAAATTTAGT TATGCTGGAT TAATTCTGAG 60
AGTAACAAGC ACATAGATTA TAATCTAAGA AAACCCTTTG TAGCTATGCA TNGTCGGGAG 120
AGCATCTAAC ACTAATGGTG ATGTTTCCCA TGCAGAGACT CAGATTACAG TGACTCTTCC 180
AGTGAAGACA GATGAAAGCC ATTGGGCATT GTNCCTTTNT TAATCCAAGC TAAACTANCC 240
AAGGATATAG GGGTGTGTAT GTGTCTGNGT GTGTGTGTTT GTNTGTGTGT GCACATACAT 300
NTNTAGGTAT GGTTGTTGGN 320

配列番号：5499
配列の長さ：115
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06540
配列：
GATCTGTCTT GGTCGTTTGT GTTATAAAAC CAAAGTTCTC TACAGACTTT ATTTTTGTAC 60
AATATCATTT TGTAACTTTT TACAAATAAA AACTCATTTC TATTGCTCTC TGAAA 115

配列番号：5500
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06541
配列：
GATCACTTAC GGAGAAACAG GAGGAAATAG CCCTGTCCAG GAGTTCACTG TGCCTGGGTG 60
CAAGTCTACA GCTACCATCA GCGGCCTTAA ACCTGGAGTT GATTATACCA NNACTGTGTA 120
TGCTGTCACT GGCCGTGGAG ACAGCCCCGN AAGCAGCAAG CCAATTTCCA TTAATTACCG 180
AACAGAAATT GACAAACCAT CCCAGATGCA AGTGACCGNT GTTCAGGGNA GCAGCATTAG 240
TGTCAAGTGG CTGCCTTCAA GTTCCCCTGT TACTGGTTAC AGNGTANCCN NCGCTCCCNA 300
AANTGGGCCA GGAN 314

配列番号：5501
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06542
配列：
GATCTGGGTT TAGAGTGTGT ATGATTAATA AATATACCTT TCCTCTTTTC AGGGAAAATA 60
ACAACCACCC NTACTGATAG TTGGGAAAAG AAGATTGGGT TATTTTNCCA TATCATTTAG 120
CTGGAAGTGA CATTTAAAAG CACCCTGCAT CACTAGTAAT AGTGTATTTN NCTATTCTGC 180
CCTTGTAATC GGTGTCCCTG TAAAACANTC CCCACAGATT ACTTTCAGAA ATAGATGTAT 240
TTCTCTNCGT AAGGGCCAGG TTTATTTCCT CCTTTTTTGN GATNNNNGGN GGAAANTGCT 300
GCTTGCACAT TN 312

配列番号：5502
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06544
配列：
GATCATCCTG TAAACATTTT ATCATGTATT AATCATCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
TCANATCTCT ACGCTGGAAA CTTTCTGCCT CAATGTTTAC TGTGCCTTTN NTTTNGCTAG 120
TATGTGTTGT TGAAAAAAAA AACATTCTCT GCCTGNGTTT TAATTTTGGT CCAANGTTAT 180
TTNAATCTNG TACAATTAAA AGCTTTTGCC TATCAAA 217

配列番号：5503
配列の長さ：334

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06545
配列：
GATCAGGTTG AATGAATGGA ACTCTTCCTG TCTGGCCTCC AAAGCAGCCT AGAAGCTGAG 60
GGGCTGTNTT TGAGGGGACC TCCACCCTGG GGAAGTCCGA GGGGCTGGGC NAAGGGTTTC 120
TGACGCCCAG CCTGGAGCAG GGGGGCCCTG GCCACCCCCT GTTGCTCACA CATTGTCTGG 180
CAGCCTGTGT CCACANTATT CGTCAGTCCT CGACAGGGAG CCTGGGCTCC GTCCTGCTTT 240
AGGGAGGCTC TGGNAGGAGG TCCTCTCCCN NATCCCTCCA TCTTGGGGCT CCNCCAACCT 300
NTGCACAGCT CTGCGGGNGC TGAGATATNA ATTN 334

配列番号：5504
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06546
配列：
GATCTTTTAA AGGTTTTNAC CATTTTGTNA TGAGGAATTA TACATGTATC ACATTCACTA 60
TATTAAAATT GCACTTTTAT TTTNAAA 87

配列番号：5505
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06547
配列：
GATCCATCCC ATGATTTGTN CCTGTCTGAG GCATAGAGGC AGGCAAGCCG TGGATTTTNC 60
ACATGGTGAC TTTCCCACTG TGCCATGATA CAGTGTGCAT CTTATAGCAG TGCCTTTNTG 120
TCAGGGTCTC TGCTGGCAGT CTAGACCTTT TGGGCAGAAA GGAGCTTCAA ATGGCTGTGA 180
TAAGGAATAT TAAAAATNGT GTTTCTACTT TAATTGTATT GGCTGTTCAT GTATGTAGGA 240
GTTAAAATAG GCCAAACTGG AGAAATAAGC GCATTCTGTC CACCANAAAN GTGGNTTGGN 300
TGGTNNNTGT NNGNTTNGGN GGN 323

配列番号：5506
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06548
配列：
GATCAAGTTG CCATGAAAAA CCATCTACTA TATGTNAGAC ATGACATTCT NTTTCTCTCC 60
TTCCTGAAAA ATAAAGTGTG GGAAGAGAAA 90

配列番号：5507
配列の長さ：102
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06549
配列：
GATCTTACTT TCTTGCTGCT TTTCCAACTA TAATCATTTT GCTCTTGCTT TAACAAAAGN 60
NGNGGCACAG NAATTTAGTA AATTTGTGTA ATAACATTTA AA 102

配列番号：5508
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06550
配列：
GATCTCACCA CTGCACTATA GCCTGGGCGA CAGAGCAAGA CTCCCGCTCC AAAAAANGGA 60
GAAA 64

配列番号：5509
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06551
配列：
GATCCACAAA TCGCTAGGAA TGTGTATACT CTGGGTAGTA AGTTTGTAGT ATTAGAAGGT 60
TTAATGACAA GTATTTGAAG AGCTGAAGTT AAGTGTTGGG AGGCCATCCC TTATGAAGGA 120
CAATGAATGG CAAGTAAAAG ACCAAGTTCT GTTCCTGGGT CCATTAATTT AGTTAAAANG 180
GCAAAGTTCT TTCAGCACAC ATATCTGCAT GCAGTCACGT GCTGCCTAAG GNTGCTTCAT 240
TCAACANTGA GCCTCACAGC CGTGCTACAC ANTAGGATAN TACTGTATTT TTNCTGTACC 300
TTTTAACATT GTGTTACAAT GGCCTACAAG AGGCTTGTGT GGNTGGCTTT NNNTGTGGGN 360

配列番号：5510
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06552
配列：
GATCATCCTC ATTAGCACAC AGATTTTNAA AAATCAATTC TCTNGCCATG CCTCCTATGT 60
GTTCACATCT CTGCATACAC TACAGATATA AGTGCATAAT CATTCATATA NACATCTGGT 120
AGGTATTCTG TAAAACTGTG TTTACTTTAG TGCATGTNAT TGTCATGTNA TGATGTGACT 180
GGGGTGTTTC TTTGTGCATG AAACTTTGCT TCTNCACAGA NTTAGATTAC TGCTCTCTCT 240
ATATNGANCT NCATATACAG CGTTTTCTTG TTATCAGCCC CCCNAAGTCT GGGATGCCCG 300
GTGGTTGGTG NTGACATGTG AGTGGTGNCC TGGGNGGTCT GNTNCACATA GGGGCNN 357

配列番号：5511
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06553
配列：
GATCTTTTCA GCTGCTATTT TGGAATAATG ACTATCATAT ATCATAACAG TGACTGATGT 60
TGGTTGTAAT GGTTGGGTTT AGGATGAACC ATTTTAAGGA TGCCAAATNA AATATTAGTA 120
TTTGTACACA GTAAGAAA 138

配列番号：5512
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06555
配列：
GATCCCAGCA GGGNTTCTGC TCTGGGGCTG GCAGGTTGCC TGGTATTATG CCCAAGGNCG 60
NTCTGCCTGG GGGAAAGGGC AGCCAGGCAG AGGCCCAGTG TCTAGTAGGC NGCTGAATTT 120
CCTGGAAGGG GTGATTGGTT GGAAAGNGGN CAGNAACCCC AGCCTNN 167

配列番号：5513
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06556
配列：
GATCCCTTGG AGCACCTTNA TGCCTGGGGT TTCTCTCCCT AAAGCTTCTT GCAGTCTAAG 60
CCTTATCCCT TATGTNCCCC ATTAAAGGAA TTTCAAAAGA CATGGAGAAA NTTGGGAAGG 120
TTTGTNCTGA CTGCTGGNNG CAGAATAGCC GTGGNAGGN 159

配列番号：5514
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06557
配列：
GATCTGGACA AATGGCAAAT AATTTGGGGT TGAATTATGG CCCAGAGAAG TAAGCAAATG 60
NAAAACTAAA CANTTATAAA TGTATCTGGG AAGCAAAGGT ATTCATANTA NGTCCCATGG 120
CCAGCTGCGA GCAGTATTTA ACTAGACATG CTGTTGTCAA TANNNNN 167

配列番号：5515
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06558
配列：
GATCGTCCCC CTTTNTGGGC TGGAAAAGCA GGTGAGGNTG GGGTGGGCTG AGGCCATTNC 60
CGCCACTATC TGTTTAATAA AATCCGTGAG CACGAAA 97

配列番号：5516
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06559
配列：
GATCCTCCGG AAGTAGTCTC TNCCCTCGGC AGCGGAAATA CTGATTCCCA CTGCTCCTNC 60
CTCTAGGGTG CAGTGTCCGT ACCTNCTGGA GCTGGNCCCT CCTTCCCCAN CCCAGACATT 120
GAGAAACTTG GGAAGAAGAG AGAAACCTNA AGCTCCCAAA CAGCACGTTG CGGGAAAGAG 180
GAAGNGAGAG TNTGAGTNTG TGTGTGTNTT TTTCCTATTG ANCAN 225

配列番号：5517
配列の長さ：340
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06560
配列：
GATCATTAAT AAAGCTTTTC TTGGTTCCTT CAGTGGTGTT GGTAGTAAAA TGGAAGGNGT 60
CTTGCTGCAG GTAACTAATG AAGANGTGGT CAACCACAGA GTCTTCAAGA AATAAGAAAT 120
TCTGTACCAN CTGAAAGTAG TGCTTGTTGG TGCCTTCNTT TAAAAAGCAC TCTTTTAAAT 180
AAAAGGGAAA TGTTTTCTGA TAAACCAAAC ATTTAGTTGA GGTTCTTGAT ATAAAACATT 240
TACAANNTGA GTGTTGTNTG TAAAGCAGTA GCCNTCATTA TTGGCTAGNG AGNTAAATGN 300
GTCANGTTTT ANCTAGGTTT TNGTGAGTNG NCAGGTTTNN 340

配列番号：5518
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06561
配列：
GATCAAAGCC AGTNTTAAAT GGGAGACCGA GCGAGCGCGG CAAGTGCTGG AACACCTGCT 60
GAAGGAAGGG TTGGCGTGGC TGGACTTACA GGCCCCAGGG GAGGCCCACT ACTGGCTGCC 120
AGCTCTCTTC ACTGACCTCT ACTCCCAGGA GATTACAGCT GAGGAGGCCA GAGAAGCCCT 180
CCCCTGACTG CATGTGGAAG GGCACACAGC AGCAGGCAGG GAGGAGGCGG AGGTGGCAAA 240
TAAACCTGGG CAATTTTGTT TATACAAAAA ATAGAAGAAA AGTTCCAAGT TTTTCTTTCT 300
TCCCTCATTC TTTTNTTTTT GAAAAAAGAN 330

配列番号：5519
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06563
配列：
GATCTCATGA TGATTCANAC CACAGNCTGG GNTAAAGATG TCTTGACCTC TGAGGCTAGC 60
ATAACATATA TNAGAATACA NCTTGCCTAT TTCCAGAAAA TCTGTATATT N 111

配列番号：5520
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06564
配列：
GATCAGCTTA CTGAAAAGAA GCCTCCNNAG TATTCCAAAT ACAGATTACA TCCAGCTGCT 60
TAGTGAAATT GCCAAGGNAC AAGGNTTTAA TATAACATAT TTGGATATAG NTGAACTGAG 120
CGNCAATGGN 130

配列番号：5521
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06565
配列：
GATCNACAAT NTGAATATGT GTTACTTAAT AAGGCTAGGC TGGCCATCAG TNGCTTANTT 60
CAGATGTGTC ACTAAATTTC CCNTCTAGAT GGTCCTTGAG CAAAACTTAA TAN 113

配列番号：5522
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06566
配列：
GATCATCACA GTTTGAGTTT GACCCCAATG CCAGGATGGT GACACACATA TTAAAGAGTA 60
ACAGCTGGTT ACATTGCTAG GCGAGATAGG GGGAAGACAG ATATGGGTGT TTTTAATAAA 120
TCTAATAATN ATNCATCTAA TGTATTATGA GCCAAAATGG NTAATTTTTC CTGCATGTTC 180
TGTGNNTGTN GAAGATGAGC CTTGCAGATA TCTGCATGTG TCATGNNGAA TGNTTCTGGA 240
ATNCTTNACT TGCTNTTGGA NTTGCACTGG N 271

配列番号：5523
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06567
配列：
GATCTCACTT TCCCCTTGTG GGGTAGGAAC CGATGCCAGT GGGAGGGATG TGCCCCTGAC 60
CATTAACGAC TGTTTTTTTT TTTTTTTTTA AAAAAATGGN GTTNTTGGGN GGGGNAATNC 120
ACANAN 126

配列番号：5524
配列の長さ：156
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06569
配列：
GATCACGGGA ATGCTGCTGG AGATAGACAA CTCTNAGTTG CTGCACATNT TAGAGTCCCC 60
CGAGTCTCTC CGCTCCAAGG TGGATGAAGC TGTAGCAGTT CTACAGGCTC NTCATGCCAA 120
GAAAGAAGCT GCCCAGAAGG TGGGCGCTGT TNNNNN 156

配列番号：5525
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06571
配列：
GATCCTTCTA GACCAAGGAC CCATTGTTAA AAGCATGGAT TCTGCCTGAN TTACTTCCCT 60
TTTGAGAAAT CATATCTCAA ATACATAACC TGGTAATATA ACTGAAAAAA TAAAAGTGAT 120
TGCTCCTTCC AAA 133

配列番号：5526
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06572
配列：
GATCCCTGCT TCATAGATTT GCATCATTCA AGCATATCTT GTAAAACAAA CACATATTAT 60
GGGACTAGGA AATATTTATC TTTCCAAATT TGCCATAACA GATTTAGGTT GCTTNCCTTN 120
CTTTGAAGGA AAGTTTAATT ACATTGCTCT NNNNNN 156

配列番号：5527
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06573
配列：
GATCCTAGCT GCAGATTGCA TCCCACAATG CGAGAATAAT AAAATAAAAT TNGATATTNG 60
AAA 63

配列番号：5528
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06574
配列：
GATCNATGGT GTGACTCAAG CTCCNCCTTA CCCAGGGGGG GTAAGGGCAG GCCTCTAGCT 60
ACTTGGAGTT GTCTGTAATA ATCTNGAAAG GCCCAAGGGC CTGTGCCCAT CCTGACTNAA 120
AGGNATCTCC TTCCCTGTTT CATATCACAT GACAGAGAAA CCTGTTCTCA TGGCATGNAA 180

CATCCCTGTN AAGAGAGCGT TGNCNNN 207

配列番号：5529
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06576
配列：
GATCTTGCAC ATGAAGCTAC AAAACTGGTA AGAAACAAAT GGCACATGTG NTGGGAATGG 60
AAGTCAACCT TTTTGAATTT TTCAAATGTA AGTCAGTCTG GAAAATCCCA GTAAATTGGT 120
ATATTTGTTT TGGGTTATTT TTGAAGACCT CTTTTAAAAT TTGCCTAAAA TAAATNCTCG 180
GTATGCTAAA 190

配列番号：5530
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06577
配列：
GATCCGCCGC CAGAAAGGTT ATGCATCATG TGCCACAGCC TCCAAGGTGC CCATCATGGA 60
ATNTCGTGGG GGCTGTGGGC CNANTGCTGC CAGCCCACCC GCAGCAAGCG NCGGAAATAC 120
GTCTTCCAGT GCACGGNTGG CTCCTCGTTT GTAGAAGAGG TGGAGAGACA CTTAGAGTGC 180
GGCTGCCTCG CGTGTTCCTA AGCCCCTGCC CGCCTGCNTG CCACCTCTNG GACTCCAGCT 240
TGATGGAGTT GGGACAGCCA TGTGGGACCC CCTGGTGATT CAGCATGAAG GANATGAAGC 300
TGGAGANGAA GGTAAAGGAG GAAGAGANTA TTANGTATTT N 341

配列番号：5531
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06578
配列：
GATCTNTTCC AACAGTTCTN TGTAAACCAA ATGCTATTTT TCANTGCATT TGGACTGCTG 60
ACCATTTAAA AGCAGCCTAT GATTGCTTCT TTTTGTAAAG CAAGCAACCN GCCTCCACTT 120
TAGCTGTTTT NACTATTNGA TNTN 144

配列番号：5532
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06579
配列：
GATCCTAAAA CGAAGAGAAT TTTGACTCTC CAGAAAGCTA ATAGCTGGTT CAACTGCAGG 60
AAAAATTGAA CATTACTAAT TTGAATGGAA AACACATGGT GTGAGTCCAA NGGAGGTGTT 120
TTCCTGAAGA NCTGTCTATT TCCTCAGTCA TTTTTAACCT CTAGAGTCAC TGATACACAG 180

AATATAATCT TATTTATACC TCAAANNGAN TNANANGGGG NNNN 224

配列番号：5533
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06580
配列：
GATCTNCCTC NACACCTNGG GCAAAGTCTA TGCGAAGATG GTTTCTTAGC TCTCCATTTG 60
CCATGATTTT CCTCCCATTC ATCATGAGGG AGTTTCTCAA ACCAGGAGTT NATATTTATT 120
TNTNAGAAAA TACACACTTT TCAGGAGAAA CCTGAGCATG ATTTTGGATT CTCCACCTCC 180
CCCCAGTCTC GGNNNCTGGG ATTCAGCTCA AGGNTTCAGT GTCTTCATTT TTACAAAAGT 240
TCCCCCAAGA AATCAGCAAC CAGCCTCTGT TTCATCTGGG AGCCCCTCCC TNGGNCCCCT 300
GGGTTTTGGG GGGTGCTGNC CTACTGGGGG AACAGCGGGG GGTGN 345

配列番号：5534
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06581
配列：
GATCATNTTG GAACCAGACA AGAATCCAAA GAAAATAAGA ACACAGACCA CCAGTGCAAA 60
ACAAGAAAAA GCACCAAGTA AAAAGCCAGT GAAAAGAAGA AAAAAGAAGA GAGCTGCCAN 120
TTAAAGCTAA CAGTTGTATA TCTGTATATA TAACTATTAA AAGGGATATT TATTCCAAA 179

配列番号：5535
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06582
配列：
GATCAAAGTT AAGNTTATAT CCTGTTTGTA GTATCAGATA TNTTCCTGTG TACAATTATA 60
GGATTGTAAT CTACACTGGA ATTTTNAGGC AGTAAGTCAC CACAAAATGT TTTAGATAAG 120
ACACAATAAA ATTATTATAA ATAAAAGCTT AATGTTTGTA AAAANTCTCT TTTTTAGTAT 180
TTCTTTTTTC ACATGNAAGN NGTGGTGGCT GCTAAANAAA NAGCTACAGT GTTTATTANG 240
GGTCGTTTTG ATTTNTGTNA NTCTTTGTAA ATTGGTCAGT GCCTGTN 287

配列番号：5536
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06583
配列：
GATCCCAGAG GCTCTCCTCA CCTCANCTGA GCTCCTTTAA AAGTAATTCA AGGGACTATG 60
TCACTCAGCC TCATTTNCTG GACCAAATCT GGAGGGAGAA CCCCTAAAAC CCCTAAGTAA 120

GGTTGCCCAG GGGGTTGTCC CCAGGTGGGG GGAAGCAGGG GAGAGAAAAT GGTAGCCATT 180
TTAACATTGT TTTGTATAGT ATTTATTGAT TCAGGAAACA AACACAAAAT TCTGAATAAA 240
ATGACTTGGA AACTGAAA 258

配列番号：5537
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06584
配列：
GATCGCTTGA GGCCAGTTCA AGACCAGCCT GGCCAACATG GCGAAACCCG TCTCCACTAA 60
AAATACAAAA CTTAGCCAGG CGTGGTGGCG CGCGCCTGTA ATCCCAGCTA NTCGGGAGGC 120
TGAGGCAGGN GAATCGCTTG AACCCGGGAG GTGGAGGTTA CAGTGAGCCA AGATTGCACC 180
ACTGCACTCC GGCCTGGGCA NCATNGCGAG ACTCTGTCTC AGNNAGGAGG GGGGGGTTNN 240
NNTANTNN 248

配列番号：5538
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06585
配列：
GATCCTGAAA GAGGACAAAC TACATTGCCT TTTAGACCTN TGACTCAAGA AGAAGATGAT 60
GACCAAAGGT GATTTGTAAC TTAACATGCC TTNTCCTGAT NTTGAAGGAT TTGTGAAGGG 120
AAAAAAATTC TNGGCTCTTT GTATATAATA AAATGAGACT ANANGCATTC TNNAAAAAAA 180
AAAAGATTAA NTTTAGAN 198

配列番号：5539
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06586
配列：
GATCCCCACA CTTACTCTAC CCTCTNGGCA AATTGGCATT CCGGTGGTGG GTTTTGTNTC 60
CTTTAACACA TTAAATAAAT NAGTATATAG GATGTGAGGG GAGGGGTGAG ANCAACTAGC 120
TGTAGCATGT NTAGGCTATA TACTTTACCA NTTGACTTCT TTCCTGTTTT TNTTTNAAAA 180
NAAAAAAN 188

配列番号：5540
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06587
配列：
GATCTGGGTG TGCTCTATGG GGAGTNCTGA CGTCAAANAG CAAATGTCTA TAAGGGGCCC 60

TTTTAAAATN AACATTTTCC TCATTGAGCA AGCNTGGATT CTCTAATGTA GAAATCAAGC 120
CATCTTNATA ATTNCACN 138

配列番号：5541
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06588
配列：
GATCCTCCCA CCTCAGCCTG CTGAGTAGCT GGGTCTACAG GTGCACACCA CCATGCCTGG 60
CTAAAGGCAT GTCTGCATTT ATGCGAGGTG TGTTGACCGG GTGGGGAGGG AGCTAGGACT 120
GAGATTCGCC TGTNTAAAAT GCACAAAAAG GGTTTGCTAA GCAAATTGAT ATTTGAACTA 180
AAAGATGGAT TAGGGTGAGA GACTTAGTTT ANTCAGGAAT AGTNGCAGAG NCANCCACAN 240
CAANAANTGN ATTTCCCTGN GACAGCCGTT TGTACGTACA GCAGGGNNCT GGTTTACAGN 300
TTTCACGGAG GGNGGNTAGG GTTCTTNTAC TN 332

配列番号：5542
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06590
配列：
GATCAAATNA TTTGACTATT GCTAGACATT TCTATACTCT GTTGTAACAC TGAGGTATCT 60
CATTTGCCCA TGTTAATTTT TTTCTAAATA AATTGACAAA AACAAA 106

配列番号：5543
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06592
配列：
GATCACAGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGGAGAGA ATCATGCTGT 60
TGCATNTAGA NCTTTCTGCT TTGCACAGGA AAGAGTCACA CAATTAATCA ACATGTATAT 120
TTNCTCTATA CATAGAGCTC TATTTCTCTA CGGTTTTATA NAGGCCTTGG GGNTCCAACC 180
AGGCAGTAAG ANGTGCTTCT GAACCGCAAG GGGCGNACGA CTGGAAGTAA AATAGTTTGT 240
TTTTCNCANT TCGNGGGNAG GGGNNGGN 268

配列番号：5544
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06593
配列：
GATCCAATTA ACAAATTCTG CACTGTGGCA ACTNAACGAN ATTATGCTTT GGACAGCTTT 60
ATGTGTGAAT GTAAGAACAT ATTCTNAAGA AATGCTGTAA CTTTATCCCA TATANCTTCA 120

TANGAATTTC TCTATAGGCT TGGNATTTGC AATAAAAATA GAGGATATGT TGGCAAA 177

配列番号：5545
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06594
配列：
GATCANACAG CCTACANCCA GCCCCGAGTG TGCATCANGG TAAAAGAGCT GAGGGCTCTC 60
TNCAGGGAGC AGCCCATTTA GGTCTCTGTN GTTGTTGTTA GGGAN 105

配列番号：5546
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06595
配列：
GATCATATNA GACGAGNAAG AGGAAGACCT AAAAGTGCAT CTGCCAAAAA ACATGAGGAA 60
GAAAGTGAGA AACAGGAAAA GGAAATTNAC ATCTATGCTA ACCTGTCTGA TGAAAAGNCT 120
TTCGTGTTTT CAGTCGCCTT NGCAGCNNN 149

配列番号：5547
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06596
配列：
GATCAGTGTG AGTCCTGAAG CACTTTNAGN GCTGTGNGAA CGACATCCAC TTTGGGTTTC 60
ATTCGTTTGT AAGCAGAGGA GCTGTCAGTC ACTCGTGCTT GTCGGTGGCC TCTGAGCCAT 120
GGTGTCGAGT GAAGAGTAGT TCTTGTTTGT TACAACCTTT GTGAGTCAGC CATGCCCGCA 180
AAGCGTGCTG TGTTTTAGTC CTGGTAGGAA TATTTATNAG AGTTCACACT ATGTAAAACC 240
CAACNGCTTC ANCTATTGCC CTTTCAACAG TTTTGCCACT GACCGGATAG AACCGGTTTC 300
AGTCTCTGGA TGGGTGTGTT TGGTGGGTTT GTAACCATTG ACGGGTTTAA ANCCATGGGT 360
TTNAAGATTT GGCCCAAATA ACCAGNAATT TTGTTCCGGG GAGGGGGTTN N 411

配列番号：5548
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06597
配列：
GATCATAAAA GGCTATTATC TATNCTGGGG AACGATTATA ACTTAAATAA TTATTTTAAT 60
AAAAATACTA AGCTNNAAA 79

配列番号：5549

配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06599
配列：
GATCATCCTG CAAGTGCTCT NGTGCCTAGG ATTCATCTTT CTTTTCACCG TAGGCCCTGA 60
CTGGCATTNT ATTAGCAAAC TCATCACTAG TCGTNGTNCT NN 102

配列番号：5550
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06600
配列：
GATCAAAACG ACGAAGAAAN GNCNCANAGA CTCAAATAAG GACAGAGTGA TTTCCAATAA 60
TGTTCAATAG ATTTAGGAGC AGAAATGCAA GGGGCTGCAT GACCTACCAG GACAGANCTT 120
TCCCCAATTA CAGGGTGACT CACAGCCGCA TTGGTGACTC ACNNNN 166

配列番号：5551
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06601
配列：
GATCTCAGTT TCAAATCTCC CCAAGCTGCC TAAATTGAAA AAGCTTGAAC TCAGTGAAAA 60
TAGATTCTTT GGAGGTCTGG ACATGTTAGC TGAAAAACTT CCAAATCTCN NACATCTAAN 120
CTTAAGTGGA AATAANCTGA AAGATATCAG CACCTTGGAA CCTTTGAAAA AGTTAGANTG 180
TCTGANAAGC CTGGNCCTCT TTANNTGTGA GGTTNCCAN 219

配列番号：5552
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06602
配列：
GATCTCTTNG CGACAGTACC AAGCACGGTT CTCTACACAG GTGACTNAAG TTGCCTCTGT 60
GTTGGCTGGC ATCCCTGAGT CCCCTNCGGG CTCCTATGGA NCNN 104

配列番号：5553
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06603
配列：
GATCATCTGA GCCTCAGGAG GTTGAGGCTG NAGTGAGCTG TGACTNCGCC ACTGNACTCC 60

AGTCTGGGAC AACAGAGCAA GACCCNGTCT TAAA 94

配列番号：5554
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06604
配列：
GATCTCCAGC TGCACAGGCC ACCGNCCCAG GGCGTGGCCG CTGTTACAGA AACAATAAAC 60
CCTGATGGGC ATGGCAAA 78

配列番号：5555
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06605
配列：
GATCGTAACA ATGCCAAGAA GACACAAGAA TATGAGAAAG GAATTCCTAG AAAAAAGGCA 60
AAGGTTTCAA TGACTAAGCT AATTTTTNCT AAGTCTACTG ATAACATACT CCCTACCCCA 120
TCCTCCATTA ATAAAAGANT GGTTGTTGTA TTGTATTATG AGGGAATTAA AAGTGTGATA 180
NGANANNNNN N 191

配列番号：5556
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06606
配列：
GATCGGAGAA TTGTGTAGGC GAATAGGAAA TATCATTCGG GCTTGATGTG GGGAGGGGTG 60
TTTAAGGGGT TGGCTAGGGT ATAATTGTCT GGGTCGCCTA AA 102

配列番号：5557
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06607
配列：
GATCTCACTT CTGTCAGATG CTCCCATCCA CTATNAATGC ACTAGGTGGG AGGAGAGGGC 60
GGCAATGACA CTGCACCTCT CCTTTCCCAC CGCATTCCCT GGAGCTCCCT AAATAAAACT 120
TTTTTTAACG TGAAA 135

配列番号：5558
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06608
配列：
GATCAAGTAA AAATGCAAAT CAATGATGCA AAGAAAACAG AAAAGAAAAA GAAGAAAAGA 60
CAGGATATTT CTGTTCATAA ATTAAAGCTG TAATATATTT NNANTATAAT GTAAATATTA 120
ATGTGTAAGC TTATATTGTG TCATTGTNCT GTTTTATAAT AAAATNCTTG AGAACCTTCA 180
AA 182

配列番号：5559
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06609
配列：
GATCTTGACC TCACGGTGTA AGAAGGGAGA GGATGGTTTC TCTTCTGCCC TCTCCCATGG 60
TGCCCGTGCC TCTNTGCTGT GTATGTGAAC CACCCACGTG AGGGAATAAA CCTGGCACTA 120
GGAAA 125

配列番号：5560
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06610
配列：
GATCTTTTTA GATACAATCC TTATTTAAAA AGGAGAAGAT AACTGAGGAT TTTAAAAAGA 60
AGCCATGGAA AAACTTCCTA GTAAGCATCT ACTTCAGGCC AACAAGGTTA TATGAATATA 120
TAGTGTATAG AAGCGATTTA AGTTACAATG TTTTATGGCC TAAATTTATT AAATAAAATG 180
CACAAAACTT TGAAA 195

配列番号：5561
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06611
配列：
GATCTTGTGC TCAACATGAT NCNTTAATAG AAGTTTTATN TTTCNGTGCA CTCTGCTAAT 60
CATGTGGGTG AGCCAGTGGA ACAGCGGGAG ACCTGTGCTA GTTTTACAGA TTTCCTCCTA 120
AATNNCGCGG N 131

配列番号：5562
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06612
配列：
GATCTAATAG CTGAACTGAT TCAAACTGTA ATAAGCTCAT CAATTTCANT TCTATGAAAA 60

TGTGCTCTGT TGTCACAGGA TGTTTCTGTT GGTTTTNTTC ATTTCCTGGG AATTGGTAAA 120
CATCATGTTC CNGATGATAA CCCAGTAGCA AAANCATTTG TNCTGTGTGG TACAAGCCTT 180
NGGGACTGNN AAANAN 196

配列番号：5563
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06613
配列：
GATCCCATAA TATAAATCAT ATCCTTTATA TTTNAGAATA TCTCAAATGT ATTCCTTTTT 60
TGTATGGTGG GTTTGCCTAG GGACGTGTAA CTACAGGCTT TTACTAAGCC AAGGAAAAAG 120
AGAATTTTNC TTTTCATCTT ACAAATTCCA GATATCTACA AANGNTGTGA AAGCACTAAA 180
AGNGNNGNTT TTAAGCAGTA CTTTACCTGT TTTTCCTTTA GCAAACCAGG TTATGTGGTG 240
TAAAGGTTTG TNATACGTGC CACAATATAG CATATAAATG TTATGCCATC ATTCCTTCTC 300
TTGTTAN 307

配列番号：5564
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06614
配列：
GATCTATACA TGAACAGCAG AATGTATAAG CTAGCATTTA CTAGCATGTC TCTNATACTT 60
TTGTNCATTT CTGTTAATCG TCATTTCTGT CCCCTCTGCA TGGAATTTNA TACTTGTCTA 120
GGGTAAGAGT TTGTAGACTC TTTCAGCAGA ACAGATTTTA ATAACCAATT TATNTGTTTT 180
ATTTTAAA 188

配列番号：5565
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06615
配列：
GATCAGCACA TCCAAAAACA CCAAGACAAA CATCCATGTG GAGCAGAACC TNTCCTGCCT 60
CGGGAGTTCT GACCAGGTTC CCCAGCAGGG TGTTAAGCCT CTGTNTCTGG CCCTACCAGC 120
ATNCGGGTTC CACTTTTCCT AGGAGAGNGT GGAGATGGGN NGACAGGGAA AGGNNGGN 178

配列番号：5566
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06616
配列：
GATCTATCAT TTTAATTGAT TCTGAAGCTT GTATTAAAAA CTAGGCAATA NCATCATGGG 60

ATACATAGGA GANGGCACAT TTTACAATCA TNCATTNTGG CCNN 104

配列番号：5567
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06617
配列：
GATCTGCTGA CAAAACCTGG GAATTTGGGT TGTGTATGCG AATNTTTCAG TGCCTCAAAC 60
AAATNTGTAT TTAACTTATG TAAAAGATAA GTCTGGAAAT AAATGTCTGT TTATTTTTGT 120
ACTATTTAAA 130

配列番号：5568
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06618
配列：
GATCATTTAA CATTCTGTGT ATGTAACAAA ATATCACATG CATAAATATT ATGTATCAAT 60
AAAATTTTTT AATGGGCAAA 80

配列番号：5569
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06619
配列：
GATCCGGTCA CTGCACTCCA GCCTNGGAGA CTACAGCAAG ACTCTNTCTC CAGTTAAA 58

配列番号：5570
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06620
配列：
GATCTGAGGG GTGGTGCCTA CTTCCACTGT AAGAAAGAAT CTNGGTGGAT TTGTGTNTCA 60
AATCANGATA AGAGAAGCCT GTTTAAAGGA GCAGATGCCA TCTNCTGNCT TCCTCAAGGA 120
GCCAGTTAAA AAACCAGAGC ATTCCTTTTN ATTGAAAAAT AAAATTAGTT TGTTATCAAA 180
ANNNGGTN 188

配列番号：5571
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06621

配列：
GATCATAAAC CGTTGCGGGA CAGAAGTTAG ATATGTGATT GATTATNATG ATGGTGGTGA 60
AGTCAACAAG GACTACCAGT TCACCATCCT GGACGTCCGT CCTGCCTTAG ATTCACTTTC 120
GGCAGTATGG GACAGAATGA AAGTCGCTTG GTGGCGTTGG ACCTCGTAAA GCACTGTTTC 180
AGATGGAAAA NTATAANCTA TTTTTTNCTG AGCGATACAT TAAACTATTT TCCCCAGAAA 240

配列番号：5572
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06623
配列：
GATCCTCATC TTCCCCAAAT ACTCGTTCCC AAAATTGACG AGCCTGACAA TGTGCATGCC 60
AGGCAAGGCT CTTGGGGTTC CCCTAAAACA CTTCCTCTTT TAAGCCTACC ACTCACTCAT 120
CATGAATATA GTCCATTGTC CCAGGGTGTA AAACCCTCTA TAGTGTTAAA TAAAAGANTG 180
ATTGGGGAAC ATTGAAA 197

配列番号：5573
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06624
配列：
GATCTGGCTC AGTCTACTAT GGGCAGGGCC CCCCACCAAG CTGAGCCGAA TGGAGACAGC 60
TGAGCTGAGG CCTGACTTTT TCAATAAAAC ATTGTGTAGT TCTGGGAAA 109

配列番号：5574
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06625
配列：
GATCTGAGCT GATGACTTGT GAGAGAAAAA GGGAACAGAG TAAAGCCATG GAAGCCATGA 60
ACAGTAAGAG ACTGCCGCCT GGCATGGTTT CTTCTTCTGC AGAAGATGAA ACTGAGGAGA 120
AACAAGACAA CATCCTTCAT ACCAGGAATG GTCAAGATAA TGCAAGAAGA GNGNAGCTTT 180
CAAACAANTC AGNAGGCAGT CAACAAACAG NAAGGGGGNC ATTCCTTCCC TGGCAGTTAC 240
TCATANCTGA AATTGCTTAT TGTGTACACC GGGGCTTGTA CTTGGGGNAT TTAATANNAT 300
TGCTCATTNC CAAGCTCCNA ANNNAANTTA TTN 333

配列番号：5575
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06626
配列：

GATCGATTGC AGTCAGAGCC TGAAAGTATC CGTAAATGGA GAGAAGAACA AATGGAACGC 60
TTGGAAGCCC TTGATGCCAA TNNTNGGAAG CAAGANGCAG AGTGGAAAGA AAAGGCAATA 120
NNGGAGCTAG AN 132

配列番号：5576
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06627
配列：
GATCTTGGCT TCTNACAGTT CTNCCTGTCC AAACTCCATC CTGTCCCTCA GGAACGGGGG 60
GAAAATTCTC CGAATGTTTT TGGTTTTTTG GCTGCTTGGA ATTTACTTCT GCCACCTGCT 120
GGTCATCACT GTCCTCACTA AGTGGATTCT GGCTCCCCCG TACCTNATGG CTCAAACTAC 180
CACTCCTAAG TCGCTATATT AAGGCTTATA TTTTGNTGGA TTACTGCTAA ATACAAAAAT 240
NTTTGANAGG GANNGGNGNG TGNGGNGTGT NN 272

配列番号：5577
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06628
配列：
GATCATCCTG TCTGGCTGCA GTGAGAGACC AACCCCTAAC AAGGGCTGGG CCACAGCAGG 60
GAGTGCAGCC CTACCTTCTT CCCTTGGCAG CTGGAGAAAT CTGGTTTCAA TATAACTCAT 120
TTAAAAATTT AAA 133

配列番号：5578
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06630
配列：
GATCCACAAA CTNCCTGACA CTACTNNCAT ATTTCCACTA AAGGAGATTC AGCTACAAAA 60
GGAGGCCAGC CNTCGGTCTT CGTCGATGCC TGACTCAGGC ANGCCAGCTT TCCGCGTGGT 120
GGACACCGAG TTCTAAGCCA CAGACCGAGG CCCCAGCAGN CAGCGGCTGG AGGGNTGCCA 180
CANCNN 186

配列番号：5579
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06631
配列：
GATCCACTGC CTCGGCCTCC GAAAATCTGG AATNATAGAT GTGAGCCACT GCGCCAGGCC 60
TGTAATTTTA TGTATCTTTA TGTGATTATT TGAATGTCCC TCTCTGACTA GATTATAAAT 120

TCTAAGGATA GTGAAA 136

配列番号：5580
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06632
配列：
GATCCCCGTT CTCAAGTGTC NCNGGGAACA TAAACNGAGA TAACATGAAA AAACTTGACA 60
CAGAAA 66

配列番号：5581
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06633
配列：
GATCCTTNAA GGCAGCTGCC TTATCTTATT CCTTNTTGTA TTTCCATACC TAGCCTAATA 60
CCTAGCTTAT ATAAGGGAAC AGAATAAATA AACAATAAAG AAAAGTCTTT ACAGCCTCTA 120
AA 122

配列番号：5582
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06634
配列：
GATCCAGGGC CGTTCATGAA CCACTGGGCT GGATTNGACT GTTGAGTGTG GCAGTTAATG 60
CCCCTCAANA AATCAAAGGA TGTCTTATAA GTGTCTTCCA AAAAAAAGCA AATGCTGAAA 120
TCCTATTGGC AAAGTAAACT GAAATTGGCT GCTATATTTN ATATAATCAT TTCTGCAANT 180
CCCANTTNTT GNATACTNAT GTNGGACATG GTTANTTCTT ATTAATTTGT TGGAATTGTT 240
TATTGTTAGN AGTGCANATN GN 262

配列番号：5583
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06635
配列：
GATCCTGGCC AGTACAAAGT CGTTGCTCTT GTTTTATCTT CTCTTACAGA GTCTCCCTCC 60
CTTTATAGAA TGTCAACCAA AGAGTGCCCT CCTCCCCTCT CAGCCTCCTN TNNAGCTAGC 120
CTCCCCATCT CATCACAACG CATGTCTGTG ACCTTTGGTA ATCATTTACA GTGCCACACG 180
GAACCCTGTA TTTTGCACAC AGCAAAACAA ACAATGTTTA GCTTTATTTA TGGTATTTGA 240
TGCTGTAAAT GGAAATAAAT ATTGTTCTTT ATAAA 275

配列番号：5584
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06636
配列：
GATCTCTCTC GCCACGGCAC CGTCAGCTCC TTTGTGGCCA AGCTTTTCAT CTTTGTGTCT 60
GCAGAGCTCT GAGCACTCGC TTCGCGTCGC GGGGTCTCCC TCCTGTTGCT TTCCTAACCC 120
TGCCCTCCGG GGCGTTAATA AAGTCTTAGC AAGCGTCCCA CACAGTGAAA 170

配列番号：5585
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06637
配列：
GATCAGCTTT NAGAGTGGTC CTAAGCAGTA AACTGGATGA TGTTGCATTA GAAAAACATC 60
AATACTTCAT ATTTAAGTNT NAGTAGTTAC TACTGATTNG ATAATCACTT AANTN 115

配列番号：5586
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06638
配列：
GATCCTTGTG GACTGCCACT GCTGGCTGCC TCCTCTCCAA CTCATCAGAA GAGCATTTTG 60
ACAAAGACAG AGGACTTGGA CCAGGGCATG CCCTGTTGGG GATGTTTCTG TCAGCAAGGA 120
CATGGCATGG AATCAAGTGG GCTGATGTGT TGTTATTTAA ACAGTACCAA AGTGCATTCT 180
TCAATGTATG TTTGCCTGCT TGAAGCAAGG CCCAAGTTGA GAATACAGTA AAGGNAACTC 240
ATGAAAGTGA GAAA 254

配列番号：5587
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06639
配列：
GATCCCGCCC TGACCCAGAG GAAGCCTCTA TTTATTTATT AGCTTTTGTT TACACCGTGG 60
AATTGACCCC TTCCTCCAGG GGTCTTGGGT GGGGGAGCCC AGGGCCCCTG TGACCCCTCC 120
TTTCTTCCTC CAATCCCCAG TTTGTATTTA GCTGCCAAAT AAGATTCCCA TTGGNTCCCT 180
GTGTTCTCTT GGGGGGTCAG GGTGCTGTCC CCTNCNNTCT GTTTACATCT CCCCTNTACC 240
CCGCTGTATC GCATATTGNN GAGTTTNCTA TTTTTGCAAA ATAAAGTGAT GGAAACTCAA 300
A 301

配列番号：5588

配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06640
配列：
GATCAGAGAA AATACGGTAC ATGTCCCCAT GGAGGATATG GCTTGGNCTT GGAACGATTC 60
TTAACGTGGA TTCTGAATAG GTATCACATC CGANACGTGT GCTTATACCC TCGATTTGTC 120
CAGCGTTGCA CGCCATAACC ATTTTCTCCA GAAGCGTGGA GGAAAGATTA TNNAAGGANC 180
AGGCTCTTCA AAAAAANNAN GNNAAN 206

配列番号：5589
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06641
配列：
GATCTTCTTC ACACCAAGCT CATGGTTACA TNCCGTGAGG TGTCATGAAG AAAGTNCTGT 60
TCAATAAGGT TTTGTAATGT TAAA 84

配列番号：5590
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06642
配列：
GATCTGTGGC TGGAATNGAG GGAGCGCCTG CTTCTTCTCC AGCTTGGAAA AACAATAGGA 60
GAAGGGTCAG CTCCGCGCGG GCATCATCCC TACCAGATTG AGTGTTTTGC ACGCACTTCA 120
ATCACAAAAT AAAACAGTGA GAAAGTCAAA 150

配列番号：5591
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06643
配列：
GATCATCATA TCAAGATGAT ACCAAAAGTA TGTAAAAAGA AACCTGCATT ATTTTGTAAT 60
NATTTCTTAT AGATATTTCA TGGTAAGATT AGCAGTCAAT AAAGTTACTT TTTTNCCTTT 120
AAA 123

配列番号：5592
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06645
配列：

GATCCTGCAA ATATCTTCTT TCCAGTTTGN TATTGTCATT TGNCTTTTGA CTTTGTTCTG 60
GTATTTTTTG NTATGTAGAA ATNTTTATTT TCATGTAAGC AAATTTATGA ATCTTTGNAC 120
ACCATAAGTA TATACAATTA TGATTTGTCA ATTAAAAATA TTAGTACAAA 170

配列番号：5593
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06646
配列：
GATCATCCGG TGAAAGAACC AGTCCCTGNG CCCCAAGGAT GCCGGGGAAA CAGGACCNTC 60
TCCTTTCCTG GAGCTGGTTT AGCTGGATAT NGGNGGNTTT N 101

配列番号：5594
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06647
配列：
GATCTCCGTG GGAACATTTT CGTTGCTGTC GGTGCTGGCA GGAGCCTGTT TCTTCCTGGT 60
CCTGAAATAT AGAGGCCTGA TTAAATACTG GTTTCACACT CAAA 104

配列番号：5595
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06649
配列：
GATCGTGCTG CACAACCGGA GAAGACAGAA TTACCTCTGC TCTTTTAATA TATAATGATG 60
GCTTTAAATA AANTTAGGAG AAAATGTCAA A 91

配列番号：5596
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06650
配列：
GATCCAGAGA GTGGGGGTGA GGGGTGGGCC CTGAAGACTT TTTGTCTGTA GCTCTTGCAT 60
ATTGAGTGTA TAAACCCGGC TTCTGGACCA ACCCAAGATG AATAAACTGG GGCAGAAAAT 120
TACAAA 126

配列番号：5597
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06651
配列：
GATCCTGGTG GCCACCAATN TGTTTGGCCG GGGGATGGAC ATTGAGCGAG TCAACATCGT 60
CTTTAACTAC GACATGCCTG AGGACTCGGA CACCTACCTG CACCNNGTGG CCCGTGCGGG 120
TCGCTTTGGC ACCAAAGGCC TAGCCATCAC TTTTGTGTCT GACGNGAATA ATGCCAAAAT 180
CCTCAATAAC GNCCAGGACC GGTTTGAAGT TAATGTGGCA GAACTTCCAG AGGAAATNGA 240
CATNTCCACA TACATCGAGC AGAGCCGGTA ANCACCACGT GCCAGAGCCG GNCCANCCTG 300
AGNCGACCGT ATTGTAGCTT TTAACTNCCC TTTNCCAGGC GACCATTTTT TGNGAAAGTT 360
NGAGGTTTGT TTTNNTGGNT TTAAACTTTN TTN 393

配列番号：5598
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06652
配列：
GATCAGAAGG CTCTGGNCAA GAGAATGAAA ATNAGGATGA GGAATAATAA ACTCTTTTTG 60
GCAAGCAAA 69

配列番号：5599
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06653
配列：
GATCTCTTTG TCCCTGAGGT GTCAGCTGCC AACAAGAAGC ATTAGAACAA ACCATGCTGG 60
GTTAATAAAT TGCCTCATTC GTAAA 85

配列番号：5600
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06654
配列：
GATCTTGGAG TCGTGGAACT GCTGCCCCAC CGGGTCCTGC GCCGTCAGCA CAAGCCACGC 60
TTCACCACCA AGAGGCCCAA CACCTTCTTC TAGGTGCAGG GCCCTCGTCC GGGTGTGCCC 120
CAAATAAACT CAGGAACGCC CCGGTGAAA 149

配列番号：5601
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06656
配列：
GATCGATGTG CTCAGCCAAA TNTCCTGTTT GAAATATCAT GTTAAATTAG AATGAATTTA 60

TCTTTACCAA AAACCATGTT GCGTTCAAAG AGGTGAACAT TAAAATATAG AGACAGGAAA 120

配列番号：5602
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06659
配列：
GATCAAAACC AAAAAAAATG NACCAAAGGC TTGGGTGGTG AGGGTGCTTA TCCTTTCTGT 60
TATTTTGTAG ATGAAAAAAC TTTCTGGGGA CCTCTTGAAT TACATGCTGT AACATATGAA 120
GTGATGTGGT TTCTATTAAA AAAATAACAC ATCCATCGGA AA 162

配列番号：5603
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06660
配列：
GATCCTGTTC TGTAATAAAC ATATTTTGCC TTGAGTAAAT TTGTTGTAAG CTTAAA 56

配列番号：5604
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06661
配列：
GATCCTTCTT GTATCTTGAA GTTTTGTACT TGGGATTTCT GGACTGATAA ATGAATCATC 60
ACATTCTTCT GGTAAATATT TTCTTGGAAA 90

配列番号：5605
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06662
配列：
GATCTGAAGA AGATGATGAA GTTGTGGCAA TNATTAAGGA ATTGTTAGAT ACTAGAATAC 60
GGCCAACTGT GCAGGAAGAT GGAGGGGATG TAATCTACAA AGGCTTTGAA GATGGCATTT 120
TACAGCTGNA ACTCCAGGGT TCTTGTACCA GCTGCCCTAG TTCANTCATT ACTCTGAAAA 180
ATGGGAATNC NGNGCATGCT GCAGTNTTAT ATNCCGNNN 219

配列番号：5606
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06664

配列：
GATCAACTGA ACCAGTATGC CAAAACCAGG CATCCAATTT GTAAACCAAT TATGATAAAG 60
GACAAAATAA GCTGTTTGCC ACCTCAAAAC TTTATGAACT TCACCACCAC TAGTGTCTGT 120
CCATGGAGTT AGAGGGGACA TCACTTAGAA GTTCTTATAG AAAGGACACA AGTTTGTTTC 180
CTGGCTTTAC CTTGGGAAAA TGCTAGCAAC ATTATAGAAA TTTTGCCTTG TTGCCTTATC 240
TTCTTCCAAA TGTACTGTTA AATAAAAATA AAGGGTTACC CCATGCAAA 289

配列番号：5607
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06666
配列：
GATCTGGAGC ATTTGAANCA AGTTTATAGA AGANCATGCC ACAAAACTAA GCAGGACCAA 60
GGAAGAGCTT TNAAGGCCTG AGGTCTGCGG AAGGTGGGAG GAGGCAGACG CCCTGCNTGG 120
CCCATGGTCG GGGCGTCCAC GGCGAGGCCG GCAACAAACG GCAGTATCTN GNATTCCTTT 180
TTTNTTTTTT NAAATTTTTA ATNCTTTGGT NTTTCN 216

配列番号：5608
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06667
配列：
GATCAGAATT ATAACCATGG AGAATTTTTT CTTCTGAGCA TTTTAATATA CTTGAAAACA 60
ACATTGACTT GAAAAATTTC AGAACATTTT TCAGTACCTA GTTTTATTAA ATATTACACT 120
TGAGAGACAC TTTTTAAAAA TGTGTTAATG TCAATATGAT GAGATTTTAG CCTTTCTCCA 180
GAACTAAGGC ATTAAAGAAA ATAGCAAATA TTAAAAAATA AAACTGTTAC TTTTTTCCTT 240
CTTTCTTTTC ACCTTTAGGT TAATATCCAG TATTATGTGT TATCCCNTTG GATAAGTATG 300
CTTTATTTTA CCTCNGTTAA AAATTAAAAT AAATGATTTC TATTCATAAA 350

配列番号：5609
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06668
配列：
GATCCTNAAG AGAGCTGTCC CAGCACTCTG GCCACCAGGA GGGCCANATT CCCCANAAAC 60
TACCTNTTGC CCAAAGAACA TNCTCAGTAT TTGGGGCATT TCCTN 105

配列番号：5610
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06669

配列：
GATCCCAGTG TCTGAGTGAA CTAACAGTCC TGCTTTCAGC CACCATTTGT ACAAGACACC 60
CAGCACTGAA AGTCCCGCTG CCAGGAGCAA GGGATTCTTT GGAAGCACCC GCCCTTTGTG 120
CCTTGTTGGG GGAAACCGGT GACGCAGTAG TGAGTGTGGA TACACCAGAG TTTGCATTGG 180
AAGGAATGAG TGTCACGTGG GGAGGGAAGG GGCCAGTGGA CCTTTTGTAA GCTTTCCACT 240
CAATAAAATG AACCTGTATG GCAAA 265

配列番号：5611
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06670
配列：
GATCCATGTT GAACAATACA TGTAGGTTCT TTTTCCACGC AATGTAAGAN CATGATATAC 60
TGTACGTTGG AAAGCATTTA CCTTATTTAT ATACCTGAAT GTTCCTACTA CACAAATAAA 120
CATATATTAA ATTCTAAA 138

配列番号：5612
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06672
配列：
GATCTGTCAT GCCCCACCGC CACCCCTACT CCCTTCAACC CTCCCTCTTT CTGCCCATTT 60
CCTCCCACCC CCTCACTCCC ATTTCCTAGC AAAATCAGAA GATTGTGAAG AGGCCGGCTT 120
CAACAAAATN GGATAAANAN ATAATTTTTT AAAACTTAAA 160

配列番号：5613
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06673
配列：
GATCCTATGT NCTGCTTGCA CAGAGGCCTT TGGATTTTAA CCCAGGAGNT TCGNGAGNTG 60
AGAGCTGCCC TGTCTTTNAT TGAGCCTTAG CATTTCCCTC TCAGGCTTCC TCTCAAGCTC 120
AAGGAACTCA CCCCCAGATA AGAAGCTGGT GCCTCTTGTC TCTCTNATTT CAGAAACGGA 180
CTTTCTNATC ATGCTTTCCT ATGGTGGGTA TGNGNNN 217

配列番号：5614
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06674
配列：
GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAGAT GGATAATGTA NTTAGCTAAT TTTTGGTTTA 60

AATGANCTTN TTGGGTTAGC TTNCGTAAAT GNTATAATTT TTACTGTTN 109

配列番号：5615
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06675
配列：
GATCCCCAGC TGGACTCCCC ACCCCCTGGC TTCCCCACCT CTCCAGGNGT CAAAGGTGAA 60
CCGAGTCCAG TATTAGCTGA ATGTCATTTC GTACACCACA GCTCAGTCAG CCCATGGGCT 120
TCGTGAACTT TGCTCCAACA CACTGATGTG TGGGCTTCCC ACAGCAGGAC TGACTTCCCC 180
CTTTCTGTTG TTTGCACATN CCCCTCTTAC TGTACTGTCA ATAGATATTT TTGAGATTTA 240
TTTTTAAATA AATATTCAAC TTGCAAA 267

配列番号：5616
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06676
配列：
GATCAATAAT ATATAAAATN TGAGTGTGGG TTTGTATCTA ATAAAGTATG CCAACACCAA 60
A 61

配列番号：5617
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06677
配列：
GATCTTGAGG CCCAACATGC TTGACTCTGC CCAAAAGTCT CCTTCCTCAG CAGGATGCAG 60
CCTATTACAC TCAGCACAGN ATCTGGCACT CTTAGGTTCC CGGTCCATTT CAAACCTCCT 120
GCAACCAACA AAAGGATAGT TCCTTAATAA TTTGTCAAGC CTACCTAGGG CACTGCTAGT 180
AGTCTTACCA TTATTCACAA ATAGGGCTGA AACATCTAAA ATTACCCCAC TTAGTATTTC 240
ATATCCCTTC AACGTTCTAT CCTAAAGCTA ATGTTTCTTA GTGCTAATTA NAATCGTCAG 300
TCTATTGACA NTNTGACAAA GGGTAAGAAA 330

配列番号：5618
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06678
配列：
GATCCCAGGN TTCTGCGGAC CGACGATACG TTTAAATGTT GTTCTAGTAA ATATTCTTGA 60
ATGTATTAAA ATGGCTGAAA CAAA 84

配列番号：5619
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06679
配列：
GATCGTGTTC TNTAGATGAA ACCATCAAGA ACCCCCGCTC GACTGTGGAT GCTCCCACAG 60
CAGCAGGCCG GGGCCGTGGT CGTGGCCGCC CCCACTGAGA GGCACCCCAC CCATCACATG 120
GCTGGCTGGC TGCTGGGTGC ACTTACCCTC CTTGGCTTGG TTACTTCATT TTACAAGGAA 180
GGGGTAGTAA TTGGCCCACT CTNTTCTTAC TGGAGGCTAT TTAAATAAAA TGTAAGACTT 240
CAAA 244

配列番号：5620
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06680
配列：
GATCTTCATT AGTCAAGNTT TAGTTATTTN GTTGGCTTTT CCATGTAGAT TTCCAAGTGA 60
CATTAACATA CTTTNATTAA AGAAAATTTG GAGACTGTTN NN 102

配列番号：5621
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06681
配列：
GATCGGGCCC CATGTCTGTG CTGTCTAGTT TGTGTTCAAA ATGTCAGAAT AAACACAGAA 60
TAAATGTTAA A 71

配列番号：5622
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06682
配列：
GATCTTTTAA AAAAGTTAAA GGACATCCTA GAGCCTTAAT AGTTAAGAAG NGTTAAATTA 60
TCAAGCCTAT TTGTGCATTT CCTTTTNTTG AAAAAGGTAA GTTGCTGATT AAGTCTAATT 120
GGAATTGATA ATTCCATAGT CTTAGATTAN NNTGAGGATA TTTCCTCCTA GATTTCCTCA 180
TGTNATGCCA TGCATTTATA TATCTNACCA TTAATTTCAC ACTAAGGATG CTTCACCATA 240
TAATAANNGG TGCANGNTGG AAGCAANNN 269

配列番号：5623
配列の長さ：375
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06683
配列：
GATCTCCTTT TCCAGTGCTG CACACTCCTG GTTTGGAACT TTAATGGCGT TGCAACGGAA 60
TCCTATATNC AGTTTCCTGT AATTTAATTG AAGAAAAATG CATCCAAATN AAGACTTTAT 120
TATTAACNGA CCAGATNGCA TCAGAAATCA TGTGTCTGTT ATNATTATCA GAATATGTCT 180
TAACTTTTTN GGGCAAAGTT AACACTGAAA GTTCTAGCTT AAGTGTTGAN ACTTTTGTGG 240
GGNAAAAAAN TCACTTTTGA AACTCAGACT TCAGNGTATA CCCANTAATT TAANGTTCNT 300
GTGAAATGGT TTAAATGTGT NGGACTCGTA ATGACTGTTT TANTGGTTCC AGTTTCTNCA 360
GNGTGGGTAN TTGGN 375

配列番号：5624
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06684
配列：
GATCTGATAA CTTGAATTCA GAATATTAAG AAAATGAAGT AACTNATTTT CAAA 54

配列番号：5625
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06685
配列：
GATCTGTTTT TATAAAGTGC TCCATGATTC TCTGAAAACA GTATACTATG TATCTAATTT 60
TTGGATACAG GATGGACATA CGTACTCAAA CTGTGTTTTT CAATTTGTAC TGTATTTGTT 120
TCTCTCGACC TGACTTAGTG ATAGAGGTAT ATTAAAGTNT TCCACTAGCA TGGTAGATTA 180
AA 182

配列番号：5626
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06686
配列：
GATCCTATGG NTTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTACTGTACA ACATTCAGTG CCCACATCCA 60
TCTNTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC TNCCCTGCTG TATGACATGC 120
ATTTGGGAAG TTGGAAAGAA ATGACAAANT CAGGGAGAAA ACATCCAAGC TTCTTACCTG 180
TAGATAGANT CAGCCCTCAN TTGGTGCTTA TNACCAGTTA TTCANGAACA ATAACANCAA 240
CAAANTTAGT AGACATCCAA GAGGCACATA TTAGGGCCAA AGATAGCATC ANCTGTNTTT 300
GAGGGANCTG TAGTTTTGCG CATTTTNATG NCATTTTTAT AAAGGTACTG TNATTNTTTC 360
ATTGANN 367

配列番号：5627

配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06687
配列：
GATCTAGTTT GACTTTCTAG TTAGTGGTGT TTTGAAGAGG GTATTTTATT GTTTTTTAAA 60
AAAAGGTTCT TAAACATTAT TTGAAATAGT TAATATAAAT NCATAATTNC NTTTCCCCTG 120
TTTATTGTAA TGTATTCTAA ATTAATGCAG AACCATATGG AAAATTTCAT TAAAATCTAT 180
CCCCAAATGT NCTTTCTGTA TCCTNCCTTC TACCTATNAT CCTGATTTTC AAAAATGCAG 240
TTAATGTACC ATTTNANNTG CTTGATGAAG GGAGCTCTAT TGCCNTTANC AGNAATTGTN 300
GCTAAGGTAA TTCCNAATAG AAAGCTGCTT ATTNNN 336

配列番号：5628
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06688
配列：
GATCTTCTTG ACCTTCTCCA TCATCGCCAT CCTTTCCCAA AGGCCAAGGA AGTGACCTGC 60
CTGCTGGCAT TGGCCAGACC ACAGCAGCAC CTCCTCCATG CAGGCCTTAA CTTTCCCATG 120
GTCAATGCAG TTTTTATCAG CCTTGCTTTG GATAGGACCT CCAAGGACTA AGGCCTCCAG 180
CCCCATGTNT GACCCTTGTN ATCTCTCTGC CCCACATAAT TCTGTTACTT TGCTATGTGC 240
TCCTAATGTA TCTAGTGTGT CCTGTGACAA CACTCATCAN ACTTCAGTGN AAATCACTTG 300
GTTTTAATTG ACTGTNTTNT CCTATAGACT GTAAGGNTCC ATGAGGGCAG GGCACATGTT 360
GGTN 364

配列番号：5629
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06689
配列：
GATCCCGTGT GCCACCAGGA GGGAGTGGCA GCTATAGTCT GGCACCAAAG TCCAGGACAC 60
CCAGTGGGGT GGAGTCGGAG CCACTGGTCC TGCTGCTGGC TGCCTCTCTG CTCCACCTTG 120
TGACCCAGGG TGGGGACAGG GGCTGGCCCA GGGCTGCAAT GCAGCATGTT GCCCTGGCAC 180
CTGTGGCCAG TACTCGGGAC AGACTAAGGG CGCTTGTCCC ATCCTGGACT TTTCCTCTCA 240
TGTCTTTGCT GCAGAACTGA AGAGACTAGG CGCTGGGGCT CAGTTTCCCT CTTAAGCTAA 300
GACTGATGTC AGAGGCCCCA TGGCGAGGCC CCTTTGGGCC ACTTACN 347

配列番号：5630
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06690
配列：

GATCAAGGTG TGAATAACTG AAGAAAATAA CTTGCTGGCT ATATAGGAAA ATGCTGTGGA 60
AATGAACTGT GTATATACTT CTGGGAGGAA CAAATTTAAT CATTTCTCCT GTTAAGCACT 120
AATCAGTATA GTGCAACTCC TGGTTCTGTN CTGTATTTNA TATGCAACAT ATATGCTTTA 180
ATATTTNNNT GTTTGTNCAT TAATATTTNC AATTTGTTTA ACCACTTTGC TGCTAAGATT 240
TTNCCGTCCC ATTCCCATTT NTCCCTTTAC AATNNTAAAC ANGTTTCTTC ATTAAANNCT 300
ATGGTGATGA AAAANAAN 318

配列番号：5631
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06691
配列：
GATCTGTGGG TGTTTTTAAA AAAACTCAAC CTATCTGGTG TTTTATTTTA ATGGATAAAA 60
ATGTAATTTT CCTAAGGTAG CAACTTATTT CCAAATTAAT ATAGATGANA AATAGATNCC 120
ANTTNGACTA AATTGAAAGC TTTTNNTCCT ATATTTNCAT AGCCTTTGAG AATATTGNTN 180
AGTGN 185

配列番号：5632
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06692
配列：
GATCAAATAA ACTCANTTTT TTATGGTTAC TGTAAAAAGA CTGTNTAAGN CAGCTCAGCA 60
CCATGCTTCT NGTAAAAGCA GCTTCANTTA TCCACTGGGG TTATCTTTTG ACAACTTGCC 120
ATTATCTGNN 130

配列番号：5633
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06693
配列：
GATCTTAACA AGCTTAAAAA AGAATTTTAT GACCAGAATC CAACAAGAGC TCTATTTTGG 60
AATTGTGCCC AAGTTGGTGA TGTTTACTCT AAAATTAATA ATAAAACTAC TTGTAAGCAC 120
AAA 123

配列番号：5634
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06694
配列：
GATCTGAACT GCCTCCTCCT TTCTCTGGCC TCTNCCCCCT TCCCTCTTCT CTTCAGCTAG 60

GCTAGCTGGT TTGGAGTAGA ATGGCAACTA ATTCTAATTT TAATTTATTA AATATTTGGG 120
GTTTTGGTTT TAAAGCCAGA ATTACGGCTA GCACCTAGCA TTTCAGCAGA GGGACCATTT 180
TAGACCAAAA TGTACTGTTA ATGGGTTTTT TTTTAAAATT AAAAGATTAA ATAAA 235

配列番号：5635
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06696
配列：
GATCACGCTA CTGCACTCCA GTCTGGGCAA CAGAGCAAAA TCCTATCTCA AAAAATATAT 60
ATATATTATC CAGCCCCAAA TGTTTATGGG GTTGTTATTG ATGAACCCTG CATTAAACAA 120
TCCCACAGTC GGTGCTGCGG TGAGCCGTGA TGGGTACCAC TNCATTCCAG CCTGGGTGAC 180
AGANTGAGAC CCTGTCTNNA AAAAAAANGT NNAANTTGTT TTCCCNATAT TTTGGNNGGA 240
TTNGTGGGGN 250

配列番号：5636
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06697
配列：
GATCTTGTGT ATTTTTGTCC ATATCCAATG TTATATGAAC TAATTGTATT GTTTTATACT 60
GTGACCACAA ATATTATGCA ATGCACCATT TGTTTTTTAT TTCATTAAAG GAAGTTTAAT 120
TTAAATTGAA A 131

配列番号：5637
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06698
配列：
GATCTTAATG GGCAGGGTTA AGAAAGTTAT TTAAAATAAA GTTACCTATT CTACTAAA 58

配列番号：5638
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06699
配列：
GATCAGAGTG ATGTGTTATG CAGAGAATTA AAGGGTGATG TGATAAAGTG ATTGGGTCGT 60
GCTTTATGTT GGCAAAAAAA ATCTGGAGTA TAAGAAGTTG CTGACTTGGG TGATTTGGAA 120
GAGATTGGGA GACTGGGGGG ATTCAGANCT GAAGGANCAG GCTATAGGCT GTAAGGCAAA 180
ANTATACTTG CNATGTTCAA ATTACTNAGA GGNTTNTACC NNCNTGCTTT TCTTTAAAAN 240
ATAAACNTTN 250

配列番号：5639
配列の長さ：354
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06700
配列：
GATCTTGTTA TTGATTAACC ATTTTCTTAT GCCTTGCTAT TGACATATTC ATGCTCTTTC 60
TACGTCTAGT GGCTGAAAAT NTTTGCATTT GTTCATTTGA CTAATGGTGT GATTTTNGTT 120
TCTATATTAT NAGACCTGTA ATGTTTTAAA ATGTATTTNA TTAAATTTGG ACTGGATGTA 180
TGTCTCTAGC AATACGAGGT ACTTTCTAAA CTATTAAGGG AGGGGTTGTA TCCTCATGTT 240
GAGATAAGAT GATGGTCGTT TAANTTTNGC AATTTTTTTT GGCCTGCAGG GATATTTTGT 300
GTTTATGTGT CCAAAAANNGG ANTAANTTGG CATTCTTGTG CCAAANGTTG TTNN 354

配列番号：5640
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06701
配列：
GATCTGCATT CTGTAAAAGA GGTACTTTCC CATGATGTAG GCATGAAGTG GTGCCAGTAA 60
GCGTAGAGCG GAAATNTTGA CTTTAGTTAA CATTGGGTNT AGCATTTCCA GTGCAGCATT 120
ATCAGTGGGC CTTTAAAAAT ACTTCGTAAG TACATTAGCT TTCACTTTGT NGTNAAATTA 180
TAGCAGACTC ATTATAGAGA ACAAGTTTGC CTTGATTTNN TTTAAAATGA CTTCTGCTAA 240
GCACCCAGAA GATAAANTTG ACATATTTTT NTAATNTAAG CATACTTTTT TNGTACATNG 300
TGTNCATTCT TGANTAANAT GNGGTTCTGT GTTGGCTTGT NN 342

配列番号：5641
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06702
配列：
GATCCAGTAT AATTNCAGAT TCTNGTGTCC CATCGAAGTT TCTAGCAAGA GGACTGTTGT 60
CACATTTCCT TCTTGGACTC ATTACTGGTC ACTGAAAACC AGAAGAAGTT GGTGAACCAT 120
CTAAAGAAGA GAAGGCTGTG GNCAAGTATC TNCGATTCAA CTNTCCAACA AAGTCCACCA 180
ATATGATGGG GTCACCGGNT TGATTATTTT TTTGCTTCAA AAGCAGTGGN CTGTNTTTNG 240
GGATTCAAAG NGGGNAAAGT CCANGTANTG GN 272

配列番号：5642
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06703
配列：

GATCGCAATG AATTTNTAAA ATTACTATTT AANATATTGT TGAGATTCCA TTACCTCCAA 60
TCAGTCTTGG GACATTAGAA CAGTGGTATA ATTAAGACTG TATGTTTAAA TTGAGAAATT 120
TTGCACAACT TTAACAAGTA GCAGANCTAA TTGTNCACTG ATGGCTTTAA AGATGAAATA 180
NTTCTGTGAA TNCATGANAC TGTGAGGGNC TCTNCGTGGT TGTCTAGGTT TATTTATATG 240
CATNCTCATT AATNAAAGTN NTTN 264

配列番号：5643
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06704
配列：
GATCTTTTTT ATTTTTATAC ACATGACAAG ATTTTACATC AAGAATAGTC AGTTAAATAG 60
TACAAATTTA CATTCATGAG GAATGTTAAA AAAAATTCAA CTAAAAAACC CACTTTTTCC 120
TGTGACCCAT AATCCCACAT TTTACAGTGC AGGGGAGAAG GGGATTAGGG GGCATNCAAA 180
ACAAGTCTCT CCCAAAAAGA AAAATGCAGG CATGCAGGGN CGGCGTAATC ANTNCCCNGN 240
NNNNNNN 247

配列番号：5644
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06705
配列：
GATCCATACA GGTTGTGTGT CATCTGTCCT CTTGAGGTTC AGGAGATTCT AAATTGAATA 60
TTCCACGGTT TGGGACAGCA TNCGGAAGTT TTCCCTATNA CTTTATATTT TGTATTATGT 120
CAAATGTTAT GGCAGGGCCC AAATAGCATA GCCACAAGTT TGGTTTATGT GGGCATAAAA 180
TTCTAACCAA ACCCCAGACA TAGGGAGTCA TTTGGAGAAA GCCTGTATGT GGTGTTTTAA 240
CCTAATAAAG TTGATGAGAG AGAAGGGGAG AGGAAGCGAA CATAAAGCGG GTCAAGTGTA 300
GTGCATCTTT TGTATTGN 318

配列番号：5645
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06706
配列：
GATCTTTTGA CATACTCACT TTGAGTGGCA TATGCCCAGG AAAATATTTA AAAGAAAGAA 60
AAGCTATTTT TACAAAGTTT TCTAGCAGTT CCACTCAGAT AACTTTAAGG GGGAAAAAAG 120
CCCAACGNTT GGNNATGGTT AAGTAAATTT NGGTGTATTG CTAGTGCTAT CNCNGANTGT 180
GTATGATGGC CNTNCAN 197

配列番号：5646
配列の長さ：210
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06707
配列：
GATCCCCCGA ATAACTTTTT TCAATCAAGT TGAAAAACCA AACAGCTATG TAAAGTCCCC 60
AGGAGAGCTC TTTTTCCCTT ATNTNCTCAT TTNTTTTGTT ATAAACTGTT TAAATAGTTC 120
AAATGGTTGT NCATGCCTAG GGGATGAAAC CTATGTAATA GAAATGTACT GTTTTATGAA 180
TAAGGAGTAA AATTNTTTTA AAAAATTAAA 210

配列番号：5647
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06709
配列：
GATCTGAAAC AGAAACCACC CTCCGGAACC GCCCAAGAAA GGNCTGCTCC ANANACTCTT 60
CAAGCGGCAG CATCAGAACA ATTCCAAGAG TTCGCCCAGC TCCAAGACCA GTTTTAACCA 120
CCACATAAAC TCAAACCATG TCAGCTCGAA CTCCACCGGA AGCAGCTAGT TTCGGCTCTG 180
GCCTCCAAGT CCACAGTGGA ACCAGCCCAG ACCCTTCTCC TTAGAAGTGG AAGTAGTGGA 240
GCCCCTGCTC TGGTGGGGCT GCCAGGGGAG ACCCCGGGAG CCGGGGAAGG AAGGCCGTCC 300
ATCCCGTCGA CGTAGAACCT CGNGGTTTTT TCAAAGNAAT TTCCACTNNG GTCTGTTTTT 360
NCGAGGGGGG NN 372

配列番号：5648
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06710
配列：
GATCCTTGGT ACCCCTAAAA AGATTGCCAA TTTTTTTCAT CTTTGCCATA TGGAGGACTG 60
TGACAGACTT TGGACAGTGG CCTCTTGAGT TCCTCTGCAG TTTTGACATT TAGGATTTTG 120
TGTCTTTTAA ACTGGAAAAT CTTCTAGCAT GTTGGGTTGT TACAGAGTAT ATTTTTGTCT 180
GCAGCTGTTT GTTGCCCCAT TCCTAAGAGG AGTTTATCCA TCCNGAAA 228

配列番号：5649
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06711
配列：
GATCAAAACA AGATTTTCCC AGTAAGAATA TACTGGGACA TAACAAATGA AAATATTTAT 60
ACCAAAATAC CAAAAGTNAT TCACCTCTTT AAAATATCCT ACTATAGTCT AATTAGTAGC 120
TTGTNCAAGA CCAAGTAACC ATTTTTNNCT GCNCTTTTGA NTGATGATTA GAAATTCAAA 180
CAANGTATTT NNN 193

配列番号：5650

配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06712
配列：
GATCCAAGTG CGGAANTCAC AGAAGGAACG GATTACAATT CTCCTNCAGN TAGGGAACCC 60
CTAAGNCCAC AGAAGATAAG GAGGAAACAA TACAGAAACT AGAGACCCTG GAGAAGAAGG 120
AAGAAGAAGT AACTTCAGAG GAGGATGAGG AGAAAGAAGA AGAAGNAGAG ANGNNN 176

配列番号：5651
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06713
配列：
GATCAAGTTT TTAAAATTGT NCTNTTATTG TTTTAAATTA AGAACTTTTT GAACTAAAAC 60
CAGAAACTCT GCCATAGTTC ATTGATTTTA ACATGAAACA TTTATTTACA AGATGATATC 120
AAGATTACTT TTCACAAAAT AGGCACATTA TATCANCACT TTGCNCTGCT TTGTAAATTT 180
NCCATCCAGG ATTTTGGGGT GGTATTCATG TGAAATTAAA GCAGATTCTC TAGCAGTTTC 240
CTATAGCTAC AGTTTTNNNN NTNNCCCTGG NTN 273

配列番号：5652
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06714
配列：
GATCCTGTGT GGAGAGGGAA TGTGAAATTA ACATCATTTC TTTTTGGGAG AGACTTGTTT 60
TGGATGCCCC CTAATCCCCT TCTCCCCTGC ACTGTAAAAT GTGGGATTAT GGGTCACAGG 120
AAAAAGTGGG TTTTTAAGTT GAATTTTTTT TAACATTCCT CATGAATGTA AATTTGTNCT 180
ATTTAACTGA CTATNCTTGA TGTAAAANCT TGTCATGTGT ATAAAAATAA A 231

配列番号：5653
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06715
配列：
GATCAACATG GTGGAACAAA ATGATAAAGA NCAGAAAACA TTTCAATATA TTACTAATAA 60
CTTTTTCCAA TATAAATCCT AAAATTCCTA TAACATAGTA TTTTACAGTT TTATGAAGCT 120
TTCTATTGTG ACTTTTATGG AATTAAGAGA TGAAGAAGAT GAGATATTTT AGCATTTATA 180
TTTTTCAAAA TTATATGTAT ACTTAANANT AANGTANCTT TATGCAAA 228

配列番号：5654
配列の長さ：182

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06716
配列：
GATCACAACT GTGAAAAAAA ACTGCACACG CAAAAGACTA CAGGGAAATA TGTAATTNAT 60
TATNTTGTTT TCTCTCAGTG ATAAGATGGG GTGGTTTCTT CTTTGTACTT TTGTATTAAT 120
TTCTTACGGT GTTTGTATTA CTTTTATAAT CAAGAACTTT GTTTTAAAAA ATAAATCAGA 180
AA 182

配列番号：5655
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06717
配列：
GATCGTAGCT AGTTTGTATT GTCTTGTCAA TTGTACAGAC TTTTTAAAAA AAACAACCAC 60
CAGTGAAATG TGTGTGTATA CAATAAACTG AAA 93

配列番号：5656
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06718
配列：
GATCAACATT TATGACCTAA GTCAGGTAAT ATACCTGGTT TACTTCTTTA GCATTTTNAT 60
GCAGACAGTC TGTTATGCAC TGTGGTTTCA GATGTGCAAT AATTTGTACA ATGGTTTATT 120
CCCAAGTATG CCTTAAGCAG AACAAATGTG TTTTNCTATA TAGTTCCTTG CCTTAATAAA 180
TATGTAATAT AAATTTAAGC AAACGTCTAT TTTGTATATT TGTAAACTAC AAAGTAAAAT 240
GANCATTTTG TGGAGTTTGT ATTTNGCATA CTCAAGGTGA GANTTAAGTN TTANNTAAAC 300
CTATAATATT TNNNCTGANA CNCNNGNACC N 331

配列番号：5657
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06719
配列：
GATCAAGCCA AAAAATCCAC CAGGAANTCC TACTGACTCT CTTTNTAAAA TATAGTCATT 60
TAACNGTCAA AAGAGTCCCC AATAATGTCA GTNCTAAGAT TNCCCCTATT TTTTAAAAAA 120
ACAAAGTAAA TGAAGACTCA AAGAGCAAGT AACTAGTCTA AATTAGATAG TCACAGGTGG 180
TAAAGCCAGA AATCTGTCTG GNCAGTCTAA CTCTATACAN CCCAGGCTTT TAANTATTAG 240
AAAGCNNNNN 250

配列番号：5658
配列の長さ：409

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06720
配列：
GATCTCAGTA TCATACTGAG ACACCTCCCC TGAGCCTTAC CTACTTAAAT TGGTAACCGT 60
CCTACCAAAA TTTGTCAATT TNAATCAAGT GAGGCAAGTT GCAAGGGAGC CAGAGATACG 120
TGAAAAAAGA AAAGCAGAAA TACTGATACT TTCTAAGAAA GAAGTTGTAA TAATTNCTTT 180
GGCACATTGA CTTACTGATA TCTTTTGAAA TGCATAGATG ACTCTTGTGA ACCAANGAGA 240
GCAGTNGTGG TTNTTCCCCG GCGCAATAAA AATGCCTTTG TGTATCACTT GCGGTTGCCA 300
GTCATTTCTG GTGCCAGTTG CTTTTNNTNN CCAGAGGTTT GGCCTTNATT CTTCCGAAAN 360
NAGGGTGATG ATTNTTNGAA GNTGGGGTTT TCCTNACCAN ATTATTNTN 409

配列番号：5659
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06721
配列：
GATCTGGAAA AGTCAAGAGA AGAGAGCAGA AAGCAGGCTC TTGCTGCTAA AAGAAA 56

配列番号：5660
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06724
配列：
GATCTAAAGA TGATGGAAAA CATCAGCTAC ATTAAATACT CATAAGCAAA ATAAAGGCTG 60
GCCTGTAAA 69

配列番号：5661
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06725
配列：
GATCCAAAGG GAAGGGACTA TGCAAGGGCA TTTATAAACG NTGGACAAGG GTTCATTATA 60
GAACACCANT GTNATGGACT ATCCCAAGCA TGTACCACTG TGTCTCATGC ATGGTAAAGG 120
TCCCATAAAT GTTATTGCTC TCTTGCAGTA TAGTAGTAAT AGTAGTGGTA GCTGNTTTAG 180
GAGTAAAAAC AGCNAAAAAN AGANNNNN 208

配列番号：5662
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06726

配列：
GATCTGAAAA AAAAGTTTCA CCGTTTGTTT TCTTACCTCA TTTTAAGAAG CATGTGAAAA 60
TGGGATACTA TAGACTACTG AGAATTTCAG AAATTGAGAA CAATTTCATA ATAAAACGGC 120
TATATTTGAA GAGAGANTAC ATTTTATATA ANCAGGAAAA TACATTTGAC ACTTTATGGA 180
ATTTNATGAG ACTTTTTGTG GGAACAGAAG GTCTTCAAAT TGTAAAATGT AAAGNTTGCN 240
CTNTTTNTTA NGTCTTTAAC AGGGGTGTNT TTCATTGTNT GTTTTGGGTA TGGCTTTGGN 300
ATAANTCATT NTATATNTNA NTTGAN 326

配列番号：5663
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06727
配列：
GATCTGCACA GTTTGGTTTT TGCACAAAAG TCATTTAAAA AAATCTGAGT AATTGTCAAA 60
TATTAAAAGA AAGNTATTCT TCCTGGTAAG GAATACAGTT TTNAGTCAAA GTGGCCATTA 120
CATCCNCTTT TNAATTTACA TAATACAGNT ACTTGTGAAA GTTGTTGTGG TGTTGTATGC 180
CAAGNNAATN CTTTTTTATT GGTGCCTATA TTGTCACANT TNTNTTN 227

配列番号：5664
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06728
配列：
GATCCACCCT CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GAGGATTACA GGCATGAGCC ACCACAGCTG 60
GCCCCCTTCT NTTTTATGNT TGGTTTTTNA GAAGGAATGA AGTNGGAACC AAATNAGGTA 120
ATTTTGGGTA ATCTGTCTCT AAAATNTTAG CTAAAAACAA AGCTCTATGT AAAGTAATAA 180
AGTATANTTN CCATATAAAT TTCAAAATTC AACTGGCTTT TATGCAAAGA AACAGGTTAG 240
GGACATCTAG GTTCCAATTC ATTCACATTC TTTGGTTCCN GGTAAAATCN GGNGGNNTAT 300
ANCAATTTCT ANTTGGGGTT TNCN 324

配列番号：5665
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06730
配列：
GATCCTTCCA CCTTGGCCTC CCAAAGCATT GGGATTACAG GCGAGAGCAC TTGGTTGGCT 60
AAAATATTTA TATTTACCTG NCATNATTTG TTGATTTGGG GGCTAGGGAG TTCTTAAAAC 120
AACAATAAAA AATCTTCTGT GGCTGCAAA 149

配列番号：5666
配列の長さ：236
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06731
配列：
GATCACAGTC TTGAGGTCCT CTAGCAGGGG TGAGGGAGAG CAGCGACTTC AGCTGAGTCC 60
CTGCCAGTGG TTAAGCAAAC AATGGTTTCA AAATTCAAGG TCCCCAAATG GCAGCATTTT 120
ATGTTCTGAC CTGTTTGTGT TATATAGTGG TGTTTTNNNN CCNCTTTGGA NCTCTTGNGT 180
TGTTAATAAA ATGAAATGAT TACTTTTNAA TTAAANTGAA AAANGTAAAA AANAAN 236

配列番号：5667
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06732
配列：
GATCGCGCCA CTGCACTCCA ACCTGGGTGA CAGACTCTGT CTCCAGAACA AAACAAACAA 60
ACAAAAAGAT TTTATTAAAG ATATTTTGTT AACTCAGTAA A 101

配列番号：5668
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06733
配列：
GATCCATGGA CCATCTGGGT CATGGCGCCT GGTTTCAGAC AACCTGAATC AAATCTTAGG 60
GGTGGGGCTT TGGGATGTCA TTGTTCAATA GGCACCTCAG GAGATTCTGA GCACACCNNT 120
GTTTGAGAAC CACTAAAATN AGGAGTGGGA AAAAAAAAAT AGGTGTTTTG TTAATTTAGA 180
GCTGAGCTGN GANGNTAATA TATTTTNNTT GTCANTGCCA TTACCAGNTA TGCACTGNTT 240
CTTTTATACC TACANTTTN 259

配列番号：5669
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06734
配列：
GATCCTGAAG CTTACTATGC AGCCTACAAA CAGCCTTAGT AATTAAAACA TTTTATACCA 60
ATAAAATTTT CAAATATTGC TAACTAATGT AGCATTAACT AACGATTGGA AACTACATNN 120
ACAACTTCAA AGCTGTTTTA TACATAGAAA TCAATTACAG CTTTAATTGA AAACTATAAC 180
CATTTTGATA ATGCAACANT AAAGCATCTT CAGCCAAA 218

配列番号：5670
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06735

配列：
GATCAGATTG AGGTTATGCA TTTTTGGCAA GAAAACCACG GCAATGATAT GCCCGTCTCG 60
GTGCATTTNA TCAGGAGATA CTTGATGTCG ATGTGTCATA TTACTGGTGA TGTTAACCTT 120
GGTTAAGGTT AGTAGCTTTC AGGTTTCTCC ATTGTAAAGT TGCTATTACT TCTTAATATA 180
ATAGGCTAGG TTGTACTGCT ATAACAAATA TACCTTAGTA AA 222

配列番号：5671
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06736
配列：
GATCCTTGAA TGAAAAGGAA CCCTCACCAT GGGGCTTACT GTTATAATGT TTCTTCATTT 60
ACTGTTATTA AAAGATTTAT GAGAAA 86

配列番号：5672
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06737
配列：
GATCAGAAGC TGCCAGGAAC AAGGAGAAGA CGCTCCCCTT CCTCACCTTC CCACCCCCAC 60
ATGGCTTCTC ANTCGGGGAA AAGATACAAC TTAACTTTAA ACCAAGTNTT AAGTTTTGAT 120
TATNACATGG GATTAGATGC ACCAAAAACA ATTTCAAGTG ACTGTGGGGC ATTCTATTGC 180
CTGAGAATGT TCAAGAGTCC TGATATGACC TGTTGTTNTT ATCCTAAACA GTGAAAAATT 240
CATCCACCAA ATATATAGGA ATAGAGGGTG ACAGNAAGAT GCTTTCTGAA AGGTATCCNA 300
TATTTGGGGG TNTTGGGTTA CATATNNCTN ATGTNGGNTT TTAANCTATA GCTCTTCANT 360
TANNNTTACT CNATCCATTN CTTGAAAGGA N 391

配列番号：5673
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06739
配列：
GATCCTNTGT ACATGAAATG AAAGGTGCAT CANCTTGGGG GCTGGGAAAC CTGCAGTATG 60
GNTTTACTNC GTCCCTATCA CTGGTGTGGC TGTGGGCAAA CCACTTATTG CCTGACCTAC 120
CTCACAGGGA TGTTGTGAGG GTTTGATGAG AGAATGAATG TTAATAGGAA TTGGAAAATT 180
CAAAGCATTA AACACATGTA AACAGGTAAA 210

配列番号：5674
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06740

配列：
GATCTCAAGA AAAAGCAGGA ATTAAATAAG ACAAGGNNCA GATTAANATA CCTTTCCCAG 60
CAGGGGAAAC AGCAAACTTA AAGGTTCTAA GGCACANGAG AGCATGGCAT ATATGACGAC 120
CCAAAAGAGT GGCCAGATAT CCAGACATCT AGAAGGTCTA GCTAAGTNCT TAGGAAGTAG 180
TATAANCAGA NAAGANAAAN TTGTGGCCTC TTTTTTNAAA ANN 223

配列番号：5675
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06742
配列：
GATCATGCAC TGTTGACCAC TGAGCAATCT GTGTNACACT AGAGTTCACA GGGCATTTTA 60
AGTGTAGACG TGAGTCCTTA AACATATTTN GNTTTCTCTC TCAGGTTTTA AATGTTTCAA 120
ATGTAATTNT TGCTCATCAG TGCAGTTATC AATGCAATTT NATATTCCTT GAGGGGAGAA 180
AGNGGGGTCT TATTGTACAT GTCCAAGGGG GGTGATAAGA GTATTANCTG TTTAATTTAA 240
TTGGANCAAN CCATTGTCTT AACGCAGCCA TGGTTTGANT TTGTCATCTT NGGGCTGACC 300
GGTGCATGTA AATACAGTAT GCNCTTTGGA TGTAATCCTT NGAAATGNCA GTGTTGNATG 360
GTAGGTTATC CTTNNGTNAA CCCTTNTCTC N 391

配列番号：5676
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06743
配列：
GATCCCTATA ACTCAAAATA ACTTGTTTGT AAAAGAAAAT TTGTTTACTT ACCCATTAGT 60
AAGTTCCTGC ATATTCATTA TAAGATGGCA AATCAAACTT TTCTAGGATG AAGACAGCTT 120
ATNTTNAAGT TGTATAGTCT TAGTTGGTTT AGGGTCTCAA TTTTAATTAA TAAAATNCTT 180
GGTTTTAATT TGCTTGTCCT TTTGAATTCC NGTTTTAATA ATTNTNNNAG NGNGCAAAGN 240
GATGTTGAAG TTCAGATTAA NCTCTNCTGA N 271

配列番号：5677
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06744
配列：
GATCCTGGAA GTAATCCGGG CACACTTACA TTTGTTGTCA ACAAGAACAA TCCTTTCATC 60
TTCTTGGGCT TTCACATGAA CAGCCTTAAT AAAAACCGCC AGGACTCCCC AGAAAAGCAA 120
ATGGTTCTTC ATCTTGACTT CACTTCTTCT GAAAAACTGG AGCAAA 166

配列番号：5678
配列の長さ：386
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06745
配列：
GATCACAAAT TAATGTTGGG GAAAATAAAG ATTTAATATT TCTTTAAATA GAAAAAGAAT 60
TTGGTTTTCC TCGTTTAAGA GCAATGAGAA AATNATGGAA TGTTGACTGT NTTTGGCACA 120
CAGGACACGN ACCTTCATGG AAGTCCTTGC TCTGCGTGGC ATCTGTCAGC TTTNCACCTT 180
TCATTCTTAT TCTTCACTTT TGCTGCTGAG CCTAGCTGTA CAAACTTNGC ACTTTCATTT 240
GCTAATATAA ATTCAGTTTT ATTNTACCAT TTTAGAGACT ACTAATGGTT AANTGTAGAA 300
GGNGNGGGGT GNACATGTTT TTATGTNGNG TGTTTNAAAG GATATGTTTT NTNACCCCNT 360
GTNATGGTGG CAGCTTTNTN TTTTTN 386

配列番号：5679
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06746
配列：
GATCCAGGAA GCGGCTGGAG ACATTCCTGA GCCTCCTGGT CCAAAACCTG GCACCTGCAG 60
AGACGCATAC CTAGAGGAAC TCTAACCCCG GTGTACCTGT ATAAACTGAA CTGTGAAACT 120
GTTTCGGTTA TCTCTGTCTT TTGAGGATGG CTTTGTCCTG TTGCTGGTTA ACATTCACCT 180
TCCTCTTTTG AGGAGTATTT TTCCATTATG TATTCATAAT AATGTTAATT TCAATAAATG 240
ACATTCATGC AGCAATTAAA 260

配列番号：5680
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06747
配列：
GATCAACATT CCAGGGTTGG TAATGTTGGA TGATGAAACA TTCATTTTTA CCTTGTGGAT 60
GCTAGTGCTG TAGAGTTCAC TGTTGTACAC AGTCTGTTTT CTATTTGTTA AGAAAAGNTA 120
CAGCATCATT GCATAATTCT TGATGGTAAT AAATTTGAAT AATCAGATTT CTTACAAACC 180
AAA 183

配列番号：5681
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06749
配列：
GATCTCACTA TAGAGGCATC ACTAATTGGG GAAAGACAGA CTAGGTAATA GTCAGATGTN 60
ATATAGTATG TTTAANCTAT AGGATGGCAG GTNCATGANT NTTGGTTGTA TTATCCTTTA 120
TNTN 124

配列番号：5682

配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06750
配列：
GATCTGAAGT TGCAGGTTAA GCTTGTNTGG TCAACATTCC AGTGTGGAAA AATAATTTAA 60
ACAATCTTAT TCTCTTAATT CTTTTGGCAA CAAAAACTAT TAGTAATAGC TATTTGGGAC 120
CAGACAAAAT CAGCTTTCAT CTATAATTCA TTGGGGATAA TGGGAGATTT AGATAATGTA 180
TCCNGATTTA AACCTACCAG TTTGTCCTAC CCCTTANGCG TTTAANATAA ANTATGCANC 240
AAATTTGGNG GNANGNNGTG TGNNGTTN 268

配列番号：5683
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06751
配列：
GATCAATGCA AAAATTGTTA TATATGAACA TATAACTGGA GTCGTCAAAA AGCAAATTAA 60
GAAAGATTTG GACGTTAGAA GTTGTCATTT AAAGCAGCCT TCTAATAAAG TTNTTTCAAA 120
GCTGAAA 127

配列番号：5684
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06752
配列：
GATCTTTACA ATTACAGTGT AGTAGACAAT TCGGAATTAA TTTGAAACAC ATCACAACAT 60
AACTTGAGAA AATTTCCTAN TGTATATGTA GTGGTAATAA ATGTTTAAAG GCTGCAAGGA 120
TTGCATTATA AANNCTGTTT GTNGGCTTTC TAAGTCTTTN ATNCCTGTAT TGGGANTAAN 180
CAGATTTNAG AAAATGGATA TAAGCTGANA TGTATATTTN N 221

配列番号：5685
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06753
配列：
GATCATAAAT TTTTCTCAGT GTCCTTTTTG TGTTGAACAC ATATATCTGA AACCTGTATT 60
TAACCAGATA TTTCTACTCA ACTGAATATA CAAGTGTAAA TTTGATTGGA AAATTGTATA 120
TTATAAATGA AAATACAATA ATCAAA 146

配列番号：5686
配列の長さ：344
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06754
配列：
GATCCACCCA CCTCGACCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ATGTAAGCCA CCGTGCCTGG 60
CCAAAGTTTT CTAATACCTG TTTATAATCC CCTTCTTTGT CCTCAGGTAA CACTATCTAC 120
TACGTGTCTC TNCAGATTAG CTTGCATTTC CTAGAATCTA ACTTATATAA TTAAAATAAT 180
ATAGTATATA CCCTTCTTTT GGCTTTCTTT ATTCAGCTAT GTTGTGAGAT TCATTCATGT 240
TGTTTAGAGT ATCAGTTACT AAGTAGTATT CCATTTTNGG CTATATCAAA NNTNGTTTGN 300
CCATTTACCT ATTAANGGGC ATTTNGCACT GGNTCCAGNN TGAN 344

配列番号：5687
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06755
配列：
GATCTCTGTT TTGACTAAAC TAGAGGAAAA ATNATTGGAT GTGTTTATTC TTTTCTAAGC 60
AGAATGGTTT AACTTTGTAC TCTTTGAAAA ATAATGCTGA TTTATAAATC TCTGCCTATA 120
NCAGAATGGA AA 132

配列番号：5688
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06756
配列：
GATCCTGCTG TGGCACGGGG CCTATGTGTC TCTGTCGCGT CTGCTGTGAA GACATGATGC 60
TCTATTTATT GTAGAGAGTG ACTTTATTTG CTTTCTAGAA TTGTTTATAA CAGATGGTAT 120
AAGAGAGGTA ATAAACAGAG AAAAATCTAT GCTTGTAAAG AATACAAAAG TTAATTTTAC 180
CTACTATAAT ATGGCTGGCT GAANCTTATT TCCTCTCTNN GNAATAAATG TTCTANTGGG 240
CAAA 244

配列番号：5689
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06757
配列：
GATCTTNTCT ATACCATTTA ATGTAGAAAA ACTAATTTTC TATAATTNTN TCTATTAAAG 60
GTGACATTAA TGCTGATAGA AAAATATTCC CACATATATC TNACTTGGAA AACTTATAAA 120
AATTGTGCTG TCTTTAAAAT AAA 143

配列番号：5690
配列の長さ：219
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06758
配列：
GATCGCAAAG GGATTGTTCT TATAAAAGTG GCATAAATAA ATGCATCATT TTTAGGAGTA 60
TAGACAGATA TATCTTATTG TGGGGAGGGG AAAGAAATCC ATCTGCTCAT GAAGCACTTC 120
TGAAAATATA GGTGATTGCC TGAATGTCGA AGNTCTACTT TTGTCTATAA AACACTATAT 180
AAATGANTTT TAATAAATTT TTGCTTCAGC ACTTGGAAA 219

配列番号：5691
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06759
配列：
GATCTAGATG AGATTACCCA TAGCAGGGAA AATAATTCAT CACCTACCAA AGACTGTACG 60
GAAAGGTGTG TTATTTTCAA AATTGCATTT TAGTTTGCAC ACATGTAAAT NATTATCCTA 120
TGTTAATCTA ATTGACAATT CANTTAGCTC CGCATCCTAA GACTTAAAAC TAGCAATTCC 180
TATGCAAATC ATCTGCTTAA CTGANCTACA AACGTTTTTC ATTAATTCAT TCTTTGATGA 240
CATATTCCAT GTTATATANT ANTNCANAAT AAAGTTAATA TACTACCCCA AA 292

配列番号：5692
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06760
配列：
GATCCTCTCG CTTGTTCACT GGGGCATGTA CAGTGGGCAC GGGAAGCTGG AATTCGTATG 60
ACGGAGCTTA TCTGAACTAC ACTTACTGAA CAGCTTGAAG GCCTTTTGAG TTCTGCTGGA 120
CAGGAGCACT TTATCTGAAG ACAAACTCAT TTAATCATCT TTGAGAGACA AAATGACCTC 180
TGCAAACAGA ATCTTGGATA TTTCTTCTGA AGGATTATTT GCACAGACTT AAATACAGTT 240
AAATGTGTTA TTTGCTTTTA AAATTATAAA AAGCANAGAG AAGNCTTTGT ACACACTGTC 300
ACCAGGGTTA TTTGCATCCA AGGGAGCTTN 330

配列番号：5693
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06762
配列：
GATCANAGGT CTTGAGGTCT TTACATCTTG ACATATACAC TGAAAAAAAN GGGGGTTGTA 60
TGTATNAATG TGCTACCCAA ACCTNTGGCC GCCACTTTTA AATTCTCAGA TTGCCCTGAA 120
TTTTGNCACT TTNAAATAAT GNN 143

配列番号：5694
配列の長さ：273

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06763
配列：
GATCTTAATG CTTCTCCTGC TCTGTAAGCC TCTNAAGAGC AATATCTAAT TAATTATTAC 60
TGTAATTTTT TAAAAGGCTT TAAAGTGCCT CAGGGGTCCC CTGAAACTAA TTTCCTATTT 120
CTGGGATTCC CTGGATTCAT TATATGNNAT GGTGACATGA TTAGAGGAAT TCNTTTTAAG 180
TATGAAANTT GTCCCTTTCC TNCTTCAGTA CTTGCCTCCT NGCTGGCATT GANTTAACAC 240
AGGGACAAAA TTTGGTTAAT TNNTNATTNC NAN 273

配列番号：5695
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06764
配列：
GATCTGTACT ACAGGAACCA AATGTCATGC GTCATACATG TGGGTATAAA GTACATAAAA 60
TATATCTAAC TATTCATAAT GTGGGGTGGG TAATACTGTC TGTGAAATAA TGTAAGANGC 120
TTTTCACTTA AAAAAAATGC ATTACTTTCA CTTANCACTA GACACCAGGT CGAAAATTTT 180
CAAGGTTATA GTACTTATTT CAGCANTTCT TAGAGATGCT AGCTAGTGTT GAAGCTAAAA 240
NTAGCTTTAT TTATGCTGGG NTGGTGATTT NTTTATGNCA AAATTTTTNT AGNGCGAANC 300
ATGTGGTGGN TAGCTTGGNN ATGAANGAAT TNTGNCN 337

配列番号：5696
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06765
配列：
GATCTAGAAG TTGCAACATT CGTTTGATAG GAATTCCAGA AAAGNAGAGT TATGAGAATA 60
GGGCAGAGGA CATAATTAAA GAAATAATTG ATGAAANCTT TGCAGAACTA AAGAAAGGTT 120
CAAGTCNCGA GATTGTCAGT GCTTGTCGAG TACCTAGTAA AATNGNATGA AAAGAGGCTG 180
GCTCCTAGGC ACATCTTGGT GAAATTTTGG AATTCCTAGT GATAAAGGGG AAATNATAAG 240
GGCTNCTAGN GGGNGANGGG AATTNCNTGC CAGGGANCAG GNTCAGTTGN 290

配列番号：5697
配列の長さ：393
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06766
配列：
GATCATTCCT GTATTAAACT TTCATATGCC AAAAGGGTTT GTCCCGTTTN ATCTGCCATC 60
AGTGTTTGAC CTGTTTAGGG CAGAGGCAAT AAGTCAGAAG TCTTGAAGTT GAAATAGTTA 120
TATGTGTGTC ATTGGACTGG ATTATAAACA GCTGTCTTGG ACTTTCCCTC TCTTAACACT 180
GACTGGTNAT CAGTATCATT AGTGAAAAAG NAAGCAAATT GTTTGTNATC ATCTCTTTAG 240

NCAGGTAAGC TGGAATGGGT GGGGCTTTAA ATAATANAAN CATGCGCATN GTTGGCTTGT 300
GTATGGGCCT NCTCTTGGGA TTCCTNGTNG TNATGGGCTT GGTATTTTGG GTNCNTGATT 360
TTGTCCANNG GCANTNCCAG GTGGGTGCCA NCN 393

配列番号：5698
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06767
配列：
GATCCANGNT AAGAGGCNCC CCCCCGACCA GCAGAGGCTC ATCTTTGCAG GCAAGCAGCT 60
GGAAGATGGC CGCACTCTTT CTGACTACAA CATCCAGAAA GAGTCGACCC TCAACCTGGT 120
CCTGCGCCTA NGGGTTGCTG TAAATCTTCA ATCAATGCAA TNNCNATGCC CATNAN 176

配列番号：5699
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06768
配列：
GATCTACTCA GACAGGACCT TCGCACCTTT GCCAGAGTTT GAGCAGGAAG AGGATGATGG 60
TGAGGTAACT GAGGACTCTG ATGAAGACTT TATACAGCCC CGNAGAAAAC GCCTAAAGTC 120
AGATGAGAGA CCAGTACATA TAAAGTAAAA TNACATGGAT TTAAATCAAT TGTTTAAA 178

配列番号：5700
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06769
配列：
GATCGTTTCT TTAGAAAAGT GGCATTGGCT TTTGAATATG AAATCTTCTC ATAGCTGCCT 60
AAAAAAGACT AGAATGTATA TGGATATCAG AAACCTTTAA TAATACATAA TTTATGCAAA 120
GATAAGATAA AGCAACATAA CACTAATTAT AAAACTATTT TTAAATCCCC ATTTTTAATG 180
ATAANTATAC ATTTNTATTT AATTTCCTTT GANTAAAACA NTTGTAAAGT AAA 233

配列番号：5701
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06770
配列：
GATCTTCATC TGACTATGAC ATAAAAACAA CTTTATACCC AGAAAGTTAT TGATAAGTTC 60
ATACATTGTA CGAAGAGTAT TTTTGACAGA NTATGTTTCA AACTTTGGAA CAAGATGGTT 120
CTAGCATGGC ATATTTTTCA CATATCTAGT ATGAAATTAT ATAAGTNTTC TAAATTTTAT 180
ATCTNGTAGC TTTATCAAAG GGTGNNANTT ATTTNNTTCA TACATATTTT NGTAGCACTG 240

ACAGATTTCC ATCCTNGTCA CTACCTTCAT GCATAGGTTT NGCAGTATAG TGGCGCCACT 300
GTTTTGAATC TNATAATTNA TACAGGTCAT ATTANTNTAT NGCCCTTAAA AAANATCAGT 360
TGTTCCAGNG GAAN 374

配列番号：5702
配列の長さ：452
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06771
配列：
GATCCTCCTG CCTCAGCCTC CTGAGTAGAC GGATTATAGG CACCTTGCCC AGCTTCTATA 60
GCAGCATTTT TTTCTAACAC CTAAAAAATG GAAACAAGCC AAATGCTCAT CCACTGGTAA 120
ATGGATAAAC AAACTGTAGT CTTTCTATAC ACTGGAATAT TTGGCTATAA AANAGANTGA 180
NATATTGATA CATGCTACAA CATTGATGAN CTTCAAAAAC ATGCTAAGAG AAAGCCAGTC 240
ACAGAANAAT ACATNGTATT CTATAAGAAT GTCTAGGGAN CGTNAATCTA TATNGGCAGA 300
AGGTAGGTTN GTGGTTGCCT AGGGCCCGGG GGGAAGGGGT TAGGGGCCCT NGGGGGTGNC 360
AGCTTATGGG GCTGCTAATN GGGCCTNCCG NTTCTCTTTN GGGGGTTGGT ACCCTGCTAA 420
ATTGNCCTNN TTGGCNTGGT TTTNNCCCGG GN 452

配列番号：5703
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06772
配列：
GATCTGTCTG TGCACATGCC TCTGTAGAGA GCAGCATTCC CAGGGACCTT GGAAACAGTT 60
GACACTGTAA GGTGCTTGCT CCCCAAGACA CATCCTAAAA GGTGTTGTAA TGGTGAAAAC 120
GTCTTCCTTC TTTATTGCCC CTTCTTATTT ATGTGAACAA CTGTTTGTCT TTTTTTGTAT 180
CTTTTTTAAA CTGTAAAGTT CAATTGTGAA AATGAATATC ATGCAAATAA ATTATGCAAT 240
TTTTTTTTCA AAGTAAA 257

配列番号：5704
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06773
配列：
GATCANGAAG CTATTTTCNA TTCTGGGGAA CGATTATAAC TTAAATNATT GTTTTAATAA 60
AAATTCTAAG CTGGAAA 77

配列番号：5705
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06774

配列：
GATCCAATTT CTTTGTGGTA CCTGCAGTTT ACAAAATAAT TTGACTTCAG TGAGCATATT 60
GGTATCTGGA TGTTCCAATT TAGAACTAAA CCATATTTNT TACAAAAAGA TATTAATCCC 120
TCTACTCCCA GGTTCCCTTT ATATGTTAAG ATATAATGGC TTTGAGGGGG GAAAAAATAA 180
ACCTAGGGGA GAGGGGAGTT TCCTGTAGTG CTGTTTCATT AGAGGATTTC AGTAAATTAA 240
ATTCCACAGC TAATTGAATA AATAATGGNA CCTTTAAA 278

配列番号：5706
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06775
配列：
GATCTGCATA TNATGTATTA GGTTAGGTCA CAAAGGTTTT ATCTGAGGTG ATTTAAATAA 60
CTTCCTGATT GGAGTGTGTA AGCTGACCNA TTTCTAATAA AATTTTAGTT GTACACTTTT 120
AGTNGTCATA GTGAAGCAGG TCTAGAAAAT AAGCCTTTGG CAGGGAAAAA GGGCAATGTT 180
GATTAANCTC AGTATTAANC CACATTANTC TGTATCCCAT TGTCTGGCTT TTGTAAATNC 240
ATCCAGGNCA AGNCTAAGTA TGTTGGTTAA TAGGNATCCT TNTTTTTTTT TTNAANGCCT 300
AANNGGGN 308

配列番号：5707
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06776
配列：
GATCGTAACC CCTTGTTGAC TAATCTNGCC GTGGTTTTGT NTAGGTCTGC AGGAAGGAAG 60
NCTNAAAAAG CGGACGAAGA TTTTNACTTA AGTGGGACTT TGTN 104

配列番号：5708
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06777
配列：
GATCCTAGTA AGTCANTNGT AGTTTACTGG TGANGTGAGC ATTNTAGATT CCCCCNTTAT 60
CACTAATCAC ACAACAATTT TAAGAAGTAG GCTATAAAAC AAAAAAAGGT TGCTGTTTTC 120
TATTTTTAAA TAAACNN 137

配列番号：5709
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06778
配列：

GATCTCATTT GCTGGAATGA TTGATTTAAG AGTAAAATTA GCCACTGCGT NTGTNTNGTG 60
TATAGTAACC GGTTTTNTTG CACTTGTCTG TGGCTGAAAC ACTTACCTGC AGTGGAAAGC 120
CGTGCAAGGA GGAGGTAAAC ATTGGAGATG TTTGTNAAAA TATTACTCTT GCTGTGAGGT 180
TTTAGTTTGT TTTGAATGAG AAAAGACTAA GTAACTTAAT CCATCTCAAT GTAGTGTTTT 240
AATANNNNGG GNNCCTAATA TTTGANATGG GTCTCAGACA TGTCTACAAA TATGGGTACT 300
ATTTTNNTGC CCGTGTATTT TCACATTTNA NAN 333

配列番号：5710
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06780
配列：
GATCCTTATA AATNAGAAAC ATGCAAGCTT CAGCTGCTCG AGTTCTATAG TGTCACCTAA 60
ATCGTATGTG TATGATACAT AAGGTTATGT ATTAATTGTA GCCCGGTGNN CNTCGNGGGN 120
ACCTTN 126

配列番号：5711
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06781
配列：
GATCCGGCAA ACAAACCACC GCTGGTAGCG CGTTTGTNTT TGTTTGCAAG CTTCAGCTGC 60
TCGANTTCTA TANNGCCACC TAAATCGTAT GTGTATGATA CATAAGGTTA TGTATTAATT 120
GTAGNCGTTN GCN 133

配列番号：5712
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06783
配列：
GATCCTTTTA AATNAAAAAT AAAGTTTTAA AAAAAAACAT GCAAGCTTCA GCTGCTCGAG 60
TTCTATAGTG TCACCTAAAT CGTATGTGTA TGATACATAA GGTTATGTAT NCNNNN 116

配列番号：5713
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06784
配列：
GATCTTCTCA ATGGGTGGNC TCCTGGTATT CGTGGGACCA CCTGTGGGCA CAGGAGCCAA 60
TGTGGTTCAG ACAGCTGGGC AGAGGGAGCT GCTAGTCAGC TGTTTGCCCA CACTCTGCCT 120
GTCATGGTGA TTTGNACCCT ACCCCCCTGG TCCCAGNGNC CTGGGGCTCA CTTGATACCG 180

TTGAAAGTAA GCACAGNCTG CATGTNCTCA GGNAGGNCCT GGGGCTCAGG GCACTCGAAG 240
NCATCAATGN TGGGNACANT GTTNTTGN 268

配列番号：5714
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06785
配列：
GATCTCAGAA TACAAATTTA AATAAATTAA TTTAATTCTC AAAACACCCT TGATTGGAAC 60
TTACAGCTGG CCCTCTGTAT TCGTGGGTTC AACCAATCAC TAATTAAAAA TATTGGAAAC 120
AANNNNNNN 129

配列番号：5715
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06786
配列：
GATCCTGCAT TTATGGTGTA GTTCTGAGTC CTGAGACTTT TCTGCGTGAT GGCTATGCCT 60
TGCACACAGG TGTTGGTGAT GGGGCTGTTG AGATGCCTGT TGAAGGTACA TCGTTTGCAA 120
ATGTCAGTTT CCTCTCCTGT CCGTGTTTGT TTAGTACTTT TATAATGAAA AGAAACAAGA 180
TTGTTTGGGA TTGGAAGTAA AGATTAAAAC CAAA 214

配列番号：5716
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06787
配列：
GATCTAATCC CTTCAAGGAA GTGATAACAC TGGAGTGGTA ACAAGAGGAG CAGGAAGCAA 60
GGCCAGCCCT GGTTCTCCAT CCCCATGTGT TTCAGGTGGA ACAGGAGGAA CTGGNCCAGG 120
CCAGGCCTCA TCCTCCTGGA CCCAGCAGGG GCAGAAGGAG GAAGGGACTG GTCCAGGCAT 180
GGGTCCCTTC CCNNTGCTCC ATGGGCANCT CTGCTGTATT GATATCACTA GTAAAGTCTG 240
TCTGCACTGC AAA 253

配列番号：5717
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06788
配列：
GATCATGTCT TTCAGAATCC ATGTACATAT AGGCTGTNCT AGCCACAGTG GTAGATTTAT 60
GATTCACATC CGAAAGTGTG CCTTAGTTAT CAATTTAACA TTTCTCTAGT ATTCATATCC 120
CTTTCCTTAC CATATACCTC AGTGTATCCT TCCTGTGTCA AGCCTTATAA ATCATGTAAT 180

TTAGTGCCAC TCATGTAAAT CAGTAAAATC ACAAAGGTCT ATTTAATGAA AACGATTTAC 240
CAATGTTGTT TTTTTTTAAC AGGANAAGNA NTAGNAGCAC NTTGTCATTT TTNAGANGGN 300
GGNNTTGTTG GGNGNTGGGG GGGNNGNTTG GN 332

配列番号：5718
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06789
配列：
GATCATGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CCAGGTGAGA CCCTGCCTCA AAAATAATAC 60
AATAAAAAGT AAAAGCAGCC CTGGGGAAAT GGAGACAGTG GACAAAGCAG GCTGGGGCAC 120
CAGGTGTGCA TGTGGGTGTG AGTCTGTCAT GAGAGCTGTC CTGANTGCCC TTAACGCCAC 180
TGAACTGTAT GCTGGAAAAC AGTGACAACA GTGGATTTTG TTATATAGAC AATTANANNN 240
GTATANCACC CAGAANANNT GTGTGNNTGT TGGGNNGTGG TGNN 284

配列番号：5719
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06790
配列：
GATCTTTAAC TCCTCCTGGC TGCACCTGGG TAGGGATGGT GGCATCGATG CCCCTCTGTC 60
TGCTGAAGGA CCTGTTGCTG CTTCTGTCTT TTCACCCCTC CTTGGCTGAT GACCCAGAGC 120
CCTCTGATGA TGGCATTCTC CTGGCAAGAG AAAAAGACTT AACTAGACTT CTGAACTTGA 180
ACAGTTTCAG GTTATATTTT AATTTTNNNT TTTTTTGTAC NGGTNCNGAT NCTAATACAT 240
TNCACCNNGC AAA 253

配列番号：5720
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06791
配列：
GATCCACCCA CCTCGGCCCC ACAAAGTGCT AGGATTACAG GTGTGAGCCA CCATGCCCGG 60
CCCAGAATAC TTTTTAAAAG AAGAGCAGGT TAGAGGAAAG AAAAAAATTG ATGCTGAATG 120
TGGTGATGAA AGCATGTTTC TAAAATGGGA AGCAGATGCT TAANGAGGAA AGACTAATCT 180
GGGATTTTGC CCCATTTCTC TGGNTTTTCA CTCCTATATT TNATTCTCAC AATCGTGTCG 240
TCACATAGTG CANAANACAN ATTTCTTGTA AAGTCCCCAG GGGTTTATGC TTGGGTGAAA 300
GTTTTAGCCT GAGTATTTTT CTTNCTCTAA AAANAGGTGG GGANTGNGNC ATTTGAGGNT 360
NTTNACCTTT TAATTGTNCT GCTATNGGN 389

配列番号：5721
配列の長さ：174
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06792
配列：
GATCTGGTTG GGGTTTTGGG TTTTTTGTTG TTGTTGTTTA TTTGTTATTT TAAAGGTAAA 60
TTGCACTTTT AAAAAAATAA TTGGTTGACT TAATATATTN NCTTTTTTNC TCACCTGCAC 120
TTAGAGGAAA TTTGAACAAG TTGGAAAAAA ACANNNTTNG TTTCAATTCT ANGN 174

配列番号：5722
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06794
配列：
GATCCTATGT TGCTGGAACT TGCCAAACAG GATGTTGTGC TCAATNACCC CATGTGAGTG 60
CGTGGACTCC TGGGAGCTCC TGCTCCNTAC AGTGGGCTGC AACTGCTGTA CTTGAAGCTG 120
AGACCTCATA TGACGTGGCC TTCGTGTTGT CAGAGAGTGT CTGGAAGCTG CTGTTGCCAT 180
CTTGAACAAC TCACCAACCT CCAACCCAGA GCCCCAGTGA GAGAGGAGCA TTTGGCCTCC 240
TGCTTCCTTC TGTGGCCTCT GCCGGGCTCC ATTNCCAAGG AAAAGAGAGG AGCTTGGGCT 300
CACAGAAAGA GAAGGGGATG AAACCCCAAG NGGCCCTATC TTTTGGGATT TACATGGGAT 360
TTTTATN 367

配列番号：5723
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06795
配列：
GATCCTGAGT AATCCTTTTA GAGCCCGAAG AGTCAAAACC CTCAATGTTC CCTCCTGCTC 60
TCCTGCCCCA TGTCAACAAA TTTCAGGCTA AGGATGCCCC AGACCCAGGG CTCTAACCTT 120
GTATGCGGGC AGGCCCAGGG AGCAGGCAGC AGTGTTCTTC CCCTCAGAGT GACTTGGGGA 180
GGGAGAAATA GGAGGAGACG TCCAGCTCTG TCCTCTCTNN NNNCTCCTNC CTTCAGTGTC 240
CTGAGGAACA GGACTTTCTC CACATTGTTT TGTNTTGCAA CATTTTGCAT TAAAAGGAAA 300
ATCCACTGAA A 311

配列番号：5724
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06796
配列：
GATCCTCCGG CCTCAGCTGG TCTACAGGCG GGTAATCAAG GGACTGGGAC TACAGGCGCG 60
CCCTGCCGCG CCGGGACAAG TTTTGTATTT TTAGTAGAGA CAGACTCTCC CTGTGTTGCC 120
CAGGCTGGTC TCCAACTCCT GGGCCTCCCA AAGTGTTGGG ATTACAGGCG TGAGTCACCC 180
CTGCAGGCCA CAGCTTTGCT TTTTAAAAGC ATTTCTGCAT AACTAAAAAG ACAGGAAATT 240
ACGAGCATAC GGNAACTGAT TTCTGCTTTC CTGAATTTTC TAAATGTATT TAATGGGCAT 300

GGTTCTTTTG CAATGAAAAA GTAATANATT NGGGTNTCAT CN 342

配列番号：5725
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06797
配列：
GATCCGCCGA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGAGCAC GTGCGCCTGG 60
CCAAGAATGG ACATTTTTTA AAAAAACATC AGTACTTCCT ACCACTGCTG CATGAGTATA 120
ATGCTCCGGA ATTATCAGAA AGCATAATGC AGAAATACGA ATTAGTGGAA CTTAATCATG 180
TGCCATATAA GCTTACCTAA CAAACAGTTA TATCCCTATT CCTCAACTGA ATGTCTTTTA 240
ATAAATNAGA NTTTATCATT TNNNGTANGG GTGNGTGTGN GGNTGGNNGG GGGGGGGGNG 300
GGGNNGGGGN GN 312

配列番号：5726
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06798
配列：
GATCCTAGGC TCCCTCCATC CCTGGTATGT GGTCCTCATT TTCATATAGA CCAAGAGCTA 60
GAGCTCCAGT TACCATTTCT TAAAGTATAT TTTAATGCCA AATAGTGAAT AAAGGTGGCC 120
AGAAAATTCA AA 132

配列番号：5727
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06800
配列：
GATCANCTAA GGTCAGNAGT TNGAGACCAG CCTGACCAAC ATNGTGAAAC CCTGTCTTTA 60
CTAAAAATAC AAAAATTTAC CAGGCACCTA TAATNCCAGC TACTTCAAAG GCTGAAGCAG 120
GAGAATCACT TGANN 135

配列番号：5728
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06801
配列：
GATCAGTGGG CCTCCAAGGA GGGNCTGTAA AATGGAGGCC ATTGTGTGAG CCTATCAGAG 60
TTGCTGCAAA CCTGACCCCT GCTCAGTAAA GCACTTGCAA CCGTCTGTNA TGCTGTGACA 120
CATGGCCCCT CCCCCTGCCA GGAGCTTTGG ACCTAATCCA AGCNNCTCTT TGCCCAGAAA 180
GAAGATGGGG GAGGAGGCAG TAATAAAAAG ATTGANGTAT TTTGCTGGAA TANGTTCNGA 240

TTCNTCTGAA CTCAAACTGA GGAATTTCAC CTGTNANCCT GNGTCGTACA GANAGCTGCC 300
TGGTNTATCC AAAANGCTTT TTNTTCCTCC TGTN 334

配列番号：5729
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06802
配列：
GATCCTGTAA GCAGACTTGG GCAGTCTCCT TTAGAAATAG GTTGTCTGTA CATGTTCTAN 60
GGTNTTGTAG ACACGTGTGA CTGTNTANGT GTATTGATGT GAATANTATT AAATATCCTA 120
ATTATNTAAT TCATTGTATT GTTTCTGNGA AGTTGGGN 158

配列番号：5730
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06803
配列：
GATCCATANA AGAGCTCCTA AAGAAGAACC CACATGAAAA ACTATCAGAA TCATGTTTAA 60
GCTAAACCCA TATNCAAAGA CCAANCNACG NACCACCATT CTTCGN 106

配列番号：5731
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06804
配列：
GATCCTGGTG TGTGTATTAT ATAAAGAGAC CCCTCCCCTT ATTTTGTGTT TTCCATCCCT 60
CTCCCTTAAC AGGATTGAAA TAAAACATGC TTCTGTTTTT GTAAA 105

配列番号：5732
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06805
配列：
GATCANCAAA ATCCAATTTC ACATGTGGCA CTAGGAAAAT GGAATGCTAT AAAATTAATC 60
CCCATCACCC AAGTAGGGAT GCTGGTGCTT TTATACTGAG TCTTTACTGC CAATAAGTGA 120
TGCTGGCTGC AAAGGANCAG CTCTACAGAA AGTTTTTGGG TTAGTGTTTC CCTAGCTTAT 180
TNCTGCANTG GGGAAAGCCA GTTTCATACC AAAAANGANA ATGNAGGTGN TTATANTGGN 240
NNN 243

配列番号：5733
配列の長さ：194

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06806
配列：
GATCTCGGTC ACGTGTCCCG GGCGCTGAGG GGAAAGGAAG CGGGCATGAT TGTAGACAAT 60
GAGGGGGTTC TCTTGATGTA ATGAAATGCA ATTTTATGGT TTGGTGCAAA AACTCCTATT 120
TTCCAGTAAA TTAACTTTAT TTCTAAAGCA TATTTTGATT TGCCATCAAG AGCAATAAAG 180
CATTAAATCT TAAA 194

配列番号：5734
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06807
配列：
GATCTGGGCC CTGAAGTATA TAAGTAGGAA TTTGCAAGAT GGATGAGGTA GAAAANNGTA 60
TTTCATATTG TGGAATAAAC AGAGGGAAGA GCCATTTGTC TTATCCCCAA CTCCAGAACT 120
CTACTACTCA TGGAGTCTGA CACAAACAAT GTTAATAATC TGTTTNAGTT CTCATNATAG 180
GGCACTGGAN TTGGCTGTAA ANTNCAAANC ACNTNN 216

配列番号：5735
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06808
配列：
GATCTTCTAG TTNCTGTGTT GTTTAGACTC AAAGAATCAC AAATNTGTCA GTAACATGTA 60
GTTGTTTAGT TATAATTCAG AGTGTACAGA ATGGTAAAAN TNCCAATCAG TCAAAAGAGG 120
TCAATGANTT ANN 133

配列番号：5736
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06809
配列：
GATCTTAGCA CCCAACTCTG CTGCCCTTNC TGCTGGGCAG TGCCTNTCCT AAGAGGGGAC 60
TCCCTAAAGG CCAGAGAGAG GGTGCTCATC TCCAGGACCT AGGCCACCTG TCAGCACAAA 120
CAGAACTTAT TCCAGACATA AACATGAGTC TTCTTATTTC AAACACTGGA GCAACTGNTC 180
AAATATCACT CTCCTACTTA CAGGNCTCAN CATACTNGTC ACAGCCCTTT ACTCCCNCTA 240
CATATTTNCC ACANCACANT GGGGCTCANT NNCCN 275

配列番号：5737
配列の長さ：211
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06810
配列：
GATCATGCTA GTNACTTCCT GCCCCCAGGC ACCGTGCCAA ANACTGGATG CCCCCTACTC 60
CTCAGGGGAC TGTCCAGGGC GCCCAGTGGT AGTGAGGGAG AGTGTCTCTG TTCTTTTGCT 120
CAGCCTGCTG GGCCCTTTGT GTTTGAGGAT GCTTAATGAT TCCAGCCTCT CACTGTGCCT 180
TATGCATTAA AATTNCTTTG TTACGAGCAA A 211

配列番号：5738
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06811
配列：
GATCTNCTTT ATAGCCANCT CTCCTCACTT AACAGGTACT TTCTCCAAAA ACCTAAGAAC 60
CAAAGTCTTC CGCTTGCAAC TTGGGATGGT GATATGGCTG TGTCCCCACC CAAATCTCAT 120
CTNCACCTGN NNN 133

配列番号：5739
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06812
配列：
GATCATCGCA AGGAAGNAGG CAGACAAGAG TAAGGCACAC CTGACTCTTA GGACTAGCAG 60
TCAGAACCAG GAGGAAAGNT TTTATTGCTA TGCGGGTAGG TAAGAACAGA TTTTACTTAC 120
ATCCATATAG TTACTTAAAG TCCAGTTTTC TGTTAAACNN NNTTCTNNN 169

配列番号：5740
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06813
配列：
GATCTCTTGT CCACTAAGTA TCTTGTTAAA TGCCAGTATC TCAGTCTTTC TGAAGCCCTG 60
AAATGGTAAT TGTAGCATTT CAGAAAATNT CTTTCATTTC AATCAATAAA AAGCTTTTGT 120
AAATAAA 127

配列番号：5741
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06815
配列：
GATCTTCCAG ATTAGGCTAA ATGTAATGAA AACCTCTTAG GATTATCTGT GGAGCATCAG 60

TTTGGGAAGA ATTATTGAAT TATCTTGCAA GAAAAAAAGT ATGTCTCACT TTTTGTTAAT 120
GTTGCTGCCT CATTGACCTG GGNAAAATGN AACAANACAN TAAGGCAANT GGTAGGAAA 179

配列番号：5742
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06816
配列：
GATCAGCCCT NCCCTTCAGC ATCCTCAGNT CCTGNAGCAG AGCCTGGAAG ACACCCTAAT 60
GTGGCAGCTG TCTCAAACCT CCAAAAGCCC TGAGTTTCAA GTATCCTTGN TAACACGGNC 120
ATGACCACTT NCCCCGTGGG CCATGGCAAT TTTNACACAA GCCTGAAAAG ATGTTGTNTC 180
TTNTGTTTTT TTCTTN 196

配列番号：5743
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06817
配列：
GATCCGCAGT CCTAACAGGG TGAGAAAGCA CAAGAGGGGC CAGCTCGGCT GAGGCCTGAG 60
GAGAAATAAT GAGAAGTTTT GTTTCGTTCT TGGGCTGGGG CATCTCAGGA ACAGTGAGGG 120
CAACAAGCTG TCCCTCAGGG ACCCTCACCT GCCCTCCCAT GTGACCAGGC CCTTCCCAGG 180
TGGGGACTGG GGCTTGCTTT ATTAAGTGAG CTCTTGGGCT TTTGAAGTAG GACAGAGGGC 240
CCTGGTTTGG CAGAGAGGAG GCAAGGGAGG GCTTTAGAAC ATCTGAGAAA TGTTAATAAA 300
ATANTTCAGA AANTAGGAAA AAAATN 326

配列番号：5744
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06818
配列：
GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATNTAT TTGTTGCTAA ATGTTCACTT TTTATAGTNA 60
TGTCCTGTAT TCTAAACAGT AAAGGGGNTT TATTNCTATC ACAAA 105

配列番号：5745
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06819
配列：
GATCTCAGAA GTTTTNAAAA ATAGCAAAGA AGACTGNATT TGGAAANCAT GGTCTACAAT 60
TGGNTGTTAA ATNCTGAAGC TATGAAGAAT AAATATTTCA ACTTTGGATT ATGAAACCCC 120
ATTTATGATT TTTTAAATAC ACTTGAAATA AAAATGATTA AACTAAA 167

配列番号：5746
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06820
配列：
GATCTNTAGA ATTNTTATTG TAATTTTCCT ACTTCTTTGA TAAAAGAAAA ATAAGTCAGA 60
TTGTTAACTC CAAGATTGAA AAAAAAAACT CTTGAAAGAN GATTATNAGT TGTAACNAAT 120
TTGGGGGGTC TGGGCACAGA CATCTAACCT GGTATTGTAA GGCAGAGGCT CCCATTGGAN 180
TGGTAGTGGT CCGGGTCAGT TGTTCATGGT GTAAGCTTTG CACNGTGTAT TGAACATTNG 240
NAGGNTCTGN CTNGAAAN 258

配列番号：5747
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06821
配列：
GATCCCTGCC CTTNTCAAGA CTTTAGCTNT TCCTTCCATC CGGTGGCCTA TTCCAGGAAT 60
TCCTCTTTTG CTTAAATCAG TTGGAGTTTG TNTCTGTTGC TTGTAATCAA GCCTTTATGG 120
CTGCTGGGCT GAGTGACACA AGCACTTTAA TGGCCTGGAG GGACTTTTAA TCAGTGAAGA 180
TGCAATCAGA CAAGTGTTTT NGAAAGAGCA CCCTCGNGAA GGGTGGATGA CAGGGCAGGG 240
CAGGAAGGNC AGGNAGATGG CAGAACGGTG GTGGCTGCAG CCGGGGGTNC AACCAGGANA 300
CTGGTTGGCA AGCTNGGGGC TAGGGGGTAA GGNNTTTTNA GGGGTNGAAN 350

配列番号：5748
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06823
配列：
GATCTTCCAT GTTTTGACGT TTGCAGTCAC ACACAACACC TTAGTTCCTC TAGGGGCTGT 60
ACAGTATTGT GGCATCAGAT AATGCCACCA AAGGAGACAT ATCACTGCTG CTGGGACTTG 120
AACAAAGACA TTTATATGGG TTTATTTTCA TTCTGCCAAA GTAAANCANT ACATCAACAN 180
GAGGAAACTC AGNTTTAACC TGTTATTTCT ATGANNNTGG GATGATTGCT TTGTTTATGC 240
ACTTTTTCCT GNCTGTGCAT CCGCCTGTNA GTGTTTTGCC CTNTAGTCCC TCACTAGCCA 300
TGCTTNTGTG NTGGGTTATC ANGGGNGTNN N 331

配列番号：5749
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06824
配列：

GATCGAGGAT ATTTTTTAAG AGGTTCAAGC TTGTGACTGT TAGTAGTGCA AGGATTTGTA 60
TGGGCTCAGT GATTACAAAC AAAGACATGC AAANTACAAC TGTTTAAACA TTTTCAAGGT 120
ATTTTTAAAG GTTTTGTATT GAAACANTGT TTATATTTNC TGAGCTCCTA AAAATGGTAG 180
ANTACACATG ANANCTTTTG TTTAGGAAAN GTTANCTTGT TAANTNCTNT TGATTN 236

配列番号：5750
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06825
配列：
GATCCCACCT TTGCTCCTGA CAACACTCAT TACACTAAAC ACCTCTTGGA TTTGGTGAAA 60

配列番号：5751
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06826
配列：
GATCACTGGA TGGATAGCTC AGCCTGGGGC ATTTAGTGTT TTCCCTGGTG ATAAATCCCC 60
AAGGCAGCTG GATTTGGAGC TGGTGGCAAG TTGAAATNAT TAAAAATTGA TTTGTGTGGG 120
ACTGTCAAA 129

配列番号：5752
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06827
配列：
GATCTTTGGA CTGAGAATGT TTGGTAACAT AGTCAAGCAT TTGTTAAGCC AAGTGTGGAA 60
ATGTTCACTT TTTAACTTTA CAGTTTTTTT AATGAGCAAT TCTACATTTC TAAGAAAAAA 120
GATACTTCAT TTTTATATAA GGTTACAACT GCTTTATAAA NCTGTATTCA CAATGTCAAA 180

配列番号：5753
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06828
配列：
GATCTGGCCT TTTCTTAACA AAATCNGTGC AAAANATGCA GGTGGATGTC CCTAGGTCTG 60
TTTTCAAAGA ACTTTTTCCA AGTNCTTGTT TTATTTATTA AGTGTCTACC NNGTAAATN 119

配列番号：5754
配列の長さ：67
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06829
配列：
GATCTCCATA AATNACTTAG TCTTCTATGT ATAGCTATCA AGGAAATAAA ACCAATTTTG 60
CCACAAA 67

配列番号：5755
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06830
配列：
GATCAGAACA AAAACACCAC TCTTTAATGG GTCTTTTTCT TGGCTAGAAG TCTTTCCTCA 60
GTTTTTGTTG ACTATCATAC GCTGATTTGT GGGTNATGGA AGGGGGCTAG AGATAACGTT 120
TCTCTGTACT TTGGTAAAGN ATGAAGGAGT CAGAGAGGGA ACAGAAAAAG TGAGAGAGTG 180
GCCTGCTGAA ATAATAGCCT GCCTCTAAAA GTTGTGACCA GAAAGTATGA TTCATTTGGG 240
CCCAGNGGGN GTAANNTATG TTTTTNCATN TACCTCCCAT AGNACANGGT GTTNGGAGGG 300
NNGGAGTGAG TGTNNTAGAN GGN 323

配列番号：5756
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06831
配列：
GATCAGGTGT CTATAACATT TTTAATTCTC TCTGGAAACA GACTCAGGTT TCTTTGGACC 60
AAATCCAAAA GAACACATAG CTGTAACACA GCTGTAGTTG ACTAGAATGC TCTGTATACT 120
TTATATTAAA AANTGCTTTG CATTTCTNCC AGTGCAATGA ANTTCATATG GTGTCCCACC 180
TTATTTAATG ATGGTACANT TTAAAATCTT AGTCAACTGC TGTNGAAAGT TTTCTCTATG 240
ANAGTNANGC TGTTTGAAGA ATTNANGNGN TTNN 274

配列番号：5757
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06832
配列：
GATCCGCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGAGCCCAG 60
NCTGTATCCA TGTNTTCTGC ATGTTGATTC AACCAGCTAC ACATGGACAT TGTAGTTAGG 120
CCTATGATGA TTGTGTCTGT TCTGAAGATG TACATACCTT TTCTTCTATC ATTATTCCCT 180
AAACANTAGA GTATAACAAC TATTTACACA GCATTTACAT TGTATTGGGT NTTNTANGTA 240
ATCTAAAGAT GGTTTAAAGN ATNCAAGAGG GTATGCATAG GNTATATGCG AATACCACCT 300
CATTTTANAT NGNTGACTTG NGCNTCGANN ATGAGGGGAT NTGN 344

配列番号：5758

配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06833
配列：
GATCATGATA CAATTATTTT ATTAAGTCAT GGTTAATAAC AAATGAATCC AGACTTGTCT 60
AACAGATTTT CCATCAACAA ATATTGTTAT GTGCAAAAGT ATTGCCTATG TTGTTTTACA 120
CACCACTGCA TTAACTAGAA CTGCTGAGAG GACTGTATAT ATGATTTTAA ACCTAAGTTG 180
ATTTTTTTTC TCACTCTTGA AAGGAGTACT TCTTTGTGAA AGCAGTTCTT ACAGCTTTGT 240
TTTCAACCAG CTAAAAATGT TTTGTATATN ACTCTAACCT GTTGTCCTCC ACATTCTGTT 300
GGTNCTGATT GNTGCTGTNT NCTGGTTTN 329

配列番号：5759
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06834
配列：
GATCTATCCC TGCGGCCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
GCCTAGCGGA NCCAGCCTGG GAGCCCAGAG GGTGGCAAGA ACAGTGGGCG TTGGGAGCCT 120
AGCTNCTGCC ACATGGAGCC CCCTCTGNCG GTCGGGCAGC CAGCAGAGGG TNNGTAGCCA 180
AGNTGNTTGT NCTGGGGGCT GNCCNTGTGT ATTCACCACC AGGTAAATTA GACCATTNN 239

配列番号：5760
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06835
配列：
GATCAACTTT CCTTCTGTGT GTGGCTCAGN AGTTCTTCTG CAGAGATGGC GCTATCTTTC 60
CTCCTCCTGT GATGTCCTGC TCCCAACCAT TTGTACTCTT CATTACAAAA GAAATAAAAA 120
TATTAACGTT CACTATGCTG AAA 143

配列番号：5761
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06836
配列：
GATCGCATCC CACAATGCGA GAATAATAAA ATAAAATTGG ATATTTGAGA AA 52

配列番号：5762
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06837
配列：
GATCCTCCCG TNTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCGCACACCA CCAATGCCCA 60
GCTAGTTTTT GTNTTTTNNA TAGAGACGGG GTCTCGCCAT GTCATTCAGG TTGGTCTTGA 120
ACTCCTGGGC TCAAGCAGTC TGCCTGCCTT GGNTTCCCAG TGCTGGGATT ACAGGCGTGA 180
GCACCGTGCC CGGCTAAAAA GTATTTTNAA GTTCTGCATA TNGCTTATTT CACTTAACAC 240
TATATTAGAG NTTGTTTTAT ANCANTACAT ATAGATATGC TTATCCTTGN TTGACAGTNG 300
CATAATTNTT CCANTAAAAT TTGGTTGTAT CNAGGGGCAN TTAACCCAGT TACTTAGNN 359

配列番号：5763
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06838
配列：
GATCATNAAG GACATTCGCA ATCTGGAGGA CATCAGGAAG ACCTTACCAT CTGGCTGCTT 60
CAACACCCCG TCCATTGAAA AGCCCTAGTC TCTTTAGGGC TGGAAGGCAG CATCCCTCTG 120
ACAGGGGGGC AGTTGTGAGG CCACAGAGTG CCTTGACACA AAGATTACAT TTTTCAGACC 180
CCCACTCCTC TGCTGCTGTC CATCACTGTC CTTTTTNAAC CAGGAAAAGT CACAGAGTTT 240
AAAGAGANGC AAATTAANCA TCCTGANTCG GGNACANAGG GTTTTATCTA ANANNNGGTN 300
GNNNGTGN 308

配列番号：5764
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06839
配列：
GATCATAAAT ATTAATAATN AAAACTGAGA AACTATTCAC AATGCATTCC TTATAAATAA 60
ATGCTACATT TAGTAACTCA TTTCACCCAA A 91

配列番号：5765
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06840
配列：
GATCAGCACA AGTAACAGAA AATNAGCCTG ACGGTGGCTT AAGCAATGGG AATGTTTATC 60
TCACATAGCA AAAAGTCTGT AAATAGATGG TTCTAGAGTT GGGTGGAAGC CAAAATGTCA 120
TCAGGATTTC CTTGGAACCG TCTGCTTTGC CATCCTCAGT ATTGCAGAAT GGCTGCTCCT 180
GCGCCAAGCA TCATTCTGCA AATNATGGTG TCCACAGCCA GAGTGGACAG TAGTACAGGN 240
GCCTTCTCAT TCTGCCCTTA TCCGGGANTA ACCGTCAGCN GCTCCAGCAA CCTNCCCCCT 300
GTCTNTTTAT AGNGTGGGNN 320

配列番号：5766

配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06841
配列：
GATCCCACTC TGATTGCATC CATTTCTCTG AAAGACTTGT TTGTNCTGCT TCTCTTCATA 60
TAACTGAGCT GGCCTTATCC TTGGCATCCC CCTAAACAAA CAAGAGGTGA CCACCTTATT 120
GTGAGGTTCC ATCCAGCCAA GTTTATGTGG CCTATTGTCT CAGGACTCTC ATCACTCAGA 180
AGNCTGCCTC TGATTTACCC TACAGCTTCA GGCCCAGCTG CCCCCCAGTC TTTGGGTGGT 240
GCTGTTCTTT TCTGGTGGAT TTAATGCTGA CTCACTGGTA CAAACAGCTG TTGANGCTCA 300
GAGCTGGAGG TGAGCTTCNN 320

配列番号：5767
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06842
配列：
GATCCAGTGA CAATNTGCCC CCTGCCAGCC TGNGTGTCGT CACTCATCAT TCATTCATCC 60
ATNCTAGAGC CAGGTCTCTG CNTCCCAGAC GCGGCGGGNG CAATGCTCCT N 111

配列番号：5768
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06843
配列：
GATCATTCTC TCTGAGGGCA GNTGNGGCGC AGGNAAATAG TCTTGGNAAT GTTAAATATG 60
ATGGGTAAAT TAAAAGTTTT ACAACATTCT ACCTAATATT TTNCTTTTAA CATACTTTTT 120
CTGTTCTATT GTATTATGGT GTCCGAAAGC TAAATAACGN CTAGGNAAAA TTTTTTTAAA 180
AAAAGNAAAA TCAGTTTAAT GTGGGNAGTA CTTAAGTGGT ATTATATTTN NCATTTTCAC 240
GTATAGTGCA TANAGN 256

配列番号：5769
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06844
配列：
GATCGTGTTT ACAGAGGACT TCTTTAAAGT GTCACATTTT TAAAATGTAA ACATATTTTT 60
AATGCATACT TAAGTAATAT TTAAGAAACT AAACAAAATA ATGATACANT TGCAGTGTTG 120
TGCTTGTTGT CAATGACAAA AATAAAAACCA TTTTGGTGGT AAA 163

配列番号：5770
配列の長さ：253

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06845
配列：
GATCTCCAAG AAGTGACTCT AGCAGAAGAT TTTATGGTGA TAAGCATNCC AATCANGAAA 60
TGAAACCAGT GTTCCTGAGT GCACACTGAC ATGTCTGTGA ATATGTTACT GAACCTATAG 120
TCCAGTTTTT TNATNTCTTG TTTTAGTCTG AAATNATTTG GGCCCTAATA ATCCTAAAAN 180
GAATGGAGCT GCATTGATGA ATTGGCTCAG TATTTAANGG GAGCAAACTT NTNGATAATA 240
NNTCTTTTNA GGN 253

配列番号：5771
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06846
配列：
GATCTGAAAT ACTGACAGNG TTCCCCAAAG TTAGATATTA ACACAGCTTT TNACNTCTCT 60
TATGAGAACT TTACTGTAAA TATACCTTTA TCATAGAAAT GAGATATCCA ATACCTNATG 120
GNGACTACAA AAAGGNN 137

配列番号：5772
配列の長さ：371
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06848
配列：
GATCCCAGAG TTCAGCCAGC CTGGGGTCCA GAACTCAAGA GTCCGCCTGC TTGGAGCTGG 60
ACCCAGCGGC CCANAGTCTA GCCAGCTTGG CTCCAATAGG AGCTCAGTGG CCCTAAGNAG 120
ATGGGCCTGG GGTGGGGGCT TATNAGTTGG TGCTAGAGCC AGGGCCATCT GGACTATGCT 180
CCATCCCAAG GGCCAAGGGT CAGGGGCCGG GTCCACTCTT TCCCTAGGCT GAGCACCTCT 240
AGGCCCTCTA GGTTGGGGAA GNAAACTGGA ACCCATGGCA ATAATAGGAG GGTGTCCAGG 300
CTTGGGNCCC TNCCCTGGTN CTCCNAGTGT TTTGNTNGGG TAATAANTTG GANCTATGGG 360
CTCTNAATTG N 371

配列番号：5773
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06850
配列：
GATCGCACAC TACGCTCCAG CCTAGGTGAC AGAGTGAGAC TCCATCTCAA CAACAACAAC 60
AACAAAAAAC CACAAAAACT ATATTTTTAA TCATGTTTGG TAGCTTGAAA ANTAAATNCT 120
TTCTGCCTAA A 131

配列番号：5774

配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06851
配列：
GATCTGGAAA ANCTGCTGAC AGAGTGGCCA GACACAATAC CACTGTCTTT GGCTCTGGGG 60
NCAGTTGGCA TGCCAGGCCT GACTGCCTAC TTTGGCCTAC TTNAAATCTG TGGTGTNAAG 120
GGTGGAGAAA CAGTGATGGT TAATGCAGCA GCTGGAGCTG TGGGCTCAGT CGTGGGGCAG 180
ATTGCAAAGC TCAAGGNCTG CAAAGTTNTT GGNGCAGTAG GGTCTNNTGN AAAGGNTGCC 240
TACCTTNAAA AGGN 254

配列番号：5775
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06852
配列：
GATCCTGGTG CTATGGTTTG AATGTCCCCA CCAAAACTCA TGTTGAAATT GAATTGCCAT 60
TGTTTAACAG TATAAGGGGT GACTGGGCCA TGTGAGCTCT GCTCTCATGA ATGGATTAAT 120
GCCATTGTCA TGGAGTAGGT TAGTTTTCTC TGGCGTGGGC TCCTGGCAAA AGGATGAGTT 180
CTGCTGCCAT GCTGTCTGTN TCATGCACTT GCTCACCATG TGAGCCTTCT GCNTCACACA 240
GGATGACCCT CACCAGATAC TTGCACCATG CTCTNGGGAC TTTCCCAAGT NTCCAGAGCN 300
GTGAGCCAAA TNAACTNGCT NTNCTTTATA AAANANAAAN ANAGTN 346

配列番号：5776
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06854
配列：
GATCCAGGGT GNCTAAAGAA TAGAAGTAGA GTTCCACCCA GGGCCAGAGG GAACAATCTG 60
GGATTCAGAC ACAGCAGTGG TGCCAACGTG AATCTACCTC GTNCTAGAGT CTGAGTAGCC 120
TAGTCTATCA CCCAACACAG ATAAGACTGG ACAGGGGCTC CCAGGAACCA ACATCTAAGN 180
GGGGAGTTTG GAGAGGGGCT AAAAGAAAGC AGGTTAAGCC CCAANTGTAA CTGATTGATG 240
ACCAGGGATA ACTATTTACT AGTGCTTTTN TGGNTTTATT GTAACTCTGT NACTTTCCCA 300
GTATTTGTNA ATTNTTNNNC TTCTGNNTCT CCTGTN 336

配列番号：5777
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06855
配列：
GATCTATTTA GGTGGAAATA GTTGTGGATG TACTAAGAGT AATGAAATAA AATTATAGCT 60
TCAAA 65

配列番号：5778
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06856
配列：
GATCTTGNGA CGAACTGAGC CACGAGCGTG GCTTTAAGGG CCGTCCGAAC GCTGCAGGCC 60
GGCCAGGTCC CTGGGCGTCC AGGCCTGGCC TACGCACCAC TTTNTCCCTT AGCGTTTAAA 120
GGNNNNN 127

配列番号：5779
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06857
配列：
GATCCTATGT GAAAAGAAAA GTGAAGCAAC TGAATCTTCA GCATGTNCTC ATCGGCGGAC 60
CTTCTTGTGT AATGTAAACT GTGCCATGTT ATTAAAAAAT GTGAACTAAG CTTCCAAA 118

配列番号：5780
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06858
配列：
GATCTAGTAT AAACCTCACT TTACTCTTTT GGAATAAAGT GATTGGNTAG GACCCCATTG 60
CCAGGAATAA GANTCAATAT GCTGCTGAGA AGGAACCCAT GGTGTTGANG ATGTTGAAAA 120
GACANCACAG TCAGTAACGT GGAGAAATGG CCTGGNTTCA ANTCTTGGCT CTGACACTTG 180
GTAGGTATGA GACCTTGGAG ANGTTTCTGN NCCTCTCCAT GCTTCATTTT TNTGANGGTT 240
TATTGTGTGG TTTAANTTN 259

配列番号：5781
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06859
配列：
GATCCTNAGC GGAGGTTAAG ATATTAAGTN ATTTCCCATA TGAATCAGAA TTATATTGAT 60
TCTGTGCAAT CAAAACAAAA GGCAGANTAG AATGCTGAGA TTGGTTAAGT TTGCAATNAC 120
CATCTTGAAC CACAGATTTC TNCTATGTGT CATCAAAACA TCTAGTNNNG N 171

配列番号：5782
配列の長さ：114
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06863
配列：
GATCCTCAGA CCCTGCACAG CCCTGANTGG CTTCACATCT NTTGGTCAGT GTCTTCATTC 60
TCCCCAGTCA GGGACCTNGG ATGTTTGTTA CTNCCAGAAG CCCTTNCTCA CCCN 114

配列番号：5783
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06864
配列：
GATCACACTG TGAAGATACA CAGAGTCAAT AAATGTGCAC TGTAATGGAC TTAAA 55

配列番号：5784
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06865
配列：
GATCCTGGAG AGCTCCCAGA CTTTGCTCAG CGTTCTCANG AGGNAAGCTG GGAACCTGAC 60
CAAGGCTACA GCCCCAGACC AGAAAAGTAG CGGCGGCAGG GACAGCTGAC CAGACCACGG 120
GCAGGGCCTG CNTCCNTNTG CCCCTCAGCT CAGCCCCAGC AAGTGTGTGC TCAGAGCATC 180
TTTGTTCTTC ACGGTAGCAG CTACCTTCCC TCACTGTCTC AGGTGCCGAG AGGGGCAGGT 240
GCCAGCCTNC ACTGGCATCA NTGACAAGNC CANGGCANGN NCCACCNGNG GGGTCCTN 298

配列番号：5785
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06866
配列：
GATCAATTGA TTGTTTAACA ATGGAATTTT GAGAAATATT TGGGTAGAAA AAAAACTAGT 60
TTTAAAAGAN GAGAATCCAA CCATTAAAAC ATCAAAANNT GANATTNTTT GTAAATN 117

配列番号：5786
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06869
配列：
GATCAGCATG TGGACTGCAC TGTTTACTTT TGGTTGGACT GGGACAATTT GGGGAATATC 60
TACTATGTTT ATTCTTCAAG AACCCATCAT CCCATTAGAT GGAGAAACCT GGAGTTATCT 120
CATTGCTATA TGTGTCTGTC CTACTGCAGC ATTCTTAGGA GTTTATTATG CCTTGGNCAA 180
ATTCCATCCA GCTTTGGTTA GCACAGTACA ACATTTGGAG ATTGTGGTAG CTATGGTCTT 240

GCAGCTTCTN GTGCTGCACA TATTTCCTAG CATCTATGAT GTTTTTGGAG GGGTAATCAT 300
TATGATTAGT GTTTTTNTCC TTGCTGGCTA TAAACTTTAC TGGAGGAATT TAAGAAGN 358

配列番号：5787
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06870
配列：
GATCTATGGG TAATTTTAAA TNTTGCCTGT CAAGCTTAAN AGGGACTTGA CAACAGCTAG 60
GATNGAAATN ATTTCAACAC TTAAATATGC TTACTTTGTG CCGGACGCTG TTCTAAGNCT 120
TTNACAAN 128

配列番号：5788
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06871
配列：
GATCCACCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC AGTGCCCGGC 60
CTGTATTTGG TGATATTTTA AAAAATTCTA CTTTGACCTT AAGTGCTTCA AGAATTGTGT 120
TCAGTTAGTA GTCCTNTTGG TAAGACTAAC TTTCATATGC TATCTTTGCT CCATGAGCTA 180
TCATAGTGCT GTTTTCTTTC ATTACCCGTA AGAGTGGCTC TATCACAGCA TTTACTGTTA 240
AGGGCTACAG TTAGACCTCT TGTTAACTCT ACTTTNATTT GTGATGGCTG TGTTTCACAC 300
TACCTTGATT TATAAATGTA NGTAATGTNG TTAAATNGN 339

配列番号：5789
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06872
配列：
GATCCTNTGT ATAACATCGG GGCCTTGCTC AGGGGCTGTT GCGTGGTTGC CCTGCATTCG 60
CTCCGNCGCA CCGCCTTCCG TATCAAAACC TAAATAGAAG TTGTTGTTAC CGTGTGCCAA 120
TGTGTCCCAT GTGGGTTGTG CCAGGTAGAG AAACAGGAAG TCAATCATCT GTNACAGTCT 180
CTATTCTGTC GTTTTGCTCC TTGGTATTTN ATTTGCACTA TATTNAGGTG AAGCCTGTTC 240
ACTGTTTAAA NCCGGAGTNT TCTTCAAANG GCATGGNGAC CTGGTTCCAG TAAATGTCCC 300
ANCAGTGGGG GTTTTAGAAN GCATNNTTCA NTGACCNTNG NAN 343

配列番号：5790
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06873
配列：

GATCATTATG TAGTTTCTGG ATTAAAAAAA TTTGTGTGTG AAGTTGCTTT GTAAAGTGCA 60
TGTGGAATTA ATGGGACAGT GTGCCCTTTG TGTTAGATGT TAGAGCAAAA GAAAGGGCTT 120
ATAGTGTTAG TATTGGAGCA CTTTGAAGAT AGATATTTNC AGAAAAGATG TAGGATTTAA 180
NAGTTAAATT TTAANTTTTA GAANANGATA TGATGGCAAT TGGNAATAGT CACAATGNNG 240
TTCTTCATCC AGTNGGTGTT TAACCAGTGT TNATTTTGCC NCTGGTAATG TGGTNACCTG 300
TGNGTGNTTT CCANTAGATG NGTTATGGGN 330

配列番号：5791
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06874
配列：
GATCACCACA AAGTCTGGCT CAGTGACTAT GGCTTTGCAA ACACTAAACA TTCCTGTCTC 60
AAGTCCTGTA GATGGCTTGA AATAGTATAC ATAAGCATGC CTTATAAACA TCTTCAGTCT 120
TTATCAACTC TTTGGAGATT CAGCCATTCT TTTTTGTACT TTAGGGAATT AAATCANNNN 180
ATAATGTATA AATCTGAGCA TGGCCGATGG CAGAAGANAT TTTGTCATAC GTTTTTAAAG 240
ANNTAAGANT GTATTATGTT TTAAA 265

配列番号：5792
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06875
配列：
GATCAGAAAC CCTCATTTAA TATAGATTAT TTTGGAAATN AAAAAATTTG TAACAAGGTG 60
GCTTTCTTAC CCACCCTAAA ATGTAAATAA AACATGCAAG CTTCAGCTGC TCGAGTTCTA 120
TAGTGTCACC TAAATCGTAT GTGTATGATA CATAAGGTTA TGTATGCCCT GTAGCCGTTN 180
NNNNNTNTNT N 191

配列番号：5793
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06876
配列：
GATCTTGTCT TTATCTACTT TCTTCAGTAA ACTCTGGAAG AAAAAAACTT CCTGGAAGTT 60
TGGGCAATCA TTTGCCATTA TTTNCCTTTC CTTGAATTTC TTGATATCAT GAATACTGCT 120
GTAGTATGGG ACATTATGTA TTTNGGTAAG CAGACTTCTC TNCTGTATTT GTNTTTNGTT 180
AAACAGAATG ACAAGTTCCT TAAA 204

配列番号：5794
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06878
配列：
GATCCCACCC CAGGCCTTGC CCCTGCCCTC CCACGAATGG TTAATATATA TGTAGATATA 60
TATTTNAGCA GTGACATTCC CAGAGAGCCC CAGAGCTCTC AAGCTCCTTN NTGTCAGGNT 120
GGGGGGTTCA GCCTGTCCTG TCACCTCTNA GGTGCCTGCT GGCATNCTCT CCCNCATGCT 180
TACTAATACA TNCCCTTCCC CATAGCCATC AAAACTGGAC CAACTGGNCN NTTCCTN 237

配列番号：5795
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06879
配列：
GATCAAAAGC CAAGCTCTGT CCCCGTCAGC ACGTCACCCT CCCTCACTGT AATCCCTGAC 60
TGTTTTCTCT AAATGAAGAA TTATTTAGAG AATATAANTT AGAAGGGCCG CCACGTCAGA 120
TTTGCCTGAN TGGGAGCAGT CTTTCCAGCC TCGAAAAATG TTTAANCAAT ATGCAGATGA 180
CCTAGCACAA ATAANGANTG CTAGCAACCG CAAA 214

配列番号：5796
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06880
配列：
GATCAAGTGA TACTAGGAAT ATAGGTACAA GTAAGACTGT CATTTNCATT GTTTTCTCTT 60
TGGACTGATT CTTTNCATTA TAACAGCGTT GTGAAGTAGA GGTGGGATTA GGAACCNTCT 120
GCTGTAATCA ACTCCCTNGC TGCCCAAACA CCAGCCTNAT ACACAACACC ANCAGGTCCN 180
GCNTNGN 187

配列番号：5797
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06882
配列：
GATCTTTNAG TGCTTTGGGG ATGGGGTGGG CTGGGGTGGA TGGATGGGCA ACAGTGACTT 60
TAATTACCCT TGCTGCTCTG CATTTNCCAG TTTATNCTTT TGTTTCTTTT ATCTGACTGA 120
CTCTGTCAAA CAAGTGTCAA AGTTGTGTGT TAAAAAATGT TTAACAAAAA ANNTGTTGTA 180
ATGACACAAA GCCTTATGAN ANTNTTTATG GAGTTCAATA AAAGANGTAA GAGGTCAANC 240
CNNAGGN 247

配列番号：5798
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06883
配列：
GATCTTCCCA ATATGAACAA ATATACTATG TATATNGTGT GTATTTCTAG AAATCAATGG 60
CAGCTGCTGA TGGNGTTGTA ATTAGAANTC TATATAGNNT ATAGAN 106

配列番号：5799
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06884
配列：
GATCAGGACC TACGTTAAGG TGGATTTTNA ATTATTTAAA ATTCTGATTT TGTTTTATTT 60
TTAATTAATC TTTGGGGGAA GGATGGGAGG GGGGTGAGGG TTGAAGAAGT AAACATTGTA 120
CCTATTGGAT ACAATGTTTA ATATTTGTGT GATGGGCACA CTGGAAGCCC AAACCTCACT 180
ATTACACAGT ACATTCATGT AACAAGCCTG CAAA 214

配列番号：5800
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06885
配列：
GATCCTTAAT GGTGGCCAGA GCTACCATGC AGTGCAAAAA TAAATTAAGT GAAAATGTAT 60
TATTGAGATT AACAGTGCAA GGCCAATACA TTTTATAAAT CTGTCAGTAT CTTTTTAAA 119

配列番号：5801
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06886
配列：
GATCCTCAGT GAAGTGCATT CGGAATGAGG ATGGAACTTG GTTAACACCA AATGAATTTG 60
AAGTCGAAGG AAAAGGAAGG AACGCAAAGA ACTGGAAACG GAATATACGT TGTGAAGGAA 120
CGACCCTAGG AGAGCTGCTN AAGAGTGGAC TTTTGCTCTG TCCTCCAAGA NTAANTCTCA 180
AGAGAGAGTT AAATAGCAAG TGAATTTCTA CTACCCTCTC AGTCACCATG TTGCAGACTT 240
TCCCTGTCTG GAGGCTCACC TTAGAGCTTC TGAAGTTTCC AAGCTCTGAG GTCAACCTNC 300
ACATTTTGGG CAATGGCATC TTCAAAAACA ATTAATTTN 339

配列番号：5802
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06888
配列：
GATCTCCAAG CGAACTCAGC CTCCTCCCAA GCTCCCTGTG GGTCCTAGCC ACAAGCTCTC 60

CAACAATTAC TATTGCACTC GCGATGGCCG NCGGGAATCT GTGCCCCCTT GCATCATCAT 120
GTCGTCGCAG AAGGCGCTGG TGTCAGGCAA GCCAGCAGAG AGCTCTGCTG TAGCTGCCAC 180
TGAGAAGAAG GCGGTGACTC CAGCTCCTNC CATAAAGAGG TGGGAGCTGT CCTCGGACCA 240
GCCTTACCTG TGACATTNCA CCNTNACGNC CACCCGNCTA CTTTTGCCTN CTTTGGATTT 300
NCTTCAGGGN GAATNTTGAC CTAATTGTAT GACAATTTAC GTAGGGGCTC AGGTATTCAC 360
TTCTGAGGTN TTACTTTTTG N 381

配列番号：5803
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06889
配列：
GATCTACACA TGTTGCCTTG CATTTGTGGT AATCTACACC AATGGAAACA TGTACTACAG 60
CTATATTTGA TTATGTATGG ATATATTTGA AATAGTATAC ATTGTCTTGA TGTTTTTCCT 120
GTAATGTAAA TAAACTATTT ATATCACAAA 150

配列番号：5804
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06890
配列：
GATCCTAAGC AAAATCGGAG ACTTGAACAA AGTTTGTTTC TGGCTGTNTG CCCTTCCATT 60
TTCTGTTCTC TTCTTTCTCC CTGGAGATGA NAGAACACAG AATCANATTN CCAACCTCTC 120
TCTCCNATGN ACTCTCTCAT CCCCCAGCCC AGCCACATTT ACACATAGGG CAGACACATC 180
TCACACAAAG GAAGTACCCC TAAAGACCTC ACATAAATAA ACACTAGCAA ANTTCAAGTT 240
GNNTCTTGGC AAANGTAGTN NTGGGTATGT NAGTCN 276

配列番号：5805
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06891
配列：
GATCANGTTC NGGGCTCTNT CAGCCGCCAC CTCTGGGAAA GAGAAAAGNT TTGGGTCCAC 60
TGAACATCAT GTTTGTAGAC GCTGACAGGT GGGGTCCTAA TNAGAGCCAA CACATGCTCA 120
CTGCCAGCNC CTGCCCTGAG TACTGGGAAG TTTCTCCTGG AAGCCCTTGT GAGATGGCTC 180
NGNNGGCTGG TATCCCGACT TGGAAGATGA GGAAACTNN 219

配列番号：5806
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06893

配列：
GATCAGTTTT NTGCTGAAGG CACCTACTCA GTATCTTTTC CTCTTTATCA CTCTGCATTG 60
GTGAATTTAN TCCTCTCCTT TGTGTTCAAC TTTTGTNTGC TTTTAAAATC AGCTTTATTC 120
TAAGCAAATC TGTGTCTACT TTAAAAAACT GGAAATGGAA AAAAAATTAA ATCTNNGCCA 180
GGTCCTTCAA A 191

配列番号：5807
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06894
配列：
GATCTGCAGC TTCGCGGGGA CAGAGATGTA ACCCAACTCG TTCACGGATG TNCCGCGCGC 60
CGTGTCACCG GCTGCGGGCC AGGGGTACTC GGAAGGCGCG GGCAGGAGCC TNGCGAGGAT 120
GCACCTTCCC CTGCNTTGGA AAGGTAGAAC TGGGGAGTGC GGGAGGNTGA AGGTGGCCCG 180
GAAAAGAACA CCTNTTCGCA ACCAAA 206

配列番号：5808
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06895
配列：
GATCTAAATA TGTATTTCAT AATNTTCCCA TAATAAATTA TATAAGGTGG CTAAA 55

配列番号：5809
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06896
配列：
GATCTGGTTT NATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTGCT TGAGGGGGNG GNATANTATG 60
TGGGTTTTTG TACAAACATG TTTCTCAGTG TGTTGTTATT TTGGAAAAAA TGAGGGGAGG 120
GAGTTTTGCA AGAATGNGAG AAAATGANTG AAGAAGGCCT AATCNTCTCT CTTTTTCCAG 180
TGGATTNAAT GGGNCCN 197

配列番号：5810
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06897
配列：
GATCCAATGA TTTAATTTTT GGGAAGAAAA ATCCAGTGAT TAAAGTCATG CAAGGAGATG 60
GCCTGGGGCT TGCTAAAAGT CAGGTTGCAG TTTCCATTGC ATTCAAGAAA ATCAGAAAAA 120
TAAATACAAC TTTTAGAAGA AACTGAGTTT TCTCCCATTC ATGTTTAGCT ATTGGGGGGT 180

CTCATACTTC TGGACTTGCT TAGACCTATG CTATCTAATA TGGTNGCCTC TGCCCATCCA 240
TATGTGGCCA CTTGGGAACT TGGAAATGTN ACTAGTTTTG AATTAAGGTG TGCTNGTAAC 300
TAAAATNCAC CCTGNGGTNT CAAAGGCTNN AATAAANGNA NGGN 344

配列番号：5811
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06898
配列：
GATCTATCTC CCTGTTAGGT GTNCTTTTTC TCCTCTTTAG AAAGNAGCCA AGGNAACCAG 60
GGTTCTCTCA AAGTGGAAAA TACTGGAACT NATGTACTGN TATCATAATG N 111

配列番号：5812
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06899
配列：
GATCCATTGC TTTTAGACAG GACTGGGTTT TGCTGTCCAA TGATATACAN TAATAGTNCT 60
TCTTACAGCT AAGCTGGCCC CAGCCTTGTC TTGATATTAA TACATGAANT NTTTATAATT 120
GTCTCATTGT CTCATTTAGA AACATCCANA TNTTNCTGCT GTGNCTATN 169

配列番号：5813
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06900
配列：
GATCAGTAAC TTTATCTCTA TCCTTAATGA ACATTTGTTT TATTGGTGGC TGGAAATATT 60
TCTATTGTAT TTCTGTGTAT ATNNTNAATA AAATAATTTT TGGCCTCTNA AA 112

配列番号：5814
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06901
配列：
GATCAGCAGC TCGGAAGACT CAGATGCCGA AAACTCGTCC TCCCGAGAGC TGGATGACAG 60
CAGCAGTGAG TCCAGTGACC TCCANCTGGA AGGCCCCANC ACCCTCAGGG TCCTTTGACG 120
AGAACCTTGC TGACCCCCAA GCAGNAGACA GACCTCTGGT TTNNTTTGAC CTCAAGATNG 180
ACAATGAAAG TGGGTTCTCC TGGGGCTACC NNNACCCNTT TCTAATTTAG TCTCTNGAGT 240
CCCAAAAAGA AGTNCAGGCA GAGCCATCTN N 271

配列番号：5815

配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06902
配列：
GATCATGAAA AGAAAAATNA ATGGCAGGAA AAAAGTTTGG TCCTTAATAT ACTTTGGCCT 60
AGTNAAAATA TGTGCCTTTT TGGTGTGTTT TGTTCATCAC TACAAGATAA AAAGGAAACA 120
TTACANCTCA AGGCTTTAAA AAGTTCATTT ATTGAAAATC ATATGTATAG CCTAGCATAC 180
GAATGTGCAG TTTTAAACAC ATAGCTTCAA GCCATTTCTG NAAGCATNCA CCGGGNGCTC 240
TGCTCAGNTA GAGTCAGNCT CCNNGCTCCA GNCCGACTGC GTGCGGGGGA CCAGCGGCCG 300
CGTTNNATGG NGGGNCN 317

配列番号：5816
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06903
配列：
GATCTAGGAG AGGCGGCTCT GAACGAGTAC CTGCGGGTCA AGACAGTGAC CTTCGATTAC 60
TGAAGAAAGG TCTTTNTGAG AAGAAAGTCC CTGCCCCTCC CTCGTGGCTG GGGTCCCCTC 120
CCTCTTGAGC CTNGGTGCAC AGCANCTCCC ACCTGGGGGG CTAGTGGAAG CCCTCCTGCC 180
TGCACACCAT GTCTGCATCT TGGACGNCCT CTGTCCAGTC AGAAGCAGCC CTTGGNTNNG 240
GGTGAGNTGT GNCCCTTCCA GGGGGAATAA AGCTTCTGAA GAGAGACCGT CAAA 294

配列番号：5817
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06904
配列：
GATCAAAATC AATGGGAAGG TGCTGCCAAG GTGTCCTAAG CTTCTAGGAT AATATTNATN 60
CTCTCAGGGT TTTGGAACTG CTGCCCAAAG TCATAGTTCT CAGTCCTGGG TGTGAGTCAG 120
ANTCACCTGT GGAGCCTGGC AAACCTTACA GACACCCTGG CTCCAGCCCT GGAGATTTTN 180
ATTTANTGGA AATATCACTT AGAATTCTAT TGTAAGCAAT AAAAGTNTAT TCTCACTAAA 240
CTTTCAAAAA NTNGNGNTGN NNN 263

配列番号：5818
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06906
配列：
GATCTTTCCC NTTTGGATGT GCGTGTGTGT CTGCNTGTGC CATGTGCGTG GCACGCATAT 60
GAAGTGTGTG TGCGTGTGAA CGGCTTTGGG TCCTGCTGGT TTTNCTGTGA GCTNCAGTGT 120
TCTGTGGGTC TGTGGTATCT NACACTGTGG NCATTAATGT ACTTCTTGGA CATTTTAATA 180

AATTTTTNAA CAGTTCAAA 199

配列番号：5819
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06909
配列：
GATCANAAAA CCTAAANTCC ATAGGNACCC NAAATCCTCA CAGTTACAGA GACACCAAGA 60
AGANTCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGGC CTCCACAGTT TATN 104

配列番号：5820
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06910
配列：
GATCGAACGG ACTNTAAATC CGCTCTTTAT CGAAAGCTAA GCAAGCTGTG GCTTTTTTCC 60
AACTCCGTGT AACGATTCTA AGTGTAGTGT NGTAGGACCC CGACGGGTNT GGCAGCAACT 120
GCCCTGGAGC CCCAGCCCCT GCTTCCATCT NTNCTGTGCG CCCCACAGTA GACGTGCAGA 180
CGTCCCTAAG AAGGTTCTTN AAGATGTTTA TTTTATATAG TCCTNTTTTA CTGGAAGACG 240
TACGNATACT CCATCGATGT TGTATTTGGN GGGGGGTGNG GAATTCTTGT ACGCAGTTTT 300
CNTTNNGCTT TACGAAGCCG GTNAANNGAC CGTTTTGAAN TAN 343

配列番号：5821
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06911
配列：
GATCACTTGA GCCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATGGCTAATN AACACTAAGC 60
ATAGTTTTAA TGTCTTTNAT ATTAAAGACT TTCTCAAATT CTTAAA 106

配列番号：5822
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06912
配列：
GATCCATTCC AGCCACTCGG GGCTGACAGC GGCGACCCGT TCCAAAGTAA AAAGGGGTTT 60
GGGGACCCGT TTAGTGGAAA AGACCCATTT GTCCCCTCCT CTGCAGCTAA ACCTTCTAAG 120
GCCTCTGCCT CGGGCTTTGC AGACTTCACC TCTGTAAGTT GAGTCCTCCG NCTCCGGGCC 180
ACCCCACTCC CTTCCGCTTG CAGCTTCCCT GGGATTTTNG TNTCCTTTTA AAGGCAAACC 240
TCCCAGCTTC TTTAGCCTCT TGGTACCTNA CACTCTCTGT CCNTCGCGTT ATTNATTCTA 300
CACTGCCACT TCTGTAAGAA AAACAGTTTN TCAATAAAAA AAANAGNTGN 350

配列番号：5823
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06913
配列：
GATCTCGTCT CTAAATAAAA TATACAAAAG AGTATTGGGA GGGGGTATGA AGAATGTATA 60
GGGCAATAAT TGAAATCTGT TGAAGCTGGG TACACAAAAG TNCATTATGT TGTTTCTCTA 120
CATTTATATC TATTNTNAGT NNTTTNATAT CTATTTTNAN TTN 163

配列番号：5824
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06915
配列：
GATCAGTGGT TTCCATTGTC AGGACTGGGC ATGGGGAAGT NTGGCTGTAC AAGAGGAGCC 60
CAAGGGAACT CCTTGGTGGT GATGGAACTG CTCTGTATCT CAAATGTCTG TATCTTTAGA 120
AAGAANTCTA CATATGTNAT AACACTGCAT AGAAATATAT ACATGTACAC ACAAGTGAAA 180

配列番号：5825
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06916
配列：
GATCAGTGAA ATCCTAGGGT GCTCTATGAG ATTGTACTAG GCCTATNAAG AGTGGTAAGC 60
CAAATAGGTC TCCATGGGAG ATACATTATG TAAATAAATA AACAATGGTT TGCTGGTTCC 120
TGTTGGTGTC TCCACAAGTA GGTAANCATG TTTAAAGGAA CCCGGGTTCT TAGATTTTNT 180
NAGACTTTTT AANCTCAAGG CTGNGCATAA GTNCTTGAAN ATAAANTGCT AATNCTTAAG 240
TGTCAAA 247

配列番号：5826
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06917
配列：
GATCAAGAAT TGCAAAAATG GAAAAAATTA ATGAAAAGGC ATCTGATAAA TGTGGACGGC 60
TCCAAATCAT GTCCTTAGAA AATCTTTCTA TTGAAAAGGA GACTAAATTG TAATGTGATT 120
CACAATGTAA CAATATAANN CTNNGTTTTT NTATAATTNT NTAANAGTN 169

配列番号：5827
配列の長さ：268

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06919
配列：
GATCACCTCC GGGCACAGGA TGCGAGGAAC TGTTGACATT CAGGGATGTG ACCATAGAAT 60
TCTNTCTGGA GGAGTGGGAG TTTCTNAACC CTGCTCAGCA GAGTTTGTAT AGGAAAGTNA 120
TGCTAGAGAA CTACAGAAAC CTGGTCTCTN TGGGTCTTAC TGTTTCTAAG CCAGAACTGA 180
TTAGCCGTCT GGAGCAAAGA CAGGAGCCCT GGAATGTGAA GAGACATGAG ACCATAGCCT 240
GGGCGACAGA GCGAGACTCC GTNTCAAA 268

配列番号：5828
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06920
配列：
GATCTGTGCC CAGAGACGGG ACTGGGAGGG CCCACTTCAG GGTTCTCCTC TCCCCTCTAA 60
GGCCGAAGAA GGGTCCTTCC CTCTCCCCAA GACTTNGTGT CCTTTCCCTC CACTCCTTCC 120
TGCCACCTGC TGCTGCTGCT GCTGCTAATC TTCANGGGCA CTNCTTGCTG NCTTTAAGTC 180
GCTGAGGGAA AAATAAATGA CAAATTGCTT GNGNCCAAA 219

配列番号：5829
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06922
配列：
GATCATAAGT NCTTCTATCT GCTGAGCTTT ATTTATTNAT TTTGGACAGA AAGTTTGGTG 60
GGAAGGTTGC AATAAAATCA GAATCTCTCT TGTNTGAATT ATGCAGTTTA ACCCTGTCCA 120
TGGNNNGGCT GTACTCTATT CTNACTGTAT TTN 153

配列番号：5830
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06923
配列：
GATCTTGTTT TNATTAAATA TGCCAGTTTG TATTTNCCTG CCTTGGGATT TTTTTGTGTC 60
CGCTGTACAG TATTCTAAGG GAAAAAGAAA AAGAAAGATG TGTAAAGTAA CAGAGAGAGG 120
TGGCTATGGT GTAGAGACCT CTTTCTAATA AAGAAATGAA AATATGTCTA AA 172

配列番号：5831
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06927
配列：
GATCCCAGGG AAGACGTCTC TCTCNGCATC CCAAGCCATN CAGCCCTTAT CGCTGTACCC 60
AGTAAACCCT CAATAAATAT CTTTNTCAGC CAGAAA 96

配列番号：5832
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06928
配列：
GATCACTGTA TTAATTTTGG TTTATCTTGG CATATATNGT TCAGTTTGTN TTTATTTTTA 60
ATTTTNCCTT TTTTTCCGAT TAGGCTTTGG TCAGCATTTT NCATTTAAAG AAAAGTAACA 120
CTCCCATCCA CTCATAAGCT TGGTACAAAA ACTTCTCTGG CAGTTACTTT TGAAGCTTCA 180
CTCTGCTTTC TGTATAAAGG GCAGTCTGTG GTCACGCAAG ACTTTAAA 228

配列番号：5833
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06929
配列：
GATCTTTCTG CTTTCGAAGG TATANTGTAT CTATTTCTGT CAGGAATNAT ATTTCCAAAT 60
GAAAATGTAA AGAACATTGG GAAATAATAA ACTTTCCTTT CAAAGTAAA 109

配列番号：5834
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06930
配列：
GATCTGTGTT TGGAAAGAAA AGAAGGAAAC TAAGACGTGC GAGGGNAAGA AAAAGGAAAA 60
CCTAATTAAA AAATATGTAT CCTCTATAAT NAGTTATNAC AGCCATTTGT AATGAATTTG 120
TCGCAAAGAC GTAATAAAAT TAACTGGTAG CACGGNCAAA 160

配列番号：5835
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06931
配列：
GATCGACCGG CACCGCTGTT GCCTCGTAAG CCATAGCGCA TGCGCGCTCT CAGAATAAAC 60
AGGCCCTGCC TGGGAAA 77

配列番号：5836

配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06932
配列：
GATCANATAA CAGAATGCAC CAGTCATCAG CTATTCAGTT GGTAAGCTTC CAGGAAAAAG 60
GACAGGCAGA AAGAGTTTNA NACCTGAATA GCTCCCANAT TTCAGTCTTT TCCTGTTTTT 120
GTTAACTTTG GGTTAAA 137

配列番号：5837
配列の長さ：402
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06933
配列：
GATCCAGCTT CATTCAACAT TACTACCAGT TATTTGATAA TNATAGAACC CAACTAGGCG 60
CAATTTACAT TGACGCGTCA TGCCTTACGT GGGAAGGACA ACAGTTCCAG GGGAAAGCTG 120
CCATTGTGGA GAAGTTGTCT AGCCTTCCGT TCCAGAAAAT TCAGCACAGC ATCACCGCGC 180
AGGACCATCA GCCCACTCCA GATAGCTGCA TCATCAGCAT GGTTGTGGGC CAGCTTANGG 240
CGGNTGAAGA CCCCATCATG GGNNTNCGCC AGATGTTCCT ATTAAAGAAC ATCAACGATG 300
NTTGGGTTTG CACCAATGNC ATGGTTCAGG CTCGTCCTGC NCANNTTTGG CTGNCCTNCT 360
TTGCAGNTTG GGNACTNANG NTGTTTGCTT GCTGCCTTTT GN 402

配列番号：5838
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06934
配列：
GATCTTCGTA ACGGCCTCGG CACGCTCCAC ACCCCTGGAG TCTCCCGAGG CCCCCATGTG 60
CTGCTGAGTG GCCAAGATGA TGCCAGGCTG CCCTATACAC TGGGGGATTC TGCCCTGGCC 120
CATGCACACC CGTCTTTCCA TGATGGCAGA GACATCCAGT NAGGACCTGA CCCGTCTCTG 180
TCTGAGGCCG GCTCAGCAGT GCAGCCTGGT CCCTGGGGGC TGGACCCAGG CTCCTAAATA 240
AACCAGCAAC TNCCTCGNAA A 261

配列番号：5839
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06935
配列：
GATCTCGGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCC GAGTCCTGGT TCAAACTATT CTCCTGCCTC 60
ANTCTCCTGA GTAGCTGGGA CTACAGNNAC GAGCCACCAC ACCCTNCCCC CGNATCCCCT 120
GCCTCCATCC TAGTAAAGAC TCCTTGCTAT GCTGCAAA 158

配列番号：5840
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06936
配列：
GATCAGTTTT GCCAAGGGGC CAGAATTATT CCTTGTTAGA ATTGCTCCAG TTCAAGTCTG 60
CTGCTTTCCT ACAGTTTTTC AAATTTTATA ATGTATTAAA TACAATAAAC TCTGTTTAAA 120
AAATAAA 127

配列番号：5841
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06937
配列：
GATCAAAGAA AATTTATCTC TTTTTATAAA CTTAAGGACA GTTGCAAAAG GCTTCAAGGA 60
ATTTATCTCA ACATTATTCT TTCTATGTCC TAACTAAATT CCTCAACTGT NATGANTTTT 120
CCANCTACTT CTTGAACAGT GGTCTATNCT GCTACATGAN GATGAATACA AACAANNTTN 180
TTGTATAACC TACTATNCCA GTNCTCCTGT GTCAGTCTTG CCTATGGATN TN 232

配列番号：5842
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06938
配列：
GATCTCCAGN GCGCAGTGGG TTGGAGGAAG TACTACGTGA CAGCTGGGGG AGCCTAGCCC 60
TTGTNTGGGN ACTCACACAT CCACTCTAAC CCTTCTNACC ACAGGTCCGG CCGCCCCATT 120
AGCTTCATNG TGGTTTTCAT CACCCCCAAC CCCCTGAGCA AGATTTCCTG GGTCAACAGG 180
TTACATTTGG CCANAATCGG ACTCCGTGAG TATAGCCCCA GGGAGAGTGC CTNAGGGGGC 240
AGNGGTGTGG AACGNGNAGG TTTNGGGTGA GTNNGGGTAC AGAATGTNGN 290

配列番号：5843
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06939
配列：
GATCTTGTGA CATTCCTTCT CCTGGACAAT NAGTCTCAGG AGCTCCTCAC CAAGCACCTT 60
GTTACCCCCA CCCCTGCCCA CAAGAGAAAA CGCACGTTAA CTGTAATTTN TCCACTACCT 120
ACCCAAATCC TATAAAACTG CCCCACCCCA TCTCCTTTTG CTGACTCCAG GTGATTAAAN 180
AACTATTGCT CAGGGAAA 198

配列番号：5844

配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06941
配列：
GATCTTTTTT CTAACACATA TTTGAACTGA ATAACAGACT TAAAGAAAGC CTTTGTTCAC 60
ATTGCTATTT ACTNTTGTGT TTGGGGGAAA ATACGAGGGA TTGATTTTAA ATAAAAAACA 120
TTCCNTCTTT CATTNAATAT CAGTATCAAA AGAGGNNGAC AAACATCTAT CTTTCTCATC 180
TNTATTNAAG TNCCTTTTTG TANTGTAGTA TCAANGTTTT TTAGGTGNTG CAAGGTTTTA 240
CAANTCATTT GTGGN 255

配列番号：5845
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06942
配列：
GATCCCTCAG AAGACTTAAC TTGGCTGGAG TGGGAGGAAC TGAAAATACC ACTCCATGGT 60
ATACCCATAT ATCCAAATCG TAGAGAACGA GAAGCTATGA TTTTATCATC TTATGCTGGA 120
ATCTTAATGA ACAGTATCCC GATTGAGGAA GTCTTTAAAA TTTATGGGGC TGATTCTNCT 180
GNCGATTCTG GTACCATCAA GTTTCCCCGA GTTTCATCTN TCCGNCTCTC CTTNCACCNC 240
TNTTGCCATG TTAGCAGNAN CNANAGCAGC AGCATACGGC CGCAAAACNGG GTGTCNAGTC 300
AAGNANGGTT GCAGCAGN 318

配列番号：5846
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06943
配列：
GATCGGAGGT TGGGTTCCTG ATTAAACTTC ACTGTGTGTT TTCTATNTCG GAAA 54

配列番号：5847
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06945
配列：
GATCAGAGAN TTACCACCCC TGCTTNGAAG CAGTGTTGGT GTATTCCCAC TAAAATAAAC 60
CAACTGGTAT AACATTCCCT GGAGCTTAAT AAGCACTCAA TAAATATTTG TNGANTAAAN 120
ANAGAAN 127

配列番号：5848
配列の長さ：212
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06946
配列：
GATCTGCAGA TTCCAAATGG GAATAAGCTC TATCATATTC TGAAACAAGA ATTAGAATGN 60
CTTGAGAACG GGCAAATAAC AAAGCAAACC AATATAATTA TATGGTCATT CTGACCCCAG 120
CTCTTATACA NNTTATACAT GTATTTTTGT GTATGTTTGT GAGAGTTGTA TGTATGTGAA 180
TGNGTGTGAG TGTGTATTCA CATACACATA TN 212

配列番号：5849
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06947
配列：
GATCATAAGG TGAAGTCCCA CAATAGGCCG TCTGCAAGCT GAGAAGCAGN GNAAGCCAGT 60
CTGAGTCCCA AAACCCTAAC AGTAATCCTT TNCTAACGTC AGGNTGCGTA TCGACCTGTG 120
TGTGCACATT TGCTGTGCAG AGTGTGCACT GCTGAGGAGA ATGGTGCCCA AGAAGGGCAC 180
TGTTTGNCCC AAANTNTTNC AANTAANCAT TGN 213

配列番号：5850
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06948
配列：
GATCATCTTG AATTACTGTG GGATGTANGT TTCAAAATTT TCAAATAAAG CCTTTGCAAG 60
ATAAA 65

配列番号：5851
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06949
配列：
GATCACATAC TGCAGTCCAG CCTAGGCAAC GGNGCAAGAC GTCATCTCAA GGAAA 55

配列番号：5852
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06951
配列：
GATCTCCCCA AATCCATTGN TNTCACCAGG CCCTCCCAGA ACCTCCTCAG TTCCTTCACA 60
GTGCAACCCT NTGTACTTGG CCCGCAACCC ANTAGTATTG TGCCTCACTT CACCTTCCAT 120
GGGCAACTGC CCTCCCTTCT GGACATAAAA CCTNATATNT TAAATAAAGT TGAANTATGN 180

NAAGAN 186

配列番号：5853
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06952
配列：
GATCAACTGA AAAAAGCATG ACTTTTGAAA TCTCTGAATG CCTTGGTTCT NAGTATTATC 60
ATNCTTNATT GAATTTATTT CTNATTAAAN TATGTAGTTT TN 102

配列番号：5854
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06953
配列：
GATCATGTGG AGTGAAAGGC AAATCTTACT GCTTAATGTA TAAACTCTCA CCACAGGAAG 60
CATCGCTGTT TCCAATAAAT ATTGCTGAAG ACAGAAA 97

配列番号：5855
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06954
配列：
GATCTGTCCA GTTTGTGTAT GAAATGGATT TGATAAAGTT TTTGCTAGTT ATTTACTACA 60
TTTTGGGATT AATAAGTGAT TTANATGCAT ATNTTCCTGT AAATCTACAG TTTTTTGTAC 120
AAGATATTCT ACAAGTNATG ANGCTAAGGG AAGAAAATGC CAAAGATACC TCTAGTTATG 180
TTGANCACAG CCAGCACAGT TTCGACAGGT CAAGGAAGAG CTGTTTCAGT AAAGANTGAN 240
GTGAAAACNC TTATTTNGGA AANTGTTTCT CANCANTAAN CTGTATAGTT GTTTCTCTNA 300
NACCCCCN 308

配列番号：5856
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06955
配列：
GATCCCAAGT GTTTAGAAAA CTAAGTAAAC TTTGTTGTCA AGCAATTTGT CCATGTGGAA 60
AGAATTTAAA GAGAAGCTGA ACAATGGAAT AAACAAATAA AGCATGTTTT TNNATCTTTC 120
CCATTAAA 128

配列番号：5857
配列の長さ：143

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06956
配列：
GATCTTAAAA ACTGCAGTAT TCCCCCATTT TNTAATGAGA GTGTGGGGCT GGCAGGGNTT 60
GGTTGGAGGG AGGAGAGAAG ACAGAGGAGC ACTTAAGGTG CAAAGCAGCC TATTTTTCCT 120
TCAATAAAAA TTGTTAAGGG AAA 143

配列番号：5858
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06957
配列：
GATCCGTGGA AATAGCCTGG CTCCCTCTTA CCCAGTAATG AGGGGCAGGG AAGGGAACTG 60
GGAGGCAGCC GTTTAGTCCT CCCTGCCCTG CCCACTGCCT GGATGGGGCG ATGCCACNNN 120
GTCATCCTTC ACCCAGCTCT GGCCTCTGGG TCCCACCACC NAGCCCCCCG TGTNAGAACA 180
ATCTTTGCTC TGTACAATCG GGCTCTTTAC AATAAAACCT TCCTGCTTNC ACAAA 235

配列番号：5859
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06959
配列：
GATCCAGTAC TATCAGAATG ACATCCCCTA CTGAGGAGGG GACCTTCGAG GGCCTCTGCC 60
CCATGTGCCC TCAAAGCTGT CCCACAATCA TGGAGCCCTG CNACCTNCCT GCCCTGNCGN 120
CACATGCAGT NGAGGAGAGG CCTGTGGCCA AAGAACCTGG TAGCGGCTCC TNGGGCAGCA 180
CGTGGNTGGC GCACTTTGGT AACGCCATGG GANTGCAGCG NCCANTCGAA TGGGATNGGT 240
GCTGTTNTAT GCACAGGN 258

配列番号：5860
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06960
配列：
GATCAGATTA CCAGGAACAT AGGAGTGGAT TCCTGCCCCA ACCAAACCGC ATTCGTGTGG 60
ATTTTTTTAT TCAACTTAAT TGGCTATTCC AAAGATTTTT TTTTCCCTAT TTTTAACGAT 120
TGGAGCCCTT AAGATGCACG ATGGAATTGT GTTTTGCGTT TTTNGGNAAA NGGGAGCAAA 180
GCGGGGNCCT GGNGATAAAC GNTTGGAGCA ATCTCCTTNG GNAGGGATTT CAGCANGGGG 240
TTAGNTNGGT GAAACATTTT AAAGGGGGGA AAGGGGGGGG GTTTTTTTTT NAAANTGGGN 300
TAAATNCGN 309

配列番号：5861

配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06961
配列：
GATCATGTGG ACCAGAGCAA ANNAAAGTTC AGTTTGTGTC ACAATTCATT GCCAGACTTC 60
ATTGGAATGC TTTGTTTGAT GATGTATGTN CATTCTCAGC TTTATTTTCA GATGCTTAAC 120
TGGGCAATGA AGTCTAACTT CAGGTTGAAC TNTCTCCNGN NTAANCTCAG GCTAAATGN 179

配列番号：5862
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06963
配列：
GATCGTGGTG GTGGGGACTG GAGACCGGAC CGAGAGGCTG CAGTCCCAGG TGCTTCAAGC 60
CATGAGGCAG CGGGGCATTG CTGTGGAAGT GCAGGACACG CCCAATGCCT GTGCCACCTT 120
CAACTTCCTG TGTCATGAAG GCCGAGTAAC TGGAGCTGCT CTCATCCCTC CACCAGGAGG 180
GACTTCACTT ACATCTTTGG GCCAAGCTGC TCAATGAACC GNCAGGAACT GACCTGCTGA 240
CTGCACTCTG CCAGGCTTCC NAATTGCTTT CANTCTTATC TACCCTTTTG GGACTTATNT 300
NGGCTTATCA ACATAATAAT TTGATACAAC TNNTTCCCAA A 341

配列番号：5863
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06964
配列：
GATCTGGTGA AAATAGGATT ACATTGGAGC CAATTGAATA AATTTATTCT TTCAATCAAA 60

配列番号：5864
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06965
配列：
GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATAAGATGGA GGAAGGAAAA 60
AGGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACTCCT ACAGAGTGAA ATNAAAACGG GCTGAAAATA 120
CCACCCCAGG AGAGGACCTC GCCCCAAGCA AGCCAGTGAG CAGCCCTGCC AGACTACTGC 180
CAGACTGAGA AACCCAGAAG CTGGTAGTCA TGTGGGCTTG CNTTCTNTGC CAAACGACTG 240
GGAAACCAAA ATNAGCCCAC CTTGTGTTCT TCCTAGCTCC ACCCTCCCCG TGCTGCTGTG 300
TTCTGCTCCT TCCNCACGGT TTCCCTGCTA TAGTTCCCAG CTGCTTGTAA CGGGGCCNN 359

配列番号：5865
配列の長さ：170

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06966
配列：
GATCATGGCT AACGGGCACA GGCTTTCTTT TTTGGGTGAT GAAAATATTC TAAAATAACT 60
GTAAAAATAT TGCACAACTC TGTNAACATG TGAAAACCCA CTGAACTGTA TGCTCTAACT 120
GTATGAATTG TATGGTATTT AAATTTNACC TCAATAAAGC TGTTATCAAA 170

配列番号：5866
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06967
配列：
GATCAGAGCA AGAGAACTTC CAGAGATAAT GGATAGAATG AAAGAATATA TATCTATATA 60
TATTTAACAT GTTGTTTAGT AATCCCTATT TTAATTCAAT TCTCCATCTG TAAAATATTA 120
GCTAACTGAA TTATTTCTGT GTTCTACTCT GGGCTCTCAC ATTAAAACTC TGTTCAAAAA 180
GTTTAAA 187

配列番号：5867
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06969
配列：
GATCTTGGAC TTCCCAGCCT CCAAAACTGT GAGAAATAAA CTCCTGTTGT TTGTAAA 57

配列番号：5868
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06971
配列：
GATCATGGTC AGCTCACACC CTAATAAGTC CACATCTTCT CAGTGTTTTA GCTGTTTTTT 60
TCATTAGGNT TCCTTNTATT CTGTACCTTG CAGCCATGAC CAGTTCTGGC CAGGAGCTGG 120
AGGAGCAGGC AGTGNGTGGG AGCTCCTNTT AGGTAGANTT TAACATGACT TCTGCCCCAG 180
CTTNATCTGT CACACANGTN TGTGGCACCN CTAGTGCTAC TGCTAGGATA TCACTTACTC 240
AGTTAGATTT TTCCNAAAAA NTAAGCTTTT AATTNATTTC TTTGGTGTN 289

配列番号：5869
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06972
配列：

GATCTCCTCT TCCACCTCTT CCTGGTTCCT TTGCGGGGAA AATTGCACTA AAACAGAACC 60
TTTTCTTAAT CCATGTTGGA AGGAAGCAAC AGTGAACTCT ACCTGTTCTG GAGTTCTCCT 120
GGGTCTGCAG AAGGTTGGGA ATTTAGAAAA TAAGGCTGTT CTTTCATATT TTAATTTAAT 180
CTCTGTCAAT GGCCATCCCT CCCACAAAAA AACGTGGGTT AAGAGAACTT GCAGACTGGA 240
TATGCAAGCA AACGGGCANC TCTGGAGAAA ANTANGGNAN GGAATGCTGA CTTTCTCTTT 300
CTNTCTCTTT GTCCCCACAC CNNTTCCCAN CCCAATTACT GGGGTN 346

配列番号：5870
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06973
配列：
GATCCCGACC CTCACCAGTC CCATTTGCCT CCCTCCAGCT CTGCTTAGGC ATTTTGCCCC 60
TCACCCCAAT GTTCCACACC ATCGACAACC AAGGGGTGAG GTGGGGACAG GCCTCAGCAG 120
GGAATGGGGC GTATATGTTA GTGTTGCTGC AACAATAAAG CCTGTTGCAT CTCTCATGCC 180
AGTGAAA 187

配列番号：5871
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06975
配列：
GATCTNGGAC TTCCAGAAAA CAGAACTGTG AAAAGNCAAG TTTCTGTNGT TTAAACCACC 60
CAATCTGAAG TATTTNGTTA TGGCAGTCCT NGGCAGACTA ATACAATATG CAACACATTT 120
ACAATANATA TACAN 135

配列番号：5872
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06977
配列：
GATCAAATAA TGATGTTAAA TTCTTAAATC ATATTTGCTA TGCAGCTGAA GATGATATTT 60
TGATTTGTAT TTTGGGGGTA CCTGTGTTGA GTTGATAAAC ATTTCCATCT TCATTAAAAC 120
TGCTTCCAAA CTAGTAAA 138

配列番号：5873
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06978
配列：
GATCGGCGGG GCACAGTGGC TCGTGCCTGT AATCCCAGCA CTTTGGGAGG CCTAAGCAGG 60

CTGGTCGCTT GANCCCAAGA GTTCGAGACC AGCCTGGGCA ATACAGCGAG ACCCCATCTC 120
AATTTATATT ATTTAAAAAN TAATTAATGT AAGAGNAATT AAAACAGATT TTTAAANNGG 180
NNAAANNAN 189

配列番号：5874
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06979
配列：
GATCTGACTC TTCATTTNTA AGTTCCTTGT TACATCATGG TCATTTNCTA GTTTTTNACC 60
AGACTCCCAT CTCACAATAA AATGCATCAA CAAGCAAA 98

配列番号：5875
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06981
配列：
GATCTGCCGG CTCCCGCCCA GCCTGTGTNG AAAGAAGGCC CACGGGCACT AGGGGAGCCG 60
AATTCTACAA TCCCGCTGGG GCGNCCGGGG CGGGAGAGAA AGCTGGTGCT GCAGTGGTGG 120
CCCTNGGGGG CCATTCGATT CGCCTCAGTT GCTGCTGTAA TAAAAGTCTA CTTTTTGCTA 180
AA 182

配列番号：5876
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06982
配列：
GATCTTGTTT TNCCTCATCT GTAAAAGNAG GTTAACAAAG CTTTTCTGCC CACTTCTTGG 60
GGAGAAGGGA ATAACATAAT TGGTAAA 87

配列番号：5877
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06983
配列：
GATCTTTGGC AGCGCATATG GCCTCTTTGG GGTCATCGTC GCAATTNTTC AGACCTCCAG 60
AGTGAAGATG GGTGACTAGA TGATATGTGT GGGTNGGGCC GNGCCTCACT TTTATNTATT 120
GCTGGTTTTC CTGGGACAGC TGGAGCTGTG TCCTTTAGCC TTTCAGAGGC TTNGTGTTCA 180
GGGCCCTCCC TGCACTCCCC TCTTGCTGCG TGTTGATTTG GAGGCACTGC AGTCCAGGNN 240
NNGTCCTCAG TGCGGGGAGC AGGCTGCTGC TGCTGACTCT GTGCAGCTGN GCACCTGTTN 300
NCNNCANCTG CACCN 315

配列番号：5878
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06984
配列：
GATCTNTTTT TTTTTGGTAG TTCCTCAGCT ATTCAGGAAG GTGTATTTNT GCCAGTAATT 60
ATCCCTATGC TAATACTTTT TAAAACATTA CTAGTGAGTG CCCTAAAACA TTACTAGTGA 120
GTGCCCTTTT NNTTTACAGA AGAAATTTGA TTGTTGTGAG CGATAATAAA ATTAACGTGG 180
ANCTCTTAAA 190

配列番号：5879
配列の長さ：322
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06985
配列：
GATCTCTATT ATNAGGCTAG ATGTATAGCC TCTACTCCCC CAGCTTCTTG CTCTTGACCC 60
TGCACTGTAA GTTGCCCTTC TATTAGCAGC CAAGGAAAAG GGAAACATGA GCTTATCCAG 120
AACGGTGGCA GAGTCTCCTT GGCAATCAAC CAACGTTGCT ATGAAATATG CCTCACACTG 180
TATAGCTCAT TATAGGACGT CAGGTTTNTT GAAAAAAGTG GGCAAGNCAT GATTAATGAA 240
TCAGAATCCT GTTTCATTGG TGACTTGGGT GGGGGCTNTT TGAATTTTAA AAANTNNTNG 300
TNAGNTGTAG NNNGNGTGNT NN 322

配列番号：5880
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06986
配列：
GATCATGGAA TACAAGATAA TTTCTCAGGA ATCAGATGGT CTTATTCCAC ACCTGCAGGA 60
ATGTCAGCAT TGCAACCACC ATGGCAAATA TTGATTTAAT AANCAATTAC TATTCCCAGA 120
TAAGTGTCAA ANTCTTAGAN GAAATTGTCA TATCTTAGAC AATTTAGANG TGATGGAGGG 180
TGGATGATGA GAAATTATCG CACCACTGCA CTCCAGCCTG GGCGACAGAG CAAGACTCTG 240
TCTCAAA 247

配列番号：5881
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06987
配列：
GATCCACAGT GTTGGGCACA ACTTTGACGT TTCTTAAAAA AAAAATTTAA A 51

配列番号：5882
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06988
配列：
GATCCTTGAT TGGTGAAAGG ATACACAAAA TCAGGCTGCT TCAGAGGAAG TCATCTGCTC 60
ACAGGAATCA GGGTGAAGGC CAAGGACGGC ACTCAAGAAT TGNCCTGTCT CTAAAAAAAA 120
AGCATCTGCA ACGAACTTCC TTTAATTTTT GAGTTCAGTG TCTGTGATAA TTAAGAAATG 180
GCANTACCAT GTATTTNCCC CAGAAGTTAA GANATATTGC TGNACGGACC ANTAAAAGTA 240
ATTNCAGCTC CCTCAAGNAN NATGNGGTGN GGGNGN 276

配列番号：5883
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06989
配列：
GATCGCGCCA CTTCTCTCTA GCCCAGGCAA CAGAAAGAGG CCCCATCTCA GAAA 54

配列番号：5884
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06990
配列：
GATCCTTAAT TGCTACCACA TTTCAAACAA GAACTATGAC CAATTAAACT TTACTGTTGT 60
TGAACTGCCA AA 72

配列番号：5885
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06991
配列：
GATCCNTTGG GAATCCAGTT GAAGTTCCCA AATACTTTAT AAGAGTTTAT CAGACATCTC 60
TAATTTGGCC ATGTCCAGTT TATACAGTTT ACAAAATATA GCAGATGCAA GATTATGGGG 120
GAAATCCTAT ATTCAGAGTA CTCTATAAAT NTTNGTGTAT GTGTGTATGT GCGTGTGATT 180
TACCAGAGAA CTACTNAAAA NAACCAACTG ATTNTTTNAA TCCTANTGTG TAGGTTAAAG 240
TGTCATGCCN TNNACCANTN CTAATGN 267

配列番号：5886
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06992
配列：
GATCATAAAA ATAGCAGNGC ATGTTNCCTG ATGATTTTAC AGTGCATATT GTCATGGCCA 60
GGGCTTAGAG GTAGGGGAAA AACATGTGGA CAGCTTTGTG ACAAGAGTCT CTCTTATAGT 120
GTTTCTTTCT AAAGTAACTT TTTCTGAGTA TGAATGTNNN NNNN 164

配列番号：5887
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06993
配列：
GATCCATGCA AATTGTCGCA TCCGACGGGT TAACTTCTCA GACAGACTCT ACTCAGANGA 60
TGAGCTGCCG GCAGAGTTCA AACTGTATCT CCCAGTTCAG AACAAGGCAA AGCAATAACT 120
GGAATTGTGA CTCGAGGGAT AGACCCCTGG ATGTGACTCT NCTTTTTAAA AGGAAACTAT 180
GTGGAGGACG ATGCAAAANC ATATTTATCT TAGTTTGCTC TGCTGTAGTT CTGTTATTTA 240
TACTTGGTGT TGCTTGTCAT GGACACNGGT GAACATGCCG TAACTCTGTG ACTGCATTGT 300
AAGTGCAGTG GGGGTAAGCA GTCCTGTGGC GTGGCGCATT N 341

配列番号：5888
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06994
配列：
GATCCTGGAC TGGGTACCTT ACATCAATGG CAAGTTTAAG AAGGNTAATT AATTACACAA 60
ACCCTTCACA GACTGCTCTG GTGCCTGGTG GTGCTAGCTC CTCCCACCTC AGCACCTGCT 120
GCATCTGGAG CAGCCCAAGC CTCAGGATGG NCAAGNGGAA ACCCACAGCT CAGCTTCAGG 180
CTTCTTATGT TTCTGAAAAC AGCTTGGNTA TTTTAATGCA CGTTGCATTA AACCTCACTG 240
AANCATAANG GGGAAA 256

配列番号：5889
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06995
配列：
GATCTTTGTA GGACTATATG TGTCAGTAAT NATGAGCTTC AATCCTGACA TTAATAACTT 60
ACTGTNGAGC AGAGAAGAGT TGCTTGTAAA CCTTGTGCTT TTATATACTA NTTTAAAANC 120
TTAAAGTGAT AGTGAGCTAT GAAGTACCAA TCATGTATGA TATGTGGATA CAAAGCACAG 180
TATTATTAAA GTGTNATGTG GAAA 204

配列番号：5890
配列の長さ：173
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06996
配列：
GATCAGCAAT AAAAANAAAC CTACAAAAAA NCCTATATTC NTTAATTNTT GCTTTTACGG 60
TGATATAGTG CATGCAAACC AGGAGCATTT TGTGTCTTAA GAAAAATAAT CTTAGAACAG 120
ATGGCTGTGA AAATTACACC CATGCACAGN ACANGCCACA GGAATAATNG GNN 173

配列番号：5891
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06997
配列：
GATCAAATAT TGGTTGAATG CCTATGTATG TCAGGCCCTG TGCTGAGCCA TGAGGATTAA 60
AAAGATGAAT AANCATATCT TGTTTAGGAA ATGGATGTAT AAAAAAATCA AGTGCAATAA 120
AGTGTGTGTC CAAAAGCTGA CACAATGGAA AGGAAA 156

配列番号：5892
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06998
配列：
GATCGCTTGA ACCTGGGAGG CAGAATTTGC AATNAGCTGA GATTGCACCN TTGCACTCCN 60
GCCTGGGTGA CAGAGTGACA CTCTGTTTGA AACAAACAAA 100

配列番号：5893
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06999
配列：
GATCACTTGA GCTCAGGAGT CCTAAACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGATAC CTTGTCTCTA 60
CCAAA 65

配列番号：5894
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07000
配列：
GATCTTGAAT AATTCATAAT TCTTCCACAG TAGAAATAAA ATAATTNCTG GCTAGTTATT 60
TTCTTAAAAA TAAAAAAAAT TTGAAAACCT CAAA 94

配列番号：5895

配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07001
配列：
GATCCCTCTT TTCCAGAAAA TTCTGTGGAA TNTTTCTGTA GGACTTTGTT CTCCACAAGC 60
TTGAATTAAA GCAGGATTCA GTTTGCAAA 89

配列番号：5896
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07002
配列：
GATCAGCTGA AGTGTGTTTT AGACCCAAAC CATCTGGCCC CTTCGTTTTG CTCAGAGGAA 60
GTAAATNTNC ACTTAAATGA AATTGAAAAC GCCATGTGGC ACCACAAAAG AGCTCTCTGT 120
ACTTNCCCCA TGCTGCCTCA AAAGTNCTGT AAGTTTCGGG GTCAGTGTCC CACCCTTCAC 180
TTCCCGANNN NNGGGN 196

配列番号：5897
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07003
配列：
GATCCCAGTT TGCCTTGCCA AATAAACTCT GTTTATGTGA ATTTATTAAA CGCAAA 56

配列番号：5898
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07004
配列：
GATCCCAGCT TTTTTCCCTC TCCCACAAAA CCAGGTAGTG AAGTTATATT ACCAGTTACA 60
GCAAAATACT TTGTGTTTCA CAAGCAACAA TAAATGTAGA TTCTTTATAC TGAAGCTATT 120
GACTTGTAGT GTGTTGGTGA AATGCATGCA GGAAAATNCT GTTACCATAA AGANCGGTAA 180
ACCACATTAC AATCAAGCCA AAAGAATAAA GGTTTCGCTT TTNTNTTTGT ATTTNATTGT 240
TGTCTTTGTT TCTATCTNNG ANATGCCATT TAAAGGTAGA TTTCTATCAT GTAN 294

配列番号：5899
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07005
配列：

GATCTCCCTA CTCCATTNNN CCCTTTAATT NAAGTGGCCA CATGTATATG TCTTCCCTGC 60
TGTGTTAGGA AAATGGGGGC TGGATATCCC AAGAATCAGA GGTTATATAN AAN 113

配列番号：5900
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07006
配列：
GATCGCTTTT GTGACTGTCC ATCTGTCCTT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTCCTTTGNT 60
GNTTTGTTGG TATTGGGGAC ATTTTCCACG GCTGAGTTNT TTTTGACTGA CATGTTTATG 120
ACATAGACGT NGTTTTCGCA TCCNTGACTT AAACTGACTT GNACNCCNTT N 171

配列番号：5901
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07007
配列：
GATCTACTGT AAAAAGAGGA TTAAGNAAAA TAAAATNAGA GCAATTATAT ATATAATTNT 60
ATATCATACA CAGAAA 76

配列番号：5902
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07008
配列：
GATCACGGGA GCAATGCTGT ACGGTTTTGT ACACTGGTGG TTTGTTTCCT AGAAAACCCA 60
TTGTNTCTCT GGATTTCTAG CACATTACTA AAAGAGCCTC TNCTTTGTAA ACATGAAA 118

配列番号：5903
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07009
配列：
GATCANNCTG ANCCAATTTA CCAAGCATTA TTAAGGAGGA ATAATNCCAT ACCATGTAAA 60
ATACCATGAT ATGCTGATTA TAATACATTA ACAAATTTTT AAGTTGCGTT CACTAAATNC 120
TGTCCTGTTT CTTCAAAATA ATATAGCTTA AATTGCATGN TAATNGTATA TCTTACCTNT 180
TTNGN 185

配列番号：5904
配列の長さ：134
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07011
配列：
GATCTACCCA ACTCTGTCAT CTGTAACAAC CAGTGATAAC TCTCTTGTCT TGTAAAAAGG 60
GTTTATACAT AACTTGTACA TGGTTTCATT TTGTATTTNC CGCAGATTAA AAATTTATGT 120
ATTTCTNTTC TAAA 134

配列番号：5905
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07012
配列：
GATCGAATTN CNACCCCTAA NCTTGTCCGG ACGTATGGTC CAAATTCANA TTAAGGTGGT 60
CACCCAACCC GAGATGTCAG GAAAGGCCTT CTGCAGAGAA AATNTCCCCC CACCCGCCAT 120
CTGCAGCCAG GTGTGTGCCA CACGGCAGCC TTCCCGAAAC ATAGTATGGA TTTTAAAAAT 180
GTGTTTATTT TTNTNTCTCA ACCACTTTAT AACGTATTTC TCAATTTANN TTGTAATGTC 240
TTGTNTTGGG GNGTTGCTGG GTATCCTTNG TTATGCTTCC CACTGTTNTT NTCACTN 297

配列番号：5906
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07013
配列：
GATCTAGAAT GGGGCTGCAA GNCGGTCCCC ATTTTGGATG GGTCACATTC AGACACCACA 60
CTATGGTTGC ATCACCTGTC ACACCGACCT AGACAGCTGG ATGCCATTTG GNGTAGAATA 120
ACCAGACTGG TGAGTAANCT AGAAATCATA TTACGTGAAG AGTGGCAAAA GGCCTGAGAN 180
AGTTTAGTTT GGNAAACATG ACTTANAAGG GGCATCACTG CCCTCNCTAT TTNTNTNANG 240
GCCTCATTTC CNGN 254

配列番号：5907
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07014
配列：
GATCCATGAA GGAATCGGGA GTGGATGGAA TGCGGTAAAA CTGTCCTGGG GCCGGACCCG 60
TNGCCCAAAG TCCGGACCNN GACCNNAAAA ACGCTTCCAT CTTAGTCACG TTAGCAGAAA 120

配列番号：5908
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07015
配列：
GATCCCAATT TTGTAAAAAT ATCTGTAATA TGTAAGCATA GGTATTTGTA TATCTTAAGA 60
AAAAAAGCCT AGAAATAAAG CCACAAAAAT AAA 93

配列番号：5909
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07016
配列：
GATCTCAATN TGCAAACTCC TTGGNCTCCA GACCCCTGTC TGGNTGGNAC TCCTAGCAGT 60
GTGTGGTTTC ATCAGGAAAT CCTTGCAGCA GGGGNTTAGA TGGTTCCTTC AGGAGGTGGN 120
GAGCCTCCAT AGCATTGAAG GCCAGCCTGC ATCTCGCGGT GTGTGTCCAC TTCTCCCCTC 180
ACTTTCCCCT NACCCATCCN TTTAAAGTGA TTGGCTGTGA GGAGCACAGA GGNGTGGCAA 240
TTCCATCTGT TNATGGGGTC AGAAGACATA GCCGNCATGG NGATTTCACA ATTNACCNGN 300
GTAAAN 306

配列番号：5910

配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07017
配列：
GATCATATAG AGTAGTTAAG ACAACTGTAA CAGCATTTTT TGAAATACAT TGTAAAATAA 60
TAAAAGGTAA CATAATTAAA 80

配列番号：5911
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07018
配列：
GATCTTAAGC TCTGCTCTCA GCAGATTTCA GGTGTACCAT TTGTAAACTG TACTGAAGGT 60
GTGTCCTCAA GAAGAAAGTG TTCAAATTAA AAAAGCTGCT GCCAAGTAAA 110

配列番号：5912
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07020
配列：
GATCGGGAGG ACTGTGGCCA GCAATTAACA CCATGTAGAC TTCCTTAGTT CTTAAGTGGT 60
TGAATTCGCT GNTTGTTCTG TAACGTTATA AATAGTNNAT ATCTGAAGAC GGAGAGCCTG 120
TANTATTCTT CAGATTAAAT GAAGCGTGAG ACACTTAAA 159

配列番号：5913
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07021
配列：
GATCTCTCCC ATGCCTTTTA AGCAATTAGA ACTAGATAAT GCAGCCATTT GTCACCCAAT 60
TAAATTTGAA AGGCCAGAAA TGCATGGATT AGCACTTCAG CTTTTGCTGC AGTCAAAGCA 120
ATTGTTACTT AGATAGAAGG ACAGTTAAAN TGAAAAATGA ATTTTGNTAA AANTGCGGNN 180
GTATAGATAA TATTCACTTC TNCTTTTTAA TGCTTAAACA CCCTGTATTC TGTATTTNAC 240
TTGTATCATA NTTTTCATTG CTCATTCCTA TTTCCCTGNG ATACTTATTN CTTNCACAAT 300
ATTTCTTCAN GTGGATATGT NCTTTAANTN 330

配列番号：5914
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07022

配列：
GATCATAGCC CTNNGCCTGG CGGCACAGCA GCACTTGCGT TCTCGGGGCT GTCGATTNCC 60
TGCCACCTGG CCAGATAACC TCAAGATTTC CACCTTTTCT TTTCAGCTTG ATTGCATTTG 120
ACTATATTTN ACAGCCAGTG ATTGTAGTTT CATGTTAATA TGTGGCAAAA TATTTTTGTA 180
ATNATTTNCT AATCCCTTTC TGAGTACTCT GGGGCCCTGC ATTTATNAGG CACCTACCTT 240
CATTTTGCTA ACGCTTANNC TGAATAAAAG NTTTTTGATT CCTTAANAAA AGGGNNNGN 299

配列番号：5915
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07023
配列：
GATCCTTTGT CCAGAAGAAG CCCATGGAAT ATTGAATGTA ATACATTTAG TCAATTAANT 60
TTTAAGNAGA TTCTTATNTA ATAAA 85

配列番号：5916
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07025
配列：
GATCCAGCTC AGGGGAGCCC TCCTCCTGAC TTTGGAGACC TCCTTCCAGA AAGACTGCTC 60
GGACTATGGA CTCTGAGCTC TTAAGTTGCA CCCGCTGTAA TACAAATNAG TTGTTTGCCT 120
GAATTCCAAG AACTGTCTCT GTGGTCTAGG CTGTCTGAAA TTTCTGTTGA GGGTAAGAGA 180
ATAAGGAAA 189

配列番号：5917
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07026
配列：
GATCCCTAGG GATTTNTCAT CTTAAGACTC AAAAGGCTTA ATACCAGGAA CCACCTTGGC 60
AAGATATTTA CCCACCGGCC ATCTCTGTTT ACTCATGAAT GTTAAATGTT AAAACGCAGC 120
GCTCTAACCC TGCNTNNNAT TTACTTGCAA ATGTCTGTAA TCTGTAATTG TNATGCCTCT 180
GATGGAATAA NTTATCTTTT TCAGTCTCCT CTAAA 215

配列番号：5918
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07027
配列：
GATCGGATTG ATTAAAAAAC AAATNCTCTG GAATTTTTNC GTTCATGCTT TTCCGTATTC 60

TTTATGGCTT TTAAATAAAT ATACAATGGT TAATAGTAAA 100

配列番号：5919
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07028
配列：
GATCAGGGGT CCGGCTGTCC TTCTGTCCTG CTGCAGACTA AAGGTCTGGC CAATGTCTTG 60
CCCCACCCCG CCAGCCGCGA TACGGCGCAG TTCCTATATT CATGTTATTT ATTGTGTACT 120
GACTCCATCT GCCCCGTCAA ATAAAAAACC ACAAGGTTCG AAA 163

配列番号：5920
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07029
配列：
GATCACTGCT GCTAGCTGAC TGGACCTCCC CATTGGAAGT TTGTAATTTT NCTTTGGCAA 60
AGTTTCATTG ACTAGTAGAA CTCATTCTGT TTTAGTGTAT ATTTCAATAT AAATGTAAAC 120
ATTTTGCTCA AA 132

配列番号：5921
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07030
配列：
GATCCTAAGG AAGGAAAAAG AAAGTGTTAA AAATTAATAA AGGTTTTTTT GAATCCCGTG 60
TCCTTCAAGT GCTTTCTAAC TTTGAGAGGA AGAAATTGAC CACCTGGACT ATGGAACTGT 120
GCGTAACAGC TTTGAAAGTG TATTTAAAAN TTAANTCTAT ATGCCTTTAA NTCAGTGAAT 180
TGGAAACATA TTACATGNGN TTNNATGATT TNCCTCAAAT ATANTAANTN GTTTCCTTTC 240
CAGTAGAAA 249

配列番号：5922
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07031
配列：
GATCTGCAAG TAGCCTAAAA ATGCGATTGC TGGTAAACCT GGCCTCAAAT TTCATACTAC 60
CATAACTNNT TTTATATATT GCCACTAATT TTGACTGGAT TTAATAGCAC TTTATTGTAC 120
AACTACAAAA AAAAANTNTA TTCCTGGANT TGTTGCCNGT GTAATTNCTC TAATGTNCTG 180
GTGCTTTNCA N 191

配列番号：5923
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07032
配列：
GATCTTATTT CATGAAGGTT GTATAAATGA AATCATTCAG TAATGTATCT TTTTAAGACA 60
GGTTTTTTTT TTTCNCTCAG CACAATTTCC TTGAGGTTCA TCCAGGTTGT TACCCATAAT 120
ACCAGTTTGT NAGTCTTTAT TGCNGTAGTC TATAGCATGC TTATATCACA GTCTGNCCAA 180
CCATTCACCC NTNGATGGGC ATATGGGCAT TNCCNGTTTG GNGCTATTNC AANTAN 236

配列番号：5924
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07033
配列：
GATCTNTTTC ATAGTGTTCA AANCTGTATT ATTATATGTA GAGGGAAATA ATTTTCTCAA 60
CACTAATCGT TAATAACTAT TGTATTAAAT NGTCATNANG N 101

配列番号：5925
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07034
配列：
GATCTGCAGT TTCCCCTTTT NTCCCCTCTG AAGAGTGGTT CTTATGTGCA ATCTGCAGTA 60
ACCTTGAACT CCAGAGCTGC ACTATAGAGG AGAATGCATG CCACTATGAC AGCAGTATGC 120
CAAGCTTTGT NTTCATCTCC TAATAAACGT TAAGACCTTT GGTGTAATAA ANGCAGCAGC 180
ATTCACCAAC AAA 193

配列番号：5926
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07035
配列：
GATCTGGGGT AGGGGGCACC CTACAGTGGG ACCCNTCCCN CATTATTCTT TCTNTCCAGC 60
CCCTCCCTCC CACTGGAGCA GCTCCAGAGN CATTCCTCAC CCCCGTNACC TCTCCCAGCC 120
AGGGCTGAGA GGATTCGAGG TGGCTGGGAG GGTTTCCAGG CCCCCTGCCC CTTNCCCACA 180
AACTGGGTGN TAGGGCGGAC TTACCTGGCC CAGCCCTGCC TCCNTNAGCC AACCCAGNCC 240
NTNGGGCTGT N 251

配列番号：5927
配列の長さ：132

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07036
配列：
GATCTCGATA TTTCAAATGG GCTTTNNATG CACTGTTGCC AAGAAAGGCT TTTCCTGATT 60
TTTTNACAAN TNAATTTTTG CACACTTTCA TTGGTGTCTT TCGGCAACTT ACATTGAAAN 120
TGAGCTATTG TN 132

配列番号：5928
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07037
配列：
GATCCCTGGG TTGCCCTGTC CCAACCTGCT TGTTAGGTGC TTTCCCATAG NAGGCCCTTC 60
TTGAGAAACA ATAAACTAGG TAGAACTAAA 90

配列番号：5929
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07038
配列：
GATCTCAAAA CTCATTTGTT GTACCATATA TNATGGTTTT NTGTCTATAT CATATATTTC 60
CCTACTTATG TGTTTAAATN CTATTTNGTN ATGTCAATCT CTCTGATGCC ACCTATTTN 119

配列番号：5930
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07039
配列：
GATCGGGGCC AGAGGCAGAA CCCTGGTGAG GAAGCTCCAG TCCTGCTCTC TACCCAGCCC 60
ATCTTGCCTC CATGGTGCCT CTGGAGGCCT CTGGGCCTCC TCTAACAGGG GCTGGTGGGC 120
ACCAAGAGNC AATGGAGTAG ACCCCTGGNT GGTAAGGGNC AAGTNCCACC GGTTGCTTCT 180
GGGAAGGGGT TTCTAACACT AGTTTGTGTG CTGTGGTTCC TGGGGTGCCC TCCACTGCCC 240
TCTNTTCAGG AN 252

配列番号：5931
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07040
配列：
GATCCCACTG CAGTGGTGCC TACATTTATC ATCATGGCTC CTCTTGAATA AAATCTACCT 60

TACCATCTTC AACAAA 76

配列番号：5932
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07041
配列：
GATCAGCACA GTAATGCCCA ACAATATTGT TTTTAAACAA AAAATGTAAA CATTCAAAAG 60
AATCTCTCTA AATCACTGAT TAANTCATTT GACTGAAAAC AAA 103

配列番号：5933
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07043
配列：
GATCTACCCG NCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGCATTACAG GTGTGAGNCA CCGTGCCCGG 60
CACCAGNATC CTTTGGTATA GCCAAGCCTT TTGGTTACCG NCTCATGAAG AATATGCTTC 120
CCGCATTGTC CTAGTCCCAG TTGTATTCTC ACAGGTGTTA TGNGGGGGGC ACAATCCAAA 180
TNATAAACCT GGTTCATGNC CAACANATTT NTGCTAAATA GGGAGGNGGG N 231

配列番号：5934
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07044
配列：
GATCTGAGCC CAGCGTACAG AGAAGGCTCT GTGCAGACAC TGCTCACACC TCCAGCTCCC 60
AGCTCACCTG CCCCACAGGT GCCAGGNTAC CTNTTTNANT GGCCAGCAGG GCCCTNACCA 120
TCCTCAGCCT GCNTTCCAGT CGCCCATTCT TTCCATTCTG CGGCTCGTGC TTTAAAAGCA 180
ACCAGCCAAC CNTTTNTGAT ATAGTAGGGG ACTTGAAAGG GGCTAAGAAG ACTGANGATG 240
GTCTGCCACC TTTAACCACA AGGNTTNGGG CTTTGGTTN 279

配列番号：5935
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07046
配列：
GATCTAGGAG AAGGGNCTCA TGCGGACCCT CACATGGGCA GAAAAATGGT GGTCATTGGC 60
CGACATCACA GTTTTCCNGT TTCCCACCCA GCTAAAAACC GTTGTTTGCT TTAANTTTNN 120
ATAAACTGGA ATCCTTTCAC CCGCTCCTAC AGCTAACCCT CACANGCATG AGGTGCTGTG 180
GCTGTNCCTT ATCCTAATGA TGCGCTNNGG NCCCGTAAAT GTNAACACTC ATGAN 235

配列番号：5936
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07047
配列：
GATCAGTTAC ATTCATCAGT TGGTGAGTTT TGAAGAATAA CTACATTTNA TTTCAAACTA 60
ACAAATGTAT ACGGTTTTAG TTCAGTGTTG AAGAATTTNA ATACAATATT AANTNNCTN 119

配列番号：5937
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07048
配列：
GATCCCTTTT NAAAAATATA TGTATGCATG TNTGCATTAA AGAGTCTGAA AGGATACTTG 60
CCAAAGTGTA AAAGCATTTA TCTCTGGGAG GTGAGATTTG GAGCAATTAT ATTTNCTTTT 120
TGCATATCTG TAACTNCTNA TTTCCCNCAA TGNGCATGTA GTGTCTGTAA AATTTTCCAG 180
GGAATAANCA NTGATGTTCA CAATATATAT TNN 213

配列番号：5938
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07049
配列：
GATCCAGACC ATCCTGGCTA ACATGATGAA ACCCTGTTGC NTGTNGTACC AACTACTTGG 60
GAGGCTGAGG CAGGAGAATG GCATGAACTC GGGAGGCGGA NTTGCAGTGA GCCTCCAGCC 120
TGGGCAACAG AGTGAGACTC TCTCAAA 147

配列番号：5939
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07050
配列：
GATCCTGGGA GCCTCTGTTC TTTGCGCATT TCAGACACAG TCTGTGTGGC GAGGAGTGTG 60
ANGGNAGGAG CCTNGGGTGC AAGCCCGTGT NTTTGGCCTC TTTCCTCGTG AAGACGATGT 120
GTCCCCGTCA GAAAAAGTGG GCTCCNTCTG CAGCCCCGTG AGCTGAGCCC AGGCTGCGTA 180
GTGACCACAA GCTTATGTGN AGCACTGCTC AGGGAGGNTN TCAGGAATTC CCCTCACCTC 240
GGAAAGGANC TTCTCAGTTT TTATTGGGGG TGTNTAAATT TNCTTNCATA TNGTTCATN 299

配列番号：5940
配列の長さ：186
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07053
配列：
GATCCTTCAG GCAGTAAGGG AGAGTTTTGC CTCCTTACAC AGTGGCCTTT GCTTGCACCT 60
CCAGCTGGAG ATGGGTGTGC CCCAGAAGTA AGCTTTGCAT CTCTTACAAG AGGGGAGCTA 120
CAGGGGCAGC CGTGGCCTAG GCCCAAACTC TGCTCTGAGA AAATAAATAT CTGTACCACC 180
TGTAAA 186

配列番号：5941
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07054
配列：
GATCCGGTNA TGGTCTGGGC AGAGGCTGGG TCAGGAGTCC CAAAGGTCAG TGACAGTTTC 60
TCAGAAGAGG CCCAGCGTCC ACCTCTCTCC CAGGGCCAGA CACCTCTTCC TGGCTCCCCC 120
ATCCCCCTAT GGGCTCCCAG CNCCTTGCAC CCTCATTGCT GNNNAGATTA AAGCCTCTGT 180
TTTGCACCTG TCAAA 195

配列番号：5942
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07055
配列：
GATCATTCAC TGTTTTNGTT TTAAAACTGG TCAGTACTAT GAAGCTTCTG TGGTTTGTAT 60
GATGTTTTAA CTTTCACTTT AAACTGCATA GAATAAATTA AATTGAAAAC ANCAAA 116

配列番号：5943
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07056
配列：
GATCCGNAAG CNAGANACCC TGCAGGCTGG CGGGGACCCA NGGGAAAGGC CTTCCCAGGC 60
CCTTCTAACC CCTGTGGCCC TGGACTTTCC TTGTNTGGAC TCACCCCAGG CCTGGN 116

配列番号：5944
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07057
配列：
GATCATAATC ACTGCCTTAC CNNCCTCACG GTTGTNGTAA GGACTGAGTG TGTGGAAGTT 60
TTTAATAAAC TTTGGATGCT AGTNTACTTA GGGGGTGTNC CAGGTGTCTT TAATGGGGCC 120

TTCCAGACCC ACTCCCCACC CTTNTCCCCT TCCTTTGCCC GGGNACGNCG AACTCTCTN 179

配列番号：5945
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07058
配列：
GATCTAGATT AGCAATATAA AGAAGCATAG TGGTACTCTG TTTCACACTT TCAGTAGATT 60
TATTAGAAGT CAAATNCTAT TCAACAGACA CTTATTAGGA TATACAACTA ATTTANGAAT 120
AAAATTCCAG GCACAATATA TTTNNNTNAA NTGGTATTTG TNAGTN 166

配列番号：5946
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07059
配列：
GATCTTTTGT GACTACAACT TCTNTTGTAA ATAATGATAT ATGGTATTNC CATCGTCAGT 60
TACCGAGTAT AGCCACTGGG TATCACTACT TTGTGTTAAA GTGCCTTCGC ACTTTAAGTA 120
CATTACTTAA ATGTTGCTTT TAGCTTTGAT AAATTGAAAA TATTTNAATG GGNNGGGGNN 180
TTGAAATTGA AAACACTGTA AAATAGGTTG GNGTGTCAGC NNTATTANGN 230

配列番号：5947
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07060
配列：
GATCCGCCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA CCATGCCCAG 60
CCAGNGATTT AATTNTTAAT AACTAATTTN AGGGCACAAT TTGACCTCCA TTGNCAGCCT 120
GTTTGTATTA CTTAATGTGA ATATNTGTGT GTTTTGCCAN GGGNTATTGA NGTATTN 177

配列番号：5948
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07061
配列：
GATCTCCAGG CCCAGCCTGG CCCCAAATAT TCTTTCCTTT CATCCTCAGC AAGTGCTGAG 60
TCTGTGAATA AAGCCACATA ACCAGCGGGC ACTAAA 96

配列番号：5949
配列の長さ：191
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07062
配列：
GATCATAAAG CCACCGGCCA CTGCCACGCA TGTTGCACCT GTGCCATCGT GCTCCCTCCT 60
GATGGGCACC GTGGTGGAGG AAGTCACCCA GCTGTTTCTC AGTCCCAGAG GCCGGTGGCT 120
GGTTTTAAAC TTGTGTTGAC TGTTGATACT TATTTACTGT ATAAATATAA TTNATCATTT 180
GTACCATGAA A 191

配列番号：5950
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07063
配列：
GATCCAACTG GGAGAACCTC AGCCAATGCT GGAAGNATGA TTGAAGTACC TCTCTTTTNT 60
NACTCTTGTA CAGCTTAATG TGCAATAAAG GAAAAGTTAT ATCTGTAAA 109

配列番号：5951
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07065
配列：
GATCGACCTG AAACTCCTCA CCAAAGTNCT CGNNCCGGAG CACGAAGTCC GGGAGGATGA 60
TGTCGACTGG GACTGGGACC ATCTGTTCAC TGAGGTGTCC TTAGAGGTCC TCACTGAGTG 120
GGACCCACTG CAGACGGAGA AGGAGNACCC TGCGNGGCAG GCCATNCACA CCTNAGCCCG 180
TCACCCATGC TCTAGACATN AAGAANTGCA ANGGGN 216

配列番号：5952
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07066
配列：
GATCCACCAA AATAAATGAT TTTCTACATT TTCATTTGGA CTAAATCCCA CGAATGACAA 60
CTACCACCTT TTTTTCCTTT TTAATTAATA CTAAATATTG TGATTTCTTA TTTGAGGTTC 120
AAAATGACCT GCTTGAAACT TTGATACATA TTGGAATACA TTATGTTAAT AAACTTGTAG 180
CTTTTTGTGA AA 192

配列番号：5953
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07067
配列：

GATCACACCC TGGAACAATT GGNGGATTGC TTGCTGCCCT GCATCTTAAG GCGTATTCTA 60
GCAGCAAAGC TTGTNATGCA CTGACTTGGG GCAAGTAAAA CTGATGCTGA GGACAAAGGG 120
AGANGATGTT CCTCGCCCAG GGAAATNAAA ACTTTNCTNA TTCACCTTGC TTGTGCTTAA 180
NCACTTATGT NCATCTAGTG TAGAATACAT GGCTACTTGT TTGTAATTNT NTNATTGGTG 240
GAATTAAAGT AATTTTCCCT TATCTTTGAN CTTTTATTTA GAGAACTNAA ANAAAGCN 298

配列番号：5954
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07068
配列：
GATCTNCAGG GGNATGTTTT ACCATCTGNA TCCAGCCTCC TGCTAACTCC TAGCTGACTC 60
AGCATAGATT GTATAAANTA CCTTTGTAAC GGCTCTTAGC ACACTCACAG ATGTTTGAGG 120
CTTTCAGAAG CTCTTCTAAA AAATGATACA CACCTTTCAC AAGGGCAAAC TTTTTCCTTT 180
TTCCCTGTGT ATTCTAGTGA ATGAANTCTC AAGANTCAGT AGANCNAATG ACNTTGGNAT 240
GTAATGNTNN 250

配列番号：5955
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07069
配列：
GATCCGTNAA TNCNCGGAAT GGCAGGGGAA GCCTTGCACT AGGTTGCAGA GAAGCATCCT 60
CCACATCCTG TGTCAGAAAC CCTGGTCTCC GTGGCACTTG TAACTCACCG TNCTGTCTNC 120
TGGTCTGTNT GTGTN 135

配列番号：5956
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07071
配列：
GATCTAGAAT TGACATTTTG CCTTCTTGTT TCCAGGTGTT TCTATTTTTT CTATTCTTTC 60
AGAGAAATCT CATATTTCGG TGTATTTATT GCTGTTACTA CTATATTTAC TGCTGAAAAC 120
TGTAACAACC TGAAGATTTG TAAAATGTTA AACATAGTTC ATTAAAAATA ATAAAATAAA 180
TCTAAAATGT AAA 193

配列番号：5957
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07072
配列：

GATCCTCCAA AGGCCTGCCC CATGNATTTA ACAGTAATAC AGGAAGCATG GCAGGCACCA 60
TGCAAACCAA GGATGGATGG TGCAGTCCCT GTGTCAGTGG GCGGTGGTTT CCTGCTGGCC 120
TGGAATCACT CATCACCTGA TTGATTGGCT CTGTGGTCCT GGGCAGGTGC CTCATAGGTG 180
TGTGGNTATG ATGACGTTTC NNTAAAATGT ATGTNTTTAA CANATACTNA ATNGTATTAN 240
GGTCATGTAC CAATGGNTTT NATAATGTTT NTN 273

配列番号：5958
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07074
配列：
GATCAGAAAG NATTAAATAT CACTACCACA TGAGTTAAAA CAAAAAATGG AATAAAAANC 60
AAAAGTGGTG TCTATGTTAT CAGTGGNTTA CTTGATAGGN CATTTNAN 108

配列番号：5959
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07075
配列：
GATCTTCACA AGGNTTGTAT TGGCCACATC CACGTCCTCC GAGCCTACAT CAAGACCCAA 60
GTGAACAAAG AGCTGGAGCA GCTCCAGGGG CTGGTGGAGG AGCGGCTCAA GGCCAGCGAG 120
GAAAGGCTCA GCAGCAAGTT GACTGCACTA GAGCGGCCCT TCCAGCTACC TCCGGGTAAA 180
GGCAAGAGCA AGACCAAGTG ACCCCCAACA TTTTCCCCAA TAAAGGTCTG GGCCAGANTG 240
GCACCATCCC TGCAAA 256

配列番号：5960
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07076
配列：
GATCTAGTCA TCTGGTTAAG GATTTTAAGC AGATGCAACT ATAAACCCAA GAAACTGTAT 60
TACTATTACT GTTGGTCATA CTAAACCTGT CTATTTCCTG AAGTATATGA CCCACAAGGA 120
TGTGGAATAA CTAGGAGAAA CTGTTTTTGT ACACTGTACA TCCTTAGTAT TTTTACACGT 180
ATATGATAGG GATGAACATG ATTTTNCTTC GTACAGACAG CTTANNTAAN GCACTATGTC 240
ANTCTGCAAA ANAGNNNNNN NN 262

配列番号：5961
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07079
配列：

GATCTCAGCT CACTGCAACT NNTGCCACCT GGGCTTAAGC CATCCTCCCA CTTCAGCATC 60
CCAAATAGCT GGGACTGCAG GCACACACCA CCACACCCAG CTAATTTTNG TATTTTTTGT 120
AGAGACGGGA TTTCACCATG TTGCCCAGGC TGGTGTTGAA CTCATGAGCT CAAGTAATCT 180
GNTGGCCTTG GCCTCCCAAA GTGCTGAGAT TATAGGCGTG AGCACTGCAT CCAGCTCACT 240
CCTNATTTCT TTCTAGCCCC AAAGGGGTTG AGTCAGCAAA TCCTNCAGCC TTTTN 295

配列番号：5962
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07080
配列：
GATCCTGGAA TGTTTGCTGG AGAAATTTAA AATACNGGGG TTTTTTNTTT AATGGTGCCT 60
ATTTAGAGTT GGAAGTTGAA CAGCTGTTGC ATTACATACT TTTCCTTTTT NATTGAAATT 120
TTGAAATCAA ACGTCTTGAT TTTCCTNTCC TGTTGAATTG CTATGTNCAG GATGTCCTAG 180
GGGGTGGGGG CAGGGACTCT TTTCGTAATA AGCACTTGTN TTATNTGGTG TGTGTGGNGT 240
ATAAANGGCT ACACCCTTAT TNTAAAAANN NN 272

配列番号：5963
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07081
配列：
GATCTGTCGT CTTCAAAAAA ATGGCAAAGT GGGAAATGTG GGAGGGGAAA ACACTTCAGA 60
ATAAAAGAGA TTTAAGAGAT GTATCAACAA A 91

配列番号：5964
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07082
配列：
GATCAGGTTG TCTGCATTTG TTGGTGTAAG TGAACATCAT CACAGTTATC CTGAGTTGAG 60
TTTAAGCCAA ATANATGCAT AGAAAAGGGT CTTCCTATTA ATGGAAGANG GTAATTTTTA 120
GGATGTGTAT TATTTCAGTT TTGTATGTTT AACTNTNATT NAATAAAGTG TTTTTAAAAT 180
CNCAAAAATN ANNN 194

配列番号：5965
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07083
配列：
GATCTGCCTG AAGAAAATAT CTGTTTTCTA TATAAAAAAA TTTTTTAAAA TAATTGTAAA 60

GTTAGATTTA AAATTGTAAA ATATAAAATC ACAAAGGAAT GTACCTTATG AATGTTGTTG 120
ACATTTTATG AAATTATGTG GATTCATATT ACTGTTACAA GATAGANTTG AATGCAAAAA 180
GTCCAAAACC TCAATAAANT TTGAGGAAAA CGTGTTATTA TGTAATTGAN NTANAANCAT 240
TTTATAATTG TGCANGTNAN NNNNAN 266

配列番号：5966
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07084
配列：
GATCCTTTTN AGTTTTTCCA GGTGAGAAAT CCTATCAATT ATGTNATAAT NATATGTTTT 60
CCTNTTCAAA ATTTATAACA TAATTCCTGA CTGCATGGGT TAAACATTTN CATAACAGTG 120
CTAAATAATA AAGGTGGCAG TGGCATTTTT GTCTTGTTTC TCATTTTAGC CAGAATGTGT 180
TTGCTACAGC AATTCCAAAT TGTGTTTTGT GAAAAANAAA TATTCTNCTT NGGAGACANG 240
GNNTNTACAT TTGCAN 256

配列番号：5967
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07085
配列：
GATCAGAACA GGCTTAAATT GATGCTATAG AACCAATTAC TCTGTATTAT CTTTGCAACT 60
CTTTTGTAAG TCTAAAATTG TTTGGNAATA AAAGTTTATT TTAAANNTTA AAAAANANN 119

配列番号：5968
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07086
配列：
GATCTTCTAA TCGACAATCT ACATCATAGT GACCACCAGT AATCACCTGT AAGAGATTAA 60
AAAAGAAAAA TCACTGTGAA AAGTGTGAAA AATTAATCAG ATTTAATCAG ATTTCCTATT 120
AAAATGGCAA TAAGGTGATG GGCAAA 146

配列番号：5969
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07087
配列：
GATCTGGTTA AGTGTGCGGC ATCTCATCCC CCACTCTNTC CCTTCTTGCT CCTGCTTCCC 60
CCTTATNACT TGCCAGCTCC TGCTTCACCT TCCACCATGA GTAAAAGCTC CCTGAGGCCT 120
CCCCAGAAGC CAAGCAGATG CCAACACCAC GCTTCCTGCA GCCTGCAGAN CTGTGAACCA 180

ATTAAACCTC TTTTCTTTAT AAA 203

配列番号：5970
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07088
配列：
GATCTTCCAA AAATTTATTA AGTGTTTACT TTTAAAGTGG AAACAATGTT TTTAAGAGGT 60
GATATAAAGA AA 72

配列番号：5971
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07089
配列：
GATCCCTAGC TTGTTTTCTG TCAGTCATNC ATTGTAAGTA GCACATNGCA ACAACAATCA 60
TGCTTATGAN CAATACAGTC ACTAGGTNTT AGTTTTNTTT AAATAN 106

配列番号：5972
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07091
配列：
GATCTGTGTG ACTGATGGGC AGGGCTCAAT GATGCCCATT GAACTGAGCT TACTGCTCAC 60
ACCACTGACC TGGACCCNAA CAAAAAGCTG ATTGTCTTTT TAAAAGTTAT TATTTTGCCC 120
TGAGCAAATT GCATTTTANT TGGGGCAGTT GGAGTGTTGA NTTCCTGGCA GCATTGTGAA 180
GNNGACCNNG GTGGANGTTT NCTGTCCCNG GN 212

配列番号：5973
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07093
配列：
GATCTACCCA CCTTGGCATC CTAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGANTAC CAAGCCCGGC 60
TTTTTTTGTT TTGACATGGA GTTTCGNTCT TGTCACCCAG GCAGGAGTGC AGTGGCGTTA 120
TCTNGGTTCA CTGCAACATN CGCCTCCTGG NTTCAAGTGA TTCTCCTGCC TGAGCCTCCC 180
ANGNACCTGG GNTTACAGGT GCTCCNACCA AGNTN 215

配列番号：5974
配列の長さ：140
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07094
配列：
GATCTGGAGG TTTACAGAAG CCTTTACCCA TCCTGAGACT CAGTTCTGCT GTTGGTCTNC 60
AGAGAAGTGT CTGCACCTGC TGAGANGNAA TCACACCACT GCACTCTAGA CTGGGCAACA 120
GNGCGAGACT CTGTCTCAAA 140

配列番号：5975
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07095
配列：
GATCTGTTGA AGAACTCAGC TGCTGGAAAC CATGCAAAAT GTTTTGAATT GCCCTTAAAA 60
TATGGAAAAT GTTTTCTGAA TGCTTTATAT TCTTNCTGCT GTAAATTAAA AATGANGAAA 120
ATTTCCCCAT AAA 133

配列番号：5976
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07096
配列：
GATCCCTGCC CTTTGGCACA TCCACTGAAA GGCCAAACAG CAAGTCCGAG TGAGTTTTAA 60
ATATTAATTA ATCACCCTTT ATTTTTTACA CTTGAGAGTG ATTGTAATAA AGGCTGTCAT 120
TAATAAACTT GGTTCTACCT TAAA 144

配列番号：5977
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07097
配列：
GATCTAGAAA TTGCCCTCCT TTTACCCCTA CCATGAGCCC TACCAAAACC AAACTTANCC 60
CTGGGCAACT AANTAAGGTT ATTGGACATN CCCTTCTNAA TTAATNATCC AATN 114

配列番号：5978
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07098
配列：
GATCTGACTT CAGACAGAAA CCAATACCAG CTTCCTTTTC CTTTAAACNT TTGAAGAGTG 60
TTGATTTGTT ACTATATTAC GTATGCAAAA CTGGAGAGNG TATNGNTNGA TN 112

配列番号：5979
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07099
配列：
GATCCGTCCC TAACAAACTA GGAGGCGTCC TTGCCCTATT ACTATCCATC CGTCAATCCG 60
TAGCAATAAT CCCCATCCTN CGATTATATC CAAACAACAG ANGCATTGAT ATNNTNGCCC 120
NACGTAAGGG N 131

配列番号：5980
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07100
配列：
GATCATGTAG GACGNGGCAT CCTGCCCCTG GTAGAGAGGA CGAATNTTCC AAAACANTGG 60
GCTCTACGGN AAAAAGAAGT AGGTTAGTCA CCTTCTGGAC CCTGTCTAAC TCGTTTGCTN 120
AANAGN 126

配列番号：5981
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07101
配列：
GATCTTATTT AACCAAAGAC TATTTCATTC CTGATATGAT TTGTGTGCTT GATTAAAATG 60
GNANTTAATG ATATTGAAA 79

配列番号：5982
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07102
配列：
GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGAGAGA CCTCATCCTG AGAAAGGTTG 60
AGTTAATGTT AGAGTATAAG TGGTGGTAAT CTTGAATACT TTTCCCATTA AATATTGATG 120
GGGGTTTGAN TTTTAATCAG TGCTTTTNTG GGNAGTGGGG GTCAACTATC TTAATGATTA 180
CAGTTGGTTT GTTTACTGCT TTTGAGGACC TTTCTGGAGG AAAGGAAAAG CCTGTTTTGG 240
GGAGTCTTTA AAGATGGAAA TTGGGTGGTC N 271

配列番号：5983
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07103
配列：
GATCAATATG TGACTGGAAC CATTGGCGAG GATGAAGATT TGATAAAGTG GAAGGCACTG 60
TTTGAGGAAG TCCCTGAGTT ACTCACTGAG GCAGAGGAGG ANGNATTGGN TTNNGAACCT 120
GCNTN 125

配列番号：5984
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07104
配列：
GATCTNATTG TATTGTCGAA GGACTATTTT TNAACCTGTC CAAATAAACT CTGCAAAGNA 60
TTTCCACAAG AAA 73

配列番号：5985
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07105
配列：
GATCCTGCCC TGCTCTCAGC CATAGTGAAG GACCAGCCCT AGGAGTCTGC GAGAGCCTCC 60
TTGGTTCCAT CGTGAAGCCA TAAACAGGAA TGCCTTTGGC AATAGCCTTG AGCCTAGAGG 120
GCCCTCTNAT GCCCCACTGA GGTGCTGTTG GTTTATTGCT GGCANCGTGA ATTCTCTCAG 180
GGGTCTAGGA GGGGCATTTT GGAGACTGCC TGACANCACC NCTATCCCCT GCCTCCCNNN 240
CTNAGAAGAG GGTGGAAGNA TGAAATGAAA GCTATGGGNC TTTTGGGAGG NTAACCCAGN 300
GTCTATTCTA GGGTTNGNGG AAGTGNNTAA N 331

配列番号：5986
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07106
配列：
GATCCCCTGG CCTGGTGCCC ACACTGCCTC GCAAGCGCTC GCCACCCTCA CGTGGCTCAC 60
CTGCTGTTGA GCCTTGTGCT GTCAATAAAC GGTTTGAGGA TTGCAAA 107

配列番号：5987
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07108
配列：
GATCAGATAT ATCCACAACG NGTTTAAGAT TTTCAATATT CTTAGAGAAA ATCAATAAAG 60
TCAATAACTA CTCCACCATG AAA 83

配列番号：5988
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07110
配列：
GATCAAAAAT TGTGGACATA TCTGCAAATN ACTACCTATA GCCTCATGAA AGTACATTTC 60
ACAAAATGTA AANNNCAATG AACACTAAAT TTAAGAGCAG TTACAGTGTG ACTCACTCAT 120
GTTTAAAAAA ANTCGGNGAG CTAAAAANTA CGTCTAN 157

配列番号：5989
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07111
配列：
GATCGAGTCT GCTCTGACCT CTCAATCTCC TTTCCTCCCC AGGCTGCTGC TCCTGCTGCC 60
CTGTGGGCTG TGCCAAGTGT GCCCAGGGCT GCATCTGCAA AGGGGCATCG GAGAAGTGCA 120
GCTGCTGCGC CTGATGTCGG GACAGCCCTG CTCCCAAGTA CAAATAGAGT GACCCGTAAA 180
ATCCAGGATT TTTTGTTTTT TGCTACAATC TTGACCCCTT TGCTACATTC CTTTTTTNCT 240
GTGAAATATG TGAATAATAA TTAAACACTT AGACTTGAAA 280

配列番号：5990
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07112
配列：
GATCTCCAAG CAGGAATATG AGGAGGGCGG GAAGCAGTGC GTGGAGCGAA AGTNCCCCTG 60
ATGGCACTCC TCCCCACACA CCTGCTCCCA AGCTCAGATG GAAGTCCCTT AACCCCCATG 120
CCACATTGCC CCCCTCCTCC TTTCCCTCTT GTCCTCATTA ATGGTGATGT TTCTGGGTTG 180
AAAGAAGTAA AAATGTTTTA AGAAA 205

配列番号：5991
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07113
配列：
GATCTTTAGC AGTCTCTTCT AGTTTCCCTG GATTTCACTG ATTTATTANT TAGGGAAAAT 60
GAAAAGAGGA CCTTNCTGTC CGCCTGCACT GCTTACTGGT AAACTATAAC AAACTTATGC 120
TGCCAAA 127

配列番号：5992

配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07114
配列：
GATCGCTTGA GCCTGGGTAG AGGCTGCTGT GAGCTGAAAT GGCGCCNCTG CACTCCAGCC 60
TGGGTAACAG AGCGAGNCCC CGACTCAATA AATAAATAAG GATGGATAAA TTGTAGCGTA 120
TGCACCATTC ATTATGCTAA GACATTTTAA AGTAATTATG AGAAACGCTC TACTAATGAT 180
TTGTTTTTAT TTGTATTTTN CTGCTTATTA GACAAATATA TNCTCATTTT AAAANGGAAA 240

配列番号：5993
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07115
配列：
GATCAGAACG AGCTGTTAGA ATTCAGAGTG CTAGAACTCG AAGTAAGAGA CTCTATCTGT 60
TGTAAACTCT CAAACGGAGC AGACATTCTC TTTGAACCCA AACTGAAATT CATGTAAAGC 120
TCTCAGATGT TTTCAAGCAT GTGTAAAGGG GACATGTTAT AGTTTCTTTC TTTCTTTCTT 180
TCTNTNTTTT TTTAAANCTG TATGTNCAGA ATANTTNCNC TGCCTTAATG TGTNCTGGNG 240
AGCGTGCTCA CCCAGGNCTN TGGCCATGTN CCAGAGCTAA TATATTTNTT GCCTATGGCT 300
TNGTNTGGCA CTTAATGAAT ANTTGTGN 328

配列番号：5994
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07116
配列：
GATCTTCAAA ATCCAGGAGG GAACCGAGAT AACACAAGTA CAGGTGTGCA AAATTACTTA 60
GTAAAACTAT TTNTTCTATT ACTCCTTTTT TGCAAGTACA TACATTAAAT GATAANTTNA 120
TTGTGAAGTT AATAAANTGC CCATAGCTGT TCTATTACCT TCAGAAACTA TTTTCATAAT 180
TGANAAANAC TTGGNGTAAG TACATGTGTT ATATANCACC TACCCTAGNT GCTCAAGTGC 240
GTNNNGGAGN 250

配列番号：5995
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07117
配列：
GATCCTCCTT CCTCAGCTAC TCAGGAGGCT GAGGCAGGNG AATGGCATGA ACCCAGGAGG 60
CAGAGCTTGC AGGGAGCCAA GATTGTGCCA TGGCACTCCA GCCTCGGCGA CAGAGCAAGA 120
CTCCGTCTCA AA 132

配列番号：5996
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07118
配列：
GATCCTATAG GGAGGNCATT TCCTGTCCTG GAATTAGTAT TTCTAAAATG TGNATAAACT 60
TGTTTTATAA AAAGCAAA 78

配列番号：5997
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07119
配列：
GATCAGAAAG TGTTATTTAA CAGAAACTAC ATACATTTTT NATGTCTCTC TGGACCCTTT 60
GATTCTAAGT AAATTTNCAG TAAGTNAGCA GTAATAGACT ATCCTNTTCA NCTATGAN 118

配列番号：5998
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07120
配列：
GATCAAAAAG AGGAAACTTG AAATGTGATG GTGTTTATAA TAAAAGATGG TAAAACTAAA 60

配列番号：5999
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07121
配列：
GATCTCCTTC AGAATTTTTG TCTTGACTTT GAATCTTTGC CTGTTTGTCT AAACATTTGA 60
CTAACATTCT GTTTGAATTT GGAAGTATTC TAATACAAGA TTTGAATAAA GTTTATCCTT 120
AAATAAA 127

配列番号：6000
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07122
配列：
GATCCTGGAG CTGGAGCATG AGTGTCTGAC AATCAGAAGC ATGATGTCCA ATGTCNNGAT 60
GGCCAGAATG AATGTAATAG TTCAGACCAA TGCCTGNCCA CTGCTCCTTT ATGACTGCAC 120
TTCTAGCCAG TAGCTCTGCA CAAGTNAGCT CTGTAGAAGT AGGANCTTGG GCTTAAGTCN 180

TGNGCTNTNT CTCCN 195

配列番号：6001
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07123
配列：
GATCCCAGCA TGGGGTGAGC ATGAAAGAGT GGCAAACAGA GTGGCATAAG ACAGATAAAA 60
TACAAAAGGC AATTTACAAA GGACCAGGAC CGCAGAGGCA GAGATAAACC AGTGGGCTCA 120
GACTTCTGAG CGTCTCAGAN AAANNNAAAN AAANNN 156

配列番号：6002
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07124
配列：
GATCTGTCTA GCTTATTAAA GATGAAACTG AATTGGAAAA ATAGCTCCAT TTTTTGGTGC 60
TTGGGAAGCA CAGTGACCAA AAAAGTTGTA TGGCTGCTTA TTCATTAGTC TTTCCTACTG 120
ATGTCAAATC CATGGTACCT AGAGTTAAAT AAAATTCCAA TGCTCTTACT CTTTAAA 177

配列番号：6003
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07125
配列：
GATCCAGTTG GGACTAAGTG ACATCGTATC GGTTCCTGTT CAGATGACAT GGGGAAGATG 60
ATGGTTCAGC CACTGGTACT ACGAGAATGT TTGTATTACC CACATTTGAA TTNATTTGCT 120
ATGATTTTNA TGAAGATTAA AAATATATAC ACAGTTCCTG GTATGTTGAG GTTGTCTTTA 180
TTATTCTTAC TCAGAAAGGA AAATTTGTAA ATATGTTTGT GTGGCTCAAA CTGATACTAT 240
TCTTACANCT GGANCATTGA AAATNCAGAG GGCTGTATTT GGNTATTAGN GAGGNCTCCG 300
AATGN 305

配列番号：6004
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07126
配列：
GATCCTCAGG CTGGTATACG GCGCAATGTT GCATCAGCTN TGGGCAACTT GGGNCCTGAA 60
GGTTTGGGAG AGGAGCTGTT ACAGTGCGAA GTACCCCAGC GGCTCCTAGA AATGGCATNT 120
GGAGACCCTC AGCCAAATGT GAAGNAGGCT GCCCTCATTG CCCTCCGGAG CCTGCAACAG 180
GAGCCTGNCA TCCATCAGGT ACTGGTGTNC CTGGGTGCCA GTGAGAAACT ATCCTTGCTC 240

TCTNTGGGGG GNTCAGTCAC TGCCACACAG CAGTNCTAGG CCTTGNCTGT GCCAAAACAA 300
TTGNANN 307

配列番号：6005
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07127
配列：
GATCTCTCTC CGGCCCCCTA GAAGCCCTCT CCTCACTGCA GCCCTGGTGC TCTGGGGAAG 60
GAGGGGCATT GACAGGTGGT TTGACTGTTC ACCCAGCAGC CCCGCTTCCC CACTGGTTTC 120
TCTCCTGGCT GCCGGCGGNG GTAGGCTGGG AAAGCTTCCC CNTCACCTAG GNCGGGCCAG 180
CACCGGCCNG GGNCNNAAGA GGTCCNCTNN ATCCN 215

配列番号：6006
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07128
配列：
GATCCGAGGG GAAATNTTTA GAGCCCTCAG GAGGAGGAAG AGACCGAGTT TTAGGAAAAA 60
CATCAAAGCT GGATAGGTTG GGCAGAAGAG CTGGGGATAG CATTTAGAGA GGCTGAGAGT 120
CCTGGGTTCT GGNTTATCAC GTGTGAGNGA AACNGGAGGT TGCTANTTGT AGGTGGGCGT 180
CAGGNCTNGA GTGNTGCTTC CAGANGTTTC TGCAAGTGGG CCGGGTCTAA GNTAGGGCAT 240
GTTACGCCAG ANGTTTNAGG GNCACTAGGT AGN 273

配列番号：6007
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07129
配列：
GATCACAGGG AAAAACCGAC CGAGCTCAGG AAGCCTAATC CAGGTGGTAA CCACAGAAGG 60
AAGGACGGAA CTCACCCCAG CATATTTTTA GGCCTCATCT CAGTGCCTAT NAGGGGCCTG 120
CCAGNAAGGT CACTAACCTG GTCTCAGTGT GGCCTTGTCC AGCCTTGTGT TTNCTGTTAA 180
CCCCGNTTTG TGGTACGAGN TATTGNNTCC TATATTACGG ANACAGANCC NTGNTTTCGG 240
NTTTTGCATN 250

配列番号：6008
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07130
配列：
GATCCCAGTN AGTCATGAGC CTCAACCCCC TCCAGCCCAC TGGGGCTCTN ACCTCCACAT 60

GTGGGTAGAA GCTTNCCTGC CCCCTTTNCC TCCAGGAAGC CCTNAN 106

配列番号：6009
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07131
配列：
GATCGCCTGA GCCCATGAGG CCAAGGCTGC AGTGAGCCAT GGTCACGCCA CTGNATTCCA 60
GCCTGAGTGA CAGAGCAAGA CCCTGTTGAA AACAACAACA ACANCAAA 108

配列番号：6010
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07132
配列：
GATCTAAAAC TATTTTTCTG TATAAATATT ATTTGCCGAA AGTTTGTTTA TATTNAGAAG 60
TCTGACTATG ATGAATAAAT CTTAAATGCT TTGTTTAATT GAAAAACAAA AATCACCAAT 120
ATCCAAGACA TGAAGATATC AGTTCAACAA ATACTGTAGT TANGNGACTA NCTCTCCACT 180
TNTATGGGAA CTACATTTCA CTCTTGGTTT TCAGGATATA GCAGCACTTC ACCGAGATAT 240
TCTTTCAGCC ATANCACTGG TAACATTTCT NCTNAATCTN TCTGTAGCAC TTANAGGANT 300
TCCCTCATTC GNTNCCTTTC AGTGTTNNCG GGNGN 335

配列番号：6011
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07133
配列：
GATCCAAAGT AGCTGGGATT ACAGNCATGA TACCACANCA CAGTCATTTG AATNTATCAT 60
TACTTAGTAC TCNTATTTTT TTCCCTGCTG CTCTTTATGC ANTGAAGTCC TN 112

配列番号：6012
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07134
配列：
GATCTCCTTT TGATTAATTT ATAGAGTTTT TGATTATATG TCTTTGTATG ANCTTTTTAG 60
TTATTGCTCA AATATCACAT TTNATATTTA TAACACAGGC TACTGATGTT GACATTTTAA 120
CAGTTCAAGT GAAGTGTAGA AATCTTACCC ATTATCCCTC CCTATTAATN NNNTANTGGT 180
CTTAAATGTC TTTCCCTACA TATATTTNTA ACANGTATAT GAGATAGCCT TACAGTTTTG 240
NCTTTAACTA TCAATCATGC ATTAGGNNAC TCAAGNGGN 279

配列番号：6013
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07135
配列：
GATCTGGGAC TGGCAGGTTA TTAATCGAGA TACACTTGTT AGGAGGGACA GGGTTCCCCT 60
AAGGCACTTT TAAAGATACT CTGTAAGAAC CATTAACAAT AAACTTACTG TCAATCAAA 119

配列番号：6014
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07136
配列：
GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCGTTAAAT GCAACACGGA 60
TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA ACTGGTACCC GTTGGAACAA 120
GATTGTCCTG AAGAAGTGGT ACACGATTTT TGGGGACCAC GTGTCTCTGG GGGACTATGA 180
AATCCACGAT GGGATGAACC TGGAGCTTTA TTATCAATAG ATGAGAATGC TCATCTTCCT 240
GNTGNGGGNT TTNCTNTTCG NTNCTGGATN CNCCACACTG GGGNTAGATG CTTGNTTGTA 300
AANNNCTTNC CTTTN 315

配列番号：6015
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07137
配列：
GATCCTAAGT AGAACCAGGT AATTGTCTCT TTTTCTAATA AGGAATTTGG GTAATTTTNA 60
ATTTTTNGTT TTTTAAAAAA TAACCTAGAC TATGCAAAAC ATCAAAGTGA ATTTCCCATG 120
ANTGTTTTTA ATATTCTCAT CTCAACATTG TGATATATGC TACTAAAANC CTTTNCATAT 180
ACATCTNACC TCATTTCAGG TGANTNATTN TAATCTNN 218

配列番号：6016
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07138
配列：
GATCAGAGCA GAACTAAATN AAATTAGAAT AAAGTTAAAC AATTAAAAAG AAA 53

配列番号：6017
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07139
配列：
GATCGACTTA TACCTATGCT AAAGTTAACG GTCTGAGAAG GTAGATTAGT GGTTGCCTAG 60
GGCTAGGGAG TGGGTTTGGG GGTGGGGAAT AGAAAGTGAC TGGTCATGGT TATAGGCTTT 120
TTTGTAGCAC CATAAAGATA GTTTAAAATT AGATTGTGGT GGTGATTGCA CCACCCTATG 180
ATTTGCATGG TATGTGANTT ATATCTTAAT AAAGCTGTTT AANANGTCAA A 231

配列番号：6018
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07140
配列：
GATCCGCTCC TAACCTGCGA CCGCAGCTGA CCTTCTCCTG CCACTAGCCC GNCCCTGNCC 60
TTAACANACG GGATGAAGTT TGCTTTTCTG TGCGCGGCGC TGTTTCCATA GGCAGAGCGG 120
GTGTNAGACT GAGGATTTCG CTTCCCCTCC AAGACGCTGG GGGTCTTGGC TGCTGCCTTA 180
CTTNCNNGGG GCTCCTGCTG ACTTCGGAGG GGCGGATGCA GAGCCCAGGG NCCCCACCGG 240
AAGATGTGTA CAGCTGGTCT TTACTCCATC GGCAGGGCCC GAGCCCAGGG ACCAGTGACT 300
TNGGCCTGGA CCTNCCGGTC TAACTGCAAG CATCTTCCCC AGGGCAAAGG NTTTNTGGGG 360
GAACGNGAGG TTTNATNTTN 380

配列番号：6019
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07141
配列：
GATCTATTTT GTGTGTTTTG AAACTTAGGT GCAATNTCCC CTGGAAAAAG CTAAAGAAAT 60
GTATATGTTC AATNACATTT TAAAATAAAA TATTATATAT ATGTAAA 107

配列番号：6020
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07142
配列：
GATCGATTTG ATAAAATTAA ACAAAGTGCT TTTAATGGAA AAAAAAAAGA AA 52

配列番号：6021
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07143
配列：
GATCCACTGT AATAGTCCAG TTTGGGGTGC AGACAAGTGT GAAGAACTTC TGGAAAAGAC 60

AGTGAAAAAC TGCTTGGCCC TGGCTGTTGA TAAGAAGCTG AAATCCATTG CATTTCCATC 120
CATCGGCAGC GGCAGGAACG GTTTTCCAAA GCAGACAGCA GCTCAGCTGA TTCTGAAGGC 180
CATCTCCAGT TACTTCGTGT CTACAATGTC CTCTTCCNTC AAAACGGTGT ACTTCGTGCT 240
TTTNGACAGC GAGAGTATAG GCATCTNTGT GCAGGANATG GCCAAGCTGN GCGCCGGNNN 300
NGGCTNGNGC AATGNCAGGA CCNGNTTGCA CCATGGTACC GNACCTTNAG TTTNN 355

配列番号：6022
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07144
配列：
GATCTTGGAG CTNCTGGAGA AGCAGGNCTG CNAGCTGCTC AACCGNTTCC AGGACTAGCC 60
CCCGCAGGCT CGTGCGCCAC CCCGTCCTGG TGAATAAACG CACTCCCTGT GCCTCAGACA 120
AA 122

配列番号：6023
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07145
配列：
GATCCGATAA TGTACCATGT GCCTGCTGGT TTGGCCTGTG CTGTTTCTGC TNTTTGCCCC 60
TNACTTCCTG TGCTAGAGAA AGCCTTATTG GTGTTGGTGG TGGTGATGGG AGGGAAAAGG 120
GTGGTCCTTT GGGACTCTTG ATAAAAATNT TATCATTTGA AA 162

配列番号：6024
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07146
配列：
GATCCAGGCC AATGCATGGC TATTGCTGTA AATCTTGATG TTTATTTCTG CCTTGTAAAG 60
TTCTATCACG GCCTACCTGG AATTTAAAAT TCAGTAGACA AATTAATTGG TCCTCTGCAC 120
AACTTTTTTA ATAAGTAGAT TATTTTNCAA NGGGNTTNGA NCAANTTTNA TTGANTCTN 179

配列番号：6025
配列の長さ：403
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07147
配列：
GATCAGAGTG GCTGGAGCAG AGTGAATNAG GAGGGAAGCT GAGTAGCAGG TATCTGAGAA 60
GCAATGCAGC CCGCAGCTTA ACTTCAACAT GCTTTTAAAC TTTTTNCCCA TTCTNTTGAG 120
TTTCAAGATA TAACCTTGAG GAAACTCAAA ATCCTTTCTC CTTAGCCTTA AAATAGACTC 180

CACGTCCCTC CCCTTTNTCA CCAGATATGC TCCCTTTNCA TTTATCTAAC TGTATGCTAC 240
TATTTAATTG TGTGATGTCT TAGANGTTTC AGTGGCTAAT CTTGAGACAG ACCAAGNCTG 300
GAGACCCAGC TGGCAANCCT TCCANNATTT ANCTTCAAAA TTGGCTAATT NANCAACCNG 360
GCCCTTNGTT NNAAATTATG GTNATTCCGG GGGNCCCGGN TGN 403

配列番号：6026
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07150
配列：
GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGTCCACA TTAACTCTAC AGACCAAACC ATTTGTATCT 60
GGCATCACTT ACTAACACAC GACATGCAGA AAAGCCGCAT GTNGTGTGTT AGTATACANG 120
AAGGAATAGA AAACTGATAC TGTTTTAAAT ANTCTGTAAT TTCAATTTTT TTNTTTTTNN 180
GCTGAANTGG GTCNTNTN 198

配列番号：6027
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07151
配列：
GATCATAACT CTTTNTTGAA CTAGAGTATT TTTGCAGCAT TCCTTGTCAT CAGAAACATG 60
GTTAAAGTTT AAAACTAGAA GCAGCAGAAA ACTAGCTTGT AAAATTTATC CAAGTAGAGT 120
GCAGGCTAGG CTGTCTTGGG GAAATAAACA TTAAANCTTA AAGCAATGTT TTACATGGAA 180
ANNNNANNNN 190

配列番号：6028
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07152
配列：
GATCTTGTGN CATTNTTGAC CTTGGACCTG CTTGGTTAAG GAGGGAGTGG GCCAAACCAG 60
AGTGCCAGGA GCTAATGGAG CCAGGCCTGA CTCCTAGGAG TGGTCCAAAG GCCTTCAGCC 120
TAGATGGTGC AAAGNTGGGG CCAGCCTGTT TTCACCGGNA CCNGNGCCTG TGACACCAAG 180
ACCCACCCCA ATCCCAGNNT TNACACAGTA TTNTCCN 217

配列番号：6029
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07153
配列：
GATCGGAGCC TACTTCCCTC CGCTCAGCCT NGAGGAGCTG AGNCCCTACT TCAGGGACCG 60

TGGGTGGCCT CTGCCCGGGC CCCTCTAGAC GTGCACCAGA AATAAAGGCG AAGACCCAGC 120
CCCTCGGCGG CTCAAA 136

配列番号：6030
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07154
配列：
GATCCAAACC CAAGTCTTGA GCAATGTTTT TCTCAAAAAG CTGCTATCCA ATNATATAGG 60
AAAATACATT GTGTTTTCCT AAACACACTT TTCTTTTTAA ATGTGCTTCA TTGTTTGATT 120
TGGTCCTGCC TAAATTTCAC AGGCTAGGNC AATGAAGGCT GAATCANNGN CANTTCATCC 180
ACCAATATCA TGTGTAGATA TTATGTATAG AAAGTANAGT AANTTATGGC TCTAACTTCT 240
GTGTTGCTGT NTATCCTTGN TNTTTNTCGG GGGTGNTN 278

配列番号：6031
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07156
配列：
GATCAGTTGA TGTACACTTG TATTATTAAA GCACTCAATA AATCACTGTG GCTGATAACT 60
GCAAA 65

配列番号：6032
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07157
配列：
GATCCACATG GCACGGTGAC TGTAGTTAAT GCATTTTATA TGTCAAAATT CCTTANATAG 60
TAGATTTTAA ATAATCTCAC CACAAAAAAG TAGATGTGTT GGTGATGGAT ATCTTANTTN 120
GCTTAANGTA NTTGTNTCAC CAATGTATAC ATNTATCAGN N 161

配列番号：6033
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07158
配列：
GATCATCTTT ACAGTTCCTC GGGAAAATNT GAATGTCCTG CGTTTTGTTT TCTTTACTGT 60
ATGAAAACAG GAAAATAAAA GAGAAATTTA GAAAATACAG CTCATTACAA TAAANNTNTT 120
GGNTTTCAAA 130

配列番号：6034

配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07160
配列：
GATCTGGCCC AAGCTGGGCT CCCTNNAAGC CAAGAGAGCC TCTNATNGAC CCCGCCTGCC 60
CGAATGAAAT CCGAACAGTT GGGGCTGTTC ATGGCAAGTG GGGCTGGTTT TTCATNTCCA 120
TTGGTTATTT AAAGTTTCCN TTAAAATAAA CGATTTTAAG TTAAA 165

配列番号：6035
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07161
配列：
GATCTGGGGT CTGTTTTGTT CATTACTTTG TTCACTCCTT CTTCCATTTA TTCATTCAAT 60
AAACATTTAT TGGGAAA 77

配列番号：6036
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07162
配列：
GATCCGGCTT GCCCAGAAAG AGAAGACAGC CATGGAAGTG GAAGCCCCTT CAAAGCCAGC 60
CAGGACTAGT GAACCACAGC TCAAAAGGCA AAAGAAGACA AAAGCCCCCC AGGATGTAGA 120
AATGAAGGAC CTTGAAGATG AGAGCTAAAC CTCTTCCACT AGAAGATTCT CAACTGGAGC 180
CAGCCTTCNG GCTCAGTGGT TGTTTCAGAG GACTTTGACA AAAGCAAGGC CCCTTTTCAC 240
TCTCCAGATT TCCTCCTACC TAATGGCCTA CTGACCTCCC CTTAGAGGGA TGTNTTTGGG 300
NGGGAAGNTN 310

配列番号：6037
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07163
配列：
GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTGA CTGTNTACAT 60
CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA AGANTAGAAC CTGTACCCAG 120
TTCTTCAGGC TGATTTCCCT GACCTCTTGG GCATTTGTAT TTGTAGTAAA GTATTGCAGA 180
GATTCCTAAG TATTTTTNNA GCAGCCATNA AAAATTGGNC TTTGTNTTNG TTGATTCATN 240
NGGAGGGCAA GTTGGGGANT AGACTTCAGT NGANCTCGGT ATGGNTGN 288

配列番号：6038
配列の長さ：51

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07164
配列：
GATCACGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAC CAGAGTGAGA CACTGTTTAA A 51

配列番号：6039
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07165
配列：
GATCTGGGCA GGGAACATCA CATACCAGGG CTGTCTGTCG GGGGGGTGGA GGGCTGGGGG 60
AGGGATAGCA TTAGGGGAAA TACCTAATGT AAATNACAAG TTGATGGGTG CAGCAAACCA 120
ACATGGCACA TGTATACCTA TGTAACAAAT CTGCATGTTG TGCACGTGTA CCCTAGAACT 180
TAAAGTATAA TTAAA 195

配列番号：6040
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07166
配列：
GATCAGGCCC CACCTTGTGT CTACCCCCAT CCCNGCTGTG AACGTGACAN TGAATAAAGT 60
CGGGGAAACG CGAAA 75

配列番号：6041
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07167
配列：
GATCTGAATT GAGGAACTTG TAGTTTTTGC TCTCCCACTT CTTGGAAACC CCTATCTACT 60
TTCCTATGTA TTTGACTACT TGAGGTAGCT TATACAAGTA GAATCATACA AATGTATTGT 120
TTTGTGACTA GCTTACTTCA NTTACAATAA GTCCTCAAGT TCTNCCATGT TGCTGTGTGT 180
GTCAAAATTN CCTTCCTNGC TAAGGCTGAA TAATATTNCA TNGTATATAT ATGNCNTTNA 240
TCCAGTCATT CATCAATGAN TACNTGTTTT TNGTGTGTGG TGTTGGAANC CTNCTGGGGA 300
CATGGTNATA TTTTN 315

配列番号：6042
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07169
配列：

GATCTAAGCT GATTTAAATC TAAAAACTGG ATAAGAAGCT GTGGCTTGTA ATTAAAAATA 60
GACCTTTATT CACTAGAAA 79

配列番号：6043
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07170
配列：
GATCAGGTAT TTAAAGGACA TCTGACAGTG CCTGGCACGG GATAGGTGCT CCATAAATGC 60
CTGTAGCTAT AATTATTACT GTNCCACTAG CTGTTTACTT AAGTAACATT GAATTTCCAC 120
AGANTGCATT TCGAATCAGG TGGACTATGA TTATACTGAT TNTNAAAATA GNGAGCTGCA 180
TCTGTTAAA 189

配列番号：6044
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07171
配列：
GATCTGGAGT GGAAGGGGAA TTCATTTGTT CATTGTCTAT CCTTTTGTAT TGATTGAATT 60
TTTNATATAT ATATGTAAAT TTNCACAATA AAATTTTTTN CCAAAATAAA ATAAACAAAA 120
GGGGCTTTTT GCAACCCAAT TCCTATCTAA A 151

配列番号：6045
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07173
配列：
GATCATAGCA CTNTATCATC TTAAAAGTTA ATAATAGATT ACTTGTAACA CAGGCTCACT 60
ATGNGAGAAT TCATCAAGCT GTATGTACAT TTATTGTGCT CTTCATTGTA TGTATAANTC 120
AATAAATTGA AACAGTAAAC GAAAAGGTAA TTNTAGANAN CCTACAGTGA TNCTTGNN 178

配列番号：6046
配列の長さ：380
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07174
配列：
GATCCGTCAC AGACTAAGGA GATGGCAGGC ATTGACAGCT TCACTCCATG AAGGCCATCT 60
CTGTTTCTNT CCTCCGCTTA ACCAAGCTGT TGTGGTTTTT NAGCATAGTG TTGTATGTTC 120
CATTGCTAGC TGTCCTGCTG TTTAACACAG TGTTGTATTT TTTTNCTAAA TGTACATAAT 180
TAGAAAAGAA GATAACAATA GGANGCTATG TGTATCTCCT GTGTAAAGNA GTGGCTTCAC 240
TGGAAAAATG GTGTGGCTAG CATTTCCCTT TGAGTCATGA TGACAGATGG TGTGAAAACC 300

ATCTAAGTTT GCTTTTGACC ATCACCTCCC AGTAGCAATT NTGCTTTCAT AATCCNTTTT 360
AGCANTCCAG GCCTCTTTGN 380

配列番号：6047
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07175
配列：
GATCGTAATG TAAAATTCTT TTACCATGTC AAGAAATTAT TAAAAATACA GGTACTTTGA 60
CCTCTTTCTA AA 72

配列番号：6048
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07178
配列：
GATCCTGAAA AGATAGGGCT ATTGTCCCCT GCCTCCTTGG TCACTGCCTC TNGCTGCACG 60
GNCTCCTNAG CCCACCCCCT TGGGGCACAA CCTGCCACTG CCACAGTAGC TCAACCAAGC 120
AGTTGTGCTG AGAATGGCAC CTGGNGAGAG CCTTCTGTGT GCCAGNTTTT GTTCTGAGTG 180
CTGTACATGT ATTANNTCCT NTACTGCTNG CCACATTGTA CCNNTN 226

配列番号：6049
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07179
配列：
GATCCCCGTA CCACAGTGCC AGCCATGCCC TTCCCCTGGG CTACCATTGT CCCTTTCCTC 60
ACCCAGTTGG TAGAGGAGTC AGGAGGTGGG AGGCCGTGGG CTTTGGTTTT ATAATGTAAC 120
CACTGTGGGG GTGGGGGAGG ATGGTGAACC ATGTATTTNA GTGAAATATT TAATATATTT 180
AANTATCANT AAANTCAAAC TCTTTGTAAA ANANANNNAG NANGN 225

配列番号：6050
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07180
配列：
GATCATCCTG GGCAGCAAAG TCATACACTC TTGAGGGAAG AGAGAGACCT TCTCATATTG 60
TTTTATATTG TTTTATACTC AGTACCTGTT TTAAGAAAAA AACAAGGAAG TGAAATCAAA 120
GACAGGCAGC CCGGCACCAG GCCTGANACC AGCCCTGGGC CTGCNTGGCC TAAACCTAGT 180
AGTTAAAATT CAACTTACGA CTTAGANCCT GATGTTATCC GTAGATTCCA AGCNTTGTAT 240
AAAANATTTG TGANACTCCC TGTTGTGTTC TGTGCCAGTG CATGNNACCC CTGTCACATA 300

TCCCCTAGAT TGCTCANTCA NTCNCGGTTT GN 332

配列番号：6051
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07181
配列：
GATCACAGGC CTTTGGAGCA CTTTTACTCT CTGAGAAGAA CTGGAGCTAG AGATGTAAAA 60
TGGACAGTCT TGATGGGGTT GAGAACCTTC TGGGGAGCCA GATGACCCTC TCTTTGCACA 120
ATAGATAAAA GTCTTTATAT GANTATATAT AANTTTNTTT NTTTTTCCCT TCCTGTGGGA 180
TTTCTGGAGA ATGAGAATTA TCCAAATNCT CAGTCTACCT GNGATAGTAA ATNCATGGCT 240
TATGCTTCTG GTCCTTAAA 259

配列番号：6052
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07182
配列：
GATCGNACCA CTGCACTCCA GCCTGGAAGA CCAAACGAGA CTCTGTATCA AAAAATAATA 60
ATAATTAATA AAGTTTTACT GGAAAAAAGA AA 92

配列番号：6053
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07183
配列：
GATCAGCTAC AATGCCCTGT GTTAAATTNT TTAAAAGTTT CCCTTTTCTT TTTTGCCAAT 60
AAAGTTGTAA ATAAAGACCA TCATACATTA AA 92

配列番号：6054
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07185
配列：
GATCCCTTCC CGCCACACGA TGCTCCGTTT TCTTCCGTTG TGAATNCCGC GTCCTGTCCT 60
GGTGACAGGA GAACAATNTT GGTGAACGTC GCAAA 95

配列番号：6055
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07186
配列：
GATCTCCTTC TCACTGCATT CACTCGGTTC CCATAGCCCA AGTCATATTG TNTCTCTCCT 60
GGACAGTAAT AACCTTTTNT TGGGCTCCCT GCTTCCAACC TTGCCTTCTG TAGTGTACTT 120
TCCAAATAGA AGCCAGAGTG ATACCTTATA TTAAA 155

配列番号：6056
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07187
配列：
GATCAGGAGG CCCACTTGGA TTTATAGTAT AGCCCTTCCT CCACTCCCAC CAGACTTGCT 60
CATTTTCCGA GTTTTTAACT AGACTACACT CTATTGAGTT TAATTTTNTC CTCTAGGATT 120
TATTTCTGTT GTCCTAAA 138

配列番号：6057
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07188
配列：
GATCTGAAAA CCAAGTGGTG ACCTAGGGAG GGAACAAGCN CTGTGCAGCA TTGATGAAAC 60
TTAAAAGATG AAGTCCTGGT CCGGGCACGG TGGCTCACTT CTNTAATTCC AACACTTTGG 120
GAGGCCGAGG CAGGAAGATG GCTTCANCCC ACGACAAA 158

配列番号：6058
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07192
配列：
GATCTNTGGC CCACTCCGCA TAAATCAGGT GCATAATGTA GCTGCCCGGG CTTCTATACT 60
GCAACATTCG CAAGGCAATT AGCTTGAAAA CTGAATTGAT GTACATTGAT TTTTTTAATA 120
AAGTTATTGT AATATATTCA CTCGTTATAA A 151

配列番号：6059
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07193
配列：
GATCTATACC CTAAGCAGAT AGCAAAGAAG ATAATGGAGG AGCAATTGGT CATGGCCTTG 60
GTTTCCCTCA AAACAACGCT GCAGATTTNT CTGCACAAAC ATCTCCACTT TTGGGGGAAA 120
GGTGGGTNGA TTCCAGTTCC CTGGACTACC TTCAGGAGGC ACGAGAGCTG GGAGAAGAGG 180

CAAAGCTACA GGTTTACTTG GGAGCCAGCT GAGAAGAGAG CAGACTCACA GGTGCTGGTN 240
CTTGGTTTTN GCCAGGCTCC TCCGAGCACC TCATGCATGT CCCAGCCCCT GGGCCCTAGC 300
CCTTTCCNGN CCTNCNGTCT NCAGTGCCAG NACGGAANTN CCTTGNACCA NNGGNTNTTN 360
GN 362

配列番号：6060
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07194
配列：
GATCCATCAT NATGTAAAAN TTCACAATAT GGTTCAAATG TAACANTGCA GAATTGAATA 60
TGGAGGCATG CATAACCTTC CTCTTAGAAA ATGGCAGGTN TTGTAATTTC AAATTTTTNT 120
GCAATTAGAT TAANTCATAA TGCAACAAA 149

配列番号：6061
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07195
配列：
GATCTTGCTT TAACTTTCAA CACTTAGAAA ATCTACAAAC ATTCAGACCT GTCTGGGTTG 60
GTATTGCCAC CCATGACATT TAACATGTTG TGATGCTTGA AAACACAGGA GTAGAGAAAN 120
TCGATGANGA TTGTATTTTN NCACCTTAAC TCCACATTGC TTTATTGGNT AATTNATANN 180
CTNN 184

配列番号：6062
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07196
配列：
GATCAGTAGT CTCTATTCAA ACTTTNAAAA TGTCGTGGTA TTGTAACAAT ATATTTAATG 60
AAAGANGGTT ACAGACTCCC CTGAAGAACC AGCTTTCCTA CGCTTTTNAT TTTNCTAACT 120
TGTCTAACCT GATTTNAAAA TGACTGCANT TCCAGACTAA AAACATGCTT CANCCCTGTT 180
TCANGACATT NTGCTN 196

配列番号：6063
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07199
配列：
GATCCAAACT CTACATCCAG AGATTATGAA AAATTCTTAT AGAATTTTGT AACAAGTATT 60
TACATGTTGG GTGAAAGANA TTTCATAGTC GTTGGAGTGC CATGAAATTA ATACTTGCAA 120

TTCAGATTGC GGTAGTTTAC ACTTTTCCTG TATGTTTCAA ATCAGGTGTG TACCATTTGT 180
NCTGAGANCA CCACAGANTG ATTTATCCAA AGTCCATTGA TTTTNATACG TGTTTTGGTT 240
TGTNACCAAN TTATNGTNAT TCNTNGCACA TTTTTGGNAA TTNATTGTAT AGGNN 295

配列番号：6064
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07200
配列：
GATCTTCGCT GATTNNNTCC ATCAATNACC CGGAGCATCC ACTNACGCTA GAGGAGTTGA 60
ACGTAGTAGA GCAGGTGCGG GTTCAGGTTA GCGACCCCGA GAGTACAGTG GCTGTGGCTT 120
TCACACCAAC CATTCCGCAC TGCAGCATGG CCACCCTTAT TGGTCTGTCC ATCAAGGTCA 180
AGCTTCTGCG CTCCCTTCCT CAGCGTTNNN NNGATGGACG TGCACATTAC TCCGGGGACC 240
CATGCCTCAG AGCATGCAGT GAACAAGCAN CTTTGCAGNT AAGGNGCGGG TGGCAGCTGC 300
CCTNGNGAGC AN 312

配列番号：6065
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07201
配列：
GATCAGTGCT CTTCAAGGTG TCAAGATTAT CAAAGACATA AAAGANTGGN TGANCTGCCA 60
TAGATTGGNG GAGACAATGC AATGTGAAAT CCTGANTTTG ACCCTGAN 108

配列番号：6066
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07202
配列：
GATCTTTAGT CCGAGTATGN GAAATTCAAG CAACTTTGCG AGANAAAGGA ATACTATTTT 60
TNAGNCAACA AATTAAGGAA CTTGAAAAGC TAAAAANTCA GAN 103

配列番号：6067
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07204
配列：
GATCANNGAA ACTAAACATT ACACCTTCTG GNCTTTNATT TATGAAGTGG CACAGAATCT 60
AACTTTNCAC TGAATATCTT TCCATTCACA TCTCCTCTGC CTTAGTCACA ATGGCAACAG 120
TACAGNN 127

配列番号：6068
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07206
配列：
GATCTCCCAA GNAAGCACAA ATAGTTTTTT TCGCTAACTT AGTTATGAGT GAAGCCTCTG 60
TNCACTTATA ACTNGCCAGT TTCATTGGTG GAATAAGTCC CCTTACTCAT GATTCANCAA 120
TATNCCTATA TTANAN 136

配列番号：6069
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07209
配列：
GATCAGAGAA GGTTTTGTTT GTCCTTTTAA TCTTTACTTC TTTGAATTGT GAAAGTAATA 60
CTACATATTC ATAATAAATT CAAATAATAC AGAAGTATAT TATGTAAA 108

配列番号：6070
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07210
配列：
GATCCGTGCT GTCCAATCCG GTAGCCACAC ACGGCTCTCG GGCACCGCAC AGTGGCTAGT 60
CTGAAACCTG ACATGCTCTA AGTGTAAAAT ACATGGTGGA TTTTNAAGAC TTGAACCAAA 120

配列番号：6071
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07211
配列：
GATCCTGGCC CTCCACCTNC CTCCAGGCCA CGAAATGGGA ATNCCAGCAC TAAGCCAGGC 60
ACCGGGCAGA AGCTGGGCCT TCCGCCTCCN TTGGATGGGG TCAAGAGGCC ANGCCTGGNA 120
CATTTTGGNG TGTCCTGGCT ACCAGCTCTC ACCTACANCC ACGCACCTCT NTAN 174

配列番号：6072
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07212
配列：
GATCTAGATA TNAGGTTTTT CTCCTTCATT CTCAGCTGTC GAAGAAATCA AAGTAGCATA 60

TGCACAAGGT TAAAAACCAC ATATACAAAT ACTATAGAAC AGCTTATANT GAAAACCTTG 120
CCTGCCTTTA TANAANNTGT GATTATCTTC TTCTGTTAAT GTCAGTAANN GATGGTTTGT 180
CCTAAA 186

配列番号：6073
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07213
配列：
GATCTGAGAG ATGATACATG ATACCAGATG AAAAGAAGGA GAAGTGTGTA CCATATGTTT 60
TNAGCAGAGG NCCCTCCAAC TTATGGCATC AGGGGCAAAA AGTCACAGCT TATCCCAGGC 120
ACCCTGGCAG GTTCTCAGAG CCTGCCTCCT CCCTGTTTAT ATGCGTACAG CCTGGTAACC 180
CCCAGGCATG CAANTATACA GTCTGTAACA ACAGGNNNTT NNTNNNTTN 229

配列番号：6074
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07214
配列：
GATCTTAAAA CTGAATAAAA ATATTTAATA AAACTTTGAA ATATTTTAAA 50

配列番号：6075
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07215
配列：
GATCCATTCT ATCCATCCGT TATGTGGCTT TGCCATCCCA GCTTGGAGTG TCTTTACAAA 60
GATAATAACA GTTGTTTTCT TTGCTCTCGT TTTGGATGCA TAGACTGAAA AATTAAAACA 120
AATAACTTGT AAAATGGCTT GTNAAAAAAT ACAATTACCT CTAATTAGTA GTACGCGTAA 180
NTNTTTTACA GAATGANAGG CGTGCTTTNN ATTTCCTTAC TGCGTTACAT TGGTGGCGAA 240
AGANGTCTGT ATGANANTCA GTNCTTNTGC TGACACAAGN TCCATTTGGT NACANAN 297

配列番号：6076
配列の長さ：191
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07216
配列：
GATCCTCAAT CAGTGGGTGG AGGATAACAG GGTAGATTCA CTTGTTTGCA CTTNTACAGT 60
TGTAGCTGCG AGTCCAGAAG TCCTCTAGAG CATGTTTACT GGCACTGAGT TGGTGAGACA 120
GTTGTGGAGT ATCCCATTCT GATGAGTACA GAAAAAAAAA GAAAAAGAAA NGANGAGAAA 180
AANTTANGAA A 191

配列番号：6077
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07217
配列：
GATCCGAGCG TCGTGAACTC ACCTGAACTT TGGAAGGTTG GCACTGGGGG GCCGCATCCC 60
CCTGGGAAAT NACTGAACGC GGGGTTTCAN TGGGTCCCGC CTGGGTCTAA GGACCCAGTT 120
TCTTCTGTNA GCACGGGCAG TGGGAGGCCG GTGGAAAGGC GCAGGGGCCC ACCTACGCGT 180
CTCACATCTT CAGGGGCGCA TTTCTACAAT AAAAACTCAC CCAATTAGAC CTAAA 235

配列番号：6078
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07218
配列：
GATCTATTGG ACCAAACCTT CTGCACACTC GGCCAGTTCC CTCTCCAATG TCCGGTGCCA 60
TCTTTCCTGA CCTTTGTTTC TTTCTGTTCA GGAACCATCA GTCCCCTTGT AATAAAGGTG 120
GTAGATTTCA TTGAGGTTTT AGATTGAAAC TTTGAATAAA TCAAAAATAC TCATTCTTAA 180
A 181

配列番号：6079
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07219
配列：
GATCTATCAT TACAAAATNA ATTGAATAAT AAAATAGTTT GGTAGAAACT TAAA 54

配列番号：6080
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07220
配列：
GATCCAGAGT TGAAGACCCT TCAGCTGGCT CTGCCTGCCA GTGCCACANA GTGCCATGGC 60
CCAGGAAGAC AGGTTTTNTT CCATCTAGGC CAGGCCATCC AGTGGCCATC CTCCGTGTCC 120
TCCCGCCTCC TCCTGGTGTG ACTTCTGAAA ACCAAGAATT TGTTCCTGTT GACTTTTTCT 180
GTGCTATGGA CCATTGTCCT CTCACCCACT CAATAAATCT TGAAA 225

配列番号：6081
配列の長さ：291
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07221
配列：
GATCTCTNCT AACNNTAGTA AATAAACACT AAAGTGGTGG GCTTTGATAA TGCATTTNGT 60
GGATACAAAA TCATCGNCTC ATCACTTTCT AGAATGAAAG GCTGGGAGGC ATTGCTCACC 120
TTTTGCGTGA AGAAAAGACC TGTCCCTTAG AGCCAGTTTT TNCTTAAGGG GAGGACAGAC 180
CGTCGTCACC CAGTGGACCN CGTTGGATGG NTGGATGCAG TNCATNCTTT AGAAGCACCG 240
CATACCTGCT TGTTACAGGT NCAGNGTAAG TGGTCTTNGC TNCTGTGGGA N 291

配列番号：6082
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07222
配列：
GATCTNCCCT AGCCCTCTNT TCCAGAAGAT GCCCTCCAAT CCTTTCCACC CNATTCCCTA 60
ACTNTNGGGA CCTCGTTTGG AAGTTTTCTG TGGGCTTGGC CTTGGTN 107

配列番号：6083
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07223
配列：
GATCTAGTTT TCCAAGTAAC ATTTTGTGGT GACAGAAGCC TAAAAAAAAG CTAAAATCAG 60
GAAAGAAAAG GAAAAATACG ANTTGAAAAT TAAGGAAATG TTAGTAAANT AGATGAGTGT 120
TAANCTAGAT TGTNTTCATT NCTAGATAAN NTGTATAACG CTCTCTGTNC TAN 173

配列番号：6084
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07224
配列：
GATCACCTGC GTGTCCCATC TACAGACCTG CGGCTTCATA AAACTNCTNA TTTCTCTTCA 60
GCTTTGAAAA GGGTTACCCT GGGCACTGGC CTAGAGCCTC ACCTCCTAAT AGACTTAGCC 120
CCATGAGTTT GCCATGTTGA GCAGGACTAT TTCTGGCACT TGCAAGTCCC ATGATTTCTT 180
CGGTAATTCT GAGGGTGGGG GGAGGGACAT GAAATCATCT TAGCTTAGCT TTCTGTCTGT 240
GAAATGTCTA TATAGTGTAT TGTGTGTTTT AACAAATGNT TTACACTGAC TGTTGCTGTA 300
AAAGNGAATN TGGGAATAAA GTTATTTN 328

配列番号：6085
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07225
配列：
GATCTCAGCT ATTTAAATAC AAACTTGAAA AAAATATTTT TCCAGGGTAC CATAAATATG 60
ATTAANTNNN TAAAAAATTT AGTGTCACTT GATGAAAATA TAACTAGACC AATAGTAAAA 120
TNCAGGTGTA TCTTANTTCC CTGANGTCCT CATTTN 156

配列番号：6086
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07226
配列：
GATCCTGGGC TGCTGGTGCT ACCTGCGGCT GCAGCGCATC ANCCAGTCGG AGGACGAGGA 60
GAGCATCGTG GGGGATGGGG AGACCAAGGA ACCCTTCCTG CTGGTGCAGT ATTCGGCCAA 120
GGGACCGTGC GTGGAGAGAA AGGCCAAGCT GATGACTCCC AACGGCCCGN AAGTCCACGG 180
CTGAGCCAGG ATTCAAGGNT CCTNGTCCTA TTTNCAGCCG GCCAANNGGC GCTNGNAGGG 240
GNAAANCCAT ACGGTTGCGC TNNTGTCTGA GAGGAN 276

配列番号：6087
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07227
配列：
GATCTTGCCA CATCTGGCAC GGAGACGACA CAGTAATNCT GAAAAAGCCT CTATGTAGTC 60
CTGTTAGTNT CTTAAAGAAC CTAAAAGCTN GGACCAGTAA AATCCACAGA AATTCACTCT 120
TGCCTTTAAG AACTTTTGAA AACTGTTTAA A 151

配列番号：6088
配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07228
配列：
GATCCAATGG ATTTAAACAG AAGCNCTTTG CCAGGCTTGC CAGCAAGAAG GCAGTGGAGG 60
AACTTGCCTA CAAATGGAGT GTTGAGGATA TGTAACTTTC CTNAGGCTGT GGGGGTGGCT 120
GGNCTGTGGT AGTGGGCATA GGCAGCGAGA TATCCAGTGG TAACAGTTGT CTGTGCTAAT 180
AATTGGAGCC CACACAGNCC AGCAGCTTGT TGAATGCCAG TTTTGACCAC AGAAGGTTTA 240
TTCGAGGCCT NATGTTTGGA CTGAGGTACC TGTACTTCTT NGGGTGTTGA CAGCACCGGC 300
TGTTGCTGGN TTTCAGAGGG AGCGTTGATT TCTCNTTGAC CAGGGNTTNT TCTTTGGTTA 360
GGGTGTTTCT TCN 373

配列番号：6089
配列の長さ：174
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07229
配列：
GATCAGNAGA GGCCANGCTC CNCCCCACCC CAAACAGCAT GAACTTCCCA AGGCTCCATC 60
CCTTTCTCCC AGTGCACAGG CTGGTCACTT TCTCCGGGTA CCCCCTTGGG TACCTTGGCT 120
GTCTCAGTTC TATTTAACCA TTTCCCCACT TTTGAGCATT TACTCACAGT TAAA 174

配列番号：6090
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07230
配列：
GATCTCAGAT TTTTTTTGAA GTTAACATGC CTGACACAGA CATCCTTTCC TCTCACAAGC 60
TGTGTGACTT AGTAGATAAA ATACTGCCTT CTGCCTTTGG GACCATGATT AAAAACAAAG 120
ACAAAAACCA AAAGTCATTA AA 142

配列番号：6091
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07231
配列：
GATCACTGGA CATCAAAGAT TCATTGCACT TATGAACAAG GAACCTTCTT TTCAATTTCT 60
GTGTAATTTG CAAGGCTGTA CAATGTGTGC TGATGCAAGC CTTTTTCAGT TCAAGAGAAT 120
AAATGTTTAC AANTATAAA 139

配列番号：6092
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07232
配列：
GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAA AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAANGTTTCA AATCTAGACA CTAAATGTGT GTGANTGTAC AAAGAAAACA 120
ANCCATTGCT TATNCTGTTA TATACTAGTG NNCCTTTTAN TTTTGCTTGC TGTTTTAAAC 180
TTGGACAGTT TGAGGACTTT NGTTGGANCT TCGTATTGTA NGANCTGTTN 230

配列番号：6093
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07235
配列：
GATCGAGGAC TATTCCNGTG CTATTCATTC CTCCATTGCT AAACAGATNA AAAGCGACGG 60

TTNCTNCACT AACAGCAGCT GGGAAAGANG TTATGCTTGT TGN 103

配列番号：6094
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07238
配列：
GATCCCAAGG ACCTGGAGCC ACGGGCTGCC AACTGCACTC GGGTACTGGT GTGGCATACT 60
CGGACAGAGA AGCCCAAGAT GAAGCAGGAG GAGCAGCTGC AGCGGCAGGG CCGGGGCTCA 120
GACCCAGCAA TTGAGGTGTG ATGGCGGCCC CACCCCAACT ACCACCTCTT TTCAGGCACA 180
GACCTTGTGG GACTGGGNCC AGGCCTNCCC AGGATTGTGG GTTTTTCCAA AGTCCTTGAC 240
CNTTTN 246

配列番号：6095
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07241
配列：
GATCCACCAG CCTCAGCCTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAATGT AATNNTTTTT 60
AAAAAGAAAA ACATGGNTGT AAAGAAAGTA AAGCTTCGTT TTGAACAGTT ATGATGGTAA 120
CACANCTCAA NGGTGCAACT AANGCAGTGC TGCANCCN 158

配列番号：6096
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07243
配列：
GATCTGTGAC ACTNACATGG CTGTGGTGTG CATACTGTGT AGTTACATAG CCCTTCCAAT 60
TCTGGGTCCA TTTGCACTAG CAAATTAAAA TATGCTTTGA TTCATACTTA AA 112

配列番号：6097
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07244
配列：
GATCCCAAAC NACTCACTCC TTAAATTCAC ACTTTGCCAC TTAACTCCAG TGTGGATGAC 60
AGAGCGAGAC CCTGCCTCAA A 81

配列番号：6098
配列の長さ：104
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07245
配列：
GATCAACCTC AACACCTGGC NTCTCANGCC TATATACCGA CATATNCAGC AAACCCTNAT 60
GNAGGCTACA AAGTACGCGC AAGTACCCAC GTAACTGACG TTAN 104

配列番号：6099
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07246
配列：
GATCTTTTCT AAATATTATT ACTTGTAAAT AAAGTCTATT TTGNTCCCGT GAAA 54

配列番号：6100
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07249
配列：
GATCTAAATA TGAAAAGTAT GTCCTGCTGA ATTTTCCTGT GNATTGGTGA GCGGACAGAC 60
TACCTGTAAA CCATGACCTC CTTGCCAAAC GTTAGTTTTA TNAGNTCACT NGTAACCTTT 120
GAGAATNNTC TGN 133

配列番号：6101
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07250
配列：
GATCGTNCCA CTNACCTCCA GCCTGGGGGN NAGAGCAAGA CCGTGTCTCA AAAACAATTN 60
AGTCTGAAAC ACAATTGTCC TGAATCTGTC TGACTATAAC TCTN 104

配列番号：6102
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07251
配列：
GATCTCAAAA AAGAAGGAAT TTCTCCTNTN TNTCTTGCAG TTAATGTAAG ANTACTTTAA 60
ATCTCTAANC TTCTGAAGTG TTAGAGGTAG AGATGGTCTA GTAAAGATGT GGTAGTAATG 120
TNTTAN 126

配列番号：6103
配列の長さ：179

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07253
配列：
GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA AGTNTTCCCT 60
TTTGCTGCCT CTAAAAGGCC TGTGCCTGCA GACATGTGAG ACAGCAGGTC TGATGGGGGT 120
GACAAGCTTT NTTTTTTTTN CCNAAAGAAN TTNCAAATTC AATTCCAGAT TGNTTTTNN 179

配列番号：6104
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07257
配列：
GATCAAATTT CANTGGCTTT NGACAGAAAA GAAGGCTCTG GATTTAAGCG GGTGGTCACC 60
TGTNAGACCA GGTCTACCTT GGGACTGTNA TTTAACTGAA TCAGTTATTT CCTTGAAATT 120
TCACAGTAGT GGGTGGGCCT GTTTTAAGGN TCTGACAGAT ACCACGAAAC ATGAAGCACG 180
TGGAACTACA AGACCCCCGG GGTCTTTCTG AGTGCAAGGC TGAAATGGGN CAAGGGCTCC 240
TCACGGGGNG TGGAGGGNNG CCGGGAGNCT TNCNTGGTTG TTNCNTTTTT TGN 293

配列番号：6105
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07259
配列：
GATCCCGTNC GGCGCGCTGC CCGAGAGGAA CAATGACAGC TTTGCAGTTC TCCNGGAGTN 60
CGCTGAGGAG CAGCTGCAAG CCGACCANGT NTTCATTTAC TTCCACAAGN 110

配列番号：6106
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07261
配列：
GATCTAGTAC TCCTTGATGA AGAATCGGGG CCTGTAAACT TACCTCCAGC ACTAAAACAT 60
CCTCANGANT TACTATAATG TGTCCAAAAT ATCACTGCAT ACAATATCTG NNATTTGAAG 120
TGAAAAACTG ACTTTNGTAT AGTATAAAAC ACAGGCTTTC ACAANTTTTG GTNTNGCTGG 180
NTN 183

配列番号：6107
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07263

配列：
GATCCTGANG ATGATGATGA TGATGATGAT GAAGAATAAA TGGAATCAAA ATGCTAGCTT 60
NATTTGACAT NAATAAGTAA AATAAGTCAT CATGTNTTCA ACNCTGTAGT TCAGCTGTTT 120
ACATTGAATA ATNTN 135

配列番号：6108
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07264
配列：
GATCCTTTCC AGTTTAAGCA GCCAATCAGA CCNCTTCACA TTTCTAAAAA AATGACCTAA 60
CTAAAGCACC AGAGCTCGGA GANTTCCAGG GAAGCCAGAT ACCGAGGCGC AAATTTTTTA 120
AAAAATAAGA GTCAGAAATA AAAATAAANG GTNTCTGTTG GTCAAGATTT AAA 173

配列番号：6109
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07265
配列：
GATCAATTGA AATCAACTGT GTTTTGTNTT CTCTATGTCA AAGTTTAGTT TTATATTGAG 60
AATGTTAACT TATTGCTTTG TATCTNGGGA AAAAAACTTT GTAAATAAGN TATAAAGTTT 120
CTTTGAGACA GTAAAATTAT GATTNCTTGA AA 152

配列番号：6110
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07266
配列：
GATCTGCTCA CCTCGGCCTC CCAAAGCCTC AGCCTCTTAC AGTGTTGGGA TTACAGGCGT 60
GAGACACTGT GACCCGGGAC GATTTTCAAT CACAGTTTTT TGNTACGAGT GGAAAATGCG 120
TATTTATAAG AATGAAGTAG TACAGACATG ANTNTGTAGA AATCTCTATA ATCCTGCCAT 180
CCAAGGTTGG TACCTGTTAA TGTGTATATC AGGGATGTGC AATCTTTTGG CCTNCCTGTG 240
CCACACTTNG AAGAAGAAGA ATCGNCTTGG GCCACGGATA NANTNNCACT AACACTAGCA 300
ATACCTGGTG NGCTGAAANA GNNAGTTAAT TCNCNTN 337

配列番号：6111
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07267
配列：
GATCCTGTTA ATNAAACCAC AGACACCATA TATCCTTCTG CATCCTTTGG CCAATAAAAG 60

TTGCTGGAGA ACCAAA 76

配列番号：6112
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07268
配列：
GATCAAGGAG AGTCACAGCC TTATTAAAAG TTTATTAAAC AATANTATAA AANTTTTAAA 60
CCTACTTGAT NTTCCATAAC AAAGCTGATT TAAGCAAACT GCATTTTTTC NCAGGAGAAA 120
TAATCATATT CGTAATTTCA AANGTTGTAT AAAANTATTT NCTATTGTNG TTCAAN 176

配列番号：6113
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07269
配列：
GATCGACACG TGGGGGCGCC TGAGCGAAGA TAACCGTAAT AAATAGTAAC CTAACGGTCC 60
AAA 63

配列番号：6114
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07270
配列：
GATCAGNCCT CGCGCAGTGG CTCAAGGCTG TAATCTCAGC ATTTTGGGAG NCCGAGTGAG 60
ACCTTGTCTT AAA 73

配列番号：6115
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07272
配列：
GATCTTAAAT ATTCTAAAGT TTGTATTGTG ACTTCCAGTA ATGTAAACTA TATGAGGCTA 60
ATCCTCTTTT CCTCCTTTTT GTTTGTTAAC CTCATTTGGG ATAACTGTAA CTAGTATTAT 120
TTTATTTATG TAATAAAAAT ATATGTGAAA TAAAGTGTTA CTGGTAAAGG ACTTGTAAAC 180
ATGATAANTA TTAGCAAGTT GCATACAGAN TTAANAGNGN GGNGNGNANG GNGTGNGGTN 240
TGN 243

配列番号：6116
配列の長さ：199
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07274
配列：
GATCAGAAGT TCAAGGGACC GTGAAAGCCC TCAGAGTCAG CACCTAGTTT CAGACCAAGC 60
ACCCTTTCGA ATCCCTGGAT GGCTGAGGGG GCTGAGGCCG GCTCTGACTG GGCAGCTCAG 120
CNCCTCCCCC AGAGCCCAGG GTCTTGCACA CCCCTNCCTG TAACCAAGGA ACACTCTGAA 180
ATAAAGGTGA ATGGCTAAA 199

配列番号：6117
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07275
配列：
GATCAAAATA CTAATAAATT ACTCACAGAC TCAGTGTATT TTTNCTTGGA GTAAAAGTCC 60
AGGATGGGTA ATAGAATACC TGCTGTTGGC TTTTGGAAAA ATTGGTACTG TATGTAGCAA 120
AATAATGTGA AACCCATATG CATGGATATT CTTAACAATT TGAAGAAATC GTCACAGCTT 180
TCCTGGGTTG TTGAGCCTCT AAGATGGTCT TTTCCTCTGA TGTGATAATA AAGTGTTTAT 240
TCTGANCTCT AAAAAAAANN NANNGNGGNG NNTGNNGTGG NGN 283

配列番号：6118
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07276
配列：
GATCACAGTT TTACAAATCT TAGTTTTAAA TAAATTATTT CAGTGTGCTG TTAGTCCTCT 60
ACAGTCATTT TGGTTTAAAA AGTGACTATT TATTTATGGT AGNATATCAA TAATTTATTA 120
ATGTTAAAAA ATACTGTGTA TGACATTACA AACCAGANCA GTTCCTGGGG GAGAGGNTTC 180
TNATTGATTG GCAGTTCTGA GAGGGCAAGA NGANTGGNAC TTTATNCTTC AAAAGGNGGT 240
TTTGGTTTTN CCAGGTACTG CTTATGTNAA TCGTTTATTT TTNTTTCATC AAAGCCTGGC 300
ANGTNTATGC NTTCCAN 317

配列番号：6119
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07277
配列：
GATCGACGAG CTGCTGCAGG AGTTCGAGGA GAAGAGTGGC CGCACCTTTC TGCACACCGT 60
CTGCTTCTAC TGAGCCCAGC GCCCGCATGG AGCCGCCTCT GGAGCTTCCT GTTGTTCATA 120
CTTTTTCCTT CCTGACATTT GTTTTTACTT ACAGGTGTTC TGCTGGTGAC GGTAGCATTA 180
CCCAAATAAA CTGTGCATAT GAAATGGGAG AGGAGATGCC AAAACGCCAG ATGAAAGCAA 240
TCAAGTTTCT TCTTTTCCAC TTTTACTTAT GAGCGGGATA TTGATTACAN GGNNTTTCTT 300
CTTTAACCAA AAAGGAAAGA CANCGGTTTG TGTGCACTTC CCGNCATACC TGTGTCTTTN 360

配列番号：6120
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07278
配列：
GATCGGGAAG ACTGAGTAGG GAAGGCAGGG CTGCCNAGAA GTCTCANAGG CACCTCACGC 60
CAGCCATCGC GGAGAGCTCA GAGGGCCGTC CCCACCCTGC CTCCTCCCTG CTGCTTTGCA 120
TTCACTTCCT TGGCCAGAGT CAGGGGACAG GGAGAGAGCT CCACACTGTA ACCACTGGGT 180
CTGGGNTCCA TCCTGCGCCC AAAGACATCC ACCCAGACCT CATTATTTCT TGCTCTATCA 240
TTCTGTTTCA NTAAAGACAT TTGGAATAAA CGNGCATATC ATAGCCTGGA AA 292

配列番号：6121
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07279
配列：
GATCCAATAA ATNTCCTTTT TTTGCTTAAA 30

配列番号：6122
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07280
配列：
GATCGGGAGA GGGAGGAGAG GCAGTCTCTT GACAAAATAA AGTATTTTTA TTCATTTGTG 60
TTTATTAAAT GAAAAANCAA TCCCATGGTG TCCCTGTTGT GTGGTGGACC TAATGNCTGT 120
TGAAATAAAG TTCTGTGTTT TCCCTGAAA 149

配列番号：6123
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07281
配列：
GATCCACCAA TGGAATTAGA TGGGTAGAGT TGGGTTCTTG AGTTTTACCA CCACTTTGTT 60
CCCACTGAAT TTTGTAACTT GCTGTGTTTG CATCCTCTGT TCCTATTCTG CCCTTGCTCT 120
GTGTCATCTC AGTCATTTGA CTTAGAAAGT GCCCTTCAAA AGGGGCCTGT TCACTGCTGC 180
ACTTTTCAAT GAATTAAAAT TTATTTCTGT NCTAAA 216

配列番号：6124
配列の長さ：205
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07282
配列：
GATCTCATCA ACCCTTTGAA ATGTTCTGGG CAGCACAGCT CCTTGGTCTG CATGGTTGGT 60
GTAAGTATAA TCANGTAGTG AAATTGTATG GTATATACCT ATATGCCANC AGTGTACACC 120
CGTATGTGCA GAATTTGCTA NTATAACCAT TTCAATAAAA ACCTATTGAA AAAGCTGAAA 180
AAANNANAAA NGNAGGAGGN GNGGN 205

配列番号：6125
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07283
配列：
GATCTTTGCC AGGGGTCAAA GCGTCGGGAA GCTTGGGGTC CTTCATCCTG ACGTTATCAC 60
CAAATTTNAG CTGACCATGC CCTGCTCCTC CCTAGAAATC AATATTGGAC CCTTTTTGTG 120
AAGATTGGTC TCTGTGGTGT GATTCTCTNC CCAGGTGTCC CTTTCTCCTC CCCTAGTGTC 180
CTTAAGTCCT CCTCCACAGG GAACATCTAT TTGGGCTTTG ATGTTTAATA AAGTAGAAAG 240
CACTGGNAAA AAAAGAAANN NGNNNTGTGT NTGTTNNNN 279

配列番号：6126
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07284
配列：
GATCCTAAGG AACATAAAGT TAATTAAAAA CTTACACCTA ATTATGTAAA TNGCCTTGTT 60
AAAGACATGT GATTTGTATT TNAGATGCTT GTTTCCTATT AAAATACAGA CATTTCTACC 120
CTCAGTTTCT AAATGTAGAC TATTTGTTGG CTAGTACTTG ATAGATTCCT TGTAAGANAA 180
ANTGCTGGGT AATGTNCCTG GTAACANGCC TGTNANTATN TNANGN 226

配列番号：6127
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07285
配列：
GATCCCATTT AGCCCCTGAA CATAATACCA TCTGCAGTAT TATAAAAGTC ATTTAGAAGG 60
TCAGGGGGAT AATCTAGAGG CAGGATTTTG GACATTGTGA AGGAAATGTG CTCCTTCTCA 120
GCTCACTTCA ATAACTATTT NCTGAGACTG AAGTTTTTTA GACAAGANTA AGANAACTTT 180
GCTTTNTTCA GTTATCACAT GTGANAGCTT TTGCTTTTGG TTAGGAAANG GTGTGGNTGA 240
CTCTACTGCG TGGNTGGTTA CATTTTGCTT TCCGTGNAAT TGCTCNGGAA ATGNTCNGGA 300
CATNCCNTTT NCCATTTGTG TGTCAGTGCG TATGGTNAN 339

配列番号：6128

配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07286
配列：
GATCTCCTAG GACCTAGTGG ACATCTGGNA TTAATTTAAT CTCAGGAAAA ACAAGANATN 60
AACCCAGAGA GAGTCTGGGT TCTGGAATTC AGCGTANTAC CTCCAGACCG TGGTGTCTGG 120
CCTCCATTTT TGTCTGTNAT TCAGCTCTGA CTTACAGCTG CAGTCACCTT TNCTATAAGG 180
CACCTGGGTA GAAGGGTGGA TGGGCTTCAC ATCAAATTTT TTNCTTCCTT TAGGGTGGGG 240
NATTGGNTTG GCTNTNTTTT GTNGTGGNN 269

配列番号：6129
配列の長さ：47
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07287
配列：
GATCTGTCCT CCAAATCCTC TATTAAACCT GATAGCTTGA GCACAAA 47

配列番号：6130
配列の長さ：330
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07288
配列：
GATCAGCCCT TCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG NTGTGAGCCA CTGTGCCCGG 60
TTCTGTGGCC TTTTCTAACA TTATCCAAGN NGCCCTAAGG TTCCTTATGA CAGGTTTGGG 120
GATTGGGAAA GTTCAATTTT ATTGTACCGC CAATGAAAAG GTGCTATATT TTTTTCTTGA 180
ACCTNAAGGG CAGAGGCTGA ATTAATCATA TTCCTCAGCT CATTCCACAT TATCATGGCA 240
AAGCTCTCTT TTGCTTTATT TATTTATTCT CTNNTATCTT CATACTTAAT CTCATTCCAT 300
TCTCTGNCAT GGGCAACCAT NNNAATNGNN 330

配列番号：6131
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07289
配列：
GATCTTACAT GAGCATAATC ATCCTTATAC TTCATGAGGG GATTATNAGT ACAATCCCCA 60
TTTTACTGTG TTTGAGTTAA AAACCAAACA TCCCTGTAAT TTAATTTGAA GATTCTTTAA 120
CAGATTGCAG CAAAGTTCAT TATAAAACTG TTATGGTGTC TTCAAAGNCT TGATAAAANT 180
AACACTGNGA GAGANTTGGT CCATTTGTAT GCTGTATTTC TATTACTTGC CAAANGGAAT 240
GGGGNTAGGA TTAACCTTGT TTCCATTCTC TTCNCATGGG TATCCATCCC CATGTTTANC 300
TGNCCACNCT GGGGGGCTCN GTTGTGTGCT GTN 333

配列番号：6132
配列の長さ：21
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07290
配列：
GATCATAAAT AAATGTTTAA A 21

配列番号：6133
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07291
配列：
GATCATTTTC AAAAATTGCA TTGGGGCCTT CGTTATTTAC CATAGTATTT NCACTTTCAT 60
AGTTTTGTCA CCTTTTTGTA CTGTGAACAG TTCAACCAGT GACCGACTTC TCTCTCATGC 120
TGTTTACCCC ACACACAATT TCCCACTCAA TTCTGAAAAT AAGAACCTGT TAATAGGTTG 180
GAAAGCTGTG TACTCTATTC ATATATTGTC CTTTCATGCT AGTGGAGAGT GGTGTCATTA 240
GCATCTNAAT TTTAGAGTTG TGNAATGATT TTNCCAATTA GGAATTGANT GTGTATTTNT 300
NTCCTGTTTA ATAAGNNGNG CAAATNTGNT N 331

配列番号：6134
配列の長さ：40
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07292
配列：
GATCTTAAAA CAAAATGAAA TAAACGTGAA AAGGAGCAAA 40

配列番号：6135
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07293
配列：
GATCGTGAAT AGTAAGTATC ACTTCCATAA ATAGAAAGTG TCAGAAAAAT AAA 53

配列番号：6136
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07294
配列：
GATCTTGAAA GAGGTAAAAT AAACCTTCAC TGCTCCACTC CAGGTGAATC CGCCCACTCC 60
CACTGACCTA GTAGAATTTG TAATTTAATA CTTACCTTCT ATTTCTGAAA TCAGTTGTGA 120

ACTGTTGCCT TATGTTCAGA GGTTTAAGAA CCTCAGTGAA TTCATTTTTT AAAATCTGCT 180
ATTCTGAGAA GCATTGAATG AATTCTTAAC AAGAAGNCTC ATCTGTAGCT GTTTGCTGAC 240
TCCTATGAGC CCATAAGGGT TCTGTGCTTA GCATTAACAA ANTAAGGTTT ATAGGGTAAA 300
AGCCAATGTA TTANTTTTTT TTTGCATGGG GGGCNN 336

配列番号：6137
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07295
配列：
GATCTAGGAC ACTCATATCC AGGGTGATTC TCTTCATAAG GAGGCATGGG CTGAGTCTCC 60
ATTTATAGGG GCTGTCCCCA TAGAGACTTC AAGCCACACC TTTCTAGGGA TTCAGGTTGC 120
ACATTACCTG ATTCTCACAG TTGATTTGAG CCTGCAAGAC TGTAAACCCA TCCCATTATC 180
ATGTTTTCTT CCTCATTTAC CTACATTTAT CATTAAACCT TTGTGATTCA GCAAA 235

配列番号：6138
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07296
配列：
GATCCAGGAT GACTGTACAT CTCAGATAAA GGAGGCTCAG CGCTGGAAGG ACAGCTGGAA 60
GCAGTCCCTG CACACTATCC AGGGCCTGTA TGTGTGACCC TCCGCCCCAC CATGAATAAA 120
CACTTTCTTA TACAGACTCA AA 142

配列番号：6139
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07297
配列：
GATCCGCCAA GCAGGGCAGT ATCTGGGTTA CAGCCACAGC AGGAAGAACC ACTGGAGAGA 60
CACTCAGAAG GACTTCCCTG ACATCTGCAC CAAGGAGAGT CTGGACAAAG CTACTGAAAC 120
TCCTCCACCT GCTTCTAAAA TGCCCAGAAG CCAACTGGAC CNGTTTGGTA TTTNGAAGTA 180
GGNGGNTGGN GGCTTTAACC NCCAAAGGGT TCCTGAAGCC CNGGAACTTG GANTNTGGAG 240
GGGGTTNNGG CCTTANTTGA GGGTTGGTGG GTTTCNN 277

配列番号：6140
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07298
配列：
GATCAGAAAA CATTGATTTA TATTTAAAAA TAGGATATTG GAGCCATTGT CTTAGATAAT 60

TNNCAAGGCA AGANCAAGCC TGCAATAAAT AATGAGACTT TGACATTCCT TGGCGAAGAA 120
GATGTCTCCT GCCCTAATAT GACTGTCACT CAGCAATTTC ANTTTTNTGT TTACTTGATT 180
TANAANGGGA GGATAANTTG TCCTGANAAG TTTTTTTGTT TCCTTAACAT TTCANNGTTT 240
TCNCTGN 247

配列番号：6141
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07299
配列：
GATCCCTGAT GGGATGCCTG AAACCCAAAA TACTCTTAAG TCTTGTATTC TAGGGCCTTC 60
TAAGGCAAAA NATTGAGAGA CCCAAAAAGA GAAAATATGT TTAGTAAAGA AAATATTTNC 120
TTTGACTAGT TATGATGGTC ATATAGGGGA GANAAGGCAA ATTTTGGNAA TGTAAGATGG 180
GGACANTTAA TGTNTATNCN CTGTCCAANT TCAANAGGTA CAACNGAN 228

配列番号：6142
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07300
配列：
GATCCACCTG TCTCTTGAAA ATATAAAAAG ACAAAACAGG TTTGCCTTGG CATCAGAGAG 60
CACAAAGATT AAAAGTTACT TTAAATTTGC CAATATTTTG GGAGANCAAT AAANCTACAT 120
TTTTCCCTCT TCCATACTGG TAGATGCGAA ATTNATCTGT GCATGANAGG GTCACTTCTG 180
TNATCGTGCA ACAGNTTTGG TATTANNCCT TNNCTGTGGT TTTNCCAN 228

配列番号：6143
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07301
配列：
GATCCTCTGA TATACAATTA GAGATATTTT AATATAGNCC CCAAGCATTC TGTGCATAAA 60
AGTTAACATT AGGCTGTGGT GCAGTAACCA TTTAATGTCG AGGCTCTATT TCGGAAATAC 120
ACTACAAATG TTAAAGTACG TGGCTGTCCT CTTAAGNCAC TAGTAGAGCA AAGCCTTAAT 180
CATATCANCT TAATTCTGTT ACACAATATG TGTTTTTNAA TATACTANCC ATTTCTNATG 240
GAANGGTCCT GTGGGGNGCC CNTCCTCTCG CCANGCCATC ACAGGCTCTG CATACACGN 299

配列番号：6144
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07302
配列：

GATCGGGTGC TAGGACAACT GCAGTCCAAT CCACCAGCTC TCCNTGCCCC TGTGTCTTAT 60
TTCAGACATG AGAATAACTG TACAGTGTAA ACTTATAAAG CGTTTTTAAT GGTTGTAGAT 120
TGGAAATAAA GTATGTCATA TGAACAGCTA AA 152

配列番号：6145
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07303
配列：
GATCCCACCT GCTCAGGCCG TACACCTTAT GGGGAGCCAT TAAGGGGNCT CATCTAGGCA 60
TTCTGGNTAC AGCCCAGTGC TCATCCCAGC GTATGCTCCN CTCTNTAGNG CAGCCTAAAG 120
NGTCAGCCAC N 131

配列番号：6146
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07304
配列：
GATCTTCAGA GAAATAAAAC TTGAGTGCAG TAGTTTATTT GGCGTTTGGC TCCAGGATGC 60
AGGNGTGGGA AAGATGGTAG AGAGCCAGAA GAAAANTCAA TAGAACGGTA TTACGGCGNN 120
TGGNTATATA ATNCTTCCCN GAATTGTCTG ACTN 154

配列番号：6147
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07305
配列：
GATCCAGTGC TATTCTGTCA CCAACCTAAG AATCCCAATT GCACCTTCTG TTTCTGACAG 60
TCACAGGTGA CAGCTGNGGN TCTATAATAC AGACTGGTGT CTTAGAGGTA GGAATAATAC 120
ATGATTATNA AGCATCACCC TGCTAATACA TAATAATGTC TTTTTATATT ATAAGNGATT 180
GAGTTTAGTT CATTNCAATA CATTTGTACN TGTAAAAANT GCAANGTNGA CCTNNGTAAT 240
CNTTTAATCG N 251

配列番号：6148
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07306
配列：
GATCTCGGAG ACTCNGTCCA TTCTAAGATA CCATGTTTCC ATGACCCTAC ACACAATAGC 60
TACACAGGTG GAGCAACATG AGTCTGAGNA GCTTTGCACA AAAGANGCTT GTTTTCCACA 120
AATGNANCTG GGGTGGTTAA CTTCTAATTG TACCCTGTCT TAGCGTTCAG ATGCATTGGT 180

TCCTTCCCCA ATGTGACCAT CTNNNNATTC NAN 213

配列番号：6149
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07307
配列：
GATCAAGATG AATNTAATGT ATAATCAGAA TCCTAGGTAA GTAAACAAAA AAAGGGTTTT 60
TTTNAGAATC AAACCTTTGG GGATTGGGTG GTAAAGGGAA ATATTTNTNT NCN 113

配列番号：6150
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07308
配列：
GATCTGTGCA TCTGGCCAGC ACTGTGGTGA CATCCTTAGG AATCCATGGG GAGAGAGAAA 60
GCATTCAGGA GTTAGTGGGT CACGTTTGAC AAGGGCCAAT AAAGAAATAT GCAAAGACAA 120
AAANCAAGAA GNACATTGTC ATATTTNCTA CCTTTTGTTT ATATAAATTT ATNTCANTGA 180
TTTTCGCTTN TGTTAATNTG CAATGTATAT NNTATGCTAA CNTTTNCN 228

配列番号：6151
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07309
配列：
GATCACAATT GTGGACATTA AAACAGAAAC TGTTCACACA AA 42

配列番号：6152
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07311
配列：
GATCCAGCTT ATNCTTTAAT TTTCAAGTCC ATTCTTGGGG CTGGTGGGGA GGCAGGAGAA 60
TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT GTNATGTTGG CAGGGGAGGG 120
GAGACCTGGG TGGTGACTGA GTTCCCTTTA TCAAACCCTT CAATGGGCAC AAAATTGAGT 180
GCTTGATTTT AGGTTTTATT TTTTNATGAA TGTCCAAATC TGTGTTTCCC CCTGCCATCC 240
CAGACTNTGT GGCCAGTTNA AAAGTGTCTG GNNTGTGTTC ANCTCTNCCC TAANATNCTG 300
GAGNAGGGGT N 311

配列番号：6153
配列の長さ：270

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07312
配列：
GATCTNNGTG GGTAGCCTCA AGCTGGAGAC ATTGTCTGNC CTCACTGCCC ACTGGGTAGA 60
GACACCTGGA TGACATTTCA GTACCCGCTG GCAGCTCCTC CCACTCATCC AGAGACGGCC 120
GGTGGGCAGG CGGGGAGAGC AGCTTTCCTT CCCTGGNGAG AACCGTCTTT ACCTCAGCTC 180
CTAGGGNCTC CAGCCAACAA AGCTNCAGCA CGGTGACTNG GTGATGGGNG ACCAATNNCA 240
GAAGTAAANN GACTGTAGAC CNATATTCCN 270

配列番号：6154
配列の長さ：40
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07313
配列：
GATCAAATTC TAAAATAAAG TTGCCTGTTG TGACTTTAAA 40

配列番号：6155
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07315
配列：
GATCTATACT TAACATATTT AAAATAGTGA TGATTGAAAT AACTGCAAGG TATAGATGNA 60
ACTGAAGGNT TTCACATTCC TTTTTTGTTT ATCATTTGGA ATTTNCTGTA TTTANCTGNC 120
TAGAGANCAN 130

配列番号：6156
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07316
配列：
GATCATATCA CTCAATGTGG CCATTAATAT TTCTGGAGAA GACACAAACC TATTTATAAT 60
ACTTTTNAAA AATCCGAAGT GATAATAAGA NTGTTTTTAC ATTGAAAGTA ATACTTAAGT 120
GTTTACATAA CATTCTGTAT GCACTCAAGA AAATAAAGTT TTGTTAATAC AAA 173

配列番号：6157
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07317
配列：
GATCTCAGTT ACAGTTTTTT TTTCCTTTTT AATTTCATTA TTTTGGGTTT TTGGTTTTTG 60

CAGTCCTATT TATCTGCAGT CGTATTAAGT CCTATTGCTA GAATAGGTTA CTNNANGAAA 120
GATTATATTC TGAAAGAAAA ATAACTGACA TTATATATAA CCAATTAATT TAANGTATTG 180
CCATTTAAAT TACACACTGN GAGCATGTCC TATGCAGACA ATAGATTTTN CCTGTNCAAN 240
NNNTTNTN 248

配列番号：6158
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07318
配列：
GATCCAGCAG CGCAGGCAGG AGCTGGAGCA GTCGCTGGTT GTNCGCAACA CCTAGGAGCC 60
CAAAAATAAG CAGCACGACG GAACTTTCAG CCGTGTCCCG GGCCCCAGCA TTTTNCCCCG 120
GGCTCCAGCA TCACTCCTCT GCCACCTTGG GGTGTGGGGC TGGATTAAAA GTCATTCATC 180
TGACAAA 187

配列番号：6159
配列の長さ：21
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07319
配列：
GATCATAAAT CCCTGTCTAA A 21

配列番号：6160
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07320
配列：
GATCAAACGT GCTTAAGAGC TAACTCGTGA CACTATGCAG TATTGTTTGA AGACCTGTTG 60
TTCAACCTCT GTCTCTTTAT GTTAACTGGA TTTCTGCATT AAATGACTGC CCCCTTGTTA 120
AA 122

配列番号：6161
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07321
配列：
GATCTCTGAC TCATTGTGGC ATATGAGGTG TAAAATNTTG TCAAAAAAGA ATCTGGTGTT 60
TAAACCAAAA TCACACTATG GTGGCATTAA ACCGTTCACT TTTATTCTAA ACNNNANCCA 120
NCGCN 125

配列番号：6162

配列の長さ：41
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07322
配列：
GATCTGTCCA CGACATGGAA AATAAACTGG ATTTTCAGAA A 41

配列番号：6163
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07323
配列：
GATCCTATAC GTGAAGGAAC ATATTTAATT TCCTCNCTTT ATATTTCCTG GTTAAAATAT 60
CGTCATTATA GTTAGCAATT TGGAATCTGG CTTACATTGG TTGATACAAA TAANTAATAG 120
ANTANNGCAA NATCAGN 137

配列番号：6164
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07324
配列：
GATCTTTTTT CTATGCGTAA TCAGACATAC ATATATACTG CAGTGTATCT CACGTATTAA 60
TTTTAAAAAA TCTTTTGTTT TACTTAAA 88

配列番号：6165
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07325
配列：
GATCTCTGTA TTTGTNTTTC AACTAACAAC TAATTTNAAA TGTATTGTAT CTTTAATNAC 60
CTGTNCTCTT AGATTGTNTT TTGCTAGTAA CCCTTACTCA GCTTCTGCCT TTGGGGCTTG 120
GACTAATATT GCTTGTATGG AACTACAGTA CTGTGACTAA ACATGGAGCT CAATGCAGCT 180
ACTGCTTACA ACTGCTTAAA CTTTGTAGTG TGGACTTCAT TTTTTTCTGT AATAACANCT 240
TATTAAATCC TNGGTGGTAT GGCGGTCCTG GAAA 274

配列番号：6166
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07326
配列：
GATCATGTTC AGAAAGGGAC TCATTTGGTC CCACTTTGTA ACATGGGAAG AGTAGAAGAG 60

AAAATTAAAT GTGGAAATCA TAAATGCTTT TCTAACAGGG TTATGCTATT CTGTAACACT 120
AAATGTCTGT CTTTTCTCTT AAAAGATTAA GTTTTATTAA TTTTGTCATA CATTTCTCTA 180
TTTGANTATA TCTTAACCAT TTTATGTTCC AAATTCGTTT TTTGTCCAAG ACATTCTATC 240
AGANTTTTNC TTGCCTCTAT AAATCTGAAA ANTGGGTTCT AGAATGTCCC ACTTGCTGTC 300
TCTNAGAGTN 310

配列番号：6167
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07327
配列：
GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CCAAAGNGCT GGGATNACAG GCATGAGCCA CTGCACCTGG 60
CCTTAACCCC TCTTTAGATT GGAAAAAATA NTTACAACTT TAAAAATAGC TTAGTGTTGA 120
ACCCTTTGGT AAACTAAAGA CCCTTTTATA ATGCACATAT TCCCAACANG GTTAATATAT 180
TTNGTGAGAT TAAACAAGGC TTGTATATGC TTGACCTTTC TTAANNTATG TCCATGTCAT 240
ACTATTATGA NTGTACATTT TTATGAGTCA TNANTATTNT TTTCAAAANG CGCTNCAGGC 300
CCNTGAN 307

配列番号：6168
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07328
配列：
GATCAGAAAA TGTGTGACCT TTTTAAAGTT AAATTGTTAA AAAATTTTAA CTATTAANCA 60
TTTTAAATAT TAAA 74

配列番号：6169
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07329
配列：
GATCTCAGAT GCTAGAAATA GTAGACAAAG ATGTTATTTC CCAGTGCAAA TAAAGAAATA 60
AAGATAGCAA A 71

配列番号：6170
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07330
配列：
GATCTCAATG TGCAAACTCC TTGGACTCCA GACCCCTGTC TGGTTGGCAC TCCCAGCAGT 60
GTGTGGTTTC ATCAGGAAAT CCTTGCAGCA GGGGTTTAGA TGGTTCCTTC AGGAGGTGGG 120

NAGCCTCCAT AGCATTGAAG GCCAGCCTGC ATCTCGCGGT GTGTGTCCAC TTCTCCNCTC 180
ACTTTCCCCT CACCCATCCC TTTAAAGTGA TTGGCTGTNA GGNGCACAGA GGGTGGCAAT 240
TCCATCTGTN ATGGGNTCAG AAGGCATTNG CCGCCATTNT TGATTTNACA TTAAAACTGA 300
TGNAAN 306

配列番号：6171
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07331
配列：
GATCTGTCTG TTGTTGGAAT TGAGATATTA AAATCCCCTA CTATTATAGC GTTCCTCCAG 60
TCAAA 65

配列番号：6172
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07332
配列：
GATCTTCCAG CACCAAATTT AGATGGCCTC AAA 33

配列番号：6173
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07333
配列：
GATCAAATGT GTGAGAAAAT CAATGGGTTT TAAAGACTAT TCTATGTCAA CTATAACATT 60
TAATTTGGGG ATTTCTGTCC CTTATAATGT CTACCTCATT TTGGATGGAA TCCTTGAGGC 120
CTGGTTTATT TTCCTTTNCC TTNCTACACA TCGCTGCTCA GAGTGATGAA TGGAGTTGTG 180
TTTTGAATAA AATATCTATG CATCCNTTTG TGAGCAAA 218

配列番号：6174
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07334
配列：
GATCATGTTT TAACTAACTT CATTTTGTTG CTGAATCATA ATNNATGCTC TAATGACCTT 60
TTCTTTCCTA TCCCAACCCT GTGTAATCTG CTCTATTTAG GGCTAATTGT TCCTTGTCTT 120
GTATGTATGT AATGTGTCCT NGTNTTCTTC CTCCTATTTN NTNCTCATAA AACTCCATCC 180
NNTTTN 186

配列番号：6175

配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07335
配列：
GATCCATTCA ACTTGTGTGT ATCAGTAGTT AATTNCTTTG TATTGGTCAG CATTCCATTA 60
TTTGGAATTT ATACAGTATG TTTATCCATT CACCTGTTGA AGGACATTGT TTCCAATGCT 120
TATTACTAAT AAAGCTGTTA TGAACATTCA AA 152

配列番号：6176
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07336
配列：
GATCTGTATT TAATGAGGAG GAGCCGAGGC CCCAGCTTCA TCCAGCTTCA ACCAATGCCT 60
GGACCTGTCC ACCTGANAGG CCCCTGGGGC TCCCCAGCTG CTGGCCAGAC CCTGGCGCTG 120
CCACAGTCCT GGCACTGCCC AAGGCCATAC CTGNCTAGCC CTTTGGNTCC ATCCTGTGGA 180
TGCCCACTCA CCCCTNAGAC TCCTNCTGNC CATGCTGTGG NCGGACTTGT AAGCAN 236

配列番号：6177
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07337
配列：
GATCATGCCT GTGTTTACCC TCTAAGCTGA AGCTGCTCAT CAACGGTGAG ATGGCAAAAA 60
GGTGGGTCCA GAAGAGGGGA AAAGAAGGGA GTCTGTGAAA ACAAAATGCT GAAGANTCTG 120
CATCAAATAA ACCCTTCCTT CCTTCAAA 148

配列番号：6178
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07338
配列：
GATCTCCTTA TTGACCACAG ATTATTCCTC TGTTCAGCAC TCCTTATTCT TATCCCTGTT 60
ACAATTCTTA TTATGGTGCA CAAGCTCCAT AAATATTTAT AAAACTGATA TTAATTGANT 120
AAAATATTGT CTAGAGGTCT CAGTCATTCT TCAAA 155

配列番号：6179
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07339

配列：
GATCATCTAG ACATAATTNC TGAAGATGAA CTTTTGGACC AACTTCTAAG TCACACAGCA 60
TCATTATCAG ATTTATTACA CAACGNCTTT TTNGTTTTNA CTCTATTTCT GAGGAAAAAG 120
CCTTCCCGAA ATCCGTAATG ANTTTNTCCA TGGTAACCCC TCTCCTGTTT TNACACAGNA 180
AAGTTTCTCT NGACTGTN 198

配列番号：6180
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07340
配列：
GATCGCTGGT TTCCTCTGCA GCGCGAGGGC TCCGGCGACC AGAGGATTCT NCCCGGAAGG 60
CATTCCTGCC GCGCTCCCNG GGGCACCCCT CAATTGTGTA CTACGTCCTT GTTTAGTGTG 120
TATCCGTGCC CACGTAGATG ATGTCTGTAA CGNAGTTTTG TTTGAAATAT GAGNATATGC 180
GGCTTAAA 188

配列番号：6181
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07341
配列：
GATCAGTTTA TTATTGATAC ATCACTCCAT TAATGTAAAG TCATAGGTCA TTATTGCATA 60
TCAGTAATCT CTTGGACTTT GTTAAATATT TTNCTGTGGT AATATAGNGA AGAATTAAAG 120
CAAGAANNTC TGAAA 135

配列番号：6182
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07342
配列：
GATCAGTTTT CCNAGTCTTT GGGAAACGGG TTGTGTTTTT TNCCCTTTGC CGTGTTGGAT 60
TTCCGGTCCC GGCTGACACC TCCCTTCGTG TGTGCGNCCC TCCCCACCCC TGCCTTTGTN 120
TCGGTGCCCT GTGTCCGTTC TCTNATGTGG GGATGTTTGT GCTGCAGACA AAAAGAACAA 180
NAAAAANTTT TTAAATACCA CAAAGATGGN ANAAAANGAC AAAANN 226

配列番号：6183
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07343
配列：
GATCGTCACA TGCCGGGGAG CAATGTGGAT GGCCTGGGGA CTCCTGGGTT TTCTCCCTCC 60

CGACTCCCTA ATAAACCCCG TGAACCTTGG AGCCAAA 97

配列番号：6184
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07344
配列：
GATCACCTTN AGTNCTNAGC AGGGACTAGG CTTGCAGGTA ANATAATGGG CCAGGGCACC 60
CAGTCCAGAA GGAGCAATGG CACCTGGGCA GTGCCAGGCC TTAAAGCCCG CTGCTCCTTT 120
NCGGTAGAGG AGAGGCCCAT CACTGGTGTG GTGGGGTGGG CTCTCCCTTA GGCTTGGGCA 180
AGGCAGCCAC CTGCCCTTNC TCTCCCTTAG TGTTCCCTGG CCTCCCTGCC ATCAGGTTGC 240
TGGGAGTGGA GATGGAGGGA TTATTGAGCA GAAAATNAGT TGGATGGAGN TAAACAGNTC 300
CCATCCCTGG GTAATGGATT N 321

配列番号：6185
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07345
配列：
GATCAGCTTG GAAGCTTAAA GTCCAATCCT TACTTCGAGT TTGTTTTGAA AGCAAATTAT 60
GAATATNATG TTCAGGGACA AATATAACTT TTNCTAAAAA TGGCCATTGT TTATGAAATC 120
TGTATAAGTG TGTCCTTATA CAAATTTNAG GCCATAAACA AGTGTAAGTT TGTACAATTT 180
CATAACATGT ATAGCTGAGT TTTTATACTT TATATGTAGG AAGCTAATAT AAAATAGTTA 240
TGTAACTGTG ATTTTGGTTT TCAGTTATGT GACTTGTTTT TNCCACCNGA AA 292

配列番号：6186
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07346
配列：
GATCCATAAC AGAGATNCAN AGAGGCACCG TGGAGTTCCA GGGTCATCGG TCAGCGAGGA 60
ACAAGGAGGG AAAGGTGTCT TCCTGCCCCT TGATGCTCAA CTAAGCATCT GTTCCCTAGA 120
AATACATGTG TCCAGGNNGN NTCCATGGGC TTTNN 155

配列番号：6187
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07348
配列：
GATCTTNAGT TGTTTTAATT TTTTTTTTCT GCATCTGAAT CTGCATGATT TCCAAACCCT 60
GTACCATCTG AATTTTGCAT TTNAGCACTT GCACTATTAC TCAGCAGCAG TAACATGGTA 120

ACACTTAAAA TGGTACTCGG GGACCTCCAA AGACTAAACT GNCANGCCTT CAAGGNGCCC 180
AGGGGTACGT TANCTTGTCA ACGGCATGGT TTAATCCCTT CTTTACACTT GTGTAAATTT 240
CAGTTACTGG TCATAGNNGG CTTTCAATGT TGCGTGGCCT NTTATTANCN TGTTTATGGG 300
N 301

配列番号：6188
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07349
配列：
GATCTTTATC AATATTCTGG ATTAGACAAC AAATNACCTT TCTGGGTGTT TCTTGTAAAC 60
TATACTCCTG TTTGAATGTT AAACTTTGTT GCTAAAGTTT AATTTTAAGA TGTTTGAATG 120
TNCAGTTTAT GTATTTGANC TACAATAAAC CAACCCTTTT NATATATCTG TNTNGTATAT 180
GATTATNGTN ACTTAATTNT NAN 203

配列番号：6189
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07350
配列：
GATCAAAGCA GGTGGGGCTT TGGGATGTGA AGTGGGTTCT NACGCGGGGC CCCACAGACC 60
TGTCTCCGCG TGANTGCCTG CAGGCCCCTG CGTCATTCCT CAGCTGCGTG CGAGGCCTCT 120
GGCTTGGAGA GCCTCCCCGC TGTGCACAGT TCTCTCTTTG CCAGGGCAGG GCTTGGGGCA 180
GCACCAGGCT GGGGCAGAGG AGGAAAGCAA GAGGACAGAC CTCCAGAAGA GCAGCGGAGG 240
GCGGGTGAGG ATTTCCCCAT ATACCAGTGT GTGTTCATCT ACCCATGAGG AATAAAACCA 300
TGCAGCAGCA TGCAAA 316

配列番号：6190
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07351
配列：
GATCCCCAGN ACTGCAGCCG AGCCCCGGGC TTCCTTTCTT ACCATTCTGT ATGCTTCCAA 60
GGTGTGACCA TTCAAACTAA CNNTATTATT AAGATTATTA ATAAAGATTT CTTTCTTCAA 120
ACCAGGAAA 129

配列番号：6191
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07352
配列：

GATCAGAATC AGAAAACAGG TAAACCTCAC TCACACATTT GGACTCATTT GAACAAAAAT 60
CTAGGCCAAA ATACTGAAAA GCCTATGTGT TTTTTTAATT GGAAGTATAT GTAAGGTTAA 120
TGCATTTAGT GAACGTGACT AACAAAGACT AATGTGCACA TTAACAGNTG TNCTTTTTAA 180
GGTTTTATGG GAGGCTGTGC ATTGCTCAAA AGCTGTTGGG AACGCCTTCT GACCAGTTGC 240
CTTCAGAACT AGTTTGNGCT GCTCANTNAA AANCCAGTGN NTTTACTCNN GGN 293

配列番号：6192
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07353
配列：
GATCTGCATG TGTGACACTG ATTCTTTGGA AATAAAGAGT GGAAGCTGCA AA 52

配列番号：6193
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07354
配列：
GATCTAAATT TTAAAAATAG GAATGAATCT NTTAATTGCA GCTTGTGGAG AGTATAAAAC 60
ATTTTGAGCA CAATATGCAG CACATAACTT TTCAGATTGT GTTTGCATAG AAAAGGTTAA 120
AATCAATTCT TTCAGTTACT GTATTGTTCA TTTCTTGTAA AGGTCTTCCT ACATTTGAGA 180
CGAGACCCTT TAACATAGGC TGCCTTAGTA ACAAAATAAA ACAGATGTGT CATAAA 236

配列番号：6194
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07355
配列：
GATCTAGAGG GNGGATTTCC AGCCAGGGCT GCTAGACGGA GGCCTACTCT TCCATCTTTC 60
CTGATGGCAG GATGGCCTGG CCAGGGCCTG GAAGACAGAG ACCTCCTGCC TCCGCCTCAG 120
TAAGACGACA AGGAAAGGCA AATGCCCAAG GGAAAGAAAA GGAAGGCTCT TCTCCCCAGA 180
GTTCCCCATG CAGACATGAG TGCGTGCTCA GTTCAGANTC ACTTCCGAGA ACTCATCCCT 240
AATGCTGCAG ATTTGGGCTG GAACAGATTC ACACTGTCTG TN 282

配列番号：6195
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07356
配列：
GATCTTCATC TCTTGTTTGC TCCACTTGTA TTCTCTTTTC AGTAACTGGA TTAATGCTTT 60
GAGCCCAAAA TGAGATATAT TTNTAATTAC TGTAGATTAC ATGTTGTTTG GCTGGGAATA 120

CAATACAATA AACTTTATTT TGCATAATGC ATTTCAAA 158

配列番号：6196
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07357
配列：
GATCTGGATT ACTATGTAAA TTCACAGNAG TACCGCTAAT ATAATTTTTG TTGCNTGTAT 60
TANCATCATC TGGTCTGNAA ATGTGGGTTT TTATTTGGCA CATTTANATA AAN 113

配列番号：6197
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07358
配列：
GATCTGGAGC CACAGTCTGT NTATCTTCCA GTTCATCTCA GTCCTCGAGA AAGGCCCTNT 60
AAATATGTAA CTTTCCCATT TNCCTTTAAC CATGGGTTGT GTGAGCCAGA AAGAGCTTTG 120
AGAAAGATGG CTGCTTCCAC CAGGGNGGAG GCTTCTNGGT CTGCATGATG ATGGGGCCCG 180
TTTCTGGCCA NAGGGTGGCT CTGGGAGCAG TTGTNCTGCG GGCTTGCTGG GGGCGAACTC 240
TAACTGTTGC AGAAACAGNG CTTNATGGCT TGCTNNGGGT ACTTAGCTGG AATATTTTAA 300
AGTGTCAGNT AAATGTGATN TNN 323

配列番号：6198
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07359
配列：
GATCTGTATG TACTTTTAGT TGTATTAATA AAGTGACAGT GAGTGTCAAA 50

配列番号：6199
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07360
配列：
GATCACCCAG TCTTAAGGTT TCAAAAACTC TTTGACATTA GATTTCACAA CTGCACAATT 60
GANCTTATTG GCCTGTAACT TATTTNCTAA ATGCTCAGTG CTATTTATAT ACTACAGTAN 120
TTNCCTGTTA AGNNGGCAGT TGTAAAGNN 149

配列番号：6200
配列の長さ：329
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07361
配列：
GATCGGACTG GAACTGTTCG GCTGCNACCA GAAATTNATT TTCCTGAGTA AATTGCCGAG 60
AATTAAGAAT GAAGAGGGCC ATTTGCATCT CCTTAAATTA TTCAGTTACC TGCTTTATTG 120
CTCCATGTGG AAAACTTAAA ATTGTTAAGT TGTGCATTAC TGTATTTNAN CTTGTTGCTT 180
AGTTTCTNCA TGTTTATTTN CAGTAATGGC TGANAGTGTT AACTGTNCCA TACTTTTNGC 240
ACAATGTNCT GCATAAGGTT ACCTGTGTAC AGAGTTTTAC TTTAGNTTAN CTAAAATATT 300
GCCTGGGTTC AGTNTTNATT TCCATTNTN 329

配列番号：6201
配列の長さ：150
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07362
配列：
GATCTAGGAT GTGGNTGTGG AGTACTTAGC ATCGGAACTG CAATNTNAGG AGCAGGGTTG 60
TGTGTTGGAT TTAACATAGA TGAAGACGCA TTGGAAATAT TTAATAGGAN TNCAGAAGAG 120
TTTGANTTAA CAAATATTGN CATGGTTCAN 150

配列番号：6202
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07363
配列：
GATCCAGGCG CCTGGGCAGA GCACCTGCTG TCTGCCCTGC ACTTTGAAGG GTTGTCGTGG 60
GGATTGAAAT NAACCAACTG CCGGCTGAGC GGAGGCTCCC TGGGAGTNAC AAGTTCCGTA 120
TTAAAATGCT TTCAGTGGNA AA 142

配列番号：6203
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07364
配列：
GATCTATAAA ATTTCAGTTT TAAAAAATGT GTTAAGGCTT TGTTTTTGGC CTAACAGGTG 60
GTCTATAAAG AAGNAAGTTG TATGAGGTAA TGAGAAGGCT GTGTATCCTG ATGTTGTCGA 120
GGAGTGTTCT CTATACCTTC ATTAGAAATA ATTGTNTTTT TACTGCCTTC TAGTCTTCTG 180
TTTCCTTACT AATATNCTCT CTTGTNTTAT TACAGAAAGT GGNGTATTGC AATATCCTAC 240
TATAATTGTN TTGCNCTCTT TGTGTTNATC CCAGTNTNNG TNAGTNTANG CTTN 294

配列番号：6204
配列の長さ：306
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07365
配列：
GATCCCAGCC CGGCCTTTGT GGGACTAAGG TGGCGCTGAG TGGGAGAGCA GCAGGCGATG 60
CGCGAAAGGC GGGACTTGGA GGTTCTGGAT GTTCCTGTGG ATAACCTCAA GGAGCACGGN 120
ACCTGGGACA TGACTGCCCC CAGCATTCCT TCTGGCGGCA GACAGNGTTT GTNAGTTCGC 180
CAACATCCTG CTTTCATGNG AACAGTTTGC TGTTTGCTNA CAGAGCCTCC AGTNGTATAC 240
TGAGTTGGTC ACGACCNTNA TTNCTTCGNN CCTACAAACA TNTCCCACTT TTCGNTTNTN 300
TGGTTN 306

配列番号：6205
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07366
配列：
GATCTTCAGT AAATATTTTG AAATGAATTC ATTTATGGAA GAATCAAANC TAGGTCAGAT 60
TGTCCAAACC AGACTAAGAA ACTGCATAGG GTNTTTTATG AGGTNTTTAA TGACTCATCA 120
GCNCCATTAT ANCTGANATT NCTACN 146

配列番号：6206
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07367
配列：
GATCTCACTG CCCAGGCTGG TCTTGAACTC CTGGCCTCAA GCACTCCTCC TGCCTCACCC 60
TCCCCAAGCG CTGAGATATA GACCTGAGCC ACAGCGCCTT GCCAGTTGTT TTATGTTCTT 120
TATCCTTTTA CCTGCTTGCC TTCTGTAACC TGGGTTGCAT TAAATTTACT CCTACTNGTG 180
AGTAAATGTG AACCATAGCA ATAAATTTAG TCTATCCCCA GAACCTTCAG TAGCAAGGAC 240
CNATATTNCT ACGGTATTTG TNTGTGTCCA NANANAAATA AAATTACCTT NAAAAANN 298

配列番号：6207
配列の長さ：28
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07368
配列：
GATCATTAAA GATAAACATA TTTTTAAA 28

配列番号：6208
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07369

配列：
GATCCTGTTG GCAANGGGAA TGTAGAGCTT CCAGGGTGCA TTGCCCACTG TTCTCATTGC 60
ATCCCAGTCC TCCAAGTCAG TCTAGCCTTA CTGTACACTT GACAAGTGCT TACTCAGCAA 120
GTCCCAGACC CACGNCCTNT TATCTCCNAA GACTGGNTTT GGCCATGNCC TTCCTCATCA 180
GGCCTATGCG CANNANTATN TAGGN 205

配列番号：6209
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07370
配列：
GATCCATTTA ATATGTTATC CCCACTAATT AATTTTCGTA TATNATTTCC AATATTTGGA 60
AAGCTCTTTA TAGCCATTTG GTATTTCCTA TTACCCACCT CCTATTTTAA ATATTTATCA 120
GTCTAAACTT GTGCAGTGTA GTAAACATGC AAGTTGTTAT GCTTGAGCTG TATTACCATA 180
AGTNGCNTTT TANGTAAACT GGTGNNTTTG GGCCATAGAT GTTTTTGCTT TTTGTTTGAT 240
TTTNTNTTNC AGGCTAACTG TTNGNGGTAT ACATNTATTT NTCTGTTGTA CAGATTTGAA 300
NN 302

配列番号：6210
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07371
配列：
GATCCCCCAC ACCAGCGCCC AAGAAAGGAC CAGCGTTGCA CAGCCCGGTA GAAAGGGTTT 60
ATTTATGCGC AACGGTTCAC ACAAGCCTTC CTGAAATTCC ACTTTACAGT AAATAAAGCT 120
GTGCGTTTCC CCTTCCCATG CACAACTGCG TATCAATCTA CAACTGTCAT TTAACTGTGA 180
AAAAATAGNG CGTCTCCCCT TTTGTCATCG TTCTGGTAAC ATTTGGCGTA GCATCTGACA 240
GCACGGAGNT GCTCACTCCT GGACCGGTTA TTTGGTTAAA ACCCAAAATG TTAGGTCGGA 300
N 301

配列番号：6211
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07372
配列：
GATCCATTTA ACTATTCATC AGAGGTGCTG TAATTTTAAA TTGTCTCTTG TCTCCTTCAG 60
TTAATTTTCA GAATTAAAAA CATACCATGG GNAAAAAAAA CNCNAANCAN N 111

配列番号：6212
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07373
配列：
GATCCTGGAA ATNAGATGGG CCTTACTCTG TCGACTAAAT GAATAGCTAT TTTCTTGTCA 60
TTTTTTAAAG TGCAACTCTT GCTTCATGCT GCTTAAGTTA CCAGATGAAT GCTGNGAAAT 120
AAGTAATCAC AGNCATTTTA ATACCATTTC ATTGCTGTTT TACGCGTGTT CATTACTTAA 180
CAAAAAATTA TCTTTTAGCT TTTAAA 206

配列番号：6213
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07374
配列：
GATCTAGCCT GCCCTGCCTG CCTGCCCTGG GCGATGAGGT ACGGTGGGGA AGGTGCCTAT 60
TTTAGAGAAC TTTGTCACAG TATTAAAGTT CCCAGAACAA A 101

配列番号：6214
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07375
配列：
GATCTAGAAT GTAACTAAAT TGCTTATAAA TGTCAGAGCA TTTTTNAAAG GTACAGTATA 60
TGGGGATTGT NTCGTTTTTC CTAGCAGGGG AACCTTAGTT AATANTAAAA TACTACTTAT 120
TTGAGTTACT GNTACAGNTT CATTTAAGGC TTGTGTGCAA ATGTGGTCTC ANTCTTTTTT 180
CCCTCCATGA TTTTCCTATG TGCTTCCTCT GGCATTCACT GNGGTTTTGG TAAANTAANT 240
TGCCNNTTAA NN 252

配列番号：6215
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07376
配列：
GATCAGGAGT ACCTCCCTCA AGAGTCGAGG GNGGTAGATT TCTACACGCA GAGGAGGTGC 60
TGACTCCTCA GGGCACGCCA GCAGTNGNNT GTTGCTTTTN TAAGGGAGGG CCACTAAGAA 120
AGTTAGTGGA TTGCAAAGTT GGTTGCCTGG TGGNAGTTAG ANCAGACCAA CATTTTATGC 180
CATAACTTTA NGAGTTCCAT AGGTGGCGGC GCAGTTCTTN CGNATCAATG TNTAACTTTG 240
NGGGGGGTGT TCATTTN 257

配列番号：6216
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07377

配列：
GATCAGACAT AAACTTAGCA TCTTAATGGA AGAAAAATGA GGGGAACTTC AATTATGATT 60
TATTAAAGAC AATTTCTATT ACACCCTCCT TTATGACAAG TGACATTTTA GATGTAAAAG 120
TAAAANCTTT ACCATGCCTT TTTTTTTTTT NGTGGGCCTA CCTTNGGGGC NTNAANCCCN 180
GGGGNNCCN 189

配列番号：6217
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07378
配列：
GATCTCGCAA TGTCTGCCTT AATATTTCAC AATTAAACCT TTCATATTTA TTATAATTTG 60
GTAATATTCA TTAATTTTCC TGTCTTTTTA AAGTCTTGAT AGATTTGTCA AAGTATATGT 120
NCTTTTCCCT ATGCTGGTTT AGAAGTNCGA NATATCACTT CTAATAGTAA TTATGCTCAA 180
NTAGGTACAC ATATACATAC ATNTTTCTCT CNCNCTTTAT ATACTTNTGT GCAATTGGCA 240
CTTTTGACGT ATGTCATANN NNTGTCATNC CN 272

配列番号：6218
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07379
配列：
GATCCTCGGC CTCCCCAAGT GCTGGGATTA TAGGCATGAG CCACCGTGCC CAGNCTAATT 60
TCTAATTAAT TAAA 74

配列番号：6219
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07380
配列：
GATCTCGTCT GCTCACCTTA GCTTTCTGCC TTGGCAGCAC GGGCTGCGGA AGAAAGCACG 60
CTGGGCCAGG AGGCAGGGGT GCCCAAGCCA CAGGGAGCCC CTGGGGAAGC CTGCTCCATT 120
CTTCTGGTGA CCTTGGCGCT CCTTCACTCA TCTCCCCTGC CCCCTCAGGA ACTGGTGGCC 180
CAGCTTCCAC ACCNNCACCT CCCAGTCTCT AGNCTATCCA TCTGTCTGTG TATGGCCTGG 240
AGTCACTNCT TCCTCANGCC CCCAGGGNAA NGTGTGCTCA AAATAAAAAC CAGNGGNCTG 300
AAA 303

配列番号：6220
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07381

配列：
GATCCCCTTT CCCACATCCG TGCTGTGTCA TTGTTGCTCT GCTTCCTTTC AATGTGTCAG 60
TGCCTGGGGG GAGGGGAGGA GCACCCCCTC AGCCCCCCTG AACCTGACCA AAAGCCATGG 120
CTGTTGCTCC NNNCTTTGTA TGATGCAAAT GCTGAAATGT ACAAAATCAA CCATGACAAC 180
AANGAAAAAG GCCTTGTACA GCAAA 205

配列番号：6221
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07382
配列：
GATCATAAAA ATGAAGGAAA ATGCCCAAGC ATATCCCCAA CCCCTCACCC CACAACCACC 60
ACCACCACAC ATAANCAAGT TGCTGACATA NNAGGGGGAC CTTTTTNANN 110

配列番号：6222
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07383
配列：
GATCGCATCT CATTGTTAAC TCTTTACTGA TATGTTTGTA AATACAGAAG TGAAATGTGG 60
ACATAAAATA GTTACGCTAT TTGGTTAATG GTACTAGACA ACATGTAATT AATGACATTC 120
AAAAATTTAT GGCTAGTGAT ATATATAANG TAAAATTTTC TTTGCAGTAA AATATGCCCT 180
TNATTATNGN CGGGNGGCTA TANGGNNCCA ACAGTTTGTA TGAAANTAGC TCCNAATCAT 240
ATCTNTNN 248

配列番号：6223
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07384
配列：
GATCCCTTTA CACTCTTCAA AAGTGNGAAC CCCAAAGAGT TTTCATGTAT GTGGGTTAAA 60
TCTATTGATA TTTTCTGTTA GAATTTAAAA ATTATGTTAA AANAATAAGA NGAATGACTA 120
TTTTNCAAAA CAANANATGA GNTGN 145

配列番号：6224
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07385
配列：
GATCTGCTTG GTGAAGAGTT CAGGAAAGTA TATCAACAAA GGNGTGAANT TTGTGAAGAG 60
AAATNNTATC ATCAAAATTG GGTAAAGCAT AGNTTTTTTG TATGTTACCA CTAGATGTCA 120

GCATANCTN 129

配列番号：6225
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07386
配列：
GATCAGAAAA CATTGATTTA TATTTTAAAA TAGGATATTG GAGCCATTGT CTTAGATAAT 60
TTTCAAGGCA AGANCAAGCC TGCAATAAAT ANTGAGNCTT TGACATTCCT TGGCGCGGAC 120
GATGTCTCCT GCCCTANTAT GACTGTCACT CAGCAATTTC AATTTTATGN NTACTTGATT 180
TAAANCGGGA GGCTANACTT GNTCTGAAAN GN 212

配列番号：6226
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07387
配列：
GATCTTACTG AAGATGATGT TCCAGCAGCA GCGACTTAGC CCCAGGAGCC CAGTTTCAAT 60
GGCCTTGCTG TGTGGTGTTT CAAGTGCATT TAAAATGTGT GACACAGNAA CGGCACACTC 120
TTNCACATGC TTTTGNAGTA TTATAANNCA CTTTATTACA AATTTGTCTT NGCTATTAGC 180
AAATANAACT GATTATCATT CTTTATTAAC CCACCTNGGC CTTTTNNAAN CCTCN 235

配列番号：6227
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07388
配列：
GATCTCACTC TTNCCCAAGC TGGAGTGCCG TGGCAAACTC ACAGCTCACT GCAGCCTTGA 60
CCTCCTAGGC TCAAGCAATC CTCCTACCTC AGCCTCCCAA GTTGCTGGGC CTGTAGGTGG 120
ACACCANCAT GCCCTGTTGA TTTTNAAATT TTTTTTATAG AGTTGAGGTC TCGGTATGTT 180
GCCAACCTAG TCTCAAACTC CTNGGCTCAC GGCTGTAATC CCCAGCTCTC AGGGAGGNTA 240
AGCGGCGGNN GGNTAGCTTA AGCCNAGGAN TNCGAAGNCC TGNCTTNGGN 290

配列番号：6228
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07389
配列：
GATCCATGGG GCCCAGGNCT AGAGGGCATC CGAGGGGCTG GGCCTTGGCC ACAGCCTCTT 60
GGATGATGTC CTTGCTCCAC CACGCAGGCC CTTGCTTCTC CCATCAACGA GTCTTGGCCC 120
AGGGGACACT GACCCTCCCN CAGGGAGGAG AGAGGAGTTC CTTNCCTTTA AACGAGGGCT 180

TCCACGACCT CTAAGGGGTG GCGNGGAAGG GAGGAGGATG AGAAGATGNA GATTAAATAA 240
AGGTATGTN 249

配列番号：6229
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07390
配列：
GATCTATCTC AGGGCTTGTT GTAAGAATGA AATGAAGTAT AAAGCCATGT AGAGCTTGTA 60
GAATATGCCT GGCACTTTGT AAGACCTTAA TANNTGTTAA CTATCTAANC ACANAACAAN 120
CCNCN 125

配列番号：6230
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07391
配列：
GATCCTAGTG CTCCTGTCTG GTCAGGGCCT ATCTTTATGT GTTCGTTAAA CTTTTAACAA 60
TGAGNATTAA A 71

配列番号：6231
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07392
配列：
GATCTGAAAA GTTATTAAGT TCAACTCCAC AGAGGTTCCT AGGAGAATGT TAACAGTCCA 60
GACCTTTTTC ACTACATCAA CCACGGATGA TTGGCATATA AAATCCTACT TAACCTTTAC 120
ATAACTGCAA TACCAGGAAA CAAATATGTC AATAAAAGGA AACATCATTC AATTTTTGGA 180
AA 182

配列番号：6232
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07393
配列：
GATCCAAAAA ACCATTCAGG CCAAGTNACC CTGACATGTG ACATCTACCT CCCGACCTAC 60
CACCCCACTG GCTGGTTCCA GAACGTCTCT CACCTAGACC TTGCCTCCCC TCCTCTCCTG 120
CCCAGCTCTG ACCCTGATGN TTAATAAACG CAGCGACGTG AGGGTCCTGC TTATCCCTGG 180
TNNGGNNNCA GNTCNATCCT TGCATCANTG GGGAGGACGT GATGNGTGAG GAN 233

配列番号：6233

配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07394
配列：
GATCAGCCTG TGCCACACTT CGCTCTTGAG GAGCTCAACG GTCTGGCAGG GCAGCAGGAG 60
GCTTTCTGGG CTCTGGNCTC CACGGATGCG TGGGCAGNGG AATGTGGGCT ATGTAGTCAT 120
AATAANTTAG GNCACAGAAA AAAAAAANAA AAAANNCN 158

配列番号：6234
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07395
配列：
GATCTCTTTT CATTTGTCAA CCTTTTCAGT AAAGCCCTCT GTTACATCAA A 51

配列番号：6235
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07396
配列：
GATCAGCGAG AAGGACAAGA AGAANNTTCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
GGACGCCAAC ACCTTGGCCG NGAAGGACGA GTTTACGCAC AAGAGGAAGG AGCTGGAGCA 120
GGTGTGTAAC CCCATCATCA GCGGACTGTA CCAGGGTGCC GNTGGTCCCG GGCCTGGCGG 180
CTTCGGGGCT CAGGGTCCCA AGGGNGGGTC TGGGTCAGNC CCTNCCATTG AAGGAGGTGG 240
NTTAGGGGNC TTTGTTCTTT TNGTATGTTT GTCTTTGNGN 280

配列番号：6236
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07397
配列：
GATCTAAATA CTGTGTTAAA ATATAGAAAA ACGGAGACTC TNATAAGGTT TTTNACCTCT 60
ACACTTGAAA GTGAGCTCTT ACAAGAAACT AATCAGTGTT TCGTTATTCC ATATCAGTGG 120
CTTTTACTGT CAACGNTTGT GTAAGCTNAC TTATCTGGCA AACTTTTNCT TTCCAGAANT 180
ACTATCTATN TTACTNTNN 199

配列番号：6237
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07398

配列：
GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAGAGTGCT GGAATTACAG NCGTGAGCAC CGCGCCTGGC 60
CAAGNAAAAA TTATTAGAAC AAGTGAGGCA TCACACTCCT CTGCCATTCA GTCAAAAGTA 120
NGCACCAATT TATTAACACA AACATTACAT AATACATGAT ACAGGCGCAA TCTCGCTACT 180
GCTAGCACTA CGNNAATGTT GTTCTTGCAC TATAACATTA AACTGTTAAA TACTGACAGT 240
GAAATGCACC NATANNGGNN ACCTGTCATC ACNGGGNNN 279

配列番号：6238
配列の長さ：21
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07399
配列：
GATCCAAAAA CTAACTTCAA A 21

配列番号：6239
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07400
配列：
GATCCAAGTA CTCTCTCTCC TAAAGACACC ACCTTCCTGC CAGCTGTTTG CCCTTAGGCC 60
AGTACACAGA ATTAAAGTGG GGGAGATGGC AGACGCTTTC TGGGACCTGC CCAAGATATG 120
TATTCTCTGA CACTCTTATT TGGTCATAAA ACAATAAATG GTGTCAATTT CAAA 174

配列番号：6240
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07401
配列：
GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
GAGGAAACAG TTAATGACCC TGAGGAAACA GGCCACAGAN GTGGCTCCAA GAAAAAGAGG 120
AAATTCTCCA AAGAGGAGCC GGTCAGCAGT GGGCCTGAAG CGGCGGTTGG CAAGAGCANC 180
TCCAAGAAGA TGCAANAGTT CCATAAAGCA TCCCNAGGAN GNTTAAGAAT GCAAATGGAC 240
CATTCTCTTG GNNGGTTNGG NCATACCCAT NAGCCCNAGG TGACATTTCC CNTN 294

配列番号：6241
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07402
配列：
GATCTCGCCC TTACCCCGGG GTCTGGTGTA TGCTGTGCTT TCCTCAGCAG TATGGCTCTG 60
ACATCTCTTA GATGTCCCAA CTTCAGCTGT TGGGAGATGG TGATATTTTC AACCCTACTT 120

CCTAAACATC TGTCTGGGGT TCCTTTAGTC TTGAATGTCT TATGCTCAAT TATTTGGTGT 180
TGAGCCTCTC TTCCACAAGC GCTCCTCCAT GTTTGGNTAG CAGTTGAAGN GGTGTGTGGG 240
TGGGCTNTTG GGNGTGAGGA TGGAGTNTTA AGTGCCNACT NNCNNCTNNN ACCNN 295

配列番号：6242
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07403
配列：
GATCTAATCC CTTCAAGGAA GTGATAACAC TGGGAGTGGT AACAAGAGGA GCAGGGAAGC 60
AAGGGCCAGC CCCTGGTTCT CCATCCCNAT GTGTTNGAGG GTGGGACCAG NTGGACCTGG 120
TCCAGGCCAG GCCTCATTCC TCCTGGNCCN GGCAGGGTCA GAGGGNGGAG GGGCNTGGTC 180
CAGGNATGGG TCCNTTCCAN N 201

配列番号：6243
配列の長さ：26
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07404
配列：
GATCTTGGCA GTTGATAAAA CGTAAA 26

配列番号：6244
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07405
配列：
GATCGNTGCC TGGTTTGTCT TCTCTGTGTC CTGGAGCAAA GCCAGTTCCT AAAACTAAAA 60
CTCCATTCTA GTCTTGGGAA GAAAAGTTTC TACTCAGAAC TGGGGAAGGA GTGGAACTTA 120
TGACTTGGGC CTCTAGGCTG TCTCTGTCCC CTCAGCTCCC CGACATGCAT TTACTCTCTG 180
CCGTGGGTCT GCAGTCGCTG CAACCTACCC TCTCTCTGCC TCAGCCTTAC ACCCAAGCAG 240
TAGGTCTGTG CTCTCCCTGT CTCTAGGTCG NTGAGAGAGG TGCTTTTNTT CATAAAACCT 300
TTGGGGTTTG GGATTTCCCC AGAN 324

配列番号：6245
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07406
配列：
GATCCATTCC GGCGCCTTCC TCTCCCAGTC ACCCAGAGGG CCCCAACCCC GGCGGNCCTT 60
TCTTCCTCAA ATGTCCTCGG CTCTATACCG TGNCTGGGTC TTTTNTCTNT CTCTCTGCCT 120
GGAAGATTCC TTCTTTNCCC TTTTGTCTTG CCCACTACTG TTTACCCTTC AAGTTTCAAG 180

GTCATGTCAC TGTCTNAGAG AGGTTTTCCT GTGNTNGACC TGTTTTTNAT CAGGAAGGCT 240
TGCTNNTTTC CATNAN 256

配列番号：6246
配列の長さ：37
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07407
配列：
GATCATTAAA CCTGGCTTGA GTCTCTGTTC TGGCAAA 37

配列番号：6247
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07408
配列：
GATCAAGNTT GNTCTTCTGT GATATATGGG ATATNATGTT TTAAAGACCA TCTTGGAATA 60
CAATTAGAGA ACTTAGTATT TTGATGTACT AAGACCTATT TTAAGTTTAA TATTCTACTT 120
TGCAAAANCT TTAATTAANG ATGTTATTTA AA 152

配列番号：6248
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07409
配列：
GATCCTGCAT TAAGAAATTC AAAAATCAGT TAATCATCGT TACATGTTGT AAAAGTTGGA 60
TACTGACAGT CTCTAATAGT TTATCATCCA ATNGCANGTA ACCTACAATT TTAGGCATAA 120
ACGTTGATGT GTATAANCAT GNATACAACG CTANTGGCTG GTCACAGTGT TTTCNCAAAC 180
TACAGNTCAC ACCANGTNTT TCTCCTNTTC CTN 213

配列番号：6249
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07410
配列：
GATCTCCTCT TAAGCGGAAA AGAGATTGAC CTTCTAGCAG AGGCAAAGAA TGGAGTCTTC 60
TGGGGGCAGC TGCAAAGCGT TCTCCCTAGG ACAGATGGAG CCTCCCTTTC CTCATCTACT 120
CTGTGGGTGG TTTCAGGGCC CACGAGTCAA CATNAGGAGT TGTGCTGGTG GTATGTGTGT 180
TGGAGGCTGG GCTGGCTGAT TCACAGTGAC GAGGATGTCA CTAATANCAN GTATTGCGAN 240
TGNTGATACC TAATAANAGN CTTTTTTTCC CAAA 274

配列番号：6250

配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07411
配列：
GATCACCATG CTTGAATGTC CTCTACTGCT GATTCTAACA TCCGTGTCAG TTTTGGACCG 60
GTTTCAGTAG ATGGATTTTN CTCCNNGNNA TGGGCCATAC TTTCCTGCAT TCTTTGCATG 120
CCTCATAATC TTTGATTGGA TGCCAGACAT TGTAAATTTT ACCTTGTTGG GTATTGGATA 180
TTTTTGTATT CCTATAAATA TNCTTGNGCT TTGAAA 216

配列番号：6251
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07412
配列：
GATCTAATTT TGTATGTGGG AATCTTGCCT TGCCCTGATT TCCAGACCCA TAGGCAGGCT 60
TGCAGGCTGT AGCTGGGGAA GACCCCACGC TTATNCTGGT GCCCTGAGCA AGCCCTCCTG 120
CTCCACTATT AGGCAGAAGC ACCTGTTCTG CCACAGGAGG CGCTGTCTTT TGCTGGCAGA 180
GCTCAGTTTC CCTTAAGGGG AAGTTCCTTA GGATTTAAGG CCTCATGACT ATCTCAAAAC 240
CCATGTTTGT TTGCCAATAA AGNAAATAAA TAAACTGTAA AAAANNAANN AACNACCANN 300
NAAAAAACAC NAACANCAN 319

配列番号：6252
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07413
配列：
GATCTACTGT TTGCATGTAA GAGACCAGGN TATGTAACTC TTATATTTTA AGTGTATACA 60
TATTGTGTAT ATAACATATG GATATTAAAA ATGGGGANTT GCACATTTAA A 111

配列番号：6253
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07414
配列：
GATCCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTNT GTGTCTCCCA GCCNATTTCC ACTCCTAGTT 60
TGTCATGGNT ANTTTTTGTT CTTCCCTGTG TGAGGGGNGC CATCAACN 108

配列番号：6254
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07415
配列：
GATCACAACC ATCAGCATCA CGGCCACAGC AGCCAGTGTT GGGGCTGCTG GCATCCCCCA 60
GGCGGGTCTG GTCACCATGG TCATTGTGCT TACGTCGGTC GGCTTGCCCA CGGAAGACAT 120
CACGCTCATC ATTGCCGTGG ACTGGTTCCT TGACCGGCTT CGCACAATGA CCAACGTACT 180
GGGGGACTCA ATTGGNGCGG CCGTCATNGA GCACTTGTCT CAGCGGGNGT GGAAGCTTCA 240
GGAAGCTGAG CTTACCCTAC ACAGNCTGGG GAAACCCNTA CAAGTCCCTT AATGGNACAG 300
GACGCAGGGG AGCATAN 317

配列番号：6255
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07416
配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCTA ACACGGTGCT GGCGGAGATA ACACTCCCTT GAAGCAGTGG 60
AGTACAATCA AACATCTTGG CTGCTCCTGA AACCNGGTCC CACGNATTTC AGTCCGGCTA 120
AGANCGAAGA GCTGGTAAAC CANTAANTTG GGTGGAGGCC GAGAGCTCGG GGCCGCGAGC 180
AAGCCTCCGA CGANNTGGTC CCCTGGACCN NCNGGTTN 218

配列番号：6256
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07417
配列：
GATCTNACTC ACAGAGGGAA GAACTTATAA TTCTTCACAG GTCACATAGA AGCATGANAA 60
TTTGGGTTCA AGCAAGTAAA TTCTAAATCA GAATCCATAC ATAAAGTGTT TGCAATGTCC 120
AGTTATATCT CCATGATATT TNCTTTGTGG AAGTTGATTG TCCTTCCTTA CAATAAATTG 180
CTTGANTTGT CAAA 194

配列番号：6257
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07418
配列：
GATCCTGTGT ATTTCCCTGA GTCTTCTAAC ATATGAAAAT TCATATCTAA ATCAACAAGT 60
GACTGTAATC TGGTACTATA AATACTAAAT AAACACTTCT TCATAACACT GTACCAATTC 120
AGCTTTTAAA TTTNATTACT TTGCTTTCCT GTCCTTTGCC AACTCTTAAC CTAGTTAATC 180
CTAGTNCTGT TGACATTGGA CCAGGCTCAG TAAATAANCG AATGGATTTC CAGCCTTTTT 240
TTCCCATCTG TNCCTGCTTT TANGTCCTCT GAATCTGCTT CTTTGCTTNC TGCTGCTTTA 300
ATTTTANCAG TGNTTTTNGT CAAAACATAG GNTNCAGGGN CTNNN 345

配列番号：6258

配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07419
配列：
GATCTGGGTT CTAGAGGGCA TGTGATGACT GTAAATGTTC ACTGGGTGGG TAGGGAGTGG 60
TATCCAGTGT TCAAGTGCAG AAATCTTTGG CTTNGCTACC AGTTCCATAT GATGAGAAAT 120
AAACGTTCGC TGAGGTTTTG TTTCATAAAA AGANNNNNAA AANNTCN 167

配列番号：6259
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07420
配列：
GATCCACACT TTTAAAGAAA TTCCATAAAT GTATATTTTG TATTATGTAT TATTTCCTGG 60
TCCNAAGAAA ATATGTGAAT TCAGTTCTAA CTTNNGGANT GTACTGTTTG TTTTCANGTT 120
CATTGNAAAN 130

配列番号：6260
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07421
配列：
GATCCGAGAT GGCACCATTG TACTCCAGCC TGGGCAACAA GAGCGAAACT CCGTCTCCAG 60
ACAAACAAAC AAANCAANAA CAAGTGTCCC TATNNGNATG GGTGTGTTTN 110

配列番号：6261
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07422
配列：
GATCTGGCTG TCTAGAGGGA TTCTACGACT GCGTGCTGCC GCCTCCCCAA GAGGCATTCA 60
GGTTATTGGA GAACTAATCT CATCTCAAGG GGCCAGNCAC CAAGTCCCAA AGCCTACAGA 120
CCTCTTTCCG CCAGGCCCTG AAACCTGGCC CCGTGCCAGC AGGATGACAA GCCCCAGGGC 180
GNTCCTGATG AATATGGCTT GGAGATGNTG TACAANTTTT TATTNCCCTN TGGNTTTTGA 240
GGNATGAAAT GATTTGCACT TTTGAAAACC TGTTAACCGT AGGCCNCTTN GGNCANTGAN 300
GNNTGGAAGN 310

配列番号：6262
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07423
配列：
GATCCACTCG GNCAACCCAA CAGTTTTACC AACCACCCCG GGCTCGGAAC TAATAGGNAA 60
AGTAGACTCT TTGTGAAGAA ACGAGCCANT NNCTGGAACA CCCTGGTGGA AACCTGTTGA 120
CANGCCCTN 129

配列番号：6263
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07424
配列：
GATCACTTGA ATGTTAGGNT TCATAGNACT ATACTAATCT TCTCACAAAA GGTCTATAAA 60
ATACAGTCGT TGAAAAAAAT TTTGTATCAA ANTGGGGNGG CAAATTNGAA GCTTCTCCTT 120
AANCTGTATT GATACTGACT TGAATTCTTT TCTANAN 157

配列番号：6264
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07425
配列：
GATCTCCTTC TTTAGCTCAA GGTTGCTGCA ANTTGGAGCT GAGCTGTCAG TGGAACGNGT 60
CCTGGAAATN ATTAAGCAAG GCGTCGTTGC GCTGCCCAAN GACAGACTGA AGAAATTTCC 120
AGANTTGAAA TTCAAATATG TGGAAGNGGA GCAGCCCGNG GNGTTTTTAT N 171

配列番号：6265
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07426
配列：
GATCCTACAT TTACAGACAG TTTTGTCATA ACCCTTTGCA TTGCAGCACC TAGTACAATT 60
CCTTGGAAAC AGCGTGGCTC AATAAATTTT TATTGAATGA ATAAATGTGG GCCCAGAAGC 120
GTGCTAGANG AGTGCCTTTC TGGGCTACTN AAAAAANNAA AAANACNAAN AANN 174

配列番号：6266
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07427
配列：
GATCAAAGAC TCCCTGGAGC GAGAAAACAG TTACTGCCAG AAGCAGAATG GAAGAGCCAA 60
AAAGTACACA AAATGGACGC CATAANTTCT GAAATAAAAG TGTATGATGT GTTCTGAGTC 120
AAA 123

配列番号：6267
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07429
配列：
GATCTGGGCC TCAAAATACC ATAGTAGCTG CTTGATAAAA TTCTAAAAAT ATCTGGTTCT 60
CTATTATGTA AACACTATTA CAGTCACCAG TGTGTGAAGA CTCTTGAGTC TGGTTCTCAT 120
ATCAGAGTCA TCATTTTTCT TCCNGTGGAA TAAANTGCCT TGTGGNCTTC CAAA 174

配列番号：6268
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07430
配列：
GATCTTTTCA CTGGCTGACT CTCCCATATC TGCAAGAGAT TCTGCAGGAA CTGGGTGTGC 60
ACACGGTGTT GTAGCCAGTT CAGGTACTGN ATATTTAGGA TTTGGTGNCG TTCACTGTAT 120
TGCTATATTT TTGTAGCTAA ATAAAANCTCA ATAANTTGTT AAA 163

配列番号：6269
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07431
配列：
GATCTCCAGT ACTTTGTACA ATGTATAGTA TATTAAATAC ATTTATGTGT AATTTTGTGT 60
GTATTTNTAT ATGGTATAAT TAAAATNATT ACATTTATGT GATTGTAATT CACAAAANGT 120
ACTACTTACT ATATNCTGTA GNGTGTGTTG TGAATGTNTT TACCNGTGTT TGAGCATTAT 180
GGNGTAGGGN TN 192

配列番号：6270
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07432
配列：
GATCTTCTTT TGTAATGTTT TTCATGTTAC TGCCTAGGGC GGTGCTGAGC ACACAGCAAG 60
TTTAATAAAC TTGACTGAAT TCAAA 85

配列番号：6271
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07433
配列：
GATCCTAGTG AGGGATTGAT GAATGTTCTA AAGAAAATTT ATGAAGATGG AGACGATGAT 60
ATGAAGCGAA CCATTAATAA AGCCTGGGTG GAATCAAGAG AGAAGCAAGC CAAAGGAGAC 120
ACGGAATTTT GAGACTTTAA AGTCGTTTTG GGAACTGTGA TGTGATGTGG AAATACTGAT 180
GTTTCCAGTA AGGGAATATT GGTGAGCTGC ATATATAAAT TTGACAGATA GCTATTTACA 240
TAGCCTTCTA AGTAAAGGCA ATGAATTCTC CATTTCCTAC TGGN 284

配列番号：6272
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07434
配列：
GATCAGTATT AACATCCAGG TTTTGATTGT TGTANTATGG TTACCTGGTA GATTACCTTT 60
GTATATAGGN AATAGACACT GGAATAGTAA GGNGTAGTGG GTCAAGATGT CTGCAACTTA 120
TTGTTCAGAA TCACTCACAA NTGGGNAATC TGATATAAGG NCAAANTGGG AGCACTGTGG 180
CCTNTTTTTN CAACTTTTGT GTACATCTGN N 211

配列番号：6273
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07435
配列：
GATCTCATGA AGTCTTCCTT GGCCCAACCA GGCAGATGCC CCGGGCTCCA GTGGGGGGAG 60
GGGTCTGGGG TCTGGTCCGG GTTCCCNAAT TTCTCTTTNN CCCANATCNC TATTTCTACG 120
CAGTGCGNAT AAAATTTGGA NTCGACTAAA ACCCTTGGTG CCCNGAAAAN 170

配列番号：6274
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07436
配列：
GATCTGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACGTGTGCCA CTGNGCTCGG 60
CCTCAGATTC CATATTTNAA CACCAGCTGA TTGAGAGAAG GGGAATNAGA AGAGCTGGAT 120
GAGTTTAAAT AACTTTNATT GTTCAGATTC CTGAACAGGN GTTGGGATAA TGGCCATCTT 180
TNCTTTCCTA TCCTTCCCCC CCTCACTGTG AAAAATAACA GTCCACCCCA AGTCATACAC 240
TGGACCCAGT GCCTGCGGGG ACAGGNCTGT GGGTTTCTTG GTCACACCTG TGTTGGTGNT 300
N 301

配列番号：6275
配列の長さ：198
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07437
配列：
GATCCAAAAA ACCATTCNGG CCAAGNAACC CTGAAANGNA ACATCTACCT CCCGACCTAC 60
CACCCCACTG GCTGGTTCCA GAACGTCTCT NACCTAGACC TTGCCTCCCC TCCTCTCCTG 120
CCCAGNTCTG ACCCTGATGC TTAATAAACG NAGCGACGTG AGGGTCCTGA TTCTCCCTGG 180
TTTTNGGGGG GNTCCATN 198

配列番号：6276
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07438
配列：
GATCTCTACT CAAAGATGTC TTGCAGTTTA TGAACTGAGA TGTAACTTCA TGACTAACAT 60
GATGACATCG TTATTAACTA CATAAACTTT ATAAAGCTTA AA 102

配列番号：6277
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07439
配列：
GATCTTAATA CCTAATTTCA TCATTTCTGA AAATGTACTG TTTTAGAATG TATTACAATA 60
TCAATGTGAA TATCTTGAAT CCTGTTACAA ATCCTGCACT GTATTAAACA TGTAAATTAA 120
TTGTTTGTCT GATTAGCCAA TCTCACCACC CAAATGGGGA GGTATACATG TTTGANGAAC 180
TGTGTAACTC AGTAATTGAT TTGTNCTGAT GTTGTAACTC ANTAGANGTG TTTTGGAAGG 240
NAGCATGGTG TGTGAGGCAG TGTCTGTCCT TTTGTGCCAG CTCTGTATGN TGTTTGTNGG 300
CCNTGTTTGT AGGCCTGN 318

配列番号：6278
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07440
配列：
GATCTCGCCA ACAGCTAGCT GCTTAGGAGT ACCCCCACGA TACGCACAGC ACACCACTGT 60
CCCTTCACTG CACTTTCTTC CTGCCTTAGG TAGTTGGGCT TGCCCACCCT AGTTTGCTTT 120
TGTAGTGGTT TGGCAAGGTT AGAAGGCCTC GGCCTCTCTG TNATGCTGGG AAGTGCCTAC 180
TCTCTGGGCC ACTGCTGCAG AGGCCGTGGC ACTTGTNATG GGTTTGGAAG ACCCAGCCAT 240
CTGCAGCAGA GGCAGCCTAT TCCCATTGCA AGGNGNGGAN TGAACGGAGT AATTATTCTA 300
CTNTTCTTTT TACATAAATA N 321

配列番号：6279
配列の長さ：290

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07441
配列：
GATCCTGCAC GTCCGCAAGC CGGAGAAATA CCAGCTGCAC CTCCACGAGA GCTGCGTGCT 60
GTCCCTGAAG TTTGCCTCCT GCGGACGGTG GTTTGTAAGC ACCGGGAAGG ACAACCTGCT 120
CAACGCCTGG AGGACGCCGT ACGGGGCCAG CATTTTCCAG TCCAAGGAGT CGTCCTCAGT 180
CCTGAGTTGT GACATCTNCA GAAATAACAA ATACATTGTN ACAGGCTNGG GGGCCAAGNA 240
GGGCACCGTG TATGNGNTNG TNTNCTTNGG CCATTNNCCC NTTCCTGTNN 290

配列番号：6280
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07442
配列：
GATCCAGTCT NTGGTATCAT GCTAGTNCTG ACAGGGCCTT GATAGTCTAG AGTTGGAAAA 60
GATGGTAAGC TTTTGTNAGN GTTTTAACAT TTNCTTGATG AAACAATAAA AAGAGGTAAG 120
CTTTTNCCTN 130

配列番号：6281
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07443
配列：
GATCCAGTTT TGTTTGGGAC CAAAAACCAG TATTGTACAA AGTATTAAGC ATATATTTTN 60
ATATTTACTA AAATNGACTG TGGTGACTTT GGATAATAAG NAAAANTTTA ATATTAAANC 120
CATGTTTATT ACAGTATAAT TAACATGTTA AACCATGGGG NTAAATGCCA TCANTAAAAA 180
ATTATGNCAT NN 192

配列番号：6282
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07444
配列：
GATCCACCCC CTGCCCGCAA AACATTGCTC CTAACTCCAC CGNCTGTCCC AAAACCTATG 60
NGANCTAATG ATAATCCCAC CACACTTTAC TGACTNTNTT TCCAGACTCA GCCCGGCTGN 120
ACCAN 125

配列番号：6283
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07445
配列：
GATCTGAGTT GCAGCTCTGC ACCCTAAATC ACACCCTGGG CATTGTCTGG GCTGCAGGGC 60
TGCCAGGTTC TGTACTTGTG TCCAGCTATG GCCCTGGNTG CTGGAGCTGG AGGGTTTTCT 120
GTGCTCAGAC TGTAGCCTGT AGCTCTTGGC CTGTGTAGAG CCCCCTCCTG TGCCCTCAGT 180
GGCTGTCGTT TGTTAACATN ATCAGGAAGA TGGGAAAGGT CAGGCAGNAT TTTTCTGNCC 240
TACAAAGGGN GGNNGAGAAA GGACACAGTA TTTTNAATGA NTTTACCATA TATCTTTGGN 300
N 301

配列番号：6284
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07446
配列：
GATCCTTGNT TTCTAAAAGC CAGTCCTNCC CTNCAGCTTT CCACAGTTTC TGTAAATGTT 60
TAATACTTNT ACAGTCAATG GCAATTTTAA ATATATATAT ATAANATN 108

配列番号：6285
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07447
配列：
GATCTGGGGG AAAGGCTGCC AGGGCCAAGA GGCTCGTCTC ACTCCCTGCC CTGCCATTTC 60
CCGGAGTGGG AAGACCCTGA GCAAGCAGCA CTGCCTTCCT GAGCCCCNGT TTTCTCATCT 120
GTAAAGTGGG GGTAATAAAC AGTGATATAG GNGTGCAAA 159

配列番号：6286
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07448
配列：
GATCACTTGA CTCTTGTAAA CGGACCTATA CTCAAAAGGC TTTGGCACAC TGTCACGNTA 60
TTAGTATACA AATGTGCATT TGTGTTTAAG TTAAANTGAG GTNTGCNGGG TAAACTGCNA 120
ANTAN 125

配列番号：6287
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07449
配列：
GATCTACAGT AATTTATTCT NTCTAAAAGT AAAGCATTTT CAAAACTCAG TATTTAAACC 60

AAA 63

配列番号：6288
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07450
配列：
GATCTTTTCC ACTGGNCTAC TACCTGACCA TAAACATGTC TGCATTTGAA TTCTCTAAAC 60
CCTAAATCTG TGTCTATGAA AAATACAAAT GACTATTAAA TAAA 104

配列番号：6289
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07451
配列：
GATCTACCCA CCTCGGCCTC CCAATGTGCT AGGNTTACAG GCATGAGCCA TGGCGNCCGG 60
NCAAGTTTCT ATTCTTAAAA TAAAGAGGTT ATACATCTAA NTTACAANTC GTGGCCAAAA 120
NGN 123

配列番号：6290
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07452
配列：
GATCTGCCCG NCTCAACCTC CCAAAGTGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC CGCCCCCAGN 60
TGATTCCAGG CGAATTCTTC TCTGATGGGC GGGCGAGGGT GTGTTCGTGT GATGGGTTGG 120
NGTGTGTGTG TCTNNGTACA CAGATGATGT GTTTTCCCTT CAGCTTCTTA CGTTTTCTGA 180
GCATCCGTTG TGCCTTAACA TTTTCTGNTT GTCCTTTGGG NCAAAGCAGT ATTTTACTNA 240
TNCTTTGAAT GTTCTCATTC TATTNTATCA TGTGACTTAT TAAAANNAGN TTNTAN 296

配列番号：6291
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07453
配列：
GATCTGATGG ATTAATAAGG GGTNTCCCCN ATTGCTTGGC TCTCATTCTC TCTTGTCTGC 60
TGCCATGTAA GATGTGCCTT TTGCCTTCCA CCATGATTGT NAGGCCTCCC AGCCACATGG 120
AACTGTGAGN TCATTAAACC TCTTTTTCTT CATAAATTAC CCAGTCTCGG GTATGTCTTT 180
ATCAGCAGTG TGCAAGNNGG GGNGNTACAC CACTNCTCTA ACTANNTN 228

配列番号：6292

配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07454
配列：
GATCCTGTGG TCAGAGGCCT CTTTGGCAGT GTNTTCTTAC CCTTAAGNAA GGTCATGAAA 60
TCCAGAAGGG GCAACCTTTN CAGGAGAGCT TTGGAGTCAT TTCTGTGTGA GNCACTATTG 120
CATAATCCTG NCAGNTTGCT TTTATATTTA AGGANTGATG TTACTTANCA ACTGAN 176

配列番号：6293
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07455
配列：
GATCTGACTG CTGGCTATAG GATTTTGGAC TTAATGACTG AAATTGCAAA TTGTCCTTTT 60
TCTTGGCATT ACAGATTTTG CCAAAATAAC TTTTTGTATC AAATATTGAT GTGTGAAAGT 120
GAAGGAGCTA GTCTGCTGAA CCAGGAATAG TTTGAGATAT TGAACTGTCA TTTTTGNACA 180
TTTGAATACT TTGCAGGCTG GCTTTGTATA AACTTATCCT CNGGNNNCCT ATATGTTGTA 240
AATATNTAGN CCATAATTCC ATTATAANTA AANCCTATAA ACTATTCAAA CNAANANCAA 300
ANAACANANN 310

配列番号：6294
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07456
配列：
GATCCCAAAA AGTTTCCTTC TGCCCTTTTT CAATNCCTCC TTCCCGCCCN TCTGCTTTTG 60
TCATTATATA TTACTTTGCA TTTCCTAGAA TTTCATATAA ATGGAATCAT ANAGTATCTA 120
CTCTTTGTTG TTGTCTGGCT TCTNTCACTC AGCATAATTA TTTTGAAACT TATCTATGCT 180
GNTGTGGGTA TCAGTAGCTC ATTANCCNAT TGTTGCTGAG TAGTNTTTNA TTGTATGANN 240
GTGCTACACG TTATNCGN 258

配列番号：6295
配列の長さ：31
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07457
配列：
GATCTTAATA AATAATACCT TACTGCTTAA A 31

配列番号：6296
配列の長さ：38
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07458
配列：
GATCTATGTA CAATTTTAAT AAAATCCTGT CCATGAAA 38

配列番号：6297
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07459
配列：
GATCACCTAC TAAGANGTAC TTCCTACNTT TCATTCTTTC TTTATAAGAA TTAATTAANT 60
TTTAATTGAC AAA 73

配列番号：6298
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07460
配列：
GATCCACCCA CCTTGGCTTC CCAAAGTGCT GGGATNACAG GCATGAGCCA CCGCACCCGG 60
CCCTATCTCA AGCTTCTTAA CTGCACCTGC TAAATCCCTT TTGCCATGTA AGGTAACGTA 120
CCAACGGTTT CAGAGNTTAG GNTGTGGNCA TTTTGGGGGG CTGTTTTTCT GACTGCAATA 180
CCTGGTNTCC AGTGAATCCA TGTTTAGTGG AGGACAACAT TTGAGGCACT TACATGGATN 240
CTAGGGGACA TNTATGTGAN TGTTAGGCAN AAAGTGCTGC CTNCANGNCA NGCAAATACC 300
NATTNAATAT N 311

配列番号：6299
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07461
配列：
GATCAAAAAA TAACTATAAG TATCCTCAGC CAAGTAGCCC ATGCCGCTGC TCTGCCTACG 60
GNGTACTCAT CTTTATTTCT TTACTTTCTT AATAAACTTG CTTTCAATGT ACAAA 115

配列番号：6300
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07462
配列：
GATCCTACTG CCTCGTCCTC TCAGAGTGCT GGGATTACAG NNGTGAGCCA CCACAGNAAG 60
NCACAAATAG CGATTTTATC TACTACCACC AGAAATCTTC TGACATACTG TTTTACCGCA 120
TGAACTATTG TTTTCTTTAT AAATTCCTTA ACAAATCTCT GTTGTATAGA ATACTGTTGG 180

TTAAAATATA TCAGCAGCTA ATAGCTCATT TTAAATAGAT TCTGAAAGTT CAAGNATTTC 240
AGGTTGCCAG NCACCNNTAT ACTCTACANA ATCAGANANG GCTCATTCCT GNTTNCTNAC 300
ACAACAAANN 310

配列番号：6301
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07463
配列：
GATCAGGGAT GTCCAATCTT TTGGCTTCCC TGAGCCACAT TGGAAGAAGA ATTGTCTTGG 60
GCCGCACATA AAATATGCTA ACACTGACGA TAGCTGATGA GCTTAAAAAA AAAAAANTTG 120
CANGAAAAAT CTCATGTTTT ANGAAGGTTT NCAGNTTTGT GTTGGGCTGC ATTTAANGCT 180
GTNCTGGGCT GCNTTGGNCC CGNGGGCTN 209

配列番号：6302
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07464
配列：
GATCATAGCT CCTGGTAACT GTGGACTTGA TAGATTTNAG GTACCTAGTT CAGAACTCCC 60
TAGTCACCAT CTCCAAGCCT GTCAACATCA CTGCATATTG GAGGAGATGA CAGTGGTAGG 120
ACCCAAGGAA GAGATGTGTG NCTGANTAGT CGTCACCATA TCTCCAAGCT TCCNGGCAAC 180
CAGTGGGAAA AGAAACATGC GAGNCTGTAG GAAGNGGGAA GCTCTTCCTT GGCANCTAGG 240
AGGNNTTAGC CATTCTCTTC CTTATGCAAN GATTGAGGAN TGCAACAATA TAAAGNACGT 300
GNAGTCCCNA NN 312

配列番号：6303
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07465
配列：
GATCCGCCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGTT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CGCGCCTGAA 60
NCTGAAGGTT ACTTTTCTTT TCAGTGGTTT GGGGCAGGGT GTTACACAGC TTAATAGATT 120
AAGAAGAATA AAATGCTGAA TGCTAAA 147

配列番号：6304
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07466
配列：
GATCATATTT CCTCAAAAAT AAGAGAAATA AGGTTCATAA GGAAACTTGC TGGGATTGTG 60

GTTGTTTTGT TTTCTCAGCA GCACAAACAA AACCAGAATT TAGCCTTTAG GACTGCTGAG 120
TAAGCCAAAT TTAAATGACT ACTGCTTTGT NCATGGGTAA GCCATGTNCT TTTCAAAATA 180
AGTGCCACTA AAANCCACAT AATGCTTTGG TTTCTATGTG GCTAATANNT ATTTNGTCCT 240
ATAGTTTATC TTATTTGTNA CTGATTTNCN TCTCTTGNAT GCCTCATATT ANTN 294

配列番号：6305
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07467
配列：
GATCCATTCG CCCCAAGGGG ACAACGGGGT GTCAGGGGAG TNAGGGGTGG AGGTAGGGGC 60
CAAAGAGGCT TACACGATAT CCCATACCTT TAATGCCTTT GGCCTTCCAT TCTNACTTCT 120
CTNATGAGAT TATTGTCAAC CCTGCTTTCC CTGGTAGATA TTTGCCAGGC CCAATGCTTT 180
AACCTTAAGC TGATATTTTN CCTTTAGATG TCAATCTCGT TACCAGCAGC CTTTTGACCC 240
AACTNCAGNG NTCTATATTT NCGTAGNGGN TTTTCNCCCA TGTGCATGGA TNTN 294

配列番号：6306
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07468
配列：
GATCCCAGAG GCTGAGGGTT GGGGAGAGGA AGCCATCATC TCATTACCTC TGTCAGTGCA 60
GGGGTGGCTN CTNCTTCCCT TGTGCACTTG GGTCGCTGTG ATTGTAAATA AACGTGATTT 120
CGTACCAAA 129

配列番号：6307
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07469
配列：
GATCTCTTTG TNATTTAAGA AGTGGCTGGA TTGGAACTTT TAATATGCTA ATNTGGAAAA 60
TTAATTACCT TTATGAAGGT GGTTTATTAC AAATAAGCAC ACTAACCCCT CGGAAGTTGT 120
TTTACCTACT TTAAAAGTTT TANTGGATTG CNCCTCTGTA ANCTATTCCT AANNTGTGTA 180
TGANATATTT NAN 193

配列番号：6308
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07470
配列：
GATCTTTCTT CCTCTCCAGC CCACAAGTGG CTCTAGTGAG ACGAGCATTT AAGCTGCAGG 60

TGGTGGCACT CGGGTCTCAG AGCCACCAGA CGTGCAGGTG GGACAGTGGT TCCAGCTCCG 120
GCTGCCTGTN AGCGTCCCTC CCAGGTGCTA GCCCTGGCAG GCACAGCCCT NCCCTCATGC 180
CAGCAAAGGA AATGCTCTTG ATGAGAGGCT CGCTTTAAAG AAGCCCAAAG CGTGTGCTTA 240
TCCAAGGGGT TCAGCTATTC CTGACTTCAC GGCTTGCATG TTTGATTTTG N 291

配列番号：6309
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07471
配列：
GATCATATGT ATTTNTATGT TCTGTAAAGN ATTTGACTTA CTAGTTCTCA ATAAAATTTT 60
ATTAGGACTA TAAAAAAAAA AAAAAANTTT TAATAAA 97

配列番号：6310
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07472
配列：
GATCTTATGT ACATACCCAT TTTAGCTTTC CCATGCATAC TTAACTGCAC TTGCTTTATC 60
TCCTTGGGCA TTCTTACTTA GGATTCAATA GAAACATGTA CAGGGTAAAC AATTTTTTAA 120
AAATAAAACT TCATGGAGTA TCTGAAA 147

配列番号：6311
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07473
配列：
GATCACATTT TGAAATGCCT AAAAGACTTT ATTGTTCTAA TTATCCAGAT GTACCTTTGT 60
AAAATAGCTC TTTTATGAAT TAGCTGATAA GGCTGTATGT TTCTGGANCA AATATTGGGN 120
CACCTAAAAC CTTCCGGTTT CCGGGGGCCN GGGAAATNGG AAATNAGGTT TCNAATNTTA 180
AATNAGGNTN 190

配列番号：6312
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07474
配列：
GATCTGGATT TTTGCCAATT CCTATGAAAA ATAATCCCCA GAAATAAACT ACTAAGGAAA 60
ATAAA 65

配列番号：6313

配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07475
配列：
GATCCATTGG TGTTTGGTTT GGGGTGTTTT TTAAGTTTTT TCTTTTATAT CATCCAGAAA 60
TAAAGACACG TACACTAAA 79

配列番号：6314
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07476
配列：
GATCCAATAA CCCAGTTAGG TATTATAGAT TAGTATTTAA GTTTGCTGTA GATTGTGTGT 60
GTGTGTGCTA AGTAAAAGTN CCATGATTCA CAATTTTAGT ATTAACCCAT GTTGCAAAAG 120
CTGTTACTGG CCAACAGATT GTNATGATGT GTACCATATA ACACAAGCNT TANCTNGGCA 180
TTANCGTTTG TNAAGCCANN TNTN 204

配列番号：6315
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07477
配列：
GATCTCATCT CTGAAAATAA AATACCCCGT TAAAATTCTG GCTTTTGTTT GTTAAGGTTA 60
TTGAGAAGGT AATAGAAAAA GATATGATAC TACTTTNCTC TCTTGGATTT GTAAAANTAG 120
TGGAATTTTC ATAAGGATTT TGTATTTTCT ATTGCTGTAT AACATTATTA ATACAAACTT 180
ATTGGCTTAA NANNCAAANN NNNN 204

配列番号：6316
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07478
配列：
GATCACGAAG ATACATGTGT TTGACTGTTT AATTTGAAAG TTTACATTTT TNATGCTTTG 60
TGTTGGTGTG TAATTTTTGT ACTCTTGGTG GCTAGTTTTT GTCAAATCTT TTTTGGAATA 120
TTGCTTAAAT GTNTTGATTT TATGATAGTG AAGCTTGTAT TCAGTGTTTT GCCAATNAAT 180
ATTATATGCT TGTAATAANN GCAAAAGANA AGCTTAAA 218

配列番号：6317
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07479
配列：
GATCCCAGTG GGAACCTTCA TGCCTTATTN ATTTCTAATG GGTAAAGGGG TTTTNTTACC 60
AAGCATCCCT GACCTCCTGG AGACACCACC TGCTTTCCGG GCGGCACTGT GATGGGAGCT 120
GGTGGCGACT GAGTCCTTCT GTACGTGCAA CTGGGAAACT TTTGTCCTTT GAGGCTAGGC 180
AGCTCCCTGC CCTCCGTGTG TGTCTGTTAT CTGGGGGAGA GGAGTGTGGG AAGGNNTTGG 240
GGGAAGAGCT CCAGCCTGTN TTGNTCCCAA AGTTCTNNAG TGGGAAGACC NGGGTNACCT 300
TTTNAGGGTN TANGGTGNGG GGAANTTNTT TTTTN 335

配列番号：6318
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07480
配列：
GATCTGCGTG TCAAACTGTT CCATTTGTTT ATGTAAAGTG ATATTAAAAA AGATATAAAC 60
TATAACTGTC CGTTACTTTT GGCAAAAGAT ACAACCACAT AATGTATATA ATTCCTAGTT 120
TCCATATTTA TCCGCATGTA AAGGGCCGGT TTATCCATGT TACAGCTCTT CAATATTTAT 180
GGCTAGAAGA NCTCGTATGT ACACTTTAGT TTCCAGAACT GTTTGGTAAC CTTTCGTACC 240
TNATTAGAGG ATTCTNAAAT CTCAAA 266

配列番号：6319
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07481
配列：
GATCCACCCA NCTCGGCTTC CCAAAGTNCT GGGATTATAG GCGTGAGGCA CCGTGCCTTG 60
CCGATAAATG GATTTNAAGC TGAGTCTTTG AGGGAAGAGT AGGACCTGCA CTGAAACAAA 120
AAGACAATTT GTGGGGTTGG GGNGAGGAAC CAGATGTAAA CAATGGAAAG NTTTTGGTGT 180
CACTTTGAGN NGGATTTTTT GGAAGGGTTT TGCAATGTCC ATTCTGTATC TTGGGTTANC 240
ACTAGTAAGT CAAATGGNGA ATAATTTGAG TGTCACTCNT TCCCTNCAGT TNGGAAAAAN 300
TTTTTANCNG TTN 313

配列番号：6320
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07483
配列：
GATCTGTGCT TTTNCCCACT TTGCCACACT GTCTAAGGTG GCTTTNAACT GGAACCCAAG 60
TGCAAATAAA GGTTGGTATT CGCTCCTGAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAANAAA 120
AAAAAAAANA AAATNAACNA AANN 144

配列番号：6321

配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07484
配列：
GATCCCTCCT CACTTGCCCT GCCACTTTGC ATGGTTTNAT TCTTAACCTG GTCCCCCACG 60
TGTNAAGTGT AGTGGCATCC ATTTCTAATG TATGCATTCA TCCAACAGAG TTATTTATTG 120
GCTGGAGATG GAAAATCACA CCACCTGACA GGCCTTCTGG GCCTCCAAAG CCCATCCTTG 180
GGGTTCCCCC TCCCTGTGTG AAATGTATTA TCACCAGCAG NCACTGCCGG GCCTCCCTCC 240
CGGGGGCACT GCCTGAGGGC GAGTGTGGGN NTAGCATTAG CTGCTTNCTN CNNNCCTGGN 300
ACCNACTGTG GCCTGGAATN GNATAGTGGT NN 332

配列番号：6322
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07485
配列：
GATCTAATTA ATGTGAAGGA CTNGCCAGTC TGGGAAACCG CCTGCCACGT GGAAGAGCCA 60
AACCCGACTC TNTGCTGCCA CATGCCGTTC CCATGCCCGG CTGCTGGGCA CCTGGNAGAG 120
CTTCCAGAAT CCTCGCAGAC AGCCCAGAGC CTGCCGCTAC CCTCGGCCTG CCCACCACCA 180
AGCAAGCAGC AAGCAAGATG GGGTTCTCAT CAGTTCTTCC TTCCCACAAT GTAGGACCTT 240
TCCTTTTACC TTTNCAATGG GATAAAATAG TTCAGAGTTC ATTAGTCATA TTTCATTGGN 300
CACAAGGAAT TCAANGGTTT TTTNANCAAT TTANCANTTC ACCCGTCTTA TGTNGTTTAA 360
NANTNANANC NANTCN 376

配列番号：6323
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07486
配列：
GATCACAGAC ACCCAGTNCG TGGNCCCTGT CTTCACCCCA GCNAGCATCA TGTNAGTGGG 60
CCTCGTTCCC CCCGGAGAAT CCCAGCGGGG CCTCANAGAT GCATCTGGN 109

配列番号：6324
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07487
配列：
GATCTTGGCT GCTTTTAACT AGAAGGTTGC TTTNATNAGC ATATTTATAC TGCTGAAGGA 60
TGAGTGTNAA TTTAAATTAA CTTTGCCGTT TTGTAGAGAA AACTATTCAC AAGATAAATN 120
CCAAGTCTTT NCACCTGTCA GGCATGCATA TNTNAN 156

配列番号：6325
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07488
配列：
GATCCCAGTG AAGGGTTTTG TGTGTTTAGG CCTCATTTCT TTGTCTTTTT CCTACTCCGT 60
TCCTGGCATT TCCTGATTTC NAGTGTATAC TCTGTAGTCT CAGTTCGTGT TTGATTCCAT 120
TCCATGGAAA TAAAAAGTAT GTTGTACATA CTGCCGAAGA ATTGTCTTGC AAGTAAAGGC 180
TTCCCCCTTT ACTATAAGAC TATAANTAAA ACCTTATTTN ATCCTTAAA 229

配列番号：6326
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07489
配列：
GATCTTACAC ATTCTGTGTA TAAAGACCTT AACTCCACAG GACGGACATT TTAGAGTTTA 60
AATTATTAAG GCTATCATTC TTTTAGTAAT GTCATATTTG CAAACTTTTT NAGTTTTGGC 120
CTTTAATTTA AAANGCCTAA TTTTAANGTG CTGCCTGTNA GTAACTCTTG ANTAANANCA 180
ANTTATNACN 190

配列番号：6327
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07490
配列：
GATCTCAGCT CTTTNGGTGA CTGCATATGC AGTGGTGACC CAGCACAGTT TCCATCAATC 60
TCGTCAAAAG ACTTGAGGTT GTTGGGCACA GTATTTCAGA TGACCACAGT TAAAAAGCTG 120
GGTATACACA ATTAACANCC AANGTGATAT GCATTTATAC CTTTCCCTTT ATGNCCAATT 180
TCTTTATAAA TATGGCTCAT CTGCTCATAA CTGTTAGNCC CACCCAACTG TCATTAGTAA 240
CCTGAGTGTT TATGCTTGCA AAACTGTATG TTGTTATTGT CTGATTTGAT NATATTCNGT 300
GNTGTTTAGN GAATGCNGTN GTGTTTNANT GNATCACAAA NAATTNCCCC ATTNN 355

配列番号：6328
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07491
配列：
GATCATTTGA ATCTCAGTCT TCAGCCTGCA CTGATTTGTA GCCTGCACTG TCTTACTGAT 60
TTACAAACTG AAATCACTGA GAAATGTCTT TAGTTCAGTG AGAAGAAACC AGAACACTTG 120
TTCCTAGTGT TGTGTTGTTT TTTTTAAGCA AATTACTTAC TGTATTTTNA TGGCAGGNGG 180
GNGAAAAAGT GTTACAACGG TTTCTAATGA AGTCCGGTAT TTANNTGGTA AATGACTAAT 240

GTGTTTAGTA GTGCCAAANT AAACCATTAN NTGNTTGTCC TTTGCCAAAN ANANNANN 298

配列番号：6329
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07492
配列：
GATCACAAAG AAAAAGCATT TTTAAAAAGT TGGCAAACGC TGAAACGCAC TGTGGTATGA 60
GGCGCATTGC ATTTCCATAG CACTGAAGTA CCAGTTTCCA TTCCTGGGCT GNGATTGTTT 120
TTCCCGTGGT TGTATTGTTC TGATTTAACG ACCACCAGNG TAACTGNTTT TTNTTTGTTT 180
GTTTNCTGGT GGGGTNNCCA CCAATTAAAA CTNNTANAAN CCCGN 225

配列番号：6330
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07493
配列：
GATCGACTTC GATAAAATAC TTTTGCCTAA TCAAAATTAG AGTGTGTTTG TTGTCTGTGT 60
AAAATAGAAT TAATGTATCT NGCTAGTAAG GGCACGTAGA GCATTTAGAG TTGTCTTTCA 120
GCATTCAATC AGGCTGAGCT GAATGTAGTG ATGTTTACAT TGTTTACATT CTTTGTACTG 180
TCTTCCTGCT CAGACTCTAC TGCTTTTAAT AAAANTTNAT TTTTGTAAA 229

配列番号：6331
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07494
配列：
GATCTAAAGA CCCGATAGGT GCAGAACCCA TCTGGACACG GAGACCAGGA ATGGAGTTCC 60
ATGGAGGCCT GGCTGGCACT GCACCCGGGC ATGAGGACAC ATCCAGTAAG AAGACCTGCC 120
TCAAGAGGTG CACTGCGGTG ACCAGTGGAG GTNACTGGTT GGAGCCTGGA ATTGGAAGCA 180
GATTCCAAGC TCTGGTGGAC AAACTCTCCA GGCCTGGTGG GATTCACAGC TGGGGCAGNC 240
CTCATCCTGG CTGCNTGGCC ACAGNCCCNN GCTNTTTNCC ACTTGGTGGT AGGGCCGATG 300
CCTTNTTTGG ANGAGNTGGG NTTNTTTTGG TCNCGACTGN GTANN 345

配列番号：6332
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07495
配列：
GATCACAAAG AAAANGCATT TTTAAAAAGT TGGCAAACGC TGAAACGCAC TGTGGTATGA 60
AGCGCATTGC ATTTCCATAG CACTCNAGTA CCAGTTTCCA TTCCTGGGCT GAGNTTGTTT 120

TTCCCGTGGT TGNATTGTNC TGATTTCACG TACNCCAGAG TAACTGNTTT TTTTTTGTTT 180
GTTTTCTTGT GGAGTTAACA CCANNTAAAA NTTGTAAAN 219

配列番号：6333
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07496
配列：
GATCTATTTC TCAGCTTTCA CTTATGTGAG CCAATAAATT CCTTTTTTGT TGAAGGCAAA 60

配列番号：6334
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07497
配列：
GATCTACCCC CCCATCAACG TGCCCCCTCG ACTCCCGGTG CTGCGGAAGA ACTGAAGGTT 60
GCNATGCCTT ACTCTGACGG GAGCATCTGT ATTTTAATGT TAAAAGCCCA CAAAATAAAA 120
ATAAAAAGTA ACTGAGATGA ATTTAATAAA CAAA 154

配列番号：6335
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07498
配列：
GATCTATGCT GTATGCACAG ATTGCATAAT GGCTTTTTTN CTTAACATTA TGTGATAAGC 60
ATTTNCCTGA ATAANCTTAT TTTAAAATAA A 91

配列番号：6336
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07499
配列：
GATCAGGTGT GGCCAATNAA ATTNAAGAGG AAGTCTACCT GGGNTTCTGG GAAAGCTTTT 60
CCAATAAAAG ACACAGGCAT GGCTAACACC TCCCTGGGCC TCTTCTTCCT ACCTTGATTG 120
AGGGTGTGAT GCCTGGAGCC ACAGCAGCCA CTTTGNNNNC ATGACAAAAA GGCCAAGNGN 180
N 181

配列番号：6337
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07500
配列：
GATCACCAAA ACCTGATGTT TTAAATNTGC TTTCTTTTTG AAATTTATGT TTTCAAATAA 60
AATCTCCCTA AAGCAAA 77

配列番号：6338
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07501
配列：
GATCCTATGA GTGTAGTTAA TGACTGTTNG TAAGTCAGTA GAGTAAAATN CTGTGTCCAC 60
GGGGTGTCAC AGCCTCACCA TACCCTGTTG AGGTGTGAAA TGCCCCGTCA GAAATTAAAT 120
ACAAACTTAA ATGTGCCTAT TGGTGTCTAA NCTTCATACA ATGTAAGGNC AGATTCCTTT 180
TNGGNNTACT GGGTGCTGTC GCCAGGTTTG NTAGTTAGAC TTAAAANCTT GANATTCACT 240
TTTTGGGGGG NGGGNTATAC TGANN 265

配列番号：6339
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07502
配列：
GATCTATTGG AAAACAACAT GGAATGGAAT TCTGGAAATN ATTATTCATT GAAGAATGCA 60
GTGGCCAAGA AAATATCAAA TGTAGATTGT NAACGCTTGA GAATCATGGC TATGGTTTCT 120
NATGTCCTGG TAACANGCTG TTATCTTTNN NGACATTTTN N 161

配列番号：6340
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07503
配列：
GATCTAGTTA TAAAATACAT GAAAAGGCTG ATGCAGCAAT CGGTGGAATC GGTTTGGAAT 60
ATGGCATTTG ANTTTATTCT TGACAATGTC CAGGTGGTTT TANAACAAAC TTATGGAAGC 120
ACATTAAAAG TTACATAANT ATTACCAGAG AGCCTGATGC TCTCTGATAG CTGTGCCATA 180
AGTNCTTGTG AGGTATTTNC AAAGTGCATG ATAGTAATGC TCGGNGTTTT TATAATTNNN 240
NNTTCCTTTT AAAGCAAGTN TTTTGTACAT NN 272

配列番号：6341
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07504
配列：

GATCAGTGTG GAAAAGCCTT CANTCAGAAA GGAAGCTTAA TTNTNCACAT CAGAGTCCAC 60
ACAGGCCTGA AGCCCTATGC CTGTNCCCAG TGCAGGAAGA GTTTCCACAC CAGGGGGAAT 120
TGTATTCTGC ATGGCAAAAT CCACACAGGA GAGACACCCT ATCTNTNCGG CCAGTNTGGA 180
AAAAGCTTCA CCCAGAGAGG GAGTCTGGCT GTGCACCAGC GAAGTCTTCA CAGAGGCTCA 240
CCCTTTGACC ACTTTCCTGA AGAGAAGTTC TCTTTATGAA TTAAGGAGTA CAAAATCCTC 300
TGAGNTTGAN GCAACCCTAT CCAAGTTTCT ANTGGGANTG GTTGN 345

配列番号：6342
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07505
配列：
GATCTGTCTG CCCATCTGGC CCAGGGGGTC CGAGAAGGGA AGCCTTGGGC AAGAGGNGAC 60
CAGTTGCAAT ACTGTACTTC CTGGTCAGTG GCCAGAGGAT GCGTGCAATA GCAGAGGCCA 120
GGTNACCCCT TCAGCCTTGG CCTCTGCCNC TCCATTGGCC CTCCCTNCCT GNTNCTNCNT 180
GGTGTNGGTC AGTCCTTTTC TAAAGNTGTC CN 212

配列番号：6343
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07506
配列：
GATCTTCGTA TAATTGGCCA CTAATGTGAG AGTTCACTAC TAGGCAGAAA CTATTATGGA 60
CAGTNAAATA ATGACTTTAA TCTCACCACG TGAGTTTNAT GCAGTCTTTC CTGTCTAGCC 120
CTTGCCTCTN CCTGCCCATG TNATTGCGGT GCAGTAGTTT CTGTNGTATA ATAGTGTGGA 180
CAGCAGCTCA GAAAAGGAGG GAATGCTACT GATAATTTGT AGATAATNNN NTTTANGACT 240
TAGGGGAACC ATTGACCTTT GANATTTTNA TTAGAAAATN ATTTGTNCAG AATCAGACTC 300
CATTATTTNC CATATN 316

配列番号：6344
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07507
配列：
GATCAAAAGG AATGATGTAT TTTTAACGTG TTGGCCAAAG TCACTGGATA AAATGAGAAT 60
TGTATATTTN TAATTCATTT TGCAAATNCA GAAAGTTGGT CCAGATATAT GTCACAGANC 120
TTTNCACTTG TATACTACTC TTACAATGGA AAANNNTCCC GAAANCTGTA TACTTCTGAT 180
TANN 184

配列番号：6345
配列の長さ：361
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07508
配列：
GATCAGACCA TGCAGGTAAG GTGAACCAGC TGCACGGACC AGGTTCCCGC AAAACATTGC 60
CAGCTAGTGA GGCATAATTT GCTCAAAGTA TAGAAACAGC CCACCTGTGC CCACTTTGAC 120
CATTGGTGAG GATAGATATA AAATCACTTC TTCCAACGAA GCCTAGGTGA AAATCTATTT 180
ATAAATGGAC CACAACTCTG GGGTGTCGTT TTTGTGCTGT GACTTCCTAA TTATTGCTAA 240
AGAACTACTG TTTAGTTGGT AATGGTGTAA AATTACATTC AGCTCCTTCT TGTCATATAA 300
ANAGGAATTT GGNGGGTGTC GGTTTAAANA TTTTATTNCA CCTGTACCAT TTNGTCACTC 360
N 361

配列番号：6346
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07509
配列：
GATCTGTTGT TATACCAATT GAATTAATTG AGTTNNTTGT TGGACATTTG GGTTGGTTNC 60
AAGTCTTTGC TATTGTGAAT AGTCAATGGC AGTATTTTNA ATGTTGGTCT ATTATTGTAC 120
TAAATAGTTG TTTATATTGA GCTTGGGAAA GCTTTCGTGT CCAATAGAAA TAGCATATTA 180
AAATAAATGC CACTGTATAT NAATGANAGT GTTGATTATA TACCCTAGAN ACTTAANCCT 240
TAAGGNAGTT ATGTNTNAAT TNNCTN 266

配列番号：6347
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07510
配列：
GATCAACTCC AGTTTCCAAT GTCTATGTGT CTATGTGTGT ATGTNCCATA CATATGTATT 60
CACATGAAGA CCGGCATGGC CAAGTNCTGC TGGAGGAGCA CTCAAGTGTG ACGAGCAGGG 120
CCACTGGACC CTGCAGGGCT GTGGTGTATA TAGTGCAGCT TTGGAGGTGG AACTCTATTT 180
NAACACTTTT CTATGGAGCC TTCCGAGTCC CAGGTTTTNA CTTGAGGCTG TCTGTCTGGA 240
TGGCGGTTTT NAGACCTCCA TTAACATCCC TACCCAGCAT TCTGTACTTC GGGGGGNCTT 300
CTATCTTGTN ATAAAACTTN TTACCAAGTG GAACATCGGT TACCCACCTT TTGTN 355

配列番号：6348
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07511
配列：
GATCGTCCTG CCTTTGTAAG GCAGATTTGG AGGGGAGGCC CAACAGCAAA GATGGAGAGG 60
AAAAAGGGAG TGGAGCTTGT GGAACAGGAA GCCCCCCAGG GTCTGTCCAG GGCTGCTCAG 120
CTCTTNAGGA TGTTGTGGAT GGTGAAGTGG TGATGGTGTC CTGGAGCAGC CCAGCACCTC 180

CACTGGGCCC AGAAGGTCTT GACTTCGGAC ACTTACCCCT GTTTCACAAG TGTTTATAAA 240
GCTGTTTTTN CTTTNGTTTT TCTCCTAAAT AATCCTTACT TGGTAGTTAT NAATCCTTCT 300
TTGGGGGAGG GACAGGGGCT TTAAANCCTG GAGGAAAATT AATTTTNNAT TAANGGAN 358

配列番号：6349
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07512
配列：
GATCATGGAA GCTCCGTGCC CCTTCTCCCA TTCCTTGCCC TAAGTATCGC CTCCATCTGG 60
TTGTTTGTCT GTATCCTTTA TTAATAAACA AGTAAATNTA AGTAAA 106

配列番号：6350
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07513
配列：
GATCAGTGCC AGAAGTCATT GTATTCAAAG AAGAATAAGC AAGAAAGAAA AGAAGGAAGG 60
AAGAGAGGTA GACAGATACA AGATGAAATC CTGTCAAAAA ATGGAAGGAA ANCCAGAAAN 120
TGAGAGTNNN CCANN 135

配列番号：6351
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07514
配列：
GATCAGGAAC ATGGCAAGGA ACACCACACC ACTGCTTTTN AGCATTGTAC TGGAAGTNCT 60
ATATAATGCA GTGTTAAAAA AAAAAGAAAT AAAATGCACA TAGATTTGAA AGGNTGAAAT 120
ACAACTTTNT NCACAAGTAA CATGATTGTN TTTNTN 156

配列番号：6352
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07515
配列：
GATCAAAAAG AAACTATGAG TAACAAGCTA TAACATAGTT CACCACAATG GGACCCCCCC 60
CCCTTTTCCT NACCCTACAG TTAGTAATAT TNCAATTAAA NTANCTATAT TCTNCTATAT 120
TTTNCCTGTT AAAN 134

配列番号：6353
配列の長さ：107

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07516
配列：
GATCCACATA TCTCTAACAC CATTAATATG AATCATTGGA AATATTTTAC TTATTAACAA 60
AGTCTCTTGT GTTAAGCTAC AGATAAAGCT TTTGTGGTAG TGTCAAA 107

配列番号：6354
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07517
配列：
GATCCAGAGA CATGTGGCAG CAGGCATGGC TTCCCCTTGG CCTCTCTGTA CACTGCCCCA 60
GGACTGTCAT TTTGGCATCT GCAAAGGAAT CACTTTAGAA AGCCAGCACC TGGTTGATGT 120
GTATTCATAC TGACATTAGA TTGATGTGCA CTGCAGGGGN AANNGCGGTA GCTGNCACAG 180
NAAAAGGATG TTTTGATAGG AATAATTTTC TAGTATGTCT TGAAACATGT TCATCTGGAA 240
GTATTTTCCT CCAAAGTAAT GTAGCATGAT TTTNCAAGGA TTGTTAACAT GCCTGGGATT 300
GGGAAAGNTA GGCCTAANGT TGTGCCAAAC TATATCAATA AATTCCCTTN 350

配列番号：6355
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07518
配列：
GATCCCACTT GCATGCACCC AGAATTTTAT ATTCCCCAGG AATATAGCAG AGGAATATTC 60
TGGTATCATA TTTATCTTTC ACCATCTCAA AAATTACAGT TTTAAAAACT CAAATAAAAT 120
TCATCACTAT AACCAAA 137

配列番号：6356
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07520
配列：
GATCCAACCC TTGCTAGGTA TCATAGTTTA GGCCCATTTA CCTTCCCCTG TACTGGCAGT 60
TCAGCCGCTT ACATGCACTC ACCCTGTTTG TGGCTATTTT AAATTCATAT TATTAAAAAA 120
CAAAAAAAAC CCAAA 135

配列番号：6357
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07521

配列：
GATCCTGTCT CAAAAAAAAC ATAACCGACA TCCAGAAGTG AAATAAATTA GCCAGTGTCA 60
CAAAGTAAA 69

配列番号：6358
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07522
配列：
GATCTTAAAA NTACAAAATG TAGACAATTA ATATTCAGGT GCTTACTTTT GAGCCAATAT 60
GTAGCAGAGA AAAACTAATT NNTCTGTGGC AGTATTTTNA TTTTNGGCAT TTCCCAGGAA 120
TTAACTGAAG ACTAAAACTC ATATGTGANG TGTAATGATA CTANGGNAAG AGTCAGTAAA 180
ATTNCCATTT GGCTACCAAA 200

配列番号：6359
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07523
配列：
GATCTTGTAA ATATATAAAT NTAAATAANA TTAAANCTGT AATTCCTTTN CCCTCCAAAG 60
GCTTTTNTGT ACATGGCGCT GCATTTGGCT ATTTCCTTTG GAAATAAATA ATGTN 115

配列番号：6360
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07524
配列：
GATCTTCCCA CCATCACAAA TGAATTTAAA GATGAAAAGA AACTCAGTTG CTCATACAAC 60
TGCATTTTTC CTGTCTATTA TGGGAAACAT CAGACGTTCT GAGTAAGATA TATCTCATGG 120
CATTAGTTAA TATAACTNAT ATTGTTTAAN TCATGGTATT ACATGCAATT NATATCAGAT 180
AAAAGCAGAA CACATTTTTG TNCTGCCTCT CTTAAATGCT GAATGTAGCT GTNATGTATA 240
ANTCCATTTA GTTTTATGTN CTAAAGGNCT ATTTGTGCAC TCCAGNTTTN CAGTAAANTA 300
GNATTCCTAG TAAANCNNN 319

配列番号：6361
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07525
配列：
GATCCTAATT TNNTCACGAA TCCCGATGGA ACCCTGTGCT GTTNANACAT CAGTGTGTAA 60
AACTCTCTGT GTCCCTGTTG GGCTGTCCAG ACAGTCTGGA CTCTTGTAAA TTTAANATTT 120

AATTAAAGGA AACAAACCAA A 141

配列番号：6362
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07526
配列：
GATCTTTTGC TTAGACGTTA ACTTGATGCA TCATTGGAAA GNTGTTTCTC TCATCTCTGT 60
CCTAAGGCTT GATAAAGTCA TTAAAATTGT NTTCTTTTGA CTAAA 105

配列番号：6363
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07527
配列：
GATCTCAGGC CAGCCGTTTG TNCTCCTAGC AGGGTTGCTG TGCTGGCCAC ACGGAGAGGC 60
CCTAGAGAGC CTCATGGATT GTAACTAAAG AAGAAACGGT TCCTTTTTGT TTTTTTAAAA 120
ATNATTTTAA AATACCGTTT TTAACACCGT TCTCTCGGTA CTTTTTTTAA GCTAAGTCAG 180
CATTGTCTTC CAGTGTTAAA GGCATCCCTC ACCTCTGCAT TGACCTTACG NATCCATGCC 240
AAGGAATGGG ATTTCCATCC CTGNGGCCAG TCAGTTAGGG TGTCAATTGT NCCTATTTGA 300
NTTTTTAATG NAATCTGATG NGGTGAGNTC AGGTTTANAA NTCTTCAAAN GNNCGGTTNA 360
TTGTACCAGG NNTGNTATGG ATTAATCCNT GN 392

配列番号：6364
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07528
配列：
GATCTCCATT CCTTGGGCTC CGCGTCCGAN TTCATGGTGC GCCGCTGTGC TGGGAGCTGC 60
AGTGGGAATN TNTGGGACAC CTTGACCAAA GGGGAGCTTT GTNTCGTGTG TTTTGAAAAA 120
GGCTTAATGA AGAGAATGTT GTTCATTCTT AGTAGTATAG TTTGCAATTC TTAATGGCAA 180
ATAATAAGTT TCAGTAGAAA ACAAA 205

配列番号：6365
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07529
配列：
GATCCTTTTC TACCCACTTT CCTATGGAGG ATTCCAAGTN ACCACTTCTC TCACCGGCTT 60
CTACCAGGGT CCAGGACTAA GGCGTTTTTN TCCATAGCCT CAACATTTTG GNAATCTTCC 120
CTTAATCACC CTTGCTCCTC CTGGGTGCCT GGAAGATGGA CTGGCAGAGA CCTCTTTGTT 180

GCGTTTTGTG CTTTGATGCC AGGAATGCCG CCTAGTTTAT GTCCCCGGTG GGGCACACAG 240
CGGGGGGCGC CAGGTTTTCC TTGTNCCNCA GCTGCTCTGC CCNTTTNCNN TTATTNCCTG 300
ACTTCAGGNC TTGAAACNNT TCCNGTGGTG TAAATAAAAA ANN 343

配列番号：6366
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07530
配列：
GATCTGTACT TTGAAAACAC ATTGAGTCCC TTTAACCAGG AAGAACTCTT CTGGGCGACC 60
GTCCACATGT TCCTTTCCCT TCCTAATGAC GTGAAGTCTG AACTCTACAG AGCCTCTGTA 120
CCTTCTCTTT AAAGGCAGCT CTGCTCACCA GGAATTGGCT ATAATNCTTT CCAACTCTCT 180
CATCATTTTA ATAGCTATCA GCAAATGTAG AGGTGTAGGG GATTTTGTAA CATCTGATGT 240
ATGTAAAAAG ANATATTCAA GTTGGAAGGC AGNCTAGAAC TGNCCTGNGA GATGTTTGAT 300
GTACACATTA AANNTAAGGA ATTTTACATA AA 332

配列番号：6367
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07531
配列：
GATCAAGAAT GGCAAGAAAA TCACAGCCTT TGTACCCAAT GACGGTTGCT TGANCTTTAT 60
TGAGGAAAAT NATGAAGTNC TGGTTGCTGG ATTTGGTCGC AAAGGTCATG CTGTTGGTGA 120
TATTCCTGGA GTCCGCTTTA AGGTTGTCAA AGTAGCCAAT GTTTCTCTTT TGGGCCTATA 180
CAAAGGCAAG ANGGNAAGGC CNAGNTCACC ATCCCCTAAA TTTTTAAAAG NAGTTTCACA 240
AAGNTNTGCA TATTTNNN 258

配列番号：6368
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07532
配列：
GATCTGTACA TTATTGCATG TGGCAGTAGT GTATTTNCAT TTTGCATACT ATTCCATTTT 60
AAGAATATAT TGCTGTTTAT CCTATTGATG GATATTTGTA TTTNTNATAC TTTTGTGTAA 120
TAATAAAAAT ACTGCTGTAA ATATTAAA 148

配列番号：6369
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07533
配列：

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07617
配列：
GATCTGTGCA GAGAGAGATG GCAGCCACTC CCTTCAGTCC TCCCAGATTT CTGTAGCTAT 60
TTATGTAGCA GGCTCAATAA AATGTCTTCT CTCTAAA 97

配列番号：6452
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07619
配列：
GATCNNAGGC ATNNTTTCTT CAGTCAGAGC ATTCAATCCT CAAGCCATTC ACACATTTAG 60
GCCTCATGCT TTNTCCTGTC TTTAATCACA TCCATTTCCT ACACTCATTG AGN 113

配列番号：6453
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07620
配列：
GATCATAAGT CATTCCCCTC CCCTTCCAGG CCTCCTGCTA TATTTGGGGG ACCTGACTNG 60
NTTNGCTGGA GTCCCATGAG GATGTGGGCC CNTTAATAAN GGATAGCAAA CAGGCAAA 118

配列番号：6454
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07621
配列：
GATCCCAAAA TCCAAGGATG CTTCGAATCC CTTATATAAA ATGGCATGGT ATTTGCATAT 60
AACCTACATG CATCTTCAAA TATGTTAAAC CATCTCTAGA TTACTTATAA TACCAAATAC 120
AATGTAATGC TATGTAAACA GTTGTTACAA TGGATTGTCA AAGGCAAGCT CTNCTTGCCC 180
ANTNCGGGCC AANTGNGNGG TNCATGAGCA AATTAANTNN NTGCTGGTAT TTN 233

配列番号：6455
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07622
配列：
GATCCGAATT TCCTGCTCTA AACCCTCCAC TGCTTTCTGC TGTTTCCACT GAGGAAAGAG 60
GATGTGTGTC ATTAAAGCTT TGTTGGGACC TGTCACAGTC AAGGTGGGTA TAATTATGTT 120
TAATTTATTG AAGTGTTTCT GGGCATCGTC TTTTTCAAAT TCATATATNC TATCCAGAAG 180

ANGTGNATTC ATTNNNCATT ATNAAAAAAN ATAAAATATT ACCAGATAAA GCTCANCACT 240
NCNCTCTNCC CCN 253

配列番号：6456
配列の長さ：44
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07623
配列：
GATCTTTCCT ATCAGTGTAA TAAAAACTCA TATTATGGCA GAAA 44

配列番号：6457
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07624
配列：
GATCAGGCAG GGTGCCATTN ATTGTCTTTC TCTCCTAGCC CCCTCAGGAA AGAAGGACTA 60
TATTTGTACT GTACCCTAGG GGTTCTGGAA GGGAAAACAT GGAATCAGGA TTCTATAGAC 120
TGATAGGCCC TATCCACAAG GGCCATGACT GGGAAAAGGT ATGGNAGCAG AAGGAGAATT 180
GGGATTTNAG GGTGCAGCTA CGCTCACCCT AAACTTTTGG TGGCCTGGGG TATGTCTTGA 240
GGCCCAGACT GTTAAGCAGG CTCTGCTGGC CTGTTTACTC GTCACCACCT CTGCACCTGC 300
TGTCTTGAGA CTCCATCCGN 320

配列番号：6458
配列の長さ：179
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07625
配列：
GATCCAAATN AGAACAGATT GGTTATTGCA GGTATCACAG CCTAAAGAAA TTATCTTTTT 60
GCAAAAGAAA TATTAAATGA TTTAGCAGTC TCCACGTGTG TTAATGTTTC AAACGTGTAT 120
CATAATGTGT ATAATTGTGT AACAAAATTG TCTACAATAA ATCTNTTGGT ATTTGTAAA 179

配列番号：6459
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07626
配列：
GATCCATTCG CCCCAAGGGG ACAACGGGGT GTNAGNGGAG TAAGGGGTGG AGGTAGGGGC 60
CAGAGGGGCT TACACGATAT CCCATACCTT TAATGCCTTT GGCCTTCCAT TCTNATTTCN 120
CTNATGAGAA TATTGCTGGC CCTGCTTTCC CTGGTAGGTA TTTGCCAGGC CCAATGCTTT 180
AACCTTAAGC TGATACTTTG CTTTAGATGT CAGTCTCGTT ACCAGCAGCC TTTTGACCCA 240
ACTACGGCGC TCTATATTTA AGTNGAGGGA TTTTNANCCA TTGTGCATGG NAAAAAGNTG 300

TTCATGGGTA CNATNGTAAG NAAANNTAAA ANTTTTN 337

配列番号：6460
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07627
配列：
GATCGGTTGN GNCATGGAGT GGGGGCTTCC AGGTGGACCT NCCCGGCACA CATTCCATTT 60
NTTGAGCCCC AGTCCTGCCC CCCACCCNAC CCTCCCTACC N 101

配列番号：6461
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07628
配列：
GATCCTTCTT GGTTAGTATT ACTTGTNCCG GAGCAATTCT NATTCCTCGT TTAGACATTG 60
NNATTTCCTT CGTTGGAGCT GTGAGCAGCA GCACATTGGC CCTAATCCTG CCACCTTTGG 120
TNGAAATNCT TACATTTN 138

配列番号：6462
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07629
配列：
GATCTNATTA GNNTAGTAAT GTTTTCCCTT TAAACAGATT CATCATTATC CCTAAAGTAT 60
TGCTGTATTA ATACTGTCTT CTAGAAAGTA TACACCAGTN CCTACTTTCC TCCGATATCA 120
TTAGCTGTTT TCNGAAACTN AATTTCCTCT TCAGAGATTN CTCATATGTN TN 172

配列番号：6463
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07630
配列：
GATCCACAGA GTTCATAGGC ATGATTAAAT GGTAGTAGTT TTCCACCACG AAGTTTTGGA 60
ATAATTTGTC ACAAAGCAAT ANGGTAATTA GAAAAATAAC CTTTCAGAAG GAGACAGTTT 120
CTCCAAAGCT TGGGTACTTT CGCTTAATAT TAAANAGTGG ANGGAATTTT TTNCCTGCCA 180
GNCAAAAGGC AGNAGGTGTA TTTCTACACC ATGGNTAGGC AANTNNTTTT TTTNCCTAN 239

配列番号：6464
配列の長さ：213
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07631
配列：
GATCTGCATT TAGCAATGTG ATGTCAGTAA ATGGACATAA CAGGATTGTT GTAAAGGTTG 60
GGCATGATGT ATGCAAAGTA CTGGCCAGGG TAGACTAATA ACTGATGGCA TTTATATGCT 120
GTGCTGGAAT ATTGTTACCA AGCTGATGTG CCGTTCTCAC CCNGGGNGAA TACTGGTTTT 180
GTCATTTCAT AAATGATATT TTTATAANTA AAA 213

配列番号：6465
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07632
配列：
GATCTGGCCA AGAATGAGGC CCTCCCAACA CTTTCACTCC CTCTCCAAGC CTTGATGGGA 60
CCTCCACTTA TTTAGGCCTN ATGTGCTTTG AAGAAGCTTT GAGAGCCAAT NTGTCTTCCA 120
CGGGTCTCTT TTTTGCTACA AGTAATCAGC CCCATGTNTT CTCTTAAACT GAGAATTGCA 180
CCGGGGGCAA TTCCTGTTTT CTAAGGTGGT CTCTGCTGCT ATTTAACAAC CCAGAGTAGG 240
CCTCTGTNAG GCTTCAGTGG CCTCAGAAAC CAGAGGGTCC AGATAGGGGG CCTGCTTGGG 300
CCCTCTGCTG NCAAACTGCT TAAAANTTN 329

配列番号：6466
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07633
配列：
GATCCACGTG TGTGGCCATA TTGTAACACA TTTTTCTGCA AATNACCTCT TTCATTTAAC 60
AGCCCTTATT CAATGGCCTT TTNCTTTTTC AGTAGTACAT ACACATCTGT GTCATTNGTT 120
GAATGACGNC ATGAATGTTT TGTAGATAAA ATATAATTAA ANGNTTTTAA GCATTTCTNA 180
CTCATAGATA TTNATGTTAG CACCAAATTT GNTGTGCAAT GANCCTCCCT ANATAN 236

配列番号：6467
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07634
配列：
GATCTATGCC TTAGTGTTGT TTTTNTTGTC TGCTTTGATG TAAAAGCAAG AGTATTTGGA 60
GCAAGAAGCT GCAATGCGCC AAATACACAN TAGGCCTTTC NTTTATCATT CATACGACAT 120
TTCTGGTTTA GGTGTATGTA GTTGGGCCAT GTTACTTGTC CAGAGGAAGA GNCTAAAGAT 180
ATACGGNTAA TTTTTTAGTC CNTAATGCTG TTTTGNTTAC NTNCTNTCAN GGTTATTTN 239

配列番号：6468
配列の長さ：82

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07635
配列：
GATCGAGCAA TTGCAATCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCCATTTCA AAAAAAGAAT 60
CAATAAAAAT GTTAAAAGCA AA 82

配列番号：6469
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07636
配列：
GATCCGTAAG GCCATGACCA AGGAGGCCAT CCGAGAGCAC CAGATGGCCC GCACTGGCGG 60
CACGAGACAG ACCTGTTCAC CTGCGGCAAG TGCAGGAAAA AGAACTGCAC CTACACACAG 120
GTGCAGACCC GCAGCTCTGA TGAGCCCATG ACCACCTTTN TTGTCTGCAA CGAGTGTGGA 180
AACCGCTGGA AGTTCTGCTG ACCCCTTGTG TAGATGTGCT GCAGCCTTNG GCCTTCNCGG 240
GCCACGTTCT TCGTTGACAN AGGTTNTNTT GGGGNCCCCT AGGAAGGCGG TATGTNCCTN 300
GCCNTTNAAN CTTGNCTGGN TTGGATTGNA NCTTTTTTGN CCTTTTTN 348

配列番号：6470
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07637
配列：
GATCGTGAAA TCTAAGGCTG CTTGATGTTC TGATGCTTGT NAATGCCGTC GTGCTCTGTG 60
ACTCCACGAA ACGCCAAGGA GCTTCTTCCG GACGNCTCCT CTTCCTCTGT AACATACGTG 120
TGAATAGTCA AGGTTTAATT TTNCTTTAAT CTAATAAAGT CGAAGTGGGA CTNTTAAA 178

配列番号：6471
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07638
配列：
GATCCAGCAC ACCTCCTCGG TTTTTTTTTC AATAAAAGTT TAGAAAGAAA 50

配列番号：6472
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07639
配列：
GATCTCTGTG AAACAAAATN AAGCAAGAAC GGAGACGCTG AATAGTTTTA TTTCTNTATT 60

AGAAACTGTG ATTGGAACAA TTGAAGAAAT AAAATCATAA CAGAGAAA 108

配列番号：6473
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07640
配列：
GATCTGAAGA AAGCAGCAAT ATCTGTNACT AGAGAACATT CCCATGTTTT TAAACTCTTC 60
ANTTCTTAGA TGCATTTAAN TTCTTAATGC AAATNACGTA GCAATTTGAA AACTTCTCCG 120
TATTACTNGT GTTTAAAATG TCTTGCTTTA AATACAANNC AAATGGTAAA GGGGATTATC 180
TTTGGTTTAG ATGGTTAANT ATNATTTNGN 210

配列番号：6474
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07641
配列：
GATCAGCAGG ACTGTCTCCA GCACGGAGCT GACACTGTTC AGCTGCCTCA ACTGGTAGAC 60
GCTCCCAAGA AGTCAGAGGC AGCNGTCGGG GCGGAGGTGT CCATNACCTC CCCAGGACAG 120
AGCAAAAACT TCTCCCTCAA GAACAGAAAC GTTTTACCNN CTATTGTATG ACCTTTGCTG 180
AGGGTATGTC CTGCTCCTTT CCACCAGTGA TTTGTATTAA GNCAGCACTT ATATTGTACA 240
ATACTTCAGN CTGTTTTTTT TAAATACATA AAACTTTATG TTAAAAAACT CTATTANCAT 300
GGGCAAA 307

配列番号：6475
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07642
配列：
GATCACAGGT TAGGGGTTTC TCTAGATGGG GGTTCTGAAA TTTGCAGTGT CTGCTCCTGG 60
GAGGCAGCAC CAGAAAGGGC ACTGAAATGT ACTAGCTGGA TGTNACCCAG TCTTAATAAN 120
CAGGTTTTCT AATCCAGAAA 140

配列番号：6476
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07643
配列：
GATCAACTTT GTATATTCAC GTGTATTAAA ATATTGTGCA CTAAATGTTT TGCCCTTGTT 60
TGCTATTATA TGGTCAAGGC ATTTATCAGC ACTATTGTAA TGAACTCATG TAAGTGGCAT 120
GGGTCAGGGA AAATTATTTC CTACTTTNCT GCCTAATTAA ATTNCTGTTT TCCAGTATTA 180

CATTAAA 187

配列番号：6477
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07644
配列：
GATCTTGTAT ATTTNATTTT TAAAAAACTA GAATAAACAG AGAGGCATAA NCATATCTTA 60
GAGTCCAAGT GGTAGTGTTT AGCATTGGAT ATAATAAATG GATGTTTTAC AAA 113

配列番号：6478
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07645
配列：
GATCTCATTA TGGGCTAAAA TAAGACAATA TTCAAAGGTC AGAGATATCT AGCCAGAATC 60
TNATGGAGGC TGGATTTCAG ATTTTNTNAC AGAATTAGAC AGAGGAACAC AGAGGGGACA 120
GGCTCAGTTA GGGTGGAGGT GTGGGGTAGG GAAGCAGGNC TTGATATAAN TNATTGGAAT 180
CATTGTCTTT TAANCCAGTG GTTTATGTCA GGGTATAGCG TTTCANGGGA TTTGAGGGTC 240
AGATGGGGNA ATGTAGCCTC TTATTTTGCC AGTGTN 276

配列番号：6479
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07646
配列：
GATCTGTCAC TGTNTCCCGT CACGCCTTGA TGGGACCGTC TAGTTGCTGG AAAACAAACT 60
CAGGGCTCCC ACTGATTCTA CATTATGGTG TGTTGTACAA TTATTTCATT ATATATNACA 120
AGGTAATANT AATAGANATA AAATCCACAG TAANTGCAAA 160

配列番号：6480
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07647
配列：
GATCATAAGT NTTAGGACCA AAGGTGTTTT TAATGAGATA ATCTTTTTNA TTTNNTAACA 60
AGAAAGGAAA TATTCACTTT ACATTTTAAC ATCAACTTTT AAGTGATATT CAGANTTAAT 120
TGACCATGGT GATACGTTGT AAAANGTTTN CATATTAN 158

配列番号：6481
配列の長さ：112

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07648
配列：
GATCCAAAAA AAAAAAAAAC GAANANAATT NATCCTCACA AATTGGTGTT CTAAATATCT 60
TAAGANCCTA ATTAAATAGC TGACTACAAA AAAAAAAAAA AAAATNCAAA AN 112

配列番号：6482
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07649
配列：
GATCCTGTGT GGCCGGTGTT TGCATCTTCA GTGGCCACAA GCATAATAAA GCCCCTTTGC 60
CTTTCTCTGT ATTATATTCA ATACAATACA TCAATAGTCT TGAAA 105

配列番号：6483
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07650
配列：
GATCAGATTT AAAGNCTGGA TTCTATCTAC ATAAGTCCTT TNAATTCCAC CAGGGCCAGA 60
GCAGCTCCAC CACTGTGCAC TTAGCCATGA TGGCAACAGA AACCAAGAGA CACAATTACG 120
CAGGTATTTA GAAGCAGNGG GNCAACCAGA AGGCCCTTAA CTNTCACCAG TGCATCACAT 180
CTGCACACTC TCTTCTCCAT TCCCTAGCAG GGGNGGCTAG CTCATTTNAC NGGGTNNAGA 240
ANCTGAGGNC CN 252

配列番号：6484
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07651
配列：
GATCACGNGT AAAGAGAACT GTTTCCTGCC CTTAAA 36

配列番号：6485
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07652
配列：
GATCAGCCTC ATCAATATTG CCGTCATCTG TTTAACACTC CCAGTATATT TCCTCAATGT 60
CTGTTTACTT AAAATTTTGT GGAGTGACAT AATTAATAAG NAATAAAGTC TGAATTATAC 120
ACAAA 125

配列番号：6486
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07653
配列：
GATCCACACT GGGGNGAAGC CTTATNAGTG TACGANATGT GGGAAGAGCT TCAGTCAGCA 60
TGCGGGCCTC ANCTCCCACC AGAGACTCCA CACCGGNGAG AAGCCATATA AGTGTAAGGN 120
GTGTGGGN 128

配列番号：6487
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07655
配列：
GATCCAGAGA GCTTCCTGAA GGACCTGTTG AACTCAGTCC CCTGACCACC ACACAGCAGC 60
TGCGGCGGCG AAGAGAAGCT GGCTTGCCTT CCACCCTCTG TTCTCCCTCC TTGTGCATTA 120
AGTTCCCTCC GNGGGATGCT GCATTGGTAC CCAGCCCTCC NCTATCTCAT TTTTCTTGGN 180
GTGGCTTGGG GTTTTTAGGC TTCCNGTTTT ATCTCGTGTG TGTGGTGCAC CAGCTATGAG 240
GTTGTCTGTA ANCNAAGCCA TCAAAGGGNC TNTAAATANC TAGGNGCCAT GAGTNGTCCC 300
GGNCANCTTT CANAACTTGA GTNTGANAN 329

配列番号：6488
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07656
配列：
GATCTGTACT GTAATTTTGT TTGTAATCCT GTATATNATG GTGTAATGCA CAATTTAGAA 60
AACATTCATC CAGTTGCAAT AAAATAGTAT TGAAAGTGAA A 101

配列番号：6489
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07657
配列：
GATCATGTAT ATAATTGTAA CATCACATTG ATTTTACGGA AGATGTTATA TGGNCTTTAA 60
TGACACAATG TTTAGNGATA AAATGTACAT TATTTTGGTT CAGTTTTTTA AAAAANNTAT 120
GCTTTAACAA AATTCTTAGG AATNCTTTTA AGCAATGCAG GTATTGCGAT ANCTGTAGNT 180
TTTACAATAA TGTTACTCTA CAGNTGGGAN AATNN 215

配列番号：6490

配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07658
配列：
GATCTCTTTG TATTCTCTTC AAGCCCAAAC CAATTCTGTN CCTTCAATCT AAATAGTGGT 60
AATATGAATG TTTAAGAAAT GAAATAAGAA ACATGTGCAG GCACTTTGGA AGGTGCTAAG 120
TGACTGCCCT AAGGAATGAA AAGCAAGGGC CAGGTGGGAG TAGCCCAGCG AAGGCACTTG 180
GGCTGCCAGG AACAGGNGGC GTGGGAAACT CTGGCTTAGG NAAACATGAA CACNGGGGCA 240
ACAGCGGCAN ACTGTTGTTC GAGTTAAATC TAANTCTCAG GCTCTTTNAC GGTAAANGGG 300
TTANGGATAC TCCATTNNGA TGAAGANAAG NGTGAGGCTG ANNGTAANGC ACATGGCAGN 360
TNNN 364

配列番号：6491
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07659
配列：
GATCTTTCTT CTCCTTTAAG CTCTTTGTTA ACATTTCTCT AGACGCAATT TATTGAAAAT 60
AAAGATTTNC TGTTTACTCA TGAAA 85

配列番号：6492
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07660
配列：
GATCCTCATT TATGTTTGTA GTTGGAAAGC AAAGCTAGGT AGCCATTTCT TCTGTTCTAC 60
CAAGTTATAA TAGCATTCAT TTCCCTTTAT ATTTCCCTGA AATAAAGCAC ATTCCACTTA 120
AA 122

配列番号：6493
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07661
配列：
GATCCTACAT TAAGGTCATT TGTNAGAATG ATGTTTGTGT TTGTNTAGAG TTGGCTGACC 60
TCCAACTCNT GGGGTCAAGG AATCCTACTG CCTNAGCTTC CCAAATAGCT AGGACTATAG 120
GCATGCACCC GGCCATGTGT TTTATTTATA GCTCTTAAAG CCCAGATGAA GAAATCACAT 180
TTTTNCCCAT AGTGAAGAAA CATTTGGCCA TTGCTTAGTC CTTNNGGGGG GTGNCTGTCC 240
TGTTTTCATT AGATTAGNGA GACCCTGTGT GGGCCACAGT TAATATANNC CATTATCACT 300
TTTAAGGTAA CCTGCACATC TTAGGTTTCA TAATTNCCTT ATTGTTCTNG NCTCAAANTT 360
GN 362

配列番号：6494
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07663
配列：
GATCGGGGCA CTGCAGGGGC CGAGCCATTT TGGGGGGCCC CCCTCCTTGC TCTGCAGGCA 60
CCTTAGTGGC TTTTTTCCTC CTGTGTACAG GGAAGAGAGG GGTACATTTC CCTGTNCTGA 120
CGGAAGCCAA CTTGGCTTTC CCGGACTGCA AGCAGGGCTC TGCCCANAGG CCTCTCTCTC 180
CGTCGTGGGA GAGAGACGTG TACATAGTGT AGGTCAGCGT GCTTAGCCTC CTNACCTGAG 240
GCTCCTGTGC TACTTTGCCT TTTGCANACT TTATTTTCAT AGATTGAGAA GTTTTNTACA 300
GAGANTTAAA AATGNAATTA TTTNTAAA 328

配列番号：6495
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07664
配列：
GATCCTGTTT CTACCAACAC TGCACCTTAT CCCAGGAACC TGCCCTAGAC CTCCAGAGAC 60
CATATTTNNT CTCCCTCCAT TTCTACCCAG ACCTCCAGGC CTCCTTCTGG AATNATAGAA 120
CCGTAGAATT GGAAGGAATT TNAGAGGGGN TCTAGTTGGA GTTGTGTCCA ACAGAATTCA 180
TTAACACCAG CCTGGGCTTG TTTTTCCTCC TCCCTCTGGA CTTTTTTAAT CTTTTCCTCC 240
ACCTCAAAAA ATACTTACAC ACAGATTCTT CTTGTACAGG CATCAAAACC AACTNCTNTG 300
CCCCTAAGGC TGTGTNNGNG TGGTNTCCAG NNANCCNTAC CNCAGTCANT N 351

配列番号：6496
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07665
配列：
GATCTGGTAG GGGAGAAATG GCGAATGTAA TACACATGAN ATGGTATATC CTTGCAATGT 60
ACAGTATCAG AAGGTGGTTT GACAGCATCA TAAACAGGCT GACTGGCAGG AATGAAAACA 120
AA 122

配列番号：6497
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07666
配列：
GATCANTTGC AAACCTCCCC CAGCCCCTAC CATCCAATNT GGACGGAAAA CANGAACTGC 60
CTGAAGAAGA GTCCAAGCTA CAGATACACA GCGTGTGCAT TGCGGCTGTC ACCTTCCTNC 120

TNCCACTTCT GTATCCTCAG AGATGCTGCG TGGATGTTTC CTTANCCTCA GCTGACTTCC 180
CTGTGAATNT CTAATGCTAG TTCANGGGCC TNCNGGAAAT TGANTTN 227

配列番号：6498
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07667
配列：
GATCTTGCCC TTCTCACTCC AGAGGCTAGT GGTCACAGAC AGCTGGGAAT GGCAGCCACA 60
GAGGGTCCCC TCTGGGAGAA ACAGCTTCAC CCCAGCCTCA GGGCCCTGGG CCATCACTGC 120
AGTGGCCCTG GGAGGTGAGG AAGAAGCTGG CTAGAGGAGG GGGCTCCCAC CTACCTTTTA 180
TTTAAGCCAG TATTCTTTGT TCCTGCTTGT AATAAAACTT CAGTTTATAA GAGTTAAA 238

配列番号：6499
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07668
配列：
GATCTGTCAT AACTCATTTT AAACTGTGAA ATATGCCATA TGAAGAGGGN TTAAGAGGCT 60
GNGAAACTCA TATTTCAACC AAATCCAGCA TTAGTTTTTC TTAGGTCTAA TANTTCCTNG 120
TTAATAAAGA TTTAAATGCA AA 142

配列番号：6500
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07669
配列：
GATCTGTCAT TGTCTCCCAT CACCCCCAAA TGGGCCCCTC TCGTTGCAGG AAAACAAGCT 60
CAGGGCTCCC ACAGTTTCTA CATTATGGTG AGTTGTATAA TTNTTTCATT ATATATTACA 120
ATGTAATAAT AATAGAAATA ANGTACACAA TNNNTGTAAA 160

配列番号：6501
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07670
配列：
GATCTGCCCG AGACTCCCAG AGGGTAATGC CACTCCCACA ATCTCAGGCC TGGTACCCAT 60
CCTNTTTCCA CTGTGAGCAG AGCCAGAAGG TAGGTCTNTT CAGAGTCTGT NNCCCTGGAC 120
CTGGGGNGTG GATATGANAT GGGATATCTC CTTCCATTCC CCGNTCCAGG GGAGAGTCAC 180
TAGTTGTACC CTACTCCATT AGGTCCCAAA TAGGGGCCCA ATTTCACCTG TATNAGGNTC 240
TGTGCATNCC AGCTGCCNNA AATNTN 266

配列番号：6502
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07671
配列：
GATCCAGACT TAGGGACGAG GCTGTCACTG GTGGGCACCC TCTGTTCCTG TTTGTGTGTT 60
TGAATAGTCT GAAATNCTGT GACTTTTTTT GTGTGAATAA AGNTATGAAA CTTCTGAAA 119

配列番号：6503
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07672
配列：
GATCTTCGTG TGAGCCGCGN CGTCCGNCGN GACCGAGCTG CCTTCGCGTG CCCCCGNCCT 60
GTGTTTTATA AAAAGAAAGA TTCTCGGAAA 90

配列番号：6504
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07673
配列：
GATCTGTCAG TGTATCAAAA CAACATAAAT AAACTTGAAC AACTGATACG CAAAAAAACA 60
AA 62

配列番号：6505
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07674
配列：
GATCAAGTTT GGTCAGGTTT TGTCACCAAG CTTTGTAAAT AAACTGGTTT TCATAGCTTT 60
TTGGAGATGA AA 72

配列番号：6506
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07675
配列：
GATCTTTTTT CAGAATGTTG GAAAATCCTG TAAATGCAAA TAGTCAATAC TGTATTAAAT 60
ACGTGCACTT GGNGTNTGCT TCGCTTGTAC AGTTGTAAAT AATCAGAACA TATGNAAAAG 120

GTACCCTACA GAGGAAATTC TGATACAGAT TATTGCTATA TTATAACCTN TTGCTGTTGA 180
GCGGGCTGTA GGTAANCTAA TGTTGTGGTT TGACTATTAA A 221

配列番号：6507
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07676
配列：
GATCTTCATT TTTGTAATAA AACGGNAGAC TCATCCAGTA AA 42

配列番号：6508
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07677
配列：
GATCTTAGAC TTCCCATCCT CTAGAACTGT GAGAAATAAA TTCCTGTTGT TTATGAGCCA 60
AA 62

配列番号：6509
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07678
配列：
GATCTGCCAT CTAGAACTCA TATTCTAAAG GGCAGTGNTT TCTCAGAACA GTGATGTTCT 60
GGAATATGTA TTATTTATTT TAACACTTTT TTAATAAANT CTTTATTATA AACCAAA 117

配列番号：6510
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07679
配列：
GATCTGTTTA AAAGATTAAA TCTCAAGTTA ATTAAAAATA AGCTTTTCAA AAATGTATTA 60
TATTTATAAC AAATATACTG TAAATAGANT AAAGACATGC TATTCACTGT AAA 113

配列番号：6511
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07680
配列：
GATCTGTCAC TGTCTCCCAT CACCCTAAGA TGGGNCTGTC TAGTTGCAGG GAAAGAAGCT 60

CAGGGCTCCC ACTGATTCTA CATTATGGTG ANTNGTAGNA TTATTTTATT ATATATTACA 120
ATGTCAATAA TAGAAATAAN GTGTGCANTA AATGTCAAA 159

配列番号：6512
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07681
配列：
GATCAGCCGG AAGAGAAAAT NAAGACCCCA GAGACATTTA TTGGGGAGTA GGATGTGGCT 60
GAGTGCTTTT TTTTTGGCCA GACTAGCGGA TTCAGTCCTG GAAGAGAGTA TCATATAATG 120
AGNCCCACAG GCACTGGCAC CCTTGGGTTG GNAATAGANG NNGNCCATGG ANTGGCGAAA 180
ACCAGGGATT CCAGCTGGGG NATAGTANCT TGAAGGTGN 219

配列番号：6513
配列の長さ：217
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07682
配列：
GATCTTGACC TACAGTTTGA AAAACAGAGT ACTGAAGAGT CTTGTTTCCT TTATTTAGAA 60
CAGTGCAAGG ATGAGTATCT GGGTAGAGTT GTGCGTTGTA CATAACCTTT GATAGTCATA 120
TAGTTGAACC AAAAGCAANN TCTGTAGTGN CATTGAAAAA ACATTTTGAC TTGATTTATC 180
CTGNCAGNNT NCNNTAATTT TTGGCTGGCT AATNCAN 217

配列番号：6514
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07683
配列：
GATCTCTGCT CACGTTGCCT CCCTTCATCT TCCTGCATAA GTGGAAGCAG CCTGAAGCCC 60
TCACTGTTTC TTGTACAGCC TGCAGAGCCG TGAGCCAAAT AAAGCTCTTT TCTTTTAAA 119

配列番号：6515
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07684
配列：
GATCTGATGG TTTTATAAGC ATCTGGCATT TCCCCTGCTT GCACTCACTC TGTCCTGGTG 60
CGCTGTGAAG AAGGTGCCTG CTTCTCCTTT GCCTTCCACC ATGATTGTAA GTTTCCTGAG 120
GCCTCCCTGG CAATGCAGAA CTGTGAGTCA ATTAAACTTC TNTTCTTTAT AAA 173

配列番号：6516

配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07686
配列：
GATCACCATG TNAGCCTTAG ACCAAGAAGC TGGCTAGTCC TTNCTGTGAA GCTAATACAA 60
TNGNCATTTC CAGACAAATT TAAAGGNAAC ACTAAGGCTG CTTCAAAGAT TATCTGATTC 120
CTTTAAAATA TATGTCTATA TACACAGGCA TGCTCTTTTT TTAAGTGCTT ACATTTTAAT 180
AGAGATGANT CAGTTTTNGA ATCTANGCTG TTTGCCCAAG NTGANGCTNC CAGGGTTN 238

配列番号：6517
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07687
配列：
GATCTGTTTT TNACCACTTC ACTGAAAGAC ACCATTTATC TACCCAAGGG CAGAAAGTAG 60
AACTTACTAT TCATTAAATG TTTGACACAA TTGGAATTGT CTTTAATTTC TGTCAGAATG 120
CTATTGAAAA TGTGAATTGC ATGACTTGGT AGCATATTCT TTTCNTGCAA AAATAGGCCA 180
TATTAACCAT GCTTATGACC ANTGNCCTGT GCTACTGGCT TTTGGNAAAA ATGGTTTGCN 240
TCAGNTTGGG GAAGTAATNA AAGGANTNCA CCTGGNGNCC CNNGAATAN 289

配列番号：6518
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07688
配列：
GATCCCCCAG GATTCTATTN TGTTTAATGG GCTTTTCTAC TAAAAGCATA AAATACTGAG 60
GCTGATTTAG TCAGGGCAAA ACCATNNACT TTACATATTC GTTTTCAATA CTTGCTGTTC 120
ATGTTACACA AGCTTCTTAC GGTTTTCTTG TAACAATAAA TNTTTTGNGT AAATANTGGG 180
TACATTNTAA CAAACTCNGT AGTNCAACCT AAACTNGTAT NAACGGTGTG TAAAAN 236

配列番号：6519
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07689
配列：
GATCAGGTCT GCTTTNAGTT TCATTTTTGT TTCTTTCCCG TCCCACTCTT TAAAAACTGG 60
TTCCGTGAGA AANGGCAGAA GCCGTTCCGT GTCTCTTGCA GGCTGGGCCG NCTTCATGNA 120
GTNCGAGGGC GTNCCGTGAC NACGTACATA CGTATGN 157

配列番号：6520
配列の長さ：195

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07690
配列：
GATCTTTCTG GATATAATGA AGCTTCCTGG AGAAACAGAC TGGCAATCAG AAAGATTTGG 60
CTGCTTCCGA CACCTCCATC TTGGGCCTGC AGAGGCTGCA GCAATCTGTG AGGCAGCCGA 120
ATCTGCGNGG CAGNCCACTC TTCTAGGACA TATGGGTTTC ANNAGGCACC NTTTTGCTAN 180
GNAGGCATAN TTANN 195

配列番号：6521
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07691
配列：
GATCGAAACC AAGTTATTAT TATCCTTACT GTATTCCATT GCTTGTATCA AAATCTACTT 60
TTTTNCTAGT AGGAAACTAT GCATTCCCTA TCAGTCCCTT TGATTATCAG GAATGTATAA 120
GAATTGTGAT AAAATAGGCC AATATGCTAT TTGGTACCAT TTGTATGTAT TTTANGTGCA 180
TAACCTAGGT AAAATAAGNN TAGTTTCTAT GTGTAAAGAA GCAAGTTTTA CAGTATGCAG 240
ACTCCAGTGG ATGTATTTTA GGCTGTATAC ATNTTTAAGC TCTNTNTGGT ANATAGGGTA 300
TACAAACTAN NTGCCTCNNA ATNCNAATAN NTTCGGN 337

配列番号：6522
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07692
配列：
GATCATTTCA TGGAATCTTT GAAGTATCTT TGACTCTAAC TTTGACTTGG TGGTGGACCT 60
TCCTTGGTTT TANTAACACC TAAGAGATAT CCTTTAGAAT TACATGTATT TTAGCATAAG 120
GAAATTGNAA AAGTAAAACA TACTGGTTTT TTTCAACAAG ACCATATGTA AATTAAATAG 180
TGAAATGTGT ATGNGTTTCA GTAGAACTGT ACCATCAACA ATGTTTCCAT AAATATGCAG 240
NGTTCTTNCT NNTGTATTGT TATTTACAAT ATTGTTAAAT NGGATGCATT TGCAATNNCT 300
CGGNTTCTAA AGNATTGNGG TNCNGANCGT N 331

配列番号：6523
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07693
配列：
GATCTGGAAT GGTGTTTTGG TTTGGGGGGA ATTTTTTTTT TTCCCNGGCA AATNACATGT 60
GTTGTTGATG TGAGTATCTG ATGAAAAANC AATGNCAGAA TANCCGN 107

配列番号：6524

配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07694
配列：
GATCTATATA TGTATAAATA TGTATTTTGT CAAATTTGTN ACTTAAATAT ATAGAGACCA 60
GTTTNCTCTG GAAGTTTGTT TAAATGACAG ANGCGTATAT GANTTCAAGA AAATTTAAGC 120
TGCAAAANTG TATTTCCTAT AAANTGAGNA GTCTCACTGN TAGCGGTTCT TTATTGCTCA 180
TTTTTTAAAA ANTGGN 196

配列番号：6525
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07695
配列：
GATCGGCTCT AGAAACACTG CTTTCCCTTC TTTNCTTTTG TTTTCTTTCT NTTATTATTT 60
TTTTAAAGAG TAAACGAAAG TNCTGTATGA ATTCGGACCC AGGCAGCAAC CACAGGNCTN 120
GGGGTGAGAC CCTCCTCCTC CCAAGNGAGC AAAAAGGACC CATGGCCCCC AAAAAAACCC 180
CTCAACGAGA ATCCTCAGCN TTGTAAAATG CAAAANTGTC TAATGAATAT TTNTATNTGT 240
NCCATTTTTG ATAANTN 257

配列番号：6526
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07696
配列：
GATCCTATTT AACATGACAA GTAAAATGCT TGCCATAGGA TATTTATATC TAGAACTTTG 60
ACAGACATAC CTAATCATTG TCACTCAGGC ATCCTGCATA TCATTCATTT ATTCATTTGC 120
CTATCATTTG TTGANCATTT AAAATGTCCT AGATACTTAG NATATGANTG TTGAATGTCA 180
CAAAACTGAA TGTCACACTC CCTCCCCTTT AGANATTTNC AGCATGGGAT GCGAGCTAAT 240
GATATGTAAA TAANTACATA TTTNTAANTA ACACAACCNN AAAANAANAN AAACNAN 297

配列番号：6527
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07697
配列：
GATCGTGGCC AACGTGGACC TGCCTACGNA GGGTGGGCTC TGACCCAAGT GGGGCCTCCT 60
TGTCCAGGTC TCACTGCTTT NCACCGTGGT CAGNGGGACT NTCAGCTGAG CTTNAGCTCC 120
CATGGAGCCA GCAGGNN 137

配列番号：6528

配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07698
配列：
GATCAGCCTG AGAAGCCACT CAACTTGGCT CACATCGTGC CTCCCAGACC TGTAACCAGC 60
ATGAACGACA CCCNTGTTCT CCCACTCTGT TCCCTCCTCA GGAAGTCCTT TTATTACCAG 120
GAGCTCGGAC GGTGCTTTTG GTGGNTGCGT CTAGATGGAT AACATGACTT CTTCTACCCT 180
AAAATATTCC TATAATACTT TNAGCTGTTC TGGTTCCTCC AGGGTGNATG GTACCNATTA 240
ACCCAAAATA CTGNTTATNT ACCCNTTNTT ACNATNTANN AGTCANTTTT GGN 293

配列番号：6529
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07699
配列：
GATCCACGGG GCCAGGCCAC CCTGCGGGAG CGCCACACGC ATCCACTTCG GATTCAGTGG 60
GTGAAGACAG AACGCTNAGA GTCTGCAGGC GGCTCCTGTG CTTTTAATTT CTGGCTCTTC 120
GGATGTCTTC TAGACATTTA CTATCACTGC ACCTGAAGAA AAAATCACTT TTACCTTCCT 180
AATTTAAAAA GACAAAACAG AAATGTACGT TCCTTCGCTA GCTTTAGTCT TTCTGTTCCC 240
ATTTTNATAA ANTCTGAGGC ATTGATAATG NTCNNATCTA AAATTTGTAC AGTGTGATTT 300
CNNTNNTAAG NGTTAAANCT TTTANTAAAA GGGGCANGAN NTNAN 345

配列番号：6530
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07700
配列：
GATCCAGAAA ATAGGTACGG TTTTAAAATA TTTNATATAG AAAAGCTACA AAGTAAATTG 60
AGCAATGCTT TTAAAGTTAT CTTTGTTTTA TAGACTTTTT TGTTGTATGT ATTACAGTCT 120
TTATAATCTT ATTTAATGNA TATNTGTACT TTCAAGTACT GATGGAGATA GNCTCAAAAC 180
AGTTATTTTN TTACAATTAA TCTACAANGG GCATTANTAT TGTNGNCTTT TAAAACATCT 240
GCTGGNTATC TNATNTGCAA TTCNTN 266

配列番号：6531
配列の長さ：43
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07701
配列：
GATCCCACAC ACTAAATATA TGGTTGTTTT GCCACCTTTT AAA 43

配列番号：6532

配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07702
配列：
GATCTGTTTT TCACCACTTC ACTGAAAGAC ACCATTTATC TACCCAAGGG CAGAAAGTAG 60
AACTTACTAT TCATTAAATG TTTGACACAA TTGGAATTGT CTTTAATTTC TGTCAGAATG 120
CTATTGAAAA TGTGAATTGC ATGACTTGTA GCATATTCTT TTCTGCAAAA TAGCCATATT 180
ANCATGCTTA TGACAATGAC TGTGCTACTG TCTNTGGAAA ANTGTTTGTC TCAGTTGGNA 240
ATNCTAANNG NTTCACCTGC GGANNAAACG CCCCNNNCCN CCCAN 285

配列番号：6533
配列の長さ：43
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07703
配列：
GATCCTCTTG TGTATATGCA AATAAACCTA TTATTCACTT AAA 43

配列番号：6534
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07704
配列：
GATCAAGACA CCTTTTATTA ATAAAGAAGN GACACAGGTG TAGATATGTA TATACAAAAA 60
GATGTACGGT CTGGCCAAAC CACCTTCCCA GCCTTTATGC AAAAAAAGGG GAGANTCAAA 120
GCTTTCATTT CAGAAGTGTT GCGTGGANAA GTATCTGTAA TTAAAGTTTC GANGTAATTT 180
AACCTATTTT TAAA 194

配列番号：6535
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07705
配列：
GATCAAGCCC TGCTTAAAGT TAAATAAAAT AGAATGNATG ATAAA 45

配列番号：6536
配列の長さ：38
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07708
配列：
GATCTTCTGG ATGACCTGAA ATNAGAACTA ATTGGAAA 38

配列番号：6537
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07709
配列：
GATCGCCCAA CTGCACTCCA GCCTGGNAGC AAGACTCTGT CTCGAAAAGA AA 52

配列番号：6538
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07710
配列：
GATCAGNACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ATCANAGTAC GACTCCTGGC TCAAA 55

配列番号：6539
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07711
配列：
GATCAGTCTG AAGTCGATTA CTAACAGCTG AAGCTGATAA AACCATTAAA GTATACAGAG 60
AGGATGACAC AGCCACAGAA GAAACTCATC CAGTCAGCTG GAAACCAGAA ATTATCAAGA 120
GAAAGAGATT TTAATGAATG TGGAATTTTT TCTCTCTCTT TTTTTTTCTT TTTAATTAAA 180
AAAAAAAAGG CTTGGGGTTC ATGGGGTTTT CCNGTCATTT NGTGCNCTGG CTGGGATTTT 240
AAGGGGGAAT TN 252

配列番号：6540
配列の長さ：48
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07712
配列：
GATCGAGNCA CTACACTCCA GNCCGCCGAA GCAAGACTCT GTCTCAAA 48

配列番号：6541
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07713
配列：
GATCANACAT TTNCTACCTA TGAATNTTGC TGCATACAGA AAGTGCCCTT TCCTCAGGAA 60
GTTGCTGTGT NTCATTTCTT TAGATGGNCT CTTATCTAGA ATACATAGCA GCTCTGCAAA 120

GAANCAGTTT TTAAAAATGG GAACTTCTAC ATTGAAAAGT CCCCNTTTTT GTGCCAACTA 180
TGATTAGTGN GCGGAAGNAN TCTTATTCTA TGGCATATGT ATGGANGGGG GGGGN 235

配列番号：6542
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07714
配列：
GATCCTTTTA AATTTAAAGC AAGTCCTAAA ATGAAA 36

配列番号：6543
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07715
配列：
GATCCAGCGN GCGCACGCAG AGTACCTGCA CAAGGCCGTC TTCAGGGGCC TNCTCACGGA 60
GAAGNCGGCG CCCGTNATGA ACGTCATCCA CAGCATCTTC AGCCTCGTGC TCAAGTTCCG 120
CAGCCAGCTN ATCTCCCAGG CCTGGGGGCC CCNNN 155

配列番号：6544
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07716
配列：
GATCAAATAT CACTCTCCTA CTTACAGGAC TCAACATACT AGTCACAGCC CCTATAACTC 60
CCNCTTACAA TANNTANCCA CAACCAAAAT GGGGCTCANT CACCCAACCN 110

配列番号：6545
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07717
配列：
GATCTGGTTG TNTAGAAGCA TGCAGCACCT CCTGCTTCAC TCTCTCTGTC TCTCCTGCTC 60
CACCATGGCC AGAAACGTGC CTGCTTCCCC TTCGCCTTCT GCCGTGATTG TAAGTTTCTT 120
GAGGGCTCCC CAGCCATGCT TCCTGTACAG CCTGCAAAAC TGTGAGTCAA TTAAACCTCT 180
TTTNTTCATA AA 192

配列番号：6546
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07718
配列：
GATCATACTG GTTTGTTTCT TATTTTGATT GGAGAAAAAT NAAATTGCTG CATTTCGCAG 60
TGACCCATTT AAA 73

配列番号：6547
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07719
配列：
GATCAAATGT GTGGCCTTTG ACTGAAATCA GCCAGCCCAT GGCCCCCAAT AAAGGCAGCT 60
GCCTACTNCT CCNTCTGAAA 80

配列番号：6548
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07720
配列：
GATCCANATG CGTGTGGCAG CCNAAGGATT TGTTGTAGGA GCAATGNCTG TTGGTATGGG 60
CTATTCCATG TATCGGGAAT TCTGGGNAAA ANCTAAGCCT TAGAAGAAGA GATGN 115

配列番号：6549
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07721
配列：
GATCATAGCA TATCTACTAT TTTATTATTT GATTTTTAAA ATTTAACATT ATATTATGGG 60
TAACCTTACA TGTCAATAAA CAATTCCACA TTGTCAAA 98

配列番号：6550
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07722
配列：
GATCAACTTT GGAATAAAGT GATGCCCTTC AAA 33

配列番号：6551
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07723

配列：
GATCCACTGT AATATTTAAT AAAAAATGTT ACTATCTGTA AA 42

配列番号：6552
配列の長さ：24
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07724
配列：
GATCAAATAT CACTCTCCTA CAAA 24

配列番号：6553
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07725
配列：
GATCACGACC CTNTCACGTG CACCCANTTA GNGTTGTGAG CCCTTAAAAG GACCAGGGAT 60
TGCTCACTCG GGGAGCTCGG CTCTTGAGAC AGGAATCTTG CCCATTCCCC GAACGAATAA 120
ACCCCTTCCT TAACTCAGAA A 141

配列番号：6554
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07726
配列：
GATCAGGCAG CAGGAGTGAG GGGCACAGTC ACCCCAGGCC TTGCTGAGCC CAGGTCTGGG 60
TACTGAGTGT CCAGAGCTGC CTCCCCAGGA GGTTAAGGTG GGGGCAAAGG GGAAGCTTCA 120
AGCACTTTGC CTACTTTTGT TCACTNCCCA GTGCACTGTG ACTCAGGCCT TCCCATCAGG 180
CCTATTTGTC TACCCAATAA AGCGTGTTTT TTCCAGAAAC AAGAAA 226

配列番号：6555
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07727
配列：
GATCAGCCTG GCCATGGTNA AACCCCATAT CTAGTAAAAC TACAAA 46

配列番号：6556
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07729

配列：
GATCCACTAT NAGGGTGGCA TCAGCCTGAA TTGAACATCC TATATCTNAA CATCTGCATA 60
AATTCCAGGT GACCACCAGT GTGCACCACT CACCCATCCC AGTGTATTCA GGCCNNNTGA 120
CCTGACCCAN TTTGGCCCAG AGGACTCTGC TGGTGACCTG AAAAGAGGGA CTACATATTT 180
NAGGATATTG TTGGTCTCAC ATGACTCTTG ATAGAGTTTG CCAGCCTTCA AATCACCAAC 240
TGTGGGAACC AAGNNGGNNN TTATTGCCTT GCTGTGTTCA ATTACANAAA ACGNTGGAAA 300
NGGCTN 306

配列番号：6557
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07731
配列：
GATCTGAATA CCCCTTCTCT GTAGCTGCTA GTGAGCCTTC CCATTTAGAT TAAAGATTGC 60
TTTATCCAGC AGTCAATTAA CTCTCCAGTT ATCAGTACTC CCACAATTGG CCAGGGCAAC 120
AATAATTGGA GTTCATACTG ATGCCCTGAG GCACTGAAAA AAAAAAAAAT TCCCAAGGNG 180
CCTTNTGGGN TGNCTAAAGG TTNCATTGTG NTTGGNGGCT TTNGTGTTAG GTGTGCNGTT 240
TANTTTCCTA NTTNN 255

配列番号：6558
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07734
配列：
GATCACGNCA CTGCACTCTA GCCTGGGCGA CAGAGAGAGA GACTGTCTAA AAAAGGAAA 59

配列番号：6559
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07735
配列：
GATCCTNAGG TCTCCTAGCC ATGTGGAGCT GTAAGTCCAA TNAAACTTCT TTTTCTTCCC 60
AGTCTCAAA 69

配列番号：6560
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07736
配列：
GATCTGTCAA GTCCAGTAGA GCTTCAAGGT AAAATNAAAA TAACAATGTG AAA 53

配列番号：6561
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07738
配列：
GATCCAGAGG CCATGGAAGA GTCTCCAAGG AAA 33

配列番号：6562
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07739
配列：
GATCAGCTCA AAAAGNTTTG GCTTAGNGTT TTCATTGCAA ATNATAATTG CTGTAGAGCC 60
ACACACAACT TTTGAACTTT TAATTATAAG TGTTATGGCT AAAGTTATTN NCTGAAAATT 120
TCAGTAAAGT GTGTGAATGT TTCTTTATGT ATTANCNN 158

配列番号：6563
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07740
配列：
GATCAGGGTT CTTTTTTTCC CCCATACAAG TATCCAGTCA TTGTAACACT GTTTATTGAA 60
AGAATTATCC TTTCCTCATT AAATTACCTT GCCAATTAGT AAAAAATCAA TTAACCATAA 120
A 121

配列番号：6564
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07741
配列：
GATCAGCATA CACAAATNAC AAAAGTCTGA ATTTTTTTTT ATCAAGAGGG ATAAAACACC 60
ATGAAAATAA ACTTGAATAA ACTGAAA 87

配列番号：6565
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07742
配列：
GATCCNTTTT NCTGTGGCAT TTGGTGCCCT AAAAATTTTG CATTTATCTT GAAA 54

配列番号：6566
配列の長さ：20
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07743
配列：
GATCATTTGA CAACTGCAAA 20

配列番号：6567
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07744
配列：
GATCGACTAT GAGACAGCAA AGGGGCCTAC CTNCTNATGG AGTTAGCCAA GAGCCAGGAC 60
AAGAGTCTCA AGATTTATGA CGGTGCCTAC CATGTTCTCC ACAAGNAGCT TCCTGACGTC 120
ACCANCTCCG TNTTCCNTGA ANN 143

配列番号：6568
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07745
配列：
GATCTGCTGC AATGCTCNAA GGCCAAGGAT TCATCTNTCT TNTCACCGTA GGACCTGNCT 60
GGCATTGTAT TAGCAAACTC TTTCACTAGA CATCGTACTA CACGACACGT ACTACGTNGT 120
AGCTCACTGC CNCTGATGTC CTATCAATAG GAGCTGTATT TNCCATCATA GGAGGCTTCA 180
TTCACTGGTN TCCCCNATN 199

配列番号：6569
配列の長さ：37
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07746
配列：
GATCGTTTCC AGGACAATAA AAGTTTCGGA GTTGAAA 37

配列番号：6570
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07748
配列：
GATCAGATGT TTAAAATNAT TCCAAATACT TCATTAAAAT AATTATTTTA TTATAAA 57

配列番号：6571
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07749
配列：
GATCGAGGAA AGGGGCGGAG AATTTTTTTT TCTTCTTCCC ATTTCTTTAA AAAACCAACA 60
CAAGAAAACA CACACACACA CAACCAACGT TTGTTCCCGA GTAGAAACAT AAATAGGGCA 120
GAATCGAACA CTCTGTTCTT CTCTCTTCCA AA 152

配列番号：6572
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07750
配列：
GATCAGAGCT TGAAAAAACA AA 22

配列番号：6573
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07751
配列：
GATCAACCTG TGGCTGTTTT CCCGTCTAGG TTCTCACAGG NATCTCCTGA CAGAGGTACT 60
TAACAATGGC TCTNCTGGAA ATTTCTATAA ATAAAATGTC CAAAATGGAA A 111

配列番号：6574
配列の長さ：44
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07752
配列：
GATCTCATCA CTGCTCCTTA TAATAAACCT AATAAAGCAA GAAA 44

配列番号：6575
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07753
配列：
GATCCCGCCA CTGCACTCTA GCCTATGTGA CTCTGTCTCA AA 42

配列番号：6576
配列の長さ：48

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07754
配列：
GATCATTTGT AAGACCAAAA TATAAATAAA AAGTTTCAAA AATCTAAA 48

配列番号：6577
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07755
配列：
GATCGATTAC AATAAATGTT TTTCTAAAAA GCCATTTTCC CACAAA 46

配列番号：6578
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07756
配列：
GATCAAAAGC TTTGCATTGA TAAGTGTCTC ATAATATTTG CTGTGATTGG AGAAAAAATG 60
TAGTCGTAGC CAATAAATTT TATCAGCTTT TAAGTTTCAG TATTATTAAA CCATTTTCAT 120
ATAAA 125

配列番号：6579
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07757
配列：
GATCAAATGT GAAATAAATA TGAATGGAGT GGTAAA 36

配列番号：6580
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07758
配列：
GATCTCTGGC CCTTTGCGTT TCAGTATTTG TCCTTTTNAT GCCTGAATGT TTAACCTGCC 60
ACATNTTTGT ACTGCAACAT GAATCTTGGA AATTTTAATG TTATGCATTT NAAANGTTTT 120
TGGTTATCTG TAAACTAAAT GTGCCCTTAT TGGCTNGGNG GTCAAGTNAA GATGTTTGTA 180
TAATGTATTN GTCAGNAAA 199

配列番号：6581
配列の長さ：66

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07759
配列：
GATCTACTGT GATGTTGTCT TCAAAGGCAG GNGAAAATAA TGTTCACAAT AAAATGTGCT 60
AACAAA 66

配列番号：6582
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07760
配列：
GATCTGTAAA GAATGACTTT CAAGGATAGT TCTTAGGGGA CTGTGAAAGT GTTGGGTCTT 60
ACTCNAGGAT GCCTGCATGG GACCCNACCC GGAGCTGGTG TGGCCATTCC CCAAGTGCCA 120
CTGGNCCATG GNNNN 135

配列番号：6583
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07761
配列：
GATCAGCCTG GCCAACATGA TGAGACCCCA TTTGTACTGG AAATGCAAAA ATTGGCCAGG 60
CATGGTCGCG GGTGNCTGTG GTCCCAGCTG CTCGGGACGC TGAGGCAGGN NNNATCGTTT 120
GAACCTNGGN 130

配列番号：6584
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07762
配列：
GATCAAATGA AAGGCCTATA ACTAAAATCA GCCAGCCCAT GGCCCNCACT AAAGGAACCT 60
NCCTCTGCTC CCTNTGCAAA 80

配列番号：6585
配列の長さ：48
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07763
配列：
GATCAACAAT TTTTGTTTTG ATTAAAATNA GTTTTTTGAA AGTTGAAA 48

配列番号：6586

GATCTGATTC AAAGATAACC ATTACCCATC TTTCCAAGGC CCATCTAAGT AGTACAGGTG 60
TTTTGTCTTT TAAAATTGAC AGTCCTCTTT GCATTAAGTC TGTAGGGGGG GAATACAATA 120
TAAATATTCT NCTGTGTAAA CGTAAGAATG TGCTGTAATC TCCAGTTCCT TTGGATACCT 180
CAGAATTCTA TTTATTGTAT ACACTTATAC TGTTTATNCA ATGTTTTGGG TCTTACTCTT 240
TTTGACGTAT TCTCATCAGT CTTCACTCTA GTTTGCAAGC NCTGAAGTTA TTGATTACGT 300
CTAATGTGCA ATTNGGCTTC TATTAANTGC TATTTNATGG TTCN 344

配列番号：6370
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07534
配列：
GATCTNTGTC ACACCCAAGC TGGTGGAGGA GCACCTCAAA AGTGCCCANT ATANGAAACC 60
ACCCATCACA GTGGACTCCG TCTGCCTCAA GTGGGCACCC CCCAAGCACA AGCANGTCAA 120
GCTCTCCAAA GAAGTGAGCA GCCTGGCCCC TGCTGTCGGA CCTGAGCCTC CTGGCTNNGG 180
GNCTGTAAAT ATGTATAGAC CTGTTTTGTC ATTTTTTTAA TAAAGTCAGT TCTGGTGGCC 240
CTGNGACTTT GGNAGGGNAA GGGGGAGGCC ANAAANANTA AANGGGGGGA AN 292

配列番号：6371
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07535
配列：
GATCCACCTG CCTTGGCCTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG TCGTGANACC GCACCTGGCC 60
AATTTTAATA TTTTAACTGA AGATGTTTCA TATAATATTC AGCAATATAA AAATTACTAA 120
TGACTTTTTT GGTAAGAAA 139

配列番号：6372
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07536
配列：
GATCCTAACC GNAGGCCCAT CAATTGCAAC ATAGAGATAC ACATGGAAAG AGGGTTTAAC 60
AGACCCTCTC TNGGACACAN CTGTTTCTCC TTTGAGCANT ANTTN 105

配列番号：6373
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07537
配列：
GATCCAGACC AGCGTCTGGC CCAAGCCATT CANAGGTGGG GTCTGGGGNC TGGGGGTTTT 60

GTNTCGTGAC ACTTTGTCTC AAGGAGATTC CACATAGGGA TTTNAATTAG GCTTTCTNCT 120
TGCNAAGGCC TGTGGCATCT AANCCTGGCT N 151

配列番号：6374
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07538
配列：
GATCTNAGGC AGATAAAGAA ACTTCAACTT ATTTNAGAGA GGAGGTAGGG GATGGGGAGG 60
TCACAGAGAA CTCTGGGTTT CTNCAGTTTA CTATGCCACA GCACCATATT TCCGGGTATG 120
AGTTCTGAGC CCCACAATGG CCATAAGCAC TTAACCACAG ACCTAGTGAC GTATGTATAA 180
NATATACACT AGATTCCAAA GNCTTAGTAT ACAAAAGACC ATAAAATATC TTATTTGTAA 240
TTGTTTAANA CTGATTACAT GTTAANNTGN TAATNTTTTN NNTATANN 288

配列番号：6375
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07539
配列：
GATCCTCTAC CCCCGGAATG AGGACACACT TCAGGACCCA GCCCCACTGG AGTNTGGCCA 60
AGNATTCTCC CAGCAGGAAA ATGGCCATTN CATGGACACC AATGANTGCN TCCAGTTCCC 120
ATTCGTNTGC CCTCGAGACA AGCCCGTATG TNTCAACACC TATGGAAGCT ACAGGTGCCG 180
GACCAACAAG AAGTGCAGTC GGGGCTACGA GCCCAACGAG GNTGGCACAG CCTGCNTGGC 240
TCAAGTGGCC TTTTTAGGTG GGTATTCTTC AGCCGTCTCT AGAATCTTTN AGCCTCTTTN 300
TNGGGCCTCA NATCTTTGN 319

配列番号：6376
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07540
配列：
GATCTCTGTA TGNTCTGTGT GTTTCTGTGT CCTGGAATTG GATGCGTGGG ACTCGTTCTG 60
TCCGCGGAGT GCACTCTTTT TTNCAGTGTG GCCCACATAT CTTGTAAATN TTTGCTGAAG 120
AGTTGTGTCT ATATATAGAG AAAATATATA TAANCAGAGA AATAAA 166

配列番号：6377
配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07541
配列：
GATCCAATGC CCTAAACTTT ACATAAGAGT TCCGGCAAGG CTGTGACTTC AACTTGTGTT 60

GTAACTGCAA CCTGCAGAAT CAAATTTAGG GTTATGTTTT CAGTTGTATC AGTCTTACGG 120
CTACAAGATA TTAAAGAGAT TCTTTCCTGG TTATCAAA 158

配列番号：6378
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07543
配列：
GATCTCACCT TGTTGTGCAT CATAGAATTC ACACTGGACT AAAACCTTTT AAGTGTAAGG 60
ATTGTGGAAA ATGTTTTAGT CGAAGCTCTC ACCTTTATTC ACATCAAAGA ACCCACACTG 120
GAGAGAAACC ATATGAGTGT CATGATTGTG GAAAATCTTT CAGCCAGAGT TCTGCCCTTA 180
TTGTGCATCA GAGGATACAC ACTGGNGAGA AACCATATGA NTGCTGTCAG TGTGGGAAAG 240
CCTTCATCCG GNAGGATTGN CCTCATTANG CACCNGNGAT TTCATGTTNG NGNAGAGGCC 300
TATANTTGTA ATCAATGGTN ANN 323

配列番号：6379
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07544
配列：
GATCCTTCTA ATCTCCTGGA CCCTCCAGGG CACTCTGGTC CCTATTCCCC AGCTCCTAGG 60
CAGCTGAGCC GGGTCCCTTA GGGGAGGTGA CCAGGAGCTT TGGTGCAGGG AGCTCTTNGT 120
GGGGCAAAGG GCTGGACCCC TGCCAGGTCT GTGGACATGG TTATATGCCC GGNNGAGGGG 180
GGTACAGGGC CCCAGGGATG GCCCCCAATC CCACCTCTGT TTATTCTGTA AACTGCAACC 240
TATAAATAAC CTTTAGCATT CCTATTTGTA ACAAAATTNG NNTTTNTGNA AATAAATTAT 300
ATTTCCTAGT CTAAAAAA 318

配列番号：6380
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07545
配列：
GATCTTCTCT GCCTTTATTG TTTTGCCATT TCACTAAAAT ATGTTTAGAG ATATATAAAT 60
NCTGCTTGGA CTCTAAA 77

配列番号：6381
配列の長さ：32
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07546
配列：
GATCTCATTT TACAAGAGAA TCTCTCTGCA AA 32

配列番号：6382
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07547
配列：
GATCTCTAAG TGTAGCTGTA AATTTTGGGG TTAATTTGGC TTATATTGGN CCTTTTAAAA 60
GNAATAAAGT TTTTTAATGC AAA 83

配列番号：6383
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07548
配列：
GATCTATAAA GAAACATAAG CTTAAAGTTG TTTATCACTG TGGTGTTAAT AAAACAGTAT 60
TTTCAAAAAA TAAA 74

配列番号：6384
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07549
配列：
GATCCAGACC TCTCTAATAT GAAGAATAAT GAGCCTTATN ACTATAAGTT TGTNAAATGG 60
ATGACTAAAC ATAAGAAACT ATCAGCCATC CCCGTTTCAG CATTCTGTAA CTCAGAGACT 120
AAATCACAGT TTGAGAAGTT TGTNCGTTTT TCCTTCATTA AAAAAGACAG CACACTGGAT 180
GCTGCTGAAG AAATCATCAA GGCATGGNGT GTACAGAAGT CTTGATTTGT GCAGAATGGN 240
TTAATGTTTC TGTTAGATGA CCTAGTATGG NATTGTNACT TAGTGCTGCC ACCTGCTGGG 300
ATGTTAANNG ANTGTNGGAT GCGTGGCCTG GCGGTGNNNG CN 342

配列番号：6385
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07550
配列：
GATCCTGTGT TTTGAGTCCC AAAGGCCATG CCAAGGATTG GCTTTGGNTG GCTTTAATCA 60
CCAACCCATC AACATCAAGC CTCCNCCAGG CCGGTTCAAA TAAATGTANT TAAATAAA 118

配列番号：6386
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07551
配列：
GATCCAACAA ATTAACCATA TAAGCACAGA AAATAGAGAA ACACAGTTAT TGAATCTACT 60
CTTGTCATTA ACATTTTCAA AAAACAAAAT GCATATTGTA ATATTTGGTA CATGACACTT 120
GCATGTTGNT ATGCCTATAT NCTTGCAAAG NATTCAATGT GTACTTAGCG GCGNTTAAAN 180
CTATGTCATG TACAACTNTT ATAAGCNTTT TTNCNGGGGT CCCATTTGCC CTTCATCTTT 240
CAGTAAAGTC TTTGTCAGGN AANNGTTGTN TGGTTAN 277

配列番号：6387
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07552
配列：
GATCCAGGGA TGGGAATGGG AGTGGGTAGG AGGGGTAATG CGGTCATTGG AGTCGGGGGC 60
TGGAACATTA TGAGTGCTCA ATAAATATAA ACTAATGAGA AA 102

配列番号：6388
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07553
配列：
GATCCAGAGG TGGGTGCAGC TGAAAGTAAA CAGAATGGAT TGCCAGTNAC ATGTATGCCT 60
GCGCAGTTCC CTTTTNATTT GCAGAAGCTG TGAGTTTTGT NCACAATTAG GTTCCTAGGA 120
GCAAAAAACC TCAAGGATTG ATTTATTGTT TTCAACTCCA AGGCACACTG TTAATAAACG 180
AGCAGGGTGT TTTCTCTCTT CCTNTCTAAT ATATGGAGTT TCGAAGAATA AAATATGTGN 240
GCAATATTTA AATTCTCAGG AATTGNCTNA TACTCTTGNG GAATGGANTT CAGTTTTCAN 300
TCANGNTTTA CATTTNTGGT GGCTTAANAA NCNTTGGN 338

配列番号：6389
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07554
配列：
GATCAGTCTT TTGAAATTGG GATTCTAAAT TAGAATGAGA GGAGGAGCTG CTAAAGCATA 60
AAAATGGTAG GGGTGATTTT GGTNTTTTAT CCTAGTGACC AATGTTGACC ATTAATTGTA 120
CATTATAAAT AATGTTTTCN TCTGGGACTT TTTGCACTTA ANGCTGGTAA TTNTNATCAT 180
AGGGCTTCAA ATACAAAAGA NTTGTATGCG GTNTTCAGAA AATAAACATG CTCTTTGCAT 240
ATAAA 245

配列番号：6390
配列の長さ：345
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07555
配列：
GATCTTNACG CGNCTGGGGG CGAAGATTTC GCCATGGATG AGGATGGGGA CGAGAGCATT 60
CACAAACTGA AAGAAAAAGC GAAGAAACGG AAGGTTCGCG GCTTTGGNTC CGAAGAGGGG 120
TCCCGAGCGC GGATGNTGAG GNTTATNACA GCNTGGAGCA GGATGGCGAT GAACCCGGAC 180
CACAACGCTC TTTTGAAGGC TGGATTCTNT TTGTAACTGG AGTCCATGAG GAAGCCACCG 240
AAGAAGNCAT ACACGTCAAA TTCGCAGANT ATGGGGAAAT TAAAAACATT CATCTCAACC 300
TNGNCAGGCG TTCCAGGNTA TCTGGAAGGG GGTNTNCTCT NGTCN 345

配列番号：6391
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07556
配列：
GATCCCCTGC TGGTCTCTGG CAGTCTCCTT GATTTTGGGT ACCATGTATA TTTCCCGCTT 60
TNACTTTAAC GCTTTCTAGG ATAGGGTAAG CACCCTTAAT TCAGGCACCG TCCATNAGCT 120
TCCTTTGCAA AGGCTACTTA TGGCCGGTCA CAATCCAGCA CTCAGACAGA GCCAAGGCAA 180
TATCCTCTTG CCCATGGCTA TNATGTCAGA CAGTGGATGG GCTCCAGCAA CAAGAGTCAA 240
AATAACTAAA GGCCTTTGCT CTCCTCTGAC ATTGAGGCCT GGGGCTTACA GTTTGGAATA 300
CAACATGTGA NGGTTTTTGN TNGTTGTTTG TATTATTGNA GAN 343

配列番号：6392
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07557
配列：
GATCAAAAAT TGTGGCCATC TTTGCAAATN ACTACCTNTA GCCTGTNAAA ATACATTTCA 60
AAAAATGTTA TGTGCAATGA ACACTAAATT NAAGAGCAGT TACAGTGTGA CTCACTCATG 120
TTTAAAAAAN ATCGAAGAGC TAAAAAATAC GTCTAATTTA TGTAACCCNT TGGNATGTAT 180
TNNTN 185

配列番号：6393
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07558
配列：
GATCATTTCT TGTAATGTTT TGAGAGTAAT GCATACAGAA ATATAATAAA NTGTGTTGAA 60
ACTGCAAA 68

配列番号：6394
配列の長さ：163

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07559
配列：
GATCCCCATT GTGTATGANC TGAACAAGGA GCTGAAGCCC ACCAAGCCCA TGNAGTTCCT 60
GGGTGATGAG GAAACGGTGC GGAAGGCCAT GGAGGCTGTG GCTGCCCAGG GCAAGGCCAA 120
GTNAGGGGTG GGCTTGGGCA ATAAAGGCAC CTCCCCCAAC AAA 163

配列番号：6395
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07560
配列：
GATCAACTCC CACTCATCCT GCAGATTTAA GCTTGGATGT CACCTCCCGA GGGACGCTGT 60
GCCTGCCTCC CTCGTCAGAG CAGGTGTTGT CATCTACTCA CAGAATCTGG CTTCCTTCCA 120
CAAAGCACCC CCGTGAGCAT CTGTTTAACA TTGTCTCTCC ACCTAGACTG TAAGGTCCGT 180
GAAAGCAGGG ACCACACCCA TTTGTGCTCA CTTGGGACCT ACAGCCTCTA ATCCAGAGCC 240
TGACACAAAC CTCAATAAAT ATTTAAGGAC TGAAA 275

配列番号：6396
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07561
配列：
GATCCGGGAC CTTCANACCC AGGGAAAGGG TGAGGGAGAC TGGGGCCTGG TCTGCTTTCC 60
CGGGCCTGAA AGCTTCCCCG AGGTTTGCAG GGTCAGGNAG GAGGAACGGT GGGGGNNGGC 120
AGTCACTGNN N 131

配列番号：6397
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07562
配列：
GATCCATTTA AAACAAGCTG ATAGTGTTTC GTTAAGCAGT ACATCTTGTG CATGCAAAAA 60
TGAATTCACC CCTCCCACCT CTTTCTTCAA TTAATGGAAA ACTGTTAAGG GAAGCTGATA 120
CAGAGAGACA ACTTGCTCCT TTCCATCAGC TTTATAATAA NCTGTTTAAC GTGAGGTTTC 180
AGTAGCTCCT TGGTTTTGCC TCTTTAAATT ATGACGTGCA CAAACCTTCT TTTCANTGCA 240
ATGCATCTGG NAGTTTTGAT ACTTGTAACT TTTTTTTTTT TTNGGGGNNN ANTNTTTNNG 300
GGNCCAGGGG TTTTTTTTNG GAACCCCTTG GGCNNTGGCC CNGGGGTACC CGGCNAGNN 359

配列番号：6398
配列の長さ：61

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07563
配列：
GATCTCTGAC GATACCTGTA TGTTCTTATT GTGTAAATAA AATTNCTGGT ATGAAATNAA 60
A 61

配列番号：6399
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07564
配列：
GATCCTGTGG GAAAGAGAAA GGCATCCCAG AAGTTTGACT TGTTTTNCTT TTAGAATCTG 60
TCTCTGCAGG AAAGAAAAGT CATTTTAATA AAAACCAAAA TAATTTATAA TAATTGTNGC 120
CTTTCCCTCC CCATCCTCTC CACTAAGCCA GCAACTAAAT GTATTCAGAA AACAAGTTAA 180
TCAAGGAGGG CAGAAGAATT TTTTTTAAAC TGTAAGAAAN TGTTCCTAAG TTTAGATTTA 240
TTACCTGTCA TTTAGGGCAA AANTCCAGTG TCCCCAGCAC ATGGTGACCC AACTNTGTCT 300
CACAGTTGCA AAGTGTGTTG GAAAATAAAG TTGCTTTGTG NACTTNGNGG GNAANNCNNT 360
NANNNNN 367

配列番号：6400
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07565
配列：
GATCAGGAAC CAAAAAGAAG AATGTACTTC ATCTGGTTGG GCTGGATTCC CTCTNATAAG 60
CCTTCCCAGT TGACTGAAAG ATGAGGCTAG GCTCTAGCAA GTTGAAGTCA AACCAGCTCC 120
TTCAAGAAGC TTTGAGCAGA ATGAAGTGGG GAGGACCCAG CTTCCAGCCC AGGAAGCCCA 180
CTGTACCTGG AGCCATCTGG GATAAGACTT TGACCCATGA CTCCCATATC CACAGCCTGT 240
CCATCCTAGC CCATCCCAGT TTATCCTGTA TCATTTGAGC TGGGNTTCCA CATCCTCTGA 300
GTTGGTAGTC CCATNTCAAG TCNTTNAATA AANGNCTNTT TGGANTATTT GANTTCACAT 360
TAAAAAAANA ANAAAGGCN 379

配列番号：6401
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07567
配列：
GATCGGGGTA TGAAGTGTGC ACACGCAGCC CAACAACGGG CAGTGGTCTC TGTGCTCCTA 60
GGCATCCAGC ACAGGTTCTG GCAGGGCACC CCTGCTGGGG TTGGGGGCTG GTCTGTGCAT 120
AATCCTGGAC TGTGATGGGA ACAGCCCAGT GCAGTCTAAA CTTCAATTGT GTTGAAACTA 180
CTTTAATAGA CAAAGTAATA AATCATGTTT ATCTATTGAT TTAAA 225

配列番号：6402
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07568
配列：
GATCTTCAGT TGTATTTTNG TGAATATTTT AATACATCTT TTTCAATTTC TGAAAACAAA 60

配列番号：6403
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07569
配列：
GATCCGGTGC TACGGGAAAC ATTTTCCTAA GATGCCCATG AGAACAGACC AAGATGTGTA 60
CAGCACTATG AGCATTAAAA AACCTTCCAG AATCAATAAT CCGTGGCAAC ATATCTCTGT 120
AAAANCAAAC ACTGTAACTN CTAAATAAAT GTTTAGTCTT CCCTGTAACC TTCAAA 176

配列番号：6404
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07570
配列：
GATCTTCCCT GCGGCCTCTG CCCTGGCCTG CTTCCCAGCA CACACTTCTT TGGCCTAAGG 60
GCTTCTCTCT CAGGACCTCT AATTTGACCA CAACCAACCT GGGCTTCAGC CACATCAGTG 120
GGCACTGGAG CTGGGGTGCA CATGGGGCCT GCTCACCTTG CCCACACATC TCCAGCCAGC 180
CAGGGCCCTG CCCAGCTTCA ATTTACAGAC CTGACTCTCC TCACCTTCCC CCCTGCTGTC 240
CAGAGCTGAA CATAGACTTG CACTTGGATG TCACCTGGAG TGTNACATGG GAGTGTTATG 300
GCAGCATCAT ACCAAGGCCT ACTGTTGCAC ATGGGGCCAA AACCAGTAAA CAGCCACCTN 360

配列番号：6405
配列の長さ：32
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07571
配列：
GATCTNACTA ATAAATGAAG GGAAAAAGGA AA 32

配列番号：6406
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07572

配列：
GATCTGGTCA TTTAAAAGTG TGTGGCACCT CCCCACCACC TCTNTCTCTC GCTCGCTTGC 60
TCGCTCCTGC TTTNACCATG TNATGTGCCT GCTCCCCCTT TGCCTTCCGC CATGATTGTA 120
NGCTTCCTGA GGCTTCCCTA GAAGCAGATG TCAGCATTAT GCTTCCTNTA CAGTCTGCAG 180
AACTGTGAGC CAATNAAACT TCTTTCCTTA TAANTTAAA 219

配列番号：6407
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07573
配列：
GATCCAGTTA CATGTATTAT NNTTTTCCTA CCTTATGGAC TATTTTGGAG GGATAAGCTA 60
TTAAGACTAA GACTATGNGT GANAGTNGGG GAAGGAGCAG GAAGGGAGGA ACCTGCACAC 120
CACATTGGAA CCNGCACACC ACATTAACAC AAAGGCAATC TTCTGGCTCG GACTGTTCTT 180
TACTACTGTN CTTAAAGAAA ATGTTCATTC TGCTGCAGCT ANCTAGCCTC CATCTNCTAC 240
ACCAAATACT ATTCCATGCC ATGGAAGTGC TATGCAATAA CTNTCCCAGG TAGGCACCTT 300
ATACCCGCTT AAANAGNCTT TAAANATNTG CANTTTTGGT NGGNGTN 347

配列番号：6408
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07574
配列：
GATCACTCCT TATTTGCTGT TATTTTNGTN CTCTTAACCA TACATTTCCC AATGTTTAAA 60
GGGTGGTATT TNGAGAAAGT NAATGGGTTT TGTAAGTGCC AGCNCTTTAT ATAAGCAGGT 120
AGACTAGCTT TTNCCCAGCA GACGCTTGTC TGTNTAGACT TCCTTAAAAN AATTATCTTC 180
AAATAAAGCA AAATCTCCAT AAAANGNN 208

配列番号：6409
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07575
配列：
GATCCATAGA CTTAGCAAGT CTTGCCTTAT CTATGGAGCT CGATGGTGAG AATTGTNACC 60
ATTGTCTGAT GTCCATAGTT CCTTCCCCCT AGATTGTTTC TTTCCACGGA TTGTGTTCAT 120
CTGAACCATT NNATTTTTAA TTTACCAAAG TACTGTACTT GGCTATTTGC AGTGTTTTCA 180
AAACCAAATG TTTCTNTTTT GGTGTTTTTA ATCTCCGATA CTTGGTGCAA TAGAAGCTGC 240
AAAGATGTGC CACTTNATCT ATGAAATGGA GTNTTGTATA CCAATAAATN CTAGTTTAAA 300
AACANTTNAN NANNNANN 318

配列番号：6410
配列の長さ：233

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07576
配列：
GATCTGTTAA GGGGTGGATA ACATAATATG CAGCTTAGGA TGCTATTTTA AGATGTATGA 60
TATTCAGTTC ATTCACCTGA TTACTTTGGT TGCAGCACAA CTGTATATAT NGTATAACCG 120
AAATTGATTA TTTNCATTGT CCTTAATGCA GTGATTTATA ATTNGAGCAT GTTTAATAAG 180
TTTNCTCTTC TNGTTAACTA GTCATTTGAC TGGNAANNNA TAANATNCTT TTN 233

配列番号：6411
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07577
配列：
GATCCCACGA GGACCACTNT GTAATTGNCA GGGGGCTTCC AGNNAAGACA CTGAACCCTG 60
AAGCCGTGGT CTGGGGCAGG GTGGTGGGAG AGGTGGGCGG GGGNN 105

配列番号：6412
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07578
配列：
GATCACCTTC CCACTTCATC CATCCCCACC CTTCCAGCTC CCCATCCATC CTGCTGAAAG 60
CATTTCCACC ACTCAATAAA ACCTCGCATT CATCCTTCAA A 101

配列番号：6413
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07579
配列：
GATCAGAAGG AATCCGNCGA GGCAGGGATG GGTGTGCCCA TGTNTGCCTT GACGGGACTT 60
CATCTTATAG ACTGTTAAAC TGTCACACAC AAACAGGCTT TCCACCCCTG CTCTGNGNGC 120
ACCACGCACA GNTTTCCAGT TCTTAGTGTG GCTGTTTAAA GTAGAAAATC TGGGGGCTGG 180
GTGAGGCCAC TCATGCCTGT AACCCAGGGC TTTAGAAGGC TGAGGCTGGG GGGNTTGTTT 240
GAAGGTCAGG AGGTTCAAGG CCCAACCTTG GGAACCATAG GCAACNACCC CCCATNNTNT 300
NCCAAAANTNG AAAAANCCAA AAAGGNNAAC CN 332

配列番号：6414
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07580

配列：
GATCTACCAG CATAAATATC TNCTNATTTG TCCCTATGCA TATCANTTGA GCTTCATATA 60
CCAGCAATAT ATCTNAAGAG CTATTATATA AAACCCCCAA ACTNTTGATT ATTAGCCAGG 120
TAATGTGNN 129

配列番号：6415
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07581
配列：
GATCTAGAGG AATTAGTCAT GACATCAAGA AAGGAGTCTA AAGAAGAGAA AGAAAATCAA 60
GATGAAAGAG AAGTAAAAGA AGANGAACAA GAAGAAGAAG AAGAAGTCAG GTCAGCAGAA 120
ANTTCCTCAA ANTCTCCAAA GAAAGGTCAC TGATTCCAAG GCANCCTGTG GNAAGANGAN 180
TTCAGATGTC AGTGGGAGCC TCCAGGTGGG NGGNGAGCAT GCCTAANCCC TGGTGGCCAT 240
TGTNCTGTAC TANGGAN 257

配列番号：6416
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07582
配列：
GATCCACAAG GCTTCTGTAT ACAGTTCACG GTCCTCGGCA TTGCTTCTNG TAATTTTNCC 60
ATCCCAAAGG AGAGCTACTG TACTGACTGT ACTTGTGGAA TNCAGCGCTT CATTAAATTA 120
AGTTTATTAA AATGCAAA 138

配列番号：6417
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07583
配列：
GATCTAATGG GACACGGCCA GTGCCTAGGG GTGCCAAGTC CAAGGCCTCC CACTGGGNGT 60
AATCGCTGAG AAGATGCCAA TNTTTCATCC ACCGGCTGCA CAGGCACAAA CTCCCCCACC 120
CAGGACGGCT GTNATGAGGT GGCCCTCCCT NTNAACCCTG GTCCCTGGAG TCCCCAGCAC 180
CTGGGGCCCT GGTGGGGCTG ATGTCACAGG TGTTTACTGT GCTGCTGCAC TGGTCCTATG 240
NCAGCTTCAC CCCATGTGGG GACCACGGAA GGNACAATNC CTTACCCCCG NTTGCCGGGN 300
CCGTGCGGTN NNCAAGANGG GNCAAGGANG N 331

配列番号：6418
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07584

配列：
GATCCAGCTT ATCCTTTAAT TTCAAAGTCC ATTCTTGGGG CTGGTGGGGA GGCAGGAGAA 60
TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT GTNATGTTGG CAGGGGAGGG 120
GAGACCTGGG TGGTGACTGA GTTCCCTTTA TCAAACCCTT CAATGGGCAC AAAATTNAGT 180
GCTTGATTTT ANGGTTTNAT TTTTTNATGA ATGTCCAAAA TCTGTGTTTC CCCNNTGCCC 240
TCCCAAGANN TGTGTGGGCC AGTTGAAAGT GTCTTGGTTT TGTTGGTCAT CTTTTCCCTN 300
AATTTCTGGA GCANGGNCCC TGAGNNCCNT GCCANAN 337

配列番号：6419
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07585
配列：
GATCATGGAT GTAGCATACA CCAAAATCCA CCGAGACCTT TGCAAAATNA GGCTACTTGT 60
TTNATTTTGC CAGATTATCA TGGGAGAGTC TTTAACTAGT NCTGAATATT TGTAAGTCTG 120
AGTACTTCAT AGAATTATAA AGAAGGTACA GCTGACCCCT TCTCACCATG TNGTAAATAT 180
TTCCTGAGAC TGGGTGCAGT ACTGAGGGAT AATAATCTCC TGNTTTATCA AATCCTGACT 240
GTCTAGAGCA ANTTGTACAC TCTCTTTGTG AATGGTCCTG TAACGTGTAT GNNCACATTT 300
NTGGGTGCCT TAGANGTNGT NTTTTNCATG TGTGCTAATN TGCAGTTTCN 350

配列番号：6420
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07586
配列：
GATCCAGGGT CTNAACCGCC GTGGGACGAG GAGGGCATCC CGGCCACAGC AGGGGCCGAG 60
GAAGAGGAGG AGACAGAGGG GAAAGGGGAG CCGGCCTGAC CCACACCCCC GGCCATCGCT 120
CCCTGGGCCA GGTTTAGAGC AGGGAGTTTG GCTGGTGCTG GGCCTGAGCC AGGGGGCCGG 180
GACACCCTTG TTTCCGGTGG TCTTCCCGTT GTGGGAGCAG GTNGAGGGTG GAGACCTAAA 240
CTTTGGGGTC CAGCTGCCTT CAGCCCNNCT CCNCCAGACT AACAGACCCT TGGAGGCAGG 300
GGCTGTGGAA ATAAATCTTT GCCTGNTGGG NTAAAAAAAA ANTATNANNT GTGNNNNGTT 360
GN 362

配列番号：6421
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07587
配列：
GATCTNCTCT CCCACCCACA CTTATCTCCC CCAGGGCCAC TCCAAAGTCT ATACACAGGG 60
GTGGTCTCTT CAATAAAGAA GTGTTGATTA GACCTGAATT TCTCCACCTA TAAA 114

配列番号：6422

配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07588
配列：
GATCTTTGCT ACTGGAGTCC TTTAACAACA CCTATAACGA TAAAAAATTC CTAATTNTTA 60
AA 62

配列番号：6423
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07589
配列：
GATCCTTCAT ATTTAATTAA AAGTGTTCAT TCAGGTAAGG TGTATGTTGA AATTTTNCCA 60
ATNATCTTAA TAAAACCTGG CAATTTAAAA NCCAAA 96

配列番号：6424
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07590
配列：
GATCTATTTA TNTAAGTATG TAGTAAACAA TATCTNAAAG TGTCCGATTC ACTACTTGTA 60
AATTAAAAAA GTNATGATTA ATGTGAAA 88

配列番号：6425
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07591
配列：
GATCAGAAGA AGCTACAGTT TTNTTTTAAA CTTGAAAAAA AATTAAGAAG TATTAAGGAA 60
AAAGCTTAAT ACTCTGGAAA CCAGACATCT GGTCTTTCTC ATGCGTAGGG AGCAGTGTAA 120
ATGAAAGTGA AGTCAAACGG ACAGTTTTTT NCTGCATTAT GCACAAGGTG TTTTAAATTG 180
TCAGCTTAAG GTTTAGATGA NGATAATCTT TAACTTTGTT TACAATTTTG NCTATTTNGC 240
ATTATCCCCC TTTTNCCATA AAANNTAANG TGAATATGTG TGCATATNNN TNTNGAGTCA 300
NAATTAAACT TATN 314

配列番号：6426
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07592
配列：

GATCCTGTGG TGTTGTATAA AAATGAACAG CTAAAAATTT ACCCATGACA AGATTAAAGC 60
AAAAATAAAC ACAAAGTTGT TAGACTTTAA A 91

配列番号：6427
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07593
配列：
GATCTTGTGC TATAACTTTT AAAGCCATAC AAATAAGAGT GCTAAACTNT GGACTTAAAA 60
GTAGGTGTNT AAATATTTTT AATCAGTATT ACTTGGAAAA TAAAATATAA CAAACCCATA 120
AA 122

配列番号：6428
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07594
配列：
GATCCTAACC CCTGCAGGGC TCAGGGGTCA GCAGGGACCC ACTGCCCCAT CTCCCTCTCC 60
CCACCAAGAC AGCCCCAGAA GGAGCAGCCA GCTGGNATGG GAACCCAAGG CTGTCCACAT 120
CTGGCTTTTG TGGGACTCAG AAAGGGAAGC AGAACTGAGG GCTGGGATAT TCCTCATGGT 180
GGCAGCGCTC ATAGCGAAAG CCTACTGTAA TATGCACCCA TCTNATCCAC GTAGTAAAGT 240
GAACTTAAAA ATTCAATCAA ATGAACAATT AAATAAACAC CTGTGTGTTT AAA 293

配列番号：6429
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07595
配列：
GATCTGAATT TGTAAGTTAT TAATGTGAAA GGGGGAGCAG GAAGCTCCCC GTTTGCACAA 60
AGGGGGATTT GTTTGCACAA AGTTCACTGT AAATACTGTG AGANTNGANT TCTGAAAAGG 120
TCATATTTAG TGATTTCAAA AGCACACATT TAANTGANGA CTGACTAAAT AANAGGTACC 180
ACACACTTCT NGGTTGGTTT CATTCCAAA 209

配列番号：6430
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07596
配列：
GATCTCCCTC AGTNTGCCCC CAGCCCCCAA ACTCCTCCTG GCTAGACTGT AGGAAGGGAC 60
TTTTGTTTGT TTGTTTGTTT CAGGAAAAAA GAAAGGGAGA GAGAGGAAAA TAGAGGGTTG 120
TCCACTCCTC ACATTCCACG ACCCAGGCCT GCACCCCACC CNCAACTCCC AGCCCCGGAA 180

TAAAACCATT TTCCTGCAAA 200

配列番号：6431
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07597
配列：
GATCTNATTC CAGGATTGCT CAGAAATTGG AAAAAAACTC ACCTGTGCTT CCCAAATTTA 60
TTTCCCAAGA CAAAGATGTC TATAGCACAG AAAAAAATGC ATGANTTAAA AAATCAAGAT 120
GTATTATTAA A 131

配列番号：6432
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07598
配列：
GATCCTGAGC TGTCCCATTA AACATGGCCC TGTCTCGGTA AA 42

配列番号：6433
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07599
配列：
GATCCACTAG ACAGTTTNCA GTTTGCTTGG AGGTANCTGG GTAATCAAAA ATGTTTAGTC 60
ATTGATTCAA TGTGAACGAT TACGGTCTTT ATGACCAAGA GTCTGAAAAT CTTTTTGTNA 120
TGCTGTTTAG TATTCGTTTG ATATTGTNAC TTTTCACCTG TTGAGCCCAA ATNCAGGATT 180
GGTTCAGTGG CAGCAATGAA GTTGCCATTT AAATTTGTTC ATAGCCTACA TCACCAAGGT 240
CTCTGTGTCA AACCTGTGGC CACTCTATAT GCACTTNGGT TTACTCCTTT ATTNCAAATA 300
ANTATACTAA AAGNCTTTAA ANNANGNNNA NN 332

配列番号：6434
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07600
配列：
GATCAATACG GGTCTATTTT NATGTCAACT GAACACTGTA GGGTACCTTC CAGTCTTTTT 60
CAAGATTGTN AAATTGAGAC AAGTAATTGA ATAATTTGTC CTATTTTAAT TTTAAAAAAA 120
GTGAATGGNC TGAAATGTTA AATGTGAATG TNCATTTCTN AATTGCAACT TTNCTACTGA 180
GTGTTTGCAC TATACTTNCT GGAATCTNAT TTAACAAANN TANN 224

配列番号：6435

配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07601
配列：
GATCAAAAAG CACAAAGAGC TGGGGCAGAG GCAGGAAGCA GGGGCCCTCC TGGCAGCTCC 60
TCTNAGTGGG GAGAGGTTGG GCAGTGAGTG AGGGACCCCT AATGCAGGGN CTAGAAGCCT 120
CANTTTCCCC NTTTTACCCT TCCACACAAT AGCCTCTGTA GGNNAGGCTG CCCCATNCCA 180
CCNGGNTN 188

配列番号：6436
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07602
配列：
GATCTAGGAC TAANACTTAA AATGTGGTTG GAATCTCACT CAAGGCCTAC CCACCTAAAA 60
CTGCGTTCTA GCAATTGCAT GCTGACTGCA CCTATGAGTC GTAAGNCTGT AGTTGCAAAG 120
TGTGTCTAGT TTNANATTCT TTCTAAATAC TGGTACGGGN AACAGGCATT CCAGNACTTG 180
TGGCTTGCTG GNGGTGGTNT GAGTNATGNG GAATCTTGGG AAGGGGTTCC TGCCCCTGGG 240
ANTTGGGGGG TTTTNN 256

配列番号：6437
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07603
配列：
GATCCAGGGC CTTTNAAACA TCCCCAAAGT CATGGCCATA CTCACCATTA GCCAGTTTCT 60
AACATCTGTT TCAGGGTATC CAGCTGTAGA TGTTCTTATC CCCCATACTT GTGAGTTCTT 120
GGGGTTGCTC ACAAATACTA GGGGTTTTTG TTGTATTTTT AACAANTATA TCCTAATGTC 180
ATATTNATNC TCTTTTGTAA CTGCTGGTCT TTACANTAAA GGNGTCATCT GCCTTTCAAA 240

配列番号：6438
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07604
配列：
GATCAGCACC CTTCTCCACA TCCACATGAC TGGTTTTTAA TGTAGCACTG TGGTATACAT 60
GCAAACATCC GTTCAAAATC TGAGTCGGAG CTAAAAATAA AAAATGAAAA ANCAGAAATA 120
AGAAA 125

配列番号：6439
配列の長さ：321

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07605
配列：
GATCCGCCTG CNTCGGCCTN CCAGAGTGCT GGGATAAAAG GTGTGAGCCA CTGTGCCTGG 60
CCACTCCCTT GAGACCCAGT TTCCACGTCT GTNAAATGGG GGAATACCCA CAGTGAGAAT 120
TAGATGAGAT AGATGCATTT NAAACCACAA ATCGGGGTGC CCACCTGTGG TGGGTAGTTA 180
GGGTAGCTGT TACAAAGTGC CCCAGCAGAG ACCCCCTTGA CTAACTTTNA TTCTTCCATC 240
TTTTCCCACA GGTGGCAGCT GCCAACAAGA AGCATTAGAA CAAACCATGC TGGGTTAATA 300
AATTGCCTCA TTCGGTANTG N 321

配列番号：6440
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07606
配列：
GATCTTTGTC CAGAAAATAA AGCTTTCTGT TGATTTTTTC TTTAAGCAAG AGGTAAGGAA 60
ATATGCACTT AAGANTATGT GTACAAGAAA ATAGTTTCTA AAATAAATTG AAATGTCTGC 120
AAA 123

配列番号：6441
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07607
配列：
GATCCACTCT GGACACTCAA CAAGACCTGA ACAGGATTTN CCTACCTGGT CCTTACACTA 60
CATCATCATC ATCTCATGCC CACCTGCCCA CACCCAGCAG AGCTTCTCAG TGGGCACAGT 120
CTCTTACTCC CATTTNTGCT GCCTTTGGNC CTGCCTGGCC CAGCCTGCAC CCCTGTGGGG 180
TGGAAATGTA CTGCAGGCTC TGGGTCAGGT TCTGCTCCTT TATGGGACCC GACATTTTTN 240
AGCTCTTTGC TATTGAAATA ATAAACCACC CTGTTCTGTG GAAA 284

配列番号：6442
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07608
配列：
GATCTGGTAC GNGGTGGACG TCATGGCCCG ANATGCCCAC GGNAACACAG CGCTGACCTA 60
CGACCGGCAG GCCTCCAGCC ATGGAGTGCA TCAACGTGCT TCTNCAGTAC GGCTGCCCCG 120
ACGNGTGTGT ATAGTATCTG TTTTATTTGA CTGCAGTCTC CTTGGTGCAA AANCAAANTG 180
GGGAANNTAA GGATAACTCA GNATTTCAAA AGGAN 215

配列番号：6443

配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07609
配列：
GATCTNAGAC TTCTCACGTC CAGAACTGTA AGCAATAAAT GTCTGTTGTT TATAAATTAA 60
A 61

配列番号：6444
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07610
配列：
GATCCTTGCT CTACCTGGCT AGAGTTTCTN CTCATCAGAG CACTGGGACA TTAAACCAAC 60
CTTTTACAAC ACAAA 75

配列番号：6445
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07611
配列：
GATCTCAGCT CAGAGAGAGA GCATGAGGTC TTTTTTAACT GTCAGGAAAC AGAGCTGTGC 60
CCAATTCCAC TCAACTTTTG GCACAACTGT TAATCTGGGC CTTCACCTAC CTTAAACTGA 120
GTTTCTGCAA GCATAGCATT TTAGACACCC TGGAATAACC TTTTGGGAAT GATGCCACAG 180
AATAAAGTTC ACTCTTAACT TTTCAAA 207

配列番号：6446
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07612
配列：
GATCTGATAG TGGTAGGTCT ATCAGGAATA TCAGGNAAAA TNCTTTTAAT GTTGTTGGCA 60
AAGTCAATTC CTATCATTTG TACTTGACAC CAGCTACCTA GCAGGCTCAT TGTGAACTTC 120
AGGTTTCGCC CACGTTATTT ATATAAAGTA TCTCAGTGTA ATATAGGGAG TTGCTGGTTA 180
TTTGAAAATA GTAACAAAGG TAACCCAAAC GAGAAACTCC ATTTCCATAA TTNGCTTTCC 240
TGAAAGTCAG GCATGTCTTT GAGGACAGGT TTTGGCAGTA TTNNNNTNGT GCACAGGNGG 300
GAAATTN 307

配列番号：6447
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07613
配列：
GATCTGCCTG TTTATTTTGG TGGGTGGTCT TTCCTCCCTC CCCTACCACC CATGCCCCCC 60
TTCTNAGTCT GCCCCTGGCC TCCAGCCCCT AGGGGACTAG CTGGGTTGGG GTTCCTCGGG 120
CCTTTTCTCT CCTNCCTCTT TTCTTTCTGT TGATTGTCGC TCCAGCTGGC TGTATTGCTT 180
TTNAATATTG CACCGAAGTT TTTNAAATAA AATTTTAAA 219

配列番号：6448
配列の長さ：272
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07614
配列：
GATCTGGTGT AGTATATTTT ATCGCATTTT CTTATATTAA AAAATGTCTG CATGATTACA 60
TTTTATTTCC TTTGTAATTT ACATTTCAGA ATAGTGTATT GCTATATGGG TGCCAAGATT 120
GANTATGAAG AACCCGAGTN TTTGTAGTAT TATAGTTTTA AGCAAATCTG TGTGGTGATA 180
CAGCCATAAG ANTGGGGCTT ATATAANCTC TGTACATGTA AGATTTTGTA CAGAGAATTT 240
TTAACTTTAT AAATTGTATA TGANCATGTA NN 272

配列番号：6449
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07615
配列：
GATCCACCCG CCTCAGCCTC TGAAATTGTT GGGATTACGG GCGTGACACN CGCGCCTGGC 60
ATGTATATCA TTTTNNATTG TGTATTTTGT AATTTTTGTT TGTNAATTTA TTTTTAATAT 120
AGTTTTCAAT TTAACTTGTT AGTTTCTGTA GTGGCAAATC CTTGTGTTTG CAATATTGGA 180
TTATTTCTCC ATAAGAGTTT CACATTTCTC CTGCTAGGAA ATCCATGGGG AATATTGGAA 240
TTGGGCTAGT TTTAATNNNA TNNCTAATGT TTAANGGTTC TGAAAAANAT TGGCGNCAAA 300

配列番号：6450
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07616
配列：
GATCTCCACT TTNCCAAAGG GCTGCNAGAG GTGATTGANA AGAACCGGCC TGCTGATGTN 60
AGGGCGTCCA CTGCCCCCAC ACCGTCCACA GCAGCTGTCT GAGCCCTCAA TCCCCAAGCT 120
GGCAGCTGTC ATTCAGGACC CCAACCCCTC TNAGCCCCTC TTTTCCCACA TTCATAGCCT 180
GTAGTGCCCC CTCTAACCCC CAGTGCCACA GAGAAGACGG GATTTGAAGC TGTACCCAAT 240
TTAATTCCAT AATCAATCTA TCAATTACAG TCCGTCCACC ACCAAA 286

配列番号：6451
配列の長さ：97

配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07764
配列：
GATCCCCTGC TGGCTGGGGG CAGCTCCCAG GATATACTGC CTTACAACTG TTTCTAAAGC 60
CCATCCTNCT AACATGGCGA TTCCGGAGGT CAAGGCCTTG GGCTCTNCCC AGGGTCTAAC 120
GGNTAAGGGG GCCACATACC NGTTCCAAGG GGNNTGTCAA GTNGTGAAGT CGTTNTGN 178

配列番号：6587
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07765
配列：
GATCAGATGG TTTATAAAAG TAATAACCAT AAAGCAAAAA ATAATTTGAA AGCCCGTCTA 60
TTCCTATGCT CANTAAAGTT AAGGTTTTTC TTCATTAAA 99

配列番号：6588
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07766
配列：
GATCCTTTGA GCCCAGGAGT TTGAGACCAG CTTGGGCAAC ATAGTGAGAC CCTGTCTCTA 60
CCAAA 65

配列番号：6589
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07768
配列：
GATCACAGGG TCAGGAGTTC AAGACCACCC TGGACAATAT TGTGAATTCC TGCCTCTACT 60
AAAAATACAA AAATTAGTCG GGCATGGTGG CGGGTGCCTG TGGTCCCAGC TACTCGGGAG 120
GCTGAGGCCA GAAAATCGGT TGAACCTGGG AGGTGGAAGG TGCACTGAGC CAATATCACA 180
CCAGTGCACT CCAACCTGGT GACGN 205

配列番号：6590
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07769
配列：
GATCTCATAC TCAACAGAAG GAGACTCAGA GACTCCAGAA GGCACAGGAG CTGCCCN 57

配列番号：6591
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07770
配列：
GATCATGTTT ATTTACTGAT AAAACTCAAT ACCTAGAACT GCACCTAGCT CATGATGGTA 60
CCTAATAAAT ACTTCAATGA AATGATGTGG TGATGCATGC CTATAGTTTT AGCTACTTGG 120
GAGGGTGGCC TGAGCCCAGG GGTTCTAGAC CAGCTTAGGC AACATAGCAA GACCCCATCT 180
CAAA 184

配列番号：6592
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07771
配列：
GATCTGAATG GTTTTAATAA GTGCCTGGNA TTTCCCCTAC TGGCTCTCAT NCTNACTCTT 60
GCCGCCCTGT GAAGAGGTGC CTTCCACCGT GATTGTNAAG TTTCCTGAGG CCTTCCCAGC 120
CATGTGGAAC TGTGAGTCGA AAATNAAACC TCTTTTATAA TTAAA 165

配列番号：6593
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07773
配列：
GATCCAAGCT TAATTTTCAA ACAGCTTCCC AAAAAGCTGT ATCCTGAATA TCATAAAGTC 60
TATCATATGA TGTGTACTCA GTCATATTCT GTAGACTCAA ATCTTTTATC TGATTATACC 120
AGCTTTCCCG NAAA 134

配列番号：6594
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07774
配列：
GATCTGCCCA CGTTGGCCTC CAAAGTGCTA GGATTATAAG TGTGAGCCAC CACACCAGGC 60
CCGTTTCATC CCTGNCTCAG CCTGCATGCC AAGCTCCCTN GGTGCCCGNC CACAGGTGTC 120
ACCCTTTNAG GAGAANGTGG CCTGGGGN 148

配列番号：6595
配列の長さ：238
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07775
配列：
GATCGCTTGT AGCTGGGAAC AGTGCTTACT TCAGGGAAAA CTGATTTTGA TAGAACCGAC 60
TAGTTGAGTA TTAAACTGTT TTGGAAATAA TTTATATATC TAAGTGCTGA AATATATTTC 120
TCTTCTCCCC ACTTATTCAA ATAAAAANGT TTTNATACTA TAAACTTTTC NNNGTTAGCG 180
CCACGCAGTC CTTGTCAAGN TTGTNCTGGG GGNCAANAAC TTGATGTATA AAGCATGN 238

配列番号：6596
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07776
配列：
GATCTCTACT ACCANAAGGA AAATAGTTTA GGNGAAACCA GCTTTTANTG TTTTTGTAAA 60
ATTAGCTTCA CCCTGTNATG TTANCAAGGT ATGTCTTTGC CN 102

配列番号：6597
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07777
配列：
GATCGCGCCA CTGCACTCTA GCCTGGGTGA CCAGCCTGGG TGACAGAGTG AGNCTCCGTC 60
TCAAA 65

配列番号：6598
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07778
配列：
GATCTAGAAG AAAGTATTGT ACGTTTGAAT GCAGATTTTN ATCCACAGAT AGTTGTAGTG 60
TTTAGACATG ACAGGACCTA TCGTTGAGGT TTCTAAGACT TACTATGGGC TGTAAACCTG 120
TTTTTNAAAA CTATTTTAGA AACCTGAGAC TTGCCGTCTG GCATTTNAGT TTAATACAAA 180
CTAATGATTG CATTTGNAAG NGNTNCTTGA CCTTATTTCT AAACGTCTAG NGCTCTGAAA 240
TGTCTTGCTG GNNGGTATTA AACTATTTGC CTGTNGTACA TN 282

配列番号：6599
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07779
配列：
GATCAAATGG CTTAGAGNTA GTCCTGGAAT ATTCATATTC AAAGATTCCT TATTAATGAA 60

TGTCTTTAAC TTAAATCTAC CCAATAATTG CAACATGGTT CTTTGTACAT TTTCATTATA 120
TGGTGTTAAC AAGCTTCACT GCAAACAAAT AAATTACTTA AGTTATTTGN AAA 173

配列番号：6600
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07780
配列：
GATCAGTGTA GCAAATNAGG GATGAAGNGT TCAAACCTTT TGGCCCTTTC TTTCTTTNCT 60
AGGCTTCTCC CTCGCAGGGT GTTCCGTAGT TTCTTCTCGA GCCAATGCAT GTATTATAGC 120
AGCAGGTGTC TTTGTGCTTT CTCATCATAG TAACGTACTA CTTGTAAATA CATTTTNCTA 180
TTTNCTATTT TTTTGTATTT TTTTTTGACA TTTTGTTTCA TTGGTGTGCT GNGNGNNNCC 240
CATGCCCTCA CTCCTTTAAG AAA 263

配列番号：6601
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07781
配列：
GATCCAAAAT TCTCAACAAA ATATTAGCAA ATTGAACCCA CCAAGGTTAA A 51

配列番号：6602
配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07782
配列：
GATCAAAGGC CTCTNAGGGG TGTCCACCAA AAACTTCTCC TTCAAAAGAG AAGACTCCGT 60
GCTTCAGGGC TATGACATCA ACAGCCAAGG GGAAGAGTCC ATGGGAAATG CAGAGCCCCT 120
TAGGAAGCCN ATCAAAAACC GGNGCNTANN GTTAANGAAA GTGAACTCCC AGGAAATACA 180
CATGCTCCCA ATCAAAAAAC AACGGCTGGC CACCTTTTTT CCAAGAAAGT AAATAACGGC 240
TTTTTAAANT NNGTATGNTT ATAATATGGG GAAAGGTGCA TTN 283

配列番号：6603
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07783
配列：
GATCGTTCAT CCGATTGCNA CGTTCCAAAG TGTCCAGGTT TTTAAGACCT TACAAATGAC 60
TCAGCCCACG TGCCACTCAA TACAAATNTT CTGCTATAGG GTTGGTGGGG CAGAGCTGTC 120
TTCCTTCTGC ATGTCAGCAC AGTCGGGTAT TGCTGCCTCC CGTATCAGTG ACTCATTAGA 180
GTTCAATNNN NATAGATAAT ACAGATATTT TGGTAAATTG AAA 223

配列番号：6604
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07785
配列：
GATCACCTGA GCCTGAGAGT TCCAGACCAN CCTGGGCAAC ATAGCGAAAC TNCATCTCTT 60
TAAAAATAAA ATAAAATTAA AATTAATACA AATAATTAAA 100

配列番号：6605
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07786
配列：
GATCCCTTCC ACTCAGGATT CTCGCCGCCT TTTCTAAGAA AATAATAAAA AAAAAATNCT 60
TGTTTCAAA 69

配列番号：6606
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07787
配列：
GATCTGCCTG CCTCGGCCTC CCAAAGCGCT GGGATTACAG GCGTGAACCA CTGCGCCCAA 60
CCTTTGGATT ATTTTTTGTA GAGATGGGGC TTCCCTATGT TGGCNAGGCT GGTCTCAAAC 120
TCCTGGANTC CAGCCTGGGC GGCAGAGCAA AACCTTGTCT CAAA 164

配列番号：6607
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07788
配列：
GATCACTCCT CTGCTTCAGC CTGGGCAATT GAGCCAGACT CTGTCTCAAA AATAAACAAA 60
AAAACTTGAC AAA 73

配列番号：6608
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07789
配列：
GATCTTTTTA CCTGGATATG TCTGTAAGGC TCCTGAAAGA GACAAATAAA GTCAATATAT 60

TTNCACAGTG CAAA 74

配列番号：6609
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07790
配列：
GATCTTAGGT CAAATAACAG ACTTGAGAAT ACTTTATAAA CTGCCATGAT ACAGCAAA 58

配列番号：6610
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07792
配列：
GATCGNGNGC GTTTAACGCT GGTGGGCAGC AATAAGGGGC AGATGTGACC AGATGCCTGC 60
NTCCCCAGGG TGCCGAGGGC AGCAGGAAAA AGTGGGGACC TCGGTGCATT TGCCCCACCC 120
NTCCCCTNNC TGGGCTAAN 139

配列番号：6611
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07793
配列：
GATCATCGAC ACTTCGAACG CACTTGCGGC CCCGGGTTCC TCCCGGGGCT ACGCCTGTNT 60
NAGCGTCGCT TGAAA 75

配列番号：6612
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07794
配列：
GATCTGGGGG AGGAAGTTCA AGGAAGGCAC CACACCAGAA ATNGGACCTA AATTAAGGCT 60
TAAAGAATGA GCATGGCCAC ACTGTCAGTN AGTGTTCTTT AGGTGGTAGG ACTATGGTTG 120
ANATTTTCNT TCTTCCTATC TTCCTGCCTT TTTCAGGNNN TNAATATTAA N 171

配列番号：6613
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07795
配列：

GATCACGATG TAAATAATTA AGCATTTTGG TTGGATTTCT TTTGTAATAA ACTATTTTTG 60
TACCATAAA 69

配列番号：6614
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07796
配列：
GATCTAGGAT AGCTAAGTNA CCTACATGGT GACTGTTCGG TCTAATTCAG AAACAGAAGT 60
ACTAAAAGAA TACTAAAAAG TTTTTACCCA TTATCTCTAT CCCTGTTTTN TTTTTGCAAT 120
TCTCAGCNGN AGGGAGCAAG AAAATACACA GCAGNGGGGG GAATGTTTGT TTGCATCCTG 180
GCTTTCTCAA CCGCACTTTA CGTCCTTGAA TATNCTAGAT ATTTACTCCT TCAAGAAGTC 240
AGGAGTATAT CCAGGCCTAC CTATCANCCT N 271

配列番号：6615
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07797
配列：
GATCACACCA TGGAGACTTT CTACTAGAGG ACTTGAAAGA GAACTGAGGG GCCACAAAAT 60
AAACTTCACC TTCCATTAAG TGTTCAAGCA TGTCTGCAAA TTAGGAGGGN GTTAGAAACA 120
GTCTTTTTCA TCCTTTGTGA TGAAGACTGA AATTGTGCCG TGTTGCCTTA TATGANTATG 180
CAGTATGGGA CTTTGAAATA ATGATTCATA ATAAAATACT AAACGTGTGT CTTCAAA 237

配列番号：6616
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07798
配列：
GATCTNAAAT AAAATTCAAA CTCTACTTCT GTTGTCTAGT ATGTAATTGA GCTAATGATT 60
CATTGGGAAT ATACCTTTTT ATACTCCTTT ATCATGGTAC TGTAACTGTA TCCATATTAT 120
AAATATAATT ATCTNAAGGN TTTTNAATTT TTNTTNATGT CCAAGNGCCC ACGTGAATTT 180
NCTGGTGAAA GTNAGN 196

配列番号：6617
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07800
配列：
GATCATCGAC ACTTAGAACG TACTCCNGNC CCCGTGCTCC TCCAGAACCT ACGNCTGCAC 60
TAAGCGTCGA TTAAA 75

配列番号：6618
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07801
配列：
GATCACGCCA CTGTACTCCT GGGCAACAAA GCGAGACTCC CTGTCTCAAA 50

配列番号：6619
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07802
配列：
GATCGAGGCT TGTNATGCCT TGTGAGAAAT AAGGGCCTTA ATTTGTACTG TCTGCGGCAT 60
TTTTNATAAT ATTGTATATA GTGACTGACA AATATTGTAT TACTGTACAT AGAGAGACAG 120
GTGGGCATTT TTGGGCTACC TGGTTCGTTT TTATAAGATT TTGCTGGGTT GGTTTTTTTT 180
TTAATTAAAA AGTTTTGCAT CTTTTAAA 208

配列番号：6620
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07804
配列：
GATCAGGAAG CCAAACTTAA GAAAGAGCTT GAAAATACTG CTCTAGAGCT TAGTCAGAAA 60
GAAAAACAGT TTAATGCCAA AATGCTGGAA ATGGCACAGG CTAACTCAGC TGGAATCAGT 120
GATGCAGTGT CAAGACTGGA AACAAACCAA A 151

配列番号：6621
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07805
配列：
GATCTNGGCA ACACAGTCAG ACTCCGTCTG AAA 33

配列番号：6622
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07807
配列：
GATCCGGACG ACGTAATCAC TGACATTNAG ATGGTGGACG AGGGCTGGTG GCGGGGACGT 60

TGCCATGGCC ACTTTGGACT CTTCCCTGCA AATAATGTCA AGCTTCTGGA GTNACTAGAG 120
CTCACTGTCT ACTGCAACTN TAATTTCCCA TGTCCAAAGN GGNTCTGCCT CCACCCCCTC 180
CCTATTCCTG CTGCAAATNT CTAACCAGAT GAGGTTCTGG ACAGACTTCC CTCTCCTGCT 240
TCATTAAGGG CTTGGGGCAG AGNCAGCATG GGGAAGGAGG TCCCCTTCCC CAAGAGTCCT 300
CTTCTATCCC TGGATGAANN N 321

配列番号：6623
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07808
配列：
GATCCCAGCA CCCATTCCTT AGCTATTTAT CCCTTTCCTG GTTTCCGAAA GGCAATTATA 60
TCTATTATGT ATAAGTAAAT ATATTATATA TGGAAA 96

配列番号：6624
配列の長さ：242
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07810
配列：
GATCTAGGCT TCTNGCCTCA CTCCCATTAG GAATAACACC CAGCAAAATG GAACTATCCA 60
AGCACTTCCT ATACATCTGT CTCCCCATTC TCTCTTAAGA AGTTTCTTCA GCTGGTGCGC 120
CATCATCATC ACCATGACTG CCCCCAGCTC TTGAGGAAAG GNATAATTAC CTCCATGGTG 180
TTGCCTCCTA TTTGCCTAAA GCACCAGAAA TAATATTAAA TACACCAGAT TAACTACANA 240
AA 242

配列番号：6625
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07811
配列：
GATCCCGTCC TTGTCAGAGA AGTGTTCCTT GGATGAGCGC CCAGAGGGAG GAGCCCATGG 60
CCCTTTCTTC TGTNACTGAT TAAAAATCTC GATGAAA 97

配列番号：6626
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07812
配列：
GATCCCTTCA AGACTTTGTC ACAGCCTCTA TCACACATCT GTTTTTCTCG AAGNAAAAAA 60
TATAATTAAT AAAAATGTTT TACTCTTTTA CACTGAAA 98

配列番号：6627
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07813
配列：
GATCCCGNTG TTCTTAATAA ATCCTGACTT CCCAAA 36

配列番号：6628
配列の長さ：35
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07814
配列：
GATCAAAAAT AAATACTGCA CATAAAANAA AAAAN 35

配列番号：6629
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07815
配列：
GATCTTGTTT TTATTGTTAT TGCTTTTATT ATNATTGCTT TTATTATCAT TAAAACTCTA 60
GTTCTTGTTT TGTCAAA 77

配列番号：6630
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07816
配列：
GATCCAGTAC AGAAAGGAAA GGNTATTTAT TGATTAACAG AAGTTGTCTT TTTAAAAGTG 60
TTTATTTTTG GCAATAAAGA GCACAACATA ATCTCAAA 98

配列番号：6631
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07817
配列：
GATCAGGGAA CAAAATCCTC TCCTTGTGGA AATATCCCAT GCAGTTTGTT GATACAACTT 60
AGTATCTTAT TGCCTAAAAA AAAATTNNCT TATCNTTGTT TCAAAAAAGC AANNTCATGG 120
ANAATTTTTG TN 132

配列番号：6632

配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07818
配列：
GATCAACGGC TGACCTTCTG GCGTCTGGGG CATGGTGAAC CCACCTNCAT GAATAGCACT 60
GTGTTCCATG TGCCTGANGT GGCTGACATG GACTGCTGGC CTGTAAGCCC TGAGTTTGGC 120
CACCGTTGTG CCCTTGGGGG TCAGGGGNTT NAGGTTTACA ACTGGTATGA CTGAGGTATC 180
CTGCGGTGGC TGGCGTGCTG GGCATGGGGC NTGCTCACAG ACAGNATGGA GCAGGGAAGG 240
GCTGTCCTGT GCCCATGCTC AGCTTGNCCT TNNNGNNGAN GGAGGTNGTG GCCGTGGGTN 300
CCTN 304

配列番号：6633
配列の長さ：35
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07819
配列：
GATCTCAAAT AAAATTNCTG TAAAGAATTT CCAAA 35

配列番号：6634
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07820
配列：
GATCCAAATC GGGCCATCTT CATTGCCATG AGTGTTCGGA CAGGCTCTGC GTGCCAGGCA 60
ACAGTGGGCA GACAAAGGGC TCCCTGGCTA CTGGGAAGAT ACAGAACCAT CCTGTGAAAA 120
TCATTTCAGC ACTGGAGACC TTCTTTGCTA TTACTTCTTT CATTAACAAT GACCTCTAAT 180
TTAAA 185

配列番号：6635
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07821
配列：
GATCCGTGGC CTGAAGGTTC CTAGAGNCGT CAAGAAATNA ATATCTTACA CTGTGATTCT 60
GTGAGGAAAG ACTGGTAACC CAAAACTCTC TTCTCTAATG TATTTTTNAA CGNAAATGAC 120
AATATTTCTT TAATAAAGTA TTTATACCAA A 151

配列番号：6636
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07822
配列：
GATCCAGGTC TAGGCCCTTN ATCTGCTGCT CTGTGGCCCA GGGCAGGTTT GCTTGACCTC 60
TGCCTCAGTT CTCGACTCTA AAGGACATAC TGACCTACCT CACAGGGGTG TTGTNAGGAT 120
TAATAAATNT TGGTACTCTG CTTTGGAAAT NTGAAAAAAA AGAAA 165

配列番号：6637
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07823
配列：
GATCAAATTC AGTGTTGTAT GTATGTTTAT GGCAACATTT TGAAAATAAA AATTAAATGT 60
TTTNCTTCAA A 71

配列番号：6638
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07824
配列：
GATCTCAATA CTTCCCTGAC ATCCCTTAAG ACTCAAGTCT TGATACTTTG TCTGCTCTCT 60
GGCTCTTTCT TTGTCATTAC TATNATNNNA ATCTTCTTGA TGTTGACTCT TGCTAAAATT 120
TTTNGTCTTC CTTATTGTTA ATGCTTATAG AAAATGATTC CTTGTTATCT TTNAGCCCAT 180
GTCATCCGAA TCATTTGCTG TTTCTAGCCT AGGTGCTTTG ACTATGCCAG CTTGTATTTC 240
TNCAGAATTT NCATTANCTA TATGTGTGGT ATTGTAGGCA TTACCATATT TNAAAATAAA 300
NTTTAGGCCA TTGCTTCAAA TCACAACAAA NNACAACNCA ACNNACNN 348

配列番号：6639
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07826
配列：
GATCTGAAGA GTGAAAATAA TGCTTTAAAT NAAAAATTGA AATCAGAAGG AAA 53

配列番号：6640
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07827
配列：
GATCTTTTTN AATTCAGTAC AACCCATAAT CATGTAAATN CTCATTTNCT TTAGGNCATA 60
AAGAGAGCCC TAGGGTGCTC TGAATGTGTA CATGTNCTTG TCATAAAATG CATACTGTTG 120
ATACAAA 127

配列番号：6641
配列の長さ：23
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07828
配列：
GATCTGTTGT TACTTAACAG AAA 23

配列番号：6642
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07829
配列：
GATCTTNATG TTAATNTTCA GAGGACTCTA GACAACAACT TAGCAACTGA AGCTTATNAA 60
AGAAGAATTA AGCGCCTTGA GCAAA 85

配列番号：6643
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07831
配列：
GATCTTTTGT GGATATTTGT CACTTGGTTT CAGAAAGTNC ACAAATGTAG CAACAGCTCA 60
CATGACTGAG TAGGTAGAAA ATGTGAAATA AATCTCATAT ATATNGTTTT AAA 113

配列番号：6644
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07834
配列：
GATCGTCCCG CTGCACTCCA GCCTGGCCAA CANAGCGAGA CTGTCCCCCC CAAA 54

配列番号：6645
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07835
配列：
GATCTTGCTC CTCTGTAAGG AACAAGGGTG CCTAATAAAT ACATTNCTCC TTTATTAAA 59

配列番号：6646
配列の長さ：184

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07836
配列：
GATCCAGGGT CCCCCAGGGT GGGCTCAGCT CCAGGGAGAG GCCACCCACG TGGCAGCCCC 60
ACCTCTTGAG AGCCCCCAGT GCCGGAGCAG AAAGGACCCT GGACCCNGAG GCAGNNACTG 120
CGGGGTGGTA GAAAAGGTAG AGTAGGCTGT GGCAATGGAA TAAANCACGA TTAAAAACGT 180
TAAA 184

配列番号：6647
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07837
配列：
GATCCTTCCC CTGCAACCAG ACAGTCTACA ACTGCCCCCT CCAGCCCATT TNCTGCCGTG 60
AAACCCCAGC CAGCCANACC AGGCTCTGGA ACCCTTTTTC GACTAGGNCA ACTCTTGGNC 120
ACCAGGNGGG GTAGAACACC NAACACCAAA CTGTACAGAN TNTCCN 166

配列番号：6648
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07838
配列：
GATCTNTNAT GGTCAGCACC ACCCGCNTAC CCAGTTCCTC CAGTGGAGAC CAGTTGGGTA 60
GTGGTGACTG GGTACGCTAC AAGCTCTGCA TTGTNTGCTG ATGGGACGCT CTTCAAGGTG 120
CAAGTAACCA GCCAGAACAT GGGCTGCCAA ATCTNAGNCA ACCCCGGTGG AAACACTNAT 180
TAAAAGAACC CCAGAGGACA CCAACAGGTG TNTATCTGGN CNTGNCN 227

配列番号：6649
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07839
配列：
GATCTTTGGG GTTGGAGTGA AGGTCTTATC TGCATTAATT TTGTTAATGC ACATTGTAGA 60
TGTGGAGAAC ATCTTGACCT GCATAAGGAT TGCGTCTCAT TTTATTGTGT AGTGCTTTTT 120
CGAAATATTT ACATTTCTTT GGTTCCCATG TTCATGTATT CTGGAGAAGT AAAATTTCTT 180
GATTACTGGG CAGACCCTAA AACTACTAAG AGAAACATAA CATGTAGTTA GCTGTCTGCT 240
CATGGTTTGT TCAAATCTAA GCTAACCTTA ATGGTGCTGT GTCCGCTGTN CACAGAAAAC 300
GGCCTTAAAG TAGN 314

配列番号：6650
配列の長さ：104

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07840
配列：
GATCCCCTCC CCTGCCCCTG GGTTCCTGCC TTCCNTCCTC AAGCAGGCAC NNAGGCTTTA 60
GAGAAGTATA GGGGGCTTCT CCCCTGCNGG GCTTACCACA NTTN 104

配列番号：6651
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07841
配列：
GATCAAGATG CCGAACCCTG TGTTCAGAAC CTCCAAATAC TGCCATGAGA AACTAGAGGG 60
CAGGTCTTCA TAAAAGCCCT TTGAACCCCC TTCCTGCCCT GTGTTAGGAG ATAGGGATAT 120
TGGCCCCTCA CTGCAGCTGC CAGCACTTGG TCAGTCACTC TCAGCCATAG CACTTTGTTC 180
ACTGTCCTGT GTCAGAGCAC TGAGCTCCAC CCTTTTCTGA GAGTTATTAC AGCCAGAAAG 240
TGTGGGCTGA AGATGGTTGG TTTCATGTTT TTGTATTATG TATCTTTTTG TATGGTAAAG 300
ACTATATTTT GTACTTAACC AGATATATTT TTACCCCAGA TGGGGATATT CTTTGTAN 358

配列番号：6652
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07844
配列：
GATCCAGTTT GGGATTATGA AATAAACCAC AAATNAAAAT TTTAAA 46

配列番号：6653
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07845
配列：
GATCTGGGGG GATGGAAAGC AAAATAAAGG AGGTGCCTGG NTGCATTATT TGCAGTGGGC 60
AAA 63

配列番号：6654
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07848
配列：
GATCCACCCA CCTCGGTCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG TCTTGAGCCA CCGGGTGACC 60
GTCTTACAGG GATATTTTNA ATCCCGTNAT GGACTCTGTC TCCAGGAGAG GGGTCTATCC 120

ACCCCTGCTC ATTGGTGGAT GTNAAACCAA TATNCCTTTC AACNGGTGNC TGNTAGGGAA 180
AANCTACTCC TCATTATCAT CATTATTATT GCTCTCCACT GTATCCCCTC TACCTGGCAT 240
GTGCTTGTNA AGTNCTAGTT GTTCAATAAA TTTGTNAATA ATGCTGTAAA 290

配列番号：6655
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07849
配列：
GATCTTCCTG GAAATNAGCA GTGACTAACG CTCACATAAC TGGTTTTTTT TTTNAACTGG 60
GCTGATGAAT ACATTTACCT ANGAAACTCA TTTCGTTTTA CTTAAGAGGG GANGTGCAGT 120
TTTNTTTTGG NAGTTCAGAN TCCAN 145

配列番号：6656
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07850
配列：
GATCCTCTGG TTTNTTCCAT TGGGGCGGAG TCGGGGGTGG AGGGAGCTGG CCACAACCCA 60
CTGCTCTGAT GGGTGGTTTG TCCAAGNATG CTGAATGTAA TGCCTGGTCA ATGTGGAAGC 120
CCATNAGGTT GCCCAGGGAA GCCTCCAAAA GCTGGGATGC TTGAGGGTAT CCAAGTTGAA 180
AAAGACAAAA TCTGACCATC AGCCAGTGAC AGTCCTGGCA AATNAAGGTG GGGCGGGGCA 240
GTNAGGGGTG GGNGANGGTG AATNNTTCAT TATTCCACCC NGCGGTTTNC TGGGGTGAGG 300
GGGAAGANTC GNTGCTTGCT TTGGGCACTG ANGGTTTTTC TGTNNGGGGA N 351

配列番号：6657
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07852
配列：
GATCATGTGA AGAAAACAGT GACCATTGAA AATNACCCTC ATCTGCCACC ACCTCCCATG 60
TGTTCAGTTC ACCCATGCAG GCATGCTGAG GTGATGAAGA AAATCATTGA GACTGTTGCA 120
GAAGGAGGGG GAGAACTTGG AGTTCATATG TATCTNCTTA TTTCCTTGAA ATTTGTACAA 180
GCTGTCATTC CAACAATAGA ATATGACTAC ACAAGACACT TCACAATGTA ATGAAGNGAG 240
CATAAAANCT ATCCTAATTA TTGGTTCTGA TTTTNAAAGA ATTAACCCAT AGATGTGNCC 300
ATTGNCCATA TTCATCANTA TATACAGTTT CTCTANTAGG GGAANN 346

配列番号：6658
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07853

配列：
GATCCACACG CTGGCCCAGG AGTTCGACAT TNACCGCAAG GTGGGCGNAG AGCCTGTNCC 60
TGTAACGAGG GATNATTCCA GCAATGGCTT TCCCCGCACT CAGCATGGTT CCCCAGTAAC 120
CTCCTGCTGA CCAGCTCCTC GGGGGAGCTG TGGAGGATGG TGCGCATCGG TGGACAGCCC 180
CTGGGCTTTA ATGAATGTGG CATCGTGGCA CAGATTGCAG GTCCCCTGGC TGCCGCTGAN 240
ATCTCTGCCT ACTACATCAG CACCTTCAAC TTNNGNNNNG GCCTGGTTGC CCGAGGACGG 300
TATCGGCAGC GTCATCGNGG GTCCTCCAGN GGNGGGNAGG AATGN 345

配列番号：6659
配列の長さ：47
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07854
配列：
GATCTTTGTT AAAAAAATAA AAAGTACTAA CATTACAGAC ATGTAAA 47

配列番号：6660
配列の長さ：35
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07855
配列：
GATCCTGCCA CTGCAGAGTG AAACCCTGTC TCAAA 35

配列番号：6661
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07856
配列：
GATCCCCCCG AAGTCTTCAC AGGCACTGCA TCGGGTTGTC TGGCGCCCTT TTCCTCCAGC 60
CTAAACTGAC ATCATCCTAT GGACTGAGCC GGCCACTCTC TGGCCGAAGT GGCCGCAGTG 120
TTGCCCCCGA GCTGCCCCCA CCCNCTCACA GGGTCCCTCA GNTTATAGGT GCCCAGGCTG 180
AGGTGAAGNG GCCTGGGGGN CCTGCNTTCC GGGCGCTCCT GGACCNTGGG GCAAACCTGT 240
GACCNTTTTN TACTGGANTA GAAATNNGTT TTATNATTN 279

配列番号：6662
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07857
配列：
GATCATAATA TAATTGGTTA CAAAGTGGAA GTGCCAGCTG GCTTAAGTAC CCAAAGAANA 60
GAATGCAGCA GCCTAACTTA GTGTTACCAT ATGTTACTGA ATTTGAAACT GACCTTTTTT 120
CCCACCCTAC TTCACACACC TAAAACTCTT TTTTTGTCAG ACCAAAAGNGC AAA 173

配列番号：6663
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07858
配列：
GATCCAGTTG TCATCCACCA CAGACATCTC ACATCAGATA CAGACAGTTC CAAGATTGAC 60
AACAGAGAAC AACCTGCTGG AAAGACCTGG GCAGAAATGG AGAGCCCTGC GGGAACCATG 120
CTACATTTTC ATCTAAAGAG AGAATGCACA TCTGATGAGA CTGAAAGTNC TTTNTTGTTT 180
TAGATTGTAG AATGGTATTG ANTTGGTCTG TGGAAAATTG CATTGCTTTT ATTTCTTTGT 240
GTAATCAAGT TTAAGTAATA GGGGATATAT AATCNTAAGG CNTTTTAGGG TGGCN 295

配列番号：6664
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07859
配列：
GATCATGGTC AGANTGGAGT ACCTGGGGGC TGTCCATGCC CCCCTTTGGA CCTAATCCTA 60
CCCGTCCCCG CCAGCCCCTC TCCACACCNT TNCTCCCCAA GTACCCGCCC ACCGTTTCCA 120
TGGTCGAAGG TCAGGGCGAG AAGAACGTGA CCTTCTGGGG GAGACCGCTG CCACGGTGTG 180
AGGAGCTACA AGGGCAGAAG CTGGTGGTGG AGGNGNNACG ACCATNTNTA CACGTGCCTG 240
CTTGCAAAGA CCCTGAGGAA GAGGAACTCT AACANTTNTT TCCTN 285

配列番号：6665
配列の長さ：47
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07860
配列：
GATCCTGTTA GTCACTGTGG TTCATCAAAT AAAACTGTTT GTGCAAA 47

配列番号：6666
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07861
配列：
GATCTCTAGA GCTGTCTTGT CGCCGCCCAG GATTGACCTG TGTGTAAGTC CCAATAAACT 60
CACCTACTCA TCAAA 75

配列番号：6667
配列の長さ：286
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07862
配列：
GATCCTGCCT GGNCAACCCT TTCCTGTCCC AGGCCCTACA TTCAGCAGAA ACGCACTTTG 60
GACTTTNTCC TTTANATAAA AGAAAGACAT CCCAGGAGAA GGACAAACCA GAGGAGTGAA 120
CCAACAAAGA GTACCTAGGA ATGGAAGTTG AGCCCTGGAA TGGGGCTCCA TGGAGAGGTG 180
CATAGGACTC GGCAGAAATG GCCTCTCCCC AAAGCCTCTT TTTNAGAGGA GAGGGAAGCC 240
TATTTTNTTA ACTGGTTTGG GATAGGGAAT GGGGTTNCTT TTTNTN 286

配列番号：6668
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07863
配列：
GATCCCCGCC TGGCCAGGNG CAGGCACGGG TGGTCCCNGT TCCACCCCAA GAGAACTCGC 60
GCTCAGTAAA CGGGAACATG CCCCCTGCAG CCAAA 95

配列番号：6669
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07864
配列：
GATCTCCTAA TGATGTATTG TGCCGTGGNA GTACTGTGTG TGAATAGCAG TAGTGGGGGC 60
AAAAGCAATC TTCTCATTTG GAAATGTTGT AAATAATTTT ATTATATAGT GTTTTGGATG 120
TATTTGTTGT AGAAATGGNC CAGTGAATAA AGAGAATCTA AGGNTTTGTA CAATGTGAAA 180
TAACGTGTTA AATAANTGTC ATTGTCATAG AAA 213

配列番号：6670
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07865
配列：
GATCTAAAGA CCCGGGAGCG AGAAGCCAAG GCCAGGTTCT GGGNGNAGGG CCCAGAGAAG 60
CAGAACAGCC CAGAGCCCCA GGTGCCTGGC CTGGGCTAGA CCTCTGGAAT TGAGATTAAA 120
CAATTTGGAG TTGGAAA 137

配列番号：6671
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07866
配列：

GATCCGCTAC AGCAACGTGA AGAAGCTGGA AATAAAGCCA AAGTACCCGC ACTGCGAGGA 60
GAAGATGGTT ATCATCACCA CCAAGAGCGT GTCCAGGTAC CGAGGTCAGG AGCACTGCCT 120
GCACCCCAAG CTGCAGAGCA CCAAGCGCTT CATCAAGTGG TACAACGCCT GGAACGAGAA 180
GCGCAGGNTC TACGAAGAAT AGGGTGAAAA ACCTCAGAAG GGAAAACTCC AAACCAGTTG 240
GGAGGCNTTG TGCAAAAGGN CTTTTGCAGN TTNAAA 276

配列番号：6672
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07868
配列：
GATCCTGGAC CAGTCAGAAG CCGAGAAAGC TCGCAAGGAA CTTTTGGAGC TGGAGGCTCT 60
GAGCATGGCC GTGGAGAGCA CCGGGACTGC CAAGGCGGAG GCCGAGTCCC GTGCGGAGGC 120
AGCCCGGATT NAGGGAGAAG GGTCCGTGCT GCAGGCCAAG CTAAAAGCAC AGGCCTTGGC 180
CATTGAAACG GAGGCTGAGC TCCAGAGGGT CCAGAAGGTC CGAGAGCTGG AACTGGTCTA 240
TGCCCGGGCC CAGCTGGAGC TGGAGGTGAG CAAGGCTCAG CAGCTGGCTG AGGTGGAGGT 300
GAAGNAGTTC AAGCAGGTTG CCAGAGGCCA TAGGCCCAGC ACCNTNAN 348

配列番号：6673
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07869
配列：
GATCTGAGGC CAGCTCCCGT TCCCTGAGCT GCCTCCTGCT TCTCCCTCAA AGTCTCCTAC 60
CCTTCTCTTC CTCTTTNAAG CCCTCTCTTC CTCGCTTTCC TTCCTACCTA GCTCCTTGTT 120
GGTGAGCTTN TTGTGCCTTA ATNCTGTGAC CCAGGCCCTT ACACCANTTT NCACCTTCCT 180
GTNCGGAGNA CAAGGNCACT AGCTGCCCCA GGAAGTTGTG TGATTTTAAA TCACTTCTGT 240
CTTTGCTGGA AAGTGTATTT GTGCATAAAT AAAAGTCTGN GGATTTGTTA AAAAANAAGA 300
AAAANACNNA AAAANAACAN TNAAN 325

配列番号：6674
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07870
配列：
GATCAATGGA ATAGAATTTC ATTGGAAATG TAAAACACTT TCCCAACAAT GGTCATGACT 60
TTCTNCTGTT TTTGAGAAGA GTTTCATATG CTGGACCACA TTTNAGCTTT TATTGTTTTT 120
TTTTNCCCAT TGTCCAAAAA GTTAAGCAAC AAGTGGCCAC ACTTTTACGT GNCTACAACC 180
TGGAGTTCTG CAAAGAAGGT AATATTTNCT TGGNCTTTGC CTAANGTTAT CTCCCCATTC 240
TATGGTTACA TTTTATTTTG GCCTATGGGG CCTTCTAATA CGTTTTGGTA AAGAGGCGAG 300
TNTAANGNAA TTNCTTGTCA AATTTCACCT CAAAGGTAAT TTCNTGCN 348

配列番号：6675
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07871
配列：
GATCAACTCT CTAATGGTGC TAATGGCAAT CTAGCTAATG TGCAAATTTA GGAAGTCTTC 60
AGTACTAAGT ACATAATTTT CAAATAATAT TTTTNAATTG TCTACTTTGG ATGTTAGCTA 120
TGTCTTGTGN GTATAGGATT CCAATTTTAA GCACTATTTT GATGCAAAAN AATGCATAAN 180
NAATTTANTT TATAAA 196

配列番号：6676
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07872
配列：
GATCATAAAA ATGTGCGCCA ACAACGGCAG GCGCCATCTA AAGCAGCTTC TAAACAGAGA 60
GAGATGCTCA TNGAAGATGT NGGCAGTGAG GNAGAACAAG AAGAGGAGGA TGAGGCACCA 120
TTCCAGGAGA AAGATTCCGG CAGCGATGAA GATTTCCTAA TGGACGATGA TGACGNTNGT 180
NACTATGGCA GTTCGAAAAN GAAAAACANA TNNN 214

配列番号：6677
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07875
配列：
GATCCCCCAA GCCTGACGNG CCGNTNACCA TCCCCTCTGC CCTGCAGAGN CAGCCGCCAA 60
GGNTGACCTC AGCTTCGGAG CCACCTCTGG ATGAACTGCC CCCAGCACCC GCCCCATTAA 120
AGACCCGGAA GCCTGAAA 138

配列番号：6678
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07876
配列：
GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAN TTGAGANTCA CAAGCTCCGG 60
GTGGATAAGG CAGCTGCTGC AGCANGGCAC TACAAGCCAA ATCAGATGAG AAGGCGGCGG 120
TTGCAGGCAA GANGCCTGTG GTAGGTAAGA NAGGAAAGAN GGCTGCTGTT GGTGTTAAGA 180
NGCAGAAGAN GCCTCTGGTG GGAAANNN 208

配列番号：6679
配列の長さ：188

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07878
配列：
GATCTCCTGG AGGCTACAGG GAGCAGAGGC GATGCCCGCA GCGGCGAGCG TGTTCTCAGG 60
AGCAGGTGGG CAGGGGCCTT GCAGACTCTT CATTTCTTCC TTCCCTTATC ACCGTTAGCC 120
ATTTTNATGG GATAGAGATA CAGAGGAGCT CCCATTACAA AGCGCCATTA AACTGTCATC 180
TGTGCAAA 188

配列番号：6680
配列の長さ：35
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07879
配列：
GATCTTGGTG GTAGTAGCAA ATATTCAAAC GCAAA 35

配列番号：6681
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07880
配列：
GATCTTCCGT GGTCAGAGTG CCACTGCGGG AGCTCTGTAT GGTCAGGATG TAGGGGTTAA 60
CTTGGTCAGA GCCACTCTAT GAGTTGGACT TCAGTCTTGC CTAGGCGATT TTTTCTACCA 120
TTTGTNTTTT GAAAGCCCAA GGTGCTGATG TCAAAGTGTA ACAGATATCA GTGTCTCCCC 180
GTGTCCTATC CCTGCCAAGT CTCAGAAGAG GTTGGGCTTC CATGCCTGTA GCTTTCCTGG 240
TCCCTCACCC CCATGGCCCC AGGCCCACAG CGTGGGAACT CACTTTCCCT TGTGNTN 297

配列番号：6682
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07881
配列：
GATCCAAGAT ATCACTTAGA AA 22

配列番号：6683
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07882
配列：
GATCCAGCTG TGGTTCCAGA GCAGTGAGCT GGTGAGCTGG GCAGATGGGG GCCAGCACAG 60
CAGNATCCAC CCAGNCTGAG GCTCAAGCTG CCCTTACCAC CCCATCCCCC ACGCAGGACC 120

AACTACCTCC GTCAGCAAGA ACCCAAGCCC ACATCCAAAC CTGCNTGTCC CAAACCACTT 180
ACTTCCCTGT TCACCTNTGN CCNACCNCAG CCCAGAGGAG TTTGNGCCAC CAACTTCAGT 240
GNCTTTTTGT ACCCNAAGNN AGCACAAGAT TGGACCAATA NTTTTTGNAG TN 292

配列番号：6684
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07883
配列：
GATCTGCCTT AGCCTCACTG CTTGCCCCTA AGTGGTGGGA TTGCAGGTGT GAGCCACTGT 60
GCTGGCCTCA AATAGTTTTN ATCAAAGCTA CTTCAATTAG TGGTTAGCAA GGCTTAAAGA 120
CTAATTCAGT GCTTTATTTT NACACTNGNT CGCAACATGT TGCTTTTTTN CCTGTGTCCT 180
ATGGGACCTA GTCATCTGTA TGTNAGATTC ACAGAGGAAT TAAAGAGATA AACATGCATG 240
TNCTAAA 247

配列番号：6685
配列の長さ：37
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07884
配列：
GATCCACAAC TACACACATC ATAACCACAC CATCAAA 37

配列番号：6686
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07885
配列：
GATCTCTGAG GAGTTCCCTG GGGACAACTG AGCAGCCTCT GGAGAGGGGC CATTAATAAA 60
GCTCAACATC ATTGNACNAA A 81

配列番号：6687
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07886
配列：
GATCAGCCTT TCCAGGTGCT TTAGTCGTTC GCCTAGACAC GTTCCTGTCG CCTCTGACAG 60
CTGCAGTTGC TCTGCGCTGC TAGACATGGT GGACATTTNA GCAGCCTGAC CTGTGGGGAG 120
GGGGTCTCTC CCGAAGAGTT TCTGTTTTTA CTCAAAATAA TGTTATTCTC AGATGCTTGA 180
TGCACTGTTG GAAATGTGCT CNATTTAATC ATGCAGATAA ACCATTTAAA TGTCAAA 237

配列番号：6688

配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07887
配列：
GATCTCTTGA GCCCAGGAAG CCGAAGCCAC AGTGAGCTGT GATTGCACCA CTGCACTCCA 60
GTCTGGGTGA CAAGAGTGAG ACCCCATCTC AAA 93

配列番号：6689
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07889
配列：
GATCGCAGCA TTGCACTCCA NCCTGGGCAA CAAGAGTGAA ACTCTGNCTC AGAAAAGAGA 60
AA 62

配列番号：6690
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07890
配列：
GATCCTCCTG CTTCAGCCTC CCAAAGTGCT AGGATTATAG CCACCGCACC TCGTCTTGAA 60
ATAGCCTTTT AAATGTTCAC CTCAGCTTGC CTCACAGTGG GTCTGTTCCT GGTTTCCCAG 120
ATGCATAAAG GAAGACATAT CCCTCCCCTG GGNAGCAAGG CTACAATGGG AGGGAGGGAG 180
AACATGGGAG CATGTGAATA AAATGGCATT AANTACTGAA A 221

配列番号：6691
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07891
配列：
GATCATCAAG AAAAAAGAAA CTTAAATGGA CACTTTTAAT GCTGCAAATN AGCTTGTCGT 60
GAAGTTACCT GATTGTNTAA TTAGAATGAC TACCACCTCT GTCTGATTCA CCTTCGCTGG 120
ATTCTAAATG TGGTATATTG CAAACTGCAG CTTTCACATT TATGGCATTT GTCTTGTTGA 180
AACATCGTGG TGCACATTTG TTTAANCAAA 210

配列番号：6692
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07892
配列：

GATCTGTCAT CTTCATAGCA CAACAAAACG AAATGATGGA AATNCTCTTN AGCTCACAAC 60
ATTTGTTTTN CTTTTAAAGT AAATGCAAGT ACCAAAGCTC ACTACTGCGG TTTGCCTGTN 120
CCTGGNCANT GAGGCGGAGC NCTGTTGTTT TGTTGGGGCA CCCCCTTNN 169

配列番号：6693
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07893
配列：
GATCTCTGCT TACCGTTCAA GAGGCGTGTG CAGGCCGACA GTCGGTGACC CCATCACTCG 60
CAGGACCAAG GGGGCGGGGA CTGCTGGCTC ACGCCCCGCT GTGTCCTCCC TCCNTCCCTT 120
CCTTGGGCAG AATGAATTCG ATGCGTATTC TGTGGCCGCC ATCTGCGCAG GGTGGTGGTA 180
TTCTGTCATT TACACACGTC GTTCTAATTA AAAAGCGCAT TATAAA 226

配列番号：6694
配列の長さ：31
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07894
配列：
GATCTCTTAA ATAAACTTGC TTCTGGTTAA A 31

配列番号：6695
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07895
配列：
GATCTAAATT TGTTTATTTA AGCTGCAAGN AAGTTACATT AATTTGGAAT GTGTCATCAC 60
TTGGNCCCAG TATATCAGAT TTTNATTGAG TAAAATGTTA AAAATAATAA GTGTAACTCA 120
GATTCTGGAT GTNCGNGTTT ACAATACATT GCCTGTAATA AAAGCTGATT CTGANGTGCA 180
AA 182

配列番号：6696
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07896
配列：
GATCCCAACC CTGTGTCCTG CCCTGACCCC TGTTCTCCCA CTCGTGGCAC TGTCAGCCCA 60
GNCCTCCCTA CCGGCGAGAG TCCAGAGTGG GTACAGGAGC AAGGGGCACT GCTGGGGCCT 120
GATGGCTGAA GGAGACGCCG GCATCCTCGG GGGCCTGGGG AAGTTGTGTG TTGTGCAGTC 180
AGTAAAATCC TCCCACTGCN AAA 203

配列番号：6697
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07897
配列：
GATCAAATGA AATAATGTAA CGTGAGNATA CAGTATAAAT GATAAAGGAA A 51

配列番号：6698
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07898
配列：
GATCTCCGGG CAGCCACCAC CTCCTCGGTC TGCCCCNTCA TTAAAAAGTC CTCCTTCCAT 60
AGAAA 65

配列番号：6699
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07900
配列：
GATCTAGTGC CTAGTGTTGC TTTTCTGATG TAATAAAAGG TGGTCTGGCA GAACCTAAA 59

配列番号：6700
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07901
配列：
GATCCAGAGC CACAGAAAGA AATGTAGGTG TGAAGTATTA GGCTGCTGTC AGGGNGAGGA 60
TGGCAGATGG AGGCATCAAG CACAAGGAAA ATGCACAACC TATGCCCTNT TATACANNNN 120
GTTCATGTN 129

配列番号：6701
配列の長さ：39
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07902
配列：
GATCTTAAGT TTACAATTAA AAACTCAGTA CTCAATAAA 39

配列番号：6702
配列の長さ：56

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07903
配列：
GATCCCCCCG GGCATGGCCT GGGCTGGTTT TGAATGAAAC GACCTGAACT GTCAAA 56

配列番号：6703
配列の長さ：31
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07904
配列：
GATCCTTTTA AAATAAAAAT NTTGATGCAA A 31

配列番号：6704
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07905
配列：
GATCAGGAGC CTTCATTAAA ACAGAAATTT TAGGGAAAAC CACAAAAACC TTCGTAAAGT 60
GAATTGCATT AAACATCAAT TATAATAAAA TTTCATATTT TGANTAAA 108

配列番号：6705
配列の長さ：29
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07909
配列：
GATCAAAAGG GACAAGCATC AAGCACAAA 29

配列番号：6706
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07911
配列：
GATCATGGGC AAAATCTAGC CACAGTCCTG AGAGTCCAGG CTTCTGGGAT GCCCAGCTGG 60
GTATAAAAGT CCCTACTAAC CCTGNTTCAA ATTCAGAGGT TTCTTTGGTT NAGAATGCCT 120
CAATGAGATT TTGATACATC CAAGAGCGCA AA 152

配列番号：6707
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07912
配列：
GATCTAAAAA ATACAAAATG TAGACAATTA CTATTCAGGT GCTTACTTTT AAGCCAATAT 60
GTAGCAGNGN AAAACTAATT TCTCTGTGGC AGTATTTTAA TTTTTGGNAT GTCCCNGGNN 120
TTAACTGAN 129

配列番号：6708
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07913
配列：
GATCCGCACT GGGGGTTCTG CAGGGTGGGG NCAACCACAG CCTGTCACAA GCTCACCGTC 60
AGCCTCTNTG GNGCCATTCG GCAGCATGAA GTCCCTATCA CCCACATAAT AATGNGNN 118

配列番号：6709
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07915
配列：
GATCTTTCCC AGTATCTNNA GTGGGTGACC ACACTTGTCA GTGGGAGNCT NTGAAACTAC 60
CCTATCGNCT CCTTAAGGGC GGGATGAACT GCTTTGTGAC TTGGAAAGGT ACGCTGCTGG 120
CCAGCATTGG AGANGAAGCT NCTGAGCAN 149

配列番号：6710
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07916
配列：
GATCAGGTGG TCAAGGTGCT GCACGATGCC CAGCAGCAGT GCCGAGACGG CCACCCGGTT 60
GTGGTCAACA TCCTCATTGG GAGGACGGAC TTCCGCGATG GCTCCATTGC TGTATAGGGC 120
CTTGTGGGTC AGNACGCTTN GCTGCCTTCC TACCCCTGGA CTGTNTCCAA NTGGTTTTNG 180
AGTCTCATNA TTGCTTACCC CTGGNGCTNA TCCCATGAGG NCCCANTGNA CTTCAN 236

配列番号：6711
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07917
配列：
GATCCGCAAA GAGGAAGACC GCCTCTTCAT TCTCACGACC NTCACCTATT GATGGGAATN 60
TGTGCGGGCT CAGGGTTCCT NNACACACTA GNTGTGGGAA GCCATAGGAG CCTCCAGATG 120
GGGGCTGGCC TCTCTTGCCC AGCNAGNGGG CAGGGCCTGT GGGNTGGTGA ATN 173

配列番号：6712
配列の長さ：48
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07918
配列：
GATCACGNCA TGGCACTTCA GCCTGAGCGN CAGAATGAGA CTATTAAA 48

配列番号：6713
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07919
配列：
GATCGTGTCA CTGAACTCCA GNCTGGGTAA CAGTGCGACT CTGTCTCAAA 50

配列番号：6714
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07920
配列：
GATCTTTGTT TAAATGCCAA AATGTACTTA AATGAGTTAC TTAGAATGCC ATAAAATTGC 60
AGTTTNATGT ATGTATATAA TCATGCTCAT GTATATTTAG TTACGTATAA TGCTTTCTGA 120
GTGAGTTTTA CTCTTAAATC ATTTGGTTAA ATCAAA 156

配列番号：6715
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07921
配列：
GATCGATACC CCCACCCCTC CACTNGCCAG CCTGGGGGTG CCCTGCCTGC CCTCCTGGTA 60
CTGTTGTCTT CCCCTCGGCC CNNTCACATG TGTATTCAGC AGCCCTATGG CCTTGGCTNT 120
GGGCCTGATG NGNAGGGGTA GAGGGAAGNT GAGCATAGCA CATTTTCCTA GAGCGNGAAT 180
TGGGGGNAAG CTGTTATTTT NATATTAN 208

配列番号：6716
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07922
配列：
GATCACGACA CTACACTCCA GCCTGGGGGA CCGGGCAAGA CTCTGTCTGT CTTTAAA 57

配列番号：6717
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07923
配列：
GATCTTGAAA AAAAAAGCAA AAGCTTAAAT ATTTGATACA AGTTTACTTA GCTACAACAT 60
ACTTTACATT GTTGCCTTTA GTTATCTCAC AGGCACTGAC ATTTTATATT TAGAAAATAC 120
TTTTAATCTT NCTAATCTTT TTTTGTAAAT ATTAGTGTCC ATTCTGTATG ACTCGCTAAC 180
CTACTTTGCA AGGCTTTGGG CAACATTTTA GCTCATTAAC TTCAAGATGA TGTGTCATCT 240
GTATAGGTCA AAGAATGGGN CTTCTGAACT GAGGAATTTT GCTGTTGACA GCCAAAGTNT 300
AGTGTACAAG GTTTGATGNA ACTNGNTTAT GTN 333

配列番号：6718
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07925
配列：
GATCTTGGAC TTCCCAGCCT CCAGAATTGT GAGAAATAAA TTTCTGTTGT TGATAAA 57

配列番号：6719
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07927
配列：
GATCTTTGCT TAATAAGANG AAAAAAGAGG CAAGGAGAAA ACGAAGAGAA AGAAATTTTG 60
AAA 63

配列番号：6720
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07928
配列：
GATCCNGTGT TCTTCTGTGA AA 22

配列番号：6721
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07932
配列：

GATCCGGCTT GGACAGGCAC CTGAGATGGT GCCAAAGTGC AGCTGACTCT TCCCACGACA 60
GCCCTGCCCT TCCCATGAGG CAGGCTCTTC AGTGAGTGTT TGAACGTAAT TATGTAGTTT 120
TCTGTTTAAT TGAAAAAGNG AGCTATGCCT TTTTTTCTTT TTGGANGTAA AGCAGCTAAA 180
ANCAAA 186

配列番号：6722
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07933
配列：
GATCCAGGTG TTTGTTTCTA ACTTCTGTAA TACATACAAT GCAAA 45

配列番号：6723
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07934
配列：
GATCATGGTG ATTTNACTGC TGCTTGTGGN TATCGTGGTT GTTGCAGTCT GGCCGACCAA 60
CTGATGGCAG TAAAGAGACC ACCAGCAGTG ACACCTGCCA ATNACAGATG CAAGCCCAAC 120
ACCCTNTTGG TACGCAAAAC CTNATCTCAA TAAATTCCCC CAAAGCTCTG AAA 173

配列番号：6724
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07935
配列：
GATCCCAAGC CCTGCATTGT AAGCCCACAG TAGGCACTCA ATAAATGCTT GTTAAAGGAA 60
A 61

配列番号：6725
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07936
配列：
GATCCTGCAG AAGAATAACC TGAATCTGCT CAGAGACCTA AGCTGTGCAC ATTGCCCATA 60
GCCTCAGGAA CAGTCCAGAC TGGGGCGGTG TGGTCATATT ACACAGNNAG GAGGGTGATT 120
CAGAGTTCAT GAATATCATT GCCAATNAGA TTGGGTCAGA GGAGACCCTC CTGTTCTTAA 180
CTGTGCGCGA TGAGNAAGNT GGTGGNCTNT TNTTACTGGC AGGGCCACNA NCGCTCATGT 240
GGAGACCCNG GGGCCCAGGG TGGCTGATN 269

配列番号：6726

配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07937
配列：
GATCCCTCAT CCCTGAAATT GAGTTTATGT AGTCATTTTA CTTATTTNAT TCATTAGCTA 60
ACTTTGTCTA TGTATATTTN TAGATATTGA TTAGTGTAAT CGATTATAAA GGATATTTAT 120
CAAATCCAGG GATTGCATTT NGAAATTATA ATTATTTCCT TTGCTGAAGT ATTCATTGTA 180
AAACATACAA AATAAACATA TTTNAANACA TTTGCATTTN ACCACCAAA 229

配列番号：6727
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07938
配列：
GATCCATGAA CTCTGACCCC TCCCCAGTAA AGGCTTCTGT AGAGAGCAAA 50

配列番号：6728
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07939
配列：
GATCCCCGCA CCAGCCTCTC CTCTCTTTCC CTGCAACCTG TTACCTCACA CAGCTGCTCA 60
GGAACAGCAG AAATAGTAAA ACTCTTCCAT ATATGTGGCA CCTCAGCCGC CCCTCCNTTA 120
AA 122

配列番号：6729
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07941
配列：
GATCAGGAAG TTCTTAGATT CTTGGATGAC AGATGCATGT TGATGCCCTA TGGAGATGTC 60
CTTNTGTTTT GAGGTCACTG AGGTAGGAAG ACCTGTCTAC TCTTGGTTTC ACCACTAGAA 120
CAGTCTTGGG CTGGATGGGT TATAGAGCTG AGCGGCTGTA ATGGTTCTNT TTTTACATTA 180
ACAAAAACAA TTAAAAACAC CAAAAACAAC AAA 213

配列番号：6730
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07942
配列：

GATCCCAGGN ATTCAAGGTT AGAGTGAGCT ATGATTGCAC CACTGTACTC CAGCCTGGGC 60
ANCAGAGANN GACCTGTCTC ACAAA 85

配列番号：6731
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07944
配列：
GATCCAGCTG GAATTTGAGG ACACTGGAAC AATGAGGTCA GCTTCCAAAA CAAAACAAAA 60
CAAAACTTTA AACATCTGTG TAAGTACAGG GTGGAATATA ATGAATTCCA GGTACCCATC 120
ACTTAGGTTC CACAATTAGC CATGGCCAAT CTTGTGTGAT AGGTATGTCC CTACCTATTT 180
CTCCCCTGCC CTNATTGTGA AGTAAATATT TTCCTAAAAG GTCTTTTTAA AATTAAGTTA 240
TAACCATGCC ATCATTGTAC AAANNTAATG CTATTANNTT CCTTANTNTN ATCAAATNTT 300
CNNGNCTNAN NTN 313

配列番号：6732
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07945
配列：
GATCACTTGA ACCTAAGAGT TTGAGGCTGC GCACTGCACT CTGGCCTGAC AGAGCGAGTC 60
ACTGTCTCTT AAA 73

配列番号：6733
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07946
配列：
GATCTGAATT CTAATGCTGG CTTGTGCCTC TAACTATGTG GTTTGGTCAT TATAGATAAT 60
GCCCAGTTTA ANTTTCCCCA TCTTTGAAAA GGAGATAATA TGTNATCTCT TGGGAGTAGT 120
TCTGAATATG AAGTGTGTTG ATACAAGAAG CACTGACAAT GTTTCTGTNN NNNAAATTTA 180
AAACTGGCCT GGTTTGCCTT TTTAATCAAG NGNGCTTAAC AGGTTAAAAN TTGGAATTAG 240
NCCTAAAAAN AAAAACN 257

配列番号：6734
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07948
配列：
GATCCTTTAG CCTCCTGGNA GTGCCCCAGT TGTACCCCCT ACACACCCCT CTTGGCATTG 60
AGTGCCAGTC CTCTGCCAGG CTNTGTGTTA CAAGTTGGGG NGGGCGGCAA AGTACCGAAT 120

TAAAGATGTC AGTTCTAAAG GAGGNAAA 148

配列番号：6735
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07949
配列：
GATCATATCC AATTCATATG GAAGTCCCGG GTNTGTCTTC CTTATCATCG GGGTGGCAGC 60
TGGTTCTCAA TGTGCCAGCA GGGCCTCAGT ACCTGAGCCT NAATCAAGCC TTATCCACCA 120
AATACACAGG GAAGGGTGAT GCAGGGAAGG GTGACATCAG GAGTCAGGGC ATGGNNTNGN 180
NAGATGANTA CTTTGCTGGA TGAAGCAGGC TGCAGGGCAT TCCAGCCAAG GGCACAGCAG 240
GGGACAGTGC CGGGAGGTNT NGGGTAAGGG AGGGCAGTNA CNTNAGAAA 289

配列番号：6736
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07951
配列：
GATCAGGCTT TTAAATACTC ATTTACAAGT TTTCTATCCT CCTTCAGTGT TAAAGTAGAA 60
AGTAAAAAGA GTATCTNATA CATGCATGAA ATTAAAGCAT ATACCAAATG CAAA 114

配列番号：6737
配列の長さ：229
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07952
配列：
GATCACCCAG CATCCTTCCC CACCCCAGCT GTGTATTTAT ATAGATGGAA ATATACTTTA 60
TATTTTGTAT CATCGTGCCT ATAGCCGCTG CCACCGTGTA TAAATCCTGG TGTATGCTCC 120
TTATCCTGGA CATGAATGTA TTGTACACTG ACGCGTNCCC ACTCCTGTAC AGCTGCTTTG 180
TTTCTTTGCA ATGCATTGTA TGGCTTTATA AATGATAAAG TTAAAGAAA 229

配列番号：6738
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07953
配列：
GATCTCTTGT NCTTTAATTT TAGGGTCTTG TTCCAGGACT CAAATCAGTA ACTTGGTGAT 60
TACAAGGTGC TGAATGTGTT GGTAACCATA TCGCAATACA CCTCAAGGAA AAGGTTCAGA 120
TTTTNATTTT TAAAATATTT NCATTTTTTC CTTGAATTTN ATATCCGTTT GTCCACTCGT 180
ACATGCCTAG CCTACAGAAG GGGATATATA TNATGANATG GTCATTTTCC TGAAGNGNAT 240
ATTTTGCTTG AAATGCAAAG GNCTGAAAGN GNTTTGTAGG TTGTTGGTTT TTTCN 295

配列番号：6739
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07954
配列：
GATCATAACA CTACTCCAGT CTGGGTGATG AAGTGAGACC TGTCTACAAA AAAAAGAAGC 60
CCAAACTAAA CCTAAAGCAA GCAAA 85

配列番号：6740
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07955
配列：
GATCAGGCTG GTCTCAAACT CCTCGGTTCA AGCAATTCGC CCACCTTGGC CTCCCAAAGT 60
GCTGGGATTA CAGGGGAGCC ACTGCACTGG CCTTCATTGT CTTTTTGCTG CACAACCTAA 120
AAAACCAGTG ACCCTGTATT GGAAA 145

配列番号：6741
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07956
配列：
GATCCTAACA TGTATTGATT GTAAAAGTGA AATATGTAAT AGCCACACTT CACTGTTTTA 60
AAATAAAAGT GCAATTTCAA A 81

配列番号：6742
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07957
配列：
GATCTTGTCT CCAATTAAAC CGAGGCTTTC ACCGATAAAA AAAAAACAAA 50

配列番号：6743
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07958
配列：
GATCTGATGA AGTATATNTT TAATTGCCAT TTTGTCCTTT GATTATATTG GGAAGTTGAC 60
TAAACTTGAA AAATGTTTTT AAAACTGTGA ATAAATGGAA GCTACTTTNA CTAAA 115

配列番号：6744
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07959
配列：
GATCGGGCTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT GTCATCGTGA 60
AGGCCAAATT CTTCAGCAGA NGAGCTGNGG AGAGATTAAG AGTGTTGGGG GGGCCTGTGT 120
CTTGGTGGGT TTAAGGCNCA TTGGNGGGNA NTTCATTNAA TTNTTACTTC TTTTN 175

配列番号：6745
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07960
配列：
GATCAAAAGT AACACGTNNA GACTCTGAGC TTAATCCATT AAATGGATTT NAGCATCTAA 60
A 61

配列番号：6746
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07961
配列：
GATCATNAAC TACACTGGTT ATNTGGAAGT CTAGGTTCTG GTCCTGCTAC CCCTTTAACT 60
TGAGTNATTT ACAAGTCTGT TTAAAAGTTT CTAGACATAC ACTGGTTTGN TTTTTAAA 118

配列番号：6747
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07963
配列：
GATCGCCCAA CGTTTTTGGN TTATAGAATT ATTATTTCCT GCTTTCTTTC TTTGGGTCTT 60
TTGAATTTCT TTGGTTTCGT NTTTAAGAAG TAACCCANCA TTTCCTACAA CACTAAATAA 120
AATGGTACTT ACCTTTCAAA 140

配列番号：6748
配列の長さ：68
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07964
配列：

GATCCCCGTT CCACCCCAAG AGAACTNGCG CTCAGTAAAC GGGAACATGC CCACTGCAGA 60
CACGTAAA 68

配列番号：6749
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07965
配列：
GATCCCCCCT GCCTATCAGC TTCTCCTGTG GNGCCTGTTC CTCACTGGAA ATTGGCCTCT 60
GTGTGTGTGT GTGTGTGTN 79

配列番号：6750
配列の長さ：28
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07966
配列：
GATCGAAAGG GAGGCAGGTT TGCCTAAA 28

配列番号：6751
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07967
配列：
GATCTCAAGC CAGCCCCNTC CAGCTCATGA CACTGTTTGG CCTTTCTTGG GGAGAAGGCG 60
GGGTATTCCC ACTCACCAGC CCTGGCTGTC CCATGGGGAA ACCCTGGAGC CATCCCTTNG 120
GAGCCAACAA GACCGCCCCA GGGCTATAGC AGTAAGAACT TTAAAGCTCA GGAGGGTGAC 180
GNCCAGATNC GNCTGCTGGG AAGAGCTCCC CTNCACAGCT GCAGCTGAAT GCATTAGGGC 240
TACCGNAGGN CCCGGACTTA NCAAACTTTG NCNACAANNG TTCCTAGGGN TTTN 294

配列番号：6752
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07969
配列：
GATCCCCAAG TGTGAACAGT CTGAAAAGGG CTTTTTGCTT GCTGCAGGGA CCTGAGAATT 60
GAGAAACAGC TGTGAAACTT TGAACCCTGG CTGGAAGGTC CTGGTATTGA CTGTGGCANG 120
AAAACGGGGG AGCTAATCTG TAATCTGCTT AGACGCCAAA 160

配列番号：6753
配列の長さ：98
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07971
配列：
GATCAGATTC ACGGACCCAG AGCTTTTCCA TGTGTTTATA TTGTAAATAT TTTTNATTTC 60
ATCAAATTAT TTATTCATTA AAAGAAATTT TTGTGAAA 98

配列番号：6754
配列の長さ：35
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07973
配列：
GATCCTGTCT CTTAGGAAAA AAGAAAACCT CTAAA 35

配列番号：6755
配列の長さ：64
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07974
配列：
GATCAAAGAC CCTGCCTCTA TTTNACCCCG CACTGACTGA ATAAAGCTCC TCTGGCCGTT 60
NAAA 64

配列番号：6756
配列の長さ：38
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07975
配列：
GATCATCTGA GCTGAAGAAA TAAAAAAACA CACACAAA 38

配列番号：6757
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07976
配列：
GATCATTCAT ACACTATATT TATTTTTNCA TTAAANTATT TTAAAACCTT TGGAAA 56

配列番号：6758
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07977
配列：

GATCTTTCAT CAAGATTTTA CCTGCATTTA TGTCTAAGGG TCCCTGATAA GGCTTGAGGC 60
ATGTAACCTA TGTCTAATTA AAAATGATTT GTTGAATGAA NCAAA 105

配列番号：6759
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07981
配列：
GATCTACAGA AGCTTTNATT CTCTTACCTT AACAGTAGTA ATAAAGTTAA CATTNTCACA 60
TCAAA 65

配列番号：6760
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07986
配列：
GATCTGTGTG TTGTGGGAAG AGAATTTTCA ATATGTAACT ACGGAGCTGT AGTGCCATTA 60
GAAACTGTGA ATTTCCACAT AAATCTGAAC ACTTGTCTTT ATTAAA 106

配列番号：6761
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07987
配列：
GATCTCATGG CTTTGATTGN TTTGGGCTGT TCAAAATGTT TATTTGNAAA ACGTATACAT 60
TAATAAACTT AACAAAGCGN TATAAAATAC AGCGNAATCA CCCAAA 106

配列番号：6762
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07988
配列：
GATCGAAAGG GCCACCATGA ACTTGATACG TCCGTGTGTC CCAGATGCTN NCATTAGTCT 60
ATATGGTTCT CCAAGAAACT GAATGAATCC ATTGGAGAAG CGGTGGATAA CTAGCCAGAC 120
AAAATTTGAG ANTACATAAA CAACGCATTG CCACGGAAAC ATACAGAGGN TGCCTTTTCT 180
GTGATTGGGT GGGATTTTTT CCCTNTTTAT GTGGGATATA GTAGTTACTT GTGCCAAGAN 240
TAATTTTGGC ATNATTTCTN TTANTATCAA CTCTGANGCT AACTTGTACT AATCTGAGAT 300
TGTGTNTGNT CCNANTAANC GTGANGTGAA CCTGN 335

配列番号：6763
配列の長さ：169

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07989
配列：
GATCTTGGAG ACAGGCCATC CATCCTGGAG CCTCATGGAA CAGGATGATG GCACTGAGAA 60
AGCCAATGAC CGAATCTCTT TTCTCTGTAA AAATGTAGAC TGAAAAGCCA TGTGTATTTT 120
CCTATGTGCT GTAGCTCTCC TTTGGAAATA AATCACAGGC ATCTGGAAA 169

配列番号：6764
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07990
配列：
GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCCT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60
ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT GCGTACGGCT CTCATCAAAC TCACTGGGGA 120
AGAAGTGGCC ATGCGGAANT GGTGCGCTCA GTGACTTNTG GTTNAGGACG NCGNGGNTTG 180
AGGATTGAGA NTACCNTATT CATTNACCAC NN 212

配列番号：6765
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07991
配列：
GATCATACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCGA CAGAGAACCT CTCTAAAAAA AAAGGAAAAT 60
NAAAAATAAA TGGGGGCAGA AGCTGAGCCA AGCAGAGGCG GGCAGCTCCT CCTCCAGGGC 120
CCACCTGGCC TGCTGGGGAA A 141

配列番号：6766
配列の長さ：360
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07992
配列：
GATCTGTTAT NAAACGAAAC ACCCCCCGTG TTAATAACTT GGTATGAAAT CTGTTTTTAT 60
GAGCCGGGCC CCCTGTGCCT CTAGTATACT TGTATTGACT CTCATAGTTA CCCTTTTAGT 120
TTTACTGTGT TCTGTGAAAA TTTGTAATTG GTTGNGAATC ACTGTGGGCG TCCATTCTTA 180
TTCAACTAAA TCTCCACAGG TTTTTTGAGC TGGTGTGGAT TAGTTTAACT CTTGTATTCA 240
ACCATTAGTG CTACCACCTT CTCACATTAC AATACANTTN CTGGAAGCAA GTACTGCATT 300
TCCTATGCAA CAAAAAAAGG GCAAAANTAC ANANATTGCT AAATGATAAA CAAANACTTN 360

配列番号：6767
配列の長さ：88
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07994
配列：
GATCAAAAGG GCTATGGGAA GGGCAGACCC CGCCAATGAT TTCTCTTCAC CTGTCTTAAG 60
ATTAAATAAA AAAGAGTGTC CTGGCAAA 88

配列番号：6768
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07995
配列：
GATCTTGCCA AGAACCATCA CGTGTTAATT TAGTTGCTTA AACAAAAGGT GTTCTGTTTC 60
TTAAA 65

配列番号：6769
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07997
配列：
GATCAGTGGT GAAATATAGT GATTTTNACC TGTGCTTCCA TTCTGAAGTT CTGGAAAGAA 60
GTACTGGATG GACTGAAGTC CAGGACAACG TTCCAAAGAA AGGCAGAGTC CAGGTAGGCT 120
TGGAGGACCA AGCCCTGGAT GAGCACTGGA GGGCAGAGGC CTCAGTGTCC AGCACTGTGC 180
CCTGCACATG GAAAGCCCCT ACGTTTGTGG AATNAATGAN TANTAAAAAT ATTTTNATNA 240
GTGAAA 246

配列番号：6770
配列の長さ：23
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07998
配列：
GATCCTGTCC CTGCCCTGCC AAA 23

配列番号：6771
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS07999
配列：
GATCTGTATA TCCTCCAGTC CAAGATTAAA GAGGCGGACT GTGAAA 46

配列番号：6772
配列の長さ：108

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08000
配列：
GATCCAAACT CATTCTTNCT GTAACCTCAT GATGACGTAT AACCNTTTCC ACCTCACTNG 60
GAGGTTGGNT CTNCATTCTG AAGGCTTCTA TGTATACATA TTAAATAN 108

配列番号：6773
配列の長さ：218
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08001
配列：
GATCAACGAC GACCTTTTTC CTTTTNATAC TAAAGTAAGA AATAAGAATG TNAGCCCAAA 60
CTGCACTATT TTGCAGACCC CTACCATTTT ACAAACTGGT CAGAGTGGAA AATTCCACCA 120
GGGCCTGAGC TGTGAGAAAC ATCCTGTCAG GCAGGNCCCA GGNCTNAACC CCTGGCTGCA 180
CTAANTTNCT TCATNATCAN CAGCCTAACA NACCGTCN 218

配列番号：6774
配列の長さ：38
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08002
配列：
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT AAAAGAAA 38

配列番号：6775
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08003
配列：
GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT TGGTGTGATG CCAAGGCAAA GTGGTGAGGA 60
GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG GTAAATGGGA AAGAAGTGAG CAACTTAAGA 120
TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT TAGACTGGGT TTATATTTAA CTCTTGCTTC 180
ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA NTGCTAAGAA NTAACTGCTT TNATAAAGCT 240
TATTNNNNAA TN 252

配列番号：6776
配列の長さ：34
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08004
配列：
GATCAAAGGG AATAAAGAGA ACTCTTGGCT GAAA 34

配列番号：6777
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08005
配列：
GATCATATNC TNTTTCTNTT TTGTTCCTTA CAATATCAAT CTAATTTAAT ATTCTCTTGT 60
GAGAACACAA ACATNNGTAA ATTGCTCAGT AGTGGCAGCA GTAAGGN 107

配列番号：6778
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08006
配列：
GATCAAGGTT TGTNTGCCCA TTACCTTTCC TCTGCCTGAA AGACGTGTCT CAAGAAAAAT 60
AAATTCTATT TNAGATGCAG GTACTNATAN TAATTCTAAG ANTTGATATC AN 112

配列番号：6779
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08007
配列：
GATCAGAGNA AACGNCTTTA ACNCCACCAT TAGCACCCAA AGCTAAGATT CTAATTTAAA 60
CTATTCTCTG TTCTTTCATG GGGAAGCAGA TTTGGGTACC ACCCAAGTAT TGACTCACCC 120
ATCAACAACC GCTATGTAAA 140

配列番号：6780
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08008
配列：
GATCAATCTC ATATTCATTC CCTGGGATGT TTAGTTACCA GTTTTCCCAA AGTGTTCTGG 60
TAGCATCTAC CATATTTNAT CAAATCTGTG ATTCCTTTGA TTATNATATG AACCATTATT 120
TTATGTATCA TTAAGAAAAA ATACTGCCAA TTAAACTCTG TCATGNNAAC AAA 173

配列番号：6781
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08009
配列：

クローン名：HUMGS08114
配列：
GATCACTACA ACAATTTGNC TGCCTCCAAG GTCCTCTGAG GCAGAAGGCT CTGGGGNTTC 60
TGCTGTCCTT TGGNGGGTGT CTTCTGGGTA GAGGGATGGG AAGGAAGGGA CCCTCACCCC 120
NGGCNCTTCT TCTGACCCTG CCACTAAAAA ATTTATGGNC CAAGGGCNCA AA 172

配列番号：6884
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08115
配列：
GATCAGCAAT NAGGGTGAGG ACAAAATCTT CTTAATCAAC AAGCTTCACT CCATCTACGA 60
GAGGAAGGAG AGGGAGGAGA GGAGCAGGGT TGGGACAACC GAGGAGGCTG CGGCACCCCC 120
TGCCCTGCTC ACAGATGAAC AGGATGCCTA GGGGGACGGC GATGGGCCTC ACGGGCCCGC 180
CCAGCACCCT GAGACCACAC TGTTGCCTCC CAGTGACCCT GCTGGGACAC CAGGACAAGG 240
AAGACAGTTT CGCCTCTNGA AAGCCGCAGC TGCGCCTAGG CTGGAGCTGG N 291

配列番号：6885
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08116
配列：
GATCTGTAAA TAAAACTTAC ATTTTTCAAA 30

配列番号：6886
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08117
配列：
GATCTGCCTG CCTCGGNCTC CCAAGTGCTG GGATTACAGG CGNGAGCACG TGCACCCAGC 60
CTAGAATCTT GTATAATATG TAATTGTAGG GAAACTGCTC TCATAGGAAA GTTTTCTGCT 120
TTTTAAATAC AAAAATACAN AAAAATACAT AAANTCTGAT GATGAATATA AAAAAGTANC 180
CAACCTCATT GGNACAAGTA TTAACATTTT GGAATATGTT TTATTAGTTT TGTGATGTAC 240
TGTTTTACAA TTTTNACCAT TTTTTTCAGT AATTACTGTA AANNGNNNNN N 291

配列番号：6887
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08118
配列：
GATCCCAAGC TCAGTCCCCA CAAAGTTCAG GGCCGGTCGG AGGCAGGGGC AGGTCCGGGT 60

GATCCAAGTT GAGATTTTAA TTCTGTGACA TTTTTACAAG GGTAAAATGT TACCACTACT 60
TTAATTATTG TTATACACAG CTTTATGATA TCAAAGACTC ATTGCTTAAT TCTAAGACTT 120
TTGAATTTTC ATTTTTTAAA AAGATGTACA AAACAGTNTT GNAATAAATT TNAATTCGNA 180
TATAAA 186

配列番号：6782
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08010
配列：
GATCCATTTC TNATATGTCT TGAACTACTG TGTCTAGTGG GCAAATGTCA TTGTTACCTC 60
TGTGTGTTAA GAAAATAAAA ATATTTNCTA AAGGTCTGTA AA 102

配列番号：6783
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08011
配列：
GATCAAGTAG ATTTTTTAAA AATCAGAGTC AATTAATTTT AATTGAAAAT TTCTCTTATG 60
TTCCAAGTGT ACAAGAGTAA GATTATGCTC AATATTCCCA GAATAGTTTT CAATGTATTA 120
ATGAAGTGAT TAATTGGCTC CATATTTAGA CTAATAAAAC ATTAAGAATC TTCCATAATT 180
GTTTCCACAA ACACTAAA 198

配列番号：6784
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08012
配列：
GATCAGAGTA AAACNTGGAG CTAGATTGAT TACAGAGTGC AAGGACTAGG CACCCCGGGA 60
TTGGAGAGCA TCCTTGAAAG CAAGGGTTCT TCATTTATTT ATAAAAATTT NATTGCCTAC 120
TAGAAGCCCA GCTAAGAGTA TGAAGCAATT AAGACAACAN TCTTTGCTCA AGAATCTCCT 180
AGACAATCCT GATTCAAGCA CCAGAAACAA AGGGNNAAGA AACCTCCCAG TCTNGTGNNG 240
NAAGTNGTAC ACATCNTGTC AACAGNTAGG TTNTTTTN 278

配列番号：6785
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08013
配列：
GATCCCATGT NAGCTACACA GTGCAGAGGC TCTTGATGGT GGACTAAGCA ATTTCCTCCC 60
TCGTGCGCAT CTCAGAACCC ATCGGTAGGC AAAGGAAAAT ACGCTCAGGT GGTTGTGGNN 120

NAGNCTGTNT CAGGCCTACG GAGTCAGCCA GTGGCTAGCG CAAGACCAGT CACTCCCTCT 180
GCNTTCAGGC TTCTTTCAAT TTCATTATCA TCAAGCAGGA ATTATGTCGT AAGTCACTGA 240
CCCTAACTGC AGACCATGAA GTAAATTATG TAACTAGGTT TTTNNCTTCT CCAGTGGTGA 300
CCACCNNCNC NCATNCCCCG GTNANAACTT GGGTTTTTN 339

配列番号：6786
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08014
配列：
GATCGCCTAT TACTGACAGT CTCATTGTAG CTCTAAAAAG CCTAATGTAT CCACTGTGGA 60
ATAAACTCCA TAGACTCAAA 80

配列番号：6787
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08015
配列：
GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
GAGGAAACAG TTAATGACCC TGAGGAGGCA GGCCACAGAA GTGGCTCCAA GAAAAAGAGG 120
AAATTNTCCA AAGAGGAGCC GGTCAGCAGT GGGCCTNNAG AGGCGGCTNG CAAGAGCAGC 180
TCCAAGAAGG NAGGAAAAAG TTCCNTTAAG CATTNCCNGG GAGNTTTGAA TTCAAAATTG 240
GGCATTNTTN TTTGGGGGTT GGGNNATTCC CTTGGCCCN 279

配列番号：6788
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08016
配列：
GATCCACTCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG TGCCCGTCCG TGATGATGGG 60
AACATGNCCG ACGTGCCCAG NCACCCCCAG GACCCTCAGG GCCCCAGNCT GGAGTGGCTG 120
AAGAAACTGT GAGCACCTCC ACTGACAGAG GCGGCCCCTC CCACGGCTCC CAATAAAAAT 180
GTGAAAACCA AA 192

配列番号：6789
配列の長さ：303
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08017
配列：
GATCCGTATC GNTTTAAGAA GCGGACGGAG CTGTTCATTG CCGNCGAGGG CATTCACACG 60
GGCCAGTTTG TGTATTGCGG CAAGAAGGCC CAGCTCAACA TTGGCAATGT GCTCCCTGTG 120

GGCACCATGC CTGAGGGTAC AATCGTGTGC TGCCTNGAGG AGAAGCCTGG AGACCGTGGC 180
AAGCTGGCCC GGGCATCANG GGACTATGCC ACCGTTATCT CCCACAACCC TTNGACCAAG 240
AAGNCCCGTT TTGAANGTTG CCCTNCGGTT TCCAAAGAAN GTTTATCTCC TTAANGCCAA 300
TCN 303

配列番号：6790
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08018
配列：
GATCTAAAAA TCAATGAGAA CATAATTTTA ATTGGCAGTT CTTCAGAAAA ATGTGAATGG 60
CTTATAAACA TAAATGTAAT ACTCAGCTGC TGTCATCATC AGAAGAATGA AGTTGTTTTT 120
AAGCTCTTCA NCTGTCAAGN GTAAGAAGCA ATGTTACTAA TACCGGCAAG NTATGAAAAG 180
ACGCTCATAC ATTGTTGGAA ATNAANGTTG GTATNGCTTT TCAGCGGCCN ATNAACATAA 240
TCCCNNTNTT TCTTCCCTAC NNACTCN 267

配列番号：6791
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08019
配列：
GATCATCTGG CAAGACAGCC CAAGAATAAA GCCGTCACCA TGGAGACTAA GAAGNGNCAG 60
AAAGNCACTG GGTCTTCATT GTNTCGTCCA GCTGTTCATG AGGCCTTATC TGAAGCCCAC 120
GTGACCTCCG GNCTACTCAC TTACATGCGN GAATAAAAGC TCTATTTTGT TTTAGGNCCN 180
AAATAANTN 189

配列番号：6792
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08020
配列：
GATCTGCTGG CAGAGGNCAA TCAAAAACGA CAACAAGCTT CTTCCCAGGG TGAGGGGAAA 60
CACTTAAGGA ATAAATATGG NGCTGGGGTT TAACACTAAA AACTAGAAAT AAACATCTCA 120
AACAGTAAA 129

配列番号：6793
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08021
配列：
GATCAGGACC CACCTCCAGT TCTNCTGAAA GTNTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60

CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG GTCTCCACTC TCCGTCTGGC 120
CTAAAGGTGA TGTATTTGGT GTTTGGNCCT GCAGTCCCCA CTNTTAAGGC TTAAGGCGGA 180
TGTGGAACAN CACTTTCTTT CAGGAGTAGG TNGNTNTACT TGTACCTCAT TTAGGGCTTA 240
GAAAGTTTTN CCNCANACTN NAAAAAN 267

配列番号：6794
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08022
配列：
GATCTACAAA ACAGATAGNG NAAAGTACAA CAGAATAGCT CGGGAATGGN CTCAGAAGTA 60
TGCGATGTAA TTAAAGAAAT TATTGGATAA CCTCTACAAA TAAAGATAGG GGNACTCTGA 120
AA 122

配列番号：6795
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08023
配列：
GATCCCACTT GTAGATGCTT GCACTCACAC AATAAAAACG TCTGNTATTT GCCAAA 56

配列番号：6796
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08024
配列：
GATCCGTGGT TCCCTGCAGA CTGGCAGGAG CAGATTCCAA AGGCACAGGA AGAAGCTTGC 60
AGGTAGAATG TGTTCATTAC CTTCTGCGCA TTATACCACA AAAAAGCTGG GNATAAAAAT 120
GCTAACCAAA 130

配列番号：6797
配列の長さ：234
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08025
配列：
GATCTGCCCC ATGATTGGTT CCTTAGGANC AAGNAATTTA CAAGTAGNAA TTATTCCTTT 60
CAGAGTAACA TGCTGTATTA CTTCAATCCC TATTTTTGTC TGTTCCATTT TCTTTGGATT 120
CCCTATTCAC ATTGAATCCT NTTTGCCCTT CTGAAACAAT ATTCAGTCAC AAGNGNTTTT 180
GGTCATGTTG GTCTTTGTAA CAAATNAAAN TTACCTTATA TCCTTCTGGA CAAA 234

配列番号：6798

配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08026
配列：
GATCACAAGG TCAGGAGTTC GAGACCAGCC TGGCCAATAT GGTGAACCTC ATCTCTATTG 60
AAAATACAAA AATCAGCCAG GCACGGTGGC AGGCGCCTGT AGTCCACCTA CTCGGGAGGC 120
TGAGGCAGGA GAACTGCTTG AACCCAGCGG CAGAGGTTGC AGTGAGCCAA GATTGAGCCA 180
CTGCACTCCA GCCTGGTGNT AGNGCGNGCT CTGTCTCTAA ATAATNANNT AAANTNCNTT 240
AANNNN 246

配列番号：6799
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08027
配列：
GATCAGTGTT AAACTAGATT GTATTCATTA CTAGATAAAA TGTATAAAGC TCTCTGTACT 60
AAGGNGAAAT GACTTTTATA ACATTTTGAG NAAATAATAA AGCATTTATC TAAA 114

配列番号：6800
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08028
配列：
GATCTTTTGT GCCAAGATGC AGGGAAATNA AGAAAGCTCT TTCCAGCTGT TTTNATGGAT 60
TCATGGAGTG GGCTCATGTT GGGACCAGCT GACTCTGGGN GGAAGACTGC CTCTCCATCG 120
CTGTCAGAGA GCCTGAAAGG ACCAACAATG AGNTGTTCTT GGGACCCGCC ATGGGGATGA 180
TTGCTTCTCT AGGCTNCTGG CTGTTGCTGC ATTCTAAGGN TTAACCTCCT GGTCTNATGG 240
TAGTGANCTT GAGCTTTTNN ATTCNATAGN AGNN 274

配列番号：6801
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08029
配列：
GATCTGTGNA GNAATGAAAT AAAATGGAGA AGAAGACAGA AA 42

配列番号：6802
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08030

配列：
GATCCAGTTT CAAGAATGGG CAGGTAAACG CAGNANGAGG AAAGGAATGT GGAATGAGAA 60
CTTGGTGGTT CACCGCTGTA CTATTTGTGT AAATGTTTAC GTATGTNATA AGCTACATGT 120
ATGTAAATNT TGCAATACCC CTAACAGTCG AGTAGTAGTC TCCCTTACAG GAATTTTTGA 180
CGGGGTTCCT CATCATCAAT ACCAAATAAN TATATGTAGG NNTGGAAA 228

配列番号：6803
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08031
配列：
GATCATATTC TTGAAATTTT TATAAATATG TATGGAAATT CTTAGGCTTT TTTTACCAGC 60
TTTGTTTACA GACCCAAATG TAAATATTAA AAATAAATAT TTGCAATTTT CTACAGAATT 120
GAATACCTGT TAAAGGAAAA TTACAGAATA ANCTTGTGAC TGGTCTTGTT TTACATTAAA 180

配列番号：6804
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08032
配列：
GATCATTCCG AGGTCATTTG AGGACGCACA CTGGAGAGAA GCCTTATNAG TGTAAACAAT 60
NTGGAAAAAC CTTCACTTGG TNCTCAACGT TTAGAGAACA TGTNAGAATT CACACGCAAG 120
AGCAGCTCCA TAAATGTGAA CACTGTGGGA AGGCCTTTAC CTCTTCCAGA GCATTCCAAG 180
GTCATTTGAG GATGCACACT GGAGAGAAGC CTTATGAGTG TACACAATGT GGANAAACCT 240
TCACTNGGGG CCTCAANCCT TACNTAATAA TGTGGTN 277

配列番号：6805
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08033
配列：
GATCTACCTC AGTATTCAAG TTCAGTGGGG ACACCAGTGG CTTCAAACTT CCTGGTTTCA 60
TGATATCTTG AGACGCCTTA CAAATGATGG AGGATTCCAA AGAGTTTTTG TTTATTTGGG 120
TTAATATTTG TTGGTATTTA TGGCATTTGA GATTGAAACT AAGNAATGTT TTAATTTATT 180
ACCTTTACAA CATTTATTTA CATTACATAC ATACATTTAC AACATTTATT AATTTATNTT 240
AAAATAGCAT GNATAAGCCA ATTATNGGTT AGN 273

配列番号：6806
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08034

配列：
GATCCACTCT TCTCGNCCTC CCAAAGTGTT GGGATTATAG GCGTGAGCAC ANGCGCCCGG 60
CCTGNTNTGG ATATTTCTTA TAAATGGAAT CATACAGTGC TTNTTTCAGT TAGCATAATG 120
TTTCCCAGGT TCATCCAGGT CATAACACAT AATCAGGCTT CATTTNTTTT TATTACCANC 180
TAATATTCTA TGAATATAAA NNNACCN 207

配列番号：6807
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08036
配列：
GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTACTC AGCCTGAGGT TGCAGACTGG 60
TCTGAAGGTG TACAGGTGCC CTCTGTGCCT ATTCAGCAAT TCCCTACTGA AGACTGGAGC 120
GCTCAGCCTG CCACGGAAGA CTGGTCTGCA GCTCCCACTG CTCAGGCCAC TGAATGGGTA 180
GGAGCAACCA CTGACTGGTC TTAAGCTGTT CTTGCATAGG CTCTTAAGCA GCATGGNAAA 240
ATGGTTGCTG GCAAATAAAC ATCAGTTTCT AAA 273

配列番号：6808
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08037
配列：
GATCTCCAAC ATCTTTGTGT TGAAGGGCCT ACAGAGTAAA CTGTGGGACT CAATAAACAT 60
TCGTTACTTG AAA 73

配列番号：6809
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08038
配列：
GATCACAGCA GACAGGGTCG CTGCCCTGAT GGCGCTTACA TTCCAGTGGG TCTAATGACC 60
ATATCTTAGG ACACAGATGT GCCCAGGGAG GTGGTGTCAC TGCACAGGAA GTATGAGGAC 120
TTTAGTGTCC TGAGTTCAAA TCCTGATTCA GGAACTCACA AAGCTATGTG ACCTTACACC 180
AGTCACTTAA CTTGTTAGCC ATCCATTATC GCATCTGCAA AATGGGGATT AAGAATAGAA 240
TCTTGGGGTT AGTGTGGNGA TTAGATTAAA TGTATGTAAG GCACN 285

配列番号：6810
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08039
配列：

GATCAGTTTC TGGCACATAA ATGCCTCAAT AAAGATTTAA TTACTTTGTA TAGTGCTTTA 60
AA 62

配列番号：6811
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08040
配列：
GATCATTGGC TATGACAGAG AACCCGTCTC TCAAGCAGCA GCTCTTCTCC TATGCCATTC 60
TTGGCTTTGC CTGTCTGAGG CCATGGGGCT TTTNTGTTTG ATGGTCGCCT TCCTAATCCT 120
NTTCGCCATG TGAGGNTCCA TGGGGGGTCA CCGGANCTGT TGATACTGCA ACTACACACC 180
ATTNTTGGTG CTGGGGTGTG TTAAGATTTA ACCATTNANC ACAACGTTTC TCTNAAA 237

配列番号：6812
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08041
配列：
GATCAGCAAA TTTAAGAGAA GACCTAGCTA TGTTGGCTGG TTGCTTTCTA TTATCATGGT 60
ATTTGACCAT TTTAGTTTTA ATTCCATGTC AGATAAGTGT AAATAGAAGA GTTTAAAAGC 120
ATGANACATT TCAGANGGTA TCAGTTATAT GATATTCTTT AANCANNTAT GACACATGTA 180
AATCCTCNTG ANTGACAATN CATCTNTNTG TGAAA 215

配列番号：6813
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08042
配列：
GATCTAAAAG CCATATCCTG TCTTTGGTGG TGGCCTGGTA GGAATGGCTT GTNCTAGTTC 60
TTCAAAGGTA AGATTGACCA AAGCAAGTTC TCATTGGTGG TCTGTGTTTA CATCTTCCGT 120
GTCAAGNTAT TTTAAAGCAT GNAAATAAAG CCATTCTTGC CCTTTTTCGT GTGTTTGCAA 180
A 181

配列番号：6814
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08043
配列：
GATCTCAGGC TTCTGCAGTT CTCATGACTC CTACTTTTCA TCCTAGTCTA GCATTCTGCA 60
ACATTTATAT AGACTGTTGA AAGGAGAATT TGAAAAATGC ATAATAACTA CTTCCATCCC 120
TGCTTATTTT TAATTTGGGA AAATAAATAC ATTCGAAGGA AA 162

配列番号：6815
配列の長さ：431
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08044
配列：
GATCTCAGCG GGGAGCCACG TCTCTTGCAC TGTGGTCTCT GCATGGACCC CAGGGCTGTG 60
GGGACTTGGG GGACAGTAAT CAAGTAATCC CCTTTTCCAG AATGCATTAA CCCACTCCCC 120
TGACCTCACG CTGGGGCAGG TCCCCAAGTG TGCAAGCTCA GTATTCATGA TGGTGGGGGA 180
TGGAGTGTCT TCCGAGGTTC TTGGGGGAAA AAAAAATTTN TAGCATATTT AAGGGAGGCA 240
ATGAACCCTN TCCCCCANCT NTTNCCNGCC CAAATNTGTC TCCTAGNATC TTATGTGCTG 300
GGAATAATAG GCCTTNACTG CCNTCNNGNT TTATAGGCCN ANGGGTCCCG GTTTCCCGGG 360
AACTGGAACC CTTCCTGAGG GGGAATCCCG GGGCTCAAAT TACCCCCNAA AGGAAAGTGG 420
CCAAGGCGGT N 431

配列番号：6816
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08045
配列：
GATCTGTTTC TAAAGCGTTA CGCATCTTTN CTGAAGTATG CTGGAGAGCC TGTCCCTTTC 60
ATTGAACCCC CTGAAAGCTT TGAATTTNAT GCACAGCAGC TAAGAAAATT GAGGGAAAAC 120
TCTTCTTGAA ATAACCAGGC GATACTTTGT TTTGTATATA TTTGTGATTC TGTGTCTACA 180
TGTTATTTTG AAGTATATCT GAGGGAANNG GGAATGGAAA TTTTCTTTAA A 231

配列番号：6817
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08046
配列：
GATCCTTCCA GCTGCTCTTC CATAACTTCA TCTCTCCCCT CAACACCTGC AACCACTAAG 60
CCATTTTCCC CCTACCCGTC TGTAATTTTG TAATTTTGAG AATGCCAGGT AAATGGAATC 120
AGAGCGGATA ATCTTTGGAG CATGAAA 147

配列番号：6818
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08047
配列：
GATCATTTAT ATTTAAGTTT AAAAGGAGGN TGAGACTGAG TTTTTGTAGA GTTATAATNA 60
CATTCAAAAT ATACTTTTTT GCATTGNNAA AATGTTAANT N 101

配列番号：6819
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08048
配列：
GATCAAGCCA AACAGTAAAA ACTACCAAGA GAACACGAGG AAGGCAGAAA CGNTGTTTAG 60
CAACAGTATT CTGCATGGTT CACTGCTTAA GAAAATGCCT TCTGGAATAT TTGTAAACTG 120
AAATTCTGTA TGTGTAAGNG NTGTTTAAAT ATGTTTGGGT CCTAAACAGC TTTTTAAAAT 180
TATACTTGGG CNTAANTTCA GCATCTTTTC AAATCANCTC TNTGCNCCGC CGCTGN 236

配列番号：6820
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08049
配列：
GATCATTTTG TTTGTTGCTC TCTCTAGTGT CTTCTTCTCT CGTCAGTCTT AGCCTGTGCC 60
CTCCCCTTAC CCAGGCTTAG GNTTAATTAC CTGAAAGATT CCAGGAAACT GTAGCTTCCT 120
AGCTAGTGTC ATTTAACCTT AAATGCAATC AGGAAAGTAG CAAACAGANG TCAATAAATA 180
TTTTTAAATG TNAAA 195

配列番号：6821
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08050
配列：
GATCATAAAT ATTTTGTAAT GAAATACTTC CNCTTTTCCA GGGCTTTGTA TGCACTTGTA 60
TAATTACATT GATGGCAATG TAGNGTTTGA ATTTCAGTCT GTAAATACTT TTNTGGNAAA 120
TAGNAATTTT NATTGCTTTA AAGTTTTGGA TATGGGTGGN 160

配列番号：6822
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08051
配列：
GATCTATAGG AAGATTGAAC CTGAATATTG CCATTATGCT TGACATGGTT TGCAAAAAAT 60
GGTACTCCAC ATACTTCAGT GAGGGTAAGT ATTTTCCTGT TGTCAAGAAT AGCATTGTAA 120
AAGCATTTTG TAATAATAAA GNATAGCTTT AATGAAA 157

配列番号：6823
配列の長さ：150

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08052
配列：
GATCCAGNTT GTTGCATCAA TAGTTCTGTT TTTAGTACTG AGTGGGATGT CAGTATAGAT 60
GTACCATAGT AAACACCTGT GGAAGGACGT CAGGAATGTT TCCTGTTATT AGGTATCTAA 120
ATAAAGTTGC TGTAAACATT TGTGTACAAA 150

配列番号：6824
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08053
配列：
GATCTGTCCA CTTTGCTCTC ACGGACGTGG CATTTGCCAG GAAGGAGAAC CCAGCAGGAA 60
CGGAGGTCTC TGCCTTCACC TACAGTGAAG GGGCTGGTAT GTGAAATACT TTCACTGAGC 120
TTAGTGAAAA ATTCATTTTA CACCCTAGTT AGCTCCCAGA AAGGTTNAAC TTTCAAGANG 180
GTCAAAATAT GNAGCCTGTT ATATGTGTAA TTAAAAAAGN NNTAGNATAT CCCAAATGGN 240
ACATTTCAGG NATTAANTAA TTGNAATN 268

配列番号：6825
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08054
配列：
GATCTGAGAA GTGAGTGTAA GGAGTTTAAA TCAACCTCTG TTCTGTGCTA GTTAAGGTAA 60
TAAAGTTGCT GCAGTCCAGG GGGTAGGTAC CTGTGGACGG CTCTGCGAAT AGGNCAGTTG 120
CATTTCTTGG GAATCAAGTG CATCCCTAGG CTGGCAGTGC AGCAGAAATA CTGAATAAAA 180
TGTGACAAAT CTCCAAA 197

配列番号：6826
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08055
配列：
GATCAAGTAA AAATGAAGGA CAACGTGAAG TTTAAAGTTC GATGCAGCAG ATACCTTTAC 60
ACCCTGGTCA TCACTGACAA AGAGAAGGCA GAGAAACTGA AGCAGTCCCT GCCCCCCGGT 120
TTGGCAGTGA AGGAACTGAA ATNAACCAGA CACACTGATT GGAACTGTAT TATATTAAAN 180
TNCTAAAAAT CCTAAA 196

配列番号：6827
配列の長さ：213
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08056
配列：
GATCATCAGT ACTGTTGTCT CATGTAATGC TAAAACTGAA ATGGTCCGTG TTTGCATTGT 60
TAAAAATNAT GTGTGAAATA GAATGAGTGC TATGGTGTTG AAAACTGCAG TGTCCGTTAT 120
GAGTGCCAAA AATCTGTCTT GAAGGCAGCT ACACTTTGAA GTGGTCTTTG AATACTTTTA 180
ATAAATTTAT TTTGATAAAT AATATTGAAC AAA 213

配列番号：6828
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08057
配列：
GATCGTCCTG CAGGTATTTT GCAAGCCCCT ACTGTCCGCC GACATCAGCG TGAATCTCAC 60
ATGGTGCACT TGGCTCCCTG GGGGAGTNTT NGCNTCTCCT GTTGTCTTTT CCCAAAAACCA 120
NTAAAAACCA TGN 133

配列番号：6829
配列の長さ：269
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08058
配列：
GATCTGCTAC ATTTTAAAAG TGGGCATGAA AATCTTCTGT TATGTATGTA CTGTCATTAA 60
TTCTGTTATT TTTNCCCACT AGTACTATCA ACTACAGTAA AGACCTTCCT CTGGCCCAAG 120
GAATCAAGTT TCAGTAAAGG TGTTTTAGAT GANCATCCCT TAATTTGAGG TGTTCCAGCA 180
GCTGTTTTTG GNGANGACAA AGNAAATTAA NGTTTTCCCT GAATAANTGC ATTATTNTGA 240
CTGTGACAGT GNCTAATCCC CCTATGGTN 269

配列番号：6830
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08059
配列：
GATCTATCCA ATAAAGGAGA GAAACAACCG CACACGCCTG GCTCTCATCA TATGCAATAC 60
AGAGTTTGAC CATCTGCCTC CGAGGAATGG AGCTGACTTT NACATCACAG GGATGAAGGA 120
GCTACTTGAG GGTCTGGNCT ATAGTGTAGA TGTAGAAGAG NATCTGACAG CCAGGGATAT 180
GGNGTCAGCG CTGAGGNCAT TTGNTACCAG ACCNGNGCAC AAGTCCTCTG NCAGCACATT 240
CTTTGGTACT CATGTNTCNT GGCATCCTGG NGGGGTNTCT TGCGGAACTT GTTCTGN 297

配列番号：6831
配列の長さ：174
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08060
配列：
GATCATGGTG GTTTGGCAGC AGGGAATTTG TCTTGTTGGA GCCTGCTCTG TGCTCCCCAC 60
TCCATTTCTC TGTCCCTCTG CCTGGGCTAT GGGAAGTGGG GATGCAGATG GCCAAGCTCC 120
CACCCTGGGT ATTCAAAAAC GGCAGACACA ACATGTNGCT CCACGCGGCT CAAA 174

配列番号：6832
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08061
配列：
GATCAATTTT GGAGACCTTG GCCGCCCAGG ACGTGGCGGC AGGGGAGGAC GAGGTGGACG 60
TGGGCGTGGT GGGCGCCCAA ACCGTGGCAG CAGGACCGAC AAGTCAAGTG CTTCTGCTCC 120
TNATGTGGAT GACCCAGAGG CATTCCCAGC TCTGGCTTAA CTGGATGCCA TAAGACAACC 180
CTGGTTCCTT TGTGAACCCT TCTGTTCAAA GCTTTTGCAT GCTTAAGGAT TCCAAACGNC 240
TACTGTAATT AAA 253

配列番号：6833
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08062
配列：
GATCATGAAC CAAAGGAATT TATGTTTTGT AACTTGGGTA CTTTATTTTG CATTTTGTTA 60
TACTATTAAA TANTTTTNTC CTGAAA 86

配列番号：6834
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08063
配列：
GATCCAAGTT TCACTTTTTG TGATATAATG AGCCAGTTTT CTCAGTAATG TCTACTAAAA 60
AAAAAGCCAT TAACCNGGNT CTAATATTTG CATGATTCTA ATAAANGTAT GTCAACTTCT 120
TAAA 124

配列番号：6835
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08064
配列：
GATCCCCTCA GAAGGCAGGA GTGCTGCCCT CTCCCATGGT GCCCGTGCCT CTGTGCTGTG 60

TATGTGAACC ACCCACGNGA GGGNATAAAC CTGGCACNNG GACCAAA 107

配列番号：6836
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08065
配列：
GATCCTCCTG TCTTGGTTTC CCAAAGTGCT GGGATTGCAG GTGTGAGCTA CTGCACCCGG 60
CCCAATAAAA AAATCTCGTT CTGTGAAAGA AATGTTTAAT AAAAGTTGTA TTGTCAAATT 120
TTAAA 125

配列番号：6837
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08066
配列：
GATCACTAAG ATTAGCTATA TCTATACAGT CATTAGTTTG ACAAGAAATA GNATCCTGTC 60
AGATGCCAAA GAGTGGGATT TTNATGTTTA ATGATTAAAC ACCATTATTT ATTGACAATT 120
TACCCTGTGG AACTGTATTA TTTCTAACTA TGAAATAAAG GGGTGATGTA AACACAAA 178

配列番号：6838
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08067
配列：
GATCCCCGGC CAAGCCCAGT CACGNGAATT TAAGGCTCTT CTCTCCGGCT CCAGCCTGTG 60
CCTGTAATTG TCCAGGANTG GCCTAGGCCG ACACCTTCTG CTGCCCCGGA GTCCCCTCCC 120
TGGGTGGGAT GCTCACTACA GCTCTGATGT ATATAGCACA CAGCCCAANT CCGACCCTCC 180
GGTCTGTCGC CAATAAAGNG GGGTGTGTTT CANTCCGGGA AA 222

配列番号：6839
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08068
配列：
GATCCCAACA GGCCCTGGCA GCGTCTGGAC ATGTGTAAAC AGCAGCAGTC ACGTTCCTCG 60
GCTGNCACAA CCAACACNNN AGCAGGTTTT CCATTTTCTG TACTTTNATA TTTCTGTTCA 120
ACCTGTTGGT TTCTACAATG ATTTTAAACA TTGGNAAGNC AGCCTTGNGT ATATTTTTAA 180
AAATTATATT NAAAATGN 198

配列番号：6840

配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08069
配列：
GATCATGAAA CTTAGTAGAG GGGATTGTGT GTATTTNATA CAAATTTAAT ACAATGTCTT 60
ACATTGATAA AATTCTTAAA GAGCAAAACT GCATTTAATT TCTGCATCCA CATTCCAATC 120
ATATTAGANC TAAGNTATTT ATCTATGAAG ATATAANTGG TGCAGAGAGA CTTTCATCTG 180
TGGATTGCGT TGTTTCTTAG GGTTCCTAGC ACTGNTGCCT GCACAAGCAT GTGNATATGT 240
GANATNNNAT GGATTCTTCT ATAGCTAAAT GNGTTCCCTC TNGN 284

配列番号：6841
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08070
配列：
GATCCACCTG CTTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTAAGTCA CTGATNCCGG 60
NTGCATGTCA AGCACATTGG NAAGTTCTTA CAACAATTCT GNTGGAGGNT TTTN 114

配列番号：6842
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08071
配列：
GATCTGTCTC TCAAAGGAAG AAACAAAAAC CCAAAATTTT GACTGCAAAA GATTGACTAA 60
TTCTAGGTGC AAATAACTGG AAATTTAGGA TTGTTATTGT ACTACACAGG TCACAANGTT 120
CCAAACCTAT TTCCCTTGTA ATTTTTAGTG CATGATTTTT CAGAATGCAG TTTCTATCTT 180
TTTAGGTGCA ATATTACGAA CTGCTTAGGT CAGANCANTT TNGTNTCTCC AGTTTTTTCT 240
CCCTANGTTA CAN 253

配列番号：6843
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08073
配列：
GATCTTATAA CCTCATTGTT TCCTAATCAT TTTATTTCAT CTCCTGCTAG TACTGTGCCG 60
CTTCCCCCTC CCCCCACACA AAATAAAAAC AGTATCTGCC AAA 103

配列番号：6844
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08074
配列：
GATCCGTGCC CCACCTCTCC CCAGTTAAGT GCCTTCACAC AGCACTGGTT TAATGTTTAT 60
AAACAAAATA GAGAAACTTT CCTTATAAAT AAAAGTAGTT TGCACAGAAA 110

配列番号：6845
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08075
配列：
GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTCTT TCCTGGAGAT GCAGAACTNG GCCCGTGGAG CAGCAGTGTC AGCATCAGGG 120
CGGAAGCTTT AAAAGCAGCA GCGGCNTGTG CCCCAGGGCA CCCAGAATGA TTTCCCTATG 180
GGCACCAGGC CAGNGAAAAA ATTGGGCAGC NTCTTTAAAG GGNGGAAAAT TGTTTTGAGC 240
CCCAAA 246

配列番号：6846
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08076
配列：
GATCTACCTG CATATAACAG TCTCTAAGTT TTTTTTTCAA TCTTGCANTT TGATAATTTT 60
GATTTTGGCC ANATTAGNNT AATTTGGGAC TATCCTGAAA CAGNN 105

配列番号：6847
配列の長さ：26
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08077
配列：
GATCAAAAGA GCTGTCTGAC TGCAAA 26

配列番号：6848
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08078
配列：
GATCCCTTGA GCCCAGGAGT TCCAGACCAG CCTGGGAAAT ATAGGGAAAC CCTGTCTTTA 60
CAAAAAAAAA TTTTAAAAAT TAAA 84

配列番号：6849
配列の長さ：217

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08079
配列：
GATCAGATTC CTGACTAACC CCTCTCTTAG AGCTACAGCG AGCTGCATTA CCAGCTTAAA 60
ACACTTCTTA GGGATTAAAT ATAGNTGTNA TTTTTCAAAA TCGTTTTTAA TTTAAACTGT 120
GTTTTAGTGT AAAATTGTTA ACCTTGTAAG ATGGATANTG TGTATANGAN TGTAGGCCTT 180
AACTATTTCA CATGAGTCAA ANCANGGCNG CTTTAAN 217

配列番号：6850
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08080
配列：
GATCTCACCC AGTGTGCAAT TTGTGAAAAT GAACCAAATG TCATTACTTT TGTCTTAAAG 60
CAAAGTCTAT TTCAAGNATA TGNACAGCAN AAA 93

配列番号：6851
配列の長さ：73
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08081
配列：
GATCAATGAA CCATCTCTTC TGGGCAGTTT TGTTGAAAAT AAAGGTTTCT CTTTGATTTC 60
AAGAATGACC AAA 73

配列番号：6852
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08082
配列：
GATCACCGGT TTCCGACTGA GTCTGGGGAT TTNGGCCTTG TTGAACCCTC CTACGGTGCC 60
CNGGGAATTT GAAANACGCT TTCTGCATNG ATATNTGGGC CCTN 104

配列番号：6853
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08083
配列：
GATCAACATC ATTAAAGATT ATGTAAAAAG TTAAAAGGCT TATGAGCCTA AGTTTGTTCC 60
TATATTACCA TATTTACTGA ATNTTCTGGN AAAGNAACTT TANTAAAGTT TAATCTNAGG 120
AAA 123

配列番号：6854
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08084
配列：
GATCACTTGA GCCTAGGAGG CAGNGGTTCA AGTGAGCTGA GATGGCACTC CTGCGCTCCA 60
GCCTNGGTGA CAGCGTGAGA NNCTGTCTCA N 91

配列番号：6855
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08085
配列：
GATCTGTCAG NACCATTTGA AAACTTGCTC AAGAGCAGTT GCTTATATAT AGTAGGATTT 60
TACTTTTTCC TGCTTATGTA NTACTATATG CTTAAAAAAC CTGGAGGAAT ACTTACCAAA 120
GAGGAGTAAC CATCTCTGAG GGTGGGATTC TGGGGGANTT TTTGTTTTTT TCTGTTTTCT 180
ATANTGTGCA NCTNTTNTAG TATGTNTNTT NCTAATTGN 219

配列番号：6856
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08086
配列：
GATCTTNCTC CATTTACAGT ACATTCTTAG GATGTATGTA GTAAATAAAG CTTTCTTTAA 60
AGCAAA 66

配列番号：6857
配列の長さ：43
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08087
配列：
GATCACCCCG TAGGAAATAA AGCAGGCATC TCTGGACCTC AAA 43

配列番号：6858
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08088
配列：
GATCAAAAGA CAGNTAAATN TTTCTTCTAG AACACAGTTA CCCCCTTGCT TCATCTATTG 60

CTAGAACTAT CTCATTGCTA TCTGTNATAG ACTAGTGATA CAAACTTTAA GAAAACAGGN 120
TAAAAAGATA CCCATTGCCT GTGTCTACTG ATAAAATTAT CCCAAAGGTA GGTTGGTGTG 180
NTAGTTTCCG NGTAAGACCT TAAGGCCACA GCCAANCTCT TAAGTACTGT GTGNCCACTC 240
TTGTTGTTAT CACATAGTCA TNCTTGGTTG TACTATGTGA TGGTTAACCT GTAGCTNATN 300
ANTNTACTTA TTATTCTNTT CCTCCTTTAC CTCANCNN 338

配列番号：6859
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08089
配列：
GATCGTTTGC AAGTAACTGA ATCCATTGCG NCATTGTGAA GGCTTAAATG AGTTTAGATG 60
GGAAATAGCG TTGTTATCGG NTTGGGTTTA AATTATTTGA TGAGTTCCAC TTGTATCATG 120
GCCTACCCGA GGAGANGNGG NGTTTGTTAA CTGGGCCTAT GTAGTAGCCT CATTTNCCAT 180
CGTTTGTATT ACTGACCACA TATGCTTGTC ACTGGGCANG AAGCCTNTTT CNGCTGCCTN 240
CACGCANTTT N 251

配列番号：6860
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08090
配列：
GATCTTAATA TAAATNCACT TTCATTTTTN ATAGCTGTCC CATCTGGTCA TTTGGTTGGC 60
ACTAGACTGG TGGCAGGGGC TTCTAGCTGA CTCGCACAGG GNTTCTCACA ATAGCCGATA 120
TCAGAATTTG TGTTGAAGGA ACTTGTCTCT TCATCTAATA TGNTAGCGGA NAAAGGAGAG 180
GAAACTACTG CCTTTAGAAA NTATAAGTAA AGTGATTAAA GTGCTCACGT TACCTTGNCA 240
CATAGTTTTT CAGTCTATGG GTTTAGTTAC TTTAGNNGGG NAGCNTGTNA CTTATATTAN 300
TAGTANTTTN GTAAAGTTGG NTGGATAAGC TATCCATGTT GCCAGGTTCA TGGATTNGN 359

配列番号：6861
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08091
配列：
GATCCCCAAA CCACAAATAC ATATGTGTGC CTAAGTTTGT GCATGCATAC ATTAAACAGG 60
ACATAAAGTG TTAAA 75

配列番号：6862
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08092

配列：
GATCATCATG GCAAAACCAG CTGGTGGGCC CAAGCCTCCA AGTGGGAAGA AAGACTGGGA 60
TGATGACCAA AATGATTGAA ATTGGCTTAA TTTTTACTGT AGGTGAAGGC TGTATTTGTA 120
GTAGTACTCA AGAATCACCT GATGTNTTCT TATTCTCCTT AAATTAAGAG TTATTTTGTN 180
TTTGTNTTCT TGGCTGGATG TTATAATAAN CATATTGTNA CTGTCAAA 228

配列番号：6863
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08093
配列：
GATCATGCCT ACTTTCTTCT NTGTATCTCC CTCCTTCCCA GCCCACCCGG GCAGCAGACT 60
CTNATGGAAG NAAGGTGCCG TAGTGGGNTT TTAGAAACTA ACGGGACTGG TTTTCAAAGC 120
AGTTATCTTG GGAAACTGTT TATTCCAGCG ATGTGACTTT TTTNAGAATA TTTCTTGGAA 180
TCATATTCAG AGTCTGGGGC TGTGTGTTGA GCAGCCTTAA GGNTGCTAGA CACTCATTTA 240
GTGCCCAGGG AGTCCAGCGA ATGACGTCTG TGGCCAAGCG AGGTCTCAGG TGCAAAGCN 299

配列番号：6864
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08094
配列：
GATCCTCTGA ACCTGCAGAG GCCCNCTCCC CGAGCCTGGC CTGGCTCTGG CCCGGTCCTA 60
AGCTGGACTC CTCCTACACA ATTNATTTNA CGTTTTATTT TGGTTTTCCC CACCCCCTCA 120
NGNNTGTCGG GGAGCCCCTG CCCTTNACCT AGCTCCCTTG GCCAGGAGCG AGCGAAGTGT 180
NGGCCTTGGT GAAGCTGCCC TCCTCTTCTC CCCTCACACT ACAGCCCTGG TGGGGGAGAA 240
GGGGGTGGGT GCTGCTTGTG GTTTAGTCTT TTTTTTTTTT TTTTTNTTTN TNANAAAA 298

配列番号：6865
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08095
配列：
GATCTGCGGG GCAANTTCAA GCNNNCCCCA CTGCGGAGGG TGCGCATGTC GNCCGATGCC 60
ATGCTCAAGG CCCTGCTGGG CTCGAAGCAC AAGGTGTGCA TGGACCTGAG GGCCAACCTG 120
AAGCAGGTCA AGAAGGAGGA CACAGAGAAG GAGCGGGACC TGCGAGACGT GGGTGACTGG 180
AGGAAGAACA TCGAGGAGAA GTCTGGCATG GAGGGCCGGA AGAAGATGTT TGANTCCGAG 240
TCCTAGGCCA CTCGCTGCCC CTACGNCTGC CCCGGTGCCC GGTTCCCAGC AGAANN 296

配列番号：6866
配列の長さ：310
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08096
配列：
GATCCTGTTC TGTCAGCTGC ACCCTGAGCA AAAACTTGCC ACACCAGNGC TCCTAGAAAC 60
AGCCCAGGCT TTGGAGCGGA CCCTGAGGAA GCCTGGGAGG GGTTGGGATG ACACGTATGT 120
CTTGTCAGAT ATGCTCAAGA CGGTGAAAAT TGTGTGACTG CTTAGGCCAA GCAGCCCTCC 180
TGCCTAGAAT GACCTTGGAC TCCCAGCCTG CCAGNGAATG NAGAAATACA ACGCACAGTA 240
CTTTTGAAGC TTCGTATTTT TCTTGGTTTC ACACTCAGCT ACATGTGACC TCCAGCTTGG 300
TGCGGTTAGN 310

配列番号：6867
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08097
配列：
GATCAGTTCA AGAAGGTAAT CCAAGGGCCT GATGACTCTT TTGGTAACCA GACACCAATC 60
AAATAAGGGG AGGAGATGAA AATGGAATNA TTTCTTCCAT GCCACCTGTG CCTTTAGGAA 120
CTGCCCAGAA GAAAATCCAA GGCTTTAGCC AGGAGCGGAA ACTGACTACC ATGTAATTAT 180
CAAAGTAAAA TTGGGCATTC CATGCTATTT TTAATACCTG GNTTGCTGAT TTTNCAAGAC 240
AAAATACTTG GGGTTTTCCA ATAAAGATTG TTGTAATATT GNAAA 285

配列番号：6868
配列の長さ：201
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08098
配列：
GATCAGACTC TGTATCAAAA GTACCTTTGC CCTTAGGAAG AGTGAGTATT GGAGTCATCT 60
TATCTATTAC TCCAAACCTC CCTTTTNATT TCTTGAGCCT GGCTTGGACC TTGGCATTCC 120
GTTTGANTTC CTTCTAACTG GAACATTTGT GTTGTATCTG TAACACTGGC ACTGAAATAA 180
AGACCACACG GTTAAAGNAA A 201

配列番号：6869
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08099
配列：
GATCATGTGC TGCCTTTTAC TGCTGAATTA AAACAGATAT TTCACGNAAA 50

配列番号：6870
配列の長さ：43
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08100
配列：
GATCTTCAGT GTAAATNACC ATGTATAAAC TGTAAAGTGC AAA 43

配列番号：6871
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08101
配列：
GATCATTTAA TATATTCATA TTACCAAGAC TATTATACTG GAAGTGGTTT TTGTGTTATA 60
AAGGTTTAAT TTTACATANG GCAGTTACTT AATGTGATTT TNAACCCTTA AAAAAGTGGA 120
GATGTATACA TTTGTTAACA ATGCCATGAA AGCATTTNCT TTCTCCTAAG GAAAAGTGAA 180
TTTCTTATCA GAATATCTGG CTGGCCCTGT AATTTAAATT AAAATAAANT TTTGGCGNAN 240
CAGCAAA 247

配列番号：6872
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08102
配列：
GATCTATCTG AGAACAAAGA AGTCGACAGA ATAACATTGA TGACTTTTTA AATAATTAAT 60
TTATTTGAAG AATGCTTGCA TACAAAAAGC TTCCTGCAGG AATTTTAAAC AAGCTGTCCT 120
TGGTTATCCC AGGCAATGTC AGTTGATTTA NTTAAGTTTA CATGCAAAAG NGAATACAAT 180
TGTAACATTA ATTGGAACAT TAAGTTGGCT TATAAGCAGT ATTTCCACTG CTCCTACAAT 240
TGNTTTNNGT TATTTGATAN TTNATTTNAN ATTNGTNTTT GGTGTGGN 288

配列番号：6873
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08103
配列：
GATCGTACCT ATTGCACTCC ATCCTGGATG AAAGAGCCAG ACTCTGTCTC AAAACAAACA 60
AAAAAGCGTG GGGACTTCTG GGGACAGACA AGGTGCCTGT AATATATTTN CTCAGTCTTT 120
GCCCTGAATG GTCTCAGCTT GANACCATNT CAAACTGGAG AGAAGCAAGC CAGCCAATAG 180
AATGGGGTGA TTTACAGGGA TTTCTGTTTA CTGTCAAAAT ATTTCTCATC TGCACTATGT 240
TTCCATTTGT GGTCCTGAAG GAAATTCTTA TAACTCAACA TTTGTCTGGT CTTN 294

配列番号：6874
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08104

配列：
GATCCGACAC TCCAGGCAGA GCAGAGGGCA GGAGAGGCCC AAAGAGCTAG GTCAAGCAGC 60
TGGCTCCCCT GGAAGGGGAG CCGGGAGACA GGGAGGTCCT CACACTGCCC CCGTGGCCAC 120
GCATGGCTGT CTGCACACTC CATCAGGAGG AAGGGCAGGG GAGAAGTCAC ATGCNGTACA 180
GTGAAACTNA TCAGTGTCAC ACACGCCCAG CAGGAGGGGA GAGCTCTGCT CCACACGCTG 240
GCGGCCTTGG CTGCTCCANA GCAATCCGNT TGCTCCANCT TCAAGCCATT GGGGN 295

配列番号：6875
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08105
配列：
GATCCTGTAT TATCCATCTA CATCAGAACC AAACTACTTC TCCAACACCC GGCAGCACTT 60
GGCCCTGCAA GCTTAGGATG AGAACCACTT AGTGTCCCAT TCTACTCCTC TCATTCCCTC 120
TTATCCATCT GCAGGTGAAT CTTCAATAAA ATGCTTTTGT CATTCAAA 168

配列番号：6876
配列の長さ：141
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08107
配列：
GATCCTTGAG ATGACTGTAG CCCTGGCTGA CAACTTNATT GCTGCCTGTN AAGGACCCTG 60
AACCAGAGGA CTCAGCGAAA TTGTGCCCAG ATTCCTGACC TACAGCGGCA GTGAGATAAT 120
AAATGCTGTT GAGGTCACAA A 141

配列番号：6877
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08108
配列：
GATCTGCTCA CCCTCGGTNC ACANCAGTGT CAGCCATGCA AGCAGGACAG AATGGTGACT 60
GGGTGCCCAT NGTGAGCTGT GTATTTCCTA GGAGGTAGAA AACAATAAAA AATTGCATGC 120
TAAA 124

配列番号：6878
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08109
配列：
GATCCTCCTG CCTCAGCCTC CTGGGTGGCT GGGACTGCAG ATACATGCCA CCATGCCGGA 60
CAAATTTNTT GTATTTTNAG TAGAGATGGG GTTTTACCAT ATTGCTCGGA TTGGTCATGA 120

ACTCCTGGAT TCAAGCAATC TGCCCACCTA GCCTCCCTAA GTGCCTGGCC AAATTTTTGG 180
TTTTAATAGT CGATTTGTGT ATATTTTTTG GTAGTATCTA CATATATTTA ATACATTTAT 240
NTGTTGNTGN AAAAAGTANA ATTTGTAAAA NNTTTGNAAA 280

配列番号：6879
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08110
配列：
GATCATTGTT GAACTTCAGC TCCAGTGTCT CTCCAGAATA AGACATTGGC ATTCAAATGT 60
CTATATCTTG TTACTTACAA AATAAAAAAC AGATTAATTA GTGGCTTTTA AATTGTAGTT 120
ATATCNGTGT ATATACACGC GGGGNACTGT ATAAAGACAT ACTAAAGGGC ACAGATTAAA 180
ATAAGTATTA TTANTAAA 198

配列番号：6880
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08111
配列：
GATCAAAGTT GTTAAAATTA TAAATNTATG ATGCAGNAAT AAAATTGATA TATTTTGATA 60
TTCAAA 66

配列番号：6881
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08112
配列：
GATCTCTTAC CTTTGGAAAA TAGGGGTTAG GCATGAAGGT GGTTGTGATT AAGAAGATGG 60
TTTTGTTATT AAATAGCATT AANCTGGAAT TGACAAGAAA 100

配列番号：6882
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08113
配列：
GATCAAAGAA ATAATTCTTT TGCCACTAAA 30

配列番号：6883
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

CCAAAGCAAG GACACCACAG CTCTTCCGAC TCCAGCAGCA GCTCCAGCGA TTCGGACACG 120
GATGTGAAGT CCCACGCTGC TGGCTCCAAG CAGCACGAGA GCATCCCGGG CAAGGCCAAG 180
AAGCCCAAAG TGAAGAAGGA GAAGGGCAAG ANGGNGAAGG GCAAGANGAN GGAGGCTCCC 240
CACTGANGGG CCCTGGACAG GGCTCATTAA ACCTTCCTCT CTGCCAAA 288

配列番号：6888
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08119
配列：
GATCCGCATT GAAGACCCAC CCCGCAGAAA GCACATGGAA TTCCTGGGTG GTGCAGTTCT 60
AGCGNTTATC ATGAAAGNCA AAGACAACTT TTGGATGACC CGACAAGAGT ACCAAGAAAA 120
GGGTGTCCGT GTGCTAGAGA AACTTGGTGT GACTGTTCGA TAAACTCCAA AGCTTGTTCC 180
CATCATACCC GTAATGCTTT CTTTTTTCCT TTATTGCCAA TCTTTGAACT CATTCAACTC 240
CAGGACATGG AAGAGGCCTC TNTCTGCCCT TTGACTGGAA NGGTCAANGT TTTATTCTGG 300
TTGTCTGN 308

配列番号：6889
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08120
配列：
GATCATGTCT TTTGCAGGAA CATGAATGGA GCTGGAGGCT ATTATCCTTA GCAAACTAAT 60
GCAGGAACAG AAAACCAAAT ACTGCACGTN CTCACTTATA AGAGGGAGCT AAATNATGAG 120
AACTGATGAA CACAAAGAAG GAAACAACAC ACAATGGGGT CTACTTGACA GTGGAAGGTG 180
GGAGGAGGGN GAGGAGCAGA AAACATAACT ATTGGATACT GGGCTTAGTA TCTGGGTGAT 240
GAAATAATCT GTACAACAAA CCCCCATGNC ACAAGTTCAC CAATGTAACA NACCTTCACA 300
TGTACCCN 308

配列番号：6890
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08121
配列：
GATCAATTCC CTTGAATAGG GAAGTAACAT TTGCCTTAAA TTTTTTCGAC CTCGTCTTTC 60
TCCATATTGT CCTGCTCCCC TGTTTGACGA CAGTGCATTT GCCTTGTNAC CTGTGAGCTG 120
GAGAGAACCC AGATGTTGTT TATTGAATCT ACAACTCTGA AAGAGAAATC AATGAAGCAA 180
GTACAATGTT AACCCTAAAT TAATAAAAGA GTTAACATCC CAAA 224

配列番号：6891
配列の長さ：28
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08122
配列：
GATCAAATAA AGTTATAAAA TTGCCAAA 28

配列番号：6892
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08123
配列：
GATCAGGCCT GGCCACTCCT CTTTGGAGGG CGGTTGAGGC CCACCTGCCT TGGGCTTCCC 60
AATNCTGATT CCNNTACTAC ACCCTTCCCA GTTCTATTCC CCTCACCACA CTTGCTCCAA 120
TAAAACTATT TATATACAAA 140

配列番号：6893
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08124
配列：
GATCGTCATC CCTTCCTGGA GTTCCTATCT TCCAAGATGT GACTGTCTGG AGTTCCTTGA 60
CTAGGAAGAT GGATGAAAAC AGCAAGCCTG TGGATNGAGA CTACAGGGGA TATGGGAGGC 120
AGGGAAGAGG GGTTGTTTCT TTTAATAAAT CATCATTGTT AAA 163

配列番号：6894
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08125
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TTGAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC GCCATCTCTA 60
CTAAAATTGA AAAATTAGCT GGGCATGGTG GCAGGTGCCT GTAATCCCAG CTATTGGGGA 120
GGCTGAAGCA GGAGAATCGC TTGAAACAGG AGGCAGAGAT TGCAGTGAGC CGAGNGGGGN 180
GCCACTGCAC TCCAGCCTGG GCAACAGGAA CAAAACTCTA TCTCAAAAAA TAAAACAAGA 240
TTTTTCTGCG AAA 253

配列番号：6895
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08126
配列：
GATCACTTGC AGCCCAGNAA GTTTGAGACC ACCCTGACCA ACACAGTGAA ACCCNCTCTC 60
TAAAAAAGTT TGTTTTTAAA GTCTCCTTGA AACATCAAA 99

配列番号：6896
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08127
配列：
GATCAAGCTA TGCCTGATNC TGCCTTAAGC CTTATNAGGT CGCCACGGAA CCGCAGAAAC 60
TCCTGGTGGG CAGAGCTGTG TGTGCCATCT TCATCATTGC ATTACCACCA CCAAGCACAG 120
TGCCTGGCAC AAAAGAGTTG CTCAATAAAT AAATCAGGAT GANTGGNTAA ATACATGGNT 180
AGGCACTTTG AGCTACAGAT GCGTTTAAAT ACTTTGTGTT TTTCTTAGTC AAACATGTGC 240
ANTTANGCAT GTGATAAATG CTATGATGAC CACAANANTG CACAAA 286

配列番号：6897
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08128
配列：
GATCATGGTG AAATATTTTN GATATATAAA TTCCTTAAGC TATTGTAACC ATGTTTTATT 60
GCAAAGATGT AAAATATGCC AGATGTGTGT NAGTTGGAAA TCAAAAAAAG NAAAATAAAN 120
TATGCAAAGA NTTCAAA 137

配列番号：6898
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08129
配列：
GATCCGCAAC AACTCAGCCA TCCACATCCG AGTCTTCAGG GTCACACCCA AGTAATTGAA 60
AAGACACTCC TCCACTTATC CGNTCCGTGA TATGGCTCTT CGCATGCTGA GTACTGGACC 120
TCGGACCAGA GCCATGTAAG AAAAGGCCTG TTCCCTGGAA GCCCAAAGNA CTCTGAATTG 180
AGGGTGGGGG TAATTGTNTG TTGGTNGGCC CAGTTAGTGG GCTTTNNTAA GTGTGTGTAT 240
GCGGTCTGTA NCTATTGCCA TATAAATAAA NAATCCTGTT GNACTNGTAN 290

配列番号：6899
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08130
配列：
GATCATAAAA CGTTGTAAGT TTTCTAAAAC ACATAAGCTC TCAATAAACG TTAGCTTATC 60
ATTGTCACAA A 71

配列番号：6900

配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08131
配列：
GATCAAACAC TGTCAGAATT GCTGAAATCA ATACACAAAG AGATAAAGTT TAGCTTCTTT 60
TTACTATTCA ATATTGAACA TAATATTGTT AAATATNGNG ATGAAATGCT GTTGGATNTG 120
CTNCATTAAA TCTTAATGTA ATATTGTAAG NCTTTTGAGA ATATACTTGA TTAAAATGTG 180
AAAGNNGGGN TTGTTANCTT ATTGCTATNC N 211

配列番号：6901
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08132
配列：
GATCATCATC TNCTTGCGGA CTTCTCTGCC TGGTCTTGTG TGTTCTGTTA TTCAAACAAT 60
AAAANGCTGG TNGAACTTAA A 81

配列番号：6902
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08133
配列：
GATCAGACAC TGCCTTTTGT GTGTTTGCTG CCTNTGGATN CTTTTTTAAA AAGACTGTTA 60
CATATTAAAA NAGTGTACAT ATATAAATAT NACCTCTTTT GCTGTACAGT TGTGATAGAG 120
ACTGAAGNTT TTATTTTTNG TGTGCTTTTT ATAAGNAAAA ANTTAATACA CTAAN 175

配列番号：6903
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08134
配列：
GATCATCTAA TTCTCTGTGG AATAAATACA CACATATATA TTACAAGGGA TAATTTAGAC 60
CCCATACAAG TTTATAAAGA GTCATTGTTA AA 92

配列番号：6904
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08135
配列：
GATCTGGAAA ATACTGGAAA ATGTGATACT TAGAATACTT TGGCTGCTAA GGAAACTTCC 60

TCTCCATTGC AGAATAGCTG AGCCAAGTNA GTGAGTTTNC AGAAAGCAGG TGGTGAGCTC 120
NTGCCTGCTG GAGGTTGCCA TGGAGGGCCA TTCCTGCCCG GCAACAGCAC CGTCCTGCAG 180
GGAGCCACTT GGCAGAAGGG TGCAGGGCTG CTGGTGTCAG AGCAAGAGGG CTACAGGGAA 240
AGGGCCCTTT CTCAGGGGAT GTNGNTTTTT TAAAAGGTTT GGGNACACTT GGCGGGTTTG 300
CTAAAATTGA GN 312

配列番号：6905
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08136
配列：
GATCTCTCTT GCAGCTTGAG AATGTCCCAG TTAAGCCACT TTAAAANTCC TCTNTCCTGC 60
AGCCCAACAC TTTNCTAAGA GGTACAGAAA NGANAGGAAA TAAAACACAC ATCATTATGG 120
AAA 123

配列番号：6906
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08137
配列：
GATCTCAACA CAGACCCTNA CCAGCTGATN AATNCAGTNA ACACACTGGA CAGGGATGTC 60
CTCAACCAGC TACACGTACA GCTCATGGAG CTGAGGAGCT GCAAGGNTTA CAAGCAGTGT 120
AACCCCCGGA CTCGAAACAT GGACCTGGGG ACTTAAAGAT GGAGGAAGCT ATGAGCAATA 180
CAGGCAGTTT CAGCGTCGAA AGTGGCCAGA AN 212

配列番号：6907
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08138
配列：
GATCAAGCCA AAAGAAATAT TTTTNAAATA AGCCCTTTTC AAAAGTTTTT GAATTTATAG 60
AAAGCACCAA TGAATAACAT ATTTCTGTTT CGTTAATGTC AGCTGCCTGA ACATTCAGCA 120
GTTTATAAAT TGCTTAATTT GTGTNATCTA TTATCCAGTA AACCCATAGT TCCATGATAT 180
GTCACAGGNA TTGTNAGGTC CTATTTTAAA GGTACAGTCT TGTGGNATGT CATCN 235

配列番号：6908
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08139
配列：
GATCCTTTGA GCCCAGAAGT TGGAGACCAG CCTGGACAAC ATGACAAAAC CCCATCTCTA 60

CAGAAAATTT AAAAATTGGC CAGGCGTGGT CGCGCACGCT GTAGTCCCAG CTATTCAAAA 120
GGCTGAGGTG GGAGGATTAT GTCCCTGGAG CCCAGGAAGT GGNGGTTGCA GNGATTGCAT 180
CACTGCATTT NAGCCTGGGT GACAGNGTAC GCCNCTGTAT CAAA 224

配列番号：6909
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08140
配列：
GATCCTGCTG GCCAGAAGCA AGCGGGNNCG GCAATAAATC CAAGAAATTG TCCCAACAAC 60
CACCAATTCT TACGGAGGAN TATTATTTAG CCAGCAGGAG TCGNGTTTGG TTTACTGCTT 120
TTACTGTTTT GNGTTCATGN CTNTTTATTT TAATGGCGTT AAAAGCACAG GCAAATGTCT 180
TTGGTAATGC AGCTTAGTAT GANTTCTNTT ANAGN 215

配列番号：6910
配列の長さ：253
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08141
配列：
GATCACAGAC TCTGAAGNCA GACTGGCAAG ATTCAAATCC CGACTGCCAT TTTTAACTGA 60
AAGACCTTAG GTAAGTTACC TAACCTCTCT GTACCTGTGT AAAATGGNGA TAACAGTAGT 120
ATCCACTTCA CAGAGTTATG AGGNTGAAAT ACATTCATAT TTATAAAACG TTTGGACCCA 180
GTACTTGGCA CATAGTAAGG CCATGTAAGT GTTTGTAAAA TAAAACTGNA AATAAAGCCA 240
TNTCCNAATN AAA 253

配列番号：6911
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08142
配列：
GATCACACTG CTGCAAGACC TGACCAGTTG AGCTTCCGGC GTGGGGAAGT GCTGCGTGTC 60
ATNACCACAN TGGATGAGGA CTGGCTCCGC TGTGGGCGGG ATGGCATGGA GGGTCTNGTG 120
CCTGTGGGGT ATACCNACCT TGTTCTGTAG CCCTGGNGNC CTTTCCTGCG TATGTGTCTC 180
CTTCCTGTCA CCTGGGCATG GAATGGCCAG TGAACACCAT CCCAGAAGCA TTTTCCCTCT 240
GCAAAATGAC GTTTCTTCCC ACGTCTGTTT CTGCTAATAT TTAAAATAAA CTTTCCTTCT 300
TCCCTCCTAT ACCANCTGTA AGGGAAAATN TGCTCTTNTT CCAAATATAT AAAAAGGTN 359

配列番号：6912
配列の長さ：49
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08143

配列：
GATCTTTTAC ATTGCAAACA AAATGCTGTA TTGCTTAAAA GGGTTGAAA 49

配列番号：6913
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08144
配列：
GATCAGTTAA TAAACATGAG TAGCTTGAAA 30

配列番号：6914
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08145
配列：
GATCTGAACT GTACAAAGTT CTCATAGCAC CNCTGGGAAG AGAAGGACGT AAACAGAACC 60
TGACACCAGC TCCTTTTCCT TNTATACATT ATTTAATACC TATTAAATAC AATTATTTTT 120
GGAATAAA 128

配列番号：6915
配列の長さ：425
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08146
配列：
GATCTACTTG TAACTTGTTG GCCTTCTTCC CACATCTGCC TCANACTGGG GGGGGCTCAG 60
CTCCTCGGGT GATATCTAGC CTGCTTGTNA GCTCTAGCAG GGATAAGGAG AGCTGAGATT 120
GGAGGGAATT GTGTTGCTCC TGGAGGGAGC CCAGGCATCA TTAAACAAGC CAGTAGGTCA 180
CCTGGCTTCC GNGGGCCAAT TCATCTTTCA GACAATCTTT AGCAGAAATG GACTCAGGGA 240
AGAGACTCAC ATGCTTTGGT TAGTATCTGT GTTTCCGGTG GGTGTAATAG GGGNTTAGCC 300
CCNGAAGGGN CTGAGCTAAA CAGTGTTATT ATGGGAAAGG AATGGCATTN CTNGTTTCAA 360
CNAGCGCTAN ATGCAACCAT TNCNCTNTTG TTATAGTATC TAAGGGTNNG NNAGTTAAAC 420
GGTTN 425

配列番号：6916
配列の長さ：81
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08147
配列：
GATCCACCAC CCAGCTTCAC CCCTCACCCC CAGCGGCTCA CCATGGGGAT GGCAGCAATA 60
AAATACTTCT AATGGAACAA A 81

配列番号：6917
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08148
配列：
GATCAACAAG CTTTNCCACG AATTTAAGAG TTTTATCAAG ATATATCGAA TACTTCTACC 60
CATCTGTTCA TAGTTTATGG ACTGATGTTC CAAGNTTGTA TCATTCCTTT GCATATAATT 120
AAACCTGGAA CAACATGCAC TAGNTTTATG TCAGNAATAT CTGTTGGNTT TCCAAAGGNT 180
GTTAACAGAT GANGTTTATG TGCAAAAAAG GGTAAGATAT AAATNCAAGG AAGNAAAANN 240
GTTGNTAGCT AAAN 254

配列番号：6918
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08149
配列：
GATCAGAGGA ACCTTAGAGG CCTGAAATTG TTGCTTCCAG TTTAGCTGCC CCTCAAATTC 60
AAGTGAATAT TTTCCCTTCT CCCTTTACCC TTCTCCAGAA ATAAAGCAGG TGACAGGGTT 120
TTNAGAATCT TAAA 134

配列番号：6919
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08150
配列：
GATCAAGAGT AATTACCAAC TTAATGTTTT TGCATTGGAC TTTGAGTTAA GNTTATTTTT 60
NAAATCCTGA GGACTAGCAT TAATTGACAG CTGACCCAGG TGCTACACAG AAGTGGCTTC 120
AGTGAATCTA GGAAGACAGC AGCAGACAGG ATTCCAGGAA CCAGTGTTTG NTGNGGCTAG 180
GNCTGAGGAG CAAGCGAGCA AGCAGAGNAA GAAAAGTTAA ATACCAGNTA AGCTTTTGAT 240
TTTTGTATTG TTTGCATCCC CTTGCCCTCA ATAAACN 277

配列番号：6920
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08151
配列：
GATCTACCAC CAGAGAGTTC ACACTGGNGA AAGNCCTCAT GAGTGCAATN AATGTGGAAA 60
ATCCTTTAGC CGAAGCTCCA GCCTCATTCA CCACCGGAGA CTTCACACTG GAGAAAGACC 120
CTATGCGTGC AGTAAATGTG GGCAGTCATT TAAGCAAAGC TCCAGCTTCA GTTCACATCG 180
GAAAGTCCAC ACNGGGGANN GGCCTTATGT GTGTGGGGNC TNTGGGNANT CCTTTAGCCA 240
TAGCTCCANC CTTAN 255

配列番号：6921
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08153
配列：
GATCTGGCTT NTCCNGGAGG CTNCCATGGT TGGAAGATGG TATCAGAGGG CCTGCCTGGG 60
CAGTCTGTCT CCGGGCCAGG GTCAGGGACC CTCTGCCTCT GGCAGCCTTA ACCTGTCCTC 120
TGCTAGGACC AGGGTGATTT CAAGCCAGGG AAGCAACTGG GACCCTGAAA ACTGTCCCTC 180
CCCAGCCCGG TCCNCGTGTA TGTGCCNTGG TCCCCTTGCT GCCATGTGGA TGCTGTTGTN 240
ATTGCTGTTT GTATATTATC AAAATGTTTT TAN 273

配列番号：6922
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08154
配列：
GATCTTCTTT ATAACTATTT ATTGTTCGAA TCACTTTTAG GATGTAACTT TATAAATAAA 60
CATGAGCGCT GATGATTTGC AAA 83

配列番号：6923
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08155
配列：
GATCCTCATC TCCATCCTCA TCCTCTTCCT TCACAGCATT TACTTGGAGC TCTTTGTGAC 60
ACACCATGTC AGTCATGATG AATCGGCCAA CAGCCAGCCC TTGCCAGCTG ACGTCACAGT 120
CTAAGATGGG AAACTGTGGT ACAGATAGAC ATGAAGAGAG CTTAGCAGTG ATTGAGGTGG 180
TGACTAAATA TACAGTCATT GAATAAA 207

配列番号：6924
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08156
配列：
GATCACTGTG GGCTGGAGAG GAGAAGGAAA GGGTCTGCGC CANNCTGTCC GTCTTCACCC 60
ATANCAAAGC ATACTAGAGC AAAAAACCAG TTGTAATATA AAATGCACTG CCCTACTGTT 120
GGTATGACTA CCGTTACCTA CTNTTGTCAT TGTTATTACA GCTATGGCCA CTATTATTAA 180
AGAGCTGTGT AACATCAAA 199

配列番号：6925

配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08157
配列：
GATCATGCAG CAGAAGCAGA AAAAGGCAAA CNAGAAGAAG GAGGAACCCA AGTAGCTTTG 60
TGGCTTCGTG TCCAACCCTC TTNCCCTTCG CCTGTNTGCC TGGAGCCAGT CCCACCACGC 120
TCGCNTTTCC TCCTGTAGTG CTCACAGGTC CCAGCACCGA TGGCATTCCC TTTNCCCTGA 180
GTCTGCAGCG GGTCCCTTTT GTNCTTCCTT CCCCTCAGGT AGCCTCTCTC CCCCTGGGCC 240
ACTCCCGGGG GTGAGGGGGT TACCCNTTCC CAGTGTTTTT AATTCCTGTG GGGCTCACCC 300
CAAAGTATTA AAAGTAGCTT TGTAATTCCA AAAAAAANGG NNNNNAGGGN GGGGGGGN 358

配列番号：6926
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08158
配列：
GATCTGTACA TTTTACTATC TGTAAAATAT TCTTCAAAGA ATAAAATAAA AAAAAAAGCA 60
AA 62

配列番号：6927
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08159
配列：
GATCAGATAC AGCATTAAAC GTTTCTCAGT CTCCCTNTCC TCATCTGTAA A 51

配列番号：6928
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08160
配列：
GATCTTGCTA AAGTTAAAAT AAGGAACATT TCACCTTTTA AATATTTAAT TCTNATGTGG 60
ACTTATTTCC AGAAAACTTT GGTGATAATT CTTGAGACAA AAGGTGGTTA AGTAGCATTA 120
TTATGTAATG CTTATATACC ATAGAGTTTT TAATAGANGA GAAATCCATT TCCTCCGAGG 180
GTCACTATTA ACAATGTACT TCCTTAAATT TNGTTTAATG ATTGTGATGG GTGCTGCATT 240
TGCACATTGC ATTANGGAN 259

配列番号：6929
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08161
配列：
GATCGGATGC TGAATAAAAC TCACCGTGAA GCAAGTCCCA CTGAACGAAA AGTTGGTCGT 60
AGCATTTNTC AGCAGCTGCT TCCGGCTCCC TGAGACCCAG CCATGGAAGG CATAGAAAGG 120
CATGTGACAA GAAACTCATG GCTTTTAATC CTGGCAGGNC AAGGAAAACC CCGTCAAAGN 180
TTTGCATAAN TTTTGCTGCT CTCCTGCTGG GGGGGGNNGG NNNNNN 226

配列番号：6930
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08162
配列：
GATCGTTCTT GATTTTGTTT TCATTAGTGT CATTTCTTTG TCATTGAGGA CTTTTCCCCT 60
TACAACAGTA ACACCATTTT TTGAAGAGCA AAACTTATAA TACCTCCTGG GATTGTNAGC 120
TAGTCATTCA GCCTGTGTAA CCATGTGGAA ATAAAAATTG ACGACCAATG TATTATATGG 180
ACAACTTTTG CTTTGAGTAA TAAACTTGAT TGTAGGAAA 219

配列番号：6931
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08163
配列：
GATCCCACCC ATTCTTTCAC TTTAAGAAAA AACAAATAAT TGTTGCAGAG GTGTCTGTAT 60
TTTGCAGCTG CCCTTTTGTA AGANGCACTT TTCCCAAATA AAACAATTAA A 111

配列番号：6932
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08164
配列：
GATCATTTGA AATNTCTGGG AGTCTGAGGN GTACTGACAT AATNACCTGC TGGAGTCTGT 60
AAATACACAT TTAAGACAGT GAGGATGTGA ATAAATATAT TAATGCAAA 109

配列番号：6933
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08165
配列：
GATCAAATAG AGCCCTGTCC AGGTAGAAAA GAAATGGTAT GTAGAGCTTA GATGTCCCTA 60
TTGTGACAGA GCCATGGTGT GTTTGTNNTA ATAAANCCAA AGAAACATAA A 111

配列番号：6934
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08166
配列：
GATCCCAGCT GTTCTAGGCA GGGCCAGGCA GAGTGGGGCG CAGGCCCTNG AAGGGCGAGA 60
CCCAGTGGCT GGGCTGCCCA GGGCTGAGGG GCCGCCTCTT GAGGGTACAC GCCTCTGGTC 120
ACATGGCCAT GGAGCCTTGG GTACCCCTGA GTTAAGGGAG GACATTTGGC CAGCTGGTGG 180
CTGGGAGGGG AGCCTGGCTG CCCTGCTGCT TCTCCTGCCT AATAAACAGG CTTCTCCTGC 240
AAA 243

配列番号：6935
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08167
配列：
GATCTATTTT NATAGGTTCT TTTTCAGAAG TAAAATTTTG TACATATATA CATGTACATA 60
TCTNTTTAGT TTGGGTTCAT TTCTATAACA TTTTGTAAGA AAATAAAAGT TTGAGCACCT 120
GAAA 124

配列番号：6936
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08168
配列：
GATCAGTTGT ATGTAAATGT ACATTTTTGT NACTTTGGCT GTGCCCGTTA GAATTTATCT 60
TCCATAAAGT ATTTCTCCCA TTGAGTCTAA TGATGTATAC TTTGCCTAGG TCTTTCCAAA 120
ATTAAATTTA TGTAAATGTC TATTTTATAT AAAATATGNT TAAAATAAA 169

配列番号：6937
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08169
配列：
GATCACATTT AGGAGCAAGC AGGTGAGGGC AGAGGTGCTG GAGTGAACGT CGGCTCTTTG 60
GCTGGTAGCC TTACCCACTG AGGGAGAGGA GCTGAAACAT GAAATGGGGA TGCGTGANCA 120
ATGTCTCCCT TTTGCAGAGC TGTATTGACT TGTTCAAGAA TAACTGATAT GCCTTCACTC 180
AGAAGAAAAG AAATGAATGT GAAAGAAAGC CAAGCATCNN TTTGCACTTA AATCANTTAC 240
CACGGAAGNT ATATTTAGCT TCAACTTTAG TTTAAAATTA TGTGAATTAA ATATTTTGAT 300
TTCCCTGGGN NAAA 314

配列番号：6938
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08170
配列：
GATCAAGTGA CTGTTTAATA AATNAGTTGC TTGGGTAGAA TGGAAA 46

配列番号：6939
配列の長さ：21
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08172
配列：
GATCTTGCTG AAAACCAGAA A 21

配列番号：6940
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08173
配列：
GATCAACAAT CATCACCTGC CTTTTGTAGA AAAGAAAAAC AAAAAAAGTA AATAAAAATT 60
TTAAACAGTA AAATAAAAGT TTAAA 85

配列番号：6941
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08174
配列：
GATCACTACT GCAGCAGAAT GGTCTATGTN ATTTTCCTTC TTTGGTTTTT NCCTGACTTA 60
CATTCGTAAT TTTAAGAAAA TTTCTTTACG GGTGGAAGCC AATTTACATG GATTAACCCT 120
CTATGACACT GCACCTTGCC CTATTAACAA TGAACGAACA CGGCTACTTT CCAGAGATAT 180
TTNATGAAAG GATAAAATAT TTCTGTAATG ATTATGATTC TCAGGGATTG GGGNAAGGTT 240
CACAGNAGTT GCTTATTCTN CTCTGTAATT TTAN 274

配列番号：6942
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08175
配列：
GATCTAAGTT GGGCAAAAGA GAGTCATCCT GTTACCTTAA AAAGGAGTCT AGGGTGAGCC 60
CCAGTCTGCT GGTGGCCATC TTCACCACCT TTGGGGAGAG ATGGCCTCNG CAGACACACA 120

AAGCAAAGAG GTGGAGAGAA ACTGTGTCTT TGTGTCATTG TTTGAGTCCC TGGACCCAGC 180
CCAGTCCCCC CGACTACGCT GANCTTTTCA ATTGTGGGGG GCAATAAATT CCATTTAGTT 240
ANGAAA 246

配列番号：6943
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08176
配列：
GATCCACATN ATACCGGTGC TGAAGACCTG CAAGTNATTT TGGAAAAGGG CTGGTGCGGA 60
TGGAAGGGCC CAGATTTTTG GAACAAGGAT GCATACTATA ACTTATGTCT TCCTCAGCGA 120
CCAAATATGA TTTAAAATAT CTTGGAGTCA AAGACTGCAG TAGAGTGGTA TTATAAATTT 180
NTGAATAAAG AATCAGTTTA NTTTTTCACA TTAAA 215

配列番号：6944
配列の長さ：171
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08177
配列：
GATCTGGACA CGAGCAGTCC CTGAGGGGCG GGGTCCCTGG CGTGAGGCCC CCGTNACAGC 60
CCACCCTGGG GTGGGTATTG TGGGCACTGC TGCTCTGCTA GGGAGAAGCC TGTGTGGGGC 120
ACACCTCTTC AAGGGAGCGT GAACTTTATA AATAAATCAG TTCTGTTTAA A 171

配列番号：6945
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08178
配列：
GATCGGCCCC GGAAAAAGTC TGCCCCAGAA ACTCTCACAC TTCCAGACCC TGAGAAAAAA 60
GCCACCCTGA ATTTACCCGG CATGCACTCT TCAGATAAGC CATGTCGGCC CAAATCTGAG 120
TAACTTTATA TAANTATCTC ATGGGGTTTT ATATTTTCAA A 161

配列番号：6946
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08179
配列：
GATCCTTGGG GAAGGTTTCA GTTGCACTGT ATGCTGTTGG ATTTGCCAAG TCTTTGTATA 60
ACATAATCAT GTTTCCAAAG CACTTCTGGT GACACTTGTC ATCCAGTGTT AGTTTGCAGG 120
TAATTTGCTT TCTGAGATAG AATATCTGGC AGAAGTGTGA AACTGTATTG CATGCTGCGG 180
CCTGTGCAAG GAACACTTCC ACATGTGAGT TTTACACAAC AACAAATGAA AATAAATTTT 240

AATTTTATAA A 251

配列番号：6947
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08180
配列：
GATCCCTCTT GGTGTGAGTT TTCTGACCCA ACCAGCCTCT GGTTAGCATC ATTTGTACAT 60
TTAAACCTGT AAATAGTTGT TACAAAGCAA AGAGATTATT TATTTCCATC CAAAGCTCTT 120
TTGAACACCC CCCNCACTTT ANTCCNTNGT TCAGGCCGAT GNGCTTGCTT TCCTTCANCC 180
TGTTTGTTTT CTTATTTAGG NCTATTTATT ANTGGTTGGN CCAATGTACT CACAGCTGTT 240
GCGTCGAGCA GTCCTTNGTG AAANTNCTGT ATAANTN 277

配列番号：6948
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08181
配列：
GATCCAGCTT CAGCTGCACA CCTNTGTCCC CTTGGATGGG GNACTAAGGG NAAACGTCTG 60
TTGTATCACT GAAGTTTTTT GTTTTGTTTC NATACGTGTC TGCATAAAAA TGCCAAAGTT 120
TTTTTTCAAA 130

配列番号：6949
配列の長さ：101
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08182
配列：
GATCACCAAT NNTNNCTTTG AGCCAGCCAA CCAGATGGNG AAATATGACC CTCGCCATGG 60
TAAATACATG GCTTGCTGCC TGTAATACCG TGGTGACGTG N 101

配列番号：6950
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08184
配列：
GATCATGAAG ACCTGCTTTA GCCCCAACAG AGTGATTGGA CTCTCAAGTG ACTTGCAGCA 60
AGTAGGAGGG GCATCAGCTC GCATCCAGGA TGCCCTGAGT ACAGTGTTGC AATATGCAGA 120
GGATGTACTG TCTGGAAAGG TGTCAGCTGA CAATACTGTG GGCCGCTTCC TGATGAGCCT 180
GGTTAACCAA GTACCGAAAA TAGTTCCCGA TGACTTTNAG ACCATGCTCA ACAGCAACAT 240
CAATGACCTT TTGATGGTGA CCTACCTGGC CAACCTCACA CAGTCACAGA TTGCACTCAA 300
TGAN 304

配列番号：6951
配列の長さ：268
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08185
配列：
GATCCTATCT GTNCTGGCAG GACTGGCAGN CATGGTGGGC TACGCCTTGC TCAGNGGCAT 60
TGTCTCCATN CAGNGGGCAA CGCTGCTCGG GCCCCAGGCA CCCGGACCCT GGGCATGGCT 120
GAGGAGGATG AAGAGGAATN ATTTGTCCTC ACGCTCCCAA GACTGGTTTT TNTACTCTNA 180
TGCATTCCAG NGGCCCCCGT GCCTCCTCGT TGTTGGTACA GCCGGACACG GGGTGCTGCC 240
ACCCAGAATA AAGCCACTCA CACTGAAA 268

配列番号：6952
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08186
配列：
GATCCCACCG AAGCAGCGTG TCCTCCGTGG GAGCCCGAGG TGGGTCCCAC CCGCATCTCC 60
TCTTCCACAC CCTCCTGGGA CCCCAGCCCT GGAGAAGTAG CTCTGGCTTG TNTTCTTTTT 120
NATTAAAGAT AATTTATGTA TCGACTAAGA AA 152

配列番号：6953
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08188
配列：
GATCAGTGGG TCTAAGTNTC CGAGACTTAA CGAAAATAGT ATTTCAGCTG CAATAAAGAT 60
TGAGTTTGCA AA 72

配列番号：6954
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08189
配列：
GATCAGCATC CTNCGNTGCC CCTTAGCAAC TNAGGTGGTT GATTTGAAAC TGTGAAGGTG 60
TGATTTTTTC AGGAGCTGGA AGTCTTAGAA AAGCCTNGTA AATGCCTATA TTGTGGGCTT 120
TTAACGTATT TAAGGGACCA CTTAAGACGA GATTAGATGG GCTCTTCTGG ATTTGTNCCT 180
CATTTGTCAC AGGTGTCTTG TGATTGANAA TCATGAGCGA AGTGAAATTG CNTTGANTTT 240-
CAAGGGAATT TAGTATGTNA ATCGTGCCTT NGAAACANGG GGGNAAAAAN ATN 293

配列番号：6955

配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08190
配列：
GATCCTTCAA TAAAAAATCA ATGTGTGAAG GTTCCTAGGC ATAAAAGGAA GTTCAGAAGG 60
NTATGTAGGA AATACTGTTG TCTCTCTGGG GATTGGGATT ACAGGGATTT TTTCCTCTTT 120
NCTTTTTGTT AAGTTTGTGT TTCCTAAAGT TTCTGCAATA AACGTACGAT GCTTGTATAA 180
TAAA 184

配列番号：6956
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08191
配列：
GATCTTGAAT TTCTACATAA CTTTCTCAGT TTATATGCCC TGTGGCAAGT GCAGCAAGCA 60
CTGTTTCCTG TTTCTAAACT TGTAGAAAAT CATCCATACA TCTTACAGTT GTCAGTTTTA 120
ACCAGATAAC AGTGGCACTT TGTTGCTGCT TTTTTATCTT TAGCTTAGGT TAACAGGACC 180
CTGGAAGTAA AGTTGTTGAT TTATTCAATA GAGTATTCTC AATTAATTTG GCTAGATTTC 240
TACATGATTC AAANTCTAAA AANGTAGACA TGCATGCTTA CATGTCTAAG GCCTGAAAAA 300
TTGGNGGGGN CATCCCAAAA TAAATGN 327

配列番号：6957
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08192
配列：
GATCTAAGTG GTGGTATGGA AA 22

配列番号：6958
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08193
配列：
GATCTGTTGA CAATGGAGCA AGTGAAAGAC TTTGCTGCTA ATGTGTATGA AGCTTTTAGT 60
ACCCCTCAGC AACTGGAGAA ATGATTTTCC CTTCAAGAAA AACTACAGTG GGATTCATTT 120
ACTTTTTAAA ATACACTGGG TAAATCACCT ATACTTAGAG TAACAGTTTG TTATCAAAAT 180
GCCTGNTAAA ATATATNCTT AATAAANGTC TTCATTTCAT AAA 223

配列番号：6959
配列の長さ：331
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08194
配列：
GATCTTACTT GCGAAATGCG ATGGTTGCTG GGAATACCTG AAACTGTGGA TTATATTGCT 60
TGACTTCTAC CTCAGAATCT NCTTTGTTTC ATGACTTAAT AGTGCTTTAA GTNNGGTATA 120
TNATTTNACC NCTAGGAATT CTNTGTTTTA CACAGAAATA AAAATTTTAA AATAGAAAAT 180
GCTTTTACTT TGTAAGGTAA GNGAGTATCC ATATGCTTAG ATGTGCTCGT TTCTAAAATN 240
CTAGNGGTTG CTATANTCAG CTCATGGAAT GCACAGCTAT TGCTTTTTGT GNTAGATTGT 300
ACATAAACAT CAGCAGNTGN AAGGGNAAAT N 331

配列番号：6960
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08195
配列：
GATCACCCAG ATGCAGTGAA GCTTTTNACC CGCCAGCTTT TGGAACTCCA TCAGGGACAA 60
GGCCTAGATA TTTACTGGAG GGCTAATTAC ACTTGTCCCA CTGAAGAAGA ATATAAAGCT 120
ATGGTGCTGC AGAAAACAGG TGGACTGTTT GGATTAGCAG TAGGTCTCAT GCAGTTGTTC 180
TCTGATTACA AAGAAGNTTT AAAACCGCAA A 211

配列番号：6961
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08196
配列：
GATCATTGTA GATGAACTGA AGCAAGAAGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGANCCNCC 60
CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGTCTGNTGA TGGCCAGACT CTGTTTGCTG GCTACACGGA 120
CAACCTGGTG CGAGTGTGGC AGGTGACCAT TGGCACACGC TCGAAGTTTN TGGCAGAGCT 180
TTNCAACTAA ANAANAANCT GGCATAAA 208

配列番号：6962
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08197
配列：
GATCCCAGCC CCTAGGTGGG CAGAGGCAGA CCCTCCCCAG AGCTCCTTAG GAAGAAGACA 60
GACTGGTTCA TTGAATGCCG CCTTATTTAT TTCTGGTGAG GATGCATGCG TGGGGCTGCT 120
GGTGTTTAGA GTGGGGGCTA CCCTTNTAAA TCACTGCTAC TCAAA 165

配列番号：6963
配列の長さ：280
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08198
配列：
GATCACTCTN GGTCAGCTNC TCTTTCTTTA TCTNTCTTTC TCCTTTTTTA AGAAAACGAG 60
TTAAGTTTAA CAGTTTTGCA TTACAGGCTT GTGATTCATG CTTACTGTAA AGTGGAAGTT 120
GANCTTATTT TAAAACTTCA AGCTCAGTAA TTTTGAACAC TGNAACATTC ATCTAGGNCA 180
TAATAACAAA GTTCAGTATT GACCATAACT GTTAAAACAA TTTTAAGCTT TCCTCAAGTT 240
AGTTNTGTTG TAGGNGTGTA CCTAAGCAGG TAAGCGTANA 280

配列番号：6964
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08199
配列：
GATCCATATA TGTGTGCATG TCATGAAATA AAAGNATCAC ACANCACAAA A 51

配列番号：6965
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08200
配列：
GATCTTGGAG CTTCCCTGTA GCCCACCTTC CCCGTGCTTC ATGTTTGTAG AGGAACCTTG 60
TGCCGGCCAG GCCCAGTTTC CTTGTGTGAT ACACTAATGT ATTTGCTTTT TTTGGAAATA 120
GAGAAAATCA ATAAATTGCT AGTGTTTCTT TGAAA 155

配列番号：6966
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08201
配列：
GATCCAGCAT TGGGGCCACT ACACTCCAGC CTGGACCACG GAGCGAGACT GTCTCAAA 58

配列番号：6967
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08202
配列：
GATCAGGCTT CAGGATAGCC CAGCACTGAG GACATCTAAA ACAGTCTTCA TTTATTTATT 60
TATTGTTCAT AGTGTCCAAA AGTTGGAATT AAAGTGAATG GCTGAATCAA A 111

配列番号：6968

配列の長さ：39
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08203
配列：
GATCATGACA AAGAAGATTA AAATTTCATT AGCATGAAA 39

配列番号：6969
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08204
配列：
GATCAATTGT ACCCCATACC TCAGCATCAT GCAATATAAC CATTAAGAGA CCTGCACATG 60
TATTCCCTGA ATTTAAAATA AAAGTTGAAA 90

配列番号：6970
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08205
配列：
GATCATTGCA GTCTCTGGCT TTTTNACTCC AGGCGGGCTC CGTGCCCTCC GGGGCCTCTT 60
CTTCCTTGTN AGGCCAGTGG GAGCCACAGA GGCCTCATTG GCTTCCTATG AATATNAAAT 120
GGGATTCTCT GTGGGGGAAG CTTCCATAAG GCAGGAAGGG GTCCCCGGTT GTTGGCTATN 180
AGTGTTATTT NCTTTTAAAT CATCTGTGCT CCTTCAAAGA CGACGTAAGA AGCTTGTGCC 240
CTGGCGTTGC AGAAATCTCT GGCTGTAGGG ATTAAACCTA CATGTCTTCC TGATGGGGTG 300
GTGAGGACGT AAACN 315

配列番号：6971
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08206
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCACGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC CCTTCTCTAC 60
TGAAAATACA AAAATTAGCC AGGTGTGGTG GCGCATACCT GTAGTCCCAG CTACTTGGGA 120
GGCTGNGGCA GGNGAATCAC TTGAACTCGG GAGGCGAAGG TTGCAGTGAG CCGAGATTTC 180
ACCAGTGCAC TCCAGCCTGG GTGACAGAGC AAGACTCCAT CTCAAAAAAA ANNTAATTAN 240
AAAAAATTGC AGCTGCNGGA AA 262

配列番号：6972
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08207
配列：
GATCTTGCAG GTCTAGTATT TNAATAATGC ACTATTACCC AGGGCAGNTA TTATGAGAAA 60
CTGTTTCTNC TCTAAGGGTT TATGGCAGAC TTTGCTTTTT NAACATGTGA GANATGAN 118

配列番号：6973
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08208
配列：
GATCTGAGTA TTCCCCAAGG GCACTCAGCC ACAGGGNTGA ACTAGTGTTT GTTTGTATCC 60
TTGCAGTTAT GTGACTTAAA GTGACTCAGA GATATCTATG TATGCNNGTG TACTCCGCTG 120
GCAATGAAGT AAATATATCA ATTTGTGGNA AA 152

配列番号：6974
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08209
配列：
GATCCTCCTG CTTTGGCCTC CCAAAATGCT GGGNTTATAG GCATGAGCCG CTGCACTTGG 60
CCTGNTACTG ATTTTAATNN CTTGCGTTAT CACATAGTGT TGTATTTGAA ACATAGTTCA 120
TGGTTTTATC AAAGAACTGA AGNTGAGAAT ACTGGTCATC TAACTTTGTA ATTTGATTTG 180
ATTATACTGT AAAGTTTGAC AGTCTCATTT TATCACTGCG TTTGTATCTA TNACTAAANT 240
GTATTTNTTG ACCTCTTACT GATTCATTGT TGGTNTGTNC AAACTGTTGA CTNGNTN 297

配列番号：6975
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08210
配列：
GATCCTGTCA CCCAGGTAGT GAGTATAGCA CCCAGTGAAA CTGTAGTCTC ATNCCAGGCA 60
CTGTGCTAGC CCACTCTGGG TCATTTAATC CTCTCCTAAG AAGAGAGGAG ACACAGCGTC 120
CCCATTTGAC AGATGCAGAA AGAGGTTCCA CAGGTGTGCN TTGATTCTNT CCTAAAACCG 180
TTTCCCGGAA GCTTTTCCTG GTGTGGGCGC TTCTAACCTA ATCCTCAATC GNTTCCAGNA 240
CTATTACTCT GTTTCCACAG TGNTACTGTG TCTAGGTTTT ANGGGCGGCA AGTTCNATTT 300
N 301

配列番号：6976
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08211

配列：
GATCCTTCCG ACTTGGCCTC CCAAAGTGTT GGGATTACAG GCATTAGCTA CCACACCTGN 60
CCAAGGCCCA GGTTTCGACA GAAAGGGAGA GAAAACCTGC CAGAGATGCC ATTTCGGAGC 120
CACTCTGCTT GGCAGGGACC TGTGTTCCCC TCATGCAGGT TCATCCTTAG AGGGCTGCGG 180
TCTTATCTGG TTGTGCAAAA GTCCCACAAC CTTTCTGGAT TGATAGTTTG TGGTGAANNT 240
AAACAATTTT AGTTTGTTTG GAAA 264

配列番号：6977
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08212
配列：
GATCAGAACT ACAATTACAA CCAGCATGCG TATCCCACTG CCTATGGTGG GAAGTACTCA 60
GTCAAGACCC CTGCAAAGGG GGGAGTCTCA CCTTCTTCCT CGGCTTCCCG GGTGCAACCT 120
GGCCTGATGN AGTGGGTGAA GTTTTGGTAG GCAATTTCTT GCAACCACCA CCGNGGCCCC 180
GNAAAGCACT GGTCGTNAGG GAGCTCCTNN CCTTGGCCCN CACGCCTGTG CCAGCCCTGG 240
NCCCGNCTGC CACACCTCTG TTTCCTANGG CTGGGGACNC AGATTGTNTC TCCTTNTTTC 300
TTNCNACTGC AATGTGCN 318

配列番号：6978
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08213
配列：
GATCATNCTG CCCCATNTCC ACGCACCCAA AACCAGCCCT CTCGCTTCTA ACACAGGGCA 60
CCTGCTGGGG CTCAGGGATG TTAGGGACGA GTTCCAGNCC TGCCACTNCC CTNGGGCGAC 120
CCCTCNCTGT CCCTGCCTCC CTGCTCTGCC GCCCCTNTTN CTGGAN 166

配列番号：6979
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08214
配列：
GATCCGATAC AGATTACATT TCTTGCCAGA GAGTGTTGCT GTTGTTTCTT TAGGTAAGTG 60
TGTATTGGTG ATTCCATAAT AAAAGCAGTA ACAATAACTA CCAAA 105

配列番号：6980
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08215
配列：

GATCAGATAC ATGAACATGT CTTACATGGG TTGCTGTATT TAGAATTATA AACATTTTTC 60
ATTATTGGAA AGTGTAACGN GGACCTTCTG CATACCTGTT TAGAACCAAA ACCACCATGA 120
CACAGTTTTT ATAGTGTCTG TATATTTGTN ATGCAATGGT CTTGTAAAGG TTTTTAATGN 180
AAACTACCAT TAGCCAGTCT TTCTTACTGA CANTAAATTA TTAATAAANT AAA 233

配列番号：6981
配列の長さ：72
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08216
配列：
GATCTTTCCA GAGGTCCATG GTGGAAGACG ATAACCCTGT GAAATACTTT ATAAAATNTC 60
TTAATGTTCA AA 72

配列番号：6982
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08217
配列：
GATCACCCAT CTGTGTGCTT CCATCCTGCA TTAAAATTCA CTCAGTGTGG CCCAGAAA 58

配列番号：6983
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08218
配列：
GATCTCCAAC AGCCAGTGTG TGTTTCCCAT CTCTTGTAGG TTCCATCAAT GGTGAGCACC 60
AGCCTGAATG CAGAAGCGCT CCAGTATCTC CAAGGGTACC TTCAGGCAGC CAGTGTGACA 120
CTGCTTTAAA CTGCATTTTT CTAATGGGCT AAACCCAGAT GGTTTCCTAG GAAATCACAG 180
GCTTCTGAGC ACAGCTGCAT TAAANCAAAG GAAGTTCTCC TTTTGAACTT GTCACGGATT 240
CCATCTTGTA AAGGATATTA AATGTTGCTT TAACCTGAAA 280

配列番号：6984
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08219
配列：
GATCCAGAGA CTCGTGCTGT CTCTTTGTCC CTTTCCTGAT GGTGTTACTT CGATTAACTA 60
CTTCAGCTTG GTGTAAAAAT TGCCAAAGCA GTTGCCTGCC ACAACTTTGT AAAAGCCAAA 120
AAGGAGGTTG AAAATTCACA GGCTGCCCGA AAAAAGANGA AACTTGCATG GGGGTTTGAA 180
GCAAAGNNGN GATGGGAAAC CNAAAGCAAC ATGGGNTACA TGTAACTTGC CAGAGTGCTT 240
CAAGACATTT GTAGCCTCAA ATGCTCAAAT TTANTGNGAA TGTTTTCCTG CCTATGTTCA 300

TATGTCAGGT N 311

配列番号：6985
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08220
配列：
GATCTGATGG TTTTATAAAG GGGNGTTCTG CTGCATACAC TCTGTCTTGC CTGCTGNCAT 60
GCAAGATGTG ACTTAGCTCC TCCTTTACCT TCCACCATGN TTGTNAGGCC TCCCCAGCCA 120
TGTGGAACTG TGAGTTGANT AAACCTCTTT CCTTTATAAA 160

配列番号：6986
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08221
配列：
GATCAAAAGA TAACTGCTTA TNATAGTAAG ATAACCTTGG AACAGAACTG TGATTAAAAA 60
CCTGAATAAT AAAAAACACA CAAGACCCAT TAAAACCTAT TCCTCACTTT TTAAA 115

配列番号：6987
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08222
配列：
GATCCAGTTG GATATAGTAA CCACTGCCGA CTTNCTGGAT GTGCTAACTC ACACCAAGCC 60
CTCCGNAAAG AATCTGGCTC AGAGATACTC AGACTGGCAA AGAGAATTCG AGTCTGTCTG 120
AAACCACATT TACCCTGACC TGGCCACAAA GGCAACCACA AAGACCTCCT AGTTTATTAN 180
NGNNCGTGGG AGAACAAAAT GATTGGAATG GAAAAGAGAA AATTATTTTT GANGACTGGA 240
TTAACTTGAG CCACTGTATT GTTTTGGNTA GCTGAGATAT ATTTNTTAAC TTTACCATTA 300
TCGATGTCAG CAAAATATTG AGAGTTTCTT N 331

配列番号：6988
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08223
配列：
GATCTACTCC CAGTTTTTAA CTTTTNACAG AATATTGTTG CTTTCCTACA ACAATGTACA 60
TATATTTNCA GTTGTATATG CTTTTTTTTT TNCCAAATAA AGTTTGAGTT CTAAACTCAA 120
A 121

配列番号：6989

配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08224
配列：
GATCCTTCCC TGGCTCTCAC CTGCTCCTTT AGGCTGTAAT TGCTTCCTAC ACACGAAGCC 60
TCTGATTGGA GCCTCTGGTN CATCTCAGAA AAACCTTCCA AGAGCGCTGG GGTTTATGCT 120
TTCTGAATAA ACACTACTGT TTACATGGAA A 151

配列番号：6990
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08225
配列：
GATCTCCATA ATTTTAAGAT ACTCTATGTT AAACTATTTT TNAAGTNCTC TTTTTACATC 60
ACGTCTGAAA TGCACGAGNG TGGCGGTTTC TGTTTCACTG GTTTNNTTGT TCATTTTTN 119

配列番号：6991
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08226
配列：
GATCCCGGGC CGTTATCCAT CTGGAGGCTG CAGGGTCCTT GGGGTAACAG GGACCACAGA 60
CCCCTCACCA CTCACAGATT CCTCACACTG GGGAAATAAA GCCATTTCAG AGGAAA 116

配列番号：6992
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08227
配列：
GATCCGCTGG GACAGAGTGC CCACCGTCGT GTCTTTNATA TCTCTGTAAT AACCCACAGT 60
TAAAAAGGGC AGGAAAAGGC ATCAGGGTAC CATGTTATCA GGCAAGTTCT TACATTCTAA 120
GAAAATTCCT AGCTTTGTTG GGTGAGGCAA GTTTTTAAAN GAANAATGTC ACTTCCCCAT 180
TTGATAANGA TTTCGTTATC ANTTAAA 207

配列番号：6993
配列の長さ：325
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08228
配列：
GATCCTGATT GTAAGGTTTT CCACCTATTT CCCTGGATAT TTTNNTGGTC AGTACTGGCT 60

CTGGTGGGTG TTCCTTGTTT TAGGCTTTCT CCTGTTTCTN AGAGGATTTA TCAATTATGC 120
AAAAGTTCGG AAGATGCCAG AAACTTTCTC AAATCTCCCC AGGACCAGAG TTCTCTTTAT 180
TTATTAAAGA TGTTTTCTGG CAAAGGCCTT CCTGCATTTA TGAATTNTGG TCTCAAGCAG 240
CAAGNGAACA CCTGCAGGAN GTGAATCAAG CTGCAGAACA CAGAGGNNTA CTCACCTGCT 300
TTAAAAAAAT ANAGTACTGT TGATN 325

配列番号：6994
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08229
配列：
GATCCCTCGG GNNTTAANTA CANGAAACCT AGAACTGACC AAAAGGCATT ATAACTCTGA 60
CTCAAATACA AGGTACAGAA GATAAGCATC TTTGAGGAAA CTCCTACTTC AGTTCTTTTG 120
TTATNATGNN 130

配列番号：6995
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08230
配列：
GATCATATAA CATTCCAGGT ACTCAGGATG AATGGTTTGA GGACTGGTCT GAATTCTTCA 60
AAGGTTTCAG CTGTATTAAC ATTCTCCATC TAATAAACTT TATCTTGTCA TTGAAA 116

配列番号：6996
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08232
配列：
GATCAGCAAA TAAATGAAAT TTATTAAAAG AAA 33

配列番号：6997
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08233
配列：
GATCTTTAGG CAGTTTTTAC TTGGCCAGAA AGCAGTGCTG AATACTTGNA ACTGTGTGCT 60
CTGTTCTACT TAATGTTCTG TCAGAATGTT CTTTTGTAGG CAGTATGTCA TGNTGTAATC 120
ATCTATCTCC TNGTCTGTTT CCAAGTTNNN CTGTGAAGTC TGCGACCCTT TTGNGGTGGT 180
CATCANAGTC ACAGATTCCT TGTTTAACCA NGTGTCCCNA AGCATGTACC TGNAGTTATA 240
TCATNN 246

配列番号：6998
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08234
配列：
GATCATTATG CAATAAAGCT GCTAAAGTCA CATTTGTGGT TGATACTCAA GCCTTGTACA 60
AGCACATATC ATGTAGACAT TTTTAAATGT GAAGCTTTAA CAGGNATAGG ATAGCTGTTT 120
CAAACCTTGT GCAATTGTAA ATAANTTGTT TAGCTGTGTT TCTTTCATTT TTAATANAAA 180
NTTAAA 186

配列番号：6999
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08235
配列：
GATCTTCATA TTAATCTTAA AATTTTGTGA CGTGTCTTTT TCCTTTTTTT CCACAGTTTT 60
AATATATNAT TCTTCAACGA CATTTTTTGT AACTTTACAC TTTTTTGGTT ATNTTATTTT 120
AAAAAAATGA AAAATTAATT TAAAAAAATG CAAA 154

配列番号：7000
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08236
配列：
GATCTGGTAC GNGGNGGACG NCATGGCCCG AGATGCCCAC GGGAACACAG CGCTGACCTA 60
CGCCCGNCAG GCCTCCAGCC AGGAGTGCAT CAACGTGCTT CTGCAGTACG GCTGCCCCGA 120
CGAGTGCGTG TAGTATCTGT TTTATTTNNC TGNAGTCTCC TTGGTGTAAA AACAAAATNG 180
GNAAAATAAG GATAN 195

配列番号：7001
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08237
配列：
GATCAGGCCC TAAAACGTTG TTGTGATGAG GTTTCTTTAG CAAGTTCTTG TTTAAATTAT 60
CATTTATTTG ATGAGTGAAG TTTTTAACAT GCTTTGCTGT GTGAAATTTA AAAAAGGGAT 120
GTTTTTCCAG GCTGGAACAA TAAATGTGGC TGTGCAGTTT AAA 163

配列番号：7002
配列の長さ：127
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08238
配列：
GATCTTTGTG AAAGTAGTAC AGTATATNAC CTTTAATTNC TTTTTTATTT TAAATATACT 60
GTNACCNTGA AGCACTGGTT GGGCATTTTA ATTCATGTTA ATAAATCACA ATTATGTCAG 120
TTTTAAA 127

配列番号：7003
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08239
配列：
GATCAGCCTC CTGTCTTATG TGGGCACGTT CCAAAGTTTA AATGCATTTT TTTGACTCTT 60
GGCCAAAATT TAGAAGATGC TGTGAATATC ATTTTGAACT TGTGTAAATA CATGAAAGAG 120
AAA 123

配列番号：7004
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08240
配列：
GATCTCAGCA TTACCTCTTT GGNAAAGGAA GGTAGTTCAA GAAATGAAGA GCTGTTGATG 60
GGATGATTGA AGAAACAGCT ATGAGAGGAT TGGCTCCCAT CTTTTGTNAC TCTTGGGNCA 120
TCCTGTCATC TGAGAATGAA CAAAGACCAA TTTTTTGTGT GTGAAGCTTA AGGGTCATAT 180
GTTTGCTTGT NTTTNTNAAT GCTAATCCTT GTGAAANTAA ATTGNCCAGG CGGAAGGAAA 240
NCTCTATTTT AGGATNCAAA 260

配列番号：7005
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08241
配列：
GATCTGTATT TNTATATACA CGTGTCCGNA CAAGTATAAC TAAATAAAAA TTAAAGNTTT 60
TAATCATTTT AATTGGAAA 79

配列番号：7006
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08242
配列：
GATCATATTT CTGCCAAGNA TGTGCCTTCA ACTTTATAAT TATAGTGTTG TAAAATAAA 59

配列番号：7007
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08243
配列：
GATCTCACTT TTNCTTATTA GAATTTGTAC CTTTGTTTGA TTAAGGAAAT AAAAGATGAA 60
TGACAAA 67

配列番号：7008
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08244
配列：
GATCAGTCTC TCAGTGCCTN CCTACTGGGC AGCTCATCTG TCCACTTATT CGTATTAAAT 60
TTNCTTTTTA TTTAAA 76

配列番号：7009
配列の長さ：162
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08245
配列：
GATCCACATC CCANATGCTG AACCAGAGAG CCCCTCATCC CTCCTCCCAG TACTTAGGCA 60
GCGCCTTCTG TGTGCACTGC CTCTTGCCGG GCACTGGGTA GGTGCACACG NGGACCGGGA 120
CAGGGCCAGA NACTTTGGTN CCCGNGGTTT GTNTGNGGGG NN 162

配列番号：7010
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08246
配列：
GATCGATTAA GTCTAGGAGT TTNAGACTTG CCTGGGCTTA GCAAGACCCT GTGGCAAA 58

配列番号：7011
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08247
配列：
GATCCTTGAG TCTCCNCTCT GGATGGAATC CGCGAGCTGG CCACCTGGCC ACCCTCTACA 60
CGACTCCACC CNNCCATGGC CGTGGGGCCC TTACTCTCTG ACTTCTCAGG ACACAGGTCA 120

TGGAGGTTCT TCCCAAGCTG GCAGAGGCCA TTTGTGGAAA GTGGAGAGCT ACGTGGTGGN 180
CATCTGCCAA CTCCAGCATC TCTGGNGGGG NTCCACGNTG AATGTNATTT TTGAAAACAG 240
CTTATGTANT TAAAGGTTGA ATGGCACATC ATAAA 275

配列番号：7012
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08248
配列：
GATCAAGACC ACCCTGGCTA ACACGGTGAA ACCCTGTCTC TACTAAAAAT ACAAAAANTT 60
AGCCGGGCAT GGTGGCACAC GCCTGTACAT CCCAGCTACT CANGGNGGCT NGTGGCATGG 120
NGNN 124

配列番号：7013
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08249
配列：
GATCANGAGC CCTTTTNCTC CAGTAGTACA GGCTTTGAAA ACTACTTCTA TTAAGTTATT 60
GATGCAATTT GATATTTTTT CATAATCTAT ATTTAAACAA AATTACATCA TTGCATCATC 120
TTTTCTAAAT TCATCTCCAT TAAAACTTGC CTTAAGCTAC CAGNTTGCTT TTGCCANNGN 180
NGGCCATACT GTGTGTTTGT TTGTTTAATN NNCTN 215

配列番号：7014
配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08250
配列：
GATCTCTCAG GGATAGAAGA TATTTCTCAT GAAGGCAGCC TAACTCTGAG GAAAACAATG 60
CCAATTCAAG TACAGATTTC AACACATCTT CAACACTATG TGAAGGGTTC ACATCTTAAC 120
CTGTGCAATT CAGATTGATA CTCAGAATAT GGGTTGATTT GAATATCTGA AATATCAATG 180
GAAAATCCCA CTNNGTTTTT GATGAACAGT TTGAACAGTT TTCTGTAATC AAGCAGCTTG 240
CATAGAAATT GTATGATGAA ATTTTNCGNN GGTTCTTGGT GCTGTTTTGT TCTTTTTTTG 300
TTTTTTGTTG TTTTGTTATT TACTTATATA CATATAANCT TTTNTTGAAA ATATGTTTTG 360
GTTACTAANA GTN 373

配列番号：7015
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08251
配列：

GATCCCAACC TGGACCCACT CATGAACCCT CACATCCGCG TGGGCCCCTC CTNAGCCCCN 60
TTGCTTGTGG CTAGGCCAGC CTAGGATGTG GNTTCTGTGG AGGAGAGGCG GGGTAATGGG 120
GAGGCTGAGG GCACCTNTNC ACTGCCCCTC TNCNTCAAGC CTAAGNCACT AAGACCCCAG 180
ACCNAAAGCC AAGTCCACCA GAGTGGCTGC AGGNCAGGN 219

配列番号：7016
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08252
配列：
GATCGCTTGA ACCCATAAGC TGGAGACCAG CCTGTGCACA TGGTGAGACC CTGTCCCTAC 60
CAAAAAAAAT AAAGTCATTA GAGTTTTTAA A 91

配列番号：7017
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08253
配列：
GATCTGATGG TNTTATAAGG GGCTTCCCCC TTCACTCAGC TCTCATTNTT CTCTCTCCTG 60
CCACCATGTA AAGAAGGATG TGTTTGGTTT CCCTTCCATC ACGATTGTAA GTTTCCTGAG 120
GCCTCCTAAG CCATGTGGAA CTGTGAGTCA NTTAAATCTC TTTACTNTAT NNNGNN 176

配列番号：7018
配列の長さ：174
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08254
配列：
GATCATCACT TACCCACCCC CCAAGTTCAA GACCAAATCT TCCAGCTGCC CNNTTCGTGT 60
TTCCCTGTGT TTGCTGTAGC TGGGCATGTC TCCAGGAACC AAGAAGCCCT CAGCCTGGTG 120
TAGTCTCCCT GACCCTTNTN AATTCCTTAA GTCTAAAGAT GATGAACTTC TAAA 174

配列番号：7019
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08255
配列：
GATCCTCCCT TTCCTATAGN GNTAAAAGTG ATTTATCTTG GCAAA 45

配列番号：7020
配列の長さ：109
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08256
配列：
GATCATGTGA TGTTGGAGTA GGAGGGTTTA TNTTGGTGAC TTTGGGATGC TGGTTTCATT 60
GTAGGTATAA TNATGNGGNG CAAAGAATCC AGGNAAGAAT TGCCAGAGN 109

配列番号：7021
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08257
配列：
GATCCCACTG AGGCCAGAGA ATAGGGTCTG GAGACAAAGG AGCATTCACT TCAGCCTCTG 60
ACTGGTGGCA GGCCAAGTNT TTATTTACAT AGGGTGTAAC CAAATAGGAA ACCTCTAAAG 120
GGTACTTAAA CCCCAGATTT TNTACACAGG GCACTTGCTT GAGCCTCATC CCGCTTTCTG 180
GAATGTACTT TTGCTTCAAT AAATCTGTGC TTTTGTTCCT TCAAA 225

配列番号：7022
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08258
配列：
GATCTGGAGG GCGTGGCTAC AGGACCCGGG ATGCCATTCA GTTACTCATC TTTNATGCTT 60
TCGTCCTGAC CTGTCTCAAC TAGACTTGCT CCTGCAACCA CCATGGGGGT TTTGCATTTA 120
CATTTGTGGA CCATGTTACA GTTAAGAAAA ATCCTGTTTC AGTCCTTATA TGTAATAAAA 180
TGTTTTATGA TGTAAA 196

配列番号：7023
配列の長さ：170
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08259
配列：
GATCTNTCCT CCGCTTGAGA AGACCATGGA ACTGGATAGC TCACTTCCGG AATACAACAT 60
GTTTCCCCGC AAAGGCCGGG GNCTCCCTAG NTCAAATTTC CAATCTCATN AGCAGGTGNT 120
AGAAAGGTNT TGTGGTAGCA ACTNCATGAT TTCTCTGTGA CCAAAATNAN 170

配列番号：7024
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08260
配列：
GATCAAATGT AAATNTTTTG AGGATATTTT NCTTGTTTTT NAAAATCAAT TTTTAACCAA 60

ATATTAAACC CTTTATTTGC CAAA 84

配列番号：7025
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08261
配列：
GATCCACCAC TGGNCTCTCC CTCCCCCAGC CTGGAGCACG GGAGGGGAGG TGACGGCTGG 60
TGACTGATGG ATGGGTAGTG GGCTGAGAAG AGGGGACTAG GAAGGGCTAT TCCAGGCTCA 120
GCCCTGCTAC TGCAGCTTTG CCGCTGAGTG TAGGAAAAAC AGGCATGACA GACCAGGGTG 180
AGGGTTGTGC CCAGCTGGGC CACGGCCATG CGTGGGGTGG CCCAATAAAC ACCGTGGACT 240
CCCAAA 246

配列番号：7026
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08262
配列：
GATCAGTCTT TATNAATAAA ACCTGTTCTC TTTAATCAGC TTAAA 45

配列番号：7027
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08263
配列：
GATCAGACTG NTAACCTTAA CACCATAGGT GCAAAANGAG TTGTTCTNAG GTTTTTTTGA 60
AACATTAAAG TTCCAAAACA TGACATTTTT AAGAATAAAT TTGAAATAGN GTATGATTGA 120
ATGCAGAGNA TTATGTACCT CTAATTGCTT AATTTTGTAG NGGTCTTTNA TTGTAGAATT 180
GGNNCN 186

配列番号：7028
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08264
配列：
GATCTCTTGG TAACAATTGA CATTGCACTA GNATTTGAAT GNTACTGTTG TTGGCATTTC 60
TGTTANTCTT TCAAGTAGTT GTAAATAATC TCTTTTTCTC ATATAAACGG AATGCATAAT 120
GTCTTACTCT TGAGTCATTT AGTAGCATTG ATATGGTACC AAGTTGTATA GCAGTGTAAC 180
AAAATCATGC TTTGACAATG NAATTTACAT ATTGCCTCAC CTAGAGATGT TTTGTCTGTA 240
TGACTNNTNN CNTTNTAAAG TTNGNCNAAC N 271

配列番号：7029
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08265
配列：
GATCAAATCA GGGTAATTGG GTATCCATCA CCTCAAACAT TTACCATTTC TTTGTGTTGG 60
GAACATTCCA TATCTTTTTT TCTAGCTGTT CTGAAATTTG CTATACGTTC TTTTAACTAA 120
AGGTCCCTTG CTGTGTTATG GAACACTGGA ATTTGTTCCT TCTGTTTAAC TGTATTTTTG 180
TACCTATTAA CCAACTTCTC TTTATCCTCC CCCGTCCTCT ACCCTTCCCC AGCCTGTGGG 240
AATCACCCAT NCTACTCTCT GCCTTTATGA GATTTACTTN TTTNATCTCC CNATATAANA 300
N 301

配列番号：7030
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08266
配列：
GATCGTAGAA ACACAGAATG GGACTGGGGA AGCCCTTTGG AAATCCAGCT GCAGAAACAG 60
ACACCCCAAT GCTATTTACA TACAGCTCTA TATATATAAA AAAAGNAAAT ATGNAAA 117

配列番号：7031
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08267
配列：
GATCTCACCA GGGCCCAGTC ATATATGCAC AGTTAGACCA CTCCGGCGGA CATCACAGTG 60
ACAAGATTAA CAAGTCAGAG TCTGTGGTGT ATGCGGATAT CCGAAAGANT TAAGNGAATA 120
CCTAGAACAT ATCCTCAGCA AGAAACAAAA CCAAACTGGA CTCTCGTGCA GAAAATGTAG 180
CCCNTTACCA CATGTAGCCT TGGNGACCCA GGCAAGGACA AGTACACGTG TACTCACAGA 240
GGGAGNGNAA GNTGTGTACA AAGGNTATGT ATAANTNTTC TNTTTAGTCA TCCTATN 297

配列番号：7032
配列の長さ：58
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08268
配列：
GATCCTGGGG ACTCATATTC TTTCAGAATC ATGTAAATAA ATGGCATCAT GTTGTAAA 58

配列番号：7033
配列の長さ：103
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08269
配列：
GATCTATTTG GCCTCTCAAA TNAACTNAGA TTCCTGTTAA AAAAGATTGA TGTTATTGTC 60
TCTTGTAGAG GAAACTAATA AAGTGTGTGT ACCTNTGTGN AAA 103

配列番号：7034
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08270
配列：
GATCAAGAGT NATGGGCCTT GGAGCCCTTG CCAGCCCAGC CCACCTGTNA GGAGGCTGCC 60
CATCCCCTCT TTNAGGCCAC CCTGTGTCCT CTCCCCTGCC TCTGCCCAGA GCTCCAGCCG 120
GAGTGTCTTG CTGCTCAGAC CCCTCCGAGG TCCAAGTCCT GTCCTGCCAC TCAGCTCCCN 180
CTGCACCCCA GAAGAAACGC AGGGTGCGGT TGCATTTGAT TTCAGATAAA CAACAACTTC 240
TTAGTAAAAT NACCTNCCCA CTAAA 265

配列番号：7035
配列の長さ：46
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08271
配列：
GATCAATCTT GANGTGAAAT ATTTCCAAAA TAAAATTCTA CAGAAA 46

配列番号：7036
配列の長さ：254
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08272
配列：
GATCTTTGCA TAGAATGTCA AGCTAACCAG GCGTCCGNTA CTTCAGAAGA GTGTACTGTC 60
GCATGGGGAG TCTGTAACCA TGCTTTTNAC TTCCACTGCA TCTCTCGCTG GCTCAAAACA 120
CGACAGGTGT GTCCATTGGA CANCAGAGAG TGGGAATTCC AAAAGTATGG GCACTAGGAA 180
AAGNCTTCTT CCATCAGGNG TTAATTGTTT TGTTATTCAT TTAATGGCTT TCCCTGCTGT 240
TACCTAATTA CATN 254

配列番号：7037
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08273
配列：
GATCATTGAG AAAGTGTTTG AAACTTTCTC ATGAAGTGTA TATATAATGG CGTGAAAAAT 60

TCCTTTGGAA AAATNTATGT NCCTTTCATT TTGCCCAAAT TGCAAATTTT CAGCATGGNT 120
GTGAAAAGCA TTAAAATTAT AACTTTGTGT ACANGATGAA AATAATTCAC TAAATTTGCC 180
CTTTTTTACA CAAAATAAAA TGTTAANGTT ANNGCTGGNA AA 222

配列番号：7038
配列の長さ：32
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08274
配列：
GATCAAATGA CANTAAATCA TTCAAAATCA AA 32

配列番号：7039
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08275
配列：
GATCACCCAG GTACANCATG CTCTATATCC ATGCGGCCCT AGAAACCCAA GGAACATATA 60
CAACCACTCT TGTGTCCCTC CTTATAACCN CAGNTTTATN CNAGAAGTN 109

配列番号：7040
配列の長さ：301
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08276
配列：
GATCACAAAT TGGTGCATTC TTAACTGTGG ATAATTATGT ATGAAGCCAA ATTGTAATAA 60
AACTGTTATT TGCCAAACAT AGAANCCTTG CTTCGTGACT AGGCTGAGCC CAGAGTGTTA 120
TTCTCTTCTT CTGCCTGTNA TGTATCTGGG CAATTTGTAG GGCCTTTGCA GGTGAATCCA 180
GTAGAGAACC ATGCTAAGAN TGNGCAGCAG TCATGCATGC CTGTATCATT GAAAGCCTTC 240
CTNGCCATTT TNNCAGCTTC ACCTTNCGTG GTTTTTATTT TTTCCAGAGG GGGCCTGGGG 300
N 301

配列番号：7041
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08277
配列：
GATCCTCCTC CCTAAGCGCT TATCTTGGTG CTTCCAGCTC AGTCTGGCCA ATTCCACCTC 60
TATGAGATAA GGAGGGTTCA GAGAACCCAG TCACTTTGCT GTTTTTCTGC NCACAGAGTT 120
TCTCTAATAA ATCTTATTCT ATGTCTACAA A 151

配列番号：7042

配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08278
配列：
GATCACATTG TTTGACCCAG TATGTCTTGT AGACACGTTA GTTATAATCA CCTTGTATCT 60
CTAAATATGG TGTGATATGA ACCAGTCCAT TCACATTGGA AAAACTGATG GTTTTAAATA 120
ANCTAATTCA CTAATAAA 138

配列番号：7043
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08279
配列：
GATCTGTCAA CAGGTTAAGT CAATCTGGGG CTTCCACTGC CTGCATTCCA GTCCCCAGAG 60
CTTGGTGGTC CCGAAACGGG AAGTNCATAT TGGGGCATGG TGGCCTCCGT GAGCAAATNG 120
TGTCTTGGGC AATCTNAGGC CAGGNCAGAT GTTGCCCCAC CCACTGGAGA TGGTGCTGAG 180
GGAGGTGGGT GGGGCCTTCT GGGAAGGTGA GTGGAGAGGG GCACCTGCCC CCCGCCCTCC 240
CCATCCCCTA CTCCCACTGN TCAGCGCGGG NCATTANAAG GGTGCCANAN ATTTTTTTNN 300

配列番号：7044
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08280
配列：
GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTGTTC ATAAATTGAC AATGTCACTA 60
AATAGAAATA AAGTGCACAN TAAATGNAAA 90

配列番号：7045
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08281
配列：
GATCTNAGTT AGACATCACC ANTGGAAATC GATTGGAATA GAAACTTAAA GGAAATGGAA 60
CCCTGACTAT TCTCCCATCA AATCATATAT GTTGACCTGT CTGAATTATA AACCAGCCTG 120
ACCTTTCCTT TAGCATTAGA TGTAATAAAA TAACTTTGGA AATTTGTNAT TTAAA 175

配列番号：7046
配列の長さ：190
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08282

配列：
GATCCTCAGG ACTGACCAGT TAGCTGGCAG GTTGTNCAGC TTTTAATTCC AGTCATAATA 60
GGTGACAGTG TTAACCGTGA AANTTTGNGA GGCACTNTTG NCCTCTTCCC TATAAAAATC 120
ACACAAGCGT GNTTTTACAA AGGGTCCCCG TGGGAACCTT NGCTTAAGGA CCCTTTGNCC 180
CNTCAGTTAN 190

配列番号：7047
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08283
配列：
GATCCTCAGG ACTGACCANT TAAGCTGGCA GGTTGTCCCA GCTTTTTAAT CCCAGTCATA 60
ATAAGGTGAC CAGTTTTAAC CCGTGNAAAC TTNGAGGGGA CTTTTGCCTT TTCCCTATNA 120
AATNACACNG GGGGGTTTTA NAAGGTN 147

配列番号：7048
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08284
配列：
GATCCATCTG CCCTCATAAA AGTGTTCAGG TACAGCAGCT GAGGCTGCCC TGAGNAATCA 60
AGGGGCCATT ACCAAGGGGC AGGAAAAGNA TATGTAAGAG GTGGCCTTCA TGGTAGAGCT 120
TGACCCAAGA ACTACTCCAN ATTCGGATGG CCCAGACTGG GNGCATCCCC TGACTTTCCC 180
TTTGACTTCA CCCTGTTTGT AAATAAANCA AGGNAGATGC AAA 223

配列番号：7049
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08285
配列：
GATCTCCTCC CTNGTTTAAA TGTCAATAAA TGCCCCAACT GCTTTGTAAG TGCAAA 56

配列番号：7050
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08286
配列：
GATCACCTTA AAATTATTTN ACGNACTGNA GNCAATNAAG TCCGTTATGT TTAGAGTAGA 60
AAATGTTTAG GTTAAAGAGC ATCTGTCAAC AGAATCTACA AAAAAGN 107

配列番号：7051

配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08287
配列：
GATCCAATTN CATNNGCGGC TGCATCTNCT GCTCATGCCG CCCAAACACC ACCCAGATGT 60
CACTTACGTC AAGAAGGTCC GGACCCTCCG TATGCACCTG TTCACGGCCC TGCAGCTGCT 120
NTGNN 125

配列番号：7052
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08288
配列：
GATCCAAGAA ACGNANGACA CAACAACAAC GATGCCGTGT GTCTGCTCTA CCTGGGCAAG 60
CTCAAGNACT CCCTGCGGCA GCTNGAGGCC ATGGTCCAGC AGGACCCCAG GCACTACCTG 120
CACGAGAGCG TGCTCTTCAA CCTGACCACC ATGTACGAGC TGGAGTCCTC ACGGNGCATG 180
CAGAAGAAAC AGGCCCTGCT GGNGGCTGTC GNCGGCAAGG NGGGGGCCAG CTTTAACACA 240
CAGTGCCTCA AGCTGGCCTA GCTGNNTNNN ACACAN 276

配列番号：7053
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08289
配列：
GATCGAGTTT ACAGTTGTGN NNTCTTGAAG GTATTACTTA ACTTCACTAC AGCTTGTCTA 60
GAAGACCTTT CTAGGNGTTA TCTGGTTCTA GAAGGGTCTA TACTTGTCCT TGTCTTTAAG 120
CTATTTGACA ACTCTACGNG TTGTAGNAAA CTGCTAATAA TACAAATNCT TGTTGTCCAT 180
GGNAAGGCAA ATAAATTTNC TACAGTGNN 209

配列番号：7054
配列の長さ：126
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08290
配列：
GATCTCATTT TCAGTTTAAG TAACTGCTGT TACTTAAGTG ATTACACTTT TGCTCAAATT 60
GAAGCTTAAT GGAATTATNG CCCTCAGGAT AGTATTTTGT AAATAAAGNT GATTTAAATA 120
TGNAAA 126

配列番号：7055
配列の長さ：276
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08291
配列：
GATCGCACCA TTGCACTCCC ACCTGGGCAA CAAAGAGTGA AACTTGGTCT CAGAAACGAA 60
ACAAAACACA AAAACCTTTC TNAGTCCCAG CATATGTGGA GCAGCCTCAT TCTTCATAGC 120
TGTGTGTCAT TCCGTTGCGT GATGGGGTCA CAGAGCACAG ACCTGGTGCC CTTTTCCTTT 180
TTAATATGTG GAAACCCCTC CATGCTTTCC AAAGCCTACA AGTACAGCAG CCCCNAGTTT 240
AGGGTGNGCA GCAGTGGTCA GAGCTCTTTN CTANTN 276

配列番号：7056
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08292
配列：
GATCTCCAGG AGTCCCCTGC ACATACCTTC TCCATCGTGT CAGCTGTGTT TCTCTTGATT 60
CCGTGACACC CGGTTTATTA GTTCAAAAGT GTGACACCTT TTCTGGGCAA GGAACAGCCC 120
CTTTAAGGAG CAAATCACTT CTGNNNNAGT TATTATGGTA ATATGAGGCA ATCTGATTAG 180
CTTCACAGAC TGAGTCTCCA CAACACCAAA ATATCCAGAT GTAAACCCCA AACTTGTACA 240
CAAANGNAAG CACAGATTGT TTACCTGTTG TGGAGN 276

配列番号：7057
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08293
配列：
GATCCCTGTT ACCCAGAGAA TANNTACATT CTTTATCTTG ACATTCAAGG CATTTCTATC 60
ACATATTTGA TAGTTGGTGT TCAAAAAAAC ACTAGTTTTG TGCCAGCCGT GATGCTCAGG 120
CTTGAAATGC ATTATTNNGA ATGTGAAGTA AATACTGTAC CTTTAAA 167

配列番号：7058
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08294
配列：
GATCACATAC CCTTCTTTTA AGTGAATTTT TTTCATTTGA TTTGTCAATA AACGAATCAA 60
ACTGGNAAA 69

配列番号：7059
配列の長さ：222
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08295

配列：
GATCTCCCTG CCTGGGCTGG CTGTGAGGCC ACCTTTGTCC CAGGCCCAGC CTCAAGGCAA 60
GGAGGGCGCT TCACTGAGGT GTGAATTGTA CGTACAGGCT TTTTATATAC CAAAAGTATT 120
TTTTGACTAG ACCATTCAAA GCTACCCGAA CTATGTTGGA AATTTTTTTT TTCTCATTAA 180
AATACAGGCC CTTAGGCTCT ATTTTTAATG TATNAGTCGC AN 222

配列番号：7060
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08296
配列：
GATCAAAATA CCTGTTTATA TATCTGTTAT TTAAAGAAAA ATTTTCCACA GTGTTTTGTT 60
ATTTTCCAGC GTTTCTTAGN ACATTTGGGN ATTNCACTAA AATATAGCTG GGTGGATTGA 120
AGTAAAGGGC AANTGCGTTT GCAAA 145

配列番号：7061
配列の長さ：20
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08297
配列：
GATCTTCCAA AACACACAAA 20

配列番号：7062
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08298
配列：
GATCAATCAA GAATAATTTT AATTTTCTTT TGTATTTGAA ATGTAAATAG TTTTCTTTTC 60
GATTAAAAAA ATTTCCTATA ACTGCTAAAC AGTTAAAANC TTTAAAGTAG TAAATGAGTT 120
TATAGAAAGC ATGTATTCTT GATTTTNGTG CCTTGGTAAA GTTGATAACT ATTTATGAAT 180
ATTTGACCAA ATTATTCCAG CATCAGAATA ATAAGCAAAA TAACCNN 227

配列番号：7063
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08299
配列：
GATCACACCA CTGCATGCCA GCCTGGGCGA CAGAGTGAGA CCCTGTCTCA GAAAAGAAAA 60
AAAAAGTAAA AATTGCATGT AAGTTGACCC GCACTATTCA AATTTGTGGT GTTCAAGGTT 120
CAACTGTAAT TTCCTAGCAG CATTTTGTGT GTTTGAGAAT CTCTTGACAC TCTTCAAGTA 180
AATCCCTAAA TTACAACTTT GACATCAAA 209

配列番号：7064
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08300
配列：
GATCGACTGA GCTCAAATTT CAGTTGGGGC CCTATTAGTC TGCCTTTCCA AAAAGGGCGT 60
TGGGACTTTA ATTTAAAACT TAACCAGTTG AAAAATAAAG GTGGCGTGGA AATGCTTTTT 120
GATTTGCAAA 130

配列番号：7065
配列の長さ：223
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08301
配列：
GATCTGGGCT TTAAAGCAGA GGCCATGTCC TTGTCTGGTC CTGCTTNTGG CTACAGCCAC 60
CCTGGAACGG AGAAGGCAGC TGACGGGGAT TGCCTTCCTC AGCCGCAGCA GCACCTGGGG 120
CTCCAGCTGC TGGAATCCTA CCATCCCAGG AGGCAGGNAC AGCCAGGNNG AGGGGAGGAG 180
TGGGCAGTGA AGATGAAGCC CCATGCTCAG TCCCCTCCNA TNN 223

配列番号：7066
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08302
配列：
GATCGGAGAC ATCCTGCTGT TCGGNACGTT GCTGATGAAT GCCGNGGCGG TGCTGAACTT 60
TAAGCTGAAA AAGAAGGACA CGCAGGGCTT TGGGGAGGAG TCCAGGGAGC CCAGCACAGG 120
TGACAACATC CGGGAATTCT TGCTGAGCCT CAGATACTTT CGAATCTTCA TCGCCCTGTG 180
GNACATCTTC ATGATGTTCT NCATGATTGT NCTGTTCGGC TCTTGAATCC CAGCGATGAA 240
ACCAGGAACT CACTTTCCAN 260

配列番号：7067
配列の長さ：154
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08303
配列：
GATCGAAAGA AGNACATCAT GAAAAATAAA TGAACTTTGC TTAGTGGATT GACTCCTTTG 60
CTGAAGTCAG TTATTCATCA AGAATGCAAT TAGNCTAATT GTGAATAAAT GATTGNNTGA 120
AGNTATAATA AATAAAACCG TAAACTCTGG CAAA 154

配列番号：7068

配列の長さ：29
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08304
配列：
GATCAATAAA ATGTGATTTT NCTGATAAA 29

配列番号：7069
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08305
配列：
GATCGTCCCA TCACAGTGTT GTTAATGTTT GCTGTATTTA TTAATTTNCT TAAAGTGAAA 60
TCTGAAAAAT GAAA 74

配列番号：7070
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08306
配列：
GATCTGGCTT CACAGACAGT TGACACATCT AAAAGAATCT TTGTTTCCAA CTGGACTGAC 60
TCATTGAGAG GAAACCTTCA CTGCACCTCA CCAGTGCAGA CAGAAGACCT GGAGGCAGGA 120
CGGGAGGCAT TTTATACTTC AGCACGATAT GGGCCCTGAC TTTTCATTTT CTACATGGAG 180
ACATATTGCT GGAGGCTCAT CATCCTGAGG GGAGAAACAT GGATTTCATG GTTTTGCCAT 240
AAAAGTATGC AACAAAGAGT TCCN 264

配列番号：7071
配列の長さ：27
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08307
配列：
GATCANTAAA AAAAATAAAT AATTAAA 27

配列番号：7072
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08308
配列：
GATCTNTTTT NTCTGGAGTC CTGGAGTTNC TTTCCTAAGG TTTAATATAA GCAAGCNCCA 60
GAAAGAATGC TGACAGAAAA GGGACCCTAG CTGTGGTAGG AAGTGGCCCT CAGAGTCAAG 120
GAGGCAGGAT GANTTTAAAT NCTNCATGTA GGGCATATTT TGGGGAGTNA TGGGN 175

配列番号：7073
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08309
配列：
GATCGACTTT AAGTTGCTTC GGGTCTAGTA GAAATCCGGT TATTTCCAAG CCTGTNAAAT 60
GTGAAGTTCA AGAAAATTGA ATCCGTGTAT AGCAAAACCA TTTTTNCTCA CAATTTTTTA 120
ACCAATGAAC ATTGTGTGGG AAATTNATTC CATATGTTTT CAAGTCATTT ATGCAACTTG 180
AATAATTAAA ATATTCATTG GTAAGAGCTG CCTGATGTCT TTAAAGTCAG GAAATTGTCT 240
TATGCCAAAA GTAGACAANC TCAAACACCA AAAGGTCANN N 281

配列番号：7074
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08310
配列：
GATCATTTTT CTTGGAGGNT GGAGATTGGC TAGTACCTCT GGCCTAACTG TGTAGGTCAA 60
TACTCTTTTA CATTGCCTTC TAATAAAAGC AGNATGATNC AGCAAA 106

配列番号：7075
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08311
配列：
GATCTTGTGT CTGTTGTGCC TGAATTTGGC GTGTCTAATA AAGGCCCATG CACACTATAG 60
GCACTCAAA 69

配列番号：7076
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08312
配列：
GATCAGTGAA ATNTTAAACT CCCACGGTAA CATCATGCCT ATGGACATTA AAGGAATAGC 60
AAGGACTTGC TCCCACGACT TCACATTTGC TCCCACTGGC CAGGAATGTG GGCTCTTAGT 120
GATTCCAGAT AAGGGCAAAG CTGGGGCCCA ATGTATGTAG CCAAATTGNA GNAATCATGG 180
NGCACAGGCA AATGGTGACA TGAATTTGTA ANCTGTGTTT ATGTGTTNTT ATATTTATAT 240
TTCTGANCTC AGTACATGTT AATATTTAAN TAATTATGCA GTAACTTTCA AA 292

配列番号：7077
配列の長さ：29

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08313
配列：
GATCCTGCAC TCTAGCACAT GACTCCAAA 29

配列番号：7078
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08314
配列：
GATCCCCTGT CCCCTGGGGC TGGTGGATAG GGCAGAATCC TGGGCCCCCA GAGACCTTTG 60
CCCACACACA CTCCTTCCCC TTGTCCCTGG GGNACTCCCC CAGGATTGTG CAATAGTCAG 120
AGTGTCCCTT TTTGCAGGGG ACTGGGCCAT GGGTCCTAGG CCCATCTGTC CATCCTCCTC 180
TCCATGCAAG TGCTGTTTGG GCAGNAGTCA CCATGCAAGG GTGNCATCGN CANCCACGTA 240
CCAAGNCACC GCAGCTGCTG CCACTCTGCT GCCTGTACAG AAGGAANCTG NATCTTTTTN 300
ATATTCTAAT AAAATNACTG TGGGNTTTNA NAAA 334

配列番号：7079
配列の長さ：245
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08315
配列：
GATCCCGTAA ATTGAAGGCA ACAAGGTCTT GGTCCTNCAG TAAGGGGGGC ATGGAGCCCT 60
GGTGGGAAGG AAAGAAGNGA AATTTGTGTT CCTGATTCCT TAATCCCCAN GAAAGGTCCC 120
TCTGCTAACA TTCACATATC TNTTCCTAGC CAAAGTCTGT CCATTTNAAC CCTNTAGCAT 180
CTGAGCTATC TGCATCCAGN TTTCAAANAT ATTTCGNTGT TTACTAACAT GTNTGTNAGC 240
CTNTN 245

配列番号：7080
配列の長さ：88
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08316
配列：
GATCACAAAT NACTTGTTGA AATGTAAGGC AGTCCCCCTC CTCCTCTTTA TCTACATTAC 60
TTCCCGAAAA TAAATGCANA TTAATAAA 88

配列番号：7081
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08317

配列：
GATCAGGTCA CAGTGTGTAC GTAAGAGTCA GCTNCTTATG GNTATTGTCA TCTAGGTAAC 60
TTTGTAAAAA AACAAACAAA ACTGGCATTG TTAATTCCAA AAAGAAAAAA AAAAGCAGTA 120
AAAANAAANG GNCATTTGNA CCNCCGGCN 149

配列番号：7082
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08318
配列：
GATCTCAGCC TCGGGTGGTC AGGGTGGGAA ATGATAGGAA GAAGCTGTCA TCTGCATCCT 60
AGTTTGCCTG AAATGAACCC AAATAATACC CATTATTATT AGTCCTGAAT TATGAGTAGT 120
GAATGATACC CATCATTCTG GCATCATGAT GAGTAGTGTC CACTTCCATT CTGAAAAGTG 180
CCCTGCTGTG AAAAATAAAT TATATAGTCC TCCTAGGTAA ATGAAGGAGG AGGGAGAAGT 240
GTGAAAGAGT ATGGCTTAAA TCAGACAAGA TATACAAGAA GATACTTTAT ATAGGGCAGG 300
AGCGGTGGCT TN 312

配列番号：7083
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08319
配列：
GATCTGGGAA ACTGATTGAA TAATACACTT TTCTTGCTTT GGTGCTCAAA GTGGTTTTTT 60
TCCCCCAATA AAATTATTTA ATTGAAA 87

配列番号：7084
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08320
配列：
GATCAGGAAA TGCATCTNCG CAGATGGTAT TTCCTTCAGA AAAGACTTTN CTACTTTAAA 60
TATAAATNAN GCCATAACAG TTTCATGCTG TGGAAAGAGG GTGAAAAGGT TCATTTTAAG 120
AGATTATATA ATANGACCTT NCACATTTCC TGTGAAATGT CTAACTTTNC CAGTNCTTCA 180
GCAAGTTTTT TTGGGGGGTG ATGGGGAGNN GGTAGTATTG GTTTTAGAGG TTTCAAATCT 240
GTGANCTTTG GAGAGGGGAC AGTTGTTGGC TCTGGTATTT CCTAGTTTTG TAGTAACGTT 300
TTGCTAGCCN NN 312

配列番号：7085
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08321

配列：
GATCTGATGG TTTTAAAAAG GGGTGTCTCC CTGCACAAAC TCATTCTCTG TTTGCCTACC 60
GCCATCCGCT TAAGATGTGA CCTGCTCCTC CTTGCCTTCC GCCGCGATTG TNAGGCCTCC 120
TCAGCTATGT GGAACTGTAA ATCGAATTAA ACCTCTTTCT TTTGTAAA 168

配列番号：7086
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08322
配列：
GATCCATGTG TTTTACTCTA AAGTGCTAAA TATGGGAGTT TCCTTTTTTT ACTCTTTGTC 60
ACTGATGACA CAACAGAAAA GAAACTGTAG ACCTTGGGAC AATCAACATT TAAATAAACT 120
TTATAATTAT TTTTTCAAAC TTTAAA 146

配列番号：7087
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08323
配列：
GATCAATAAA GCTGTCCTAC ACTTGTGCTA GGNAGGCACC GCTGTGACTG GGCTCCGGGC 60
CTTTCCACTA CGTTGAAGAA GAAAACCTAT TTTTAAATGT AAATAAAATA TCTGGTAGCC 120
TGTGTGGAAA GCTGACCGTT TTAAGAAGTG GCATGTGCCT TGAAAGGGGG CAGAATGTTC 180
AGTCGGTCGT GTTTTTAACA CAGAGTCTCT AGAAGAGGTG CAGACATCCC GTCTGACTGT 240
CCCTGTGGAC TCTCTCAGTT GTATGTTGCT ATAATCCTCC AAATCAAAGC TCTTTCTGCT 300
TGTGCAAGAT TNNN 314

配列番号：7088
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08324
配列：
GATCTTACTG AATTTATTTT GTAAATGCCT AATGAGGCAG ATTTTTGAAT TAAAGAAATG 60
CTACATGTAA A 71

配列番号：7089
配列の長さ：412
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08325
配列：
GATCCTAACA TATCAGGACA TGGACTCAGG ACCTGCCCGG TGATGCTGTT GATTTCTCAA 60
AGGTCTTCCA AAACTCAACA GAGCCAGAAG TAGCCGCCCG CTCAGCGGCT CAGGTGCCAG 120

CTCTGTTCTG ATTCACCAGG GGTCCGTCAG TAGTCATTGC CACCCGCGGG GCACCTCCCT 180
GGCCACACGC CTGTTCCCAG CAAGTGCTGA AACTCACTAG ACCGTCTGCC TGTTTCGAAA 240
TGGGGAAAGC GTGCGTGCGC GTTATTTATT TAAGTGCGCC TGTGTGCGCG GGTGTGGGAG 300
CACACTTTGC AAAGCCACAG CGTTTCTGGT TTTGGGTGTA CAGTCTTTGT GTGCCTGGCG 360
AGAAGAATAT TTTCTATTTN TTTTAAGTCA TTTCATGGTT TCCTGGTCCT GN 412

配列番号：7090
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08326
配列：
GATCTATTTT TGGCTTATGT CTTTTAATAC TACTCTCTTT CTCTGAATTT TGAAATATGA 60
AGTAAAATCT AGCCCATTTG TTTTATGCAA A 91

配列番号：7091
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08327
配列：
GATCTCAAGA GTTCAAGACC AGCCTGGGCA ATATGGTGAA ACCCGTTTGT ATTAAAAATA 60
CAAAAATTAG CTGTGCATGG TGGCCCACGG CTGTAATCCC AGCTACTCAG GAAGCTGAGG 120
TCCGAGAATC ACTTGAATGC TTGAACTCGG GAGGCAGAAG TTGCTGTGAG CCGAGATGGC 180
ATCACTGCGC TCCAGCCTGG GCAACAGAGA GAGACTGTCT CCACTGTCTC CAAAAAAAAA 240
NGAAAAAAAA AAGGTTGTTN GATTCNTGGC CCTCAAGGAA ATTNTGGAAA ANAN 294

配列番号：7092
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08328
配列：
GATCATGTTT TGAAGCAGCA GGTCCAGGTC ACTTTGTATA TAGAATTTTG CTGTATTCAA 60
TAAATCTGTT TGGAGGAAA 79

配列番号：7093
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08329
配列：
GATCTTTCCC TAGAGAATGT AACATACGTT TTTATTCATT TAATCACTTC ATTATGCCGG 60
GGTTAATNAT GTTTATTTTA TAATTGGTAA TAAAGGCCAC ATTTATTTTT GTAACTGTTA 120
AA 122

配列番号：7094
配列の長さ：50
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08330
配列：
GATCTTAAAC TCTTTGATTA AAAATAATAA ATGGAAATGT GTTAAGCAAA 50

配列番号：7095
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08331
配列：
GATCCAGGGA TTTGGGGAAA AGGAAGGAAT TTGATGTTTT TTGGGGTGGG AGGGGAGGGT 60
GTGTTTTTTA CACCAAA 77

配列番号：7096
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08332
配列：
GATCGCTGGC CTTCCTGACT TAACATTNAT GCATGCCAAG GTGTTGATGT TCCCAGCCAC 60
GTTAACACCT TCCACAAGNT CTCAAGAAAA AGCAGACGGA TAACTGATGT GAATTGGACA 120
GTTTCTATTG CTTTTCCTTT TTTCCATCCC TTCCCTACCA TCAAAAGCAT ACCTGCTCTA 180
ATTAAA 186

配列番号：7097
配列の長さ：291
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08333
配列：
GATCATATAC TCTGCTGTGG TCATGCCCAC TCTTTGGGAG TATATTCCCT TTATATATAT 60
TGAGTATTGT ACCACTTGAG AAATTCCTTT GTTCTGTTAT ACAAAATTAA TCTTTCTGCT 120
CATAATGATT GATGATACCA CCAGTAAAAA TAGGATGTTT ACCCCAAAAC AAGTGTCAAT 180
TAAGAATTTG AACACAACCA CATTTTTTAA AATGAAACTT CTATCGGAAG TAAATTAATT 240
TGNGGTAATA AAGTCCAGTA TTNGGNNAAA TGTACAATGT TAAATCTCAA A 291

配列番号：7098
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08334
配列：
GATCAGACTT TTGTNTCTTG GGTCCCAGAT GGCACAGGAG CACTGCATGC TTGTTTTCTA 60
GAGCCCAGCC AGTCATGGGT GCTAGCCTAG TCTCCACACA CCAGCAAGTA GAACCCAAGT 120
GTANNNNNAT AAATATTTCC TGAGTACCAG TAAGAGAATG CATTCTTTTC TCATCTAGGC 180
CAGGAATGTT GAAAATGCTC AGCCTTACAT AGAAACTCCT AGATTTTCAC TAACGCATTT 240
CACAAAAGTA AATAAGTATT TCATATAATT CAGAGGATGT TTAAATTGTC AGCATTTTAA 300
TAAATAN 307

配列番号：7099
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08335
配列：
GATCTGTACT TTGAACAAAG AAAGTGTGTA GAGACCCCTG GGAGTGAGGG GTAGGGGATA 60
CAATACTCTG AAGCAGAAGA GGACCCTTGC AGTGATGGTT AGGGACTCTT CTGAGTAGGA 120
GACGTAATCG GCTTTTGGTC CATGGAACTT TTACCACATG TATTCAGCAT ATATACACGA 180
TTAAAGTGCT GCAAATAAA 199

配列番号：7100
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08336
配列：
GATCTGGGAG TGGCTTCCTA ACGGAAATGG AACAGGATTA CCAACTAGTN GACGAAAGTA 60
ATGCTTTCCA TGACAACCTT AGGTCTCTTG ACAGNAATCT GCCCTCAGAC AGCCAGGACT 120
TGGGTCAACA TGGATTAGAA GAGGATTTNA TGTTATAAAA GAGGATTTTC CCACCTTGAC 180
ACCAGGCAAT GTAGTTAGCA TATTTANNGT ACCATGGTTA TATGATTAAT CTTGGGACAA 240
AGAATTTNAT AGAAATTTTT AAACATCTGA AAAAGAAGCT TAAGTTTTAT CATCCTN 297

配列番号：7101
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08337
配列：
GATCTTTGTC TGTGAAGAAG AAAATTATCT CCCTAGTTCA ATCTGTAGTG AAATAAGGCT 60
ACAGAAGGCA TTGTTTTTTC CTTTTTNATT TTTTGTATTA TATATTTNCC TTAAATATGT 120
TTTATTGTCT TCTCTANGCA AAAAGTTCTT AATAANCATA GTATTTCTCT CTGCGTCCTA 180
TTTCATTAGT GAAGACATAG TTCACCTAAA ATGGCATCCT GCTCTGAATC TAGNCTTTTT 240
AGAAATGGCA TATGGTTTTG ATGATATGNC CACCATCCAA AATGTCCGAN TNAATN 296

配列番号：7102

配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08338
配列：
GATCAACTTT AAGAAGATTT ACAAAACGCT CAAGAAAGAN GAGGATATCC NACTNTTCCC 60
CGTGCAGACA AAATACATGG ATGTGGTCAA NGAGTGAATC CGTTTAGCTC GACAGATTGA 120
GAAATCTGAG TATCGGAACT TCCAGGCTTG CCTNCACAAC TCTTGGATTG AGCAGGCAGC 180
AGCTGCCCTG GAGATTGAGC TGGAAGANGA CATGTATAAG GNAGGAAAAG CTNNCCAGCA 240
AGAAGAACGT CGGNGACAAA AGCAGATGGN GGTTCTNGAA GAAGGAGCTG CGNCNCCTGC 300
TTNTN 305

配列番号：7103
配列の長さ：414
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08339
配列：
GATCCACAAG TCCTTGTTCC ACTGTGCCTT GGTTTCTCCT TTATTTCTAA GTGGAAAAAG 60
TATTAGCCAC CATCTNACCT CACAGTGATG TTGTGAGGAC ATGTGGAAGC ACTTTAAGTT 120
TTTTCATCAT AACATAAATN ATTTTCAAGT GTAACTTATT AACCTATTTA TTATTTATGT 180
ATTTATTTAA GCATCAAATA TTTGTGCAAG AATTTGGAAA AATAGANGAT GAATCATTGA 240
TTGANTAGTT ATAAAGATGT TATAGTAAAT TNATTTTATT TTAGATATTA AATGATGTTT 300
TATTAGGATA AATTTCAATC AGGGTTTTTN GGATTAANCA ACCANCCAAT TGGGTCCCCA 360
GTTAANTTTC CATTTCAGAT ANCCACCANN TAGTTTCNNN GTNTAGGTCC ATTN 414

配列番号：7104
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08340
配列：
GATCCCCTGA CTGGCTGGGG GCAGCTCCCA GGATATCCTG CCTTCCAACT GTTTCTGAAG 60
CGCCTCCTCC TAACATGGCG ATTCCGGAGG TCAAGNNCNT GGGCTCTCCC CAGGGTCTAA 120
CGGTTAAGGT GACCACATAC CAGTGCCAAG GGGNTTNTAA AGTGGTGATG TAGTTNTGCT 180
CCCCTCCCCA AGAGCGGGTG GNGGGGGGTT NAANATGTTT GGCCTGNNTA AGTGGGCCTT 240
CCCATTNAAG TN 252

配列番号：7105
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08341
配列：
GATCTTATTT TTTAATTTTA AGTGCCACTA TTAATGTAAA AAGGGGGGGG CTCTACAGCA 60

GTCGTGATGA AACTTAAATA TATATCCTTT GTCCTCGAGA TTTTAGGAAG GGTGTAGGGT 120
GAGTAGGCCA TTTTNAATTN CTGAAGTGCT AAGTGTTTTT ATACAGCAAA CAAAAAGTCA 180
ATTTTCCTTT CCACCAGTGC GAGAGAGGAT GTATACTTTN CAAGAGAGAT GATTGCCTAT 240
TTNCCGTTTG ACAGAGTCCC GTAGATGAGC AATGGGGAAC TGGTTGCCAG GGTCTAANTT 300
TGGATTGATT TATGCACN 318

配列番号：7106
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08342
配列：
GATCTGTGAC CCCAGCCATG AGGACCCTCG CCATCCTTGC TGCCATTCTC CTGGTGGCCC 60
TGCAGGCCCA GGCTGAGCCA CTCCAGGCAA GAGCTGATGA GGTTGCTGCA GCCCCGGAGC 120
AGATTGCAGC GGACATCCCA GAAGTGGTTG TTTCCCTTGC ATGGGACGAA AGCTTGGCTC 180
CAAAGCATCC AGGCTCAAGG AAAAACATGG CCTGCTATTG CAGAATACCA GCGTGCATTG 240
CAGGAGAACG TCGCTATGGA ACCTGCATCT ACCAGGGAAG ACTCTGGGCA TTCTGCTTN 299

配列番号：7107
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08343
配列：
GATCTTAGAG GTTGAAGCCC ACCTTCTCTT TTCACATAGG AGGGAACAGA CCATGGAAAT 60
TTAAACGACT TCCTCACGGT CACAGAACTA GTTTTTTAAT CCTCAGGCAG TGNATCCCCC 120
CACCCTACAA CTGTGCACAA CCTCTTTCCC CACAGTGCAA TTCAGAATAT GCTCAGGGAA 180
TGCCAGGCAC CTTGTAAAAC TGCTGGGAGA AAAGCATGNT TCCCACAAGG ACTAAGTATC 240
AGTGATTTGT AATTTTCCTG TTTTGTATTA TCTGCTTTGC TGATGTAGAC AAGAGTTAAC 300
TN 302

配列番号：7108
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08344
配列：
GATCNAACTG TCTCACTGCT TTTCCAACTA TAATCATNTC GCTCTNACTT TAACAAAAGG 60
CGATGGCACA GTAATTTAGT AAATTTNTGT AATAACATNT AAAAAAAAGN 110

配列番号：7109
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08345

配列：
GATCCTGTCT AAAAAAGAAA AGAAAAGAAA AGAAAAGAAA AGAAAATCAG CATTGTATCC 60
CCAGAACCTG CTACAGTGTA CTGTACACTT AATAAATATT GGTTGAATGA ATGAACTGAA 120
A 121

配列番号：7110
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08346
配列：
GATCATCAGT AAATTTGTCA TGTTATATAT TTATTTTTTT ATAAATCAAG ACTTCTGTGT 60
GCTCTTAAAT ATATTAAAAA CAATTTACAT TTCAGGAAA 99

配列番号：7111
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08347
配列：
GATCCCAGNA GGAGGGAAGA AAATTTGCAG TGACTGAAAA CAGTAAAAAA AAAAAAAATA 60
ATGTATAAAA AAGTTGCATT ACACAGTNCA AA 92

配列番号：7112
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08348
配列：
GATCATTCTN GTTGATACCC TTCTTTGAAT ATTCTAGTGT ATTAATATAC CATTGGTTAT 60
TNAATCATGT CTNATTAATG GACTGGCTGT TTTCACATAT TNGATATATC AAGTGTCTTC 120
ACAACTTGTG CTTGCATATT CTTTCCCAAA ATATTGAAAG TCCATATATT TCCTTGTACA 180
TNTTTAAAGT TGATATCTNA ATNTNTCATT GTAGTNGCAA AGCATGTAAT TNCTTGGGGG 240
AGGGGGGCTG TAAATATTGA CATTTTAAAA TAAAACTTTT AAATCAGCCT TAAATGTATC 300
AGGN 304

配列番号：7113
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08349
配列：
GATCAAATTT CACGTCGTCT TCTGTATACT GTGGAGGTAC ACTCTTNTAG AAAGTNCAAA 60
AAGTCTACGC TCTNCTTTCT TTCTAACTCC AGTGAAGTAA TGGGGTCCTG CTCAAGTTGA 120
AAGAGTCCTA TTTGCACTGT AGCCTCGCCG TCTGTGAATT GGACCATCCT ATTTAACTGG 180

CTTCAGCCTC CCNACCTTCT TCAGCCACCT CTCTTTTTCA GTTGGCTGAC TTCCACACCT 240
AGCATCTCAT GAGTGCCAAG CAAAAGGAGA GAAGAGAGAA ATAGCCTGCG CTGTTTTTTT 300
AGTTTGNNN 309

配列番号：7114
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08350
配列：
GATCTTCCCC AGCTATGAAG CCTATCTTGG AATGGGAAAC CATGAAATTT GTCTTTTAAA 60
AGAAAGGGAA GAAATAGCCT TACAGCCCCT GTTCCTCCAA GTGCACATTT AGCCTTAAAA 120
TCCTGGGAGT CGGGAGACAC CGTGGAGTCC TTACATCCAC AGTGTCTGCT GGTCGTGGTC 180
AGAAGGCAGT AATGCAAGAG TCCTTTTGTG AAGAGTGTTT CTATGTAGAG ATGTTTATAT 240
TTAAGTAGTT CTTTTATAAA TAAAAGCATT TCTAATGGCA AA 282

配列番号：7115
配列の長さ：27
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08351
配列：
GATCTGTTTT CTGTAACTTT TGCTAAA 27

配列番号：7116
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08352
配列：
GATCTTAGGC TTCAGCTCTT TATCTTACAC CTTGAGACCC CAAGAGAGTC CCAAATTCCT 60
GGAAAGGCAG CATCACAGAG TGGGGAAATA CAGGACTTGG CTTTAGGTTC TAGTCCTTAA 120
CACAGCTTCT TCCTTGCTGT GTGTTCTTTG GTAGGTCACT AAATCTCTCT GAGCCTCAAA 180
TTTCTTATCT CTAGGTTGAA AAATAAAATA AAGTCCCCAT GCCAATCAGT GCAAGGAATC 240
TGTGAGATAA A 251

配列番号：7117
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08353
配列：
GATCACGCCA CGGCACTCCA CCCTGGGCGA CAGAGCGAGA CCTTGTCTCA GAAAAAATCT 60
GTGAGGTTAA AAGGCTGTGT GTGTGAAAAT ATCTTGGAAA TTGTAAAGAA CTACACAANT 120
AAA 123

配列番号：7118
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08354
配列：
GATCATTCAT CAACATGTGT CTCTNAATTT AATTCAGTAG TTGTAATTAT TCTTTGGTTT 60
AGACCAAGAA AAAGGAAATC CCCCCTTTNA ATGTATTCCT TGGTTTNAGG ACATGACTCC 120
TGTAAGGNAG AGGAAAGGGA GATGCTTCCT GTTTGANCTG CAGTGAATTC ACGGTTCCTG 180
TTTCACCACT CCAAACCTTA TGGCGACTCA CACACACATT CCTCTTTNCT GTTACTGCCA 240
AAGGTTCGGG TTTAGTACAC TTCAGTTCCA CTCAAGCATT GAAAAGGTTC TCGTN 295

配列番号：7119
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08355
配列：
GATCCCCAGG ATGCCCACTT CCCTCCACCC CCACACCCCA GCCGTGTCCC TAACCCCTGG 60
CAACCAGGAA TCCACTCTCC ATTTCTATAA TGTTGNNATT TCAAGAATGT TATTCAATGG 120
AATCATATAG TATGTAACCT GTTTTGAGCT TAAAAAAAAA GTATACATGA CTTTAATGAG 180
GAAANTAAAA NTGGATATTG AAA 203

配列番号：7120
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08356
配列：
GATCCGTTAG TGTCTGTTTA GAAAAGATGT TATAAACTTA CAGAAACAAA TATAATAAAC 60
TGAAGCAGAT TTGAAAAGCA AA 82

配列番号：7121
配列の長さ：79
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08357
配列：
GATCTTTTGC ATTGCAGAGA TTTTATATAT ATTTTGTTTG TAATGAGCCA TTCTCAATAA 60
ACATTATTCT CACTGCAAA 79

配列番号：7122
配列の長さ：299
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08358
配列：
GATCCCTAGT AAACTCCTTC TTCACTTTTA CTGTCAGATT TACAAAGGTC CTCCCATTGC 60
AAAGCAGTGN NNNTCCTAAT TTATATATTG TTTTNCTAGT TCATTTTGTG TTTCCAACTT 120
TTCATGTAAA ATTTTAATTA TTTTTGAATG TGTGGATGTG AGACTGAGGT GCCTTTTGGT 180
ACTGAAATNC TTTTTCCATG TACCTGAAGT GTTACTTTTG TGATATAGGA AATCCTTGTA 240
TATATACTTN ATTGGTCCCT AGGCTTCCTA TTTNGTNACC TTGCTTNNNN NGTGGCANN 299

配列番号：7123
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08359
配列：
GATCATGTGC CAAGGCTGCG GTGCGTTCTG TCACGATGAC TGTATTGGAC CCTCAAAGCT 60
CTGTGTATTG TNCCTTGTGG TGAGATAATA AATTATGGCC ATGGGAAA 108

配列番号：7124
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08360
配列：
GATCAGACTG TGCTTTCTAA TTCTAAAAAA TTGAGCAGTG TTGGTATTCT TNCAGTATTT 60
TTNCTCTCAC CTGGAAAACT ACCTGGAAGT TGTCAGGCAT TTNCTTACTG NNN 113

配列番号：7125
配列の長さ：125
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08361
配列：
GATCTCTAAG TAATTNTNCA AAATCCGGTA TTACTATGTC AAGTTATTGC TTTTGGTAAA 60
TTCATCTGAC CCAGTTATAA ATGAAAGANT ATGGANTTAA AAATTTTAAA NCTAAATAAT 120
TTGNN 125

配列番号：7126
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08362
配列：
GATCATGCTC CATCCAGCCC CACCCAATGG CCTTTTGTGC TTGTTTCCTA TAACTTCAGT 60
ATTGTAAACT AGTTTTTGGT TTGCAGTTTT TGTTGTTGTT TATAGACACT CTTGGGTGTA 120

AA 122

配列番号：7127
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08363
配列：
GATCGGCACT CACGATTGTN ATGTTGGCTA CATCCTTGAC AAAGCCGATG GCCTTTCCAG 60
GTTGGAACTT GCAATAACCA TCCTGTTGAG GATGCAAAGG GCATGAAATA CAGGTTATGG 120
ACCCGAAGTC TCAGCCTCCC CACGCAGTTC AATAACATTT ACTAAACAAA ACAAGATGTG 180
CCAGGGCCTG GGGGATGGGA TAATTTCAGA GAGAATTAAA GCATCCTTGT CCTCAAGGAG 240
CTTAGGGTCT GGTAAA 256

配列番号：7128
配列の長さ：346
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08364
配列：
GATCAACAGG GGTGAAAAGA ACCACCCTGA GGTTTCCATG CCTCTCCCAN NTTTAGTGGT 60
AGNATTTTGT GTCTTTACTC CACCCTTCAC CCTAGTTCCA CCAAGGTTCA CACACCAGAT 120
GTAACTGTTT TNNAGCTGAG TTGTATGGAT TAACTTCAGT CCACTGTAAA TACACCTGGG 180
ATGGGGTGGG GTTGGGGTTG TTTAGGGAGA AGCAGCCAGA CTTGCTTTGT GAACTGAATG 240
TATTTTTATG CAATTTTGAG TGGCCTTTCA ACCCTAAGAT GAATGGTTTT GTTTTACTGG 300
TTGTTGTTAT ATAGTTTTGA GTATTCTGTG TTTGAAAGTT TGGGTN 346

配列番号：7129
配列の長さ：42
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08365
配列：
GATCGTGTCT CTGATAAAAG AATAAAAGCT GTTTATTGCA AA 42

配列番号：7130
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08366
配列：
GATCTTAGGT CCCACTCANG GTCCTAACTG GCTATGGCCA CAGCTGGAAC TACCCGAGAA 60
GNCTTTTGTA CATGTTTGGT AGCCGTAGCA CAAGTGATTG GAGTAGAACA TGTCACTGCT 120
GTACATTTTT AACTCCCCTA ATGGTGTGTC TATAATTNTN AAATCTAAGG GGGGGGGCTC 180
AGTAAAGCCT CCTGGCACCA GGCCTTCCTG CTCGACTGAA AAAAATTTCN TCTTTGAAAA 240

TCCCCTTTTA CTCATGGCCC ACAGTAGAAT ATCCAAAACG CCTTGGCTTT CAGGCCTGGC 300
CTTTCCTACA GGGAGCTCAG TAACCTGGAC GGCTCTAN 338

配列番号：7131
配列の長さ：294
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08367
配列：
GATCTTTTCA AGATGCATTC CAGATGAACT GCTAGGTGAG GGGGAAGCTT CATTTTTGTT 60
ACCTGATAGA ATAGCTTTNC TNATGAGATA TATATAATGT GATACTATGT TTGGATATTT 120
TTGGTCTTAA AGCAAGACTC AGTGGTGTAT CTNCATTAAA AGCTTCCTTT AAAAAAGNTA 180
CAGGGNTACT AAAAAAACAA GNACCCAAAC AATCAAGNTG GGCCCACCTT GGNACCNTGT 240
TTTGNATNAC CTTCCATGGT TTGGTTGGCG GTATGGNAAA AGGATTGNNT GGTN 294

配列番号：7132
配列の長さ：107
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08368
配列：
GATCATGCTG TGTGGAGGAC AAATCTTTAA AATTCCAGCA TTGTATTGTC TATTGACACA 60
CAAAGTTTGA AAATAAAGGG GCAAAAAATT TTAATGCAAA AATGAAA 107

配列番号：7133
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08369
配列：
GATCTGCGAT GGCTGACATN AATAGGTCAC CATGTTGGCA GCTGTATAAT CAGCAATGAA 60
AGCTGAATAT TATCACCAGA TAACCAAATT ATGAAATATC TATATNANCT TCANGATTCA 120
GGNCCANTGA ACCAGTATCT GCCCTTACGA GATTTAGCTG AANGTGAANT GCAAGGTGGT 180
GAACGGCATT CTAACAAGAG TGTGAAGAAA GAGATNGANG GCTGTCCGCT GCTGGAGGGG 240
AAGAANGGTG GGGCGGCTTT TNCAAGGCTC TGTGGCTCAG TGGACCTTCA ATANATTGGA 300
CCTTCAATAA ATTAATTGNA AANCANGN 328

配列番号：7134
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08371
配列：
GATCTGAGGG ATTTGCTCGT CATTTGCTGT GGCAGAGATG ATGTTGACAC CCTGGGATGC 60
TGTGGGAGGG ACAAAAGACT CACGTATATG TTCTGTCAAA TCGGAGAAGT AAATAATCCG 120

TTGGGATGCC AGGATACTTT ATTCTACAGC GAAGTTAATT TTGTATCCGT CGAGGCTACA 180
GTAGAGGTAA AAATGACATT GAGTTGTACT TTGCTTTGAA TTAAAGTTGA TGGGTAGCAG 240
CAAA 244

配列番号：7135
配列の長さ：48
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08372
配列：
GATCTTGACT CCAAAAATTA ATAAATAAAT AAAAATAAAT AAAATAAA 48

配列番号：7136
配列の長さ：48
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08373
配列：
GATCATGGTA TAATTAATTG AAATTTATTA AAATCTGTTT TTATTAAA 48

配列番号：7137
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08374
配列：
GATCTGTGAC TTCAAGTTTG GACCGTGGAA GAACAGCACT TTCAAACCCA CAACTGAGAA 60
TNATGACACA GGGACAAGTA GCAGTGATAC ATCAGATGAC GACGATGTNT GAAGGATTTC 120
CTAACAGCTT TNGAAATCTT AGTGTGATAC ATCTCTCATA CAGTTTGGGG NGAATTGTNA 180
AAATGAAAGG ACTATANTTT ATGTAGTGGA ATACCCCCNN AGAAGAGGNN TTTTTTGGGG 240
GCTTCAACTT GNTGGAAACC NAGANTN 267

配列番号：7138
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08375
配列：
GATCATTGAA ATTCTGAGAA AACTTCTTTT AAACCTCACC TTTGTGGGGT TTTTGGAGAA 60
GGTTATCAAA AATTTCATGG AAGGACCACA TTTTATATTT ATTGTGCTTC GAGTGACTGA 120
CCCCAGTGGT ATCCTGTGAC ATGTAACAGC CAGGAGTGTT AAGCGTTCAG TGATGTGGGG 180
TGAAAAGTTA CTACCTGTCA AGGTTTGTGT TACCCTCCTA TAAATGGTGT ACATAATGTA 240
TTGTTGGTAA TTATTTTGGT ACTTTTATGA TGTATATTTA TTAAACAGAT TTTTACAAAT 300
GGAANAAAGA NAAA 314

配列番号：7139
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08376
配列：
GATCCAGAGT AAATGAGAAG TCTCTATCTG AGCTGGTCAG TTACTGGAGT ACATGTNACT 60
AATCTGGGTT TAAAGTTTAC TTCATTATCT GCTAGTGTCA TCCACAGCAG TTCATCCTCA 120
TCCACACTAA GCCATCCTGT NAGCTTTTAA AGGAAGTTAA TTTAATTAAC ATTAATATAC 180
TCTATGGGCT CCCTCTCCCA CCTGTCTGCA TAGAAAGGCA GAATTAGACA TAGCATGCTT 240
TGGAAAAGCA AATAGGAATT GTTGGGAATG ATTTANTCTT GTTGTTGTTG TTGTTGTTGT 300
TCACTTGTGG TTCTACATTC CTGGTGNATG NTGAATGTNG CTGTCAAGN 349

配列番号：7140
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08377
配列：
GATCTTGTGC TTCCATTTAA GAAATTCTTC CATTTAAAGA AGAAAAAAAA TCTCTCTAAT 60
TGACTATCTG AAGATATATG AAAAAGCCTA TGCTTTTAAA TTAANCTGTT AAGACAGTCC 120
ATTGAAAGAT TGTGGAAGTN CACATCTATT TTNCACCTTA ATTTTTTCCA TTGTCCCTAC 180
TCATGACTCT AAAAAGTGCA TGGCTTGGGG CTATACTTTG TTTTGCAGTT TGTTGGTATC 240
GTGCCTTTCC TTATCTACAT TAGCTTAGAC TATACCTTNT TTTTNAGAAG GGGAAGTGGN 300
AATTAACTGT GGCAAAACCT ATTTNGGCAC ACCNCCTTTG TTCAATN 347

配列番号：7141
配列の長さ：121
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08378
配列：
GATCTTAATT CTTTGCAATT ATANATGAAA AATGACTGAT TTTTCTNAAA ATATGTAACT 60
TATNTAAATA TATCTGTTTG TACAGATTTT AACCATAAAA ACATTTTTGG AAAACCATAA 120
A 121

配列番号：7142
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08379
配列：
GATCTGGAAA CTATTTGGGT TTTGTTTTCA ACTTTTCATT NGGATGTTTG NCNTTGCACA 60
CACACATCCA CCGGTGGAAG AGACGCCCGG TGAAAACACC TGTCTGCTTT CTAAGCCAGT 120
NAGGTTGAGG TGAGAGGTTT GCCAGAGTTT GTCTACCTCT GGGTATCCCT NNTGTCTGGG 180

ATAAAAGATN TCAAGCCAGT TGGCGGGATG GAATGGNTGC ACCGCAAATA ATGCATTTNC 240
TGAGTTTTCT TGTTAAAAAA AAATTTTTTT AAGTAAGNAA AAAANAGGTA ATAACATGGC 300
CAATTTTNTT ACATAAAATG GCCTTTCTGG NGTNTAAATT ATTCCTAAAA AAATCCNGTT 360
TTATATANAC NATCCAGTTG NTGGAAAAAA NTTTTCCAAA NGTTTTTGN 409

配列番号：7143
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08380
配列：
GATCTAGAAA ACTTTGGATT TTTGAAGTAA ATTTTAATGT TTCATATTAA TTTCTTGAAA 60
ATGTATTAAA TGTCATTGAA AGCCTTAAA 89

配列番号：7144
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08381
配列：
GATCACTGTG GACCATCTTA GCAGTTGACC TAACACATCT TCTTTTCANN ATCTAAGAAC 60
TTTTGCCACT GTGACTAATG GTCCTAATAT TAAGCATGTT GTTTATATTT ATCATATATC 120
TATGGCTACA TGGTTATATT ATGCTGTGGT TGCGTTCGGT TTTATTTACA GTTGCNANTA 180
CAAATATTTG CTGTAACATT TGACTTCTAA GGTTTAGATG CCATTTAAGA ACTGAGATGG 240
ATAGCTTTTA AAGCATCTTT TACTTCTTAC CATTTTTTAA AAGTATGCAG CTAAATTCGA 300
AGCTTTTGGT CTATATTGTT AATTGCCATT GCTGTAAATC TTAAAATGAA TGAATAAAAA 360
TGNTTTCATN NTAAA 375

配列番号：7145
配列の長さ：513
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08382
配列：
GATCTCGCTC CTTTGAGAGG TCCCATAAAA GCAAGCACCA TGGTGGCAGT CGCTCAGGAC 60
ATGGCAGGCA CAGGCGCTGA CTTTCTCTTC CTTTGAGNCT GCATCAGTTC TTGGTNTTGC 120
CTATCTACAG TGTGATGTAT GGACTCAATC AAAAACATTA AACGCAAACT GATTNGGATT 180
TGATTTCTTG AAACCCTCTA GGTCTCTAGA ACACTGAGGA CAGTTTCTTT TGAAAAGAAC 240
TATGTTAATT TTTTTGCACA TTAAAATGCC CTAGCAGTAT CTAATTAAAA ACCATGGTCA 300
GGTTCAATTG TACTTTATTA TAGTTGTGTA TTGTTTATTG CTATAAAGAC CTGGAGNGTG 360
AATTCTGTAA AAATGTATCT TATTTTTATA CAGTTAAAAT TTGCAGACAC TGTTCTATTT 420
AAGNGGTTAT TTTGTTTAAN TGGATGGGNG ATNCCTTNTT AANCACTGGN TTGGNCTGGA 480
TNGTGTAAGG TTTTTNCAGG GNNTAGTTCC TGN 513

配列番号：7146

配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08383
配列：
GATCTGAGAA TCTTTATTGA GAAAGAGCAC TTAAGAGAAT ATTTTAAGTA TTGCATCTGT 60
ATAAGTAAGA AAATATTTTG TCTAAAATGC CTCAGTGTAT TTGTATTTTT TTGCAAGTGA 120
AGGTTTACAA TTTACAAAGT GTGTATTAAA AAAAACAAAA AGAACAAAAA AATCTGCAAA 180

配列番号：7147
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08384
配列：
GATCAAGAAA CTGGAAAATG TGAAGCAATC TCTATTGAGA TAGCATCTTA GTGTTTTAGA 60
GAAATCAAGA ATTTTTAAAA ACAAGAATAT CAACATTTGG TTTTGTGTAT AAGTGGTGTT 120
TGTATTAAAA TACTTTTTCA ATGAACTGTA TAAACTATGT TTTATTAAAC TACAATATAT 180
CAGTAAA 187

配列番号：7148
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08385
配列：
GATCCAGAGG CGAGAAGCCA CCCTGTTAGA NCTCCTGTCC ATCATCCAGG TAAGTCAACT 60
CTCTCCTTTC AGGGCCAATC CCCAGACCTT TTGTTGAGCC AGGNCNNTAT CACCTNTCCT 120
ACTNACTTAA AGN 133

配列番号：7149
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08386
配列：
GATCCTTGTC AAAATGAGAT TCCAGGTCCT AGAGAGCTGC TTTNAGGGAG TTCCAGGAGT 60
ACTTACTATT GGTCATGCAA TAGGAGAACA GAGACCCGNG GGCTGCTTTG GGGGAGGGGG 120
GAACTCGAGA ATGTATGGAT TTACCTGAAA ACAAATTATT CATTTAATCA AA 172

配列番号：7150
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08387

配列：
GATCACCATT CAATTTGAGT TTCCAGGGGG AAGTGCATGT ATAATGAAAT GATAATGGAC 60
TTCAATGAAG AATGTCATCA ATTATGTACA TATGTATTTN CTTTTAATAC AAAGTGTAAT 120
TTTGTGCCAG TGAAATGGAG TCTGAATAGT TATGTGTTTC TTTTATCCCT GGAAATATTT 180
ATTAAACTTT ATAGTTTATC CGAGTATGTT GTATGCTTTG ACAATAAATG ACTATTTTCT 240
TCAAAGCAAA 250

配列番号：7151
配列の長さ：282
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08388
配列：
GATCATCACC ACCACGGTTC CTGAGGACAT CATGTCCAAC CGAGGCAATN ACCTCCTGCT 60
GAAGCTCCTG CAGNATCGGT ATCCCCGGGT GATGGCAGAG GAGGGTCTTC GAGTGGTGAG 120
GCAGTGGTTG GAGGCCTCCT CACAGCTGGA GGAAGCCTCA NTTTATAGCC GATGGGAGGT 180
GGAAGAGGAC TGGTGTCTGT NTGTCCTCCG CTCCTACCAG GCAGAACACG GGCCCGACTT 240
CCCCTGGAGC GTGGGGGAGG ACATGAGTGC AGATGGACGG TN 282

配列番号：7152
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08389
配列：
GATCAAAGTA GAAGCNTTTG AATAATGAAT TTAAGGCCAC GCAAAANCTT TCCTCACCTA 60
TTGACATGAC ATCTAAAAGA CATTTCGAAC TCGAAAAGCA TAGTGCCCCA AGTATGGTAC 120
ATTCTNCTCT NACTCCTTTC TCAGTGCAAG TANCTAACAT TCAAGATTGG NCTCTCAAAT 180
CGGAGCACTG GCATCAAAAA GANCTGAGTG GCAAANCTCA GAATAGTTTC AAAACTGGAG 240
TTGTTGAAAT GAAAGACAGT GGCTACAAAG TTTCTGACCC AGAGAACTTG TATTTGACGC 300
AGGGGNTAGC AAACTTATCT GCAGNGGTTG TCTCACTCAA GAGNCTTNTA GNCACACAAC 360
CAGTCTCTGT TTCAGACTCT GGGTAANTTN N 391

配列番号：7153
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08390
配列：
GATCTAAAAA TAATTCTTAA TCATGAATTT AATTCACGAC TTCCTTGTTT TCAGTCTTAT 60
TCAGCTTACT GTAGGAGATT TTAATANACT AAAGCTTTTG TTGATTTATG AGTTAGAAA 119

配列番号：7154
配列の長さ：284
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08391
配列：
GATCTTGTAC CAAGCCAACG GGTNTCCTGG CTCTCCTGCC CACAGGATGA ACATTTTCGG 60
CTTCCTTAGG AGTTTTGCCC TACCGTATTC CAAAGCGTGT GCTGGTTTCT CATATTGTCT 120
GTAGGCTCAC TCAGCCCGCA GTTTATGTGT GTGCTTTTTT CTATGAAAAA TGATGTATTT 180
TGCTACTTCC TGTGTACAAA GTTTTATTGT AAATGTTTTT TGTGCTTTGC ATGAACAGGG 240
GCCACGTTGT TGCAATTGTT TCAGTAGAAC TGGTTTGATT TCTN 284

配列番号：7155
配列の長さ：289
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08392
配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCTA ACACAGTGAA CCCCGTCTCT ACTAAAAATA TAAAAAATTA 60
GTCGGGCATG GTGGCGGGCG CCTGTAGTCC CAACTACTCG GGAGACTGAG GCAGAAGAAT 120
GGCGTGAACT CAGGAGGCGG ANTTGCAGTG AGCCAAGGCG ACAGAGCAGG ACTCTGTCTC 180
AAAAAATAAA AAATAGTGCA CTGTCCTTCG AGAAAGTTTT CTAACATCTA GTAATTTGTA 240
ACTTAGAAGT GGAGTTGCCT TGTGGATGTC TTTTTTGCAT TCTGTAGGN 289

配列番号：7156
配列の長さ：293
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08393
配列：
GATCCAACTG CAGAGATGGC AGCTGAGTCA TTGCCAGTNT CCTTCGGGAC ACTGTCCAGC 60
TGGGAGCTGG AAGCCTGGTA TGAGGACCTG CAAGAGGTCC TGTNTTCAGA TGAAAATGGG 120
GGTACCTATG TTTCACCTCC TGGAAATNAA GAGGANGNNT CAAAAATCTT CACCACTCTT 180
GACCCTGCTT NTTTGGCTTG GCTGACTGAG GAGGAGCCAG NACCAGCAGA GGTCACAAGC 240
ACCTCCCAGA GCCCTCACTC TCCAGATTCC AGTCAGGGCT CCCTGGCTCA TGN 293

配列番号：7157
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08394
配列：
GATCACGATG TAAATAATNA AGCATTTTGG TAGGATGTCT ANNGTAATAA ACAATTTTTG 60
TACCATAAA 69

配列番号：7158
配列の長さ：312
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08395
配列：
GATCTTGGCC TCCCAAACCC CTTATTTTTA AAATACTTTG CGCCTTGCTT TGATAATTTG 60
TATTATGTAT CCAAACTGAA ATNATCTGCT TTCTGCATTA GAATGTAAGC CCCCTGAGGG 120
TTGAGTCAGT CTGTCTTGTT TGCTGTGCCA CGCCTGATGC CCAGCCCAGC AGCATGCTTT 180
GTACACTGAT ATATTGGGTA AATTTTGTTG AATAAATTAA GCTCAACTAT TTGTATTTCA 240
ATAGNTTGAG TTGTATTGCT TCCTGTTCTT CAAGCTTAAA TTTGACCTGT CTAATAAAAA 300
GGAGNAATTA AA 312

配列番号：7159
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08396
配列：
GATCTTTTGT GGTCCTGTAA AAGATACTGA GGAATGTNTT TCAGCCAAGC CAAGAGGATG 60
GTTTCAATAA ACCTAATAAT CTGAAGTTCA AA 92

配列番号：7160
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08397
配列：
GATCTTGCAA TATATACTCA GGAAATTACC ATGGGCAGAA TAAAATGCTT TTAAAAATAA 60
A 61

配列番号：7161
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08398
配列：
GATCCAAACT GNAGAACTTC TCATTCATCC CCAAGGCCTC CAGGCAGTAT CCAATGGGGA 60
ATCAGCTCTA AAAGGAACCA GACCAACGTT TTCCAGCCCC TTNATTCTGC TTCCNTCTGT 120
NTNAGGAAAG GNTAGAAATN TTCAGGGCAT CATCATACAG GCTCCTCATC TACAAAGTTC 180
CAGTAGCAGT GACGCCTACA CGGAAGANTT GGAACTGCAA ACAGGCTGGG GTCACCTCAN 240
TNGCATCTGA CGCTGTCCAA CCAGAAGTTC GATTTTNNTN CTGGGGGTGA AGGTGGAAAC 300
AGACTGTACT TAAAGGNTN 319

配列番号：7162
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08399
配列：
GATCCANAAA TAAGTTTAAC TTACGGAGGC TTCTAGTTCT AAAGATGCAA NGTAAGATGC 60
CAAAGCAGTG GAAAGATTGA AGTCAAACAG TCGGGCCCAT GTGTGTGTCN TACNTCAACC 120
NTTNGTGTGT TATN 134

配列番号：7163
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08400
配列：
GATCTATGTG TCTGTNTGTG TGTCCATCCC GCCGACCCCC CAGACTAACC TCCAGGCATG 60
GACTGAATCT GGTTCTCCTC TTGTACACCC CTCAACCCTA TGCAGCCTGG AGTGGGCATC 120
AATAAAATGA ACTGTCGACT GAACAAA 147

配列番号：7164
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08402
配列：
GATCTAGNAA CTAGNAAATA CTATTTGTCC CAGCAATCCC ATTACTGGGT ATATACCCAA 60
AGGAATATAA ACCATTTAAT TATAAAGATA CATGCAGATT TTTATTCATT GCAGCACTCT 120
NNACAATAGC AAAGACACAA TAGCAAATGC CCATCAAAGA TAGACTGGAT AAAGAAAATG 180
TGGTACATAT ACACCATGGA ATACTGTGCA GTGCAGCCAT TACAGCTTTT GGTGATACAG 240
TGAATCAGAT TTTNNATTAA TTCTTTTAAT TGGTTATTAC TGNNCGTGGA NNAGTAATGG 300
TTTGTATTGG NATCCTTGNN 320

配列番号：7165
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08403
配列：
GATCCATATT TTAAATTGCA ACCCTGTTCC CTATGATACC TATCTGTCTA TGAATGAAAC 60
AAAGGTTTTA CAAA 74

配列番号：7166
配列の長さ：178
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08404
配列：
GATCCAAAGA ACTTCTGTTA TATGGGTTAT AGCTGTTAAT ATTTGTCATA TTCGAAATTG 60

AAATAAGATT TTAAGGTATT TTAAAATAAC AGTNCAAAAC CATTGTATNT TGACATGAAT 120
AACACTTTTA TGAAAATAAC TATATTCCAA AACAATAAAA TTACCAAAAA GTTGCAAA 178

配列番号：7167
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08405
配列：
GATCACAGAT TTCATCAGGA TTGAGCTGCG TGGTAAGCTC GCCACTCTGG ACAAGTCACA 60
GGGTACCCAT TATTTAGCAA TAAAAGCTTT AACTCAAA 98

配列番号：7168
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08406
配列：
GATCTCTGTG GCCTAGGTTT TGTACATACA GAAACTGCAT GGTATTTAAA TTATTGTTTG 60
TCTCTGATGA TGTATGCAGT TTCTTTAAAA ACAAACCAAA AAAAAGTAAA 110

配列番号：7169
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08407
配列：
GATCCTGAAG AGCGCTGAGG GACGGGTGCT TCGNCGANCA GCACCAGCGA NACGTCAAAC 60
TCATGAGACA GATGCTAATG GATGCCGNCC TCCCTANTTG TCCACTGCCC CAGCCACATC 120
ATCCCTGTGC GGGTTGCAGA TGCTGCTAAA AACACAGAAG TCTGTGGATG AGCTAATGAG 180
CAGCCATAAC ATCTACGTGC AAGCAATCAN TTACCCTACG GTGCCCCGGG NAGAAGAGCT 240
CCTTCGGGNT TGCCNCNACC CTTNNGGGGG GACCCCAGGA TTGNTGGAAC TAANTTCN 298

配列番号：7170
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08408
配列：
GATCCACCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTATAG GCGTGACCNC TGCACCCGGC 60
CAAAAGTTGA TTTTTAATTA CATAAAAATC GTAAAAACTT CTAGTAAAAA CTTGATTNNG 120
NGANTACAGT TATATTTTAA AACCTTAAGG TGACAAGCAT TTTCTATGCC TAAATCTTCA 180
TTGGTTTGCC TGGAAAGAGT CTCTGTTAAA AGATTTTCCA TATTCAAAGT AAAAGGAAAG 240
ATTTCTTGCT TTCTAATTGT CTTTTGGACA CATGCCTATT TTCTTTGAGG TATAANCCTT 300
TAGATGTGAA ANATGTAATT TCCATTCNN 329

配列番号：7171
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08409
配列：
GATCCAGATT TNTTCTGTTG TGTCTGAAGA GAACCATGAC ATTTAGAAGT ATATTGGTAA 60
TCTATTAGGT CCATTGGCAA AGTATATTGG TCCATATTCA AACCTATTCC AAAAGGTTAG 120
AAGTGTTTAA GATTCCTTTA TTGTGGTACC ATGTCTGTTT ACCTATGCTT ATGAGCAACA 180
ATAANTTACT AGTTTACCTT CTGGAATTTT AAA 213

配列番号：7172
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08410
配列：
GATCTGGTGG GCAGTCGAAC CATGGTGAAC TCCACCTCCG TGGAATAAAC GGAGATTCAG 60
CGTGGGCGAC TGAATCCAGC ACGTCTGTGT GAGTANCGGG ACAGTAAACA CTCCACATNN 120
NNTCAGTTTT TCACTTCTAC CTACATATTT GTATGTTTNN NTGTATAACA GCCTTTTCCT 180
TCTGGTTCTA ACTGCTGTTA AAATTAATAT ATCATTATCT TTGCTGTTAT TGACAGCGAT 240
ATAATTTTAT TACATATGAT TAGAGGGATG AGACAGACAT TCNNCGGGNT ATTNCTTTTA 300
ATGGGCACAA AATGGGCCCT TGCCTCTAAN GN 332

配列番号：7173
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08411
配列：
GATCCAGAGG CTCAGTGAAC CCCATCAACT TGGTGGCCCT GGTGTCTCAC ACTTGTATCC 60
TTCTGCCCTC GAGACCTGGC ACAGCAGTAT CCCTTGAAGA AATCCTGAGG CTTTGTAGAG 120
TGCTCCTTGA CCATGTTTAA TAATTCTTCC CTCCCCTGCT TGTNTATTTT TTTCTCTTCA 180
CGGCTCTTCC TATACCTTAG GCCAGTCTCA AGCACTCACT GGAGACCCTT GGGCCTTGGG 240
CGACCATTGA GTCCTAGTCT CCCTTGTTTG TGCCCCTGTA GGAGGTAGGT CCTTTTNTCC 300
TCCGGCCTAG TAGGGGACCT TGGGTAACAT TN 332

配列番号：7174
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08412
配列：
GATCTGCTTT GCAGAGGAAA TAACTTGTTT TTTCTCATGT TTCATCTTCT TTTTATGTAA 60

ATATGTAATA CTTTCCTATA TTGCCCTTTG AAATNTTTGG ATAAAAGATG ATGTTTTAAG 120
TTCCAAA 127

配列番号：7175
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08413
配列：
GATCTGCCCG CCTCAGCCTC CCATTGTTGA CCATTTTTAT ATGTTTATTT ACCTATGTGG 60
TTTTCTTTTC TCATAAAATG CTTGTTCATA TATTTNCCCC ATTTCTACTT ATCTNGTTCT 120
TATTAAATNG CCAAAGTGCA TAAA 144

配列番号：7176
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08414
配列：
GATCATCTCT AAAATTAAAA AAATTAATAT TAAATGTTGG ACCAAGGATT TCAACCATGC 60
AGTATGTTGC TTCTGGGGTC TGCTGTCCTA TTCCAGCCCT AGTGAATAGT TAATGCCTTG 120
AACTATTCCT ATCACCACAG GTTGCCAGGC CACCAAATAA CGAAGCCAAT CCAGGATTTG 180
TCCATACAGA AAATGTGTGC GCTCCCAGCT AAATCTCAGT TAAGGAGGTT GTTCTATATA 240
CAGCCAAGTA GCAGAAATAT TCATAAATGT CATTTGCAAA TATAATAAAC ANTGTAATGA 300
ATGGGTATTT CCTTTCTTGT TAATTCTATG TGCTCAATTA AAAGGNN 347

配列番号：7177
配列の長さ：213
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08415
配列：
GATCATACTA ATAATTTAAT ATTTGAATTG TATGGAAGTA CAATTCAGTA TCATTTTACA 60
TATGGTATAT TGTGATGCTG TATCATATTT TATGTTACGG TTTATAAGAA AAGCTCCTAG 120
GTATAAAATG CTACATAGCA GGAACTTGGT TTTTCAATGT TATTATTTCC TACTGTTTTT 180
GACGTAACGG CAATAAAATT TGTTTGAACC AAA 213

配列番号：7178
配列の長さ：161
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08416
配列：
GATCTTAAGA AGAGAATAGA ATCTTTAATT GACCGGGACT ACATGGAAAG AGATAAAGAA 60
AATCCAAACC AGTACAACTA TATTGCATAG AATGTTGGCC TTGCAGCATT TGGTGTCATA 120

TGCAGTAGCC AGTGGATAAA CTAACCTGTT GATTCAATAA A 161

配列番号：7179
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08417
配列：
GATCATGTGC AATATTTCTT ACTGTGCCGA GAAGCCACAA TGAGCGAGAT TAAAGCTGTT 60
TAACACAAA 69

配列番号：7180
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08418
配列：
GATCTCTGTT CCTTTTGGCT CTAATATGCT ACAACTGTAG GCCAATTATC ACTTTACCAA 60
TTAAGAGTTA GGCCAGATAA GTGAAATTTA ACTTAAGGGC ACACAGCTAA TAAGTAATAG 120
GCCTAAACTG GATTTCCTTA TTCCAAATCC TGTCTTTTCC CCACTATTCC ATTAGACCCC 180
ACAAATGTTA GTTGTGTGTG TGTGTGTGTG TGTTTTTAAT CACTGTAACC GGGTGCATTT 240
TTTTAAGGCA AAATTTCTCC CTTATCTACT GTGATGACTT CAGAAGATAC ANTGGTCCCA 300
GGGGCCAAGT AGAAAGCATT TTTAAAGNTT AATCTGAATT AAGCTGAN 348

配列番号：7181
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08419
配列：
GATCCACTTC TGTAATTAAG TACNTGGTTG TCTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATAGT 60
TACAACCATT ACCNGNCACT GTAGATACAC ATATAAAAAT AGNTGTTNGG TATCCATAGT 120
TNCGCTTGTT CN 132

配列番号：7182
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08420
配列：
GATCTCATCA CTGCACTCTA GCCTAGGTGA CGGAGCGAGA CCCTGCCGCT AAATAAATAA 60
ATAAATAAAT AACATAGTAG TGAAA 85

配列番号：7183
配列の長さ：224

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08421
配列：
GATCATGGAC TGGTGCCTTT GCATTCAGAA GGAGAGCTGT CAGCGTANAC CGAATTCAAG 60
ACCAAGGCGT GCTACCTGAG CTGACAGCTT TTTGAAAGCC GAGCTGTTTC TGAACCATGT 120
ACATACATGT TCTGAAACTT TCTCATCATT TTATGAGTAC TGTTCATTGA GAGATGACAA 180
TGAAGATTAG ATGAAATTGG AAATAAACCA ACATTGTTTA CAAA 224

配列番号：7184
配列の長さ：38
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08422
配列：
GATCTCTGCA GTATTAAAAA GATGTACTCC CAATTAAA 38

配列番号：7185
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08423
配列：
GATCTTTGGC AGTGCCAGCA GGTTAAATTT TGACCTGCTC AATTAAAAAT AAACACTGGC 60
GTTTAAA 67

配列番号：7186
配列の長さ：117
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08424
配列：
GATCTTCAAA GAAGAGAATG TAATTTATAC CATGAATATG TTATTTTTTC ATGTTGGAGC 60
ACTGAAATAC TTTCAGTTTG TTTTCTTATT GTTTAAATAA AATTTTTAAT TCTTAAA 117

配列番号：7187
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08425
配列：
GATCTTTGTT ATTTTAGGGG GGAAATCACA TGGTATCTAG CATGGGACAA AGCAGCAAAA 60
TAAACCAAAA GGACAATCTC TATTTTATAT AGAAAATAAA CATACTTTNC TGCATCCTGT 120
GTACTTTAAG TATATCTATA TTTNTNANGG GTTCATACTG TGTTGANTTT NCCTNATGAN 180
ATAGTCACTT CCCCAGTGTA TTTTAATGCA AATGCATATN CTATAANNTA N 231

配列番号：7188
配列の長さ：197
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08426
配列：
GATCTCTGTT CTAAGAAAAG GAGTGTGCCT TGCATTTAAA AGGAAATATT GGTTTCTAGG 60
GAAGGGAGGA GGCTAAATAA TTGATACGGA ATTTTCCTCT TTTGTCTTCT TTTTTCTCAC 120
TTAAGAATCC GATACTGGAA GACTGATTTA GAAAAGTTTT TAACATGACA TTAAATGTGA 180
AATTTTAAAA ATTGAAA 197

配列番号：7189
配列の長さ：115
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08427
配列：
GATCAGGAGA CAGGGAGGCC CCGCACATCA CACAGATAAA GTCAGACAAT TGTAATTAAT 60
ACTTTTGCTG CCTCAAGTTG TTTTTTAAAT AAAGTACTTT GAAATGCATG AGAAA 115

配列番号：7190
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08428
配列：
GATCCTTGTG GGCATTATTC TAACTGATAC GTAGACACTT ACTTGGAAAN NNNNGGACAT 60
TATATTAAAT GAGTGCTATC TGTGAAATTG GTTATATTAG GTGGCTTGAC TAATGTTTTT 120
CCTATAATTG TATATGGACT GCATTTTTAA AAAAAACCGC ATTTGCCTTT ATGCTAGATT 180
GTAAAAAATT ATATTAGAAT GCATAAGACA TGTTTTNCCN TCATATGCTA GACTTTNCCT 240
AGCATTTCGT ATTTCTGTGT TGTCAGTGTG TGATTTTNAA ACCGGAATTT GGTTTAAAAA 300
AAATCTGGTG GTAATATATG TGAGAANTN 329

配列番号：7191
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08429
配列：
GATCTTCATT CCAAATTTTA CTGCATGGAA ATGACTAATA ATGTGCATAA AAAGTTAACT 60
ATAAGGATGC TCACTGCAGG GTGGCTTATA TTAACACAAA TTCACAAACA ACTCCACTGT 120
TCCAGCACAG CAGTGTTTGG TAAATCATGA CATGTTTCTA TGCTCAATTA CTATCCAACT 180
TTTGAGAATT AGGTTGGAGA TATGTAATTN CCAATATGAA AATAAATTTC CTATATNCTA 240
TTTAGTAAAA NTAATTCATA AATNTCCATT TTTNCAAACA CTTCATGAAT TTNTTCCAAA 300

ATACANATGT TATCTATCCA TTTNGGAATT AGGANTGGTT NNNATCATTT TGN 353

配列番号：7192
配列の長さ：352
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08430
配列：
GATCTCAGTT TTTCCATCAA AATTATAATA TGCTCATGAA AATAATATTA ATTTGCCTTC 60
CCTTTGCAAA CACCGGCAGT TGAAAGGAAA AGGACGGGGA ATGTGANNNN AAAGAGACCG 120
CCTGGAATAA ATGTCCCCCT ATGATTCTTT AAGGCAGTGG TTCTCGAGCT TGAATTTTCA 180
TTAGGAAATT CTGTGAGGNG NTTGTAACCA GATTTCTGGG TCTGCCACAT GCACCTATCT 240
NTNGCTGAAT TGCTTTAATA GAATAATGAG AGCAAGTTTG TCTAACTAAT ACCAACCTGN 300
CANCTTGAAT ANCAATAAAA TGCAATTTGG TACATAAATT ATAATGCTGC NN 352

配列番号：7193
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08431
配列：
GATCCTGGAG AGGAGAAATC CTGGCCTCTG CTCATGCGCA GGTCACAACC GGGCTGGAAG 60
TGCGGTTNAG CTCTCTGCCA CTTTCTTCAA TGTAAAAAGT AGGCATCAAA GATACGACTT 120
CTACTATATA CATTTNTNTG TCCCTGAGAA CAGAGAAACG TAACCCTGTA GGGGACTGGT 180
TACAGAGGAC CTCCTGGAGC ATCTGCCCCA TTCCTCCAAG TCCAAGCACA GCCATGCTGA 240
GTGGAAGCNA GGCCACCATC TGAGTGGATT GGTCCCAAGT NTGTAATGAG GAAAGTGGCC 300
AGGTGCCGGC ACAGTGCCTC TCCCAGAGCC TCAAGAAGGG CCATTNGN 348

配列番号：7194
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08432
配列：
GATCACAACT CTCAGTCTAC CTGGAACACC CCACCCAACA TGCCTGCTGC CTGGGGACAT 60
GCCAGTTTCA TCAGCTCTCC GCCCTACCTC ACAAGCACCC GAAGCTTGTN TCCAATGTCT 120
GGACTTTTTG GTTCCATCTG GGCCCCGCAA AGCGATGTGT ATGAAAATTG CTGCCCCATC 180
AACCCCACCA CGGAACATTC GACCCACATG GAAAACCAAG CGGGTCGTGT GCAAGGAATA 240
CTACCCGGGG TTCAACCCGT TTCGCGCCTA TATGAACCTG GACATATGGA CTACCACAGC 300
GAATAGGAAT GCAAATTTCC CACTGTCTAG AGACTCGAGT TACTTGTNN 349

配列番号：7195
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08434
配列：
GATCTGCCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCCTGAGCCA CTGCGCCCAG 60
ACCAAAAGTT TTTTTAAATG GATGTTTTAC AGATAGAACT AAATTCTTCA TTTACCTCAC 120
TTAATTTCTG AAAACACTGT GTCCTCCAAC TGCTCTGTAT TCCCAAAGAT TAAAATTAGC 180
CTTGGGGAGC AGAGCTGGTT CCTCGTAAAC CCCTGTGAGT GCCCAGACCC TTTGGAGGAG 240
GTTCTCAGTG GGCTTTTGCC TGCTCCCACA GATGTAACCC ACCCTTCCTG CTGCTCCTAA 300
GACCACCATG AGGAAGGCTG GGAATTGGCT CTTGAATTAA NN 342

配列番号：7196
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08435
配列：
GATCTGCATT TNNAGGTTCC GAGCCTGACC CCTGGAACTG ACCAGCGCTC GATTGTNAGC 60
CTTGGCCTGG GGTTTTAACC TTGCCAGTGA AGTTTCGGTT TTAAAGTGAT TAAATGTCAC 120
TTCCTCATCA GTTTCACTTC TGGAGGTTTT CTTATCCTAC TCCCTGGTGC CAGGGACGTA 180
CCTGGGAGTT TGAATCAGGC CCATTTGAGC GTGGCAGCCG TGTTGGGTGA AGGTCCGGGG 240
CTCGGTGAGG CACTGGGGGG GTTTTCGGGA GGAAAATGAA AATGCTTCTA GAATGAGTGA 300
ACCACATCAT AGCTCTCACT GTTTTTTCAA TAGCTACTTT TTTTAGCAGA CANCAGAGCC 360
ACAN 364

配列番号：7197
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08436
配列：
GATCTCAAAA TAAATTCAGA AAGAAATAAA 30

配列番号：7198
配列の長さ：196
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08437
配列：
GATCTGCCTA GCCAACTTTC TTAACCCAAG CCCAAACTGA AAGTCTAAAA GATGTATTTC 60
TGGGGAATTA CCCCACCTCA ACATTCTCAG GTTTNCCAGT GTNCTCTGTC TGTNTCAGTA 120
TTTTAAAAAC ACTAACTCAA TAATNCTCAA AAATCAAAGT CTGCTTTNAT NATCTGGTAA 180
TAAAATAATA GGCAAA 196

配列番号：7199
配列の長さ：102
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08438
配列：
GATCCGCCCA TCTCCGTCTC CCAAAGTGCT GGGAATNACA GGCGTGACAN CCAAACCCGG 60
CCTGATTAAA GTTAAATAAA TACTAGTTCC CTTCTCGTCA AA 102

配列番号：7200
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08439
配列：
GATCAGTGCA TTTAGACATC CAGAAGTTAC TTCCACTATT GAGGAACTAT GTAGACATGA 60
ATTTAAGCTT GTACATGTGC CAATCTTGTT AATGTCACTT GACCACTGAT TCACATAGAC 120
AGACATTAAC GTCTGATGCC TCAGGTTGAT GGCGAACTTN CTTCCTAGTG TCTTAACATT 180
TATGANCTTA TGTTTGACTT GAGGGGCATT TCAGCAAAGC TGTGNAGGAA AAGTAGGTTC 240
TGGNCTGATG TCTGCTTTGT NCCATAGACA TTTTGGAGCA TAAGGNAGTA TCTNCTTCTG 300
CTATATGTNC AGGGCTTGTC CCCAAATNAA TTCCTGATTT N 341

配列番号：7201
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08440
配列：
GATCTNCTAC AGTTCCTNCA AGCCTAGACA ACCTAAGAAA CTTTACTATC AGCAGCTTAA 60
GATGAAAATC ACAGACTTTA AGAACAGGCG AAGTTTTAAN TGTATATNNN 110

配列番号：7202
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08441
配列：
GATCCAAAGA AATAATCCAA AATAAAAAGT TATATCCAAG ATAAA 45

配列番号：7203
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08442
配列：
GATCCACAGT GGAGTTTTAG TAATTATATT TTNTTGATTT CTTCATTTTG TTTTCTGGTA 60
TAAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTTCT AATTTAGTGA AACCAATTGT AATAATTNTG 120
GAAATATTTT GTCTTTAAGT GTAAATATTT AAAAATTTGG CATACCCTAA TGTNAATAAT 180

AAAAAGAACT ATTTGCAGAA AA 202

配列番号：7204
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08443
配列：
GATCGGAAAA CTCTGATTGA ACCATTCACT TTATTAGCCA GTAAACTTTC TCAACCCCAG 60
AGCAAATCAA GCTTTCCTTT GCCTGGGAGG AAAANCATAG GGAACTCTAA TTCTGAGAAC 120
TAAAAATCAG TAATTTCCAC AATTGTATGT TGAATAGTGA TTGCCTTTAN GNGNCTGTGN 180
NCATGGAGTA ATATTACTAT TTAAAATAGG CCATTTGTAT CTACCTTTGG TCCTTAGGAA 240
AATTCCTAAG GAAGTCAATT AATGCACTTT NAGATGTTAA AAGTATTTGG GCTAAGGTTA 300
TTATTGCCTG ATATGGAAAT AATTATNNTT CTGNTTN 337

配列番号：7205
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08444
配列：
GATCAGTGAC AATTTACAGG AATGTAGCAG CGATGGAATT CCCTGGAACA GTTTTTTGTT 60
TTTNTTTTTG TTTTTGTTTT TGTGGGGGGG GGCAACTAAA CAAACACAAA GTATTCTGTG 120
TCAGGTATTG GGCTGGACAG GGAAGTTGTG TGTTGGGGTG GTTTTTTTCT CTATTTTTTT 180
GTTTGTTTCT TGTTTTTNAA TAATGTTTAC AATCTGCCTC AATCACTTTG TCTTTTANAA 240
NGNTTCCACC TCCAGTCCTN TCTCCTCCCC CCTACTCAGG CCCTTGAGGC TATAGGGGGT 300
TNCTTNGAGG ACCTCANCAA AATCCCAATC CAAGTNAACC TTTTGCACAN N 351

配列番号：7206
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08445
配列：
GATCTATTTC TTTAAAAGAT ATTTGTGCAG AAACTGCATG TAACTCTAAG TTTTACTCCT 60
AACATACATA TGTTTGGGGA AGTATTCTAT TCTATACTTG CCAATGTGGA GAACAAAATA 120
GTTTTTTTAA GAATGAAGAA GTATATATAT CCATTCTGTA TTTTACGTGC AGCAGAATTA 180
TCTTCCGTAG GATTTTTTTG TGTATTCACA AGGTGATATT TGTATTGTAA AACAATAATG 240
GTGAAGGAAA TAAAAAGGCT TTTAAAATTT AAA 273

配列番号：7207
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08446

配列：
GATCAGATTT TTAAAAAATG GATTTCTCAT ATAAATAATA TTATCAAAAA AGGATTTCTC 60
ATATAAATAA TATTATCAAA AAAGCTGATT TTAAAAGTTT CTCCCAAAGT CTTATTCTAG 120
TAATTATAGA GACCTAGGTA ATGAGTGGCA GATATATCTG CCTTTCAGAT ATGCCGTAAT 180
GTGAAAAATA ACACAGTCAT GTGATATTCT TNATTAACTA AAACTGTGTT GTTTTTATTT 240
TGGAGTAGTT CTCATAATTC ATTGGTAGGG AACTATCCAG TATTTATATT CCTATGTATG 300
TNTATCAGNT TAATTTTGAG GCTTGGAN 328

配列番号：7208
配列の長さ：145
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08447
配列：
GATCTGTACA TACAGTGTTA AGAATGTAGA TATTAAAATT GTTATATTTA GCTGTTACAT 60
AATATTAAGA CTCAGAGTTA AGTAATTTCA CTGAAATTGA TTGCTTTTTG TGTCTTGGAG 120
TCAAAATAAA TAACTGAAAT CTAAA 145

配列番号：7209
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08448
配列：
GATCTGTTNA CATAAGCACT AGTCACAGGA CTACTCGTGA ATTTCATCAA TTTATTCTAT 60
TGTGTTTATT CATGATATCA CCTTAGTAAT TTTTGAAAAA AAAAANGTAC CACACTTGGC 120
CAAANGCTCA TCAGGCTGAT TGTTTANCTG TNGCTGATTG CTTATCTTTA TATTGTATGA 180
CCCNGGGGNT NGNTTTGAAN GTTATATTAG GTTTGAAATG ANTTATN 227

配列番号：7210
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08449
配列：
GATCTTTGAA CTCTGCAATA TGAAGCATAT ATGTGAGTGC TTAGCTTTCA CTCTCTTTCT 60
GTGTGTGTGT GTGTGTATAC AGATACTAAG ACACAGATAC ATTCACATAT ATACATCTAA 120
ATATATATAC AGTACAGTCC ATATTCAGAT TTCTTCAAGG TTATGGGTCT ATTGTTTAAA 180
TTCGGAATCC AGTCAAGGAC AACACATTAA AATTGATTGT TTTGCCTCTA CAGTGTGTTT 240
TTTTGGTTTT CATGACATTG ACTTTGATTT GAATAGGTCA GACCATTTCA TGTACTTTAT 300
ANAGGCACTT TGTAGATTTG TCTGATGATT TGN 333

配列番号：7211
配列の長さ：151
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08450
配列：
GATCAAGAGA GTTCGATTGG CCAAAGAACA GGAATCCCGG GCAGATTGTA TCAGTGAGTT 60
TATAGAATGG CAGTATAATG ACAATAACAC TTCTCATTGT TTTAACAAAA TGACCAATCT 120
GAAATTAGAG GATGCAAGGA GAGAAAAGAA A 151

配列番号：7212
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08451
配列：
GATCTGACAG ACGTCAATAC CTGCAGGCGT CTACAGAGAG GAAATTTGAT AAAAATATTT 60
TAGTCACTGA CTACACTACC ATTATCTGAA GCATTCAGAT AAGACTTAGC AGAGAATGTC 120
AGATTTTGTT TTCAATTATA ATTTTAGAAA TGCAAAATCT TATTTTTTCT AAGTTGCTTA 180
TTGTCTATAT AAATGTTTTA TATCATTTAA AAACATGCAG AATAATACAC CTGCAGAATA 240
AAAGAGCTGA AATTAAAATA TCTTTTTCAA TNAAA 275

配列番号：7213
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08452
配列：
GATCACTTGA GTCCAGGAGT TTGGTGTTAC AGTGAGCTAT GATGGCACCA CTGCACTCCA 60
GCCTGGGCCA CAGAGTAAGA ACATGTCTTT AAGAAAAAAA AAN 103

配列番号：7214
配列の長さ：144
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08453
配列：
GATCTGTAGA CATGAAGGCA AAGCTCTTGT ATTTTTTTTT CATCCAAACA CCTCAATTTA 60
TTTTATAAAT TCGTTCATTT TTCCTGTTAT GTTTTATATA ATATATGGAC TAAACAAAAT 120
AAAATAACAG TGCAAAAGAG GAAA 144

配列番号：7215
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08454
配列：
GATCAGAAGA GGATGACAAT GGCAACAAGT GTTTGGAAGT TCCAAGGTGT GTTCAAAGAG 60

GCTTGCCTTG AGGGAGGGCT GGAATCTGTC TTCCCTGACT CGGCTCCTCA GGTCTTTAGC 120
CTCCACCTTG TCTAAGCTTT GGTCTATAAA GTGCGCTACA GAAA 164

配列番号：7216
配列の長さ：332
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08455
配列：
GATCTGAAGT CCCCCCAACC CTCTCCAAGT AAAGTAGTTT ATTAGAAGCT CTTAAGTCTT 60
TAATAGACCT GCATATTTCC TTCCCTTATG ATTTCCTATA AAATATAGTT TATGGTGTTA 120
TATTTTTAAC TGAAATACTG TACATATGTA AATAACTCTT GACAGGAAGA AAATATATTA 180
ATGTAGTATT TGCCCCCTAT CAGTGAGCTG AACAAATACA TCATTTAAAT CTATGCTGCA 240
CTTTGAGTTG CTACAAATAT GGTTCGNTTT GTTTATTTTT GAAAAATGTG ATAAAGAAAT 300
CTAAAGANTG NNNAANNTAA NANNNNNNNG NN 332

配列番号：7217
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08456
配列：
GATCTGTACC ATCCTGTTGC TGCTGTATGC GTTCCATTGA TGGGACATCT TCAGGGACTC 60
TTGACAGCCA CCGCTTTCAC ACCCTGGTCT GGAATAAGGA AACATCGGAG GGAGAAGTTG 120
ACTGTCTTGA TAATTAGCCT GACCAGCAGG ATGAATGCAA GACTGACAGT GATGGACTCT 180
GTGACATGGT CAGGTTGAGC TGAAGCCACA GTTTCTCTGT GCTGTGTTTT CTAACACATT 240
TTTCTGTTTT TAATTAAAAA AANNNNNNNA GGGTAAA 277

配列番号：7218
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08457
配列：
GATCTTAAAC TCCTGACCTC AAGCAGTCTA CCCCCGTTGG CCTCCCAAAG TGCTGGGATT 60
ACAGGTGTGA GCCACTGCAC CCAGCCAAGT TTATGTATTT TNATTCTTTT TCATGAATGT 120
GATTTGTTAA ATNAGTGATT AAATATAATT TTNATATATT TGTATGACTT TNCTGTAAAT 180
AAAATTTAAA ATCAGAAA 198

配列番号：7219
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08458
配列：

GATCTGCATC TNACGCCCAC TGCACACCGT TCCTCTCCAT CTGCCCTTCC CTCCCAGGCC 60
CCCGGTCGGG GGAGCAGGTG TGGCAAGTGT TAGGAACTCC CTTCTGGTGA CAGCTGGTCT 120
TCCTAGAGTG TTGCTGGTAA CTATCGCCTC TTGGTCTTCT GACATCATTG CCAGGAACGG 180
GGCACTTTTT CGTCTTGTAG TTTGGCCCTC GGGTTTCCTC ACTAGGTATT GTGTAACTCC 240
CTCAAAAAAA GGTTTATGAA ATGCTGAACC TCAGGTTTCA TAGACGTCTT TGTACACTAA 300
AAATTCTGCA GCAGGAATAT TTTTAAACAT TCGCAGTTTT TTGTAAGCTA TATTTTTTGG 360
ATATTTAAAT TGCTATNTNA AAANTTTTAA ANTNATTTTT GCTAATNNN 409

配列番号：7220
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08459
配列：
GATCTCCTGT TCCGTTAGAA ATACGGTTAT GTTGACATTA TGGTTACTGT GCTTGTGGTT 60
TTGCAATAAA CATGTATTGA AAGCAAA 87

配列番号：7221
配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08460
配列：
GATCAGATAA AATAACTCCT GACAGAAACT GTNNGGAAAC CAGCTGAATG TTTGACCTGA 60
TGACTGATGT TGTATGGTTT ATGTTAAATG TATATTCTTT TAATCAATGA ATAAAGCATT 120
AAAAATGAAA 130

配列番号：7222
配列の長さ：251
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08461
配列：
GATCAGAAAC ATTTACAATC TATTCTCTTT GAAGCCTGGC ACCTGGAGGC GTCATCTGTA 60
TGAGANNNNN GGACTCCACA ACCTTTTATC ATAACCCAGA CATTCCTTTC TATTGATAAT 120
AACCAATTGC CAATCAGAAA AATTAAAAAT CTACTTATAA CCCAGAAGCA CTACCCCGCA 180
ACCCTTGCTT GCTTCAAATT GTTCCAACTT TCTGGACCGA ACCAATGTAT AGCTTAAATG 240
TATTTGATTG N 251

配列番号：7223
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08462
配列：

GATCGGTGCC ATGGCAAGCA CACCCTCAGT CATCATCCTC ATCAGGACAG NCAGCCNNGA 60
ACTCAAGTCT TACGCTTTGG GAGTTCTTTT TCTCNTCCTT CGTTTGTTGG GCTTCATCCC 120
NCCACCCCTC ATCTTCGGGG CTGGCATCGA CTCCACCTGC CTGTTCTGGA GCACGNNNTG 180
TGGGNGAGN 189

配列番号：7224
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08463
配列：
GATCTGATTT GGCCTGGGAC CAGTGTTCAA GTTGGTTTGG TCTTTATTAA AAATCACAAT 60
ATTCCGAAAA CAAAAAAACC TAGGAGATAA ATGTAAA 97

配列番号：7225
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08464
配列：
GATCTGAAAT NAGAGGTTTT GGTTTACCCT ATCTATGGTA TGTCTTAAAA ATCAACGAAG 60
ATGTCCTTGT CTTTTTTNAA TTTNCCGAGT GTGTTGCAGT TCCACAGCTC ACTGTTAGGT 120
GGCACATACC CCAAACTGAA AACCTGACCT CGTAGGGCAT GAGTCAAAAG ACAGGTAGGC 180
ACAGGACAGG GCAGTGGTGA CACTACAGCT TTCAGGGTTC CCAGCCTGTC AAGAATGAGC 240
ATGTCTTAGC AGGGN 255

配列番号：7226
配列の長さ：63
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08465
配列：
GATCAAATTT GGAAAACCTA ACATTGAGAC AATACTATAT TAAAGTATCT CTGGTACCCG 60
AAA 63

配列番号：7227
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08466
配列：
GATCCAGCAA TCTCACTGAG TATCTAACCA AAGGAAAATA AATCACTATA CCAAA 55

配列番号：7228
配列の長さ：220

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08467
配列：
GATCCAAGAA CCCTCTCTTG GGGTCTGAAT CATACCCCTT TCGGGTTACA GCCTATCACA 60
GCATTTTTAA TCCTATGCAC TTAACACTTC TGTATAGAAA AAGAACATCA CACTAGAATT 120
TTGATGACAA TAGATGACAA TATGATGAAT NTTATTATAT GAAGTGTTAA ACTTATTAGA 180
GCAGATATGG TACTAAAAAT AAAATCCCAC CTNCNCTAAA 220

配列番号：7229
配列の長さ：114
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08468
配列：
GATCGCGCCA TTCCACTCCA GCCTACACGA CAGAGTGAGA CTCCATCTCG AAACAAAAAA 60
AAGACTTGAT TTTTATTTTC ACTATCTTTA GCATAAATTG TTCTAAGAGT GAAA 114

配列番号：7230
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08469
配列：
GATCTTATAC AGAGAAGTAT TTTATTAAAA ATTCAAAAGG GAAGACTTTT ATGTGCTCAT 60
TTTGTAATTT TTAATTTTAA ATATCTTTAC ATTGTCTGCC AATTAAAGTG TTTTAAACTT 120
GCATTGGAAT GGNCTCTGAA TGTATTTNTN TGGTGTNACG TTATCCGTAG ATTTCTAGCA 180
TGANGTTAGC CTCACGATGC TGTGCAAAGG ATTTTNAAAT ATGAGAGTCA CTGANAGAGT 240
TTAANCATCT GTCCATGTTA AATGCTCTAT GGGN 274

配列番号：7231
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08470
配列：
GATCCTTTGT TCACGGCTCT CCTTAATGAC TGAGTGAACA GTTCCTATCT GTATATTTGA 60
CTAAACCTTT TCCTAAGCTA TCTCTCATGG TTCCTATGTT TTTTTATCAT AATTAAAAGC 120
AAAACCATCT GGAAA 135

配列番号：7232
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08471

配列：
GATCGAGCGG AAAATTCCAG AACTGTACAA GCCAATATTC AGAGTTGAGA GTCAAAAGAG 60
AACATTGTGC TGTCTGTCAG CATATGTATA TCAGCTACAA AATATATTCA ACTTTGACTT 120
CTTTTGACAA AGGACTTTAG GAAAAAGAGG AACAAAGACA TTATTTGAGA ATTAAATTAT 180
ATATTTTAAN TATGACTGTG ACCTTGACTG ATAATAAAGA TGTAATAAGA NTTGCAAA 238

配列番号：7233
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08472
配列：
GATCAGTTCA GCCAAGCAAC TGACAAATCA AAAACCCACT TGTCAGTTCN GTAAAATAAT 60
TTGGTCAGAA A 71

配列番号：7234
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08473
配列：
GATCTAGAGG GCTTCGAGTG AAGCCAATCA TGTTGAACGA ACACTGGTTC AGTGTAGATG 60
AANTAGAGTG AGGCGTATGC AGTCATAAAA TGAAGGGTGG ACAGGAGATT ACATTTGAAG 120
AAAGGATAAG CACTCAGACT TGGTCTCTTT TAAATTAAAA TATTTCTTTT CTCATGTGCA 180
AATGTATATC AAAGACTTGA ACAGGTATTC TCTTGAAATT TGAGGATTTT TAGTTTTTAA 240
TGCTGNCTTT GCTTANNATT AANNATGNGT NGCCTATTGG TTCCCAAATT GTNTGGGGNC 300
CCTAANNGTT NCCCCTNGAG GGGTNCATTT TTGAAGGNGG GTTANGN 347

配列番号：7235
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08474
配列：
GATCTTGTGT TTTGCTATCC TTTTTACTGT AAAATGTAAA TATTTTAAGG GATATTTTGA 60
TTCTAAATAT GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA 93

配列番号：7236
配列の長さ：417
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08475
配列：
GATCCCAATT CAACTTATCC AGAATAATTC TCTCCATTCT CAAAATTTCA NATGAGGAAC 60
ATNNNNAGAA ACTGTCTCTT GCCAATACCT TTAGTACTGG AATTCTCTCA TCTTCCTCAA 120

CAGTCTTGGC AGCTAGGAAA AAACAGCTGA TTGCAATACA ACTCAAGTAT TTTGGATGAG 180
CCTTTACGGT AGCTAAAAAC CCATCCAAAA GACTGCTAGC CAGAGCAAAT GTTTCTGGGT 240
AAAGGTTGAA TTGGTACTTG AGTTTGGCCA GCCATTGANT TACTTCATCT CTCTGGGATG 300
GNGAACATTC TGATTTGAAG GCATTTTCCG CACATTCACT TTCCACATCT GTGNCTCCCT 360
AGTGATTGCC TTTTCCACCA GGAANGCCAA TCTCTGGTTT TCCAAAGGCC CTNGGAN 417

配列番号：7237
配列の長さ：80
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08476
配列：
GATCAGACCC TCCTGTGGGC AGGGTTCTTA GTGGATGAGT TACTGGGAAG AATCAGAGAT 60
AAAAACCAAC CCAAATCAAA 80

配列番号：7238
配列の長さ：409
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08477
配列：
GATCTGCCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT TTGCGCCTGG 60
CCAGAAAAAT ACCTTTAAAA AGCTGGGCCT GTTGGTGTAC CTAAAGGATA ATACAGATGT 120
TCCTCTCAAC TTAGCATGGG GGTTGTGTCT CAATAAACCC ATTTTTAAGT TGAAANCGTT 180
ATGTGGAAAA TGCATTTTAT TATACCTAAC CTACTAGACC TCGTAGTTTA GCCTCCCTTA 240
CCCTACAGGT GCTCAGAACA CTTTNGNAGG CCCTACAGTT NGGGCAGTCA TCTAACACAA 300
AACCTATTTT ATAGGTAAAA GTNGTTTGAA TATCTCAAAG NTAATTTATT TGAATGGTTN 360
CCACTTGAAT NGCGGANTCN ANGTGTTTNN NAACCNGTNT GGTNNANNN 409

配列番号：7239
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08478
配列：
GATCTCATAG ACTTAGTACA AAAAAAGGTG AAATGTCTTG ATATTTTTGT ATATTGATTA 60
TTGAAATAAC CTTTTATGTT GGGCTAAATA CAAATATGTT ATTAAAATNA ATTTAACAAC 120
AAA 123

配列番号：7240
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08479
配列：

GATCTGAGGG GGAGAGGGAC GGGTCGGGCC AGCTGGTCAG GAAGGGCCTT GAGGGCCTGC 60
AGCCAAGAGT AGCAGTTTTC TCCCCCGTCT TGTTGTTCTT GGTCCCTGGA CCACAGGGCA 120
CACAGGCCTG GACACCATAA GGCTGGTGGG CTTTCAGAAT TGTGTTAGGG NNNNNNGAGT 180
GGCAGGTTCC TGAATCTCGG TCAATATAGT AACCAGCAGG ACAAGAGGTT CAGGAGGAGC 240
CCACATCAGA GGCTTCTAGG GCAAN 265

配列番号：7241
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08480
配列：
GATCTCTTGA ATTGCCATCT GTCATCTAAG TCTAAGGCTT TATGCTTAAT GANTTGTGGT 60
GTACTAGCTG GACTAGCTTC AGGAATGTCA GTGTGTTCTA CCATTAAGGT CAGATTGTCT 120
ACTACATCGA GATGGTGGTT GTAGTTACAG CTACTTTTAG AAACATGTCT ATTTTTTAAA 180
GACATAACAC ATGAATGAAG AAATTCAGAA TTTGGAAAAA AGGTCCGTAA TGCCTGACAA 240
AGAAAAATGT TCTCCTGAGG GTCTN 265

配列番号：7242
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08481
配列：
GATCCCAGCA CCTTCACATC TTCAGCAACC CAGNNGNTCA AATTTGACCT GGTGTTATTT 60
TAGCCCCAAA TTTATGACAT TACACAATAT TAAAATGTAA ATGTTTCTTC ACCCAAACTA 120
CTTCTAGATA TNCTNGNN 138

配列番号：7243
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08482
配列：
GATCCTTTGA GAGATGGTTT GACTTTCCCC GAGCAAAGAG CCTGCGTTGA AAAGCGGGGG 60
TGGAATTCAG TCCTCACAGA TAATGAGGGG ACAANACCTA ATTGANCCGN GTATTGCCGG 120
GAAGGAAAAG GCAACGGGCC AAGCCTTTGA CAGGGTGCGA AACTGACTTT NATCATCGTT 180
ATAGTCTTTA AATCCTGGGA AACGAGTTGG CAACCCCAAA ATAAAGAAGT GTAATGACGT 240
CTGATGACTT CACCCAAATA CAGACCATTC CAN 273

配列番号：7244
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08483

配列：
GATCTATAAA ACAGACAGAG ATAAGTACAA CAGAATATCT CGGGAATGGA CTCAGAAGTA 60
TGCCATGTGA TGCTACCTTA AAGTCAGAAT AACCTGCATT ATAGCTGGAA TAAACTTTAA 120
ATTACTGTTA AA 132

配列番号：7245
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08484
配列：
GATCCGCCTG CTTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTAGAG GCGTGAGCAT TCATGTCCAG 60
CCAGCACTGT GCTGTTTTTG ACATGCATGT TCTCATTCAN TGCCATGCGG CAGATTCTAG 120
GATTATNATT ATNCTCACTT TACAGATGAG GGAGTGAGAC TTAAAGGGGT TAGGTAATTT 180
GCCCACATCC CCCAACTAGC AAATGGTAGA GCCAGGATTG GAATTTGTTC AGGCTCTTAA 240
CCATTGCACT CTTTCAAAAT GTTAAAAATA ATGTTGTGTC TCATTTTAAA AAATTAAATA 300
AAANCTCTTT GGACCAAGAA A 321

配列番号：7246
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08485
配列：
GATCTCCCCA TTTGGAGACA GAGCCATTTG GATATTTNCC CCTTNAACTT CTCCANNNCC 60
TGAAGCGTTC CTTCCCTGGA GGAACTCTTT GGTTGCAGGG CTAAACTN 108

配列番号：7247
配列の長さ：139
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08486
配列：
GATCTCAGCT CAAATATTCC TTATGCAGAG ATGCCTTCCC CTGATTCCCT AAACTAGACT 60
CGGACCCCTC TGTTCTGCAT CTCTGTGGCA TATCATCTGC CCCTTTTGTA AAACTTATAA 120
ACTTGTGGTT ACTTGTAAA 139

配列番号：7248
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08487
配列：
GATCATGTGA GCTCAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGGCAAC ACAGCAAGAC CCTGTCTCTA 60
TTTTATTCTA TGTTTTAAAA TTTAAAAATT AAAAAGAAAA AAGAATAACA TTTTATAAGA 120

AAATATTTTA TGAGAGACTT ATAAAAGAGA CATTAAGAAT ATGAAGTAAT ATATTNCGTA 180
TTCCTTATCT CAATAATGCT GTAGGGAAAA ANCAATTGAA ATAAAAGCAG TAAATGAGTG 240
GAAA 244

配列番号：7249
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08488
配列：
GATCTAACTT GCAGTGTATT TTCTAGGCTG GAAAGTGGAA AATNAAATAT ATTATAATCT 60
TAGGTTACAT AAAGTTTCTA AAGTTTCAAA GAGTCTTGAT ACAAAATCAG TTTATATTCT 120
GAAAATATTT ATAATAAAGT ATTCTAATTT CTAAA 155

配列番号：7250
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08489
配列：
GATCGCACTG GAAGATTTTA TAAAAGAATT TTTGTGGGTC GGGGGGACAG TAAACTTCCT 60
GGGCCACGTG GGTCCTTCAG GAGTTTTTCA GGCAAA 96

配列番号：7251
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08490
配列：
GATCTNATAT TGAACCCTAT GCCAAATAGC GTGGCATGAG GCCAGAGAAC AGTGCTTNCC 60
TTCCCCGNCT CCACCCAAAT TGTCCCTTGC TCTNGATATT ATGCCAGTNC CATATTTN 118

配列番号：7252
配列の長さ：391
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08491
配列：
GATCTGGAAA CTATTTGGNT TTTNTTTTCA ACTTTTCATT TGGATGTTTG GCGTTGCACA 60
CACACATCCA CCGGTGGAAG AGACGCCCGG TGAAAACACC TGTTTGCTTT CTAAGCCAGT 120
GAGGTTGAGG TGAGAGGTTT GCCAGAGTTT GTNTACCTCT GGGTATCCCT TTGTNTGGGA 180
TAAAAAAAAT CAAACCAGAA GGCGGGATGG AATGGATGCA CCGCAAATAA TGCATTTCCT 240
GAGTTTNCTT GTTAAAAAAA ANTTTTTTTA AGTAAGAAAA AAAAAGGTAA TANCATGGCC 300
AATTTGTTAC ATAAAATGNC TTTCTGTGTA TANNTTATTC CTAAAANATC CTGTTTATAT 360
AANNNTTCAG TAGNTGGAGA AACTTTCCAT N 391

配列番号：7253
配列の長さ：385
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08492
配列：
GATCATGAAT CTCTAATAAA TTTAAATCTC TTAAACCAGT AGGTGCTTAA TATTTTTTAA 60
TTTGATTAAT GCCCATTTAA ATCTCATGGG TTCTATTAAA AATATATATA TATAGGGCCC 120
CAATCCATTG CCATCAAATT GCCCTTGGAC TTTTCCAAGG TATATTATGG GGTTTTATGC 180
AAAATTCCAA GCTACCATGT AACTTTTTTN AACCATTTAA CAAGGAGGGG GAACTGTTTC 240
CTACCTTCTT TACATGTTGT GCATTGTTGT GGTCCAGAAA TGCCAAACCT TTTTAAAGAT 300
GGTGCAACTT TGAGTCCTTG GCTTGACTAT ACAGGNCTTG AACTTCATGG CATATCAACT 360
TTGNCATATC TGCAGGTGNG CTGTN 385

配列番号：7254
配列の長さ：414
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08493
配列：
GATCACCATT TNTTTCCAGG CTTTCTGCCT CCNAGATGTG GCACCATAGT GCGGTGCCCT 60
GTGGCTTCAC CGCCCTACTT CCACCTCCGC CCAGCCTGTA ATGTTTATAT AAGCAGCCTC 120
AAGGACCAAG AACCATCTGC GAAAGGACAC ACACAGGAAA TTCATAAAAG AAATCTGANT 180
GGNTAAAACC ATGAAAAAAA GTATGCTTCA TTAGTAATTA AAGAAAGGCA AATAGAGCTG 240
GAAGCNTTTT NCCNTTNGCA AACCATAACA GAAAANNNTA NGACCCAATA TTGGCAAAGA 300
GACTACTGAA AANCCATTCC CATACATTGC GTGTGGGNGT ATACATCGGT GCAGGCTTCC 360
TGGATGACAG TTGGGTGATA TGTGTCATGT GGCCTAANAG CCTCCATGTC ANTN 414

配列番号：7255
配列の長さ：207
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08494
配列：
GATCCTGGTT TTGTGATTGA CAATATTTCA TGCTCTGTAG TGAGAGGAGA TTTCCGAAAC 60
TCTGTTGCTA GTTCATTCTG CAGCAAATAA TTATNATGTC TGATGTTGAC TCATTGCAGT 120
TTAAACATTT CTNCTTGTTT GCATCTTAGT AGAAATGGAA AATAACCACT CCTGGTCGTC 180
TTTTCATAAA TTTNCATATT TTTGAAA 207

配列番号：7256
配列の長さ：412
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08495

配列：
GATCAAGAGT ACACTTCCTG GCAGTGATTA AGGAGTGTGT ATCTAACAGA AAAAATATAT 60
ATACCCTGTG AACCCGAATA TGGAATTCAG ATTGTTTCTG CCCTCAGTAT CATACTTAAA 120
AAACAAGCAT ACAAACAAAC ATAAGGGAAC AAACAGCAAC CATAACAAAA ACAAACCTTT 180
AAAGGTGGGT TTTTGCTGTG ATAAATGAAT ACGGTACTCT GAAGGAGAAA AAAGTTTCTC 240
AAATGAGCTT AAACTGCAAG TGATTTAAAA NTTAGAGAAT ATAATTCTTA ANGCTATTGA 300
AAGTTTCAAC CAGAAAANCCT CANGTGAATT TTGTATGTAA ATGGCATCTT GNNTGTAAGT 360
TCTGTGNTTC TTTAGGCAAC CAATTAGCTG GAACCTTGGT TTTGTGTGGT TN 412

配列番号：7257
配列の長さ：406
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08496
配列：
GATCTGCAAA TCAAGCTACA TGTATTTGTG TATAAGACCC TGTGTTCAGG ACTGGGTGAC 60
TTTTCTAAGA AATATGGGGT TTAGAATGGG GTTGACTGTA TTTNTAAACC TAATTCTGGA 120
GAGAAGATTG TATTTNTAAC AGTTTTTTGG GTTTGGCTTC CTTCTCACAT TTCTTTAGCT 180
TTGAATTTTT ACTAAATAAA TTTCCTCCTG ATTAATTTTT TTTTTCCCCA TCTGGGAATT 240
TGAAATCTCG GTGCTTACTG TNACACCAAT TTGTCCAANG GGTTGAAATC ACTTTAATGC 300
CAGACCATGG TAATTTGCAG CCATTTCAGG CAGGTGGTGG NCCTTTTTNA TACCATCGTT 360
ACGGGGTCCC NTTAAATATT CTGGGGGGTG ATGTAAATNT AACGGN 406

配列番号：7258
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08497
配列：
GATCTCCATT TCCGCCAGCT GCCTGTAGCC ACGTGGCATC CTGCCTGTGG TCTGGGTGAG 60
ATTTACTGTG ACCAGATGTA GAATAAATGT GTCTCATCCT GCATTTTTTT TCTAAA 116

配列番号：7259
配列の長さ：435
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08498
配列：
GATCACTTTT TAGTTAGTTT GAAACCTGCT TTTAGTTTAT ATGTAGTATT TCTACATATT 60
GTTACTTAAA TTGAACTAAC AATTTACTTT TNAATTTTNC TTCTTCCTTT TAAAAAAAGA 120
GTATATAATC TGACAATGTT AGTACATCTT TTAGAAGGTC ACTATAAAGT TGCTTTCCCT 180
ATTTATTTGG AAAGGATTAT TTCCTTATNA TTTTAAAAAA TCTTTTAATT NNTGTCTTNT 240
CAAGTAATTT TATCATTGTA CCAAGCCTAA GGATGAGTGG CAATTTAAAA GNCACAAGGT 300
GTGCATCTTC TATCTGCAAA TACTCCAAAC AGAANTTATT CCAGTTTGTT GATACTTTGA 360
GTGGCCCAGG GAAAATGTGT ATGGTTTTAG TGTNCTGAAT TGNCATTCCA AAGGGTGCGG 420

AAGGTTNCTG TTAAA 435

配列番号：7260
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08499
配列：
GATCAAAAAA GGAATGGATA TACAAAGTGT TTTGTGAAAT AAAAGCTCCC TAAAATGGTA 60
AA 62

配列番号：7261
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08500
配列：
GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCGA CAGAACGAGA CCCTGTCTCC AAAGGAAAAA 60
CAAAAAAGAA GAATAAAATA ATTTGGATGA AAATCATGTT TATTTAAATA GTAATGTCAT 120
GAGACTATTA AAGATGTGCC AGAGTTTCAA TGAAAATCAT TAAAGTAGGA CAGCTAAGAA 180
ATTAATATTA ATATCAAANT TATTGATANT CTTAAATTAT TGATTATTCC TTAACGCACT 240
CCATTCTCCT TTTACATTTT ATCATGTTTC TTTTGAATAT ATGANTTGGC AAAGGCCTTG 300
ATGAAACTGA GTACTAAGAT TTGGTCCAGN GTATGTCAGG ANGNCACCTC AGATTGCCAT 360
TTTAAATAAN GTTGTNCATG ACCAATAAA 389

配列番号：7262
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08501
配列：
GATCCCGTGC TACATCTCCT CCCCGGACGA GTGCCTCTGG ATGGACTGGG TCACAGAGAA 60
GAACATCAAC GGGCACCAGG CCAAGTTCTT CGCCTGNATC AAGAGAAGTG ACGGCTCCTG 120
TGCGTGGTAC CGCGGCGCGN CGCCNCCCAA GCAGGAGTTT CTCGACATCG AGGACCCATA 180
AGCAGGCCTC CAACGCCCCT GTGGCCAACT GCAAAAAAAG CCTCCAAGGG TTTCGACTGG 240
TCCAGCTCTG ACATCCCTTC CTGGAAACAG CATGAATAAA ACACTCATCC CATGGGTCCA 300
AA 302

配列番号：7263
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08502
配列：
GATCGGAAGG TGGTGAATCT TTCCAGAGCA GCTGAAAATN TCAGCATGGA GACAGTAAGA 60

AAAGAGACGG GGTGTGGATA AGACTCTGCC ACCGTGTCAC ACTAGCATAG GAGGCTGCAC 120
GTTCATTTGT TGTTGTTTTT TTTTCCTTTG CCAACCTCCG TTCTATTTAT GTGCAAGCAG 180
TTTGGATTCA AGTTCTTGTA TCTGTCTGTT CTGGGACCTG GGGATTGTNA GGGTTCCCTC 240
ACAGCCAGCA CGACCCCCAG AAAGAGGCGT CCCACAATAA ACACGTCACC TGCTAAA 297

配列番号：7264
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08503
配列：
GATCAACAGT TCTATTACAG ATTAGAATGT TTCACTTCAC AGTTCTTTGT AAATCATGTC 60
AATTTTTATN ATAGNTGTCA ATTTGGGAAA ATCTGTATTA AAATTTTTAA ATGAAA 116

配列番号：7265
配列の長さ：442
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08504
配列：
GATCCCTAAT TGGCCAGGCC TGACCCTCTT GGACCTTTCT TCTTTGCCGA CAACCACTGC 60
CCAGCAGCCT CTGGGACCTC GGGGTCCCAG GGAACCCAGT CCAGCCTCCT GGCTGTTGAC 120
TTCCCATTGC TCTTGGAGCC ACCAATCAAA GAGATTCAAA GAGATTCCTG CAGGCCAGAG 180
GCGGAACACA CCTTTATGGC TGGGGCTCTC CGTGGTGTTC TGGACCCAGC CCCTGGAGAC 240
ANCATTCACT TTTACTGCTT TGTAGTGACT CGTGCTCTCC AACCTGTCTT CCTGAAAAAC 300
CAAGGCCCNC TTCCCCCACC TCTTCCATGG GGTGAGACTT GAGCAGAACA GGGGCTTCNC 360
AAGTTGCCAG AAAGACTGTC TGGGTGAGAA GCATGGCAGA GTTTTTCCCA GGACAGGTGT 420
TGACCAGGGC TTNTTGTTTA TN 442

配列番号：7266
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08505
配列：
GATCTTCTGA CATTACTGCT GTCTGAGATT TGTATATGTG TAAATACAAG TTCCTTGATA 60
CCCTAAAACC TTGGATTAAA CAGAATGTGC ATTGTACATC TTTAAACAAA ATGTATATTA 120
ATTTATTAAA TCTAGTTGTC ACTTTAAA 148

配列番号：7267
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08506
配列：

GATCTTAATT CTGTGTCTTA ACAGCAGGAG ATGAAATTCC CACATGGGAG ATGGCCTCCC 60
TGTCACAGGA AGGAATANCA TTCTCCCTAT CAATNNNGAG AAATTGGAAC TGNGAGAATT 120
CTGTATAGAC CCTTGTTCAA GTAATTNTTC TAGTTTAAAN CNTCCCAAN 169

配列番号：7268
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08507
配列：
GATCAAAGAG TCTCATCAAA GCAAGTTCTT CCCTCCCTGG TCCCCTTTGG CTTTCTGAAA 60
TNATTAATTA AAAGAAAGGC CCTAGGAAA 89

配列番号：7269
配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08508
配列：
GATCATTGNT TTATTTTGTA GTCCACCTTT CAATCACTTC ATGTATATAA AAAGGGACTT 60
TGAATGTAAT AGTCTTCATC TTATTTATTG AAAAGATGTA CTAAAGGAAT GACTATTTTT 120
AAAAAAAANCT CTAGTATTTA TCAATATGAC TCTAAGGGAA AAATCAAGAA ANTTAGAGGA 180
AGGTTCAANT TAGTAGTAAG GAATAGGANC NNNCATATNA NCTNN 225

配列番号：7270
配列の長さ：259
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08509
配列：
GATCTGTAGT GATGGAGTTC CTTCTGGTGT CAGCCCCACA GGAGGCTCCC AGGCCTCCCT 60
CACTTCCCAT ACCCAGTCTA GGAGCTCCTT CTGGCTCCCA AGCACCCAGA GCTTTCCTCC 120
GCCTTTNAGT TTTGGTTCCT CCACTGGAAT GTAGGCTCCT CACGGGCGAT GGCTGTCTTT 180
TCTTGACTTT GTATCTTCAC TGCCAAGCAA AAAGTCTGCC AAGTGGGAAT NTTTAATAAA 240
TATTCATTGA ATAATGAAA 259

配列番号：7271
配列の長さ：357
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08510
配列：
GATCCCAGAA GGAATGCTGA CCCCTCGTCG TATGACCTGT GCATAGTCTC CAGAGCTTCA 60
AAGGCAACAC AAGCTCGCAA CTCTAAGATT TTNTNAAACC ACAAAAACCC TGGTTAGCCA 120
TCTCATGCTC AGCCTTATCA CTTCCCTCCC TTTAGAAACT CTCTCCCTGC TGTATATNAA 180

AGGGAGCAGG TGGAGAGTCA TTTNCCTTCG TCCTGCATGT CTCTAACATT AATAGAAGGC 240
ATGGCTCCTG CTGCAACCGC TGTGAATGCT GCTGAGAACC TCCCTCTATG GGGATGGCTA 300
TTTNATTTTT GAGANGGAAA AAAAAAGTCA TGTATATATN CACATAANGG CATANAN 357

配列番号：7272
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08511
配列：
GATCTAAATN AACAGCATTT TTTTCCTTAG CCTCTGTTTG CCACTCTGGG TATCTCTCCT 60
ATGGGCAAAG CCATTAGAAA TGCATAAAAC CTCGAGACAT GGTTTTTGGC AAAAACTCCA 120
TGACTTTAAA CTAGCTCTTT NACTACTGAC CTTTCACAGA GAAAAAATAT TTCCCTTGAA 180
AAAAACTGGG CTTGTNATTT TTNCCCTTGT AGCTTTAAGC AGAGACATAA GTGCCTTGCA 240
TTACACATAG TAAACTTTCT TTAAA 265

配列番号：7273
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08512
配列：
GATCTTCTCT TTTTTTGGGT TCATTTTGTT CTGGGTTTTG GTTTTCTTCA CAATCTTGAA 60
CATTTTACAG TAGAACTCAT CTAAAAATGG ATTTGGGGAT GGGGAAACAT GCACAAAATC 120
TTTTCATAAT TAAAAAGAGC CTTACTTTCT TTACATACCA CAAA 164

配列番号：7274
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08513
配列：
GATCCGTTCC GTGGTCGCCC TGCACAACCT CATCAACAAC AAGATTGCCA ACCGGGATGC 60
AGAGANGAAA GAAGGGCAGG AGAAAGAAGA GAGCAAAAAG GATAGGAAAG AGGACAAGGA 120
GAAAGATAAA GATAAGGAAA AGAGTGATGT AAAGAAAGAG GAGAAAAAGG AGAAANAGTA 180
AAACATGTAT TAANTAGCTT TTTTAATTTG TAANTTAANA TCTTACANAC TNGAANCNAN 240
NNN 243

配列番号：7275
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08514
配列：
GATCACAGGC CTTGAGAGAG NAGAATAAGA CACTCTTGGG GACAGAAAGT TAAAACACCG 60

TGTGTCCTCA CTTATATGTG GGCGCTAAAA AAGTTGATGT CATAGAAGTA TAAAGTAGAA 120
CAGAGGATAT GGGAAGGTGG GAAGGGTAGG GGGAAGGGAA GGATAGGGAG AGGTTTGTTA 180
AAGGATACAA AATTACCACT CGATAGGAGG AGTAAGTNCT AAGTNCTAGT ATTCTATACC 240
ACTGTAGGAT GACTATAGTT AACAN 265

配列番号：7276
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08515
配列：
GATCGCCCGC ATTCCGGAGC CTTCAAGTAA ACGGCGCGCC CCACGAGACC CCGGCTTCCT 60
TTCCCAAGCC TTCGGGCGTC TGTGTGCGCT CTGTGGATGC CAGGGCCGAC CAGAGGAGCC 120
TTTTTAAAGN ACATGTTTTT ATACAAAATA AGAACAAGGA TTTTAATTTT NTTAAGTATT 180
TATTTATGTA CTTTNATTTT ACACAGAAAC ACTGCCTTTT NATTTATATG TACTGTTTTA 240
TCTGGCCCCA GGTAGAAACT N 261

配列番号：7277
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08516
配列：
GATCCACATC TAGTGAAATG TCAGTGTCAA AATATTATAG ATTATAGCTA AAATCCAGAT 60
TAATACTCAT TTGGGGTTTT TAATAGTGGA ACTTCATAGT AATACAAAAA GCAGATTGTC 120
TTCCTGTCTC CGCTGCTCCC ACAGTAGGTA TTGAAACTGG TAAAANCAGT TTTTTGATAG 180
TGTGTGTATA TAAGANANNN TAGATACACA CATTCTTTTT CCTCAGTCAN CACATTGATT 240
GACCACTCTG GCAAAGATGN 260

配列番号：7278
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08517
配列：
GATCCCACTC CACCCCACCT CAACTTATTT AACTTCCTAA TTAAATCAGA CTGTTTGAAA 60

配列番号：7279
配列の長さ：156
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08518
配列：
GATCTGGAGA CTTAAAAAGA AAACAAAAAC AAATGGCAAG TTTCACTTAA GGGTGGTTTG 60
CCCTTAAGAA GAAAGCTGTT GGGACAAAGA CACCGAGCCA TTATACCCAG AATAAAATAA 120

TACATTTATG CTGGATTTTA TTCAGACCAA ACTAAA 156

配列番号：7280
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08519
配列：
GATCATTGTT TAGAATATTT CCGCCACCTT AGAAAGTTTT GTCATGCCTT TTTTTTCAGT 60
CAGTCCCTCC CCTTCACTCA CTGCAAGACC ACCACTGTTG TGACTTTTAG CATCTAAATG 120
TAGCTTTGGA ATCATGTAGT ATGTACTCTC ATGTCTCTGA AATTCATCCA TGTTGTTGCA 180
TAATTCAGTA GTTCACTACT TTTTAATTTC TGATTAGTAT TTCATTGTAT GGGTGTACTG 240
TAATTTGTTT AACCATTCAC CTGCTGTTTA ATCTTTTGAG CTGTATGCAT TTGGCTATTA 300
TGAATAAAGC TGCTTTGAAC ATTCCTAAA 329

配列番号：7281
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08520
配列：
GATCAGAGAA GACCCCTGAG ATGAATCAGG GCCCTGCCCT GNCCACCAAC TCTTTTCTAG 60
CAATCATGTC CTGCCCAGGC TGCAGGCTTC ATTAGGCTCC TGCTGTCCTC CATGATGTGA 120
CTAGCACAAG GTGTATATAT GTTTTGTACC TCTGCCGATG GCTGTACATA GTGTATGAAA 180
GTTATTTAAG CCCCATGTTG TACATTTCTG TTCCTAGATT GGATGTGTGT GTTCTAAGAA 240
GTTGTCATAA ATAAAACCTG AATGACCAAA 270

配列番号：7282
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08521
配列：
GATCCAATTA TTAGAAAAGC ACTCTTAAGA GTGCAATGAA TGTGATTTGA AAACTTGAAA 60
GCAGCCTAGA TTTTACTATA TTTGTTATTG TTATCAATGG GGGTTTGTCA ACCTTAAAAA 120
TTATTTTTNA TGTAAAGATA CCTAGGAATT TCTAATAACT GTATTTGTTT TAATAAACTT 180
TGACTTTGCT GTAAA 195

配列番号：7283
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08522
配列：
GATCTACCTC AGTTAAACAG TTGGGTGCTA TTACTAAGTC TGTCAAATTA AATTGGAAAA 60

AGTAACCAAA CGGTGAGATA CAACTCCACA TGAAACTTGA AATTGTAATT TCCGTTTATT 120
TAATGATATT TTNATTTATT TGTGCCTTTT ATGTTGAACC CCAATGCATT GAAAAANTTC 180
AGTATGAAAC AGTACATATT TNATTTATAT TACAGGTGGG AGAAAAGTCC AATTGGTCAT 240
GGAATTTGAT AGACTTTTCC CCAGCCAACT GCTACAGTGT ATTATAATCC CGACTGCCCC 300
CCTGTGAAAA GANAAAAAAA ATTGTCCANG GGCAATTTTN CCATTTNCNA ACCANTANNG 360
NCCANNCTCC TTTAAAANGN GNGNNN 386

配列番号：7284
配列の長さ：187
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08523
配列：
GATCAGTTAG TAGGCTTTCG NTGTCTTCTC TTTCAATACA TGTACATCTT TACTGTTTGA 60
AAAGTGTTAC AGCTGTCAAA GAATCTTCAT GGACCTGAAG ATAATTTNTT GTGAAGTTGA 120
ATGCAAGTNT ACTGTCATTC ATAGTGTTAA TATCAAANTA CCAGGAATNT TNACTTTTNC 180
NACCTNN 187

配列番号：7285
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08524
配列：
GATCTCAGAA ATTGTATCTN AGTTGGTATC AACCAAATGG AGTGACTTAG TGTACATGAA 60
AGCGTAAAGA GGATGTNTGG CATTTNNACT TTTGGCTTGT AAAGTACNGG CTN 113

配列番号：7286
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08525
配列：
GATCAAAGAG TAAGCCACAC ACGGATAATC AGTTACTAGG GATGGAGGTG TGAGGGTTCA 60
TTATATTATT CATTTTACTG TTGTATATGT TTGAAAATNT CTATAATAAA AAGCTTTAAA 120

配列番号：7287
配列の長さ：65
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08526
配列：
GATCATGTGT ATGAATTGTT GGTGCTCTAA AGAACAGCAC AAATAAAATN ATTTTCAAAT 60
TTAAA 65

配列番号：7288
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08527
配列：
GATCCGNCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGANCCA CTGCACCCGG 60
CCCCATTCCT CACTTTAGCC TCAGGCAGAG AAGACNGCGC GATGGGGNNN 110

配列番号：7289
配列の長さ：296
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08528
配列：
GATCTGCGAC ACTGTGGACT GAACACACTG AAGCTCTGAT GGGAAAACCT GGTGACTGAT 60
ATAGTTGTTC AGCAATAATT CATAGTCTGT GATGAAGAGT AGTGAATACA ACACACAACC 120
AGGCAGCCTT CTTGACTATA CTTTGCACAT GNTTTCTTTA GGAATTCACT CACACATTTA 180
AACCAGTTAG TGCCTTCTAG AAGAATGGCT TTCCTTTNTN CTACACAAAN TTTGAATTAT 240
ACAAGNNTCT AAATATAATA CCTTTNAATA AAAAGGNTAA TTNNGNCCCT CTGAAA 296

配列番号：7290
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08529
配列：
GATCAGGTCC AAGCAAAACG TCCAGAGTGC TACAAAATGT TGCGTTCTCA GTCCAAAAAG 60
AAGTGGAAAA GAATCTGAAG TCATGCTTGG ACAATGTTAA TGTTGTGTCC GTAGACACTG 120
CCAGAACACT ATTCAACCAA GTGATGGAAA AGGAGTTTGA AGACGGCATC ATTAACTGGG 180
GAAGAATTGT AACCATATTT GCATTTGANG GTATTCTCAT CAAGAAACTT CTACGACAGC 240
AAATTGCCCC GGATGTGGAT ACCTATANGG NGATTTCATA TTTTNTTGCG GAGTTCATAA 300
TGAATAACAC AGGAGGATGG GNTAAGGCAA AACGGAGGCT GGGTATGTGT GATGGGAAAA 360
CTTTCTTCAT TGGTNCTTTC N 381

配列番号：7291
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08530
配列：
GATCACCCCC GCCGACGGCC CCGGGCCCCG ACGGCCCGGA AGTTCCGCAA A 51

配列番号：7292
配列の長さ：347

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08531
配列：
GATCATTCTG TTCTTTCAAG GAGAAATAAG CCTAAAAGAA GAAAAACAAA AAAAATTCTG 60
TATAAAACTG TAATCCTTTG TATTCATGTT TACAGTGCTA TTACTATAAT NCAAAATTAT 120
GTATGTGACT TAGAGTTATA TAATCATAAT TTATGTTTAT TTCAAATATC TAAGTTTATT 180
GCTTGGATTT CTAGTGAGAG CTGTTGAATT TGGTGATGTC AAATGTTTCT AGGGTTTTTT 240
TAGTTTGTTT TTATTGAAAA NTTTAATNAT TTATGCTATA GGTGATATTC TCTTTGAATA 300
AACCNATAAT AGAAAATAGC AGNCACCATA ANCATCTTTG TAAATNN 347

配列番号：7293
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08532
配列：
GATCCAGAAA CTTTTCCCAA GAAGCTTGGA CATGGATTGC TGGTAAACAC AAAAACTGCA 60
TGGAGGGCAG AGCAGCCGGT TGACTCCCCC TTGTCAATAT CTTAAAGTGG AAAAGCTTGA 120
AA 122

配列番号：7294
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08533
配列：
GATCATCTTT CCTGTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
GTGTACTGAG CTGCAACTTC TTAACTTCCC TAACTNAAAG ANCGACTCTG ACAGAAACTN 120
TNTTTNCNCA ACAGTTTN 138

配列番号：7295
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08534
配列：
GATCCTTCCG GNGGAGTGTC GGAGAAGAGA GCTTGCCGAC GATGCCTTCC TGTGCAGAGC 60
TTGGGCATNT CCTTTACGCC AGGGTGAGGA AGACACCAGG ACAATGACAG CATCGGGTGT 120
TGTTCTCATC ACAGCGCCTC AGTTAGAGGA TGTTCCTCTT GGTGACCTCA TGTAATTAGC 180
TCATTCAATA AAGCACTTTC TTTATTTTAA A 211

配列番号：7296
配列の長さ：152
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08535
配列：
GATCAACGGT ACTTGTTTTA AAGAAGCTTA TGTGGACTTT GTCTTTTCTC GTTGCCACAA 60
CCTCTTTTAA TGTGCCTATA GTCCACTATA GCATGCATAT CTCAAATTGC AATTCCTTGC 120
AATTCTGGAA TAAACGCTTT ATTTTGGAGA AA 152

配列番号：7297
配列の長さ：381
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08536
配列：
GATCTGCTGA CTTATATAAA GCTTTTTGAT TCCTACTAAG CTTTAAGATT TAAAAAATGT 60
TCAATGTTGA AATTTCTGTG GGGCTCTATT TTTNCTTTGG CTTTCTGGTG AGAGAGTGAG 120
GAAGCATTCT TTCCTTCACT AAGTTTGTNT TTCTTGTCTT CTGGATAGAT TGATTTTAAG 180
AGACTAAGGG AATTTACAAA CTAAAGATTT TAGTCATCTG GTGGAAAAGG AGACTTTAAG 240
ATTGTTTAGG GCTGGGCGGG GTGACTCACA TCTGTAATCC CAGCACTTTG GGAGGCCAAG 300
GCAGGCAGAC CACTTGANGG AGTTCGGGNC CAGCGTGGCC ACCGTGGTGA ANCCCTGTNT 360
CTNCTAAAAA TNCAAAATTT N 381

配列番号：7298
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08537
配列：
GATCAACAGC CTCCTCTCTT GGGGACTCTC AAGAGCCTGT TTTCATCTAG AAGTAGTAGT 60
TTGATTCTGG TTTCCCTCCT ACAGTGTGTC CTCCGTCTCT TTGCAGCTCC GTCATTACCA 120
TAGGGGACTT GGTTTTAGAC TCTGATGAGG AAGAAAATGG CCAGGGGGAA GGAAAGGTGA 180
GTGGGAAGGA GCAGAAAGCT GGGAAAGGGG ATGGGTAGAA CAAGACTGAG AAATCCACAT 240
GCTTCAGANT TCAGAGGGTT CAGGGAATNG TTTCGGATAG TAGGCTCTCC CTGCTCCCTT 300
CTCTACAGGA ATCTNTGGAA AACTATCAGA AGACAAAGTT TGACACCTTG ATACCCACTC 360
TNTGTGAATA CCCTACCCN 379

配列番号：7299
配列の長さ：82
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08538
配列：
GATCATTACA AACAAAAACT GTAATTTTNT TATATTTGAT TCAATGGAAT TTACCTAAAA 60
AATAAAGACT AAAAATGTGA AA 82

配列番号：7300

配列の長さ：225
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08539
配列：
GATCCCTTTA TTGACAGCCA GTTTGAGGAC ACTGTCCCAG CATCTCTAAT GGAGCCTGAG 60
CCGGTGTGAG GACCAGGATG TCTTTTCCCA GCCCCAAGAG ACCTGTTGCT GCTTTCTTGT 120
AATNATGGGG CTCCCCAGAG TCTGCGTAAC AGTCTCCCAC TGGCTGGCTC ACCCACAGGT 180
GCCATGTGCA CACTCCTGGT TTTCAAACAA TTCTCTGGAT TTAAA 225

配列番号：7301
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08540
配列：
GATCATGCAT GCCAATCCCT GTTGCCGCAT GGAGCTCCTC AGCCCACTGA CCTCTCCGTG 60
CCTGGTGCAG GCCAGGCCCC CGTCTTCCGC CTGCCTCTGC TTCCCCGTCA TGCATGGTGG 120
TGGTGTTTCT ACGGTGTCTG GTTCTGTGCC CGTCTCTGAG ACAGTCTCTG TGTGGAATNT 180
GCCTTAAACT GAAGTAAATN TGGTTCTTTT AGTAAA 216

配列番号：7302
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08541
配列：
GATCAATTCA TGCAAGATAT AATCATATTT TTTAATTAAG AAAATTTTTT TTGTAGAGAT 60
GGGGTTATGC TGTGTTGCCT GGCTGGTCTC AAACTCTGGG TCTCAAAGCG GTCCTCCTGC 120
TTTGGCCTCC TAAGGTGCTG GGATTATAGG CATGAGCCAC TGTGCCAGGC CTGAGGATAT 180
TATCATTATA AATATATATG TACCCCACAC TGGATGACCC AGATATAAAG CAAATATTAT 240
TAGATTTAAA GGGAGAAATA GACTCTAATA CAATAGTAGT TGAGGACTTC ACTCTACTCT 300
CAGCATTGGA CAGATTTTCT AGACATAAAA CCAATAAATA TTGGATTTAA ATTGCACTTT 360
ACACCAAATG GTCN 374

配列番号：7303
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08542
配列：
GATCCCATTT CTATGAAATG TCCAGGGCAG GCCCAGCCAC AGAGACAGGG AGTAACGTGG 60
TGGTTTATTA TAAATTTTTC ATGAAAATAA AATATACAGT ACTCTCGTGN AAA 113

配列番号：7304

配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08543
配列：
GATCTGCACA GCCTCTAGAG GCCTCCCAGC AAATGCGGGG AGCCATGCCC CCAGGGTCTA 60
CACACTCTCG TTCATCAACA TCACAACTGG AATTCGGGAT TTGTGAAGTT TAGAGCTGNA 120
CAGACTGTTA CAGATTATGA GTCAACACGT ATATTTTCTC TTTCAAAATA ATAATATTTC 180
GTTTTTGACT TTTTACTAAG TGAATATTAT TTTTTAAATC TGCCTATATA TTGGAACCTC 240
TATTTTATAA TAATAATGAT AATAAATCAG TACCCAGAAG TATAAA 286

配列番号：7305
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08544
配列：
GATCTAAATN ATGTACTTGT TAGTGTATTC ATTCATATTG ATTGTAAAGG ATTATTTTTC 60
ACTCAGTACT GATGTCCTTG GAAATCTTAC CTGGAAACAT GTTTGCAAAA AACAAA 116

配列番号：7306
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08545
配列：
GATCCCAAGT CTACCCTGGA AATNCCCAGG CACAGCATGC CTGGAGGTGT GAGCCGCCTC 60
TTAGAAGCTT TATAATCCCG GATAATNCTG CTGTAATTGG CATTGTTTTT CCATTACAAT 120
CCTTTCATTA CCTGAAA 137

配列番号：7307
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08546
配列：
GATCCCAGCT TGGTGGGAAA GTGCAGAAGA ATTGCAAAAC TGACATCCCA TNTNACAGCA 60
ATAGTGACCT TTATTTAAAT TGTTGTGTTA TAGTTTATGC TTCTTAAATC ATTTTTCAAC 120
NTAAACAGCC AATTTCTAAG CAGACAGGAA AACTAAATAA TAAGTTNATT NATATAACAA 180
AGATGCAGGT TCCTGCTCAT TCCAGTAATG TCTTTGAAAG CANNNCTNAT ATTTNTTTTC 240
TAGATTATCC CTGTGAATAA TTGAGANCTT TTTGGAGTCA AGNATGAATA AAGGTGTGGC 300
AAGGNTATAA ACANNAN 317

配列番号：7308
配列の長さ：337

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08547
配列：
GATCTGTCAG AAAAGACATA TTTTTGAGAT AAAGGAGTTT CTAAATAATG AATTATTGTT 60
TAGTACCAGC TTTTGGAATC CTTACATTTT AAGGAACTTG AATAATTTAA ATATTAGATA 120
ATGTAACTCC TCATAAAAAC AGTGTCTAGA CAAGGGCCAA TATTGCATTG AGATTGGATG 180
AACATTTTAT TTTGCATATA ATTGTTGTCT ATAAAACAAA ATACTAATAA TAATGGCTAC 240
CNGTTAGNCA NTTTAGNNCN TGTCTTACTA TTTACCNNTG TGGNAAAACA TTGCATGNTT 300
TAATNTTTTT CTAATAAAAT ATTNTNCCAT TANCNNN 337

配列番号：7309
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08548
配列：
GATCCCACCA ATCCTCGTTC CCCCTAAACA TGCTAACAAA AATCCCTTAT TGTGGGTATT 60
AAAATAATAA CAGTTACACT GTATGCATAT TTATGTGCTC CTTTTGTCTG GTTTTNCTTT 120
TCATCATGTA TAAGCTGAAT TCAGCATTAG TTTCTCACAT CTTCCCCCAG GTATCCCCAA 180
CAGAATTTTT ATGTCCCAGC TTGTATTAAA TAGAAGTGAA ATATTAAGGA AAATAAGGAA 240
CTTGTGCAAC TTTTTTNATG CATTGTTCTC AACCATTTAA TTTATTGAAA GGAGATGCTG 300
CAACAGTTCT TGATTTAGCA GCAGTTATTC TCTTGTTTAC ATAGTTATGG TTTTNTGTTG 360
TTGGTTTTTG CTCTGGTACT GGGAACCGN 389

配列番号：7310
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08549
配列：
GATCCAGGTC TTCTGATTCT TATTCCAGTG TCCTTTCTAG CATACCATGT TGCCTCTAAA 60
GATTGCAGCT CCTTATTTAC TAGAAAATTG TTCCTGCCCA ATCTACATCT CCACCTCACC 120
CCATCTTTTC TTAAGCACTA TGTTTGTGTT TTTATCAGTA TTATATTCAT TGTCTTTGGA 180
ATACATGTTC TTGTTTGTGT TTGGAAAAAA AATCTCTTTT ACCAGCTTGC ACTCGGACCA 240
ACTTGGAAAA AAAAANGCTT AAATGTTTTN GCTATGTNCA GTTTAAAAAT GTGAAGTTTG 300
TNGCTTTANC TTTTTGTAGG AAAATCTANT ANCACTGGCT TAAGTGCTGA CTTGAAATGC 360
TATCCAN 367

配列番号：7311
配列の長さ：56
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08550
配列：

GATCCAGCGA ACCACTGCAC TCTAGCTGGG GAGACAGAGC AAGACTCCGT CTCAAA 56

配列番号：7312
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08551
配列：
GATCTCTTCC CTTAGGAAAT ATCAACATCT TTATGTACAT GTCAGAGTCA TGGTGTGATG 60
ACGTACTTTG AAGCATGGAG TCAGTTTTCA AA 92

配列番号：7313
配列の長さ：368
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08552
配列：
GATCCACTTA TGAACTGAAC ATTCTCCATG AACAGGTGGT TGGATTGGTA TCTGTCATTG 60
TAGGGATAGA TAATAAGCTC TTCTTATTCA TGTGTAAGGG AGGTCCATAG AATTTAGGTG 120
GTCTGTCAAC TATTCTACTT ATGAGAGAAT TGGTCTGTAC ATTGACTGAT TCACTTTTTC 180
ATAAAGTGAG CATTTATTGA GCATTTTTNC ATGTGCCAGA GCCTGTACTG GAGGCCCCCA 240
TTGTGCACAC ATGGAGAGAA CATGAGTCTC TCTTAATTTT TATCTGGTTG CTAAAGAATT 300
ATTTACCAAT AAAATTATAT GATGTGGAAA AAAAAAAAAA AATTGCGGGC TTGNANGNTN 360
GGGGTCAN 368

配列番号：7314
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08553
配列：
GATCACACCA CTGTACTCCA GCCTGGATGA CAGAGTGGAG ACTCTGTTTC AAAAAAACAG 60
AAAAGAAAAT ATAGTTTGAT TCTTCATTTT TTTAAATTTG CAAATCTCAG GATAAAGTTT 120
GCTAAGTAAA TTAGTAATGT ACTATAGATA TAACTGTACA AAANTTGTTC AACCTAAAAC 180
AATCTGTAAT TGCTTATTGT TTTATTGTAT ACTCTTTGTC TTTTTAAGAC CCCTAATAGC 240
CTTTTGTAAC TTGATGGCTT AAAATTCCTN ATTAATNCTG CCATTTCAAN TTCCAAA 297

配列番号：7315
配列の長さ：86
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08554
配列：
GATCTTTGAA TGAGCTTTTT AAGGAAGAAA TATTATATAT TGTTTGTTAA AGTTTATTGA 60
AATAAAGAAT CATTTAAATC TTCAAA 86

配列番号：7316
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08555
配列：
GATCCAAATT GTGAAGCCGT TGGTCAGGTG CCTGGCTACA CACAAAATGG TGGAGGCTTA 60
GCCTAAACAG TTTCTTCATT TCACATTAAA ATCCTAATTN NTGGCTCCTC TCAAAATGAG 120
TTCTAGAAGC ACNGGNTGTA GATTCCCATG TGGACACAGC CTTCAGGAGG TGAGCAGCAG 180
CTCCCTGCAG CCAGCTGGAG CCTGCCAGTT TTCCCTAGTG CCCAGCACTC CTGAGCTTCT 240
GCCCTCCGAG GGATTCCCGA AGTTTTTTCT AATGGGNTTA GTGGNGNCNC CTTTGGGGTT 300
GCTTNGGTTT CNTTTNGTTA NGNGCCCTTG NTTTTAAATT AAANCNGGGC CATTNN 356

配列番号：7317
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08556
配列：
GATCTGTGGG ACTGTCTGGG CCTGTTACTC ATCCTGCTAT CAATTTCTTA TTAATTAATC 60
TTGATGATTC TNATTAATTA ATCACATTTG CAGGAAATTC AGATGAGGCA AGAAAATTTN 120
ATTGGCCTGG GNNNGACTGA AAGCATTCCA AATTAGGCTT AGACTGTGCA AAGGGCTTAG 180
CTAAGTTATC GAGCTTAAAA CCCGTCAATT AANCAAACAT TATTTGANCA GTTACTGCAT 240
GCCACGCACT GTGTTGGGCT TAGTAATAAA ANNNAGNAAA GGTAAGNGCT TGTNCTNGCC 300
TAAATTAAAG GGTCCCCGGG GGTTTTTTCT NGAGGGGGCN NCTGCCCCN 349

配列番号：7318
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08557
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC GCTGTCTCTG 60
CTAAAANTAC AAAANTTAGC TGGGCATGGT GGTGGGCACC TGTAATCCCA GCTACTCGGG 120
AGGCTGAGGC AGGAGANTCG CTTGATTCCA GGAGGCAGAG GTTGCAGTGA GCCAAGACTG 180
CACTGTTGCA CTCCAACCTG GGCAACAAGA GCAAAACTCC GTCTCAAAAA AAAANGTGTT 240
TAATTATTCT AAAAAAAATT CAGCCAGGTT ATTCCAAATT NTAATTGAAA NCNGGGGCCC 300
CAGGTTAANC GGGGCCTTAC CCTTCCCTTN GCNCTTTGGA NTTTNNCCAT N 351

配列番号：7319
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08558

配列：
GATCAGCAGT GTTGACCATT TATGCTGCAT AGCTGGTATT ATAGCCTTAT TAGTTGTGTG 60
GTTGACCCTT GGGGTATACA AATGTCAGTC TGAGTGGTGN CTTACTCCTT TGTTTATAAG 120
TGAATGATTG TGCATGTTTT GTATGTCATA GTATGTCGTC ACATAAAAGG GAGGGAGCGA 180
AAAACCATTA CATTAAGATA ATATTGGACC AAACTACTTA CTTGCTCTAA ACAGTTACTT 240
GTACCCCTTA ACCTGTCTTC AAAAGTTGCA TATAGTTACA GTAGTGTATA AATTAAATAT 300
TGTGGAAAAC CANNAAAANN NNNNANNNNN NNN 333

配列番号：7320
配列の長さ：192
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08559
配列：
GATCAGCTGA AGGTTCATGG GTTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTGAGGAT 60
TTCCTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTC TCCCTTGTCA CAGGTNTAAA ACCTCACAGT 120
TGATAATGTA CCATTGGGGN CCGTTTTAAC TGGGCCTAGG NACCCCCTCA NGAATAACCT 180
GNAAGGGCCA AA 192

配列番号：7321
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08560
配列：
GATCGTGCCA TTCCACTCCA GCTTGGACAA CAAGAGCAAA ACTCCGTTTA TTAAA 55

配列番号：7322
配列の長さ：78
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08561
配列：
GATCAGACCC CCACAATATG TCTCAACCTC TGTTGAAGGG CTAGTGATGT TTAAAAAAAC 60
CTGTTATTTC CAATCAAA 78

配列番号：7323
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08563
配列：
GATCTGGTAT TTCCTGGACT AAATTCCCCT TGGGGAAGAC GAAGGGATAN TGCAGTTCCA 60
AAAGAGAAGG ACTCTTCCAG AGTCATCTAC CTGAGTCCCA AAGCTCCCTG TCCTGAAAGC 120
CACAGACAAT ATGGTCCCAA ATAACTGACT GCACCTTCTG TGCCTCAGCC GTTCTTGACA 180

TCAAGAATCT TCTGTTCCAC ATCCACACAG CCAATACAAT TAGTCAAACC ACTGTTATTA 240
ACAGATGTAG CAACATGAGA AACGCTTATG TTACAGGTTA CATGAGAGCA ATCATGTAAG 300
TCTATATGAC TTCAGAAATG TTAAAATAGA CTAACCTCTA ACAACAAATT AAAAGTGATT 360
GTTTCAAGGT GGAAA 375

配列番号：7324
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08564
配列：
GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GCGATTACAG GCATGAGCCA CCGCGCCTGG 60
CCGCTTTCGA TATTTTCTAA ACTTTAATTC AAAAGCACTT TGTGCTGTGT TCTATATAAA 120
AAACATAATA AAAATTGAAA TGAAAGAATA ATTGTTATTA TAAAAGTACT AGCTTACTTT 180
TGTATGGATT CAGAATATAC TAAATTAACT TTTTAAAACA CAACTTTTAA AAAATGTATC 240
AAAATAATAA ACGTGTTCTG ATATTTTTAA A 271

配列番号：7325
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08565
配列：
GATCCCCTGA GTTCAAGAGT TTGAGACCAG CCTAGGCAAC CTTGTCTCTA CAGAAAAATA 60
AATAAATAAA TAAATAAACA AACAAACAAA CCAAAAATTA AA 102

配列番号：7326
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08566
配列：
GATCATGAGG TCAGGAGACC GAGCACCATC CTGGCTGACA CGGTGAGACC NCGTCTNTAC 60
TAAAAATACA AAAGCAAAAA TTAACTGGGT GTGGTGGCGG GTGCCTGCAG TCCCAGCTAC 120
TNGGGAGGCT GAGGCAGGAG AATGGCATGA ACCTGGGAGG CGGANTTGCA TTGAGCTGAG 180
ATGGCACCAC TGCACTCCAG CCTGAGCGAN NNNNNN 216

配列番号：7327
配列の長さ：176
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08567
配列：
GATCTGCTCT CTGTTGAGAG TTGGTAATCA TTGGTTTGAA ATGTGATGAA ACCACTCAAG 60
CCAATGAAGG TGGGTGTGTA GGTGGGGAGT ACTTTGCCAT AATATTTTAA AACATTACCT 120

GGTTAGAGTT CTAAGTGGTA CTTATTTTTG TTTGGTTAGG GGAAAGCCTG AATAAA 176

配列番号：7328
配列の長さ：106
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08568
配列：
GATCTCTGGC TGTTTGATTT TTTTNATATT GTATTTTTAA AATNTGTTAA ACAGTGCCCT 60
GTGAGCACCA AGTACCACTA GATGAATAAA ACGTATTATA TCTAAA 106

配列番号：7329
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08569
配列：
GATCCGGCAG GCAGAGAGGA AAAAGGGAAC TTGTACCAAG CACAAACAGG NTCTAGGCAT 60
AGTGCTGTGT ACTTAGGTTC TTCCTGTGCT TCAGTCTTTC CAATAAATCC AGGGGTTAGG 120
TTTTAATCTN NCTATTTNAT AGTTACAGAC CATTTTAAAT GGACAAGCAG CCCATTTAAA 180
GATAAAAGTA CTTAGATGGA CTAGCAGCTT CTCTCACCAA TTATTTCACC ACACAAAGNT 240
AACATCATTG TGAAATTTGG TTTAGTTAAC ATGCATTCCC TGGCCTGCCT CACACCGGAC 300
CTNTACCCGG TACCATGCAA ATGCACATCT GCTGCTACAC TTGTGGGATG CTGGTTTAGG 360
TAATTNTTTT TTATAATNN 379

配列番号：7330
配列の長さ：271
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08570
配列：
GATCCCAGCA GAATACCAAA ATCCTATTTT TTTTGACTGA GTATTTGTAG ATGCTTAATG 60
ACTGAAATNA ATTTGGAGGC ACTGATGAAA GTAATTTTTT NAAAGTTCTC AGGTACTGTT 120
CAATTATTTA ATGTTAAGTT TAGTATCAAG ATACAGTTGT TTTNAAAATG CCAAAATGCT 180
GTTTATNATA CAGAATATTT NATTACATTT GCAATATCTT TGTATATAGT GATTTTNTNC 240
TTGATAATAA ATGGAAAANT TCTAAACCAA A 271

配列番号：7331
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08571
配列：
GATCGACCTG CCTCTGCTTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAACTA CCGCGCCTGG 60
CCCTCAGATA TTTTTAAATT TGAAAATTAA GAGTATATAT TAATATCAAG TNGCAGAAAC 120

AGAATGAAGT GTTATAAAGG CGTTAAGTAG TAGGGNGGCA TAAAACTTAA ATCTTTAAGC 180
TAGAAATAGC TTGAGGAATT ATCTGATGCA GTACTCTGTT GTAATATAAC AAAAATGGAA 240
TCACAGTTTT ACAAATCAGG CAGCTGCAGC TCAGNGAGGT TAAATTTCCA CAGACCTGTT 300
TATGCAGCGC GGTAANTGAG GAAGTAGACC TAAAATTTGG GGCCTCTGCT ACTCTGGGCC 360
ATTACCTCAG CCTCGCTGGC AN 382

配列番号：7332
配列の長さ：315
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08572
配列：
GATCTCACAG GAATCCTTCA ACTGCTTTCT ACCAAGCGTT CCATTTGAAC ACGTTAAAGG 60
AATCAAAGAG CCTCTGGGAT AGGGGGGAAA NCACATGGTA TCTAGCATGG GACAAAGCAG 120
CAAAATAAAC CAAAAGGACA ATCTCTATTT TATATAGAAA ATAAACATAC TTTTCTGCAT 180
CCTGTGTACT TTAAGTATAT CTATATTTTT GAAGGGTTCA TACTGTGTTG AATTTTTCTT 240
ATGAAATAGT CACTTCCCCA GTGTATTTTA ATGCAAATGC ATATTCTATA AAATAACCTA 300
TATTTTAATT TTAAA 315

配列番号：7333
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08573
配列：
GATCTTTAAT ATCTGATATA TTCCTGGTAC TCGTACTGAT AAGGGATTAT TGGAAGTCAG 60
TCACAGAATT TGGAAATAAA TTCTAGTCTN TCCTTAGCTN NNNN 104

配列番号：7334
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08574
配列：
GATCTACCTG AGGCTCAGTC CTCATCTGTA AAATGCTGAT AAAAGGACCT ACCACCTAGC 60
GTTGCTGTGA GGTGTCAGTG AAATAAAATG TAAAATGCTT AGCACAGTGA ACTTTAATAA 120
ATGGTAGTTG TGGTTGCAAA 140

配列番号：7335
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08575
配列：
GATCTAAAGT CTAAAAAACA AATCCTTAGG TTAAGAAGAA AATAATGCAA TAAATAAAAT 60

GTTATAAATA AATGACATAT TGCNACTTTT AAA 93

配列番号：7336
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08576
配列：
GATCATACCC ATGAAACCCA CTGTTTAGAT TTTAAAAAGT TCAATGTTTT TCTGTATTTN 60
ATCTCTTCAT TTTAAAATAA AGTTTTGCAC ATGAAA 96

配列番号：7337
配列の長さ：224
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08577
配列：
GATCTAAAAG CAGATGCTGT AGCTGCCTAC TTTAACCCAT TTTTCAACCT GTTTGTTTTT 60
TAAAGGGCTT CACTAAGGGT NNNNNATGTA CCATTGTAGG GGGCAATTTT AAGTCAGCTA 120
AGGCAATAAC CTTATGCATG AACATTTCCC AGACTTTCAT GAAGCTGTTG AGGTCCTAGG 180
CAATTAATGC GGCAGTTGTG ATAAATAAAA ACATCTCACC TAAA 224

配列番号：7338
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08578
配列：
GATCNATATT TAGTGACTGC AACATGTTTA TACCACTGAT TCAAATTCCA NNNNTGATGA 60
AGTTATACAA ATAATGCATA TATTGATAAC TTTTATTGCA AAAATGTAAA TTTAAAACTT 120
GTATAATGTT CTTGTGCTTT TTAAAATAAA ATATATGTGT ATATTTAAAA AGAAA 175

配列番号：7339
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08579
配列：
GATCTGAGGA TGGTTATAAA TACTGTAAGT ATTGTAATGT TATGAATGCA ANNNTATTTG 60
AAAGCTGTTT ATNATNATAT CATTCCTGAT AATGCTATGT GAGTGTTTTT AATAAAATTN 120
ATATTTATTT AATGCACTCT AAA 143

配列番号：7340
配列の長さ：106
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08580
配列：
GATCACTTGA TTTTTAAGAA ATNAAAAATT GCACTAGGTA GAAATAGTGT ACCAGGCAAT 60
AGTCCAGCTT TAGTTTTNTG TCATTTTTNG TCTCTATTTA AAGNNN 106

配列番号：7341
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08581
配列：
GATCTCAAAG CAAATCTGTA TTTTAATCTC TCAGGTGTTC ACTAGTATTA CCAGTGACTA 60
GTGGAAATAA TAAAAGGAAA TCTTGTTCAT AAA 93

配列番号：7342
配列の長さ：193
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08582
配列：
GATCTTCGCT CCAGCTTTCT GCATCTGAGC TGGAAAAAGA GCAAAAACGG GTAAAAATTG 60
AATCCAAATA TTGTCGNATG TATGCCTAAT TTAGAATGAA ATCTTGGGGT GGCAGACTCT 120
GGAGTTCTCT GTGAGGTGTG GCATTCTTTT NTCTAAATCA CTTATTTGCC AATGTATGTG 180
TCACTTTGTT AAA 193

配列番号：7343
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08583
配列：
GATCTATAAT AAGAGCTCAA TAACTNNGTC AAGGAAAGCT CTAATATATG CAGTGATGGT 60
TTATGAAAGG GTGTGGCAAT NTNAAATNTA TATTGTGTGT GATGTTCAAA TAAAGTGGTA 120
TCTACATNCA TGTGAAA 137

配列番号：7344
配列の長さ：389
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08584
配列：
GATCCCTGGT ATNGTCCGAA TTGTAAAGAA CATCAGCAAG CCACAAAGAA ATTGGATTTA 60
TGGTCCCTGC CTCCAGTACT TGTAGTACAT CTNAAGCNAT TTTNTTACAG TCGATACATG 120
AGAGACAAGT TGGANACCTT AGTTGATTTT CCTATCAATG ACTTGGATAT GTCGGAATTC 180

TTAATTAATC CAAATGCAGG TCCTTGCCGC TATAATCTGA TTGCTGTTTC CAACCACTAT 240
GGAGGGATGG GAGGAGGACA CTATACTGCT TTTGCAAAAN ATAACGATGA TGGAAANTGG 300
TACTATTTTG ATGACAGTNG TGTCTCCACT GCATCTGANG ACCAAATTGT GTCCAAAGCA 360
GCATNTGTAC TCTTCTACCA GAGACAAGN 389

配列番号：7345
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08585
配列：
GATCTGTTAC CATCAGGTCA ATTCCTAGTA TGCATAAATT TTTTAACCCT TTTAAAAGAG 60
ACCTATGTTG AAAACCCCTG AAAATTCACT GAAGAAAAAT CATTACTCTT NTTCTCNGTA 120
AATCATATCA TCTGAAATAT TACAAATTTC AAATTTCTAG GTGCTATATT AATTCAATAT 180
TACAATAACT CTTACCTAAT TATTCTTACA AGTTTTAAGT TGTGGTAGTT TAGTGATTTT 240
TTTAAAAGAT GTGTGAAATG TTCTCTGCAA AATAATTCAG GCCACTGTCT CCTTTTATAT 300
ATNATNATNN TNGTNTGTGA TGANGACCAG TGAATTACGA TATTTAAAGT GAGAGACCTT 360
AATTNTN 367

配列番号：7346
配列の長さ：23
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08586
配列：
GATCCCGTCT ATAATCNAAC AAA 23

配列番号：7347
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08587
配列：
GATCGGCTCC CTGTCGCGCC CGAGGAGGGC TGGACCTTTC GTGTCGNACC CTTGGGNGCG 60
NNGAGACTGG GTGGGGAGGG TGTTGAATAA AAGGGAAAAT AAA 103

配列番号：7348
配列の長さ：367
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08588
配列：
GATCTGGTGG CTGGAAAAAC AAGAGTGACA TTAACAAATC ACAAAAAATC AGTTAGGGCT 60
GTGGTTTTAC ATCCAAGACA TTACACATTT GCATCTGGTT CTCCAGATAA CATAAAGCAG 120
TGGANATTCC CTGATGGANG TTTCATACAA AATCTTTCCG GTCATAATGC TATTATTAAC 180

ACATTGACGG TAAATNCTGA TGGAGTGCTT GTATCTGGAG ACAGAAGAAA CTCATCCAGT 240
CAGCTGGAAA CCAGAAATTA TCAAGNGAAA GNGATTTTAA TGAATGTGGA ATTTTTCCTC 300
TCTCTTTTTT TTTCTTTTTA ATTAAAANAA AAAAGGCTTG GNGTTCATGG GGGNTTTCCC 360
GNCCTTN 367

配列番号：7349
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08589
配列：
GATCCCGCCT NTTTCTTACA AA 22

配列番号：7350
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08591
配列：
GATCTTTTAA AAATTCATCC CATATCCAGA AAGTACCAGT TATAAAGATT GCTGACCAAG 60
CAAAGTTTTG CATCAAAGTG TCACCTCATT GCTCTGACCA AAGACTGACT GTTGTGGTTT 120
TAACTCCTCT CTGTAAAGCA TTTTGCATTT TCCCCAAGCT CCTTTCTGAA AGAAGAACCA 180
GTGCAGAGCG GCCTTTACTT TCAATTTCTA CTGCTGAATA GACTACTTAG AGAAAATGTG 240
AGTTTCAGTG TGAACAGAAT GGATTAGGAT GACGAGTTTG ATGGGCATTT TCAGTACTGT 300
ATCTAAGAAA AAAAAATTNG CACAGCTAGG AGCCTCTGAC CATTGTCTGG GTGTTTTACG 360
TGGGTCCTGT TCATCAAA 378

配列番号：7351
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08592
配列：
GATCAAAGTC AAAAATAGCA ATGNCTCCCT ATCCCTCACA CATCCAGACA TCATGAATTT 60
TACATGGTAC TCTTGTTGAG TTCTATAGAG CCTTCTGATG TCTCTAAAGC ACTACCGNTT 120
CTTTGGAGTT GTCACATCAG ATAAGACATA TCTNTAATTC CANCCATAAN TCCAGTTCTA 180
CTATGGCTGA GTTCTGGTCA AAGAAAGAAN GTTTAGAAGC NNNNNCACAA AGGGTTGGGA 240
GCTGATGAAA CTCACAAATG ATGGTAGGAA GAAGCTCTCG ACAATACCCG TTGGCAAGGA 300
GTCTGCCTCC ATGCTGCAGT GTTCGAGTGG ATTGTAGGTG CAAGATGGGA AAGGNTTGTA 360
GGGTGCAAGC TGTCCCAAN 379

配列番号：7352
配列の長さ：119
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08593
配列：
GATCTGCTTT AGTGAGAGGA CAATTTCTGA TTGATTGTTT TCTCTTCAGG CCATCTCACC 60
TCTTCATTCT CTTGTNACAT TTGAAGCAGT TGATATAATG GGTTTATANN NNTAAAAGN 119

配列番号：7353
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08594
配列：
GATCAGCTAT TTTCAACATA ACTGAAGGCA TATGCTGGCC CATAAACACC CTGTAGGTTC 60
TTGATATTTA TAATAAAATT GGTGTTTTGT AAA 93

配列番号：7354
配列の長さ：297
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08595
配列：
GATCTCTGTA GACTTGCCTC TTCTGGACAT GACATAGAGA AAGGAGTCAT AAATTCTCCA 60
AGGTGTCTGT TTCTTCTTTA ATGTCATTCC CTGTTTCTCC TCACATTCCC TCCCCATTTC 120
CTGGGCCCAG TCTCACACTG GTCCTTGCTT ACCCTAAATG CTATTAATTC CATCACTCTG 180
AGTATGGTGT TTGCTGTCCG CTGAATGCCA AGAGCTTCAA GAGTGTGTGT AAATAAAGCC 240
ACACCTTTAT TTTTGTATTA TTCTGAACCA TGGCTAATAA ATTGTTTCAC CAAGAAA 297

配列番号：7355
配列の長さ：45
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08596
配列：
GATCTCCGAT GTGATGAATA CGAATAAAAG GCCCTTAATG GCAAA 45

配列番号：7356
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08597
配列：
GATCTGTTCA TGCTTTTGTC TTCGTCACTG CGGCGGGGCC CTTTGATGTC TTCATCTGTA 60
TGGGGTGGAA AAATCACCGG GAATCCCCCT NNNAGTTCTT TGAAAAAGTT CCATGACTCG 120
AATATCTGAA ATNAAGAAAA CAAACCGACT CACAAACCTC CAAGTAGCTC CAAATGCAAT 180
TTTTAAAATG GAAAACAAAA ATCTGAAAGA AA 212

配列番号：7357
配列の長さ：250
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08598
配列：
GATCTAAACT GTATTTTCCA ATTTAAATTA AAAATGTAAT ATAGATTCAG AAAGGTTCAT 60
ATTTTTCTAA TGACTTCATT CTATATTATT TTGTTAGGTT GCATAAAGAA GCAAGGAATT 120
GTACTTGTAT TAAAAGATGA GGAAAGCTAT TAGGNTTATT GGNCCATGCC TGAAATNGGG 180
CCTTTGCCCG TTAAAAGGAA AGGTTGGCCC NTTTTTNAAG GGGGCNTTNA TNTGNNTTTN 240
TNTTAACCAN 250

配列番号：7358
配列の長さ：112
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08599
配列：
GATCTGGCTT NGCCCTAAGC NNCTTAGGNA CAGAAGAGTC CATGGGGGCA TGGCACAGAG 60
CTGGTCCTGT ATTCTCCAGG GTCCGGAGCT GGCCAGGGGC GGGGAGGAGG NN 112

配列番号：7359
配列の長さ：386
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08600
配列：
GATCTTATTT NACTTCATCC TTCTTGTAAC CATATTGTNA ATCAGGAAAG CTCAATCAGA 60
TACAAAAACA GGAAATTCGT TAAAAGTAAC GTTTGTAGAA GATACTAGTT GAGGAGGAGA 120
GACTTTTNAG AAAGCCTGTG TGTGTTTGTA ACACTCTTGT GACCGTGCCA AGAAAACGTA 180
AGCAAATATC AAGCCTCCAA ATCCTAATGC AACANGTCCT GANTCCCTTG CAGGTATGTC 240
CTGGATGATG ANTACACAAG CTCAGTAGGC TCCAAATTTC CAGTCCGGTG GTCCCCACCG 300
GANGTCCTGA TGTATAGCAA GTTCAGCAGC AAATNTGACA TTTGGGCTTT TGGGGTTTTG 360
ATGTGGGAAA TTTACTNCCT GGGGAN 386

配列番号：7360
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08601
配列：
GATCCGGGNA TTATACAGGT ACTGTTGGAA GTATCTTGGG GATTTTCCTG ATAAGAACAG 60
TAGTGATTGN ATAAAAAGGA CAGGATGTAA AGTGAAATCA GTAAAATATC TTAGTAGACA 120
GAGGGTGCTG AAATTTTAAC AAATGTGTAA AAAGTTCTTC CTATGCATTA ATTTTCCAGA 180
TACCCTTAAA ATGTTTAAGG AATGTAATTC AAAATACTGT TTAANAGAGA CATGTGACCA 240

TCATTCTCCC AGCGAATGTG AATCATTTAG TGNGCTACTC AAAATTAGGN GTAAATGTAT 300
ATGTACACTA TAAGANTAAN ANTCGNTACC ATTTCTTTAA A 341

配列番号：7361
配列の長さ：92
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08602
配列：
GATCCGTCAG NCGACTCTAA AGCTAATTGT TTGTATTGGC ATGGNTTTTG CCAGGCATCC 60
AAAATTCAGA TTAAACAACC AATGCAATCA AA 92

配列番号：7362
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08603
配列：
GATCTCGTCT GAAACAGTGT TTGGAAGTGG GAACAGTTTT GTCCTGTATG CTGATGTGTC 60
CAGAATTTCA TTTAATGATA GACGGAAAAT GTGTGGTTAC TGAAAACTGT ATATGATACA 120
GAATTTCATA AGAGCCATGC TGTTGGGCAA AGCAACTCTT TTTCAACCAC TGCTCATCAG 180
TTTCTGTAGA GACAAAAACT CTGTACATAT TTTGGAATCT GAAGAATCCT ATGTAAATCA 240
TTTGTTACTT AAGTCTGTGA AAAACATATT TCTTTGGAGG AAAATGTATG CATTTATAAG 300
TGTTCCATGG AATCAGTTTT TATTGTATCG ATATAATTGT CTCTAAGTGT TGACTGTCN 359

配列番号：7363
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08604
配列：
GATCTCCTTA CACTGCTATT CCAGAGGAGA AGNCACCAGG TCACTCAACT CTTAGTATCA 60
TCTACTGGAA ACTGGCTAAG ACAGTATTTA TGTGCTTCTC TCACAATAAC AGGAAGATAN 120
CTATATCACA CAATGGATAT GGCAGTTGGC TTGACTGCAG TAATCATTTA ACTATGTATA 180
TGTATATCAA AACATCATGT TGCATACCTT AAATATGTAC AATAAAAATA AAATCTAAAG 240
GANATAANTT AANATTACCT TCCACCAGGC AAA 273

配列番号：7364
配列の長さ：358
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08605
配列：
GATCAGGGAT GCAGTACCAC TTGCAGTCAA ATGAATTCCT TCGAAATGTA TTTNNACTTG 60
GACCCCCAGT GATGCTTGAT GCTGCAACGC TTAAAACGAT GAAGATTTCT CGTTTCGAAA 120

GGCATTTATA TAACTCTGCA GCCTTCAAAG CTCGAACCAA AGCTAGAAGC AAATGTCGAG 180
ATAAGAGAGC AGATGTTGGA GAATTCTTCT AGATTTTCAG AACTTGAAGA CTATTTTCTA 240
ATTTCTATTT TTTTTTCTAN TTCAATGTAT TTAAACTCTA GACACAGTTT TTATCCTGGA 300
TTAACTTAGA TAACTTTTGT AGCAGTGGTT ATATTGCTTA TAATTTAATG TACAATTN 358

配列番号：7365
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08606
配列：
GATCTACNGT GAATATAAAA TGTTATTAGC CTTATCAAAT AAATAAATGA GCANAGCTCT 60
TTGTTCGCTC TATTGAACTG GGTGATAATN ATTTAGATGT GAATGTTAGG TCAGTTCTAC 120
TGTAATAACT AATCGTAAAA GTTGTAAATN TGTTTAATGG ATGAAATGTA CANTTTTTGT 180
ATTCTNTACA GCTTTGTCTT TTTTAAATAT GAAGTACTTA AATGTACTTA CTATGATAGG 240
AAATATAATG TGTGCCTTCT AAA 263

配列番号：7366
配列の長さ：366
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08607
配列：
GATCTAAGTA AAATGTTTTG AAGTTTATCA GAAACTAAAT GTACTTTTAA AACGTATAGG 60
GTCAGGGTTG GGGGAAAAAT ACAGGTATAG TAAGNAAGAA AAGTGACCCA TGAAGAAAGC 120
ATCGTGAGGT TGTATGTTGG TTGACTGTGA TTAAAATGCG GGGCTGGTGT AAGTTGTAAG 180
TGGTGGCTGA TTGCCGTGTA ACTATGTACA TGATTGTTGG GATGGCTGTC CCATATTTTG 240
TATATTGGAA TAAAAATTTC TATAANTTAT NGTAACTAAA AGTAAATATT CTAAATTAAG 300
TCCCACTNCT TAAGTCACAT GGCTTCTGTC TTGGGAATTT TACCTTTTAA NANGATTATT 360
TTNAGN 366

配列番号：7367
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08608
配列：
GATCTTGGCT GTTCTTTCTA TTCTGCCAGC CATCTTCCAA AAAAAACTAA AGCAGAAATT 60
TGAGTAAAAA TAATCATCTG ATTTTAAGTT TTGCTGTCAT CACCATCTCA GGATTAACAG 120
CTGCGACTTT AGGTGGGGTA TATTTTCTTC TCCTAAGAGA ATAGACAGTT TTTCCAGATT 180
CATCATCATT GACTGTCAAG AAAGGACCCT TCAGCAAGGC TGTACCNTCA ATGCAGTTGA 240
TGGCCTGTNT TCACGGNTTT ACAGACTTGG CCTGATGCCC ATGTAANTTC AAGCTTTGGC 300
TTGTGGNAAC AACCACANGG ANGNCAAGGC ATCTGTNGGT GCGGGNGGGC AAAGCAGGCT 360
TANCTNGGGN GGTTGACN 378

配列番号：7368
配列の長さ：421
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08609
配列：
GATCTAGAAA CCCTTTTACC TGGCCCCAAG GCTCTAGCCA GTGGTCTCTG GTGACCCCTG 60
CAAGCTCAGA GATGGGGNTG TTGTGTGCCA GGCATGAGCT TCCCCAAGAG GCAGAGGGCA 120
TACATCCCAT TTATACATTC CCTAAGCCCA CCCCTGTNTC CTCAGGCACC ACCTGCCCTG 180
GTCAGCTCCA GCCAGTCCCT GCTGGAGTGG TGCCAGGAAG TNACCACTGG CTACCGTGGG 240
GTCCGAATCA CCAACTTNAC CACATNNTGG CGCAACGGCT TGGCCTTCTG TGCCATCCTG 300
CACNGATTNT ACCCAGACAA GATGTGAGCT GCCAGAGGGG TGGGACGAAT GGGGGAGCCA 360
TCAGGGAGGG CAGTNTGGAC CCAGCTTTGA CCAGANAATT TTTNGAGTGC TTTGCTNGTT 420
N 421

配列番号：7369
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08610
配列：
GATCAGCAAT GAGTCGGCAA TTGACTTCTA CAGGAAGTTT GGCTTTGAGA TTATTGAGAC 60
AAAGAAGAAC TACTATAAGA GGATAGAGCC CGCAGATGCT CATGTGCTGC AGAAAAACCT 120
CAAAGTTCCT NCTGGTAAGA CNNCAGNTGT NAAAANGCCA GCAACCTGNC CAATTTCCAN 180
TGANCCTTN 189

配列番号：7370
配列の長さ：147
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08611
配列：
GATCTGGTGG AGAAAAGAAG CAAAACTTTG TTTTAATTTA CTGTTTTTTT AAAATCTTTT 60
TGGATATTGT TTTGCATCCC ATACATTTGC AACTGGCAAT GAAATGTAAG CTTTGGTTCT 120
GAAAAAAAAT AAATGTAGCT ATTCAAA 147

配列番号：7371
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08612
配列：
GATCCACATG CNTGTGGCAG CCCAAGGCTT TGTTGTAGGA GCAATGACTN TTGGTATGGN 60
CTATNCCATG TATCGGGAAT NCTGGGCAAA ACCTAAGCCT TAGAAGAN 108

配列番号：7372
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08613
配列：
GATCTTTGAG CTGTGGTTTC TCCACCTGTG GAATATAAAT GTNAACAACA TAACCTTCTT 60
TCTAAGGATA ACTTGAGAAT TAACAGTGCA AGTAAATGGA AAGTATAGTA CCTGTNACCA 120
GATATTTAAT AGTAGTTATT ACGAAATTGT AACTCACTAC CTGTNTTAGT TGAGGTTTAT 180
CTTCAGCCAT GCAAATCAAA ATCAGATTAT TTNCACATCA GCAGATAAGG TTTGTNTGAG 240
ANTCTNATTT TNNATTTGNT ACTCTNATTT NNN 273

配列番号：7373
配列の長さ：419
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08614
配列：
GATCACAGAT GTAGTTCCTG AGGTTGAGTC TCCTTCTCAG ATGGATGTTG AATTGGTGAG 60
TGGGTCTCCT GTGGCACTCT CACCCCAGCC TCGATGTGTG AGGTCTGGTT GTNAGAACCC 120
TCCCATTGTG AGTAAGGACT GGGACAATGA ATACTGCAGC AATGAGTGTG TGGTGAAGCA 180
CTGCAGGGAT GTATTCTTGG CCTGGGTAGC CTCTAGAAAT TCAAACACAG TGGTGTTTGT 240
NAAATAGTCC TTCCTGTTCT CCAAGCCAGT GAAGAGTTAT CTGCTGGGAA AGTGTCCAAG 300
AGCCTGTTTT TGAAACACAA GCTGGGCTTC TGGTAGTGCC TCATCACAAC CCATGATGGC 360
TGTTCATGGT TTCACCCCTT TTNTTTCCNT CAGCAGAGGC CAGGCTATTG GAGCAGTTN 419

配列番号：7374
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08615
配列：
GATCCTAATT TGCACACTAT CACCTAAAGT CCTAGCATAC CTGCATTTCC AGGAAATCTA 60
ATGAGAAAGA AGTCCTGAAA GCCTCTAATT CCTGGAAACA TATGAAACGG CTAGAAAAAA 120
GTAGACTATT TTGGAGGATT AAAGACAATG GAAACTTTTT ACATTGTTTG TCTCACATAA 180
TGAATAAAAT TCCACTTTAA AAAATGAAA 209

配列番号：7375
配列の長さ：422
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08616
配列：
GATCCGCAGC TCGAAAAAGA ACAAGCCACA GAANCGGGCT CGCTCGTGCC AGGACACAGC 60
AGTGTCTTTA AAAAAATCAA AACCAGAAGT TTTATCAGCA GCAGGAAGNN TGTGGGACTC 120

TGTCCAAGTT CACCGTCACC ATCAAGCCAC TGGCTGTGGA AGGAGTTTNT CCAACAGGGT 180
CAGTGTCACA GCCACAACTT CAGAAAGCAG CCATCCCGCG TGTCGTCCAA ACAGCAGTGC 240
CTGCNTCCCG CTCCACGGAG TGTTCCNGAA CACCTCCCTC TGAACTAATC CCGGAGCACC 300
CCACCCCCAG CGAGTCCCAC CTGGACCTNT TCAAAGTCAA AACTCTTCTT TNGGGCCAAC 360
CAATTNTTCG GGCTTTNGAG GCCTTGAACT TGGGGCACCA AGTTTNTTTC CATGGGAANT 420
TN 422

配列番号：7376
配列の長さ：413
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08617
配列：
GATCCCACCA GTTTCTGGAC GTGGAGAGTC TGGGGCATCT CCTTCTTATG CCAAGGGGCG 60
CTTNNNGTTT TCATGGCTGC CCCTCCAGAC TGCGAGAAAC AAGTAAAAAC CCATTGGGGC 120
CTCTTGATGT CTGGNATGGC ACGTGGCCCG ACCTCCACAA GCTCCCTCAT GCTTCCTGTC 180
CCCCGCTTAC ACGACAACGG GCCAGACCAC GGGAAGGACG GTGTTTGTNT CTGAGGGAGC 240
TGCTGGCCAC AGTGAACACC CACGTTTATT CCTGCCTGCT CCGGCCAGGA CTGAACCCCT 300
TCTCCACACC TGAACAGTTG GCTCAAGGGC CACCAGAAGC ATTTNTTTAT TATTATTATT 360
TTTTAACCTG GACATGCATT AAAGGGTCTA TTAGCTTTCA GAAAAAAAAA ATN 413

配列番号：7377
配列の長さ：157
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08618
配列：
GATCCACAAA TGAAAGGGAT ATAAAAATAA TGTCATAGGT AAGAAACACA GCAACAATGA 60
CTTAACCATA TAAATGTGGA GGCTATCAAC AAAGAATGGG CTTGAAACAT TATAAAANTT 120
GACAATGATT TATTAAATAT GTTTNCTCAA TTGTAAA 157

配列番号：7378
配列の長さ：399
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08619
配列：
GATCCTAACA GCTTGCATTA TTTGGTGCAT CTGCTCAATC AAGTCTAATA GACACAAGGA 60
TGGCTTTCAT CGGCTCAGGC AGCATCATGA TGAGTATGAA GATGNAATTC GCATGATGTC 120
TACCGGCTCC AAGAAGTCCC TCCTAAGCCA TGAGTTCCAG GATGAAACAG ACACTGAAGA 180
GGAAACATTA TATTCTAGCA AACATTGGNG GNCACATTTT GCATATCTCC CAGCATAAGT 240
ACCAAGCAAA ATTACAGTTC CTCTTGGGAG AACACTGCAT TAAGGATGCG AGACTCTCTT 300
GCTTCTTCAA AGNGCTTTTG GGAATTTAAA TTGCTAANTA TGTATTCTCA AAANAANNNN 360
NGGGANNTTT GGGGGGNNTG GGTTTTNCGG AGNGANGNN 399

配列番号：7379
配列の長さ：34
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08620
配列：
GATCGGTCCC TAAACCTCAT TAAAATATTT GAAA 34

配列番号：7380
配列の長さ：405
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08621
配列：
GATCTNATGG ATATGGCAGT GGACGTGGAT TTGGGGATGG CTATAATGGG NATGGAGGAG 60
GACCTGGAGG TGGCAATTTT GGAGGTAGCC CCGNTTATGG AGGAGGAAGA GGAGGATATG 120
GTGGTGGAGG ACCTGGATAT GGCAACCAGG GTGGGGNCTA CGGAGGTNGT TATGACAACT 180
ATGGAGGAGG AAATNATGGA AGTGGAAATT ACAATNATTT TNGAAATTAT ANCCAGCAAC 240
CTTCTAACTA CGGTCCAATG TNGAGTGGAA ACTTTGGTGG TAGCAGGAAC ATGGGGGNAC 300
CATATGGTGG AGGAAACTAT GGTCCAGNAG GCAGTNGAGG AAGTNGGGGT TATTGTNGGA 360
NGGNGCCGAT ACTGAGCTTC CTTCCTATTT NNCCATGGCA TTTNN 405

配列番号：7381
配列の長さ：261
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08622
配列：
GATCCTAGCC AGATTACCAG AAATTNCGTT AGTCATCTAA ATCAGAGACA TCAATTTNAT 60
TATGGAGAAT TTNTGAATCT CCAGCTAGAT GANGAAACCC AATACCAAAC TCCTGTTGAA 120
GAATCTTTNC AAGTAAACAT CTGAAGGCTG TAGACATCTC TCCATCTTTG TACCTGCAAG 180
TCCCATCTTT AAGGGGGAAA CTACATGANG TCACCGTTAC AGTAACTTGA TGTGTATATT 240
AATAAAAGTA ATTCAGTCAA A 261

配列番号：7382
配列の長さ：44
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08623
配列：
GATCTATGTA TAGATAAAGA TTAAACATAT CTAGTACAAG GAAA 44

配列番号：7383
配列の長さ：109
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08624
配列：
GATCTGTTTC TTAAAGCTAC AGGGTTTAAA AAATAAAAAT GAGTGAAAAT ACTTGATGTT 60
TCTTGAAAGA TAAATTTAAT AATAATAAAT AAATACATAA ATACATAAA 109

配列番号：7384
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08625
配列：
GATCATTGTG GCGTCCACAA TGTATATATA AAACAAGTTG TACACATTAC CATGTATAAA 60
TTTGTGTTTG TCGATTATAT GTCAAGAAAG AAA 93

配列番号：7385
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08626
配列：
GATCTTAATC TTATTCTCTG CCATCTTCAA ATTAAAAAAA AATTTCTTTG TAAA 54

配列番号：7386
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08627
配列：
GATCCCTTCA GAAGAAGACA TGATAGGATT GTAAGTTTTT NTCTAACTTT GGATGCAGTG 60
AGATGACCAG TGTGTTCCAG TTAAAGAAGA AGAGTGTTTT AAAATCATAA ACCAAATAAA 120
GAATCCTACC TTACATTAAA 140

配列番号：7387
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08628
配列：
GATCCACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAA GCGTGANCAC TGTGCCTGGC 60
CCTTTTTTTT TTNAAAGAGA TGGCATCTTG CTATGTCGTC CAGGCTGGTN TTGAACTCCT 120
GAGTTCAAGC AGTCCTCCTG NTTCAACATA CAGNTACAGG TACCCCCCAC TATACATTTT 180
NAATANGGNT TCATGGNTCA GNGGGN 206

配列番号：7388

配列の長さ：130
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08629
配列：
GATCCCATTG CTTTCCTGTT TTAAAAATAT TTTATGCTCT TTATTTCCAC TTCTGTGAAT 60
GTGATATTTC TATTTTNTGA TTATGTTACT GAATAAACAA ACTTGCTACA TAAAATNCTT 120
AGCAATTAAA 130

配列番号：7389
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08630
配列：
GATCCAATTG TGGATTTATT TACAAACATC AAATGCCTTC AAGCCAATCC TNTTTGCTGT 60
ATGTTTTGCA GCCTACTGTA GTAGATACGC AACAGATAAT GTGGGAAAAA AAGAGATAAG 120
AGGAGGAAGC TAATAAGAGA CTGTCAAGAT TGTATACCTT CTTGGTTTCT TTTAAGAATT 180
TGTTGCCTTT NTACTATNNC AGCAAAGCAG CATTTTGTTA CTGACTGCCT AAAATCACTT 240
AATCTCAGGT GAACGCATCA CTTGCCAAAC TGTTGGAATG CTATTTGTGT TTTGTTGCAC 300
TGTTTTTTTC GTTTGTTTGT TTGTTTATTT GGTTGGCTTT TTGGAGAGGG AAATN 355

配列番号：7390
配列の長さ：96
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08631
配列：
GATCTAAAAT NAGAGAAGCA TTTAAAAAAT NATTTCTGTC TTGGTTCATC TTATTGTTAG 60
TGGTTTATGC TAATAAAAAT TGATTTAACA ATCAAA 96

配列番号：7391
配列の長さ：411
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08632
配列：
GATCCAGATA TGTCTGTTAT GAAAGATATC AGTATAGGTA AAGCCACAGG CAGAGGTCAG 60
TACTGATAAT TAATGTAGTA TAAATACATC ATTTACCATT TTATTTTAAA TAGGAAGCCA 120
TCAAGCATGC TAGAATTGTG AACTTTCATT ATATNTTTTT GTTGTTGACA TGAATTAACC 180
TGGCCAAAAA CAAAAAAGAA NNAAAAAACC ATGCCATTTG TCATGTAAAC CTTTTTTTTA 240
TCCCTATGGG CCTTNGGGGN CNGAATCAGT ACTTCAGTTA TTGTAATNGT GNGCTAACCT 300
CAAATTTNTN TCACCCNGTT GCCCTTTTCA TGNCCTAACC AATTNTCTGG GGGNTTGGTA 360
TGGTTCNCCC GGTCCTGNTC ATGTTTACCG NNCTCTTTTT TNGNGGGTCC N 411

配列番号：7392
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08633
配列：
GATCTAAGTT CTAAGCCAAA TAACTAACAA ATTCCAGGTA CTATGCCATC ATATAATATT 60
TATAAATGTG TTATATATAT TATGAGATAT GTATAAGAAT ATAGAATGAA TATGTAATAA 120
ATTATACTTT TAAATTAATA TTTTCAAATA TATAAATATG TAGTTTCAGA CTGAAACTGT 180
TCTAAACTAT ATAAATGTAT TATGTATGTT TTATAAAATA CAGTACTCAT AATATGTATT 240
ATATGAAA 248

配列番号：7393
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08634
配列：
GATCCTTCCA CCTCAGCCTC CCCAGTAGCT GGGACTACGG GGTCGCCACT GCACCCAGCC 60
TGTGTCTTCC AGCTCTAATC AGAAAGCTGC TTGTCGAGGG CATGGGGAAT CAAACTGAAT 120
GAACTTTTCT CTGCACTGTG GCAAAACTGT TATTTTTATG GATTTTACTA AATGGCGTTA 180
CCTTTTCAAG ATTTATATGT TTGTATAATC ATAAGAAAAT TGAGCCATTA AAGCCTTGTT 240
ATTCAAA 247

配列番号：7394
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08635
配列：
GATCCAGGCT CGTAGNTCAC TCCCTGCCCG TNTCCCAGAG ATGCTTCACC ANCACCTGCC 60
TCTGAGACCT CGCTCTCTGT TCCAGCAACC CTGGNTTGGG GGGTCANN 108

配列番号：7395
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08636
配列：
GATCTTGAGC TCCTGGCCTC CAGAATTGCA GGAGAATAAA TNTGTGTTGT TTTTAATGAA 60
A 61

配列番号：7396
配列の長さ：275
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08637
配列：
GATCAGTGTT TGNTTGGGAC TGAAGGGATG ACTAATAAGG AGCAGAGGAA AGCTTTTGGG 60
GATGATGGCA CTCTTCTCTG TCTCCATTAC GGCATTGGAT ACAAGTCTCT AGAACTCCCA 120
GAACTCGTCA CTGAAAGGGG TGAATAGTAC TGTATGTAAA TTAGGTCCNN ATTTTNAAAT 180
GGGANAAATA AATATAAAGA CAAATTACAC TGCTGTATTA NNTCANNTGA TAGATGTAAA 240
AGTCTAATAT ATACGTNTTT TTCNTGATAN NCCCN 275

配列番号：7397
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08638
配列：
GATCCAGGGC CTTCCCGCCA GTCTGGAGAG GGCCCTGACC GAGGACTCAA CCCAAACCAG 60
TGACACAGCT ACCAATTCTA CTTTACCTTC TGCAGAGGTG GCGTTACAGG CAAAGTGAGG 120
AGGGAGCTGG GGGACACTTT CGAGCTCCCA GCTCCAGCTT CGTCTCACCT TGAGTTAGGC 180
TGAGCCACAG GCATTTCCTG CTTATTTTAG GATTACCCAC TCATCAGAAA AAAAAAAAAG 240
GCCTTTGTGN CCCNTGTTTT GGGGGGATTA ACCNGTTTTG GGTTTAAA 288

配列番号：7398
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08639
配列：
GATCTAATTN CTATTTCATT TATTCAGAAA TAGCATTTAG ACATAAAANC CAATGTCTCA 60
CTTTGTAAAA TAACCTTTGG CTAATTTACA CACATCTAAT ACAGCGTGTT ATATAAGTTT 120
TAAGTAATAC AATGAGTCAC TACTATCATT CAGTTTTAAN TATTTTNNGT GTTAACAGGG 180
CTGAGAATAT CATGTGGTTC AGTCTTCTGN NGGNCGTTAT ATNATACCNG CNTAGTGCCT 240
TTGACCATGC NGACTATCCT CAAGGCCAGA CATCCTACAN CGGAACTGNN 290

配列番号：7399
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08640
配列：
GATCCNTAAG TACTCTTCTC TANAGAATAA AATGCATTAC CTAGGCTTTA ATAGTTAAAA 60
GCTGGNATTT ATNGACCCGC ATCTACTTGA TTTCANAATA TGCATTGATT TTAGTATGTT 120
GCTGNTCTGT TATCTGTACT CAACTATANC AGAGTAATAT ATTGTGGTNT TCTGGACCAA 180
AANTCGTGCT ACACATATGT CTGATGGCCT TNACCTTTTC ANGACAACAG TTGCAATTTT 240
GAGCACAGTC CNCCTAGTGG TANTCTN 267

配列番号：7400
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08641
配列：
GATCGGGAGC AGCCCCACTG GACCTAGGTG CCCCATCTGT TGGTCATCCA TCCTGAAGGG 60
ACAGGAAACC TCCCAGGCAG TTATTTTTTT TTCTCTATAT TTCTAGTAAA GTTTTCGATA 120
TGTTAAA 127

配列番号：7401
配列の長さ：168
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08642
配列：
GATCACTAGT GCAGGAGAAC ATTACATTTT CTTCTGAAGG CAAAATGCTT GTAGGTTTTG 60
CCTCTACTTT GTATTTACTT TTAAAATTGC ACTTGTTCAC CTACCAGTGT TTACGAAATC 120
CTGTATTTGG GATGCTTTTT CTATAATAAA ATATTATAAT TTGTGAAA 168

配列番号：7402
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08643
配列：
GATCATAGTA AAGAGTAGTC AATAGGGTCT TCAGCTATTA ATTGTAGAGG TGATTAAAAC 60
CAACAAGGAG TTTCATGTGC AAAGGAGATA AGGAATGAAT ATAAAGATTG CTATTTGGGT 120
GGCTCTTATT AAACTGTGTA TTTTGTACTT ATCACTACAC GTATCCCCCA AATGCTTACA 180
TGGGAGTTTG AGGTTAGTAT TTTCACTTCC TTGGTGTTAG TACTCTATTC ACATTCTTAT 240
TGTAACCTTC CTCATTTCAC AGATAAGGAA TCTTTGGGGA TTAACCAACC TCCTTTCTGT 300
AATGGTAATC ATTAAANTAA GTN 323

配列番号：7403
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08644
配列：
GATCACTTAN GCCCAGGAGG CAGAGGTCAC AATGAGCCGA AATTGTGCCA ACTGCACTCC 60
AGCCTGGGCA ACAGAGGAAG ACTCTTCACA GAAA 94

配列番号：7404
配列の長さ：226
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08645
配列：
GATCGGGGCT TTGTGTTTAA CCTCATCAGA CATTATTGCA GCCAGCTGTC AGCCAAGCTC 60
AGTAACCTTC CAACGCTCAT TTCCATGAGG CTAGAGTTCC TGAGAATCCT CTGTAGCCAT 120
GAGCATTACC TCAATCTGAA CCTTTTTTTT ATGAATGCTG ATACTGNTCC NACATCTCCT 180
TGTCCTTCCA TATCTTCCCA GGTAATAAAA GAATTATTTA ACTAAA 226

配列番号：7405
配列の長さ：124
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08646
配列：
GATCCAGTCA GAGCCAGGGA GAGTGTTTGC CTTAAGGAGG GACTCCCTTG TCCAGGATGG 60
GGCTGGCACT AGGGATGGGG TGAATCTTAG GACAGGAGTG GGGGTCAGAA ATGGGAGGGG 120
TAAA 124

配列番号：7406
配列の長さ：206
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08647
配列：
GATCGACCAG CAGGTGGTCT ATATCCATCC TTCCAGTGCC CTCTTCAACA GACAGCCAGA 60
ATGCCCAAAG AACTTCCTCC CTNTGGTTGC TGTAGGTGTC TCATTGGAGC AGTGCCTCTC 120
CAAGTTTGAG GATNTGAACA AAGAACTGGG ACTGGTGACT TGTNANNGNN NAGTTCAGAG 180
GGCAGAGGNC CATCATCTCA GCTTNN 206

配列番号：7407
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08648
配列：
GATCCATAAG GAGGGCTGTG TGGNGAAGAT TCAGGGACTG ANTAGAGGGA AAATCGTGCT 60
ATNCGGTAGC TACAGCAGCC CTGGGAATNC CNTTTTGTCG AGN 103

配列番号：7408
配列の長さ：116
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08649
配列：
GATCCATAAG NAGGGCTGTG TGGAGAAGAT TCGGGNCTGG CTGAGGAAAA ANCGGCTGGT 60

GGTAGCTACA GCANCCCTTG GAATACCCTT TTGTCGAGGT TTTGGGNATT GTCTCN 116

配列番号：7409
配列の長さ：60
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08650
配列：
GATCTATCAT GTATCTTGGT GATTACAGTT AATAATATAT TGTATATTTG ANAATNGAAA 60

配列番号：7410
配列の長さ：91
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08651
配列：
GATCGCACCA CCGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCAAGA CTGTTTCAAA ATAAATAAAT 60
AAAATAATAA ATAANNCTTT CCAACTNCAA A 91

配列番号：7411
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08652
配列：
GATCTTGTGG CTAAACCAGC ATTTCTGTGT TTGAGAGATT TCCTGTTAGG TGCTTCGTCT 60
GAAAGTGAAC TCTCATAATT CAAATTGTAT AAANTAAAGC TACATTTCTA AGAGCTTGGT 120
GTAGGGCAAT TGGAATANTG TCCTGTTAGA TAAACAGACA TTTAGCANTC CTGACATTAA 180
AAGGAAATGT ATTTCTATAC AGGATTATTA GCTGTANTAC ANGATATTTA TTTANCCAAA 240

配列番号：7412
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08653
配列：
GATCGCACCA CTGAACTCCA GCCCGNATGA CAGAGTGAGA CCCTGTTTCT AAAAACAAAA 60
CAAACAAACA AACAAACAAC GTATCTTACT GACTAAACTG GAATGGAAAT CTTATAATNA 120
GTGTTGTATT TTTCTGCAAA ATAGTGAATT NGNACTTGGG AGACTTCNNN NCTTTGTTGA 180
AAAAAATTGC CTTTGTTTTG AAATTATATC ACCTGTGTTC TGANCTAAAA TGNTGGGAGT 240
TCATNNN 247

配列番号：7413
配列の長さ：128
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08654
配列：
GATCCATAAG GAGGGCTGTG TGGAGAAGAT TCAGGNANCT GACTGAGGAA AAATNTGCTG 60
GTGGTAGNTA CAGCANCCCT TGGAATACCC TTTTGTCGAA AAATAAAGGA ATTGTCTTCA 120
NCCTGCTN 128

配列番号：7414
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08655
配列：
GATCCATAAG NAGGGCTGTG TGGAGAAGAT TCAGGGAGCT GACTANAGGA AAAATGTGCT 60
GGTGGNANAT ACAGCAACCC TTGGAATANC CTTTTGTCGA GAATAAAGGA ATTGTCTN 118

配列番号：7415
配列の長さ：151
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08656
配列：
GATCTTTNTN ATATATGCAG TCCCATCCCT TCTGTGCCAC TCAATGCCAT CCAGACATGG 60
TTTTNCCCTC CANGGGCCTT TCTCTCCAGA GGGCACTTCG GCTGCCTCTG CTTCCTCTCA 120
TTCGAGGCCC GNCTCTTNCT NACAGAATAG N 151

配列番号：7416
配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08657
配列：
GATCCCGTTG CCTCATGGAA CTCATGCATT TCACGCTGCT TGCCCTTTCT GTGCTACACA 60
GCTGGTTGGG GNGCAAAACT GCATCAAATT AATTTNCCAA GGTCCAATTG ACTGACGCCC 120
TTGACAGCCA TCTACGACTT TATTAACAGG TTACTGTGAA GATTTTNCCA CTAACTCTAG 180
ATTTTNCCTT TTTGTAATGC TGTTTATCAG AGGCGGGTGA CANGGGCTGG AAATAAAGNG 240
AGGGGACATG GTGATGAAAC ATGGCAGGNG TGTACAGATA CCAGTGGTGT GTTGCATGCT 300
CAANACAGCA GCGTCGTCAA TGGCGTCTGC TTGNTTGNNC CATNATGTCT TTGTCATAAT 360
TGGNAANNAA NNNN 374

配列番号：7417
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08658

配列：
GATCTTTATG TCACTAGTTA TAGTTAAGTT CATTCAGACA TAATTATATA AAAACTACGT 60
GGATGTACCG TCATTTGAGG ACTTGCTTAC TAAAACTACA AAACTTCAAA 110

配列番号：7418
配列の長さ：232
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08659
配列：
GATCTTTTTA ATTCAGTACA ATCTCTGAAG GTGTTAACAC TAATNTTTTA CAAGAATGTA 60
GAGGCGACTC GGTGCTATGA AGCGTGTTAA ACAACTCACA CAATTGCTAC AAAACACCAG 120
GGAGGGGCTT TTTGTGTTTT TAATTTTTAA AACATTTTTC CTTTTCTTGT GAGCCATAGT 180
AGGCCTAGAG AGATTACTGG GTTTTTATAA TTAAACATTT ATTTCGGTGA AA 232

配列番号：7419
配列の長さ：370
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08660
配列：
GATCTTAACC AGTCGAGTGG AGTGTACATT GTCTGAATAC AGGATGCACA ATGTTGTCAA 60
TCCTGGAAAT GGTCTTTCTT TTTTGTAAGA TATGTGAATG AAGTGTTGGT GTCCTCACCA 120
AGAGGTGGCA CCTAAGGGTT CTGAGGAAAT AAATGTATAG ACCCTTATGT ACAGACCTGT 180
GTATAANCAN CTNNNGTATA TACATATAAG GATAGCTTTT TTGACCTATA CAGCTGTNCA 240
TAAAAGTAGC TGATATTAGT TAGGCCTGTG TCACCAGTTT GGNTTTTTTN CACTGGTNCA 300
TTTGGGATTT NNTTTTNGGT GGTTTAAAAT GGCATATGCT AAGGTGTGTG ATTGGGAANA 360
AANNANNANN 370

配列番号：7420
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08661
配列：
GATCTGTGTT TTAATGAGTT TCACAGTGTG ATTTTGATTA TNAATTGTGC AAGCTTTTCC 60
TAATAAACGT GGAGAATCAC AAA 83

配列番号：7421
配列の長さ：394
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08662
配列：
GATCCTCTCT TACCCCGTCC CCAGGTTTGA AACACATAGC CTCATTTCAA GGTGTAGCCA 60

GGTTCCCCCG ACTTTCCTCT GGGATATAAA AAAGGGGGTA AGGGGGCAAA GAGAGCCCTC 120
TGGGACTCTC CTCCCATACA CACTACACTG CCCCTTCTCC CCCCATCAAA ACGCTCAGNG 180
ACGTTGTGAT GATGCGACTG AGGATTATGC AACGTGGTCC AACCGGAGCG GNCAGCATGA 240
CCAGCTGTCC AGGGGCTGNC TNCTGCCTTT TCTTTTGTAA AAGCCANGAC CCTTGGGGAG 300
TTTTAATNCT GTTTTGTACT TGNCCTGTGG GGNCTNCACT TGCTTTTTCT ATGGGAGACA 360
CTTTTNAAAT TTAACAAGNT GNGGGTTTTT TGNN 394

配列番号：7422
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08663
配列：
GATCCCCATG CCTGAGGGCC CCTCGGCTGG CCTGGGCATG TGATGGCTCC TCACTGGGAG 60
CCTGTGGGGG AGGCTCAGGT GTCTGGAGGG GGTTTGTGCC TGATAACGTA ATAACACCAG 120
TGGAGACTTG CAAA 134

配列番号：7423
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08664
配列：
GATCATGNGT TTCCTCATGA GGACAAATAC CTGATTTTGA ATAAAGCAGC ATTCAGTTGA 60
AATAACAAA 69

配列番号：7424
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08665
配列：
GATCAACATT TTTTTAAAAA GAGCATTAAA GAAAGAATTG TGGTACAATA AA 52

配列番号：7425
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08666
配列：
GATCACACAT TCAGACTGTT GTGTCTGTGG AGTTTTAGGA GTGGGGGGTG ACCTTTCTGG 60
TCTTTGCACT TCCATCCTCT GCNACTTCCA TCTGGCATCC CACGCGTTGT CCCCTGCACT 120
TCTGGAAGGC ACAGGGTGCT GCTGCCTCCT GGTCTTTGCC TTTGCTGGGC CTTCTGTGCA 180
GGACGCTCAG CCTCAGGGCT CAGAAGGTGC CAGTCCGGTC CCAGGTCCCT TGTCCCTTCC 240
ACAGAGGCCT TCCTAGAAGA TGCATCTAGA GTGTCAGCCT TATCAGTGTT TAAGATTTTC 300

NTTNTATTTT TAATTTTTTT GAGACAGAAT CTCACTCTCT CGNCCAGGCT GGAGTN 356

配列番号：7426
配列の長さ：246
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08667
配列：
GATCGTCGCC CCTCTGCCAA CTGCGACCCC TTTTCGGTGA CAGAAGCCCT CATCCGCACG 60
TGTCTTCTCA ATNAAACCGG CGATGAGCCC TTCNAGTACA AAAATTAAGT GGACTAGACC 120
TCCAGCTGTT GAGCCCCTCC TAGTTCTTCA TCCCACTCCA ACTCTTCCCC CTCTCCCAGT 180
TGTCCCGATT GTAACTCAAA GGGTGGAATA TCAAGGTCGT TTTTTTCATT CCATGTGCCC 240
AGTAAA 246

配列番号：7427
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08668
配列：
GATCCTTGCA GGAACCTAAG GATTACAGCA GCTGCAGATG GCAGGAGCTA CAAGCCAGCA 60
GCAGCCAATG CTCANTGGGG TACAAATGGC TCAGGCAGGT CAACCAGGGA AAATGCCAAG 120
TGGAATAAAA ACCAACATCA AGTCGGCTTC CATGCATCCC TACCAGCGGT GAGTGTGGCT 180
GGCAACCTCG ACTCCCTGGT GCTCTTTGCA GAGTTGGGCA GTGAAATNNN NNNNTGCTCA 240
AGGCTCACCT AGGATGGGTA CAATAAAAAG AACATGGGCT TTCAAA 286

配列番号：7428
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08669
配列：
GATCACTAAC AGGTGATGGG CTTTGTGCCC ACTCCAGAGA TATTGTGGGA GACAAATTCT 60
TTTAACAGCC TGTCCTCCCG GCATCAGGAG TCATTGAACA ATCATGGATT GTTGTGTTTG 120
GGATTTTTTT TTTTTTNGGN TTNNTTTTGG GTTTTNGNGN GTGTGTGTGT GNCCTGN 177

配列番号：7429
配列の長さ：388
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08670
配列：
GATCCAGGTG GTCCAGGAGC CCAGGACAGG CCTTTNCTGT GGGCCCTGGC CAGACAGGGT 60
TACCTGGTGA GGTGCAGAGA GTCCCTCTAG TGGCCATTTT GTATGGTAGT TGCTAATGCA 120
GAACAAGTTC TGTCTTGGGC TTAAATTGAC TGAAGACTTT AGGGGGAAAG AATAGTAAAT 180

GCATGTAAAC AAATGGGGAC ACTCTGTTCA GGAGAATAAT CCGACTGGCA TTTGTGGCAG 240
TTTTTGAAAT GTAAATGTAT TCATGTGTGT TCTTGTAAAT ACGTGTCGCT CAGATGTCCT 300
TTGAAGTGGG AGGGAATCAA TCCGGGGATA ATTTCAAATG GAATAGAGTA TTTTGATATT 360
GTTCATTCAG AGGGTGATGT GTACACAN 388

配列番号：7430
配列の長さ：392
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08671
配列：
GATCCCCACT GTCAATGGGG GATTGTCCCA GCCCCTCTTC CCTTCCCCTC ACCTGGAAGC 60
TTCTTCAACC AATCCCTTCA CACTCTCTCC CCCATCCCCC CAAGATACAC ACTGGACCCT 120
CTCTTGCTGA ATGTGGGCAT TAATTTTTTG ACTGCAGCTC TGCTTCTCCA GCCCCGCCGT 180
GGGTGGCAAG CTGTGTTCAT ACCTAAATTT TCTGGAAGGG GACAGTGAAA AGAGGAGTGA 240
CAGGAGGGAA AGGGGGAGAC AAAACTCCTA CTCTCAACCT CACACCAACA CCTCCCATTA 300
TCACTCTCTC TGCCCCNATT CCTTCAAGAG GAGACCCTTT GGGGACAAGG CCGTTTCTTT 360
GTTTCTGAGC ATAAAGAGGA AAATAAATCT TN 392

配列番号：7431
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08673
配列：
GATCTTTGGG AAGGGAGACT AGGGCAGGTG GAGACAGCGC AGAACCCCCG TGCTGGGTGG 60
GAAGCATGAC CACACGGTGG GTGAGCAGCC CCCATGCACT GATGGTAAAT TCCCCTGTGG 120
ACTCAAA 127

配列番号：7432
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08674
配列：
GATCTGTCTG GCATGTCAGG AGCCAGAGAT ATTTTNATAT CAAAAATTGT CCACAAGTCA 60
TTTGTGGAAG TGAATGAAGA GGGAACAGAG GCGGCAGCTG CCACAGCAGG CATCGCAACT 120
TTCTGCATGT TGATGCCCGA AGAAAATTTC ACTGCCGACC ATCCATTCCT TTTCNNNNTT 180
CGGCATAATT CCTCAGGTAG CATCCTATTC TTGGGGAGAT TTTCTTCCCC TTAGAAGAAA 240
GAGACTGTAG CAATACAAAA ATCAAGCTTA GTGCTTTATT ACCTGAGTTT TTAAATAGAG 300
CCAATATGTC TTTATAANCT TTNCCCANTA AAAACCCACT TGTCCCAAAG AAA 353

配列番号：7433
配列の長さ：399
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08675
配列：
GATCTAATTG GCTTTTATTA GCAATTCATG AGCCCGGCAG CATCCAGTCT ACAAAATAGA 60
AAGGAGTGCC ACTAAGCTAG ACAGAATGGA TGGGTTTTAT GGCAGAAAAA AGTGGAAGCA 120
AGCAAGAACA ATGAACAAAT TAATGGATGG ATTGTTTTAA GATTACATTT CTTTTATGGG 180
AGTAAACAAA ATCTTGTTAG CCTAATGGAA TTTGGCATCA TCTCCTGATT TCTCAGAAGG 240
TCATATCTTG TAAGTGAACC ATTTAGGTTT GGTGACCTGG NACCTTTGGC ATAANGTGAC 300
TCCATTTTGG GGCCTGCTGC CTTTTTCTTT AAAAANGGAG TGACACCNTA ATTTCCATGG 360
GNNGAGCACA CANNATGCCC TTGTNTTGCA GGACCTNCN 399

配列番号：7434
配列の長さ：230
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08676
配列：
GATCCTGACC ATATTCCTCA AGGTCTCCTT TTCCTTCCTC CAGTGTAACA AAATTCCCTG 60
CTGGCGTCCT ATGTAAAGAT AATCGGCCCT TTTTGGACCT TTTGTTGGGN TCAAGAATTT 120
GGGTGGGAGA AAAGAAAGTG GGTTATCAAG GGTGATTTGA AATTTTCTGC AGCATTAAAG 180
CTGGCGCTTA ATAAGAATAA GTAATAATAA AGAAATTTCT AACATTCAAA 230

配列番号：7435
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08677
配列：
GATCCTGAAA ATAGCCCCGT GAAGGCAGAA ATGTATGTGA CTAGAACGAG GCCACATGAA 60
TAAGCCACTG CCCACTGGCA GGAGTGAAAA CTGAAGCGCT CCTTACCTGA AGGACCCCAA 120
AACCATATAG AATAGAATAA CCAGGAGTTC AAA 153

配列番号：7436
配列の長さ：138
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08678
配列：
GATCTCACAA GCNCTTTCCC TCTTGGTGCC TCAGTTTCCT GACCTATGAA ACAGAGAAAA 60
TAAAAGCACT TATTTATTGT TGTTGGAGGC TGCAAANTGT TAGTAGATAT GAGGCATTTG 120
CAGCTGTGCC ATATTAAA 138

配列番号：7437
配列の長さ：361
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08679
配列：
GATCATGGCT AAAGATGACC TCTCTGGTGC TGACATCAAG GCAATCTGTA CAGAAGCTGG 60
TCTGATGGCC TTAAGAGAAC GTAGAATGAA AGTAACAAAT GAAGACTTCA AAAAATCTAA 120
AGAAAATNTT CTTTATAAGA AACAGGAAGG CACCCCTGAG GGGCTGTATC TCTAATGANC 180
CATGGCTGTC ATCAGGAAAA TGGTTGGGAG ATTTCTCAAT CCCTGAAAGG ATGAGGTTGG 240
GGGAGTTGCC CAGAGGAATC CCTGTTCCCA CTGATTTTTA TTAGCAAAAC ATCCTGTGTC 300
TTTTGGAGTA CGNTGTGTAA GTGCCCATTG GGTGGCCTGT TNGGTCACTG TGCAGCAGTT 360
N 361

配列番号：7438
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08680
配列：
GATCAAAGTG TAAACACCAT AGGGACCCNT TCTACACAGA GCAGGACTGC ACAGCGTCCT 60
GTCCACACCC AGCTCAGCAT TTCCACACCA AGCAGCAACA GCAAATNACG ACCACTGCTA 120
GATGTCTATT CTTGTTGGAG ACATGGGATG ATTATNNNCT GTTCTATTTG TGCTTAGTCC 180
AATTCCTTGC ACATAGTAGG NACCNNGTTC AATTACTATT GNATGAATTA AGAATTGGTT 240
GCCATAAAAA TAAATNNGGT TCATTTAANG TNN 273

配列番号：7439
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08681
配列：
GATCAGAGGA ATGTTATNTT GTTCAGCCTT CTGGTTGGTT CACAGTAGTG ATAGTATTGT 60
AAATACTCAG AGCAATCCTA CAAGAAGAAA ACTACATNAG CCCCCACATG TTCCCCCCAA 120
CATACCCCAT CACAGCAACT GAAAACAAGA GAAATGTTAG TTTTCTGTGG AAA 173

配列番号：7440
配列の長さ：194
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08682
配列：
GATCTCTTGA ACTCTGGGTT CTCCCAGCCC CTTGTCCTTC CTTCCAGCTG AGCCCTGGCC 60
ACACTGGGGC TGCCTTTCTC TNACTCTGTC TTCCCCAAGT AAGGGGGCTC TCTNAGTGCA 120
GGGTCTGATG CTGAGTCCCA CTTAGCTTGG GGTCAGAACC AAGGGGTTTA ATAAATAACC 180
CTTGAAAACT GAAA 194

配列番号：7441

配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08683
配列：
GATCANATGA AGAAAAGGAG AGGTAGATAC AGTCAGTGTC ACTTCAGGAA AGCTATTTAA 60
AAAANCTTGA AATATAATTG AAAGAAGAAA CAACACCAAA NAAGCCTAAN CCTAGCCTCT 120
GANCANCACT AN 132

配列番号：7442
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08684
配列：
GATCAATCTG AGGAGACTTA ATAATGATAT TNATTCTCCC AATTCATGAA TATAGTATAC 60
CCCTGTATTT ATTTGTNTTC TTGAATTTCT TTTATCATTG TTTTGTAGTT TTCACCATGA 120
CAGTCTTGCA CATATTTTGT TAAATGTACA GCTGAGAATT TAATTTTTCC TGGTGTACAA 180
TGCTAATAAA ATGGTGCTTT AAAAGAAA 208

配列番号：7443
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08685
配列：
GATCCTCTAA GGTTCTACAG TTTACTTCTT GTATTCTCCT TTGTAAGTCA TCTCCAAGAC 60
GATGTCCAAA TCCATCACCA TTAAAATTAA TAGTTTCCTC ACCCACAACA CTTAATATTT 120
TAAAAAANGA TACTTTTCAT TGTATTATAA TTACTTGATA CATACATATT TGCTCTGTGA 180
GTTCCTTATT CATCATATTA GTGCCTGACA ATAAATGTGT GCTGGATTGA GCTGAATCTT 240
TAAA 244

配列番号：7444
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08686
配列：
GATCCTGCAA TTCCACTTAT AGGAATTGAC CCACAAGAAA TGAAAGCAGG GACTTGAACC 60
CATATTTGTA CACCAATATT CATAGCAGCT TATTCACAAG ACCCAAAAGG CAGAAGCAAC 120
CCAAATGTTC ATCAATGANT GATTGATTGG CTAAGCAAAA TGTGATATGT NCCTAACGAA 180
GTATCCTTCA GCCTGAAAGA GGAATGANGT ACTCATACAT GTTACAACAC GGACGAACCT 240
TGANANCTTT ATGCTAAGTG AAATAAGCCA GACATCANCA GATAANTAGT TTATGNTTCC 300
ACCTACATGN GGTACTGNGA GTN 323

配列番号：7445
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08687
配列：
GATCCTCCTG CCTCATCCTC CCAAAATNCT GGGATTACAG GCATAAGCCA CCGTGCCTGG 60
CCTCTTTAAT AATNTTNAAA ATACCCTAAA GGCTTGTGAA TATACAAGTC TACTGATAAA 120
TTATGTATTG TCTGGGAATT TGATAGTNAT TGTTTTAGAT AACTGGNTTT TACGCTGTGG 180
TAGNCNGGCT GTGACACTAG TGTTGCACAG GTGTAATTGG TCATCCTATG CCTTCACCAG 240
AATAACTTGG GAGTGGTGCC AGAANCTAGA GTCTACAATT CTCACTGTTT AGAGAGTGTT 300
ANTGNCATAC TGTGTATN 318

配列番号：7446
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08688
配列：
GATCAAGATA GTAGTATTAT TACACAAGAA ACTTGGTCTG CAGTCTGGAA GCTTGTCTGC 60
TCTATAGAAA TGAAAATGCA GCATGAAGTT GACATTGTGG AAATGAAAGT AATTGGGTAT 120
TAGAAATCTG AAAGTACTGT CATCTAANAG CAATTGTGAT TTTNTTGTAA TTGGTTGTCA 180
CTGTTGTNCG GTGTCTAGNG TTANNGAATA CATGTNANCT TTCATGGTAT TTNGCCTTTC 240
TTAANTTTTT TTAAAATTTA ANCTTTCTAA CCTATGTATT CAACTTCTGT ATTTATATNT 300
NATCAGTGGT TCATGTN 317

配列番号：7447
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08689
配列：
GATCATCAAA GAAAGACAGG GTGACCTGAG GATTATATGT TCAGCCAAGC TCCCCTCCAA 60
GCATAAAGGC TACAGATAAC CATTTGTACA TATTCAGGAA CTGGAGTAAT GTGATTCCAA 120
TGAGCCTGTC TTGAAGGAAC TCCTAGGGGA TTAACTTCAG CTAACCTGGG AAGTTATCTG 180
GAGAAACCAC AACAGAAGGA CTGGTTGTAG TTCGAGGCTG TAGTCAGCTA TGATTGCACC 240
ACTGCACTCT AGCCTGGATA ATAGAGCAAG ACTTTGTCTC CAAA 284

配列番号：7448
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08690
配列：
GATCCCTAGT ATAACACATT CAGTGTTCCC CTTTCAGTCT TACTACTTTN ACCGCGATGA 60

TGTGGCTTTN AAGAACTTTG CCAAATACTT TCTTCACCAA TCTCATGAGG AGAGGGAACA 120
TGCTGAGAAA CTGATGAAGC TGCAGANCCA ACGAGGTGGC CGANTCTNCC TTCAGGATAT 180
CAGGAAACCA GACTGTGATG ACTGGGAGAG CGGGCTGANT GCAATGGANG TGTGCATTAC 240
ATTTGGAAAA AANTGTGAAT CAGTCACTAC TGGANCTGCA CAANCTNGCC ACTGNCAAAA 300
TTGACCCCCN TTTGTNTGAC TTCN 324

配列番号：7449
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08691
配列：
GATCACCTGA GGTCAGGGGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAC ACGGTGAANC CCATCTCTAC 60
TAAAAATGCA AAAATTAGCC GGGCGTGGCG GCACATGCCT GTAATCCCAG CTACATGGGA 120
GGCTGAGGTG GGAGAATTGC TTGAACCCAG GAGGCGGAGG 'CAGAGGCTNC AGTGACCCAA 180
GATTGTGCCA CTGCACTCCA CCCTGGGCAA CAGAGCAAGA CCCCATCTCA AAAATAAATA 240
ANTATATATA NAAAATAAAA NGCTATTTCT NGNNNNTTTC ACTATAAAGT TTTGCTTTAT 300
TAAAAAGCTA NTANGCAGCT ATTN 324

配列番号：7450
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08692
配列：
GATCTTAAAC TCAGTAAGCC ACTATCTGCA ATTTTGTACA TTATATAGTA TTTTGAAGAT 60
ATGGAACCTT ATGAAAAAAA AATAGCAAAT NAGTTCTTTT TCCCCCAGAG GGGAAAGTTA 120
TGTNCTGCAA ATAGTGTGTG TCTTATTTTA CTGTTGANCA GCAATNGCNN NTTATTTTTT 180
NATTGCCTAG AACTTCAACA TGTTGTATAG GAATCCTGTA GTGCCACTAG TTAAATGCCG 240
AATTCTCATC TGGATGTTAC CATCAAACAT CAGTACACTT GTCATTTCAC ATGTGTTTAA 300
TGTGACAGTT TTTCAGTACT GTNTNN 326

配列番号：7451
配列の長さ：38
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08693
配列：
GATCTNGTGG GCATAAATAA AGGTGTCATA AAGACAAA 38

配列番号：7452
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08694

配列：
GATCTTAAGA AGTGCTTTGA AGGGTTAAGA ATCAGGGGTC CAAGAGAGAC CCCAGTCCCT 60
CAATAAAGCC ACAAGAGCCC AAA 83

配列番号：7453
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08695
配列：
GATCTACACT CCAGGCCGGA AAGAGCAAGG GGAGCCCATG ACCCCTCGCC GCACGCCAGC 60
CCGCTTTGGT CTGTAAGCTG AGGCTGTCCC CAGAGAGGAT GGCAGCAGGT ATTGGGTCCT 120
CAGCCTTCTG GCGGGAGCCT GAGGCTGCGG ACAAAGCCCT TTAATCTAAG GACTTTAATC 180
TGTNCATATN ACGGCCCCCC AGGGCAGTTC CTGCTGGACC AGACTCTNTG GCAGAGGAGG 240
TGGAGTTCTT CCATGCAGGA GCACGNCATG GCGGGAGCGG GGCTGCAGAG TATCCGNGGT 300
GCTGCCGNGG CACGGNGAGG TNGCTNGACC CATCGCATCT AAAANTAGGA N 351

配列番号：7454
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08696
配列：
GATCTAAGGT TTTAAAAGAA TTTGGTTTGA AAATATACAG TTGTCTTGAA GGAAA 55

配列番号：7455
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08697
配列：
GATCTGTTCT GTTTCACCAT GTAACACACA ATACATGCAT GCACTGTATT AGTGTTAGAA 60
A 61

配列番号：7456
配列の長さ：273
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08698
配列：
GATCCCATTT TCCTCTGACG TCCACCTCCT ACCCCATAGG AGTTAGAAGT TAGGGTTTAG 60
GCATCATTTT GAGAATGCTG ACACTTTTTC AGGGCTGTGA TTGAGTGAGG GCATGGGTAA 120
AAATATTTCT TTAAAAGAAG GATGAACAAT TATATTTATA TTTCAGGTTA TATCCAATAG 180
TAGAGTTGGC TTTTNTTTTT TTTTGGNCCA NGGGGGGGGG TTTTTTCCCC NTGCCCCCCT 240
GGGGTTTTTN NANTCCCNGT NNNAAAANAA ANN 273

配列番号：7457
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08699
配列：
GATCTTAACC AGTCGAGTGG AGTGTACATT GTCTGAATAC AGGNTGCACA ATGTTGTCAA 60
TCCTGGAAAT GGTCTTTCTT TTTTGTAAGA TATGTGAATG AAGTGTTGGT GTCCTCACCA 120
AGAGGTGGCA CCTAAGGGTT CTGAGGAAAT AAATGTATAG ACCCTTATGT ACAGACCTGT 180
GTATAAACAA CTNTTGTATA TACATATAGG ATAGCTTTTT TGTACTATAC AGCTGGTACC 240
ATAANAGTAG CTGGATANTT TGGTTAGGNC NGGTTGTCCA CCAGTTTTGG NNTTTTTTTT 300
CACTTTGNTN CATTTTGGGG GATTTTCCTT GTGGGTTGNN TTAAAANTTG CATATGCTTA 360
NGN 363

配列番号：7458
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08700
配列：
GATCCGTATT TCCAATAAAA TCCCCTACCT GAATATTCAA GTTAAACATG TCCAGAATAC 60
TTACTGATTT TATTGTTAAT AGCCACTATT CTGTTGTCTG GAATTAAAAC CTGTATAACT 120
AATTTGCATC CCTTTATCTT CTTAGTCAAT AAAACCTACA ATCCTCTTTC AAA 173

配列番号：7459
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08701
配列：
GATCACCCCC CAACTTGCCC TTCAAGTTCT ACTTCAGTTT GATAAGGCTA TAAATGCAGC 60
ACTGGCTCAG AGGGTCAGGA ACAGAGTCAA TTTCAGGGGC TCTCTAAATA CGTACAGATT 120
CTGCGATAAT GTGTGGACTT TTGTACTGAA TGATGTTGAA TTCAGAGAGG TGACAGAACT 180
TATTAAAGTG GATAAAGTGA AAATTGTAGC CTGTGATGGT AAAAATACTG GCTCCAATAC 240
TACAGANTGG ATAGAAAAAN TATGACTNNT TTACACCATC TTCCTGTTAT TCATTGCTTT 300
TTGAAGAGNA GCATAGANGA GACTTTNTTN TTTTATNCTN GGAATTTTN 349

配列番号：7460
配列の長さ：395
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08702
配列：
GATCTGGAGT AAGGAATATT GTCATCACCT GGATTTTGAG AAAGAAAAAT AACTTCTCTG 60

CAAGATTTCA TAATTGAGAG AATTCCTGAG TTGATAGCTC TAAAGGCAGA TATGCTGTAT 120
TTGCCTACTT TAACCCATTT TTCAACCTGT TTGTTTTTTA ANNGGNTTCA CTAAGGGTTG 180
ATATGTACCA TTGTATGGGG CAATTTTAAG TCAGCTAAGG CAATAACCTT ATGCATGAGC 240
ATTTCCCAGA CTTTCATGAA GCTGTTGAGG TCCTAGGCAA TTAATGCAGC AGTTGCGATA 300
AATAAANGNC NTCTCACCTA AGNNTCCNTT TTCTTCNATA ACCATGGTTC CTGGNCATGN 360
TTGGGAGGCT NCTCGGCTTT AGGGNAANGG GGTTN 395

配列番号：7461
配列の長さ：347
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08703
配列：
GATCGCCTCC CAACAGCAGA TTTCGACATT ACCTGAGAGT CTTGATTTTA GGCTTGTTTT 60
TTGTAAACCC ATGTGTTTGT AGAGATTTTA GGCGTCTTCG GATATCTTCT CACCTATGTT 120
CCCTGGCTAA GAAGTCAGAG GTAGCCAATG TTTCCTTAAA TTCATTTTTA AACTTACCAT 180
TGGTGCATAT GTTCCAGATG GCAGATGCTG TCAATAATCT CACCATTGAT GACCTTTGTG 240
TATGTAGTTC TTGCATCCTA TACTGGATAA GCCTGTTTTA ACCTGCTATG ATGGGTGCTT 300
TCCATTGCTT CNTAATCTTC ATGGAGGGTT GCCATGCTTT TTGCCNN 347

配列番号：7462
配列の長さ：274
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08704
配列：
GATCGGNATG TAATAACAGC ATTAACTCAC AGACCTTGGA GCCTAAGCCA TACAGGAGAT 60
GGGAAACCAC GCTATGATAC TTNCTGGAAA CATTTTATAT TTNTAATGAT GGACATTTTN 120
CTCGATTGGA GCATGCATAA TANCTTGTGG TACCTGTGTG GAATTTCANC TTTCCTCATG 180
CAAAAGGATT TTNTATCCCC GGCCTACTTG ANGAAGTGGT CAGCTAANGG NNTCCAGGTT 240
GTTGGTTGGA CTGTAATACC NTTTGATGAN AAGN 274

配列番号：7463
配列の長さ：69
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08705
配列：
GATCAGAAAC TTGCATATGC GTGAAAAAAG GAAGAGCAGC AGAAAATAAA TAAATGACAG 60
GAAAGCAAA 69

配列番号：7464
配列の長さ：199
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08706
配列：
GATCTATAGC AATGTGATTT TATTTTTAAA AAGAAAAGCA GTGTGTTTTC TTTTTTTGTT 60
GTTTTCTTTT GCTTAAGCAC TTCATCAATT GCTTTATTCT GTATCTGCGA AGTNATCTGC 120
AATCTCTNTT GNNCTTTNTA AAATTTGGAT NTGTTATAAA AATTGNCCAN ATTGGAAGGT 180
GTTTCAGTTA AAAAAANAN 199

配列番号：7465
配列の長さ：320
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08707
配列：
GATCACAAAC TTGGAGGGCT GTATGGTTTT TCATTTAAGA AAGTAATTGT CGTGCAATAA 60
AGTTATTAAG CCTTGTTTAA GAATATTTTT ATTTTGTACA TCAAGTGGAG TTGGAAATAG 120
TTGGTTTCAT AATGATATAT TTCAAAAGTA TCTTGAAGTC ATCTGGTTCA TTTCACTACC 180
CAGGGCACAC ATTCCTCCTG TAACATCCCA AGTGGTTATT AAGCAAAACA GATTTATTTT 240
ATTTAGAAAA NNTTAGTATG ACTGATTTGC TATTGATTTT GTACTTCTAT AAATNAATGT 300
GGATACATGC TATATTCAAA 320

配列番号：7466
配列の長さ：311
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08708
配列：
GATCACTTAC AGGTGCCCTC TCCCCCAACA GCCAGAAAGG GAAAACAGAG CCGAGTTTGG 60
CCACTGGGGC CTCCACAGCC CTCTGGAAGA AGGGGCTGAC TGATAGGAAG GCACTCCTCT 120
GGTGTTCACT GGCCAGACCC CTGTGGGCTC AGAAGACTAC CTAGACCCCA TGAAGAAAGA 180
CTCTAGACAC ATTTTTATAA TCAGAAACTT ACAGTTTATT GTGAATAAAC CACTCAACTT 240
TGAGCAGATG ACATTGCCTC ANTTAACTTT TTCGTTGAAG AAAAACAAAG ATATATGGTA 300
AATTCATGAA A 311

配列番号：7467
配列の長さ：434
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08709
配列：
GATCATCAAC AAAGACTTGT TAGAAAGGTC TAGTCTTAGC ACTTGGCAGT TAATCTAGGG 60
AAGATGAATT AAATGGGTAG ATAGTGATGC ATACCTGTAT TCACTGATGT ATGTTTAAGG 120
GATTTGGGGG GGATACCTCA GTTCATGTGG AAGGGACAGT CTCGGTGTGT CCCATGAATA 180
ACCTTGGAAC TGCAACAAAT GGTTTGTGCT CAGAAAAAGT CTTTCATGGT GACAGGAAGA 240
CAGTTTCCCT GGAGCTGGCC ATGAAGGCCT TAGAAGCCAT TTCTGGTGTC TGGTGGGTAG 300
CAGGCATAGA GATGATGTNC CGAGGTCCCA GTGAACACCA GTAGCCAAAN GAATTGTACT 360

ACCTTNTATC CATTANTTNG GGGAAGGTCC TTCCCTNGGG NAACCAATGN CCTTTTTTGN 420
TGGGCCAAAA TTTN 434

配列番号：7468
配列の長さ：414
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08710
配列：
GATCGAGCTG TGGACTTATA CCTGTGTGCN TGGTTTACAG GTCCAGTGGT TCTTCAGCCC 60
ATGACAGATG AGAAGGGGCT ATATTGAAGG GCAAAGAGGA ACTGTTGTTT GAATTTTCCT 120
GAGAGCCTGG CTTAGTGCTG GGCCTTCTCT TAAACCTCAT TACAATNAGG TTAGTACTTT 180
TAGTCCCTGT TTTACAGGGG TTAGAATAGA CTGTTAAGGG GCAACTGAGA AAGAACAGAG 240
AAGTGACAGC TAGGGGTTGA GAGGGGCCAG AAAAACATGA NTGCAGGCAG ATTTCGTGAA 300
ATCTGCCACC ACTTTATANC CAGATGGTTC CTTTCACAAC CCTGGGTCAA AAAGAGAATA 360
NTTTGGCCTA TNATGTTANA AGGAANGCAG GNNGGTGGGT TNAANTAAAA NTTN 414

配列番号：7469
配列の長さ：214
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08711
配列：
GATCAGTATT TTTAATCAAC ACCTGAGAAC TGTTACACCT TTNATTTTGT CTTTNAGGAA 60
ATCCCTGTCT TTCCATTTTT TCATGTAAAT NTTGCACAGT TACTTGTTCA TATGTAAATA 120
TTTTACTTTC AGAAATNAAG TTTTTAATTG CTATTGTTTT ATATAGGATT GAAAGAAAAT 180
NAACTCCTTT ATTAAAAACA AATTTATCTG TAAA 214

配列番号：7470
配列の長さ：418
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08712
配列：
GATCCATTTC CTCAGGACTC AGTTAGGTGT GCCCAGACGC ACTGACAAAA TNACGTGACT 60
TCAGGGAAGC CTGGACACCC GAGGCACCTG GACCAGCTAT GGGTAGTTCT GTGGGTGGAA 120
CACATTCTGT GTAAGAGCCC CACTGAGGGC TCTGCAGCGG AGTGACAGCA ACCCCAGAGA 180
TGAGGCACCA GAGAGTGCCA CTGCATGAGA CACCTGTGAC CATTCGAAGT CTGAAATGCG 240
GGGGGGGAGT TTCATTTTTA AGTGAAGACC AAAAGCCCTT TAAAAATAAT AGTTTTTTAT 300
CATTTTATAG TAATCAGCGG NNTCTCTTTT ACTAATATAC TCATTCCTNT TGCGTATGAT 360
TGGNCTTTTG GAGCTACATG CTCCNACAAN NCTGTATCTT AATTGGTTAA CTTGTTAN 418

配列番号：7471
配列の長さ：422
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08713
配列：
GATCTTGGCG TTGTGGTAGA TTGCCTTCCT GTGCTCACCA ATTGTTTACA GGAAGAAAAA 60
CAATATATCT CACTTGGCTG CTGTGTTGAC TTGTTGCCTC TAGTAAAGTC ACTACTTAAA 120
AGCAAATTTN AAGAATATGT TATAGTTGGT TTAAACTGGC TTCAAGCAGT CATTAAAAGG 180
TGGTGGTCAG AACTATCATC CAAAACAGGA ATTATAAATG ATGGAAATAT TCAAATTTTA 240
AAACAACAAT TAAGTGGATT ATGGGTACAG GANAACCATC TTACTTTGGT TCCAGGATAT 300
ACTGGTAATN TAGCTANGGG TGTAGNTGCT TNTTTTCTTT CCAGTTCCNT TGNGGGATTT 360
CCTCTNCCTG NGGGGCATTT TGGTTTTTCA ANACCNTCCC NTGGACCTGT TTTANTTTTC 420
CN 422

配列番号：7472
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08714
配列：
GATCGCCTTA ACTACTGTAA ACATAGCCTA TTTTTGTGCT TAANATACTG AATGGAAAAC 60
TCCATTGTGT GTTGCTGGAC TGTTTTGGAA ATATNNNGTT AAATGTGTGT TAATTTGGCT 120
GTAATGGCAT TTAAAGCAAA CAAACAAACA AAAAAAGCTG TGAAAATGGC CTTGGAGCAT 180
TATCTTTAGT TACTTGAAGA GTTTCTAGTT TTTTTAAAAT ACAGTTTATG TTAAAATAAT 240
TTTANTTAAT TTAGAGANGC CAATCATTGT CTGNGGGGAA ACCGGCCTTN CNTTTTGGGN 300
TTNCNTTTTN GTGGGCCATT GGTGAGGTGA GTGCCTNTTN CCCGTTTCNT TNGGTTTCN 359

配列番号：7473
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08715
配列：
GATCTTTAAA GTTATTTTTA GGCACATTTG TGACAAACAA CTACTTGATA TTGAAATCTC 60
CNTCAGCCAT TAGAAGCTAT CAAATAAAGT AGGTGTAAAA ACAAA 105

配列番号：7474
配列の長さ：104
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08716
配列：
GATCAAGTAT GCTAATNTTA AGCAAATGTA AAAACTCATA AAACAGGTAA ACAGTGGGGT 60
GATTTCATTT GCCATAATTC ACATAAGACG AATTTTAATC TAAA 104

配列番号：7475
配列の長さ：340

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08717
配列：
GATCCTTGTT TTTAAGTTAC TTTCGATGTG TATACGAACA AAGACCAGGG AGAAACAGAA 60
CTTTTAAAAC TATAGGCTGC TGTNTTGGGG CCAGAAATAA GGTGACAAGT AAAGACTTTT 120
ATAATACCTA CCTTCAAANT TAGAATCAGC AGCACTGTAC AANTAAAGTG CCTGTGCTTC 180
ACCTCACACC AAGANTCTTG CCTAACCCTG TCAGAGTGCC TAATATCCTG TGGTGATTAT 240
GTATAATGAA ACAGTCTTAT TTTGTGCTCT TTGGTTTCTT AAAAGGAAAG CTTGTTTTCT 300
TTCCTTTATC ATTACAGAGG TATGTCTTTG GTTCTTANTN 340

配列番号：7476
配列の長さ：189
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08718
配列：
GATCTGTGAA AAAATACAGT ATTGTAAATC CAAGACTCTG ATACTGAATT TAAGTTATTT 60
CACAGTTGTA GCTACACAGT AAGTAGCTTG GTAGATAGTT ATTGANTGTA TTTATGTAGT 120
GTATTAAGAA GCTTATATTA CTACAAAAAA CTTATTTTAA TATATNTNNN TATNTNNGTN 180
TTATTTATN 189

配列番号：7477
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08719
配列：
GATCTGTGTG ACAAAATNAT TTCTTAGCTA TAATCAGCAC ATCACTTAGT TCAAACAAAA 60
TTCCCCAGCA AATGTTAGAT AGTAGGTATA TCAGTCACCT GGGGAGTTTT CTTCATAATA 120
TGCATATTCA TCTNGTAATG CATACATAGT TATCATCCTC CTTCTCAACC CATCTCCCTA 180
ACCCCACATG CTTGCCAGTT CTTGAAGGGA TAAAGTGATT GTAATAGTGT TTNACTNCTC 240
TCTGTTCAAT TTANTGTGAT ATAATTCTAG TNTAANNNTA TTTNGGACAG TNGCTTAACC 300
ATGGTCATAA GAGGATTTGT ACTATAGATT ATCTTCNGGG GN 342

配列番号：7478
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08720
配列：
GATCTTTGTC AACCAAAACA TGTATTTTCA ATAAATTGAG ATTCCCAGTT CAAA 54

配列番号：7479
配列の長さ：79

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08721
配列：
GATCTGTTTC CCTTTCACAT TTTCCCCATT TTGTGAGCAT TTCCTTACTT CCTAACATGA 60
CAAAATATTT CAAACTAAA 79

配列番号：7480
配列の長さ：281
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08722
配列：
GATCCCCCTG GCCTGGAGGC AGCAGCTGTA TAAACTCTAC GAGGCCGACT TTGTTCTCTT 60
CGGCTACCCC AAGCCCGAAA ACCTCCTCCG AGACTGAAAG CTTTCGCGTT GCTTTTTCTC 120
GCGTGCCTGG AACCTGACGC ACGCGCACTC CAGTTTTTTT ATGACCTACG ATTTTGCAAT 180
CTGGGCTTCT TGTTCACTCC ACTGCCTCTA TCCATTGAGT ACTGTATCGA TATTGTTTTT 240
TAAGATTAAT ATATTTCAGG TATTTAATAC GAAATGTGAA A 281

配列番号：7481
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08723
配列：
GATCTGAGTC CAGGCAGTGT TTTTAAGNGA TATGAGTTAG TAGTGAAAAT TGAAAAGGAT 60
ATTTTACAAC CAAATACAGG TTTNNTGGTG TNTTTTGAAA AATCCAAAGA TTTGGCAACT 120
CGACCTAGGC TCCGACAAAA CCACAGTTGT TGGGAGCTGA GCCGGAGCCA GAACTCACAA 180
TTCACCGTGG CCCGGCCACC CATCCCCACC ACTCCCGTGG GCTCCTGACC AAGCACCACG 240
TGCCATTCAT CATGGCTTGC TTTTAGTGTT TTTGGTGTTT ATCTTAAAGT ACAGCGAAGA 300
AGAAAGGGAA GTATTTNTTA GACCCN 326

配列番号：7482
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08724
配列：
GATCTGGATT TGGTAAAGGT TGACTTAATT GAACTCTCTG AAAAATGCTG TAGTGACTTT 60
AATTTGCACT CAGAATTAGA GCGCTCATTT TTGTCAGANC CATCATCTCC AGGAAGAACC 120
AAGACTACTA AAGGATTCAA ACTTGGGAAG CACAAGCATG AGACCTTTAT AACGTCAAGT 180
GGAAAATCTG ANTACATTGA NCCTGCCAAA AGAGCTCATG TTGTGCCACC ACCAAGAGGA 240
AGGGGCAGGG GTGGNTTTGG ACAGGGTATA CGACCTCATG ATATTTTNNG TCAGNGNAAC 300
CAGNNCACAN GTNGACCACC ATCTNTGCNT N 331

配列番号：7483
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08725
配列：
GATCGGAGTC GCCAGGCAGT ATATCCAGTT AGAACTTCCG GGCTTTTGCA TTAGCTTGTC 60
TGATGCTCAT GCCCCACTCA GAGAAAAGAC ATCAGCAAAT TAAGAATTTT CTGGGTTCCT 120
GTGACCCTCA GGTTATTTTA AAGCAATTGG AAGAGCATAT GAACACGGGC CAGCTAGCAG 180
GATTTTCACA TCAAATTAGA AGTCTGATTT TGANTAATAT CATCAATAAG AAGGAGTTTG 240
GGATTTTGGC AAAGACCAAA TACTTTCAAA TGTTGAAGAT GCATGCGATG AATACCAACA 300
ATATCACTGA GCTAGTGAAC TATTTGGCAA ATGACTTN 338

配列番号：7484
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08726
配列：
GATCCGCCCT CCTTAGCCTC CCAATCCTCT CTTAAAAAAG TGATAGCTCA GAAATATTTG 60
TAAAAGCAAG GTTTTTATTT CATTTTGGCT CTGTCATTTT CAGAGGCAAA GAAGTTGGCC 120
TGTAAAATAG AGTGCTAGAG CTCTTACGCC CCTCCCCTTC TTCCCAACTT CCTACTTCCT 180
AGCCCTTTTA TCAACTCCTA GAATAGTTAA AGAGAGACAC ATCTAGATGG GATGAAAGGT 240
GCCCTAAGCA GGAGAACCTG ANCAAAAGGC TAGAGGCATG GGCCAGGTAA AATTTGGGGC 300
CTAGAGTGAA GNCTGTGCTG TCGTTAAGNG CTTTCGAN 338

配列番号：7485
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08727
配列：
GATCACAGTG ACAAAGAAGA TGAACAGCCT CAAGTGGTGG TTTTAAAAAA GGGAGACCTG 60
TCAGTTGAAG AAGTCATGAA AATTAAAGCA GAAATAAAGG CTGCCAAAGC AGATGAAGAA 120
CCAACTCCAG CCGATGGAAG ANTCATATAT CGAAAACCAG TCAAGCATCC CTCAGATGAA 180
AANTATTCAG GTTTAACAGC AAGCTCAAAA AAGAAGAAGC CAAATGAAGA TGAAGTAAAT 240
CAGGACTCGG TCAAAAAGAN CTCACAAAAN CAANTTAANA TTAGTAGCCT CCTTTCTTTT 300
GACAACGAGG ATGAAAATGA GTAAGTGTAA TTNTTTTN 338

配列番号：7486
配列の長さ：302
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08728
配列：

GATCTTAATT CATATCTTGA AGATAAAGTC TACCTTACAG GGTATAACTT TACATTAGCA 60
GATATACTAT TGTACTATGG ACTTCATCGC TTTATAGTGA GTATTTGTAT AGTTACTGGC 120
TTTTTTTCTG TAGTGTTGAG AATGATTTTT AAAACTTTGT CTTGAATTTA AATCAGATTT 180
GCATTTTTGG CTTATCAAAT AAAAATGAAA GGAATTCCTT TATACAAGGT GCCTTTTGTA 240
ACAAACCTGC ACGTTGTGAC ATGTACCCTA AAACTTAAAG TATAATANTA ATAANNTTNA 300
AA 302

配列番号：7487
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08729
配列：
GATCAAAAGT GAATAATGTA TGAATGAGAG CTGTAAGAAG GATTTTNATT TTGTTATAAT 60
TTAGTTACCA TTTTCAGTGT TATTTCAAAG GTTCTTTGAA GAATTTTGGG GCAGGGCATC 120
AGATTAGAGT TTTAAAATTT GAGTATTTTG GATATCAGTG TTCCTCATGA AGATATACAT 180
GGATATNCAA TTTTGATGGC TTCCAGATTT GTAAGATTTT ATGTTGTATA TACCATTCTA 240
TTAAGAAACA TGTCCACTGT GCTTTCAAAC ATAGATAAAG CATGATAAAG ATTATNATTT 300
AAGATATACT TGTATTTATA CCTCAGATAT TCTN 334

配列番号：7488
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08730
配列：
GATCAGCTGG ATACTCNTGT NACCAGAATT CCAAAGGTTC TGATAGAATC AAAGATGGAT 60
ACAAAGTGAA CTCACACATA GCTAAGCTGC AAGAGTTATG GAAAACTCCC CAAAATCAAA 120
CAATCCACCT CTCTAANTCA NTGATGGAGG CGTCCTTTTT CAAGCATCCA GACCTCACCA 180
CAGGCCAGAN GCGTTACCNG TGCAGCATTG CTAAANTCTA TAATGCAAAC TATCTGANGA 240
TGTTAATGNA GNGGCAGTAC ATGCACGTNC TTCAGCACAG CTCACAAAAG CCAGGTGTCC 300
TCACTCATCA CAGNNGCCGC CTTNGCTCCC GTTTATN 337

配列番号：7489
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08731
配列：
GATCATTGAG AACACTGNAC ACAGCAGCTT CAGGCAAAGG GAAAAGAACT AAATGAATTC 60
CGGGAAAAGC ACAACATTCG TCTCATGGGA GAAGATGAGA AGCCAGCAGC CAAGGAAAAC 120
TCAGAAGGGG CTGGGGCTAA GGCCAGCTCA GCTGGAGTGT TGGTCTCCTA GGGACCAAGG 180
CCTTTGCATT TTTTTCTACC CTGACTCCCA CTTCTAATTT CTCTTTATTG TTATTATTAT 240
TATTTTCTCT GCTATTGTAA TATTTTTTTG TTAATTAAAT GTTTTGGTTA AA 292

配列番号：7490
配列の長さ：140
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08732
配列：
GATCAACTGC AAACAGGCAC GAAGGAACTT TTTTGGGTGA TGAAAAATAA AACTTTGGAT 60
GTCGAACATA TTTTGAAACT AGATTGCAAT NATAGTTGCA TAACTNTATA CATTTATTAA 120
AATCGTGGAA CACTTACAAA 140

配列番号：7491
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08733
配列：
GATCCGGTCT CCCCCGCCCC CCGGCTGCAG GGTGGATAAA GAGGAAGATG TGAAGAGGAG 60
GCAGACAAAA GCAAAAGGAC ATCCTGTCAG TAGGAAACGG CCGAATTACA ATTCAGATGT 120
GCAATGTTTG CATAAGTAAA CTGACACGGG ACTATTATAT GCAGAANTCC ACGTGCAAAA 180
NTTTTCAGAC ACACCTTTGT ACCTCTNCCT AATCCTGCCC TGGTAAAATG GCGGTTATCA 240
GTGCAAGTTT GAGGATACAT ACAGCTGGAA ANTGGNCATC ACCAAACTGG ACTCCAGAAA 300
GTNCTGTCTA GGATTTTATT AGACTGCTTT TTTNCAN 337

配列番号：7492
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08734
配列：
GATCTATTTC TCAGTAATNA GTGTGTGCCT CATGCCTGTT TCAATATTGG GTTTTGGAGA 60
CANTATTGTA CCAGGCCTGT TGATTGCATA CTGTAGAAGA TTTGATGTTC AGACTGGTTC 120
TCCTTACATA TACTATGTTT CGTCTACAGT TGCCTATGCT ATTGGCATGA TACTTACATT 180
TNTNGTCCTG GTGCTGATGA AAAAGGGGCA ACCTGCTCTC CTCTATTTAG TACCTTGCAC 240
ACTTATTACT GCCTCANTTG TTGCCTGGAG ACGTAAGGAA ATGNAAAAGT TCTGGAAAGG 300
TAACAGCTAT CAGATGATGG ACCATTTGGN TTGTCAN 337

配列番号：7493
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08735
配列：
GATCGGCCTG CGAAAGGATA CTGTGAAATN ACTAATTAAC TAATAAACCT GTCTCAAGTT 60
GAGGATTTGA AGAAA 75

配列番号：7494
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08736
配列：
GATCTGGGGT ACTTGGCAGG GCTTCCCTCA GACAATACCT TAGAGAGTCA CAACCATTCC 60
AGGGTCTGGT CTACCTCACA TCCTCATTCA TTGTTGGATG TGCTTAGCAT AGCCAGAGGT 120
GTCTTCTCTT TGACAGACTT GCTATCTGAA AAATAAACCA GGACACCAAT TTTTTAGCAT 180
ATAATAGAGG ACATCCCTTC CCAGCTATAG GAATGCTTGG TATCCTTCCA AGAACTCCTC 240
CTTTAGAGGA GCCTCACAGA AGTTGCTGGG TAAACATGGG CTCAAACCAA GGAAAGTCAG 300
GTAACCTGGG TGGNGGTTAT CCCACCACCA ATGGCAGGGG GTN 343

配列番号：7495
配列の長さ：95
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08737
配列：
GATCAATATT GTAAAGAATT TATTCTGATA AATNAGAAAC TGGATATAAT GTCAAAATAG 60
CTATTTTCTC AATAAAAATC TCAAATCTCC TGAAA 95

配列番号：7496
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08738
配列：
GATCCTCCCT CCTTGGCCCC CCAGTGTTGG GATTACAGGC ATGAGCCACC GTGCTTGGCC 60
TGGAATNAAT TTTTATTTGA AGTTATTCTG TATCTCCAGT GTTGGCATAT GCTAGACATT 120
CAATGAATAT TTGTTGATTT AAA 143

配列番号：7497
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08739
配列：
GATCAACAAA ATGTGGTATA TTCATACAGT GGAATATTAT TCAGCCTCTA AAAGGAAGAT 60
ACGCTGACAT GTGCTGCAAC ATGGATGANT CTTGAGGACA TGATGCTAAG TGAAGTAAGC 120
CAGTCACTGG AAGACAAATA CTCTATGCTT CCNTTTATGT GAAGTATCTA GAGCAGTCAA 180
ATGCATAGAA ACAAGTAGAA TGGTAGTTGC CAAGGACTGG GGGAGGAGGA AATGAGGAGT 240
TGTTTAATGG GTATAGTGTT TCATTTTTGC NAGATAAAAA GTCCTGTGGN TTGGTTGCAC 300
AGTTAAGTTA TGTGANTGCT GTATGCCCAA CTCANCTGTT NN 342

配列番号：7498
配列の長さ：236
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08740
配列：
GATCCAGTCG GCCTGGAGAT TCTACGCCAC CAACCTCTCG CGCACAGACC TGCACTCCAC 60
GTGGCAGTAC TACGAGCGAA CGGTCACCGT GCCCATGTAC AGGTACCGCC GCCGGGCACC 120
TGCCACCAAG CAACTGTTTC ATTTTTTATT TTCCATTTGT TCTTAAACCC CACTTTTTGT 180
TGTTCATTAT TTTGATTGAT TTTNNNTTCT TTAAAATGTA TTTTTCACAA AGGAAA 236

配列番号：7499
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08741
配列：
GATCCTAACC CTTTAGTATG CTGGAATTCT ACTCTTCACT TACTGCATTG ACTGTTGTTG 60
ATTAGTTATN ATTGCAAAGC ACTGTCACCG GCCTCAGGGA GTTTATGTGT AATAGAATTA 120
AAAATAATAG CTGTGTATAA CACTTAGCTC AAGCCACAAA 160

配列番号：7500
配列の長さ：210
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08742
配列：
GATCTTATTG TGGAGTTAAA CAAAGCACCC TTAAAGTAGC AAGCGAGCAA AATAAAAGCA 60
AGGAAAATCA GTTGGAACAT AACTTATGTA TTTTTTAGGA TTAAGAGTAA TTTAACTGAG 120
TCAATTCAAT ATGTTTTTAA AGGTGTGATT CTTAAATNCT TTATGATTGT TTAGATTTCT 180
ATATCTTGGT AACATGAATA CACACTTAAA 210

配列番号：7501
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08743
配列：
GATCAGCATT TGTATTTNAG TCCATTAATG GGAAAAATAG CTGATATTGT NCATAGGAAC 60
TTGGAAACCA CACAGGACTT AAGTCCCTTG TCTGTNTTGA TGGTCAACAT ATCTCCTTTA 120
ATATCACGAC ATTTTCAACA ACANCTGGTG AACAAAACAG ANCTNCTTTT TGACACCATA 180
GATTCTCCTG AGGTCAACGT TGCAAAANGC ATAGCAAAGT TNCTCCGAAA TGTTAGATAT 240
CGTTATCAAC CACTATTAGA CAGATGTAAT ACCGTATTTT TTCAGTAATG TGGNCCACCT 300
TGATTTTGGN TTCCATCAGT ANAGNGACTT AGTGTATACA NNNACNAAAN N 351

配列番号：7502
配列の長さ：195
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08744
配列：
GATCGCACCA CTNCACTCCA GCCTAGGTGA CAGAGGGGAT GACAGAGGGT GCTCTGCGNN 60
CAGGGAAGGC GGGGTGGTTG GGGGGTAGAG AATGTTGCNC TNATAACCAC AGCTGTGGTT 120
ATTTTNTGGC AGGTACAGGT NAGGTTCCCT CTCCTTTCCA CCAGATGGCA CTGGAGAAAA 180
GGGATTTNAN TTAAN 195

配列番号：7503
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08745
配列：
GATCAGAGCA GAAATAAGTG AAATAGAGAC TAAAAAATAG AAAACATCAA TGAAACAAAG 60
AATTATTTTT TAAAAAGATA AACTAAATTG ACAAACCTTT AGCTAGACAA AGAAAAAAGA 120
GATAAGACAC AGATAANTAA NTTCAGAGAT TAANAAGAAG CCATTATACC TGATACCACA 180
GAANTACAGA GANTCATAAG AGACANTTAT GTTGTGCACA TGTACCCTAG ANCTTAAAGT 240
ATAATANNCN NTANTTN 257

配列番号：7504
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08746
配列：
GATCTTACAG AGAAAGACTA TGAAATACTT TTCAAATCTA TTAATGGAAT CCTTTNCCCT 60
GGAGGAAGTG TTGACCTCAN ACGCTCAGAT TATGCTAAAG TGGCCAAAAT ATTTNATAAC 120
TTGTCCATAC AGAGTTTTGA TGATGGAGAC TATTTNCCTG TGTGGGGCAC ATGCCTTGGA 180
TTTGAAGAGC TTTCACTGCT GATTAGTGGA GAGTGCTTAT NAATTGCCAC AGATACTGTT 240
GACGTGGCAA TGCCGCTGAN CTTCACTGGA GGTCANTTGC ACAGCAGAAT GTNCCAGANT 300
TTCCCTACTG AGTTGTTGCT GTCATTAN 328

配列番号：7505
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08747
配列：
GATCAATTTG AAGTCCCTGT TTGGGAATAA GGCACTTATC AGCATGAAGA ATTTTTTCTC 60
ATTCTGTGCC ATTTTAAAAA TAGAATACAT TTGTATATTA AA 102

配列番号：7506
配列の長さ：343
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08748
配列：
GATCACCTTC GNACGACTAC ATCGCCTGCT GCGTCAAACT GAGGGCTCTT ACAGNCAGTT 60
TTCGAAGNCG GGGTACTGCT CAGCAAGGTG TTGTGAATTT CCCATATGAT GATTTCATTC 120
AATGTGTCAT GAGTGTTTAA ATCAAGAGGA AGCTGCATGA ATGTAATCAA CATTCCAACT 180
GGAGCTCTCC TTTGCTTGTC CTCTTTGCCT TCGGTAATAT GTATAAACTT ACATCACGAC 240
TTTCTCTTAA CAGCTGTTGT AAAGTTTATT ACTTTATGTA CAACTGAAGT TTTGTTTTAG 300
TTTTGATAAT AAAATTCTTT GGAACTTTAA AAAAAAAAAA NGN 343

配列番号：7507
配列の長さ：342
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08749
配列：
GATCCAAGTG CTTNTTTGGT ACCAAGAGAC CCGGNTCTNT GCCAGCATAA ACCACTCACA 60
CCCCAGGGGG ATGAGCTCTC TNAGCCCAGG ATTCTGGCAA GGGAGGTGAA GAAAGTGGAT 120
GCGCAGAGTT CGGCTGGGGA AGAGGACGTG CTCCTGAGCA AAAGCCCATC CTCACTCAGC 180
GCTAACATCA TCAGCAGCCC GAAAGGTTCT CCTTCTTCAT CAAGAAAAAG TGGANCCNGC 240
TGTCCCTCCA GCAAAAACAG CAGCCCTNAA TAGCAGNCCN CGGTCTTTGG GGAGGNGCAA 300
AGGNAGGCTC CGGTTGCCCC AGATTGGCAG CANNATTATN AN 342

配列番号：7508
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08750
配列：
GATCAAGCAA TTAATCTTCT GTAGAACCAA AATTNACTGT AATAACTTGG AGCAGTACTT 60
TATACAACAA GGAGGAGGAC CTGATAAAAA AGGACACCAG TNCTCATGTG TTTGTNTTCA 120
TGGTGACAGA AAGCCTCATG AGAGAAAGCA AAACTTGGAA AGATTTAAGA NAGGNGATGT 180
AAGATTCTNG ATTTGCACAG ATGTAGCTGC TAGAGGNATT GATATCCACG GTGTTCCTTA 240
TGTNATANNT GTCACTCTGN CCGATGAAAA GCAAAACTNC GTACATCGAA TTGGCAGAGT 300
AGGGTGGAGC TGANGGATGG GTCTGGCAAT TNCCCTNGTG GCACCGAAAN NGGACAGGGT 360
TTNGTACCN 369

配列番号：7509
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08751

配列：
GATCTGGCCA GAGGGGTGTT GGAGCCCAGC CCACCCACAT ACCAGTCAAG CTCTTAGGGG 60
AGCAGAAGAA AAGCAGGAAG AATTTAAATG TTTAATTTTT TTTTNAAATT GACTTTNCTA 120
GTTATTAAAA GTTGCTTGTT TCAGCAGTGN TATTGTATAA NGACCATCTT GTAAGNTACT 180
CCTGACATCT TGCTTTAGCA CATGTACAGT ACAGTTNCTN TGATAATGTG TTTGCCCTAA 240
CTNCCCTGGC TTCNCCTTCA GCCCATCCNC TCTCCTCTAG NGCAGTTGGG TTGGAGGCTC 300
NTTGAGGCAA GCNGCANCAT TGGNGGGGGT GCAGN 335

配列番号：7510
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08752
配列：
GATCCGACAC AGAGAACAGG AGGAACTNAG GCGACAGCAA GAGGGCTTTA AGCCAAACTA 60
CATGGAAAAT AGAGAACAGG AAATNAGAAT GGGTGATATG GGTCCCCGTG GAGCAATAAA 120
CATGGGAGAT GCGTTTAGCC CAGNCCCTGC TGGTAACCAA GGTCCTCCTC CAATGATGGG 180
TATGANTATG AACANCAGNG CAACTNTACC TGGTCCACCA ATGGGTACTG GTNCTGCCAT 240
GGGACCAGNA AGGNGCCGCA ANTNTNGGGN 270

配列番号：7511
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08753
配列：
GATCCCAGGA GAATCAGAAA CTCCAACATT TTGGAATCTT CAAGGGCACA TACTGAGAAA 60
AAAAATAAAA TTGTTTATGA GCAAA 85

配列番号：7512
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08754
配列：
GATCAAACTA TACGCTGTCT ACAAGAGACA CTTTAGATTT AAAGACACAA ATAGGTTGAA 60
AGTAAA 66

配列番号：7513
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08755
配列：
GATCTTTTGT ACTGAGGTTT TTAACACTTT ACTTGGGTTT ACCAAGCCTC AACTGGACAG 60

ACCATAAACA GTCCACAGGC ACCGTTCCTG CCAGGCCCCA ACCCACAGGG AGTCTNTCCG 120
CAGAGCCTTC TTGGTGTTGC CCTAACTTGC CAGTGGCCTT TGCTCAGAGC CTCCTCCTGT 180
GACATGTGAA CAATGAAGAG GCCTGCGCCT CCTGCCTTGC CGCCTGCAAA GCAAAGAAAC 240
TGCCTTTNAT TTTTTAACCT TAAAAAGTAG CCAGATTAGT ANCANGACTG GCTGGCTTGA 300
TGAGCAAAGC CTTTGCTCTC ACGGNAGGAG GGTAGGGTTT NGGNTGTACA ATGGTAACTT 360
GCNNTGGGNA CCTTAAAAAG GGAGGTGNAN 390

配列番号：7514
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08756
配列：
GATCACCTGA GGTCGAGAGT TTGAGACCAA CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCCGTCACTA 60
CTAAAAATAC AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCACATGCCT GTAATCCCAC CTACTTGTGA 120
GGCTGAGGCA GGAGAATCAC TCGAACTCAG GAGGCGGAGG TTGNAGTGAG CCACTGCACT 180
GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCCATTTCA AA 212

配列番号：7515
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08757
配列：
GATCCACCCG NCTTGNGCCC CCCAAAGTGC TGGGATTACA GGTGTGAGCC ACTGTGCCCG 60
GCCGAGTTAA ATATATTTCT AACATAGTAA AAAAAAAAAG GTANGTTNCA TTAAATAAAT 120
CCNGGAAGTN CAAATN 136

配列番号：7516
配列の長さ：160
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08758
配列：
GATCATGAAG ATGGACAGAA CAGACACTGT GGCAATAAGA TACCAAATTG TAAACAGGAC 60
CTAAGGCCAT GCCAAGCAAG GGTTAAGTCA TGTAGAGCCC GCCTTCATGC CCCGCCTCCC 120
CTGCCCCCAA CTTATGAATA AACTATGTTC TAACTGCAAA 160

配列番号：7517
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08759
配列：
GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTCATACA GCCATCTTAA CCCTAAAGGA AAGCTTTGAA 60

GGGCAAATGA CAGAGGATAA CATAGAAGTT GGAATCTGCA ATGAAGCTGG ATTTAGGAGG 120
CTTACTCCAA CTGAAGTTAA GGATTACTTG GCTGCCATAG CATAACAATG AAGTGACTGA 180
AAAATCCAGA ATTTCAGATA ATCTATCTAC TTAANCATGT TTAAAGTATG TTTTGTTTTG 240
CAGACTTTTT GCATACTTAT TTCTACATGG TTTAAATCGA CTGTTTTTTA AAATGNCACT 300
TATANNTCCN AATAANCTGT TAANCCNGGN ANANGGNNTT GTNTTNGTGN GGNTN 355

配列番号：7518
配列の長さ：77
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08760
配列：
GATCTTCATT TTCCTGTTCT GTATTCTGCT ATGAAGTTCT CTGTTTTTCA AATAAAATTT 60
ATGTGTTAAA TAACAAA 77

配列番号：7519
配列の長さ：20
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08761
配列：
GATCATCTTG GAACTGCAAA 20

配列番号：7520
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08762
配列：
GATCGGAGGC TGCAGTGTGA CAGTGCCAGC CAATGTGCAG AGGTGGATGA GGTCTTGTNA 60
AAACCTGGCT CCTTTTAACA CGGCCCTCAA GCTCCTTAAG TNAATTGCCG TAACTAATTT 120
TAAAGGGTTT AGATTTTAAG AATGGTGCTC TTTCATGCCT ATNATCAGTA AGGGGACTTG 180
TATTAGAGTC AGAGTCTTTT TATTTAGGCC AGTTGTCAAG TGTCAATAAA AGCATCATGT 240
AATTAAA 247

配列番号：7521
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08763
配列：
GATCTTAATA TTGACTAGTT TCACATCCAG GTTTCTAAGA AATGATAAGA TACTTCACTT 60
TTCCAGAGTG AAATGTAGGA GGGAGCACAT TCTAAGTACA GCTAAAAATT TAGCTCACTG 120
TAACACAGTT TCACTCTCTG AATAAATAAA GCAAAAAACA CAAA 164

配列番号：7522
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08764
配列：
GATCTGCCTG CGAAGCTCCC CACAACACTG TCCCTGGAGA CCACCCATGT GGCAGACACT 60
CAAAATCTGT TGTATTTGCT AAATAAATTA ATATGGACAA GTTACCCAAA 110

配列番号：7523
配列の長さ：181
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08765
配列：
GATCAAATTG TTCATGCCTT GGGATTTTTT CTTCTATAAT TTGGATATCT TTNTCCATTG 60
CTCATTTCTT TATTGAAGTT GCTTTCTTAA AAATTGATTT AACTTTGTCC TTGGTATCTT 120
TAGTTCAGTC CAGAAATNAT TAATTGTGAT GTGATTAAAT TCATTTTTTG GTCTGGTGAA 180
A 181

配列番号：7524
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08766
配列：
GATCTGAATG GTTTTAATAA GGGGCTTTCC CCCTNCTTCG CTCTGCACTT CTCCTTGCTG 60
CCATGCGANG AAGGATGTGT TTGCTTCCCC TTCTGCCATG ATTGTAAGTT TCCTGAGGCC 120
TCCCCAGCCA TGTTAAACTT TGAGTTAATT AAACCTCTTT CCTTTATAAA TTAAA 175

配列番号：7525
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08768
配列：
GATCTGAAAA ATNCTTTTTG TCCTCATTGT TGCAGTTTCA ATTGTAATCC ATTGCATCTN 60
ATTTTCTTGG GTGTTGGCAC TGTAATATAT TAAAAAAAAA TTCAGTGCTC AGTATTGTAA 120
CAACTGTCCC TACTGAATAT TCCTTTTCAT AAATACTTGC TACCACAGGG AAATTAAGTT 180
TTCATATAGA ATAACTAGTT TCAGTAGTAA CCATTGAAGA NTTAANCNTG TGGTTCANGG 240
CAGATATTTT TCTGGAAAGT TTTCTCTATT GTANAATTTG TNGTATATGG CTATGCTGAC 300
TATCNTGGAT NCTGTCATGG GACATGCATT ACCACANNTN CNNGCCCCTT TCTGTGGTNN 360
NN 362

配列番号：7526

配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08769
配列：
GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACTTC TGTGGCCACC 60
ACCTCCTGCT CCTGACCTCC CTGGGAGGGT GCTATCAGTT CTGTCCTGGC CCTTTCAGTT 120
TTATAAGTTG GTTTCCAGCC CCCAGTGTCC TGACTTCTGT NTGCCACATG AGGAGGGAGG 180
CCCTGCCTGT GTGGGAGGGT GGTTACTGTG GGTGGAATAG TGGAGGCCTT CAACTGATTA 240
GACAAGGCCC GNCCACATCT TGGAGGGCAT CTGCCTTACT GATTAAAATG TCAATGTGAA 300
TCTAAA 306

配列番号：7527
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08770
配列：
GATCTTTTAG TTATCAAACT GTTAAATACA TTTTAACTTT CAAATTTTAT GAATAAAGGA 60
GATGAATCCT GTTAAA 76

配列番号：7528
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08771
配列：
GATCTGAAGT CTGATTGTGT GTACGTTCGC GCGTGCGTTA GTCCCTGCCA CGATTAAAGA 60
CTTAGACCGN CAAA 74

配列番号：7529
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08772
配列：
GATCGCGCCA CTGCACTCCA GTCTGGTGAT AGAGCAAGAC TCCATCTCAA AAATAAAAAA 60
TAAAATGTTG GNTGTGGGGA GCCAGGCCTC TCACAACTGA AA 102

配列番号：7530
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08773
配列：

GATCGAATCC AGGCCCTGGG GCTTCANTTG CCAGACCCAC CATTAGAGAG TGAAGATGAA 60
GATGAGGAGG GAGCTACAGC GTTGAACAAC CACAGCTCTA TTCCCATGGA CCCAGAACAT 120
GTAGAGCTGG TGAAAAGGAC AATGGCTGGN GTAAGCCTGC CTGCGCCAGG GGTTCCTGCC 180
TGGGCTCGGG AGATATCGGA TGCCCAGTGG GAAGATGTGG TACAGAAAGC CCTCCAAGCC 240
CGGCAGGCAT CCCCTGCCTG GGAGTGACCA CAGTGAGAGC TGCCTTATAT TCCTACATTC 300
CAGGCCAGAA CN 312

配列番号：7531
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08774
配列：
GATCTGGACT GAGGACCCTG CTACTCCCCA AGCCAGAGCC CATCAGCCAG GCCTGCTGTG 60
AGCCACCTGC CTGTGGAGTG CTGAGCTCAA CCAAAGGCTG GCAAGCTCTG GGCCTCATTT 120
AAGGGATTCT GATGAGCCGA TGGGCCCTGG AGGCAGCCCA TTAAAGCATC TGGCTCGTTT 180
TTGAAA 186

配列番号：7532
配列の長さ：390
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08775
配列：
GATCACATTG CCATTCCTCC CCTCCAGAGG TAACAATTAT CCACAATTTG ATGTTTATCA 60
TTCCTGTGTT GTTGTACTTT CACTGTGTAT AACCTAANNC NTCTACTNTT TAGTACTGTT 120
TTATATATTT TNAAGCCTCA TACTTGCTCA TTCTACAGCT TTTTTCACTC ATTATTGTAT 180
AATTATATCT GANGCNCTCG TTCATTAATT TTAGTCCNGT GTAGCAGAAT TCAATTACGG 240
GAACTACCAT AATTTATCTG TNCTCCAGTT GAAGGCATGA NGTTGTTGCC AGTTTCTGTA 300
TTATAACCAC TGTAGTGGGA CCATTCTTCT GCNTTGGGCT CACTGCGGGT TACCNAAGNC 360
GGTNCCNCAG GATAANCCCC ATTTGGGNTN 390

配列番号：7533
配列の長さ：378
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08777
配列：
GATCTAGCAT GTGGATTTTA AAAGATTTGC CCTCATTAAC AAGAATAACA TTTAAAGGAG 60
ATTGTTTCAA AATATTTTTN CAAATTGAGA TAAGGACAGA AAGATTGAGA AACATTGTAT 120
ATTTNNCAAA ANCAAGATGT TTGTAGCTGT TTCAGAGAGA GTACGGTATA TTTTTGGTAA 180
TTTTNTCCAC TAGCAAATCT NGATTTNGTT TGATAGTGTG TGGAATTTNC TTTTGAGGGA 240
TAAGACCATG GGANANTTGT GGTAAAGACT GTTTGTNCCC TTCATGANTN CTTCTGAAGT 300
TGCCNTCAGT TTTNCTAATC TCCTGTGAAA TGCCTAGGTT TTGCGCCTGT CCCACTTTTT 360
NTTTGTGGGN CTTATNTN 378

配列番号：7534
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08778
配列：
GATCATTTGA GTGAAAAAAA GGTACCTGTN CAAGCAAGCT CCTGGACACC ACAAGAAGGA 60
GGAATTATTT TAAAAGCTGT ACTCTTAAAT TGTNAGTATC TTTAAAATCA GTTGTGAACA 120
ATGAAGGATT TGAAAGAGCA TTGACTTTGC CACTTAAAAG TATTTCTAAA ATAAA 175

配列番号：7535
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08779
配列：
GATCAAGGTG AATTTTTTGT ATCACTGCCT GTGGAAATCT ATCCTCATCA GTNATTGCAT 60
TTTTCCCTGC CTATACCTGT GCTCCTTTTT NTNACTGTGT TTTCAGTCAC TTCCTTTCTG 120
TNAAAGGTTG CTTAGCTTTT NTTTTNAANA TTTGTTGTN 159

配列番号：7536
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08780
配列：
GATCCAAACC CACAGTNTTG TCCTGGAGGC AGCAGGGGTG AAGGTGGAGG GTCCAGGGCC 60
ATGAGGAGCC CCCTTGCCAT CAGAGCCTGG CCTAACCACC CTCTTCTCTA CTTACACACA 120
CATGCATTTT ATAATAGCTC TGACCCAACC TGGCCACTCT GCAGAGACTG GGACAGACAG 180
GTGCAGGCAA TGGGCCCTCC CACACCCAGT CACCTACAAG GAATTTTCAA ATCCACTTTT 240
AAAACAGAAA CCGGTAAATG CGCCGTATTG TATATTTTAT TTAAATAAAA AAAATTCCAG 300
CAAA 304

配列番号：7537
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08781
配列：
GATCCACCCT TCCTGGGCCT CCCAAAGTGC CGGGTATTAC AGTCATAAGC CACCACACCC 60
GGCCTAACAT GCATTTTTTT AATTCAATAA ATATTTATTG AGCACCTAAA 110

配列番号：7538
配列の長さ：160

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08782
配列：
GATCCCCTCC CCTCCTGCTT TTCTGTATTT TTTAAAAATT ATTTTGTTTT TAATTCACAA 60
ATATTGTATA TGTTATATGG GGTAGAATGT GATGTTGATA TATGTTTAAA ATGTGGAATG 120
ATTAAATCAG GCTAATTTAC TTTTTTTNCC NAAAAGGAAA 160

配列番号：7539
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08783
配列：
GATCCACCCA GTTGCTCAAG TAAAAAACCT GAGAGACACC TTACGCCATC TGGGAACTTG 60
TTAGAAATTC TTAAACCTCA TTCTATACCT GCTAAATCAG AAAATGTAGG GATTAAGTCT 120
GATTATTTGT GTTTTCGCAA GTCATCCNGG TGATTCTGAT GCATGGAAAG TTTGAGAACC 180
ACTGGTTTAG GTTATTAAAA GTTCTTGTCT CCCTATAAA 219

配列番号：7540
配列の長さ：355
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08785
配列：
GATCAGAGAA GACTTTAAAA CTCTTGACTT AATTGAGTAA ACTCTTCATG CCATATACAT 60
CATTTTCATT ATGTTAAAGG TAAAATATGC TTTGTNAACT CAGATGTCTG TAGCCAGGAA 120
GCCAGGGTGT GTAAATCCAA AATCTATGCA GGAAATGCGG AGAATAGAAA ATATGTCACT 180
TGAAATCCTA AGTAGTTTTG ANTTTCTTTG ACTTGAATCT TACTCATCAG TAAGAGAACT 240
CTTGGTGTCT GTCAGGTTTT ATGTGGTCTG TAAAGTNAGG GGTTCTGTTT TNGTTTCCTT 300
ATTTTGAGGT AAGAGTACTG CTNGGTGGTC GGGGGGGTTA TATNNTNCCC TTTTN 355

配列番号：7541
配列の長さ：314
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08786
配列：
GATCAGGTTT CCCCTCAGAA CCTGTGTTGC CTGCCTGCTG TATCTTCCAT GTCTTTCTTA 60
TTCAACTTCT AGAAGTAGAG AAGGTTGGGA CTTGAGTGTA GAAGAAACAT CAGAATAATT 120
TCAAAAAACA GGAAGTTGGA ACTATAATTT TTAAATTATT GTATTGTTTT TACGGATTTT 180
ACATGTATAG TTAAATATTA ANNTTCATCT CTTGCAGTTC ANTAAAAGCT ATAGTATAGA 240
TTTTATTTTT AAGAAGTTTA TATAATNCTT TTGTGAGCCA ATATGTAAAA CTNGAATATT 300
TATTTANCCT ANTN 314

配列番号：7542
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08787
配列：
GATCACAGAG AAAGTGATTA CAGACATTGC TGGGGTAATA CCAGCTGAGA AAATTGATGG 60
AGTATTTNCT GCCTGTNAGA GTGGCTCTTT TGACAAACTA GANGCTGTGG TCAAGGATTT 120
AATAGATGAG GGTCATGCAG CAACTCAGCT CGTCAATCAN CTCCATGATG TGGTTGTAGA 180
AAATANCTTA TCTGATAANC AGAAGTCTNT TATCNCAGAA AACCTTGCCG AGGTTGCCAA 240
ANGCCTGGCA GATGGTNCTG TTGTCCATTT GCANCTCATC NGCCTTTTNG CCCTGNGN 298

配列番号：7543
配列の長さ：32
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08788
配列：
GATCAAAATT AAAGACAGTT AAAAAGGTGA AA 32

配列番号：7544
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08789
配列：
GATCATCATT TATTGCATCT CATAACTAAA TTTNNTAAAG TTTGGATTGG GACTTTTNAG 60
GTCCTTTTTG GAGGGCAAAG GAAGTGCCAG CTTCTNTGGG GAACTTGTTT TTAAATCCAA 120
AGACTTGAAC CACATTCCCT GCACATGANC ATGTTTGCTT TTATCCCTTC TCTCATTGTN 180
TCCTACCCAT CTTAGTACCA TTGTGGTTAT AANCATCTGC ATTTNTNAGA AGCATTTNAC 240
CCATTTNNN 249

配列番号：7545
配列の長さ：257
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08790
配列：
GATCATATGG AATGTACTAT TTTGTAATGT CTTTTTTCAT TTTACAATGT ATTATCAACC 60
TTTTCCCTCT CAAAAATACA TTGTGAATGA CTGCATAGTA TTCACTTTAT GANTATTTAA 120
TTCATTTCAC AGTCTTCTAT TGTNGGACCA CTNACATTGT ACCAAATGTT TTCCTTTGGT 180
TTATTCTTTA ATGTATTAGT ATTTTACTGC TGGTCACTCA TGGAATCCTG CAGCTTTANT 240
NAAAAGCAAG GATGAAA 257

配列番号：7546

配列の長さ：158
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08791
配列：
GATCGTGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCGT TGCAGTGAGA CTCCGTCTCA ACAACAACAA 60
AAAGGTGGAT ACATGTCAAA AGGGCACAGG AGCCACTTGA AGGATTATAC TTGCTAAATC 120
TGTGTCAATT ATCAAAATAA ACTGGTAGCA ACGTTAAA 158

配列番号：7547
配列の長さ：128
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08792
配列：
GATCAAAGGG ATGAGCAACA GGGACTTCTG CCACAGTGAC AATGGAATTG TGTTGTGCCT 60
TACTTCAGAG GTGGTCTCTN CTTTCTTGTA ATAAAAGCAA TATTTATGCG GAAAGCAAGC 120
AGCTCAAA 128

配列番号：7548
配列の長さ：205
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08793
配列：
GATCACATCA AGCTAAAAAA CTTCTACACA GCGAAGGAAA CAAAGTGAAC AGAATAACAT 60
GGGAATGTTT TCTGTAATTT AGTAGTAACT GGCAATAGTT TACAAACACA TTTTGTGTAT 120
ACTGCTGTCA TTGCACTGNT TACCTTCTGT TGTAGTGACT TTGTTCTATT AGTCCACTCA 180
ATTAAAATAT TTGGTTTTGT TTAAA 205

配列番号：7549
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08794
配列：
GATCTTATTT TTAATGTAGT GAGGATATTA TTTAAACTTT TATTTTAACT GGAAATGTCC 60
TGAAACACAT ATTTAAAATA TTGGGATACA GTGAAAGAAA AATTCAAATT TTAATAACAT 120
AAAGATTTCC TAACTTTATG TTATTGANCA CTTACTCACT AGAAGTGAGT TCTTTAGAAA 180
ANTACAGTGA AGGACTCAGT TCAGTCTTGT TTTTATCAGA GTGATAATCA TCCTGTTTCA 240
CATCCCAATA CTATTTTGAN ATTCTAAACA ATGGAACCCA AANTNCCAAT AANTATAAGG 300
TTATGCCTTC AATATATTCC TATACANTTC TGTAACCATG GTTTANNATA CACAAGCTTA 360
NNATACCATG GN 372

配列番号：7550

配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08795
配列：
GATCCGGTNG TCTAAATGCA TTCATATTTT TATGATTGTT TTGTAAATAT CTTTGTATAT 60
TTTTCTGCAA TAAATAAATA TAAAAAATTT AGAGAAA 97

配列番号：7551
配列の長さ：244
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08796
配列：
GATCTGGGTT TGGCATTAGA AGTATTTCAT AATTTTGGTT TTTNATTTAG GTTTCCTCAA 60
CATCTGTAAA GTGATTGATT AAATTAGAGG AGGCGTGTAG AATAAATCCC AATCCCATTG 120
CAACTGGCAG AGCATTATAA NTNTTTATAA ATNCAGTTAC AACAAAGGAG AGGNTCTACA 180
TTCTTCAAAA AANAAANTTG GCTTACCTGT TTCANCTTTN GGTGGCATTT NNCTGCCATT 240
NGTN 244

配列番号：7552
配列の長さ：364
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08797
配列：
GATCTGGGAA TTACCCATCA TCATTAAGCA ATGAAACAGA CCGGCTGGTG CACTGGTGCC 60
ACGGCGCCCC GGGGGTCATC CACATGCTCA TGCAGGCGTA CAAGGTCTTT AAGGAGGAGA 120
AGTACTTGAA AGAGGCCATG GAGTGTAGCG ATGTGATTTG GCAGCGAGGT TTGCTGCGGA 180
AGGGCTACGG GATATGCCAT GGGACTGCTG GCAACGGCTA TTCCTTCCTG TCCCTTTACC 240
GTCTCACGCA GGATAAGAAG TACCTCTACC GAGCTTGCAA GTTTGCAGAG TGGTGTCTAG 300
ATTACGGAGC ACACGGGTGC CGCATTCCTG ACAGACCCTA TTCGCTCTTT GAAGGCATGG 360
CNAN 364

配列番号：7553
配列の長さ：129
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08798
配列：
GATCTGTGTG TCTCTGTTTT GAGTTTTTCC TGTTTATTTT GAAAAGTACT GTTGGTCAAG 60
ATAATTGGTC AATAATCCAT GTTGGTTTTA ACAAAAAGCA TTTTAACATT AAAAATATTA 120
CAGTATAAA 129

配列番号：7554

配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08799
配列：
GATCACATTT TNATTTTTTN TTCTCCACAT CAGGATAGTT TACTGAAGCA CAATCTCTTA 60
TACTAGTGGG ACAAAAGGGA GAAAAAGGAA GCAAGATAAA TGGGTATGTA GGATGAAGGG 120
TTATTTAAAA TGGAACTAAA GATAGAAGGA GGACTGTAGG AAGANATGGA ATNNTTTANN 180
TNTGAGGAAA GATATCTNTG GTAGACATGT CCTTCCATGA CTAATTTCTA ATTGTNACTC 240
ANCACACATT GAGGTATGGN CCCTCCTCAG TGACTTTNAC TAGCTCAGAN ACGTACTCCC 300
CCACCANCCC CACCTN 316

配列番号：7555
配列の長さ：365
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08800
配列：
GATCAGTGGA ATTCTTGGTT TGATGATAAC CTTATTAATT GAAATNTTTT ACTGATGTGG 60
CTTTAAAAGA GGTTTATNTT GTATATGTTT AGAACTCTCT GATTTTNATG AATTATATGG 120
GAATGAGAAA CAGAAGAAGT GGTATTTNCT GGCGAGTTAA ATAGGCAAGG TACCCAGTGA 180
TAACACCAAC CAAACCACTC CTATCTGCAT GATTCTGAAC ATCTGGATGC CTGTGGTTTT 240
ACTGTGTATA TNTNATTTTT AATATATTAC CTTTGTGGAT NCATTTAAGG TCTACTCAAA 300
NGTANCACTG TCAAAACCAC TAATATGTAT GTNAAANTTG TNCTGTNTAC TACATTACNG 360
TNCAN 365

配列番号：7556
配列の長さ：349
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08801
配列：
GATCTTGAGT AACTGAACTT ATTTCCCTTA AGGTATAAAA ATTTAAATAA CCTGTATATA 60
TTTGNTAACA NCTTTATNAG GGAGGTAAGT NACTTACAAT ACATTGCACA TATTTAANGT 120
ATAGANTTCG ACGAGTTTTG ATGTATGTTT GCACCTGTGA AACCATCACA ACAAACAGTG 180
AGCATATCTN TCACCCCTAA NNGTTTCCTC CTGTCCCTTG GTAATCCCTC TNTTACCTGT 240
CCCACTTCTG TTCCTCAAGA NCCACTTACC TGCTTTNNTN ACTGTTAATG TACGTGAGTT 300
TACATTTTTG AGAGTTTTAT CCAAAGGGNA TCATGANGTA TGTNCTCTN 349

配列番号：7557
配列の長さ：369
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08802
配列：

GATCTNATCA ATCTAGCGGG AGAGACAGGA TAACCTGTCC GAAAGTATAG CGCCACTATN 60
ACTCCGCCGG AAAAATTACT TTAAAAATCG CCAAAAATTA CTTGGAGCAA AGGGCAGTCG 120
GCGGANTTCG CCAAGGCTGG CGCAGTCGGT TTTNACCTGT AGCAGAGAAC CNGGNCTGGA 180
GAACAGCCTC ACTTCTTTNA TTGANTACTT ACATAATGCA TTGGAACATG ACATGAGATT 240
AAGGTTTAAT AATGATAGAN TGAAGACCAC AATAAAAGAG ACCTCTACTT AGCTCAGCAA 300
TTCTTACCTT TCTTACCTAT TTGATGGAGG NTGTCTTTTG ANAGGTGTNC TGCAGGGNCC 360
AAANTGTTN 369

配列番号：7558
配列の長さ：290
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08803
配列：
GATCTTGTAT GCCAAACTTT AATCTGCTTT TATGTTTTCA GGCTGAAGGT GTGAAAATCC 60
TAAGAGGATT TCATATTGAA TATGTGTACA CAATCTTAAC TATCGTGGTG GAAAACATAC 120
TACTATAATT NATTATTATA TCTNCCAGAT AATGTTATTC ATTTAGAACA AATAAGGTAT 180
ATTTNTNAGA ATCANCTTTG TAAGCACTAT AANNNCTTTN ATAAGTTATA AGGTCTATGA 240
TGTGTTTACT TTAANNCTTG CTGTTAANAG CAACACGTAT TANNTATGTN 290

配列番号：7559
配列の長さ：55
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08804
配列：
GATCTGGATA AATTTTCATT TCTACTTAAT TAAAACTTCC TATGTAAAAT CCAAA 55

配列番号：7560
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08805
配列：
GATCCCGAAT CCCAGAAATA ATTCATAGNG CACCTATCAT GACTATTTAT TTAATCTCAG 60
AAGCTGAATC TGTACGTATT TTTCTCCAGG TCATCAGCTT TGGGNNNNN 109

配列番号：7561
配列の長さ：40
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08807
配列：
GATCCTACTC TCTTATTAAA ATCTTGAGTT TATGTTCAAA 40

配列番号：7562
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08808
配列：
GATCTGCCGA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT AGGATTACAG GTGTGAGCCA CCGCGCCCAG 60
CCATAACTTT NCTCTTTTCT CCATTAGCTA AAAGATAATA GTAAAACGTA TATTTGAACA 120
CTTAATTTTC TCTATATATC TTTTNAGGAT TATATTTAGT GTATTTCCCA ATTTTCCTAA 180
AATGATTATC ACTTCTGTAA AGAAGAAAAC AATACTACTG GTATTGCATT TGGAAATATT 240
TTNCTATTAA NNTGTCTCAT TTCCTTTNCA TGTATGCACA TACATGTNNT TNGTATAGCT 300
CCTTTNNTCA AAANNTATTC TGNGGTTATT ATTTANNN 338

配列番号：7563
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08809
配列：
GATCTTGTGG TCAAGAGCAA TCTGAATCCA AATGCAAAGN AGTTTGTCCC TGGGGTGAAG 60
TACGGAAATA TTTAAGTAGA CGGGGCCCTC TTTTGGTGGA TGTAGCACAA TTNCCACACT 120
GTGAAGGCAG TATTAGAAGA CTTAATTGTA AAANCNCTCT TGTCACTGTG TTACACTTAT 180
GCATTGCCAA AGTTTTTNTN AGTCTTGCAT GCTTAATAAA NGTNCTGAGA CTGTTACTAA 240
GTAAAANGCT GTCAANCATT TCCTGANAAT AGANTTGGCC CCATGGCTTG ATGTGAAGAC 300
AGCAAGGNAA GANGCACCAG TCAAGTTGTG ANCAAGNN 338

配列番号：7564
配列の長さ：324
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08810
配列：
GATCCCTGCC ACAAGTTCCT TGGGCAGTGG CCATGTCACC ATTGAGATGA AGATATACAA 60
CAGAAAATAG TGGCTGTGTT TGGAAGCTTC AGCCCTGCAC ATTTGAACTA GTCACTCTCC 120
CAGACTTGCG TGGGTCAGTT CTTTCTGAGT AGAGGACTTG CTGGTAAAGG GGCAGATGCT 180
TTTTATTAGT ACTGATAAAA CAAACTGAGG GAAACATCCC TCTTAGCTGG GAAACTTTTA 240
CTCTTCAGGA GCTTGGCATC ATGGACTGTT AATGTATGTG ATTTTCCCCC TATTTTCTCT 300
CTCCAAAATG ATAAAAACAA TAAN 324

配列番号：7565
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08811
配列：

GATCCCACTA CGAAACGCTC CAGAGGCTTC GGTTTCGTCA CGTTCGCAGA CCCAGCAAGT 60
GTAGATAAAG TATTAGGTCA GCCCCACCAT GAGTTAGATT CCAAGACGAT TGACCCCAAA 120
GTTGCATTTC CTCGTCGAGC GCAACCCAAG GTGTTCTAGC TGAGCGTTTA AGAGCATGGA 180
CTCTGGAACC AGACTTTGAA TCCTTGCTCT GCCACTGCAG CTGTGTGACC TTGAGCAAGC 240
TATCTAAATA TTCTGTGCCT TTGTTTTGTC ATCTGTACAA TGGAGATGAT GATGGTATCA 300
CCTTCATGGG GTTGTCAN 318

配列番号：7566
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08812
配列：
GATCTGAGAC TCAGGAACCT TGGCCCCTTT GTCACTTACA ACTGTGTGTG AACAGGACTA 60
ACAGTTTGGA CTGAGAGCAC TGANGCTGCT GTGTGTTGTG CATATAACTT AATGCTGTGT 120
GTTGTGGCTT GCACTGCTGT GGGGGCGGGG AGGGCAGTGG TGGGGAATGG CTGGCATGAA 180
GCTTGCTTGA GCCAATGCTA TGCTTGCTGG GCTTTGGCTG ACTGGCTTTG GGCCACCAAC 240
TGTATTTGCA TAGTGATGGC TTGGAAGTGT CCATAGAAGG GATTGCAATA AAGGTGTGTC 300
TTCCTTCTAA AAA 313

配列番号：7567
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08813
配列：
GATCTTGAGT CAGAGAGGAT TGGAAGTGCT TTCTCCTCCA CCCAGGTGAG GTCAGGGGAG 60
CTTAGGTCTT AGGGAGATGG CAAGTTGAGG TATGAAGGGA AGCTGGGGCT TTTGGAGCTG 120
CCGAACAACT GAGGGACCCA GTGCGCCTTC CATCCCGCAC TAGTGAATAG CGCCCCCTCT 180
TCCCCCGAAA ACGAGGTGCG AGAGGAACAA TTCCCACGCT GGGGAAGGAC TTGTCTCCTT 240
TTCTGTGAAA ATGCTTTGTA AAAAGTTGTT ATTGTTTGCA TAGAGCAGAT TCTTGAGAAA 300
AACTGTTTTG GACCAN 316

配列番号：7568
配列の長さ：316
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08814
配列：
GATCCCCGTC TGCTGACCAG CTAAACACCA ATTTCTTCCT GCTTTTCTCC ACTTGGTTTG 60
GAAAATCACA CAGTTTTCAG GCTCCATCTG TTTGGAGAAA ATACATTCTG AAGCATCCCC 120
AATTCACCTT CTAAAAACTC ATGTGCAGGT TTGATAAACA CCAGAACAGA AGACAGTGAT 180
GCTGTATTAT TTTAGATTTA TTACATAGAT TTGGAATTCA CTTTTTTCAT GACCTAGAAA 240
AAAACATTCC AGTGTTCANC TGTTTTNTAT TATTANGGGG CTTTTNATTT GTGAACTTCT 300
GANGGCATGA GTGTTN 316

配列番号：7569
配列の長さ：226
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08815
配列：
GATCTGGTGT ACCAGGCGAA GTGGTCCGAG CAGGCTGAGC GATACGACGA AATGGTGGAG 60
TCAATNAAGA AAGTAGCAGG GATGGATGTG GAGCTGACAG TTGAAGAAAG AAACCTCCTA 120
TCTNTTGCAT ATAAGANTGT NATTGGNGCT AGNNGAGCCT CCTGGAGAAT AATCAGCAGC 180
ATTGANCAGA ANGAAGAAAN CAAGGGAGGA GAAGACAAGC TAAANN 226

配列番号：7570
配列の長さ：306
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08816
配列：
GATCAAGAGT TAAATAAAAA GCCCCAGGAC GAAACAAGAN GAGAGCACTT CATGCCCTGT 60
GGTACAAAAA AGAGCAGCTC TACTTAATGC AATTCTTCAT TCAGCATATA GCGAGACATT 120
TCTCCTGCCT CATTTGAAAG ACATCCCAGC ACAGCATATC ACGCTGTTTC TTAAGTATTT 180
GTATNNNNNN GTACCTGAAG TGTAGCGAAA ATNCTACTAT GACTCTNCCT GGAATACACC 240
CACCTACCTT GANCCAGATT ATGGATTGGN TATGTCTACT TCTGGATGCA AATTTTNCTG 300
TTGTTN 306

配列番号：7571
配列の長さ：304
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08817
配列：
GATCCTGCGA GGGTGTCATA ATACCTTGCT TTTCCATGCT TCCTGTATAT TTATCCATTT 60
CAGCACATCT GCAGTAGCAA TAACTNCTNA TTTNTAAATT TNCTTTTGTT GGGGGAGACA 120
GGCTTATGGC TGTCTGAGCA GCTGCTGTAG TGTAAGCAGT GAGGTTAGCA GTGGTTGTNA 180
GATTTNCTCA TTCCTGAGCA CCATGCTGTT GTGTCAGCAG TTGTAATGGA CTGTGTGGGC 240
ATACTTCCAG TAGGTGATGC TTGCAAGTAN GANCCAGCTG CAGTGGTAGC AGTAGGGTTT 300
GTAN 304

配列番号：7572
配列の長さ：30
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08818
配列：
GATCTGTACA AATAAAATNC CAAGTCCAAA 30

配列番号：7573
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08819
配列：
GATCATCTCT CCTTGGGTTT TNNTTTAAAA AGGGGAATCT NCTATAAAGG TTCTNTTGCT 60
TCAAACCAAT GTCAAATAGA CTTNATTTTA AGAGTCATGG AATTACAGTG CAACCTTN 118

配列番号：7574
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08820
配列：
GATCTACCTA TACAGTCCTA CATTAGCTTC TAAAATATTT GTCAGGAGGG AAA 53

配列番号：7575
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08821
配列：
GATCCCGAGG CTTTGTCTTC CTCTCGTCAG TTCTTTTGGT TGTGTTTTTT GTTTTTNTTT 60
NAANAACTCA AAAAAAAAAN AAAAGACTTG GAGGAAGGGA AA 102

配列番号：7576
配列の長さ：362
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08822
配列：
GATCCTACTG ACAGCCATCG TGCAGGTGCT CAGCTGCTTC TNTCTCTATG TCTGGTCCTT 60
CTGGCTTCTG GCTCCAGGCC GGGCCCTTNA CCTCCTGTGG GTGAATGTNC TGGGCCCCTG 120
GTTCACTGCA GACAGTGGCA CCCCAGCACC AGAGCACAAT GAGAAACGGC AGCGCCGACA 180
GGAGCGGCGG CAGATGAAGC GGTTATAGCC ATTGANATTG TGGCCACAGG CCACTGGGCC 240
CTGGGTGGCT CTGTNAGGGT GCACAGCCCC TCATGCCTGG AGCAATGAGG GTCTAGTCCA 300
GGGGCCAAAA GCAGTCTTGA GGGTATTGGG GTATACTTAT ACTCTATAGG GGTCGTTTGA 360
AN 362

配列番号：7577
配列の長さ：109
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08823
配列：
GATCACTCAT ATAACATGTC ATTTTTTTGG TTCTGTTTTG GTTTGGTTTT TGCCAATNAT 60
TTTGTTATAT TTCCAAAAAA CTAAATAAAA ATNATTTTAA TTTTTNAAA 109

配列番号：7578
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08824
配列：
GATCTTCACG GGGCTATTAT TTCAGTGACA AAATCCAAAT GCCCCTCTTA TGTGGGTATT 60
ACAGGAATCC TTCTACAGGA AACAAAGCAC ATTTTCAAAA TTATCACCAA AGAAGACCGC 120
CTGAAAGTTA TCCCCAAGCT AAACTGCGTG TTCACTGTGG AAACCGATGG CTTTATTTCC 180
TACATTTACG GGAGCAAATT CCAGCTTCGG TCAAGTGAAC GGTCTGCGAA GAAGTTCAAA 240
GCGAAGGGNN CGATTGACCT GTGANTTCTT TGCCGTCTAA GGCAGTTGTT TATGACAGCT 300
GAAAACTGGA CACTCCCTAA NTGTCCACCT TTCAGTGAAG NGATAGTTAA GCCAATTCCN 360
N 361

配列番号：7579
配列の長さ：323
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08825
配列：
GATCCAATTC GTGTCTGTGG ATGCTGCAAG GACTGGCTCA TTGGAGCCAA ACCATGTGGC 60
GGAAACTCCT GAAATTGGTG GAAAAAGTGG AATATGGCAG ATTGGGTAGG TAGGAGAACA 120
ATTTTGGAGA TTTTTTTTCT TATGTTAAAG TGTCTGCATT TTATTTGCTG TACCCTGCCT 180
ACTCTGGTTT TNAGGATTTT TTGACTTCTT CGAAAAGCAC TGAATAATCT CTTTNCCGGG 240
TCTAGATTTT TTGATGAGTA CTGTGTAAAA TTGTCAATAT TCAATGGATT ATTTAATAAT 300
ANNTTAAGAN TTCCACTCAT AAN 323

配列番号：7580
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08826
配列：
GATCCTAAGT TAAGACTCTC CAAAGCAAAC ANTTGGTTTA AATCATTTAT CTGATGTAGA 60
TAAAAGGTAG AGAAACTTGT AGTGTTCTCC ACATAATGGA AAATGTACAA ATGCCTAGTT 120
GTGTTGCCCA TCAATTTTGT ATATNTCCAT AATTTTNATT GTTGANAATT GCATTATNTT 180
TTN 183

配列番号：7581
配列の長さ：350

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08827
配列：
GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCAGGAGCCA CCGCGCCTGG 60
GCCTTTTTTT AAGTTTTAAG NNCCNATAAA GNCACTGAAA GGTGATGTGT GTGGATGAGC 120
TAGGAAGACC TGAAATAGGC TCTCTCTAAA TTAATCAAAT TAATCCTGAA GCCATTCTGC 180
AATACTGTCT TTAATGTATA CTCACTTGTT ATAGAAGCCA GGGTTTTTNC CCCTAATTTG 240
TATCATTGCT ATATGTGTTA TTGTACCAAA CTACACTGTT TTAATTGCTG TAAATTTTAA 300
TATGTCTTAG TATCTGGGTG TGGGAATCTT GANAGCATGG AGTTTGTGTN 350

配列番号：7582
配列の長さ：348
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08828
配列：
GATCCTTGGG AGAGCTATCA CGGGAATCCA GGCGTTCACG GCCAGCAAGT GAGCCGCTCC 60
ATCAGGGGCC CGAAACTNTC AAGCCCCTTT NTGGAGAGNT GCCTGGCTGG ACCGTAGAGC 120
GCTGTGCTCT GAGCTTAGAA AGGGAGGTGG CGGATGGAGT GGGAAGTGAG AGACACTGAT 180
TTTNAAATAT CAAAATTTCC CTTCTGAAGT CGTTCAGATG TNTTCCTTAA AAAGAAGATG 240
GAATTCTCTG TAGAGCGTCT CANTCCACTT TTAACCATGG NTGAGAGCAG ACTCCATTTA 300
CCNTGAAATA GCAGCTTCTT TTGAGGGGAG AGTGACATGG AAGCAACN 348

配列番号：7583
配列の長さ：258
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08829
配列：
GATCTGCAGG TTTGGGCATA TGCTTTCATC ATTAAATTAT CTGATAAAGT TACAAGTCAC 60
AAAGGAGAAT GAGAACTTAA TGATTCTATT GGATTTAATA TATTAGCAAG AAANCATACT 120
ATTTNCATAT GTNTAGCTTA GTAAGGCATT ANCATAAGTN CAANACCTAT GANACAGATG 180
CNTATTTCCT CAACATACTG TGTCAGGTAT ACTGTTTTAT ANTTNGGTTG TTTTAGCCTT 240
ATTGCACACC NNCTCCCN 258

配列番号：7584
配列の長さ：308
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08830
配列：
GATCCATTTC ATTACAAGTA AAATATTACA AAATATTTAC AGGAAAATAT TAAAAATAAC 60
TCAAACACAA AAGGCAAGAT GAAATAAACT GTTTTTTTTT CTCCAGAAAT CTCTACTCCA 120
GTGCCCACAG CACACAAGAG TCAAAACAAA TAAGCAACTA AGNTCCTTAC GGAAAAGGNA 180

CAGNTTGTTC CTAAACCAGA AGAGGAGGTT GCCCAGAAGA AAAAGATATC CCGGAGGAAC 240
CTGAGGANCC NAAACTTTTT GCCCCGGGGG TAATTCNGNC TTTNNATTAA TTTTNTTTAN 300
NGGGNNNN 308

配列番号：7585
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08831
配列：
GATCTCTTAT CATAATAAAG AATCTTTGTC ATCAAA 36

配列番号：7586
配列の長さ：227
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08832
配列：
GATCTAAGGA GGCCAGTGAA TTTCAAACAG GATTAAAAAG AAAAAAAACA GAGTTAGGTA 60
TCAAATTAAG AATACTGAAA GCAAAGATAT AANTAGAACT TTAAAAGCAG CCAGAAAAAC 120
AAACATATTA CATATAGGGC AGCAACANTA AGANTAACCG CTAACTTTTG ATTAANNGTA 180
ATATAATTCA CAATACANTG TAACANCANT TTTNNGTGCT AACNGGN 227

配列番号：7587
配列の長さ：215
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08833
配列：
GATCTATTGA GAATGGAATT GTTTTCTTAA TTTCATTTTC AAATTGTTTG TTGCTAGCAT 60
ATAGAAATAC AAGTGATTTT NTATATTGCT CTTGTATCCT GTGACTTTGC TGAGCTTATT 120
TTAGTAGTTT TTTTTCACTG AATTCTTTAG GATTTTNTAC ATAAAAAATT CATATCATCT 180
GTGAATAAAG ACAGTTTTAT TTCTNAATTT TTAAA 215

配列番号：7588
配列の長さ：43
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08834
配列：
GATCATATTT TTAAATAAAG CATTTTTTGT AGAAAGTGCT AAA 43

配列番号：7589
配列の長さ：334
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08835
配列：
GATCAGGATA ACCAGGATGA TAGCAGTGAC GATGGATTCC TCGCTGATGA CAACTGCAGT 60
TCAGAAATAG GACAGTGGCA TNTAAAGCCT ACTATCTGTA AACAACCTTG TATCCTACTT 120
ATGGNCTCAC TCCGAGGCCC TTCTCGGTCA AATGTTGTCA AAATTTTAAG AGAGTATTTA 180
GANGTGGAAT GGGAAGTTAA AANAGGAAGC NNNAGANGTT TTTCCAAAGA GAAAAGAAAG 240
CATAAGGNCA CTTACTCAAC AGANGCACCT TTAGGCGGNG GANCAGNACA TTGTGTCAAT 300
AGTNTCTCNG GTTTGCCCTT TCTNTTACTT GTCN 334

配列番号：7590
配列の長さ：235
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08836
配列：
GATCAAATTT AAAAATCAGT TTTAAAAGTG GTTCCCGACT TCTTTCCTTT GGAAGAATTT 60
GGNCTNATGC TCATAAGCAG TTCATGAGTG ACAAGTGTAG CAAAAGCCAG CCATATATTT 120
CNAGANTCTA TATCCTCAGG AAATGGTCCT TTTTTTTCCT ATAANTCACC AACCAACTAT 180
CTAANTGGNC ATTTGGGGGA NTTCCCTCCC AAATTTGATT TTNTNATTNG AAAAN 235

配列番号：7591
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08837
配列：
GATCCAGAGC ACAGATGGCA AGTTGTGTGG ATGATACTGA ATATNTTTAT TTTCCTAAAG 60
ATAAATNTCA CGACACGACA TTTCTCAGTT TTAATTTAGA TGTTTATNAC CATGTGTTAA 120
CAGAATCTTA AAACCCAAGG NATTTCTTCA GTAAACTAGA CTTTGATTCA AA 172

配列番号：7592
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08838
配列：
GATCAAGAGG AAGCATGACT TGCACAAGAT GGCAGAGGCC AACCGTGCCC TGGCCCACTA 60
CCGCTGGTGG TAGAGTCTCC AGGAGGAGCC CAGGGCCCTC TGCCGCAAGA AACAGTGTGA 120
GCTACTGCCA CGCTGAAAAC TACCTGTGGG TTAAGGATGT AGTTCCTTTG TAAGGGTGGG 180
CAGGCCTCGT AAGAAAGATG TAGCAGCATA TTCACTATCC GTTAATCCTT CTTTCTTTGA 240
GGCTGGAACT TGCTCTCTCT GCCCCTATTT CCTTGTAAAG AGGGAGCACA TTGACTTGGG 300
AATTTCCTCC AGGAAACTCA GGGCTGTTTT CTCTN 335

配列番号：7593

配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08839
配列：
GATCTGGGAC TTCTTTAGTA TCGAGTCTCC TTTGCACTCT TAAAAATTGT TGAGGACCCC 60
AGAGAGCTTT TGTTTTTATG GGTTGTATCT ATCAATATTT ATCACATGAG AAATNATTTA 120
TTTATTTTAA AATAACTTTT TTATTGAGAA AGATAGCAGT GTTTTTTTTT AATCTTGCAA 180
ATTGTTTAAT GTTTGATTTA ATGGAAGACA GCCAGATTGT CCTATCAGCA TTCAAACTGC 240
TGCAGTAAGT TGTTTTGACT AATGTATATG AGGAAAACCT GACCTCACTG AGATTTTAAT 300
TGGAAAATGG AGGAGTATTT TNCCAGCCTT TNN 333

配列番号：7594
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08840
配列：
GATCTCCTCC ATACGGAACT TTCTCATCTA CGTGGCCCTC CTGCGAGTCA CTCCATTTAT 60
CTTAAAGAAA TTGGACAGCA TATGAAGACA GGACATCACA TATGAATGCA CGATATGAAG 120
AGCCTGGTTA CAGTTTCGAC TCCTCTCTGC AAGTGAATAG GCCCAGAAAG GTGTAAGAGA 180
CTCTTTGAAT GGACATAAAA TTCTGCTTGT TAAGAACAAA 220

配列番号：7595
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08841
配列：
GATCTGTGCT GGCCACGTGC CCGGNGTCTC AGCTCTGAAC CTGCTGTCCC TGCTGAGAAG 60
CTCTGAGGGC CCCTCCCTGG AGGACCTGTG AGGGTGGCTG GCCCCTGGGC TGCCCCTTCT 120
NATGGCTTCG TGCTGACTCC ATAAACATTC TCTGTTGAGG ATGTCCAGTC AGGGCTTGAC 180
AGGCCCAGGN TCAGCCCGCC GTGGCTGGGA AGGTTCCCTG CAGTGCCAGT GCTGCAGCAG 240
GGAGAGCTGG GCAGAAGCAG CGAGGGGGCC CAGCTGGCGA GACTGTAGCC CCGTCCCACT 300
CCCACACTCA CTCTTGTTAG AGCCTN 326

配列番号：7596
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08842
配列：
GATCAGATGT TGGAACGTGC TATGCTGTAG CGTGTCTGGA AACAAAGTAC ACAAACCTGG 60
CTACGGTGAT GAGTTAGCTT CTGCTTACTA CCTGTNACAA CCCAAGTGGG TGACACTAGT 120
GAACCTTCTC CAGTCTGCAG GCTGGCATAG AAGGCTCTTA GATTATATTG GGCAGCTTGC 180

AATCTGCCGA AGCAGTGACT TGCATTTCCA CACTTGGCTT GAGCACTCAA CCCAGAAGGC 240
GAAGATAGCT TTTGGTTGTA GGCGGCTTCC TGTATGGGAT ATCCCTCGGT AAGGGTAAAG 300
GAGCAGAGGC AAAGGAGAAA AGCAGTN 327

配列番号：7597
配列の長さ：278
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08843
配列：
GATCTTTCCT CCCTCCCCTG CATGAGGCAG AGGCAAGCTG CCTGCCAACC CCCTCCCTCA 60
AGGAATGGCC TTGCCCAGGA ATGCCCACCA CACATACCCT CTNCTTTTTT NNTAGTCAAA 120
CTCTTGTTTA TTCCTTGGNT TGCNTCCCTC CTTCCTCCCC TCTCAACCTT TACTTCTGAT 180
TTNNATTTCA TGGAATTTGG GATTGANGTT AAACTACAAC AGTGCCGCCA ACACCAAGTN 240
TTGCAGGAAA AAAATACAAA GAAATTTANC ANANAANN 278

配列番号：7598
配列の長さ：202
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08844
配列：
GATCTTCATT ACCGTTNCAT GATTGGAAAT ANTTAAAACA TTGTACAGTT TTAGTATAGA 60
GAAATNTAAT GGNTTTTTGT AACCAGTTTC TGTCTGCATG TAATTTGGAT TTCTCAAATA 120
CATTCATTAG TAATTNATCA GTAACATTAG TTTTATTTNN GTCCATCTCC TTATCTATAA 180
AANGGGGATA TNCTTAGGAT NN 202

配列番号：7599
配列の長さ：47
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08845
配列：
GATCCATAAT ATAGCATCAC ATCTCAATAA ATTTATTTGG AAGCAAA 47

配列番号：7600
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08846
配列：
GATCTGCCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA CTGTGCCTGG 60
CCCCTTCCTG TAAAATTTTN AAATGGAGAA TTGGGTGCNA GATGTGGTTT CCAGCCTGGT 120
GCCTGGGGTG CTGAGCTANN NGAGTGGTGC AGTCCAGGAC ACCTTTGCTT TATCTCACTT 180
ACACGGTCAC CTGGAGCCGG CTCAAGTGGC TAAAGCATCC TGGGGCCCAG AGCCAGGTGA 240

TAGGTCCCTN TGGCCAACTG GACAGTTGAG GCCTGTGGTT ACCCGAAGCC CAGCTTGGGG 300
CCCTGGTCCA GCCTNGCCTC CCAGGAN 327

配列番号：7601
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08848
配列：
GATCTAGATG CTGGTATTGA GGTGGGAGAC AAGTACTGCC ACCNGAAACA ACAGTCTTGG 60
TAAATTTAGC CGACGAGGGT AAACACATCC TAACAGGGAA GGTAAACTGT ACGTCCATCA 120
GTACCACTAG AGGGCATCNC NGGTTTATAG TTCAATACAG TGAATATATC AGANTAATGG 180
CCTTTAGTTT TCCTGAAAGA TTAANTTAGG CTTGCTAACT TGTTTAATGN GATANTCAAA 240
CATATGATGT AATTTTAAAG GGTTTACATT TTTANAANTT TAATGGTTGC TACATAAAAN 300
GGGNTTCAGT TAACTNATTT TGCGTN 326

配列番号：7602
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08849
配列：
GATCTCAGCA GGGAACCATG GAAGCACCCA CCCCCTTGCA TTTTGGCTTA CCTGTAGCGG 60
AATGCAACAG AGAATTTTAT ATGCTAAGAT TTGTGGTTCC GTGGGAGAAT ATTTCAAACA 120
GGTGGAAACC ATCAAACTAA AAGAGAACCA GAAATCATTT AAAGGTCACG TGAGGAGCTT 180
CTGTNTTGTG CAACTTAAGC CTTCACCAGT CTCCTATGCC CAGGTGCCCA GCACCCCCAT 240
CATCTGCATA TTCACCATCC TCAGGTCAGA TTCTATGATA CTGNNAATAA AGGCATTCTG 300
GAAAANTAAA 310

配列番号：7603
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08850
配列：
GATCCGGTCA GCAGCCCCTG TGGCTAGAGG AACACCAGCA CAAACGACAG CCTCAAGTCT 60
CCTTCGAGCT TTATATCCAT TTGGGGATGA AGTCTACTTT NACAGCTAGC AAGGCGACAT 120
GCAACTGTTG TTGAATGATG ACAGCAATTC AGGAAAGACT TAAATATGAA AGCAAATTGA 180
NCACATCGGG TGTTTGTNAT CAGANNAGNG NTGNGATGTG ATAAGACTTG TTTATTGACT 240
AGCCAATATG TCATTCACCT TCNGGTTTAT NTTGTGNANC CCCANNN 287

配列番号：7604
配列の長さ：66
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS08851
配列：
GATCGAGTTT TGGTTCGGGT TAACTGTGTG CCTACTGAAC CTGGCAAATA AACATCACCC 60
TGCAAA 66

配列番号：7605
配列の長さ：339
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08852
配列：
GATCTGGAAT GTGAAGCGTT ATAGAAGATA ACTGGCCTCA TTTCTTCAAA ATATCAAGTG 60
TTGGGAAAGA AAAAAGGAAG TGGAATGGGT AACTCTTCTT GATTAAAAGT TATGTAATAA 120
CCAAATGCAA TGTGAAATAT TTTACTGGAC TCTATTTTGA AAAACCATCT GTAAAAGACT 180
GAGGTGGGGG TGGGAGGCCA GCACGGTGGT GAGGCAGTTG AGAAAATTTG ANTGTGGATT 240
AGATTTTGAN TGATATTGGA TAATTATTGG TAATTTTATG AGCTGTGAGA AGGGTGTTGT 300
AGTTTATAAA AGACTGTCTT AATTTGCATA CTTAAGNTN 339

配列番号：7606
配列の長さ：337
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08853
配列：
GATCCTTTGT GAGCAAGTTC TATTTGTTCA TTGCTTGCCA GAGATGAACA CAGAATGTTC 60
TGTTTCATTT TACAAGAACT ATCCTGAGTT TCTGTGGATG GAAACATTAC ATGTAATGCA 120
GATATAGTGA ACACTGGAAA GATTTATTAA AGANTTATAT TTGTGTATAC TTTATAAATT 180
AGTCCCTCAT TAGATTTTTT TTTTCTTAAG CATAAGACTG ANCTTAAATG TGTTAATTTT 240
AGTAGAATCA GGCACTGCTC GCAGAAGGAN CACAGATTGT NGAGATTAAC ATAAATNGTT 300
CTTGTTCTAA TATATATNTN TNNCCATTTC TGTCGAN 337

配列番号：7607
配列の長さ：203
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08854
配列：
GATCCGTGGA TTGAGGGTGC CTTTCCATTT ATTTTGGTCT TCTTTACTTT CTTTCAACCA 60
AGTTTTGTAG TTTTCAGAGT ATAAATTTTA TACTTGTTTT GTTCAGCCTA TTACTGTTTT 120
ATTTTTGGTG CTATTGTAAA TNAAATCTTC TTAATTTCAA TTTCAGATTA TTCACTTAAA 180
TATACAGAAA TACAGCTGAT AAA 203

配列番号：7608
配列の長さ：207
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08855
配列：
GATCAAAACT TTTCATAATA CAAAGACATT ATTATTTGNT TTTTTCACTG TCCCCTCCTG 60
AATATACAAC GGAGCATTCC AGATGCTAGA GTGACAGCCT CACTCAGACT CAGGGGATGC 120
ATGCTTGCNT GTACAGTACT CGTATGTTTT AAATTTGTTT TAACTCCTAA TATGTAAGTA 180
TCAATAAATA TAATCACCTT AAGTAAA 207

配列番号：7609
配列の長さ：249
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08856
配列：
GATCTTCGTG GTGGAAAGCT AAATTTTAAA ACCACCCCAA TGGATGCAGA CAGTGATGTT 60
GCATTGGACA TTCTAATTAC AAATGTAGTC TGTGTTTTNA GAACAAGATG TCATTTAANC 120
TTAAGGAAGA TTGCTTTGGA AGGNGCAAAT GTAATTNATA ANCGTGATGT TGGAAAAGTA 180
TTANTGAGGC TTAGAAAACC TAGANTTACA GCTACANTTN GGTCCTCAGG AAANNTTATT 240
TGCNCTGGN 249

配列番号：7610
配列の長さ：319
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08857
配列：
GATCTGTAGT ATTTTAATGT GCATCTACTT TAAATGAGTC ATCTTGGGGT TTTTATAATT 60
CCCTTATGTT CTCGCCCCTC TACACTTGAA ATAACAAAAT GCCTTAATTT TATGGATTAG 120
NTCTCTTATA GGAGACAGGC AGCTATATGN AGCAANCCCA GTAAAGTTAT TTTTCAACTN 180
TCANAGTTGT AAAATATTTT ATAACAGTTT ACANCAACAG CTGNAGANCA ACATGCCACA 240
TTTTNTTTGC AGCATTTTCA AATANTTTGT TTTGTGGTGT NAGCACAGGN TAAANNTGGG 300
GNGCGTCGAT GTGAGGCGN 319

配列番号：7611
配列の長さ：208
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08858
配列：
GATCTACAAA AAATTCCTGG AGCCATATAT ATACCCTCTG GTTTCCCCCT TCGTTAGTCG 60
TATATGGCCT ANGAAAGCAA TACAAGANTC CAATGATACA AACAANGGCA ANGTAAACTT 120
TAAGGGTGCA GACATGAATG GTTTACCAAC AAAAGGNCCA ACAGAAATCT GTGATAANNC 180
GNAAGACTAA NGAAATTTTC CNAAAGGN 208

配列番号：7612

配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08859
配列：
GATCTTCCCA CCTTCAGCCT TCCAAGTAGC TGGGACTACA GATGCACACC TCCAAACCTG 60
GGTAGTTTTT NAAGTTTTTT TGTAGAGGTG GTCTAGCCAT GTTGCCTAGG CTCCCGAACT 120
CCTGAGCTCA AGCAATCCTG CTTCAGCCTC CCAAAGTACT GGGATTACAG GCATCTNCTG 180
TAGTATATAG GTCATGAGGG ATATGGGATG TGGTACTTAT GAGACAGAAA TGCTTACAGG 240
ATGTTTTTNT GTAACCATCC TGGTCANCTT AGCAGAAATG CTGCGCTGGG TATAATAAAG 300
CTTTTCTACT NCTAGTCTAA A 321

配列番号：7613
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08860
配列：
GATCCTTCCT AGGGGATGGG GGAAGCCCTG GCTGCAGGCA GCCTTCCAGG CAATATGNNG 60
ATAGGAGGCC CACGGGCCTG GCAGTGAGAG GTGTGGCCCC ACACCGATTT ATGATATTAA 120
AATCTCAACT CCCAAA 136

配列番号：7614
配列の長さ：47
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08861
配列：
GATCCCGTCT CTACAAAAAA TAAAAAAAAA TTAGTCGTGG TGCCAAA 47

配列番号：7615
配列の長さ：36
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08862
配列：
GATCACTTTT TCAATATTAA ATNTTATTTA CATAAA 36

配列番号：7616
配列の長さ：260
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08863
配列：
GATCATCATG AAATNATAAG AGGGCTTAAG AATTTGTCCA TTTGCATTCG GAAAAGAATG 60

ACCAGCAAAA GGTTTACTAA TACCTCTCCC TTTGGGGATT TAATGTCTGG TGCTGCCGCC 120
TGAGTTTCAA GAATTAAAGC TGCAAGAGGA CTCCAGGAGC AAAAGAAACA CAATATAGAG 180
GGTTGGAGTT GTTAGCAATT TCATTCAAAA TGCCAACTGG AGAAGTCTGT TTTTAAATAC 240
ATTTTGTTGT TATTTTTAAA 260

配列番号：7617
配列の長さ：102
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08864
配列：
GATCAACTTT AGTCACCAAC CCAAATGGAG GATTTNTGGC TTGTGGGNCC TTATATGCCT 60
ATAGNTGTGG ACATTTGCAT TACACAACTG GANTCTTTNC TN 102

配列番号：7618
配列の長さ：228
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08865
配列：
GATCAAGGGG CCTCTCAGAA CCATGTTCCC CAGCCAGGTG AGGACCATTT TAACTGGGAC 60
CCAGGNCAAA ACCATGTGGG TGCACAAAGC CAGGCACTGC CAAGTGGAAC ATGAGGTTAT 120
TTCCAAATCA TGGGAGCCAC CAGCAGGGAG AGGGCAGTAT GGAAAATCCC CTGGAGCCGG 180
TCAACTNTTT GCTCATGGCT AGTGAAATAA AGTTGTTTGA GTACTAAA 228

配列番号：7619
配列の長さ：113
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08866
配列：
GATCTCTTAC TCCCCCAGTT TGAATGGTAA ATTTGAATGG TAAATTCCCA TGAACATATA 60
TGGAAATATC TTTATCCTAC TTTNTCCAAT AAAGGCTGTT CTTAGCTTTT AAA 113

配列番号：7620
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08867
配列：
GATCACCTGN CAAATGTTTG AGGACGGAGC TGTGCAGTCA CATTATTGGG GATTCCACAG 60
CTGGTGCTGC AGGCCTTGCG CCTCCAACCA GGACTTTNTT CTTAATGCTC TCGACACTTA 120
GCTAAACACG ACTATATCCC GGCCCAGCAG GCCCCAGCGC CGTTAGTCTC CAGCTGACTC 180
TGTGGGTTGG TCTTAAAGCA AATTCTGTTT TGTGGACTGC CTGGCAATTT TTNAGCTAAC 240
TGTAATGATA AAAAGGGAGT NTTAATCTAT TCTGAATCN 279

配列番号：7621
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08868
配列：
GATCAAGTTG TGGTGGATAA CGTGTTTCCA AATTGCATCT TGTTGCTGAA ACTTCCTGGA 60
CTTGAGAAGT TACTTCATCA TGTGACAGAG GAAAAAGGTA ATCCAGAAAT AGACAACAAG 120
AAATATTACA AGTNCAGCAA AGNGAAGACA TTAAAGTGGC TGGNAANNNN GGTTAATCAA 180
NCTGTGGCAG CATTAANN 198

配列番号：7622
配列の長さ：184
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08869
配列：
GATCCAGAAA GTAGCAATAT AGGACTTTAA GGGGTATGTA TTAGTGTAAA TAATATATGT 60
GCAGTCTAGG CTAATCATNT TAATTAAAAA CAAATAAGCA TACTTTTTTN CTTTAAAAAT 120
ATGCCCTCAA AATGGTGGGG GATAAANTGT AAGATATTCT TTAGCTGNNN TTATTTNNCC 180
GNCN 184

配列番号：7623
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08870
配列：
GATCCTAAGT CTCTTACAAA AGCTTTGAAT ACTGTGAAAA TNTTTTACAT TCCATTTCAT 60
TTGTGTTGTT TTTTTAACTG CATTTTACCA GATGTTTTGN TGNTATCGCT TATGTTAATA 120
GTAATTCCCG TACGTGTTCA TTTTATTTTC ATGCTTTTTC AGCCATGTAT CAATATTCAC 180
TTGACTAAAA TCACTCAATT AATCAATGNA AA 212

配列番号：7624
配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08871
配列：
GATCGCAGAC CGCGCTGCCC ACGACGAGTC CCCGGGGAAC AACGTGGTTG GACATCAGCG 60
TGCCGCCCAC CACGGACGGA CAGAAGTCTC TTTAAGAAAA TAGTTTAAAC AATTNGNTAA 120
AAAATTTTCC GTCTTATTTC ATTTCTGTAA CAGTTGATAT CTGGCTGTCC TTTTTATAAT 180
GCAGAGTGAG AACTTTCCCT ACCGTGTTTG ATAAATGTNG TCCAGGTTCT ATTGCCAAGA 240
ATGTGTTGTC CAAAATGCCG TTTAGTTTTT AAAGATGGAA CTCCACCCTT TTGCTTGGTT 300

TTANGTATGT ATGGAATGTT TATGGATAGG GACATAGTAG TAGCGGTGGT CAGACCATGG 360
GAANTGGGTG GNN 373

配列番号：7625
配列の長さ：74
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08872
配列：
GATCCTACAA GCATGTCTGC TGTAACTCTA TGTATGTTTT CTGTAAAATC ACATACCTAT 60
AAAATAAAAA GAAA 74

配列番号：7626
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08873
配列：
GATCGTGAAC ACTGCATTCC AGCCTGGGTG ACAGAGCCNG ACCCTGCCTC AAA 53

配列番号：7627
配列の長さ：379
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08874
配列：
GATCTACCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CGCGCCTGGC 60
CCTCTGCAGT TGTTTAATAA GGCACAGAAT ACCTGTAGCA TAGGTCAGCC TTACGATGTC 120
CATGAATTAC ATATTCAGAC GTTTTAGAGC CTGATACATT TTGGAANCGA AAAACAACTT 180
CTACACCTAT TCTACAGTCC GCATTTAAAA CAATAAATTC CTCTATTAAA AACGTAAAGC 240
CGGGTTTGCT TGCGTGCCAC AGGGGGTATA TCCAGGAAGG TTATTATGAA GCTGTCAAAT 300
CAAGATGATG GNAATAAGGC AGTTTGAACG GACAGTCTTC CCACAGTCAG GCCATTTTTG 360
CTGATTTGGT TTAGGATTN 379

配列番号：7628
配列の長さ：212
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08875
配列：
GATCGGGCGC TGTGCAGTGT GGTCAGCATG GTGAAGAAAG TCATTTCCTC GGTGGGCAGT 60
ATTCCTCTTT ATCTCTCATT ACACTGGAAA TGTTATTTCT GCTGTATCAT CCGTGCTCAA 120
CGTTTTAGTC TGTCAGGCTC ACCTTCTCTC TGGAAAGAAT TTGCTTAACT TGACATTCCA 180
TGTGCCGCTA ATAAAATATA TTTTGAAAGA AA 212

配列番号：7629
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08876
配列：
GATCAGAANT AATTACCATT CCCNGTGTTT TGCTGTAGGA CCTTCAGGTC TATGTTCTAA 60
GTGGGGNTTA TGAAACTGGT AATAGAAAAT AATGGAGAGC AGTTAAAGAG TTAATATACA 120
TTATTAATAT GNGTGCTCTC TACAGGCACA CAAAGCCTGT AGACTCAACA AATTTACTCC 180
TGAAGTTTTC CAAATTTGCA AAATCTGCAA TTTNTGTGCC ACATAAAGCT NTCCAGAAAT 240
TGAAAAANCNG TAAANCACCG GGTCTCANTT TNTTCCTGCA TTTCACTGAT ACCTTAANTT 300
ACATAGNTTA NCTTCTTTAN AGCACTACCT TTTTNGCTGT TGNTATTAAN 350

配列番号：7630
配列の長さ：76
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08877
配列：
GATCTCACAA CTGCACTCCA GCCTGGTGAC AGAGCAAGAC TCCATCAAAA ATAAACAAAT 60
AAAACAAACA AACAAA 76

配列番号：7631
配列の長さ：185
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08878
配列：
GATCAAAGTC TGCTTCATTG TCTTGTTCCC CATTTTAATG GCAATGTTAG GTATAATNTT 60
TGCTTTTATT AAGTATAATN TTTGCTTTTG TTGGTAGAGT TTTACGATTT TACATCAGAA 120
GTACCTGTTC AACTTAATTG CCACGTTTAA GCATCAATTA AAATATTTTC ATTGAACTCA 180
TGAAA 185

配列番号：7632
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08879
配列：
GATCTTTTAG GAATTAAACT TGCAAATNAA ATGAAATATG TTGGGACTTT GGCATAATTT 60
GAATATAGCA TTGTGTGAGT TGTGATTGTN TCTTCCTAAT TGTGCTGTAA TAACCTGTGT 120
ATGAGAATAA AATGATTTCC ACCATCAAA 149

配列番号：7633
配列の長さ：193

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08880
配列：
GATCTCACTC CATGATTACT GTGTAAAATA TTTTTGCACT GTTGTGAAGT ATTTTTAACT 60
TTTTTCTGTA CATAACTGTG TTCTCAGAGC TGAATGTTTA TATCTTTTGC TGTGCAAAAG 120
AAACANNNNA AATGTTGTTC AGTTGTATAT ACAGAAATGT GTATAAAACA TTTTGTTATT 180
TTTNAAAAGT AAA 193

配列番号：7634
配列の長さ：148
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08881
配列：
GATCAAGAAT TTTGTAGAGT GGACAGTCAT TACATATGTT ATAACTTATC CTTTAAAAAC 60
TATTTTAAAC TTTATCCTTT CAGCTTTACT TAGTGCGATG TTTTAGAAGC AGTCTTCAAA 120
GAATAAAACA CTAACCATGC ATGTGAAA 148

配列番号：7635
配列の長さ：376
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08882
配列：
GATCCATTTC TGTGTCCTNT AGCCTAGTAT GTCTGAACTT CCATTCTTGT TATATATTTA 60
AACTTTCCCT CTATATTATA GGNTTNGTGG CNNCCACGGT CAGGTGTAGA GGAAGCTGCC 120
CCTTGCAGAA CTGTACTGTA ATATTTTTCT TTTATAAATA TTTTCACAGG ACTGATTGTA 180
CACAGGGCTT GTAATAAAAT TTTAACACTG TGCTGTGAAA CAACTATGGG GAATCTCCAT 240
TGAAGGCTAC TTCATGGGCA CCTGAAAGTG GAGTGTTATA GCTATGACTT TCTATTTCTT 300
GTTTCCTAAG TAAATTAAAC CTAATTTTCA CCCTTTCATT CTGTTTCAGC CTCCTGTNTA 360
AGGAAGTACC GTTTGN 376

配列番号：7636
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08883
配列：
GATCCCATTC ATTGTCCCCT TTGGGGTATT TCCAATACTT GAATGGCAGA TTGGAGTTTT 60
TCAGAGTATG TGTTTCATCT GCTAGTCTTT CTCTCCTTCA TAGCTTTTCT TTTCCTGGAC 120
TTGCTCCTTT TGAGTTGCTT TTGCGTTTCT CATGCCTAGG CAAGTGTAAT AGAAATTATG 180
TAGCTCCTTA TGTTGGCAAA GGAGCTCTAT ATAGTTTCAC TTTGTATACA AGTTAGGNCC 240
AGCTGTTGTT ACATGTAATA TNNTGGTTCA GAACTTGAN 279

配列番号：7637
配列の長さ：373
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08884
配列：
GATCTCTGAT TGCATCTATG TGGATTCTTT TTGGAGGTTA TGTTGCTAAA GAAAAAGACA 60
TAGTATACCC TGGAATTGCT GTATTTTNCC AGAATGCCTT CATCTTTTTT GGAGGGCTGG 120
TTTTTAAGTT TGGCCGCACT GAAGACTTAT GGCAGTGAAC ACATCTGATT TCCCACAGCA 180
CAACAGCCCT GCATGGGTTT GTTTGTTTTT TTACTGCTCA CTCCCAACCT TTTGTAATGC 240
CATTTNCTAA ACTTATTTCT GAGTGTAGTC TCAGCTTAAA GTTGTGTAAT ACTAAAATCA 300
CGAGAACACC TAAACANCAN CCAAAAATCT ATTGTGGTAT GCACTTGATT AACTTATAAN 360
ATGTTAGGTG GTN 373

配列番号：7638
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08885
配列：
GATCACACCA CTGGCACTCC AGCCTGGGCG ACAGAGTGAG ACTCCGTCTC AAA 53

配列番号：7639
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08886
配列：
GATCCGAACT GGACTCACAT CCTGTATGGT GGATGGACTG TATATTGAGG GTTCCATTCT 60
TCGCGCAGTT TAGACATCTC TGTTTTGATT CTTTGTTGTT GTTTTTATTT TAAAAGGCAC 120
AAACTCTAGA TATTAGTTGA ATGTTGAGGC TTTAACTTTT TCGGTGTCTT TCTACAACTG 180
TGTTCTGTGA CTCAATTGTG TCGTGTTAAT ATCAGTACAG ACTGTCTCCT CTACGTGACC 240
GTATAATGTT TTTCTCTTCT TGTAGTCTCT ATGGCGTGTC TTTATGGTGT AATAAGGTTC 300
TCACGGGTTC AATCTTTTGT GTTTAGGGNN NNCACGGTTC AGACCAAATG GTATATAATT 360
TTN 363

配列番号：7640
配列の長さ：270
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08887
配列：
GATCTGGTTC TGAGGAGGAC ACACCTGGCA TCGGATGACC TTTATAAATT ATCTATGAAA 60
ATGCCAAAAG CTCTCAAGCC AAAGAAGAAG AAAAATATTT CCCATGATAC TTTTGGTACA 120
ACTTATGGAA GGATTCATAT GCAGAAGCAA GACCTAAGCA AACTACAAAC CAGGAAAATG 180

AAGGGGTTGA AGAAGCGACC TGCAGAAAGG ATAACAGANG ACCACGNGGA AAAAGTCAAA 240
AAGAATTAAA AAAAATTGAT GGAACTTAAA 270

配列番号：7641
配列の長さ：336
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08888
配列：
GATCTCTGAA AAGACGTTAT CACCTTAAAG CTCAAATTCT TTGGGATGGT TTTAACTTAA 60
GTCCATTAAC AATTCAGGTT TCTAACGAGA CCCATCCTAA AATTCTGTTT CTAGATTTTA 120
AATGTCAAGT TCCCAAGTTC CCCCTGCTGG TTCTAATATT AACAGAACTG CAGTCTTCTG 180
CTAGCCAATA GCATTTACCT GATGGCAGCT AGTTATGCAA GCTTCAGGAG AATTTGAACA 240
ATAACAAGAA TAGGGTAAGC TGGGNTAGAA AGGCCACCTC TTCACTCTCT ATAGANTATA 300
GTAACCTTTA TGAAACGGGG CCNTNTAGTT TGGGTN 336

配列番号：7642
配列の長さ：331
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08889
配列：
GATCCATTTC AGATACTTGT GGCAGCAAAC AAAGCAGTTC ACCTCTACAA ACTGGGAAAA 60
ATGAAGACAA GAACTCTATC TACTGAAATN ATTTTCANCC TTTCCCCAAA TAACAATATT 120
TCAGAGGCTT TGAAAAAATT TGGTATCTCA GCAAATGACA CTTCAATTCT AATTGTTTAC 180
ATTGAAGAGG GAGAAAAACA AATAANTCAA GANTACCTAA TATCTCAAGT AGAAGGTCAT 240
CAGGTTTCTC TGAAAANTCT TCCTGAAATA ATGATTATTA CAGANGTCAA ANAGGTATAT 300
AANCTCTCTT CACAGGNGGN ANGTATCGGA N 331

配列番号：7643
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08890
配列：
GATCCACTGT CCGGCAGAGG AAAAATGCCA GCTGTGGGAC AAGGAGTGCA GGCCGCACAA 60
CCTCGGCAGG CACCGGGGGG ATGTGGCGAT TCTACACAGA AGATTCACCT GGGCTCAAAG 120
TTGGCCCTGT TCCAGTATTG GTTATGAGTC TTCTGTTCAT CGCTTCTGTA TTTATGTTGC 180
ACATTTGGGG CAAGTACACT CGTTCGTAGA TTCAGTTACA TCCATCTGTC ATCTGAAGAA 240
GGAGGAAAAA ACCCAACATT TCTTGGACCA AAAGTATAGT GACTATCTGT TCATGAGAGA 300
AATTTTCTGT NAGCTTGCTG TTTTGAN 327

配列番号：7644
配列の長さ：287
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08891
配列：
GATCAAGATG AAGTTCAGCT AGAAGTCATA CCACCCTCAG GAATCAGCTA AGTAATTATN 60
ACTTGATTCT TTTAGCAAAT CAATGCACGT NATCCTACTT AATCCTTAAA TAAGTTTAGA 120
TTTAACTAAC CCAAAGTCCA GGAGGATGTT CTTACAAAAN TAGCTATATC ANGGGCTGGC 180
ACCTAGACAT TAANCTGTAA TTNGANAATA AGCAACATGT TGCATAACTN GTTGGAATAA 240
TTCCTTGTNC TGTTTAACAC TTGTCATAAN TTAGCAGNGT AANNNTN 287

配列番号：7645
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08892
配列：
GATCTACCCA ATTAGAAATG CAACTTGAGA AACCCAAACC TGTAAAACCA GTGACGTTTT 60
CCACAGGCAT CAAAATGGGT CAACATATTT NACTGGCACC TATTCACAAG CTTGAAGAAG 120
CTCTGTATGA ATACCAGCCA CTGCAGATAG AGACATATGG ACCACATGTN CCTGAGCTTG 180
AGATGCTAGG AAGACTTGGG TATTTAANCC ATGTCAGAGC TGCCTNACCA CAGGACCTTG 240
CTGGAGGCTA TACTTCTNCT CTTGCTTGTC ACAGNGCACT ACAGGATGCA TTCNGTGGGC 300
TTTTCTGGCA GCCCAGTTAA CCATTTN 327

配列番号：7646
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08893
配列：
GATCTGGCTG CTCATGAAGA CAAAGTTCTG AGTGTAGACT GGACAGACAC AGGGCTACTT 60
CTGAGTGGAG GAGCAGACAA TAAATTGTAT TCCTACAGAT ATTCACCTAC CACTTCCCAT 120
GTTGGGGCAT GAAAGTNAAC AATAATTTGA CTATAGAGAT TATTTCTGTA AATGAAATTG 180
GTAGAGAACC ATGAAATTAC ATAGATGCAG ATGCAGAAAG CAGCCTTTTG AAGTTTATAT 240
AATGTTTTCA CCCTTCATAA CAGCTAACGT ATCACTGGGG CTTATTTTGT ATTTTATAAT 300
AAGNTAGGGT TGTGTTTTNT NAAATNCGN 329

配列番号：7647
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08894
配列：
GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCATCAC CTAGCTGCCT GCACCTGCCC TTCAGGGAGA 60
TGGGGGTCAT TAAAGGAAAT CTGGGACAAC AAA 93

配列番号：7648

配列の長さ：283
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08895
配列：
GATCTGCATG CATTGCTTGC ATTTTNNTGG TATCTGAATG TTGGTTCCTT GTTCCAGGAA 60
TTCAACATTA NTTTCCAAAA GTATCATGGG ACTTGTGACA ATACANGTCA TGAATCTATG 120
TATAAAATTT ATCGGCCTTT CTCATTTACC TGCTCTAGTA TTATTGTATT GTGTGTGCGT 180
GCGTGTGTGA TGTCAGGCTG CCACGTAAAA CTTCAGAGGA AAATCTTAAA NGCAGGCCAT 240
CCTTTTTNGC ATGCTCTATT CTAAGTAGGA ATGTTCAATG TAN 283

配列番号：7649
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08896
配列：
GATCACCTGT AGGTCAATAG TTCGAGACCA GCCTGGCCAA CAAGGTGAAN CCCATCTNTA 60
CTAAAAATAC AAAAAATTAG CCAGGTGTGG TGGTGTGCAC CTGTAGTCCC AGCTATTTGG 120
GAGGCTGAGG TGGGAGAATC ACTTGAACCT GGGAGGCGGA GGTTGCAGTG AGCTGAAATC 180
GCGTACCACA CTCCAGCCTG GGTGACAGAG CGAGACTGTG TTTCAAAGAA AAAAANAACC 240
AGGCAGCCTT TTGCTTGGTT GGAATCTGAT TTTCTN 276

配列番号：7650
配列の長さ：182
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08897
配列：
GATCTAAATA TTCAGGTTTT AAGCCTGCTG CAAACTTTTA AAATATTATG ATAGNTTCTG 60
TACTACATGT GGGAAACAAG CAAGAACTAA ATAATCAAAT GTTGTCAACC AAAAGTAATA 120
GTTGGGTATT GGAGATTTTT TTAAAATGTT TTTATGTTAT TNGCTATTTG GAGTTAAATA 180
AA 182

配列番号：7651
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08898
配列：
GATCTNAGAA AACGTTTAAT ATCAGATTTN TTTATTTTTN CCAACACAAC TGAATCAGTT 60
TTCTTAAATA AAAGTTTATT GTCTACTGTT AAA 93

配列番号：7652
配列の長さ：275

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08899
配列：
GATCTAAAGT TAGTTGCCTT TGCCTGTAAA ACATGTGATT TGCAAATTAT TATTTTNNTT 60
TTTTTTAACA AATGGAAGTA AATTTGTTTC ACGTAAATCT TAATTTTCAA CCTTTCTGGA 120
TACCTTAATT GTAACTGTCA GTTTGCACTG GTCGGTATAT GGAAACACAT TGCTCTACCC 180
TGCTACTTAG TTGNTTTTAA AGTGAATTTN CAGTGATGNG AAATTTGTGA AANNTATATT 240
GTATTTCTTT TGATGTTTCA AAAGGTTGCC TATGN 275

配列番号：7653
配列の長さ：279
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08900
配列：
GATCTTTAGG TGTTGAACTG GGAATATGCT CTGCAACACC CAGGATTAGG ATAGAGATGG 60
ATTTCATTTT ATATGGGCTA GCATATTATT ATTAAAGACC ATTTCAGGAG TGGGACTGTG 120
AAAGGAGGTG CTCTGTTATC TGGTCCAAGA GCTCCTCTGG GAATTAATCC TGGCTGGTTC 180
TGATGAGCTG GCAAGGNGCA GNGGATTGCA GTCTTTAAGT AGAAAATTNG AACCCCATCC 240
ATATAACACG TGNACGTGCA TTAAATAGCT TGAATTGTN 279

配列番号：7654
配列の長さ：264
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08901
配列：
GATCAAGACC AGAAAGAAAT TATTGATACC AATGGAGCTG GAGATGCATT TNTTGGAGGT 60
TTTCTGTCTC AACTGGTCTC TGACAAGCCT CTGNCTGAAT GTNTCCGTGC TGGCCACTAT 120
GCAGCAAGCA TCATAATTAG ACGGACTGGC TGCACCTTTC CTGAGAAGCC AGACTTCCAC 180
TGATGGAAGA GCTGAAAACA CAAGCCCAGG AGTGCAGACA CTGCCCTAAT TGCTTCCTGA 240
GAATTCCCAT ATTAATAAAG ANGN 264

配列番号：7655
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08902
配列：
GATCTTTTAG GAAAAAAAAT AAATATTTTT AACATTAAAG CAGTCACTTT GGTTTATCAA 60
A 61

配列番号：7656
配列の長さ：66

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08903
配列：
GATCTGTTTG CTTAGCTGTC AACAAAAAGA AAACCTGAAG GAGCATTTGG AAGTCAATTT 60
GAGGTN 66

配列番号：7657
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08904
配列：
GATCTNACTA AGCTTTCTTA GGAAGGGAAA GCATCTGGCA AGGAGTAAAA TGTCTGTTTC 60
CAACAATTGT CCCTGTTCCC ACTACTTTTT AAAAATGTCC TTAGTAAAAA GTGTATATGA 120
GGCAAGATTA TATTGAAAAA NTGAATATAA GAAAAAAATA TTATGTTAGA GAGNAACGTA 180
TTCAGCATTG TTNTCAAAAT CACAAACTGT TAGGNGACTC TGACATCAGG TTTGTTCTCC 240
ATATGCAGCA AN 252

配列番号：7658
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08905
配列：
GATCTACATG GATGTTCTGT TCTCTGAACT GTCTGGATGA ACCGGTCAAC GGCACTCATC 60
ATACCTTAGT TTTTAAATCT GCATTGTGGT CATAATCTGT TATTTAATTA ATTTCTCGTA 120
TTTTTAATAA AAACTTTGCC TATATATTTT AAA 153

配列番号：7659
配列の長さ：23
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08906
配列：
GATCCCAAAA GTAGCAAGAG AAA 23

配列番号：7660
配列の長さ：280
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08908
配列：
GATCAATTGC AGAATGATAC AGATAGTACA ATGACTTTTT TGTAAATTTG AATTAAAAGT 60
TTCCTCATAA AACTCAGTAC TATCTATTGG TAATGGATGC ATATATGTAT GTACATGTTT 120

TTNAAACGGA TTGGAAGGAT ACAGACCAAA CTCTTGATAG TGGTCACCTG TGAAGAGTGG 180
AGAAGGGAAA ATNATGAGTG TGGGAGGTGG GATGGGTATT GGTTAANGGG GACTTCAGCT 240
TTTTATATAA ACATCCACTT CTCTTTCAAA AAGNCTTCAN 280

配列番号：7661
配列の長さ：137
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08909
配列：
GATCATTTTA AAAAACTGAA TCTATATNAT NTTTAACTTC AGAAGGCATC ATTTATAAGA 60
CAGTATGGCA GTTAATTATA AAATNATTTT GATGAATTAT GATACAATCT ACATAATAAA 120
GAATNCTTTT GATTAAA 137

配列番号：7662
配列の長さ：305
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08910
配列：
GATCCTAAAA CTGTCTCTCA CATTATATAG TAGATGTTTG TTTATAATGT TTACAAAACA 60
TTTTGGTGAA TTTCCTCAAT GTTTTATAAA TGTACATTTT TTAAGTCCTT AAGCTGACTC 120
TTAGCCATCA TGTAGCTTAA GGAGTCTGAA ATCTGCCATT AAAACTGCAC CTTTAAGCCA 180
GGTGTGGTAG CATGTGCCTA TAGTCCCAGC TACTTGGGAG GTGGAGGTGG GAGGATTATA 240
AATAGAGACT TTCCTTAAGA CTTTAAAAAT GTATTGNNAA ACTATTTTTT ATTAAATACT 300
TTGTN 305

配列番号：7663
配列の長さ：103
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08912
配列：
GATCCTAACC TTGAAGTATG CCTTGAACTT ATTAACATGG CCATTATAAG AATAAAATAT 60
GTAGTTGTGT CTTAATGGAA TTAATAAATG TCATTTCACT AAA 103

配列番号：7664
配列の長さ：211
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08913
配列：
GATCAAGGAA TAAAGAATCA TTAAAGAATG GGGTGTTGGG GGTTCTCTTA ATTATCAGTG 60
ACACATTAAT TNTTTTCCTT AGAGCTTCAT ACAATAAACA CATTGCAGAA AGTTTTAGAA 120
AGTTTTGCAG GACCTTAAAT TTTCTGCCCT GACACTTTTC GTCATGTTTC CTGTATTCCN 180

GGTTATTGTA GCGCATGCTT TTCAGGTAGT N 211

配列番号：7665
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08914
配列：
GATCTTAAAT TTTGTGATAT GGAGCCCTGT AATNTTTTTC TTATATAAAA ATGGGTATCT 60
ATATTCATAA A 71

配列番号：7666
配列の長さ：344
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08915
配列：
GATCCCAGCT CATGGCACAG CCGTTTGTAT CCTCGGAAGA ACGGAAGGAA CGATGGGAAC 60
AGGGCCAGGC TGATTATATG GGAGCAGATT CCTTTGACAA CATCAAGAGG AAACTTGACA 120
CTTACCTCCA GTAGAAACAC TGCATTTTTC TGTGAACACA TCCACTTCAC AAGCCTTGTT 180
TCTGATACTT AGTATCTAGA GCTGGGTTGA GAAAAGTCTG TTACAGTTGC TAGAGGTTTT 240
CATTAAANCT TATCAGGNGG GCGGCTTTTT TAGGATAAGA GGTGAGAACT GGGCAAAAGT 300
TGTGAAGCAG CAATTCTGTT ATATGGNCAG TGTTCTGCTT TTTN 344

配列番号：7667
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08916
配列：
GATCACGACT GCTGCACTCC AGCCTGGGTG ACAGNGCGAG ACTCCATCTA AAAAAACAAA 60
AAGCAAAAAA ACCCACAAAT ACCTCATGGA GATGAACTGT AATAATTGCT TAAAGTTCCA 120
TTTAATTATG TTAACTCTAA TCTAGCAAAA ACATAGATGT ACTTAAAAAT AAATCATGGA 180
TAATGATTTT TTAACCTAAA 200

配列番号：7668
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08917
配列：
GATCTCATTT TCAAGTNTGA GTCTGACCAA CCATGGAAAA TATTCGACAT GAATTAATGT 60
AGAGAACTAT AAAGCATTTA TGACAGCTCC AAGAAAAGTC ATCTACTCTA TGCAGGAGAT 120
ATGTTTAGAG ACCTCTCAGA AAAACTTGCC TGGTTTGAGG GTACACAGTA CCATTTTAAT 180
CTTCTGAAAA TATCTGTATT CCTGCTCTGG GGNTGCTGTC ACTGTCAATC TGCTATATTT 240

TTCACTATCC TATTAAAATA TTACTGTCTC CTTTAAA 277

配列番号：7669
配列の長さ：163
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08919
配列：
GATCTTCTAC ATTTATATTT TTAATCTTCT GTTAAATACA CTTTCCGATA TTGCCTTGCC 60
TTTTGAGCTC TTGCTACAGT CGCCTTTGCT ACTGCTTTAA GAGAATTTAC AGGTATTGAT 120
AAAGAACAAG ACTGTTTTAT TAAAAGNTTT ATTCAACTTG AAA 163

配列番号：7670
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08920
配列：
GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTTC GCTAATGCTT 60
GTGGTTCTGT NGTTCCCTTG AAAAAAAATA AAAACCCGAC CCAGCAGCAA A 111

配列番号：7671
配列の長さ：155
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08921
配列：
GATCTGTCAC TGTTCCCCGT CACCCTCAGA TGGGACCGTC TAGTTGTAGG AAAACAAGCT 60
CAGGGCTCCC ACTGATTCTA CATTTTGGTG AGTTGTATAA TTGTTATGTA TTGCAATGTA 120
ATAATAATAG AAATAAAGTG TACGATAAAT GCAAA 155

配列番号：7672
配列の長さ：239
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08922
配列：
GATCTGGAGA GGTTGTTTGT GAAAGTGGAG AAGATTCACG AAAAGGTCTA AATGAATTGC 60
GTGTGCAGGG CGCGGATTTA AAGTCCAATT TCTCATGACC AAAAAATGTG TGGTTTTTTC 120
CCATGTGTCC CCTACCCCCC AATTTCTTGT CCCCTCTTAA AGAGCAGTTG TCACCACCTG 180
AACACCAAGG CATTGTATTT TCATGCCCAG TTAACTTATT TACAATATTT AAGTTCAAA 239

配列番号：7673
配列の長さ：327
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08923
配列：
GATCCTTTCA TTAATCAGAA CAGCAGCTTA TNAACTGCTT CATTTTCCAA AAGTGTTTCC 60
CAAAAATCAG AAACCTAAAC ACCCAACAAC AGGAATTATT GCCATCACAT TGGCGTTTTA 120
CATATGTCAC GAAGTTCACC TAGCTGGTTT TAAATACAAC TTTTCTGANC TCAAGAGTCC 180
TTTGCACTAC TATGGGAATG CCACCATGTC TTTGATGANT AAGAACGCGT ATCACAATGT 240
GACTGCAGAG CAGCTCTTTT TGAAGGACAT TATAGAAAAA ANACCTCGTA ATCAACTTGA 300
CTCANGATTG ACTCTACAGA CTCGGAN 327

配列番号：7674
配列の長さ：377
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08924
配列：
GATCTCCCNT AATTGGGAAT GAANGATTTC ACAGACTAGA GTCTCCGATG CTGGTCATGA 60
TGTCAAAACT AAGTTCTGAC TCATTTAGGG AACTGGATAC TTGGGTCTCC AGAAGGGCCA 120
ATGGGAGGGC CATAATTCTG TTTATTTTCA AATTGTCTTG TTTTCACCTT GTTAGAATGA 180
NCTNTGGAAG CCCAGCCAGG GACAATGCAC CTTCACAGAG ATTCTGCACT AATCTGAGTG 240
AAGGTCTAAG GTTTGGAATC TCCCCCTCAT GGAGAGAAGC TTTGTATGGC TGTCATGCTT 300
AGACAGTGAT TCCTGCAACT TGACCTTCAG GCTGGGAGAG GTNGAGAGCC ATGCCTGTTT 360
CTCCTTNCTT TGCTATN 377

配列番号：7675
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08925
配列：
GATCTGCTTC CCGCAAGACT CACAGCTGTT GGCAGGAGAC CTCAGTTTGT TGCCACATGT 60
TCCCCTCCAG AGGGCCTCTC ACAACATGGC AGTTATTTGT CCCCAGAGCA AGCAACACCG 120
GAGGGCAAGG AAGAAGCCAT GATGTTTTTT GTAACCTAGC CTCTGAAAGT GTCATACCAA 180
TTCTGTATTT TGTTGGTCAC ACAGACCANG TCAACTACAA CGTGGGAGAC TCCTACACAA 240
GGCATGAATT CTAGGAGGTG GGCATTTTTA AGTGTCATCT GGAAGGAGGC TGTCACAACC 300
TGGAAGTTAA AAGCATTGAT ATTCTGAAAT ACAGCGTGTA TTACCATGGN 350

配列番号：7676
配列の長さ：335
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08926
配列：
GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGGCCCC AGTCAAAACT 60
GGAACCAGGG ATATAGTAAC TATTGGAATC AAGGCTATGG CAACTATGGA TATAACAGCC 120

AAGGTTACGG TGGTTATGGA GGATATGACT ACACTGGTTA CAACAACTAC TATGGATATG 180
GTGATTATAG CAACCAGCAG AGTGGTTATG GGAAGGTATC CAGGCGAGGT GGTCATCAAA 240
ATAGCTACAA ACCATACTAA NTTATTCCAT TTGCAACTTA TCCCCAACAG GTGGTGAAGC 300
AGTATTTTCC AATTTGAAGA TTCATTTGAG GGNAN 335

配列番号：7677
配列の長さ：295
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08927
配列：
GATCCAAATT TGAAGCTCCA AGGATAGGAA AAAGCTTACT TGTGCCTGTC CTAGACAAGT 60
ACTAGAGTTT ATATTGAAAT CAAAACTTCT AAAAATAAAA ATCAGTAAGA TTAATTTTAC 120
TCATTTTTCT AACACGAGTC AGTATGCTTG ANGTTTTCAT TGTATTTGAT GTCATGTAAA 180
TTTACTGTAA AAAATAAGAA AANNTTTTAA AATGCTTTAT TGATTAANTT TAGGGTTGCT 240
TTTCAGTATA CTCAGTAACT CCGAAGTCAG TGTTAACAGT ACTGAGCTTA CATAN 295

配列番号：7678
配列の長さ：136
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08928
配列：
GATCTTTTGT TAACTTTTAA ATGGCCTGAG TCCATAGAAA CTGCATCCTG AGAGGTTGCT 60
CGGCTAGAAA GCGGAAAACC GCTTCACATG AGTGCTCTAC TTTGTAATGA AAATAAACAC 120
TATTAATACA GGCAAA 136

配列番号：7679
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08929
配列：
GATCTGGGAA CGGAAGATGA ATGAATGGAA GATGAATGGT TTCTCTCCCA GTTTTCTCTG 60
AGGCAAACAT AATTATACCT NCTCCTTTGT TCTGGGAGGT TTTTCTCTTC TCATCTCCCC 120
TCCATTCACC AAAACAGAGT TGGGTCTATA TTTNACCCGG CTGGCTCTTG GAACTGCAGG 180
GAATCCTGGC TGTTTTCATT TTTAAAAAAT TATGAGATTA NCTACCAAAC TTGAGATGTA 240
AGTTGTGGGT TAGCTCTCGG ATTCTGCTAG ATAACCTGGA ACAAAGCATT AACTTCTTTG 300
AGAGCTTCCN 310

配列番号：7680
配列の長さ：177
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08930

配列：
GATCTGCCAT GTAGGAATGA GACAAATACA GTTTGCTTAT GAAAGGAAAG TGGCATACTT 60
TTAAATTGGT CTACACAGAA AAGTAAAAGT AAACTATTCA TTTAAATAAG ATTCATTATC 120
TAATAAATAT TGAGGGAATA TTTTTCCTAA ATAAAAATTT TTCTGACTGC TAACAAA 177

配列番号：7681
配列の長さ：84
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08931
配列：
GATCTAAGCT TTCTTTAATA TAAAAAAAAT NATACTTCTC TGAACTGTTT AATAGAGCAA 60
TAATTAAATA CATCTTCTGA TAAA 84

配列番号：7682
配列の長さ：285
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08932
配列：
GATCTGTTGG GAAAGATAAG AAAGCTATTC AGGCATCAAT TAGACGTAAT AAGGAAACCA 60
ACACCGTTTT GGCCAGATTG AATAGCGAAT TGCAGCAACA ATTAAAGGAT GTTCTTGAGG 120
AGAGAATTTC CCTGGAAGTT CAACTGGAAC AACTTCGACC ATTCTNTCAC CTATAAGCCA 180
ATTGCCGTTA ACTGTGAACA TACTTGTTTT TAAGTGGTTT TGGGTTCAAA GCCAATTTGG 240
AGACCTAGAC ATTCAGCTCA CTGCTTAACT CANCATTAAA TTTTN 285

配列番号：7683
配列の長さ：313
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08933
配列：
GATCTCAATT CTGTTTCCTC TCACATGATT ACTTGATAGC TAAGCATCTG ATTGGTTTAC 60
TGCTTTACCA CTGAGCTGAA ATGCCGTGTT TTCCATTTAT TAAAATCACA CATGGCTCCT 120
GTTTTTNTCA CTCAGCACTT TTTCTCCATA TTCTTCAAGA CGATTGTGAG TATGGTACGT 180
AACAGGAATT ACATCTGGTA AGTTGTATAG TTTTGTGTAG GAACTCTATA TTCATAGCAT 240
ATTTGTGGAA ATGATACCTA TGGAGGTTTC TCACACTGGT GTGTCATTAT ACATTAATTG 300
TACAATATGC ATN 313

配列番号：7684
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08934
配列：

GATCAGTAAT GGCAAGAGCC TTTNATTCTC GAATGTTTAA AGCCTAGGAG TTCTACAAAA 60
TTGGNTTCTT TCTACAAGAN TCCCAAAATG GAATGCCTAA AGAGGTNTNN 110

配列番号：7685
配列の長さ：132
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08935
配列：
GATCCCAAAA ACCGGGCAGC CCAGGAAGGA ACTGGGGAAG GTGGTCATTC AGGGGAAGAA 60
CCAGGATGCA GGGCTGGCTC AGGGTCTGCG CAAGATGTTT GGCTGATTAA AAGTTAAACC 120
TTAAAAGAGA AA 132

配列番号：7686
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08936
配列：
GATCCCATGC CTGAAATNTG GAAGCATATG TACAAAAATC ATTTTTACGT TTTATTTTTA 60
ATAAATCATT GTGTTTGACC GTAAA 85

配列番号：7687
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08937
配列：
GATCCTAGTC ATGACTATAC ATTGTGACAT GGTCATTACA TATGGATTAG ACCAACTGGA 60
GAATTGCCAG ACTTGTGGTA CCGATTATAT CATCTCAGTC TTGAATTTAC TCACGCTGAT 120
TGTTGAACAG ATAAATACGA AACTGCCATC ATCATTTGTA GAAAAACTGT TTATACCATC 180
ATCTAAACTA CTATTCTTGC GTTATCATAA AGAAAAAGAG GTTGTTGCTG TAGCCCATGC 240
TGTTTATCAA GCAATGCTCA GCTTGANGAA TATTCCTGTT TTGGAGACTG CCTATAAGTT 300
AATATTGGGN GANATGACTT GTGCCCTAAA CAN 333

配列番号：7688
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08938
配列：
GATCTGATTC GCTCCATCAA TGACCCGGAG CATCCACTGA CGCTAGAGGA GTTGAACGTA 60
GTAGAGCAGG TGCGGGTTCA GGTTAGCGAC CCCGAGAGTA CAGTGGCTGT GGCTTTCACA 120
CCAACCATTC CGCACTGCAG CATGGCCACC CTTATTGGTC TGTCCATCAA GGTCAAGCTT 180
CTGCGCTCCC TTCCTCAGCG TTTCAAGATG GACGTGCACA TTACTCCGGG GACCCATGCC 240

TCAGAGCATG CAGTGAACAA GCAACTTGCA GATAAGGAGC GGGTGGCAGC TGCCCTGGAG 300
AACACCCACC TCTTGGAGGT TGTGAATCAG NTN 333

配列番号：7689
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08939
配列：
GATCCATGAA CCCTTTTTAT AAGCTGTGTG TGTCCTCTGT ATTATTGTTA TTAACTATTT 60
TTTAGNATTT GCCTGTAAGT TATTAAAGAC TGATAACTGT AGCTCTTAAA 110

配列番号：7690
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08940
配列：
GATCCAGCCA AACGAATTTC TGGCAAAATG GCACTGAATC ATCCATATTT TAATGATTTG 60
GACAATCAGA TTAAGAAGAT GTAGCTTTCT GACAAAAAGT TTCCATATGT NATGTCAACA 120
GATAGTTGTN TTTTNNTTGT TAACTCTTGT CTATNTCTCT CTTATATATA TCCCNCTNTT 180
ATCAAA 186

配列番号：7691
配列の長さ：231
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08941
配列：
GATCATGTGA CCAATTGTGC ATTCAGTTTT CAGAATTCTT TGCTATATGA TTTGGATTAA 60
TTCTATATAA TTTTGGACTT TTAAATATTA AGGTTAAAAA ATACCTGTAT CTAAAATTGA 120
TTCTGTTAAC TGTTGTCTTA AAACTAAAGG TATTAAAGTA TAANNTTAAA ATTNGCAATT 180
TTTTTAAAAN NNTTGCAATT TTGATTCTCA TGGGGGAAAT TGGAGATAAT N 231

配列番号：7692
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08942
配列：
GATCACAATT TAATAACAAG TAAAACTTTA CTTTTGACAA TTTTGCCACT TATTTTGTAA 60
TTTGTAAGCA CACGTTTGAA GATATATTTA TGCCATTAAT ATTTTAAGGC ATGTTTTAAA 120
ATTTACTGTT TTCTGAAAAA TTAAATGNNN CTGGTTTGAT TGCTGGAGAT TTATTCCAGT 180
TTTNCTCAAA TGTATTTTNA TNCTGTATGG TACATTTTNG NGGATTNCCT GATTAATGTC 240
ATCTTAGCAT TATATTCTGG TTATCTATAA TNNANNN 277

配列番号：7693
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08943
配列：
GATCTGGGCA AAGCAAATTG AAAACCTTCT GGAAAGGATT CACCATTTTA GATGCCATTA 60
AAAACATTCG TGATTCATGG GAGGAGGTCA AATTGTCAAC ATTAACAGGA GTTTGGAAGA 120
AGTTGATTCC CNNCCTCATT GATGACTATN AGGGGTTCAA GACTTCAGTG GAGGAAGTAA 180
GTGCAGATGT GGTGGAAATA GCAAAAGAAC TAGAATTAGA AGTAGAGCCT GAAGATGTAA 240
CTGANTTGCT GCAATCTCAT GNTAAANCTT TAACAGNTGA GGAGTTGTTT CTTATGGNTG 300
CGCAAAGAAA TN 312

配列番号：7694
配列の長さ：83
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08944
配列：
GATCTTTACT GTTCAGAATT TAGGAAAGTT CTCTGGCTGT TGCATCCAAG TAAAATTAAA 60
ATAAAATTGG TTGCANNTTT AAA 83

配列番号：7695
配列の長さ：263
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08945
配列：
GATCCCTTCC TCTGTCTCTC TAACTCCCCA GCCATGAATT TTGGCCCCAG GGAGAGGAAT 60
AGGCAGTATA GGAGGGATGT CAGGGAACTC ACATCTGTGG TTGAATCTCA GAAACAATGG 120
AAAGGCAGTT GTCTTTGGAT ATGGTGAAAT TGTGGTAGAG CACCCATGGT GGGGGTCTGG 180
CAGGAGCTCT GCGGCTTCGG TAGCAGCAGT ATGAGGAGAG CTGGGCCACA TGCTTATGGG 240
TTAGGAGAAG GTAATTTCCA GTN 263

配列番号：7696
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08946
配列：
GATCATGGCT GAAAAAGCAG CAAATGCAGC AGGAAAAAAG TTCCGAAAGA AGAAGAAATT 60
TCGCAATTAA GATTTACCAA GCAAACTGCA ACATTTTACA TTGCTCCTTT ATTTACTTAT 120
TAAAGACGTT TGGAAAACTA AA 142

配列番号：7697
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08947
配列：
GATCAAGATT GAGAAGACTA GATACATAAC AACCAACTGC AATGTTTGGT CCTTCATTGA 60
ATGGTTGAAC AAACCAGCTG TGAAAGACAT TTTGGGACAT ACAGACATGG ACTGAGAATT 120
AGACATAAGA AAATTATTTT GTTAACTGTT ATCATGGTTA ACAAAACGGT CATATAATNT 180
GATTATGTAG AGAAGTTAAA 200

配列番号：7698
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08948
配列：
GATCTGCCTG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAC GCGTGANCAC CACACCCAGC 60
CTCCATCTTT AAACTTTTAA ATGTGAAATT TCTATCATGT ACCGTTAGCC TAACAAGATT 120
TTNTTTCCTA TTTCTGACTG GTGCCTTTCC CCTTTTTAGG AGCAACGAAA GCTACTCTCT 180
TAGTTATGTT CTTGTGATGT GACAAAATGT CAAGAAGATA GGAGAAGAGA ATATTTTATT 240
TCGTTGATGC TTTTGTTCCC AAGTGTGACC CTAAACTTAA GCTTTGTAGG AGTTGACATT 300
CTTTCATGTC CCTTCCCTTT ACTCATGCCG AAACTATCAA CTGGGNCATG N 351

配列番号：7699
配列の長さ：350
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08949
配列：
GATCTGTTTC TGGGGCCTCT GGCGGTGGCG GCCTGGGGCG GCGCGACGGC TGGTGCGCAG 60
GTACANTGAT GCTGAAGTAC TATGAGCCTT CGGAACTTGT GGAGAGACTA CAANGTTTTG 120
GNNNNTATGG TCCCTTTAGT TGGGCTCATA CATTTGGGGT GGTACAGAAT CAAAAGCAGC 180
CCTGTTTTCC AAATACCTAA AAACGACGAC ATTCCTGAGC AAGATAGTCT GGGACTTTCA 240
AATCTTCAGA AGAGCCAAAT CCAGGGGAAG TAGCAGGCTT GCAATCTTCA GGTAAAGAAG 300
CAGCTTTGAA TCTGAGCTTC ATATCGAAAG AAGAGATTGA AAAATACCNN 350

配列番号：7700
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08950
配列：
GATCCCGCCA GAAATGAATA GACACCGCAA GAAACAAAGC TCGAGTGAAA GCTTGTTACA 60
TAATGATTGG ACTCACAATT ATCGCCTGCT TTGCTGTGAT AGTGTCAGCC AAAAGGGCTG 120

TAGAACGACA TGAATCCTTA ACAAGTTGGN NCTTGGCAAA GAAAGCTAAG NGGCGTGAAG 180
AAGCTGCATT GGCTGCACAG GCTAAAGCTA AATGNTATTC TAAGTGACAA AGTGTTCACC 240
TGAATACCAT CCCTGTCATC AGCAACAGTN GAAGATGGGA AAAATNGAAT ATTTACCAAA 300
ATNTCTGCCA TGGTTTTATT TTGGTAACCN GATGCACAAT GTCTTTTTTT N 351

配列番号：7701
配列の長さ：85
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08951
配列：
GATCATATGT GAAGATGTCA ATTAAGCTTG CATTAAGCCA CCTGCTTTGT AAGTGGATTG 60
ATTAATAAAT AACTTATATT TCAAA 85

配列番号：7702
配列の長さ：89
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08952
配列：
GATCCCAGGG GCTTATCTCT TCAAGTGTGG AGAGGGCAGG GTCCACGCCT CTGCTGTAGC 60
TTATGAAATN AACTAATTGA AAATTCAAA 89

配列番号：7703
配列の長さ：375
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08953
配列：
GATCCAGTGG CAATTGTAAA ACTAGCTATT TATGGCATGC TGCCAAAAAA CCTTCACAGA 60
AGAACATTTN ATGGAAAGGT TGCATCTTTT TCCAGATGAG TATATTCCNN CNGATATTCT 120
TAAGAATTTA GTAGAGGAGC TTCCTCAACC ACGAAAAATA CCTAAACGTC TAGATGAGTA 180
CACACANGAA GAANTAGACG CCTTCCCAAG ATTTGTGGAC TCCACCTGGA AGATTATCGG 240
CTATAAGAGA ATAAGATTTG CAGATAATTA ACAGTTGANG TGATTGAGAC TTTCTNCTTG 300
ATGAGTTTCT CTAACCTNCA GGGTGGTGTT AACCAACTGC TACAGTTCAG CACCTGTTTT 360
TNTTGTGCCG NTTTN 375

配列番号：7704
配列の長さ：276
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08954
配列：
GATCACATCC TACTTCCTCA ATGAAGGGTC CCAAGCCCGT CCCCGTTCTT CCCACCGATA 60
TTTCCTNGAA CGCGGCCTGG AGTCAGCAAC CAGCCTCTAG CAGCTGCCTC TACGCGCTCT 120

ACCTGCTTCC CCAACCCAGA CATTAAAATT GTTTAAGGAG AACCACACGT AGGGGATGTA 180
CTTTTGGGAC AGAAGCAAGG TGGGAGTGTG CTCTGCAGCC GNGTCCAGCT ACTTCCTTTT 240
GGAACCTTTA AATAGAATGG GTGTTGGTTG ATTAAA 276

配列番号：7705
配列の長さ：220
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08955
配列：
GATCCACTGC CATTCTAATT GCTTTAACAA GTCATTACCA CACTACTGTT ACATCTTAAT 60
TATGCATACA GACAGGTAGA CTTGTTTTAC ATATGTGAAC TAACTAGTTG TCAAAGCAAA 120
TGCAGATTGT ATTCTGCAAG TAAAGTCTTT TTCTCTCTGA AATTTCTAGG GATGTTCTTT 180
AAGTGAAATT CATATTAAAA CTGAAGATTT TNGTTACAAA 220

配列番号：7706
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08956
配列：
GATCCAAAGT AACTNAAACA GGAGCCCACA AGACGGTCTG CCAGATTGTN AGCGAAACCT 60
GCTCCACCAA AACCTGAACC CAAACCAAGA AAAACATCTG CTAAGAAAGA ACCTGGAGCA 120
AAGATTAGCA GAGGTGCTAA AGGGAAGAAG GAGGAAAAGC AGGAAGCTGG AAAGGAAGGT 180
ACTGCACCAT CTGNAAATGG TGAAACTAAA GCTGAAGAGG CACAGAAAAC TTGNTTCTNG 240
TNGATTAACG AN 252

配列番号：7707
配列の長さ：166
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08957
配列：
GATCTCCTGA CCTCAGGTGA TTCACCCACC TCAGCTTCCC AAAGTGCCGG GNTTACAAGC 60
TTGAGCTACC GCGCCCAGCC AACACATCAC TTTTATCTTG CAGCTCCCGA GATTCTCTTT 120
TCTGTGACTN TTAAAATTGT GCTNACATAT GTGTTTGATA TAAATN 166

配列番号：7708
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08958
配列：
GATCAAAATA TTCTGGAAAA AAATAATAAA AAATAATTTG TATACATTGA AA 52

配列番号：7709
配列の長さ：318
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08959
配列：
GATCATACTN GTGATTATAA AAGNTCCTAG GAGGCTAGAA GAGCCAACCA ACAGAGAAGG 60
GAAAGCAGTC TGTTCTGAAC ATAGGGACAT AAGTTCATTC ATGCCAAGTA TCTTTCCAGC 120
ATGTTTCTCC CATTTAGAAT ATCTAGCATN TAAGGCCTTT CAATATTAAT ATAAGCCCAA 180
TATCAGCTCT TTCTCTNTGT ATTTCATCTC TTTCTACTCT CCNATTTGTA TTTGGTGTTC 240
CTNTTGAAAG TGTCGTATCT GGGAGATGAC CTGCCTTATC CTGTNCTATA ACAGTTTNTG 300
NTTGCTGCTG TGTCTTTN 318

配列番号：7710
配列の長さ：243
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08960
配列：
GATCCAAGAA ATTACTGAAA TGGACAAGAA ATGTCATTAG TTAAAAGCCA TGTTATCTTG 60
AGCACACATA CAGTTAATTT GATAAAGAAG AGTATGCCTC TCAGCATTGT GAGATATATT 120
TCAGACTAAT TTGATGTTCT TTAATGTTCC CTTATTTTTG AAACACGTTT TAAATGTGAA 180
ATTAATGTCC TTCACAAAAT GTCTTTTGAA AGCACTGTTA CAGTTGTATA AAGATGATGT 240
AAA 243

配列番号：7711
配列の長さ：122
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08961
配列：
GATCTTGGCT TCTGAGGGCT CATTTGTAGA GTGGTGAGAA TAATATCTAA CTTGCTAATC 60
TTTCAGAGAC ATTCTGAGAG ACATATGCAA AAGAAACTTG TAAATAAAAA GCACTGTACA 120
AA 122

配列番号：7712
配列の長さ：240
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08962
配列：
GATCCTTTAT TAAGCTTCTG ATTCATAAAA AAACCTATAA GAGACATTTG GGGGGATATT 60
TGGGGAAATA GGAAGATGGA ATGGGTAGTA GATAATGTGG TATATTTNAT TTTNCTAGAA 120
GTGATAATTG AGTTACGTAG GATAATGTTC TAATTCTTAG GAGATGCATG CAGAAGTTTT 180
TTTTTTAAGT TTTGAAAAGN CATGATGTTG NCAGCATATT TNCAAATAAN TATGTCCAAA 240

配列番号：7713
配列の長さ：110
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08963
配列：
GATCTGTGTC CAAAAGTGAA CTTNAGTCAG GAATGAATCA ATTTCAGCAT AAACAAGCAC 60
AAAANTTTAG TCTGCTGGCT GACTGGAAGC AAAAAAGTCA AGATGGNNNN 110

配列番号：7714
配列の長さ：111
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08964
配列：
GATCTCAAAA CAATTGTTGC AGCAGGCTCC TGGCAGTCTC AAGCAGTTCA TCTTCTTGGT 60
GTACTGGTTT CCTATTGTGA TTTTATCATG GAAAATCAAT TGGCTNNNNN N 111

配列番号：7715
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08965
配列：
GATCCTATAG GCAGAGAGTT TTCCTTTCTG ACTTTTTCCC TTTGCTTTCG TGTGACCACA 60
TGTTTTCTGT ACCAGTCACT GGGGAAAGAA GTGAGTTTAT CTCGTTTGTT TTAAAAGTTT 120
TGCTTGTCTA TTTAGCATTC CTTTTTGGGT CTCAAGATTT ATGGAACAAT AAATGTCATT 180
TAATGCTGTG TGCTTATTTT GAATTCCTCA TCAGGTTTTA GAAGCGGGGT AAAAATACTT 240
AGATGCTTAT CAGACTTGAA ATTATACTGA GTGGCATTGA ACGTGAGTTT GTCCCAGTGA 300
ACCAGGCTN 309

配列番号：7716
配列の長さ：204
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08966
配列：
GATCCATGAA GCCAGAGCCT GGCTCTGGGT GACAGCAGGA AACGGCTGGG GAAAAGNACA 60
GCAGGGCGTC CAGCTGAGCC TGCCATTCCA GCCTGTTCGG GGGAAACAGC TCCCAATCCT 120
AGACTGTGCT GCTCCGGGAG GGCTGCTGGT GGATATTTGG GCTGTTTTCA CCATATAGCT 180
GTCATGAAAA ATGCTTCCGT GAAA 204

配列番号：7717
配列の長さ：121

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08967
配列：
GATCTCAGGA ATACAGTCCC ATGCAAAGAT TCTCTGGTTT TATGGCTTTT TTCCCTTTCT 60
TTACACCATC CTCTCCCATA AGCACCCATG TNTTTGAATA TGAATGTATT TGTAAAATAA 120
A 121

配列番号：7718
配列の長さ：186
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08968
配列：
GATCACCTGA GGTCGGGACT AAAAATACAA AAATNAGCTG GGCATGGTAG CCGGTNCCTG 60
TAATCCCAGC TATTTNGGAA ACTNAGAACA AGACACTTGC TTGACCCTGG GAGGTGAAGG 120
TTGCAGAGAG CCGAGGTAGT GCCACTCCAC TCCAGCCTGG NCGACAGAGT GAAACTCCGT 180
CTCAAA 186

配列番号：7719
配列の長さ：351
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08969
配列：
GATCAGCTCT CTGTTTTGGA AAATGGAGTA GATATAGTTC TAGGTACTCC GGGAAGACTA 60
GATGACTTGG TGTCAACTGG AAAGCTGAAC TTATCTCAAG TTAGATTCCT GGTCCTGGAT 120
GAAGCTGATG GGCTTCTTTC TCAAGGTTAT TCTGATTTTA TAAATAGGAT GCACAATCAG 180
ATTCCTCAGG TTACCTCTGA TGGAAAAAGA CTTCAGGTGA TTGTTTGCTC TGCCACTTTG 240
CATTCTNTCG ATGTAAAGAA ACTNTCCGAG AAGATAATGC ATTTCCCTAC ATGGGTTGAC 300
TTAAAAGGAG AAGGCTCTGT TTCCAGATTN CTGTACACCA TGTTGTTNAA N 351

配列番号：7720
配列の長さ：142
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08970
配列：
GATCCCAAAG AAGTAACGGG AAAAAGGAAT GTAAGGCATC TCGATAATNT TTTCATATTG 60
ATTACATGTT GAAATANTAT TTTGTATNTA TTGAGTTAAG AAAAATATGT CATTAAAATT 120
AATNTCACCT GTTTCTTTTA AA 142

配列番号：7721
配列の長さ：130
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08971
配列：
GATCTTGTGA ATCAAATTCA CAAACATCAG CTTGTTACAA ATCATTNTAT TTATACCCTT 60
TAAAGAGTGT GGATTTAAGA TTCTTGAAAG GATGTAGNCT ATATANTTTC TCATTCCNTA 120
TGGTGTAACN 130

配列番号：7722
配列の長さ：180
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08972
配列：
GATCGTTAAT TAATATCTTT CCATNCGAAG AGNAAGCAGA TTTCTTCTGA GATTTCTGAA 60
CAGTTCCTGG GTGTTTCCGG TTCTGCTTCA GTGTACTATC ACTTTGCCTT GCCTCAGTCT 120
CTCCTTCCTC CCGGGCCACA GAAGGAGAAA GCCCAAAGCA TACCCATCCT GCCCTTTAAA 180

配列番号：7723
配列の長さ：266
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08973
配列：
GATCACTGTC CCGNTTCAAA TTATTCTTCA GTCCATTTCC CCGGCCTATT TCAGCTGTTC 60
CTTTTCACCT AACTGTTNAG TCATTCNGGT TTTCAAGCAG TGCTTNATCT CATGTCCTTG 120
AATATAGTTG TGTACTTTAT TNTTNAGGTA ATAATTAGAA CAGTTCCCTT CAGAGGCTGC 180
ATTTGCCTTC TTCTGCCACC TAAATATTAC TTCCCTTCAA ATCNGCCTTT GAATCATCNN 240
NTTTAAAAAA AANTTANCAT GNTTTN 266

配列番号：7724
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08974
配列：
GATCAAAGGT ACCATGACCA AATAAGAAAC AAA 33

配列番号：7725
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08975
配列：
GATCTTCTTT TTTNTTCTGG AGCCAGACTT NCTGGGCTTN NATTGCTGCT ATGCTACTTA 60
CTTGGAAATC TTGGACAAGT TACCTAATTT CCTTGTTCTT AAGTTACTTC TGTTGTAAAA 120

TGATGTGGCC AATAATAGTG CCTATCTCAT AACATGGTTA TTAGAATTAA ACAAGTTAAT 180
ACTTTTAAAA TGCTTAGAAC AATTGTGGGT ACATACTAN 219

配列番号：7726
配列の長さ：275
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08976
配列：
GATCTGTCTG GNAACAGTTT ATGGAAATAT AGATATTCAT GCATCANATA AAAGTGCTGT 60
GACCATAGAT AAACTGCAGG GAAGTTCTGT NACTGTATCT ACCGAAGATG GTTTGCTGAA 120
AGCCAAGTAT CTTTATACAG AATCATCATT TCTGTCTTCT GCTGCTGGGG ATATTACATT 180
AGGAAGTGTT CATGGNAATA TAACATTACA AAGCAAGANG GGTAGCATCA CAGTNGATTC 240
GTCTTCTGGA TGTCTAAAAG CCTCAACTAA TCAGN 275

配列番号：7727
配列の長さ：37
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08977
配列：
GATCCCAGGT TCTCATGAAC CAAATAAGTA ACTTAAA 37

配列番号：7728
配列の長さ：97
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08978
配列：
GATCTGCCCA CCTNGGCCTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA CTGCGCCCGG 60
NCTGTACTAA GTCTTTTTTT TTTAAATTTC CTCNAAA 97

配列番号：7729
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08979
配列：
GATCTATGAA CTTCTGCCCC ACATAACTTT TAAAGCAGTA TTTTATAAAC CCCATGAAGA 60
GCTTGCTTTT TTGTCTTTGT AATTCCTTAG GGTCTGTGAT ATATGCCAGG AAATCTGATT 120
GAAACTAATA TGCTTTTTAT TCTCCCATTA TTCCCTAAAT NGTTATATCA CAGGCACTTG 180
CCTACATTGG GAAAGTAAGG ACAAATAATA CCCATTTAAA GTAACTNGCC TATTATTNNG 240
ACTGTCTTTC GTAAGCACTT GCTGAACNGC TGACTTAACT CAGN 284

配列番号：7730

配列の長さ：374
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08980
配列：
GATCTCGCAA TGGGGAAGGC CCTGGTCGAC CAGAGGGAGC TGTACCTGGG CCTGCTCTAC 60
CCCACGGAGG ACTACAAGGT ATACGGCTAC GTCACCAACT CCAAGGTGAA GTTTGTCATG 120
GTGGTAGATT CCTCCAACAC AGCCCTTCGA GACAACGAAA TTCGCAGCAT NTTCCGGAAG 180
CTACACAACT CCTACACAGA CGTGATGTGC AACCCCTTCT ACAACCCGGG GGACCGTATC 240
CAGTCCAGGG CCTTTGATAA CATGGTGACG TCGATGATTG ATACAGGTTG TGCTGAGTGA 300
GCTGTGCTGC CAGCCATCGN AGAGGAGCCC NTNGCACGAC TTGTGGTGGG GTCCGTCGGT 360
CTTGTTTCTN TTTN 374

配列番号：7731
配列の長さ：164
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08981
配列：
GATCCGGTTG GACTCTGACA TCGGATGCCC TCAAACATAC AGAACTTCCA AACTCAAGTC 60
CAGCCATAAG CTATTTTGCC AACATGTCAG AGTAATCTGT ATTTTTGTAT GTGATTTCTA 120
CTTTTATAGA CTTGTTTTAA AACAATAAAA CACATTTTTA TAAA 164

配列番号：7732
配列の長さ：287
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08982
配列：
GATCTTTCAT GAAAATTAAT TGTGCCCATG TCCAAGTTTG AATTAGAGAT ACACAGCACA 60
CAATCATTTC TGTTACCACT TTTGGAATAT CTAGCATTAG CCTTGATAGT TTTGTGTGGT 120
GTGTTTTGAG TATATCTGAN CTGTTAGTTA TATTTGGTTA ATTTATTAAA NGATGTGTGT 180
TAANCCTTAA TATTTATGCA GTGTTTAAGT ATTTGGAATA TATTNGAAAT AAATTATCCA 240
GTGTTTTAGA TAAATGGTTA TTTAATTGCN NAANGTGATT CTCTAAA 287

配列番号：7733
配列の長さ：173
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08983
配列：
GATCTGTGCC GTTCAATAGG CATCGTCTCT CAGCCTGAGG GAGGCTGGAT TCTGGGTTCC 60
TGTAGTCACA GGGAGGAAAA GCTTTCTTAA AAATGGACAT GTATGTGCGT GTNAGTGTGT 120
GTGTAGATTT ATAGTTTTTG GTAGTGGCAG GAATAAAAAA AATCCATCCT AAA 173

配列番号：7734
配列の長さ：198
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08984
配列：
GATCTCTATT TTGTGCCCAG ACTCTGAGCT GCTTTATGAA CACCTCAATT AAATNACTTC 60
ATTGGAGTGA TTTGAGTAAT CTATCTATAG TGTAATATTT TCTATGAATA ATTTTCTGTA 120
ACCTTATTTC ATAAGTTAAT ATCTAAAAAG TGTTTATTTC CAAATTGCCA AATAAAAGGT 180
TTTATATTAG TCATTAAA 198

配列番号：7735
配列の長さ：94
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08985
配列：
GATCTAGAGA CTCATTCAAT AGCAATGTGA CCTTTTAAAT ACTTACATTA AGTAAAACTG 60
CCAGTAGATT AAATCATATA TATATATATA TATN 94

配列番号：7736
配列の長さ：363
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08986
配列：
GATCACCTGN ACTCCAGCTC AGATTGCCTC TCCTGGACAT GGCAATGAAT GAGTTTTTAA 60
AAAACAGTGT GGATGATGAT ATGCTNTTNT GAGCAAGCAA AAGCAGAAAC GTGAAGCCGT 120
GATACAAATT GGTGAACAAA AAATGCCCAA GGCTTCTCAT GTCTTTATTC TGAAGAGCTT 180
TAATATATAC TCTATGTAGT TTNNTAAGCA CTGTACGTAG AAGGCCTTAG GTGTTGCATG 240
TCTATGCTTG TGGAACTTTT CCAAATGTGT GTGTCTGCAT GTNTGTTTGT ACATAGAAGT 300
CATAGATGCA GANGTGGTTC TNCTGGTACG ATTTGATTCC TGTTGGGATG TTTTAACTAA 360
NAN 363

配列番号：7737
配列の長さ：262
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08987
配列：
GATCTTCTTT GATGATGAGA GGCGGAATAT TGTAGACGTC AGCAAACTGG GTGTTACCTG 60
CATTCACATC CAGAATGGAA TGAATCTTCA AACTCTAAGT CAAGGGTTAG AGACATTTGC 120
AAAGGCCCAA ACTGGGCCTT TAAGGTCCAG CCTTGAGGAG AGCCCATTTN AGGCCTAAAC 180
TGAAAGGAAA TCAAGAAGGC ATTTTCAGGT GCATTTGTAA TTTATTAAAG TTCATCTGTG 240
TGTGACAGAA AAAAAAAGTA AA 262

配列番号：7738
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08988
配列：
GATCTGTGCC ACATGGAGGT TTTGGGATGG GATTTNAACG CTACCTGCAG TGCATCTTGG 60
GTGTTGACAA TATCANAGAT GTTATCCCTT TCCCAAGGTT TCCTCATTCA TGCCTTTNAT 120
AGCTGGAAGA TTGGTTAAGG CAAAGCACCC CCCATGGCAG AGACACTGCA CATGATTGTN 180
CATACAGCAG AATGCATGTT TGGATTNTAG AAATGCAGAT TTCAATATGT AATTGTTGTG 240
CCATAAGATA TCATAGNAAA NNTATAAGTG GTTGTNCTTT TCTTAGAAAG TTGAGGGTAT 300
TTCACGTAAG GATGAGCTCC CGCAAGNNGA GGTACTTNTT AGCANGGGGA CTCTCAATCG 360
N 361

配列番号：7739
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08989
配列：
GATCTTGATG TGGGTGATAG TTTTACTTAT GTACATCGAT ATACATCTAT TTAAAAACAT 60
GTACATTTAA ATTGTTGCAT TTTATGTATT TAAAATTTAT TGAGTANTCC TTCTGTATGT 120
ATTATTAAAG AGAATATAGC AAA 143

配列番号：7740
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08990
配列：
GATCATAGAG TTTGGCTGGG GAGGGGGGCA GTTTTAGAGG CTTCCACTTG GTGTTCCTCA 60
GAATGATATC TCTTACTCCG GGGGCCAAGG TAGGGGTTAG CTTTTGTTCT CTTTGTAGTT 120
TAGATTGTAT CTCTTGCCTT GTTCAAGTTC ACAAATCTTT TTGTGTATAC ACATATGTAC 180
ATGAAAATNA TGTTCATGCT TTTAATTATT TTACCCTTCA TTATTTCATT TTTNATAGTT 240
CTCATAGCTA TGTCTTTCAG TTCACTAATC TTTTTTCCAC AGTGTTTAAT CTGTCATTAA 300
ATCCCATCCA AAGTATGTTT TCTCTCAGAA GAN 333

配列番号：7741
配列の長さ：135
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08991
配列：
GATCCTTGTA CACTGTTTAT ATGTGCAATA AAATGCATGG CCAGCTGACA GTATCGTCAG 60

TGGACAGAAT GTATATAGTG CAAATATCCT TCCTTTTATT ATTTAACAGC CATTAAAATC 120
TTGGATTTGT ACAAA 135

配列番号：7742
配列の長さ：333
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08992
配列：
GATCCCAGTT CACAATTATT CACCGGGTAT TTAGTTATTC ANAGGCTGCT CTGCTGAGAA 60
GNTGAACAAA TTTCTTGTCC AAAACAATGT ATTTCAAACG TGCCGCTCGG GCCTTTCCCG 120
TATTGCTCAC TGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA TATTTTGACA GAGCAACATA 180
GTAAAAGAGT AGCGNNNNCT TTAAATGAAT TTGGGGAAGG AAGTGCGCTG GAGAAATCCT 240
TAGCTGTCAG CCAAGGTGGA GAGCTCTATG AAGAGTGGCT GGAACTTAGA AACGGTTGCC 300
TCTGCTGTTC AGTGAAGTGA GGAATGTGTT TTN 333

配列番号：7743
配列の長さ：219
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08993
配列：
GATCCCAACT GTATAACATT CTGAAAAAGG CACAACTATG GAGACAATAA AAAGAACAGA 60
GTTTTGGATG AAGGGAGGGA TGAACAGGCA GAATACAAAC AAATTTTAGG GCAGTGAAAC 120
TATTATTATG ATACTTTATG GATATAGAAT ATTATGCATT TTTCAAAACA CATAGAATAT 180
ACAACATGAA GAATGAATGC TAATGTAAAC TGGATTTTN 219

配列番号：7744
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08994
配列：
GATCTTGGGC CACACATGAA AATACACTAA CACTAATGAC AGCTGATGAG ATGCTTAAA 59

配列番号：7745
配列の長さ：353
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08995
配列：
GATCAGAGTG ATGCTGGAAC TCAGTGTGCA TAAAATTTCA GTCAGTGAAT ATCACTGAAC 60
GTCATATACT ACTTGGTATG TGACTTTGGT TTGTGTTAAG AAAGCTTGTA TATAATATTT 120
TTNGCCATAG TAAGTGAGAA ATTGTCCTTA ATCATGCCTG TTTGATGGTA CTAGGAAAGA 180
AAGGGGTAGA GATTAATTCT TGCACAGTAT AAGCAACAGT GCAACAAACT ATGCCATTTN 240

CCTTTTNCCT CTTACTTGAA GGCAGAATCG CAAAACGTTT GANATGGCTT TCCTAAACTA 300
CTCTACTCTG GTGNGAGCTC ATTTACCACA NGAAGCCTTA TAACACCGTT TNN 353

配列番号：7746
配列の長さ：327
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08996
配列：
GATCAGGTGA TTGCCTTTCT CAGCTGTCAG TTCTCTAATT TCAGGCTTGG TAGCTTGTAG 60
GAACTGAAAT TGCAATTAAA ACCTTTATAA ACTCAAACTA AATCATGAAT TACAGAAAAA 120
GTCCATTCTT CCAAAACTTG ATGTTACCAC ACTTACAAGT TTAAAATATG AAGTCGACTG 180
TTTAAAGGAT TCTGCATATA TTCTAGTGTG CACATTCAGA AACATTTTTC TTGGAAAAAG 240
TACCCAACAT TTTTTATAAC TGCACATATT AATTTATTGC CAGAATAAAT TGCATTGCAT 300
GCTAAATTAA NGTCAGATAN TTCNAAA 327

配列番号：7747
配列の長さ：153
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08997
配列：
GATCATGTAA ACTTGCTGTT TTNGTTTTTN CCTGCCGGGT GTTGTATGTG TGGTGACTTG 60
CGGATTTATG TTTCAGTGTA CTGGAAACTT TCCATTTTAT TCAAGAAATC TGTTCATGTT 120
AAAAGCCTTG ATTAAAGAGG AAGTTTTTAT AAA 153

配列番号：7748
配列の長さ：41
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08998
配列：
GATCTTAATT TTGTTTTTGG TTTAAAATAG TGTTTCCTTT N 41

配列番号：7749
配列の長さ：299
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS08999
配列：
GATCTATCTA AATGCCGATT TGAGTTCGCG ACACTATGTA CTGCGTTTTT AATTCTTGTA 60
TTNANACTAT TTAATCCTTT CTACTTGTCG CTAAATATAA TTGTTTTAGT CTTATGGCAT 120
GATGATAGCA TATGTGTTCA GGTTTATAGC TGTTGTGTTT AAAANTTGAA AAAAGTGGAA 180
ANCATCTTTG TNCATTTAAG TCTGTATTAT AATAAGCAAA ANGNTTGTNT GTATGTNTGT 240
TTNATATAAC ATGACAGGCA CTAGGACGTC TGCCTTTTTN NGGCAGTNCC GTTAAGGGN 299

配列番号：7750
配列の長さ：169
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09000
配列：
GATCAATTAG ACATTTTGAA AATAATTTAA AGTGTTTTCC TTAATGTTCT CTGAAAACAA 60
GTTTCTTTTG TAGTTTTAAC CAAAAAAGTG CCCTTTTTGT CACTGGATTC TCCTAGCATT 120
CATGATTTTT TTTTCATACA ATGAATTAAA ATTGCTAAAA TCATGGAAA 169

配列番号：7751
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09001
配列：
GATCATTTAA TGAATCCTCA AGGACTAATG AAATAAATGC TAGACTGCTG AAA 53

配列番号：7752
配列の長さ：252
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09002
配列：
GATCCTGAAA ATAAAACTAA CACTCCAGTA TTTTGTCATT GTTTTTCGCA ATTGAGCTAT 60
CTGAAAACTG TTATTCCTAA GTAATGTTCA AAAATGATAA GTAATCTGGA TACCTTTTTC 120
TTATACTTTC TCCTAGGAAA ACTTTAAAAC TTTAAAAAGG CAAACCTACC AATAGGAATA 180
ACANATTAAA TGTCAAGAGA GTATATCCAA TATTAGGATA TAANTGTATG TGTCTCAAGT 240
TTAACTCTAC AN 252

配列番号：7753
配列の長さ：237
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09003
配列：
GATCTACAAA AAATTCCTGG AGCCATATAT ATACCCTCTG GTNTCCCCAT TCGCTAGTCG 60
TATATNGCCT NAGAAAGCAA TACAAGAATC CAATAATACA AACAAAGGCA NAGTAAACTT 120
TAAGGGNGCA GACATGAATG GCTTACCAAC AAAAGGACCA NCAGAAATCT GTGATAAAAA 180
GAAAGACTAA AGAAATTTTC CTAAAGGACC CCATCATTTA AAAANTGGNC CNGGNNN 237

配列番号：7754
配列の長さ：264
配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09004
配列：
GATCTTCCCA AACCCAGAGA AAGACATCAA TTTCCAAGAA CAAGAAGGTT ATCAAACACC 60
AGGCAGATTT AACCCAGAGG ATACTACCTC AAGGCATTTA ATAATCAAAC NNCCAAAAGT 120
CAAGAATAAG GAAATAATCC TAAAAGCAGC AAGAGAAAAG AAACAANTAA TATACANTGG 180
AGTTCCACTA TATCTGGCAG CAGACTCTTC ATTGGAAACC TTATAGGCCA GGNGNGAGTG 240
GCATGACACA TTTAANGTAC TGGN 264

配列番号：7755
配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09005
配列：
GATCCAGAGC TGTTGCCTGT GACAGCGGTT TCTNTGGATG TCAAAGGCAG CTGCCTGGTT 60
GCCCAGCTTG CTTCTCGACT GGTGGCCCCT ATGGGTGGGT GTGCGATGGA AATNTGTTCC 120
TGCCGGAGTC TGAGGCACCA GGGTGTGCTC AAAGGCTGGC CCTGGTGGTG GACTGGCACC 180
TGTGCAGAGT GCCGTGTGCT TGTGGTGCGC CATCTGAAGC AAGAGTCCAG CGTTCTGCCG 240
TGTCTGTCCC CCACCATGCC CCCTACAGGC GGTACTGATG GCGCTN 286

配列番号：7756
配列の長さ：382
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09006
配列：
GATCCTTTTT CCTTCAGCAG CATTTCTTAC TGGCTGTGGC TGGAATCTGC CTTTAATCAC 60
AGCTGTCACC ATTCTCACGT GATTCTTGTG AGACTCTTTT TGGTTATAAT TACTATTTAA 120
TATTTAGACT ATTTTACTGA GCAGACTTTA TAAATGAGAT ATCTACAAGG CACTTAAAGT 180
GTTACAGATG TTTTACCTTA AGANTTATTT AAGTNGTGTT GGGTTAAGAC AGTTTTCAGT 240
GTACCGTAAA TGTTGTGTTT TCAGAAAAAG ACAAAACGAT GGTGCTGACT GGTTTTCTGT 300
ATATNGCACA ACAGTCCTCA AATACACTGG ATGTATGGAA CCTNTTCCTT NCATCCAGGC 360
AGCATTTTTN TTNCNCTCTN CN 382

配列番号：7757
配列の長さ：298
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09007
配列：
GATCATCTTT GAGTAGCACT GTTTTGGGGC CCTCGGTCTC TCTGAAGACC CTAGCAGAAC 60
TGATACCTAC CTGTATCTCT TGTTCTCTCC TATTTGAGTT TCACTTCCAG AGAACTTGTT 120
CTTCAGCAAG AATGTGTCAC TAGTAAGGAC ATCTCTAGCA TTTCTCTAGC CTTCCTTTTC 180
TGCTGCTCAA AAATAATCGT TACAAAGCTT AGGTTTAAGC TGTATATGAA ATATTTATGC 240

GACTCTCAAA CTTTAAAGGA GTTGCTCCTT TGTTCCAAAA TTAAATGTGT TAGATAAA 298

配列番号：7758
配列の長さ：292
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09008
配列：
GATCATGGTC TTCAAAGATG TAAATACAAG AGAACCAAAG TTATTCCGGG CAGTTCCAGA 60
TTCAGAACGT GTTATTCCTC CCAGAACGAC AACGCCATAT TTCCTTTGAG GCCTTCGCCC 120
ATCCTGCTGA CCCATTTTTN TGCCCTCTTC TTACCCCAAT TTTNTTGTAT TACCCTCTAC 180
AATATACTTT TNATTGAGCA CTTTGCTGCT GAAATGCTGC CTCTTGCCTT TTTTTTTTNA 240
AATTTTAAAT TATCTAAATT TATGGTTTGT GGTGGTGTCT ATNGCAAAGT TN 292

配列番号：7759
配列の長さ：307
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09009
配列：
GATCTGTTAA TGAAAAGTGC TGGAATACCT CAACCAAGAA AAGGCAGAAA AGGGAAGGGA 60
GCATATTGCT AAGAGAGCAA TGGAAAATAT GTAAGCTGCT TTCATTAATT ACCCTACTTT 120
CATTCCTCCC ACCCCAAGCA AATCCCAACA TTTCTCTTCA GTGTGTTGAC TTCTATCCTG 180
TTAACACTGT AATATCTTTA AATGATGTAC AGGCAGATGA AACCAGGTCA CTGGGGAGTC 240
TGCTTCATTT CCTCTGAGCT GTTATCTTGT GTATGGATAT GTGTAAATGT NGGTGACTCC 300
TTGATAN 307

配列番号：7760
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09010
配列：
GATCTCTGAA CATGAAAACC AAGGTGGCTA TTTTCAGGTT GCTTTCAGCT CCAAGTAGAA 60
ATAACCAGAA TTGGCTTACA TTAAAGAAAC TGCATCTAGA AATAAGTCCT AAGATACTAT 120
TTCTATGGCT CAAAAATAAA AGGAACCCAG ATTTCTTTCC CTAAA 165

配列番号：7761
配列の長さ：334
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09011
配列：
GATCGATGAC GCAGGTCCTT CCAGTGAAAT GAATGGTCTC AAAAAATGGA GAGGATGTGC 60
TGGGGATTTA GAAGGCAGGG TAGCCAGAAA GAAGCACAAA TTACCCCCAC CATAAGCTTC 120

ACAGAATTGC TGACGCTAAC GGCCATGGGT GAGATTTTTG CAATAAGTGT CAGCCTGATG 180
ACAGATACCA CAGACAGTTG CAAAAATGTC CAAGTTTCTC CTGAAGTTTT CTGGCAGGGC 240
AGTGGGCTCC ATCCTTAGGA GTGAATCAGC TTTGGTGAGT ATCGTGATTG AACAGAGCCT 300
TAACACCAGG GCCCCCTTAA CTCCGCACTC CTTN 334

配列番号：7762
配列の長さ：247
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09012
配列：
GATCGCTTTG ATTTTAAAGT TCATTGGAAC TACCAACTTG TTTCTAAAGA GCTATCTTAA 60
GACCAATATC TCTTTGTTTT TAAACAAAAG ATATTATTTN GTGTATGAAT CTAAATCAAG 120
CCCATCTGTC ATTATGTTAC TGTCTTTTTT AATCATGTGG TTTTGTATAT TAATAATTGT 180
NGACTTTCTT AGATTCACTT CCATATGTGA ATGTAAGCNC TTAACTATGT CTCTTTGTAA 240
TGTGTAN 247

配列番号：7763
配列の長さ：312
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09013
配列：
GATCCTTCCT GAGCGTTTCC TGGCAGTTTT AAAACGAAAA ATCAGTGTTA AGTTTGATGC 60
AGTTATTGGA TATAAAATGA AAGCGCAATA AGCACCTAGT TTTCTGAAAA CTGATTTACC 120
AGGTTTAGGT TGATGTCATC TAATAGTGCC AGAATTTTAA TGTTTGANCT TCTGTTTTTT 180
CTAATTATCC CCATTTCTTC AATATCATTT TTGAGGCTTT GGCAGTCTTC ATTTACTACC 240
ACTTGTTCTT TAGCCAAAAG CTGATTACAT ATGATATAAA CAGAGAAATA CCTTTAGAGG 300
TGACTTTAAG GN 312

配列番号：7764
配列の長さ：93
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09014
配列：
GATCTGCCTG TCCGGGCTGG GACAGAGACT CCCCAAGNAC CCCATTCTGC CTCCTTCTGG 60
GGAAATAAAT AAGTGTCTGT TTCAGCAGCT AAA 93

配列番号：7765
配列の長さ：133
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09015
配列：

GATCTGGCTA AGCATCTTCC TCATGCTTTC AGTAAATTGG AAAACCCACG GAGGTTAAAT 60
ATTACCTTTT TTTTTTTAAA CTTAAANCAA TNCTGTTTAT TTTTTNATTA CATTTNCCCA 120
TATGNGNGGA ATN 133

配列番号：7766
配列の長さ：300
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09016
配列：
GATCGTNAAA ACCCCAAATG GACTTATTTT AAGTCACTTG CCAAATGGCC CAACTGCTCA 60
TTTTAAAATN AGCAGNGTTC GTCTTCGTAA AGAAATTAAG AGAAGAGGCA AGGACCCCAC 120
AGANCACATA CCTGAANTAA TTCTGAATAA TTTTACANCA CGGCTGGGTC ATTCANTTGG 180
NCGTATGTTT GCATCTCTCT TTCCTCATAA TCCTCAATTN NTCGGNAGGC AGGTTGCCAC 240
ATTCCACAAT CAACGGGATT ACATATTCTT CAGATTTCAC AGATACATAT TCAGGTGTGN 300

配列番号：7767
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09017
配列：
GATCAAAGTA GCCACAACAT TCTCTTAAGC CAAAGNCCAA TCCAGAACAA NGCCCTAACT 60
CTCTTCAATT CTATGAAGAC TAAAAAAGTA AGGAAGCTNC AGANN 105

配列番号：7768
配列の長さ：216
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09018
配列：
GATCGTCAAA CCATTCATCC TTTTAAAGGT TTATTTGAAG ATGCTGTTAA AGTACAGAAT 60
TTTGTGTACA GGTAGATTTT TCCGTCCCTC ATTAATAGTG CCTTCTTAAT TAATACAGNC 120
TGGTGTTAGC TATAACAAGG CNCCAGTAAG GCCAAAGAAT CCCAAGTTCT TTGTGGAAAA 180
ANAAAAAANN NCTTTTGGGG NCAGNTTTCC CCTTCN 216

配列番号：7769
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09019
配列：
GATCCTCCCG TGTGTGGTTG GAAAACTTTT GTTTTTTGGG GTTTTTTTTT TCTGAATAAA 60
AAAGATNCTA CTAAA 75

配列番号：7770
配列の長さ：341
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09020
配列：
GATCTGTGTC TTAATTGTTC AGTTAGAGTG AGAAGTTGAC CTATGATTCN TTTTTAAATT 60
TTATATTTGG AACAAAGCTG CAAGTTATGG TAANGTACTG TACTGNGNGA NGTATTATGA 120
TATTTAATGC ATCTNTGGCT TAACACTTGT GAGAGTTACC AGCTTGAAAA TGATGGTGTT 180
GACTACCTCT TGANTCACAT CTATCAACCA CTGGCACCTA CCACCAAGCT GGCTTCAATT 240
AGTATGTGTT GCTTTTTGGT ATTAACANCT AACCGTACTA GAGACCAAAG TGAACCCTGA 300
TNTTTAATAT GTNTTTAATA ATGGTGGTTT TATCTAGTGG N 341

配列番号：7771
配列の長さ：238
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09021
配列：
GATCCAAGCC TGGAGTTTGC AGAAGATACT GTCCTAATAA GCAGGCATTT CTAAACCAAG 60
TATCTAAGCC TAAGCACAGC TTGTCCTGGG TGAAATGTCT GCCACAAAAG ATAGTTTCTC 120
CTAGCTCAGA CTTAACCATT TATAAAGGTT GGTAAAATAC TGGCAGTGAC AACAAATTGA 180
CTTTTTAATT TTTTTATTTG CATTATTCCA ATAAATGAAA ATCTGTCAGA GTTCTAAA 238

配列番号：7772
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09022
配列：
GATCTGCCCC CACTGTCCTG TGAGGACAGC TGAGGCCAAG NAGTGAAAAA CCTATTACTA 60
CTAAGAGAAG GGGTGCAGAG TGTTTACCTG GTGCTCTCAA CAGGACTTAA CATCAACAGG 120
AAA 123

配列番号：7773
配列の長さ：361
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09023
配列：
GATCCAGGTA GAATTTTNAA ACCAATCAAA TGAAAAAAAC AAACAAACAA AAAAGGAAAT 60
GTCATGTGAG GTTAAACCAG TTTGCATTCC CCTAATGTGG AAAAAGTAAG AGGACTACTC 120
AGCACTGTTT GANGATTGCN TCTTCTACAG CTTCTGAGAA TTGTNTTATT TCACTTGCCA 180
AGTGAAGGAC CCCCTCCCCA ACATGCCCCA GCCCACCCCT AAGCATGGTC CCTTGTCACC 240
AGGCAACCAG GAAACTGCTA CTTGTGGNCC TCACCAGAGA CCAGGAGGGT TTGGTTAGCT 300

CACAGGACTT CCCCCACCCC AGANGNTTAG CATCCCATAC TAGACTCNTA CTCAACTTNN 360
N 361

配列番号：7774
配列の長さ：54
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09024
配列：
GATCAAGCGA ACTAATTTTA GGTTGAAATC CGAATAAAAG AACTTTACTG GAAA 54

配列番号：7775
配列の長さ：188
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09025
配列：
GATCTGTATA ATGTACATTC AATATAGAAA GCTTTATATA TTTAAAAGNG TATAGAACAT 60
TTNACAATTA CACTCATCTT TAACATAACA TCTTGACATC CATTTTNAAA TTTTTTTGCA 120
CAAGCTCCTT TNCATTCAAT TTGGTAAAGC CAGTTATACA TACTANTGTG TACTGTGAGC 180
TTTCAGAN 188

配列番号：7776
配列の長さ：221
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09026
配列：
GATCACCTGN AGGTCAGGAA GTTTGAAAAC CAGCCTGGCC AACATGGCAA AACCCTGTCT 60
CTACTAAAAC AAAAATNAGC CAGCATGATG GCAGGCGCCT GTAGTCCNNN CTATTCAGGA 120
GGCTGAGGCA GGAGAATCGC TTGAACTGGG AGAGGGGCAG AGGTTGCAGT GAGCTGAGAC 180
TGCATTCCAG CCTGGGCGAC ACAGCAAGAG TCTGTCTCAA A 221

配列番号：7777
配列の長さ：200
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09027
配列：
GATCGTAGGA ATTGAAGGAG TGTCCCGCCT TGTGGCTGAN AACTGGACAG TGGCAGGGGC 60
TGGAGATGGG TGTNTGTGTG TGTGTGTGTG TGTGTGTGTG TGTGTGCGCG CGCGNCAGTA 120
CAAGACCGAG ATTGAGGNAA ANCATGTCTT CTGGGTGTNA CCATGTTTCC TCTCAATAAA 180
GTNCCCCTGT GACACTCAAA 200

配列番号：7778

配列の長さ：286
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09028
配列：
GATCCTGGTC CCCTCCCTGC TGGACCTGCC ACCCAGAGCT TCCTGNCTAG TCCCACTGGG 60
CTGGCCCACC AGGCCTCTGA CCCAGGCTGC TCTNCGGCCC CTTCCTCCTC CTNTTCCTGC 120
TCCAACTTCT GTCCACCTGG GGACAGTCTG TGCCTGTAGC CTNATGACCC CAACCCAGCC 180
CCAGGCATGG CTAACCCCTG ACTGNTTGCC TCATATTTAA GCTGCTGNTN TGGCCAAGTG 240
NCTAATTTTA ACCCAGACCT NAATAAAGAC ACNTNTTTGT ACCAAA 286

配列番号：7779
配列の長さ：127
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09029
配列：
GATCTGATTT TTCATAAAAA ACATTTGTGA ACCTTCGGCA TAAATGGGTT AAGGTGCCAT 60
CCCTGAAACT GCAATGCAGA TATGTTCAGN TAACTTTNAT TTNTTAATTA AAAATAAATC 120
TTTCAAA 127

配列番号：7780
配列の長さ：105
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09030
配列：
GATCTGANTT TTCATAAAAA ACATAAANTG ACCTTCGGCA TAAATAGGTT AAGAAGCCAT 60
CCCANAAACT NCAATGCAGA TATGTTCAGN TAACTTTTAT TTTTN 105

配列番号：7781
配列の長さ：321
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09031
配列：
GATCGGCGCC GTTACAGACG TGGCTACTAT GGAAGGCGCC GTGGCCCTCC CCGGAATNCT 60
GGTGAGATTG GAGAGATGAA GGATGGAGTC CCAGAGGGAG CACAANTNNN GGGACCGGTT 120
CATCGAAATC CAACTTACCG CCCAAGGTAC CGTAGCAGGG GACCTCCTCG CCCACGACCT 180
GCCCCAGCAG TTGGAGAGGC TGAAGATAAA GAAAATCAGC AAGCCACCAG TGGTCCAAAC 240
CAGCCGTCTG TTCGCCGTGG ATACCGGCGT CCCTACAATT ACCGGCGTCG NCCGNTTCCT 300
CCTAACGGTN CTTCACANGT N 321

配列番号：7782
配列の長さ：66

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09032
配列：
GATCCACTGA GTTAGTTTCA TTGGGGCGGG GGAAAGAACT GGAATTAAAC TTGTTTAATC 60
CTTAAA 66

配列番号：7783
配列の長さ：131
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09033
配列：
GATCCTCCCA GCTGTCGGCC GCGGACCCGG GCCGCGTGTG AGCGGCTTTT GCACCTCCTA 60
TCCCCAGGGT CCGCCGAGAG CCACGATTTT TTTACAGAAA ATNAGCAATA AAGAGATTTT 120
GTACTGTCAA A 131

配列番号：7784
配列の長さ：143
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09034
配列：
GATCACAAAT GCATTTTTCA ATCTTTACAA TATGAAATNT ATTTATAACT TTAGTTCCAA 60
AATGGACTCT GTAATGCATT TGCCCATATT TTTAGTCGTA ATGGATGTGA TTATATTTNA 120
TTGAATTAAA AATCTAACAG AAA 143

配列番号：7785
配列の長さ：345
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09035
配列：
GATCTTAACT TTAATAAGGC AAAACAAAAG CTTCGAGCTG TTGCGTGTGT AAGTCTGTTG 60
TGTGGATGTN CGTGTNTGGT CCCCAGCCCC AGACTGGATT GGAAAAGTGC ATGGTGGGGG 120
CCTCGGGGCT GTCCCCACGC TGTCCCTTTG CCACAAGTCT GTGGGGCAAG AGGCTGCAAT 180
ATTCCGTCCT GGGTGTCTGG GCTGCTAACC TGGCCTGCTC AGGCTTCCCA CCCTGTGCGG 240
GGCACANCCC CAGGAAGGGA CCCTGGACAC GGCTCCCACG TCCAGGNTTA AGGTGGATGC 300
ANTTTCNGNA ACCTCCANTC TTCTGTGTAG CANCTTTAAC CNAGN 345

配列番号：7786
配列の長さ：167
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09036

配列：
GATCAGCTCT CTGTGAAAAT GGACCAATCA TCAGGATGTG GGTGGGGCCA GATTAGGGAA 60
TAGAAGCAGG CTGTCTGAGC CAACAGTGTC ANCATGCTTG GGTCCCCTTN CATGCTGTGG 120
AAACTTTGTT CTTTCGCTCT TCACANTAAA TNTTGCTGCT GCTCAAA 167

配列番号：7787
配列の長さ：172
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09037
配列：
GATCCTGGAC AAAGCTTGGC TGCCGGCTTC ATTTATTCCT GCTGATGGCT GAGAAGCATC 60
TGTTTTCCAT CCCACTTGCC TGTCCCAAGT TTTGTTCCAT TTTTNAAAAA TTTGTTGTAA 120
ACTGCATGTT TTATAAAATA AAAATAAAAT ATCGTTTGTA ATTTATCTCA AA 172

配列番号：7788
配列の長さ：255
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09038
配列：
GATCCGCCCA CCTTNGGCCT CCCAACACAA TTTATATTTT TGANGGTCCT TTTATGTGTA 60
TTGTGCCATA TGCTTCTNAC ATCAGCCCCA ATAAATGCTT TAGGCGTTTT ATATTATCTA 120
CCACTATTAC ATGCTCTCCA TCTCCAGACT ACCCATTTCT GCCATTGCCC TCATAGGGGC 180
CCATTCTGAT AATTCTGGAT ATGTAGAAAA ATAAATCCTG TTTATGTGTT TAAATAAATA 240
GATGTATACT ATAAA 255

配列番号：7789
配列の長さ：256
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09039
配列：
GATCCCTGAC AGCAAAAAGT TTCTTTTCTG AGGCTGCCAT ACTGCCACTG TCCAGGTGGA 60
GACTGAGCAA AGGAAGTCCT GGGCTGTGCC AGCTCCCAGA GCTTCGGAAG AAAGAGCAGC 120
AGCTCTCTCC CTGGGAACCA TCAGAGAATT CTGTTGATGT GTTCTGTGTC TGTCTGTCAC 180
CTGGTCACGA GCTTCTACCA CCTTTGCAAT TGTCACTTAT CTTTCACTCC CTGAATAAAG 240
TATCTATGCA TATAAA 256

配列番号：7790
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09040
配列：

GATCTCCCAC CTTTCGGGCC ATGTTGCCCC CGTGAGCCAA TCCCTCACCT TCTGAGTACA 60
GAGTGTGGAC TCTGGTGCCT CCAGAGGGGC TCAGGTCACA TAAAACTTTG TATATCAACG 120
AAA 123

配列番号：7791
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09041
配列：
GATCTAGCTT CAGAGGAAGT CTACACCCCA TTCCCTTCTG CTTACAATGT ACCCATGATA 60
TGTGTTTAGC NNNGNAATAC TGTAACAGGA CATCACATGG AAAAATCAAA GCAGCTGGCT 120
CACTGTATTT AACTGAAAAG AATGCCTACA GATTGGATAT TTAATAGGGA AAATTAAGGC 180
ACTTTAATAA CANACTTCAT TATGTGAACT TGTTGAATAT TNNCATACAN TATACCTTGT 240
ATATTANTGC CATAGTTTTT NGAAACACTA ATTTAAACAA CANATTTNAG GGGTGCTGGC 300
ATATCCCAGN 310

配列番号：7792
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09042
配列：
GATCCGAAGG CTGCGGGCAG CGTNTNATCC CGTGGTTTAA TAAAGCTGCC GCGCGCTCAA 60
A 61

配列番号：7793
配列の長さ：310
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09043
配列：
GATCTTGGTC TTATTTGCAC AGTTTTTGCG TCTTGTTTGC TTCTTGCATC TGATTAACTA 60
GAATATTTCT NTTTCCCCCT TTTAATTTGT GATGTCACTT GACCCCATTT ATGTGTAGGA 120
GCACTACNCC ATTGGTTTCC AATACTGCAC ACATAAGATA CATACTTGTG TGCAGAAAGT 180
ATCTTCCTCC AGGCTTGTAA TACCCTTCAC ATGGAAGATT AATGAGGGAA ATCTTTATAT 240
TCTGTATAAA ANCAAAANGCA AATTTATATA CTAAAATCAT TTGTCTAAAA NTTTAAGTNG 300
TTTTCAAATN 310

配列番号：7794
配列の長さ：165
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09044
配列：

GATCAGTAGA AAATGGACAT CAAGTTTGAA CAGATAAATC ATGGACAGCC TTATTGTGAT 60
TGAAATGCTT GTAGGTTCTG TGCCAATTTT CCACCACTGT GTACTTTGTT GCTATTTAAA 120
ACTGTATCAA CTCTAACGGA AGAATAAATT ATTTGTGATT TTAAA 165

配列番号：7795
配列の長さ：149
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09045
配列：
GATCCGAGAG TNAAGGAAGT TCCCTGTNTT CCCCGTCCTT TTCCACCAGT NTCGCCTCTG 60
GCCTTCTCTG GCCACTCCTG GGAGGGACTG CCTCACCACC CCTGTCCCGC TGCCAGAAAT 120
ACACCCACAA TAAAAACCTG AAAACCAAA 149

配列番号：7796
配列の長さ：98
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09046
配列：
GATCCAAACT AACTGCCCAA GCACTACACA GCTGGACCCT GNTTCACCNT AACCCGCANC 60
TAGCAATCAA TACAGCTTCA TTATCTGAGT TGCATAAA 98

配列番号：7797
配列の長さ：265
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09047
配列：
GATCTNTAGC CTCACCCTGN TCTCCTTCCT CCTACTGGCT GCTCAGGTGC TCCTGGTGGA 60
GGGGAAAAAA AAAGTGAAGA ATGGACTTCA CAGCAAAGTG GTCTCAGNNC AAAAGGNCAC 120
TCTGGGCAAC ACCCAGATTA AGCAGAAAAG CAGGCCCGGG ANCAANGGCA AGTTTGTCAC 180
CAAAGACCAA GCCAACTGCA GATGGGCTGC TACTGAGCAG GAGGAGGGCA TCTTTCTCAN 240
GGGNNGGGTG CACTCAATTG GNNNN 265

配列番号：7798
配列の長さ：146
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09048
配列：
GATCTTACCC GTGCNTGGNC CCCTCCCCTC ANAGCCCATG GTAACGAACC CCTAGAAAGG 60
AGAGAACGGG CGTCAGGGGT GCACAGTCCA CAGCTGAAGA GCAAGGTTTN GTGGCAGCAC 120
GGNCCGGCCC CTCACCCTCT NTNCCN 146

配列番号：7799
配列の長さ：317
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09049
配列：
GATCTCCGGA CCTCGGCTGC AGAGGCCATC GCAGCTTTTN AAAAGTNAAG TGGTTAATTC 60
CCATTGGTGT CTTTNCTTAT AGCATTTTCN TCTAACCTAT AACAAGGGGG CATTACATTT 120
ANCTTTAGAA CATGTGAATA GGAGGTTTNC TCATGACTTA CCATTCCAGC TGNATGGGAA 180
AGCAAAGCAG AAAACAGTGC CCCAAATGGA AAANAGNTAC TCACACAGAN CAAAACAGTT 240
CTNGGTCTTG TCCTTGGTCT TGTCAAACCT TGCCTGATGC TCTTTCTAAN GTCNAAATAT 300
GANTGATAAG CCNGGCN 317

配列番号：7800
配列の長さ：372
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09050
配列：
GATCTGGTTA AGTTGTGTAG TAAAGCATTA GGAGGGTCAT TCTTGTCACA AAAGTGCCAC 60
TAAAACAGCC TCAGGAGAAT AAATGACTTG CTTTTCTAAA TCTCAGGTTT ATCTGGGCTC 120
TATCATATAG ACAGGCTTCT GATAGTTTGC AACTGTAAGC AGAAACCTAC ATATAGTTAA 180
NATCCTGGNC TTTCTTGGTA AACAGATTTT AANTTTCTGA TATAAANCAN GCCNCAGGAG 240
AATTCGGGGA TTTNAGGTTC NCNGAATAGC CTATATATGG TGCATCGGNT AGGTCNTTAT 300
TGATTTTTTG ACCCTTTTCG GCTTTACCTN ATGGGAAGAC CCNGTTCNTT TTTAAATNAT 360
CCNGGTTTTT GN 372

配列番号：7801
配列の長さ：356
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09051
配列：
GATCAACCTC TGAATTTTAC ATCATGAATG TAATCACCAC TGGAGCTTCA CTGTTACTAA 60
ATTATTAATT TTTTGCCTCC AGTGTTCTAT CTCTNAGGCT GAGCATTATA AGAAAATNAC 120
CTCTGCTCCT TTTCATTGCA GAAAATTGCC AGGGGCTTAT TTCAGAACAA CTTCCACTTA 180
CTTTCCACTG GCTCTCAAAC TCTCTAACTT ATAAGTNTTG TGAACCCCCA CCCAGGCAGT 240
ATCCATGAAA GCACAAGTGA CTAGTCCTAT GATGTACAAA GCCTGTATCT CTGTGATGAT 300
TTCTGTGCTC TTCACTCTTT GCAATTGCTA AATAAAGCAG ATTTTATAAA TACAAA 356

配列番号：7802
配列の長さ：359
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09052

配列：
GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTCGGCCC AGGTTTAAAT AAGGCAGGAA AGTTCCCTTC 60
CCTGCTCACA CACAACGAAA ACATGGTGGC CAAAGTGGAT GAGGTGAAGT CCACAATCAA 120
GTTCCAAATG AAGAAGGTGT TATGTCTGGC TGTAGCTGTT GGTCACGTGA AGATGCCNGA 180
CGATGAGCTT GTGTATAACA TTCACCTGGC TGTCAACTTC TTGGTGTCAT TGCTCAAGAA 240
AANCTGGCAG ANTGTTCCGG GGCCTTATNT TNTCAAGAGC ACCNTGGGGN AAAGCCCCCA 300
GNGGCCTNTT NTTAAGGGCA CCGTTTNGAN NTAAAATTTC TNGTTANCCC AGTTCNAAA 359

配列番号：7803
配列の長さ：134
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09053
配列：
GATCCGGCCA GTTCATTGAA CAAACCTTTC CTTTTTCTAA AGTTCCAGAA GCCTTCCTGA 60
AGGTGGAAAG AGGACACGCA CGAGGAAAGA CTGTAATTAA TGTTGTTTAA ATAAAAATGC 120
AGTTTAGTGA TAAA 134

配列番号：7804
配列の長さ：62
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09054
配列：
GATCTACTGA CATTAAGCAC TTTGTACAGT ACAAAATAAA GTCTACATTT GTTTAAAACA 60
AA 62

配列番号：7805
配列の長さ：120
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09055
配列：
GATCTGGATG ATGGTTATGT AGCTGCATAT ATTTGTCAAC ATTCCTCATG CTGTATGTTT 60
AGATTTGTGA TTTTACTATA TGTAAATTAA TTCCTTAATA AAATACTATT ATAAAATAAA 120

配列番号：7806
配列の長さ：209
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09056
配列：
GATCTAATCT TCTGTGCTCT GTGTATTGGC GACGAGCAGG GTGAGAATAA GTGCGTGCCC 60
AACAGCAATN AGAGATACTA CGGCTACACT GGGGCTTTCC GGTGCCTGGC TGAGAATGCT 120
GGAGACGTTG CATTTGTGAA AGATGTCACT GTCTTGCAGA ACACTGATGC CCTCCTGGAA 180

GCCTGTGAAT TCCTCAGGAA GTAAAACCN 209

配列番号：7807
配列の長さ：59
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09057
配列：
GATCTTAATT TTAAAAATTA AAACTTGGNG TTTTTTAAAT AAAAACCTTT TGTCTTAAA 59

配列番号：7808
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09058
配列：
GATCAAAGTA ATTGCTTAAA TGTCTTGTGG AATNAGCTGT CACTTTATAG TTTATGTATT 60
GTGGTGGGTA CCTTAATAAT AAAAAGATTT TTAATGTAAA 100

配列番号：7809
配列の長さ：118
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09059
配列：
GATCTGTTTG ATGGTTACAT CAGTGTATAT TTGTCAAAAT TCCTCAAACT GTATGCTTAA 60
GGCTTTGTGC ATTGTATTGC ATGTAAATNA TACTTCAATA AAGTACCAAT AGCATAAA 118

配列番号：7810
配列の長さ：183
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09060
配列：
GATCCATAAC CTCTTTAGAG ACCGGCTCCT GGATGCAGAA TCCTATGAGG TTCTGGCCAC 60
ACCTGTTTCT TGTCCNTCAG GGGCTGACAC CCATGTNCCA TCCCTCTAAA CCCCTGTCCC 120
TAAACCTACC CCATCTNATG TAACTCTGGG GTTCCTTGGT CATTAGAGGG TTTTNAGGTC 180
AAA 183

配列番号：7811
配列の長さ：175
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09061
配列：

GATCTGAATG GTTTTAATAA GTGTCTGGNA ATTCCCCTGC TTGCACTTGT NTNTCTCGCC 60
CACCACCACG TAAGACGTGC CTGCTTCCCC TTCTGCCATG ATTGTAAGTT TCCTGAGGCG 120
TCCCCAGCCA TGCAGAACTG TGAGTCAATG AAACCTCTTT TNTTTATAAA TTAAA 175

配列番号：7812
配列の長さ：329
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09062
配列：
GATCCCCCAT TCCCCACCCT GGGAGATGAG GGGGTCCCCA TGTGCTTTTC CAGTTCTTCT 60
GGAATTGGGG GACCNCCGCC AAAGACTGAG CCCCCTGTNT CCTCCATCAT TTGGTTTCCT 120
CTTGGCTTTG GGGATACTTC TAAATTTTGG GAGCTCCTCC ATCTCCAATG GCTGGGATTT 180
GTGGCAGGGA TTCCACTCAG AACCTCTCTG GAATTTGTGC CTGATGTGCC TTCCACTGGA 240
TTTTGGGGTT CCCAGCACCC CATGTGGATT TTGGGGGGTC CCTTTTGTGT CTCCCCCGCC 300
ATTCAAGGAC TCCTNTCTTT TNTTCAANN 329

配列番号：7813
配列の長さ：326
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09063
配列：
GATCTGCCAG CCCTACATCC GGCCGGGGCC CAGGGAGGGG AGCAAGGAGA AGGCAGGTGC 60
GCGCANAAGC GGGCCCTGGA GGAAGAGGAG GGTGGCACGG AGGTCCTGTC CAAGAACAAG 120
CAAAAGAAGC AGCTGAGGAA CCCCCACAAG ACCTTCGACC CCTCTTTGAA GCCAAAATAT 180
GCAAAGTNTG ACCAGTGTGG AAACCCAAAG GGCAACAGAT GTNTGTTCAG CCTGTGCCGN 240
GGCTGCTGCA NGANGCGNGC CTTCAAAGNG ACTGCAGACT GNCCAGGTNA CGGTTTGCTT 300
TTTAAAACCA ATTTNGGAGA AGTTTN 326

配列番号：7814
配列の長さ：20
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09064
配列：
GATCGGAATG NAAATCTAAA 20

配列番号：7815
配列の長さ：248
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09065
配列：
GATCAATGTT GAAAGTGTTG TTATATGGCA AGTNTTTAAC ACATTCACAG TGTTTGTTTG 60

ATTTCAACTG TGAATTGTCT TACAGTTTTT TCAAACCTAG TTGTTTCTAT GGACACCTGC 120
TCTGAATTGT ACATTGACTN CATTACTAAA GAACAAAAAT GTTCATTTTT GTCCCAGTAA 180
ATTGAGACTG CTTGTACACT TTCAGAAAAA TATGTGAATT TATAAAGNTT TTGTAGATAC 240
TTGTCAAA 248

配列番号：7816
配列の長さ：87
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09066
配列：
GATCCCCGGA TTTNACACTC CTTCTGTTTT GTTGCCGTTT ATTTTTGTAC TCAAATCTCT 60
ACATGGAGAT AAATNATTTA AACCAAA 87

配列番号：7817
配列の長さ：267
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09067
配列：
GATCCACCTG NCCCTGACCT CCGACAGTGC TGGGATTACA GGCATAGCCA CCGTGCCTGA 60
CCAGGGCTCT TTTAGCAAGG AAAACGTGAG GAATGAATGG CTGTTGGTGT GCAACAAATC 120
ATACTTGCTA CATGTTGTGA ACCTGAAGTT ATTTGTTAGT CTGTATGAAG AATGTACCCC 180
AGAGATGCAC CCTGTATCTG CCTTATGTCT CTTACAATGG AGGTTCTCTC CTGTTATATT 240
GCTGAATAAA CTATGTGAAC TGCTAAA 267

配列番号：7818
配列の長さ：22
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09068
配列：
GATCTTCAAG CAAGAAAATA AA 22

配列番号：7819
配列の長さ：90
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09069
配列：
GATCATAGCT GAAAATTAAT GATACTGTCA ATTTGAGATA GCAGAAGTTT CACACATCAA 60
AGTAAAAGAT TTGCATATCA TTATACTAAA 90

配列番号：7820
配列の長さ：25

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09070
配列：
GATCATTAAA AAATTAATAA AGAAA 25

配列番号：7821
配列の長さ：33
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09071
配列：
GATCCCAATG AAACGAATTC TGTCTCCCTG AAA 33

配列番号：7822
配列の長さ：23
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09072
配列：
GATCTTCAAG CAAGTTAANT AAA 23

配列番号：7823
配列の長さ：75
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09073
配列：
GATCTTCATT TAGCTCCTTT ACTGGGATTT ATTGGATGCT NGTAAAAAAA TAAAATTTAC 60
ACTGTNTATG CGAAA 75

配列番号：7824
配列の長さ：284
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09074
配列：
GATCAAGAAA GGGCTGTGGC TTGTATCAAA GGGTGTTTAA AAGGATTTAC TATCAGATTT 60
GGCCTTGTTT TCTGTGATTT TGGNNAGCGT TCAAGGAAGC CAGGCTTTGG TCTGGATTGG 120
ATGTTCTCAG GTCATGAATA TAATTCTCTG GGAACTCCCA AAGTTCTCAT CTACAAAGCA 180
GAAGTTAATT GGAGCTGAAA ACTAATCAGT AAAGCCACAG CAGCCAGTCA TATGGGGGAG 240
AAGAGGGGAA TGTTTGATGG TTTTTGTGGT TTAGAGGTGA GTTN 284

配列番号：7825
配列の長さ：21

配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09075
配列：
GATCCTTTGT TAACAAATAA A 21

配列番号：7826
配列の長さ：159
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09076
配列：
GATCATATTT ATTTTAACTA TTTTTTTAGA AAATTATTAA TTTTAATTGT ATTTTTGTAT 60
TTAAAAAGCT TCTTCACTTG TTTTCCCTAA NNNTTCANAT TGCTGCCCAA AAGTATGACT 120
GTGGAGGAAA AAAAANTACT TNAAAANTCC ACACTTTTN 159

配列番号：7827
配列の長さ：328
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09077
配列：
GATCTGTGCA GGGTATTAAC GTGTCAGGGC TGAGTGTTCT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
CAAGAACCAG TTGTTTTGTC TTGCGGGTCT GTCAGGGTTG GAAAGTCCAA GCCGTAGACC 120
CAGTTTCCTT TCTNAGCTGA TGTCTTTGGC CAGAACACCG TGGGCTGTTA CTTNCNTTNA 180
GTTGGAAGCG GTTTGCATTT ACGCCTGTAA ATGTATTCAN TCTTAANTTA TGTAAGGTNT 240
TTNTTGTACG CAATTCTCGG TTCTTTGANG NGATGGCAAC AAATTTTGGG NTTCTACTGT 300
TATGTTGGGG NNCATTNGGG CCCANGNN 328

配列番号：7828
配列の長さ：108
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09078
配列：
GATCTCCTGA CCTCGTCATC CGCCCGTNTC GGCCTCCCAT AGTGCTGGGN TTACAGGCAT 60
GAGCCACCAC GCCCGGCTGT TTTATTTCTT ATAACTGTAC AGGANNNN 108

配列番号：7829
配列の長さ：277
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09079
配列：
GATCATGAAG CCATCAGCTC CTCTGGGGCC AGCTANAGGA CAACAGAACT NTCACCAAAG 60

GACCAGACAC AGTGAGCACC ATGGGACAGT NTCGGTCAGC CAACGCAGAG GATGCTCAGG 120
AATTCANTGA TGTGGNGAGG GCCATTGAGA CCCTCATCAA GAACTTTCAC CAGTACTCCG 180
TGGAGGGTGG GNAGGNGACG CTGACCCCTT CTAAGCTACG GGACCNGGGT CACCCAGCAG 240
CTGCCCCATN TTNATGCCGA GCAACTTNTN GNCTGGN 277

配列番号：7830
配列の長さ：123
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09080
配列：
GATCAGACCA AACAGTGCTG TTTCCCGGGG AGGAAACACT TTTTTAATTA CCCTTTTGCA 60
GGCTCCCACC TTTAATCTGT TTTATACCTT GCTTATTAAA TGAGCGACTT AAAATNATTG 120
AAA 123

配列番号：7831
配列の長さ：338
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09081
配列：
GATCCAGAAA TGGAGACTGG ACCTTCCAGA CCCTGGTGAA TGCTGGAAAC AGTTCCTCGG 60
AGTGGAGAGG TTTACACCTG CCAAGTGGAG CACCCAAGCC TGACGAGCCC TCTNACAGTG 120
GAATGGAGAG CACGGTCTGA ATCTNCACAG AGCAAGATGC TGAGTGGAGT CGGGGGCTTC 180
GTGCTGGGCC TGCTCTTCCT TGGGGCCGGG CTGTTCATCT ACTTCAGGAA TCAGAAAGGA 240
CACTCTGGAC TTCAGCCAAC AGGATTCCTG AGCTGAAGTG AAGATGNCCA CATTCAAGGA 300
AGAACCTTCT GCCCCAGCTT TGCAGGATGA ANCACTTN 338

配列番号：7832
配列の長さ：309
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09082
配列：
GATCTAATCT CAAATACAGT GCTTAGTAAG GGAACTCTTG TGCCTTTGGG GATTTGGGGA 60
TTAAAACGAA TCTTTTAAAT ATATTTCCAA ATATTAAAAT ATAAAAGGAT ATTTCCTCTG 120
ATGTTAAAAG TGAGTATGGG GGTGGCACAT TATATGGAAA GTNCCATGTT TGCTTAANTG 180
CTATGTAAAA TAACTTGGCA TATTANTTGA CTTTGANTGT GAAANTCATA TGCCCTTNGA 240
NTATGGNTGC CTTAGCTCAT TTGACANCTG GNAGANTACT TGTNTATCTN GTTTNAGACA 300
CATTGANTN 309

配列番号：7833
配列の長さ：233
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS09083
配列：
GATCCAAAGT GGCAGGAGGT CTGTGTTGTC ATGGNGAACT GGAGTTTCTC TTGTAAGAGT 60
TCCCTCATCT GAAATCATGT ATCTNTCTCA CAAATACAAG CATAAGTAGA AGATTTGTTG 120
AAGACATAGA ACCCTTATAA AGAATTATTA ACCTTTATAA NCATTTAANG TCTTGTNAGC 180
ACCTGGGAAT TAGTATAATN CCANTGTTAA TNTTTTNNAT TTACATTTTG TNN 233

配列番号：7834
配列の長さ：99
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09084
配列：
GATCGGAATT TNACAGAATT GGGACTGTGG AACCNNGGGT CACTTGAATT TCCTATATTT 60
TGTATGGCCA AATCAGGAAC CAGACAGTCT CCATAGTCN 99

配列番号：7835
配列の長さ：288
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09085
配列：
GATCAGCCGA TGACAGAGAT TGTAAGCCGT GTGTCGAAGC GAAACTGGNG CCGCCACGTG 60
CGGGCNCTGG TGCTTGACCT GTGCTGTAAC GACGAGAGCG GCGAGGATGT CGNGGGGCNA 120
NAAAANCGGT ACACCATCCG CTGACCCCGT CTGCTCCTCT AGGCTGGCCC CTTGTCCACC 180
CCTCTCCACA CCCCTTCCAG CCCAGGGTTC CCATTTGGCT TCTGGCAGTG GCCCAACTAG 240
CCAAGTCTGG TGTTCCCTCA TNATCCCNCT TACCTGAACC CNTNTTGN 288

配列番号：7836
配列の長さ：32
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09086
配列：
GATCTAAATA AAATGGACNG TTCTACCTTA AA 32

配列番号：7837
配列の長さ：152
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS09087
配列：
GATCTGAAAC AGATGAAAGT TATAATAGTT TACATACCTT ACCTTAAAGT ATGGTTTTTA 60
AATACTTAAG ATGTGATATG ACATATAGTG TGTATATATA TCTNATNCTA NNGGAAAAAG 120
GGACATTAAA AAAGCTTATG TTAAAAGATA AA 152

配列番号：7838

配列の長さ：108

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60

TCCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGGAAA 108

配列番号：7839

配列の長さ：30

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

TGAAAATTTA TTACTACAGT GTTTTCACCA 30

配列番号：7840

配列の長さ：20

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

TAATACGACT CACTATAGGG 20

配列番号：7841

配列の長さ：25

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CTTCTTTCTG TAGCCAGGTA ACTCT 25

配列番号：7842

配列の長さ：25

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

TTTTCGGCGC TCCCATTTAT TCCTT 25

配列番号：7843

配列の長さ：35

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CACGAATTCA CTATCGATTC TGGAACCTTC AGAGG- NH_2 35

配列番号：7844

配列の長さ：37

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CTCGCTCGCC CATCCTTATA CAGGCTCAGT TTTGTCT 37

配列番号：7845

配列の長さ：37

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CTCGCTCGCC CATGTATAGG GACAGCATTT CTGAGAG 37

配列番号：7846

配列の長さ：38

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CTGGTTCGGC CCACCTCTGA AGGTTCCAGA ATCGATAG 38

配列番号：7847

配列の長さ：22

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

CCAGGGTTTT CCCAGTCACG AC 22

配列番号：7848

配列の長さ：22

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列：

TCACACAGGA AACAGCTATG AC 22

請求の範囲

1．配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、もしくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、またはこれらの一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる純化された二本鎖ＤＮＡ。

2．配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、もしくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡまたはその相補鎖からなるＤＮＡプローブ。

3．配列番号１から７８３７に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、もしくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡまたはその相補鎖からなるＤＮＡプライマー。

4．「配列番号１から７８３７に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み変える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３´側に含むヒトｍＲＮＡ」に相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、若しくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖またはこれらの一本鎖ＤＮＡとその相補鎖からなる純化された二本鎖ＤＮＡ。

5．「配列番号１から７８３７に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み変える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３´側に含むヒトｍＲＮＡ」に相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、若しくはヒトｍＲ

ＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖からなるＤＮＡプローブ。

６．「配列番号１から７８３７に記載された塩基配列（ただしＴをＵと読み変える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を３´側に含むヒトｍＲＮＡ」に相補的な一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖、または該一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックＤＮＡ、ヒトｃＤＮＡ、若しくはヒトｍＲＮＡの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖ＤＮＡもしくはその相補鎖からなるＤＮＡプライマー。

要約

種々のヒト組織から、ｍＲＮＡの細胞内の存在割合を忠実に反映する３’指向ｃＤＮＡライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれるｃＤＮＡを配列決定し、組織毎の各ｃＤＮＡの出現頻度を調べた。各ｃＤＮＡにはｍＲＮＡ濃度に対応する組織毎の発現情報が付加されているので、該ｃＤＮＡは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。またクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質を産生可能である。

図1

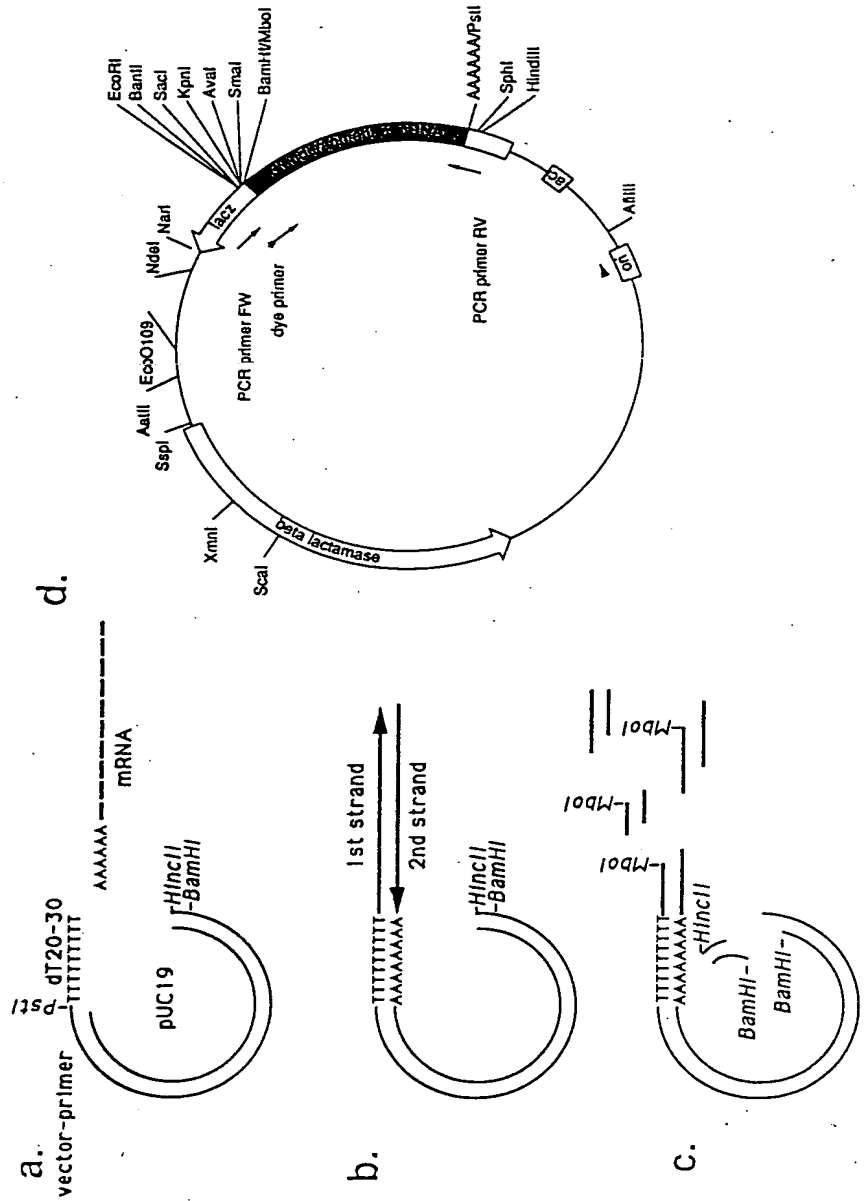

a.
vector-primer
dT20-30
pUC19
mRNA
HincII
BamHI
b.
1st strand
2nd strand
c.
MboI
BamHI
d.
EcoRI
BanII
SacI
KpnI
AvaI
SmaI
BamHI/MboI
AAAAAA/PstI
SphI
HindIII
AatII
lacZ
NdeI
NarI
EcoO109
AatII
SspI
XmnI
ScaI
beta lactamase
PCR primer FW
dye primer
PCR primer RV
ori
AflIII

図 2

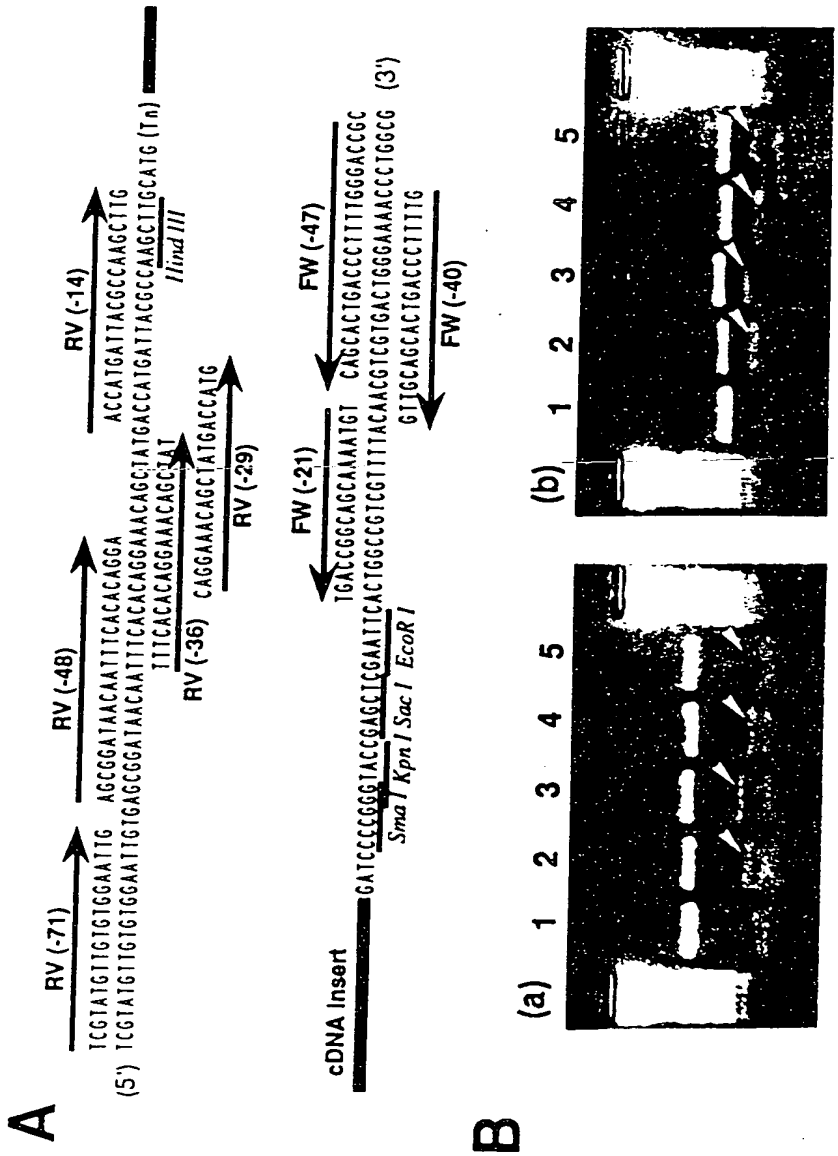

A
RV (-71)
RV (-48)
RV (-14)
TCGTATGTTGTGTGGAATTG
AGCGGATAACAATTTCACACAGGA
ACCATGATTACGCCAAGCTTG
(5') TCGTATGTTGTGTGGAATTGTGAGCGGATAACAATTTCACACAGGAAACAGCTATGACCATGATTACGCCAAGCTTGCATG (Tn)
HindIII
RV (-36)
CAGGAAACAGCTATGACCATG
RV (-29)
FW (-21)
FW (-47)
cDNA Insert
GATCCCCGGGTACCGAGCTCGAATTCACTGGCCGTCGTTTTACAACGTCGTGACTGGGAAAACCCTGGCG (3')
TGACCGGCAGCAAAATGT
CAGCACTGACCCTTTTGGGACCGC
Sma I Kpn I Sac I EcoR I
GTGCAGCACTGACCCTTTTG
FW (-40)
B
(a) 1 2 3 4 5
(b) 1 2 3 4 5

図3

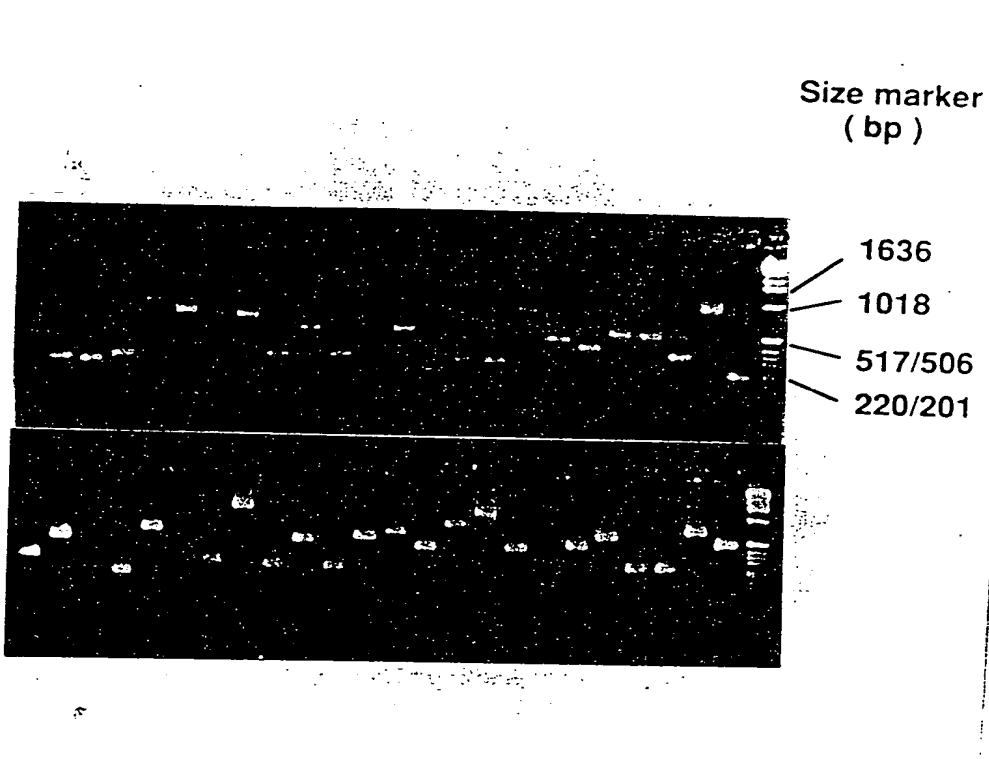


図4

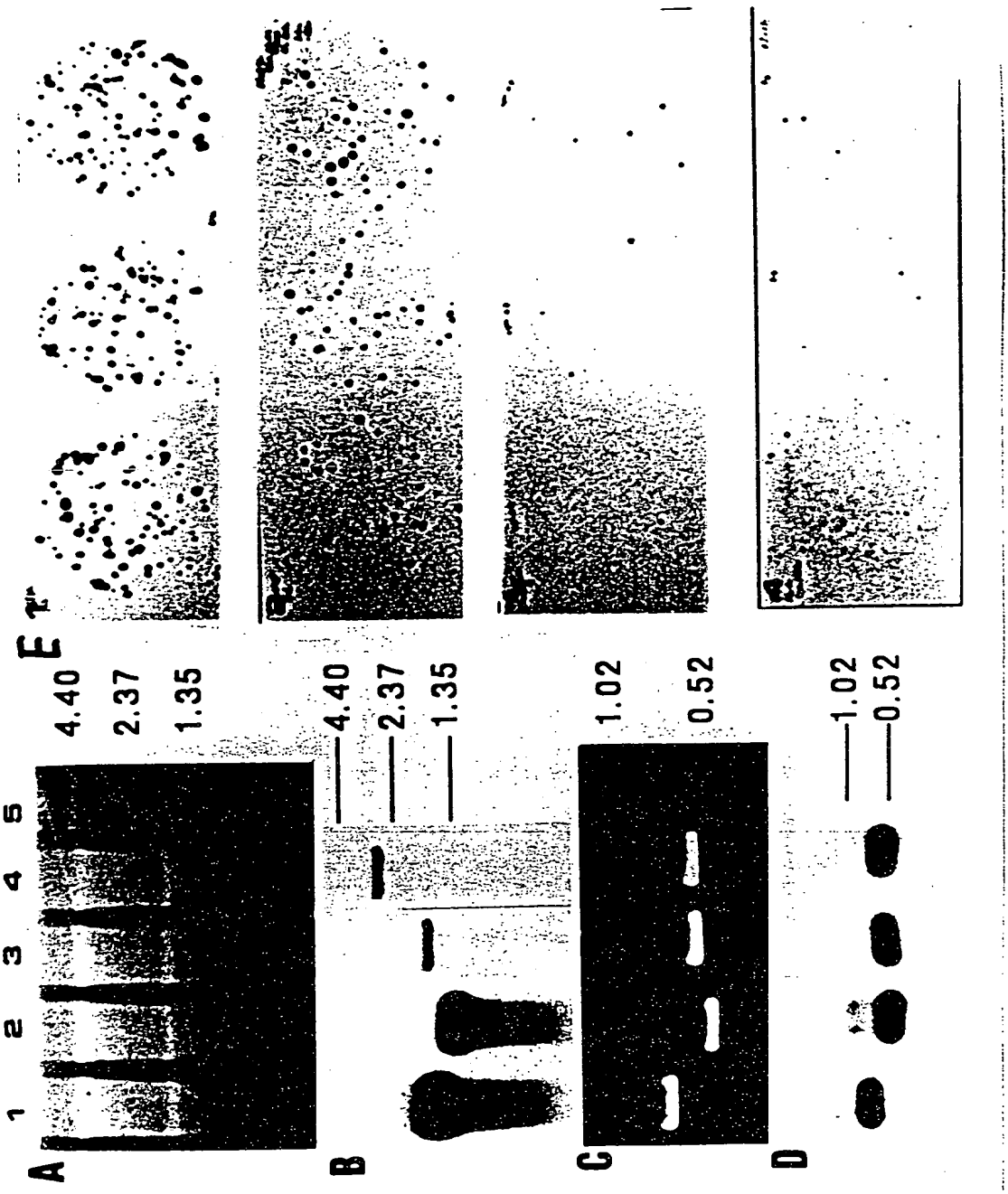


図4

F

probe No.	1	2	3	4
gene	Elongation factor 1-α	α1-antitrypsin	HnRNP core protein A1	Inter-α-trypsin inhibitor
(a) Band intensity of Northern blot(cpm)	687	423	10	15
(b)Band intensity of control blot(cpm)	133	177	100	127
(c)Normalized signal(a)/(b)x10	52	24	1	1.2
(d)Positive signals on colony blot	307	119	7	9
(e)Relative representation	44	17	1	1.3

3指向　ＨｅｐＧ２ｃＤＮＡライブラリーにおける種々のｃＤＮＡの存在割合

グループ	クローン	遺伝子	A in 982 (%)	B "in 8,800 (%)"	C "in 26,400 (%)"
	a15	延長因子－１Ａα	22 (2.2)	307 (3.5)	NT
	c321	翻訳的に制御された腫瘍タンパク質	12 (1.2)	89 (1.0)	NT
	tb038	α－１－アンチトリプシン	8 (0.8)	119 (1.4)	NT
I	hm01b02	フェリチンの軽鎖	6 (0.6)	62 (0.7)	NT
	c13a04	ＮＡＤＰ（Ｈ）メナヂオン・オキシドレダクターゼ	4 (0.4)	27 (0.3)	NT
	hm02d02	リボソーム・タンパク質　Ｓ１１	3 (0.3)	29 (0.3)	NT
	tb042	ヒトＲＮＰコア・タンパク質　Ａ１	2 (0.2)	7 (0.1)	NT
	s155	未知	1	2	5 (0.02)
	s159	未知	1	2	4 (0.02)
	s639	未知	1	1	3 (0.01)
	s635	未知	1	0	2 (0.01)
II	s170	未知	1	0	1 (0.004)
	s154	未知	1	0	1 (0.004)
	s167	未知	1	0	1 (0.004)
	s645	未知	1	0	1 (0.004)
	s647	未知	1	0	0 (<0.004)
	s632	未知	1	0	0 (<0.004)

図５

GS	CN	Chromosomal position	Sequences of primers		AT	HO	HE	MO	CO	G	T
			Sense	Anti-sense							
gs000788	pm2366	1	CAGAGCCCCAGTACAACTAT	AAGTTTATTGTTGGGGTCAG	48	114	115	104	110	1	2
gs001026	pm2444	1	AATGGGACAGTTACACTTGA	CCAGCTTCCTTGACTTGAGA	48	83	84	>200	>200	1	1
gs001075	pm0883	1	TGGACTGTGGATACCTATCT	ACAAGTACCCCTGAATGGCT	48	124	124	103	107	4	4
gs001087	pm1772	1	GTCACTCTCAGCCATAGCAC	ACCATCTTCAGCCCACACTT	50	104	104	180	>200	6	6
gs001094	pm0347	1	GCCCCTAACACGAGGAACTC	TAATTTCCCACTCCCGTAAC	51	114	116	>200	200	1	1
gs001116	pm1771	1	GGGTTTTCAATAGGGTGTAGACC	GCCCCAATCTGTCAAAACTG	49	95	95	78	107	1	1
gs001191	pm0609	1	TTGCTGGATTGTAACTTTTG	GGCTGAACATTCACTCTTTG	47	97	97	-	200	1	1
gs001200	pm1351	1	TTAAGAAGACCCTTATGGAGACC	AATAATCTTGGTTAGTCACTTAC	47	97	98	-	-	1	1
gs001346	pm0982	1	TCAGGTCTGCTTGGAGGATG	AACTCACAGCACAGTATTTG	53	120	122	>200	>200	1	1
gs001446	pm1518	1	AAGGTGTACAGGATATTTGCAGA	TGCAATAGCCCAATCTCATT	47	130	125	>200	>200	1	1
gs001464	pm1439	1	CCAAAGACCTCCGTTGAACA	TTTGGGAGAGCCATAGACAG	51	100	100	>200	-	1	1
gs001468	pm0427	1	TACTCAGTGGAAAGATAAAC	CAGTGGACCACATTTTCTTA	40	98	98	-	-	2	2
gs001521	pm2785	1	CCCAAATCAAATTGTTAAATG	TTTGAATCAGAGACATGAAGTT	43	102.175	100	>200	>200	1	1
gs001554	pm2291	1	CCAGAGAGTTCAAGGGATTG	GGTACAAAGTGCAAATGACT	46	57	57	78	155	1	1
gs001572	pm2006	1	CCAACATGGTCCTAGCACTG	AAACTTTATTGCAGCTTCTT	44	58	59	>200	>200	4	4
gs000120	pm1350	2	CATGATACTCTTCGGTGGTA	AAACAGTAGTTGCCAGCATT	46	84	108	-	-	1	1
gs001006	pm1730	2	AGGCTGAAATGTGGCATGCT	CCCGTTATTGCTACATGTCT	48	119	119	93	115	1	1
gs001081	pm0931	2	AAAGCAATACAAAATACCAA	TTCAATATGTTTAACCAGTA	40	90	90	-	-	1	1
gs001090	pm0925	2	TAATGTACCACGATGAATAG	TAATGTAATAATGCAGGTAA	45	88	88	-	-	1	1
gs001213	pm2010	2	CCAGATGGAAAGGGAAGTCT	CTGGAATATGGAGAATCAAACAG	47	125	125	150	>200	1	1
gs001252	pm0935	2	TCGAGTTTTGTCTCTAATAA	GGAAATAATCGCTTCAGTTG	43	103	103	-	-	1	1
gs001268	pm2093	2	AGTCCTTCTTGGCTCCTCAT	TATCGTCAGTGCCTTTATTG	52	137	137	>200	-	1	1
gs001438	pm2435	2	TTTTGTACCTACGTAAGAGTACTT	ATCCGTGCCACACATAGTGA	45	105	108	-	-	1	2
gs001442	pm1671	2	TTATTAGGGAGTCATTATTCTGTG	AGTTCCCATTCTTCCACATG	45	67	65	>200	>200	1	2
gs001453	pm1245	2	TTGCTTTCCCGTCTCTAAGT	ATGTACAATTTGCGTATGTAGG	45	75	75	170	190	1	1
gs001535	pm1246	2	ATCTACTGTTTGTTGAAGTG	ACTGATTTTGGTCCCATCTG	44	68	67	-	-	1	1
gs000875	pm0449	3	CGAACATTTCACCTCTCATA	ATGATTTATTTAGGCAGGAA	43	68	68	-	-	3	6
gs001001	pm1758	3	TCTGGCTCTTTGGTGTTGGA	GGCCCACTGAGTACAATGTC	51	115	115	-	-	1	1
gs001218	pm2434	3	AAAGAAAGCACACTGCCTAA	ATGTATAGACAAATCCAAAG	42	90	90	-	-	1	1
gs001219	pm0668	3	GTAGTCTCCTGCCCTTTAGC	AAGGATTTGATTTTCTACAT	43	77	77	-	-	1	1
gs001277	pm1729	3	GGTCCTGTTTATTTTGACAT	AAACAAGAGGATGGTTCAGA	43	75	75	155	>200	1	1
gs001306	pm1822	3	GATCCTTGGTGTGTAGTTCAGTC	CTGCAAAATACAGGGAATCAT	46	83	83	160	140	1	1
gs001418	pm2209	3	ACCCCAGTCCCAAATCCAGT	ACACTCCCCCAGCCCTTACT	55	105	105	113	>200	1	1
gs001466	pm2455	3	ATCTAGCTGGCTGTAGTATT	TTAAAGAGATGAATTTATTGGT	42	130	130	190	>200	1	1
gs000271	pm1252	4	GTCCTTTGCTATCTGTGTTA	AAGCATTTATTTGAGGTTTA	43	90	90	95	>200	1	3

図6

gs000448	pm2256	4	GGCCAAGTTTCTTCTAGTAT	GTTCAGTTTTATTCAGAGCA	42	62	62	>200	69	1	2
gs001052	pm1151	4	GTGCCATGCACTGTTGTTAT	GTCATATATTCCATCATCAA	43	80	80	-	-	1	1
gs001215	pm0988	4	AGAAAATTAATAGCATAGGT	TAGAGTCAAAGTTGCCTGTG	43	100	100	130	-	1	1
gs001298	pm2367	4	ATCAAAGTTTAATTGCTTCA	CATCCCATCACATACAAGTC	43	116	116	>200	180	1	1
gs000993	pm0904	5	TCTCGTGAAGAGCAGCACAA	TCTAAAGGAAGAACAGCATC	49	101	102	113	200	1	1
gs000998	pm1889	5	AAGCAATGCCTTATCCACAG	CTAAAGAGCTTGAACCCTTCAT	45	87	87	>200	>200	1	1
gs001085	pm0319	5	TCACCCAGATAATTTACAGT	GAGACATAAGCAGGTAAGAT	44	120	120	-	-	1	1
gs001101	pm2364	5	TTACCTTACCGTGTCTTTAC	AGACAAATATCCCAAAAAGC	47	89	89	190	>200	1	1
gs001461	pm1160	5	ATTTTGTGAGTGGTTTACTA	AGAAATGGATGCTTTTATTC	43	101	99	>200	>200	1	1
gs000053	pm2720	6	AATGTCATAGTCTCCTTTCA	TGCATCCTTCAATGTCTTCT	44	78	78	72	>200	2	3
gs001326	pm1154	6	CATTGAGACAGCAGCAACAG	CCTGGCCCTCTTCCTGAGTA	53	102	104	145	200	1	1
gs001434	pm1216	6	TAGGCAAAACACGAGAAGAG	AAGGAGCTGGTGTCAGGTTC	48	65	65	110	>200	1	1
gs001457	pm1785	6	TATATGCAAATATTCCAAAGTCTG	TCTAATAATTCTGGTCCCTTATCT	46	90,>200	90	>200	>200	1	1
gs001523	pm0285	6	TTGTAACGTGTGTCGTCAGT	TTTAAAAATGTCATGGTAAT	42	86	70	>200	100	1	1
gs001525	pm0328	6	GCACCTAAGCCTCCCAAAGT	TTTTATATCAGTCCAAGAGC	49	138	138	>200	>200	1	1
gs001562	pm2619	6	TCTGCATTGACAAGGACCAC	TTTGAGATTTTAATGAGTCATTC	43	62	62	>200	45	1	1
gs000624	pm0991	7	GACCTGAAGTGTGAATGAGT	AACTTAGCTTTATGGGATTT	45	119	119	>200	-	1	2
gs001145	pm0281	7	AGCCAAACTCGGGGTCATCT	CCACGGGACAGGTGAGTCAT	56	159	159	115	>200	4	4
gs001469	pm0219	7	AATCATTTGGCGAGACTGTA	AAGACAACTTTATCCAGACA	45	88	88	130	-	1	1
gs001579	pm1102	7	TCAGGCAGTCTGCTCAGATA	TTTGCAGGTTAATCTGTTTA	44	77	76	170	-	1	1
gs001207	pm0956	8	AACAGTATTGCGTTGTCAGACTAG	TCCATTAATAAGGCCAGTCTTCAG	47	81	81	105	70	1	1
gs001176	pm2527	9	TTGCCTCTAATGGTGTCTAC	AAAAACCAGAACACACTAAG	48	99	99	118	180	1	1
gs001248	pm2708	9	TGTATTGGATTTGGATTCTC	CAAAAGCAAAACAGCAGATA	44	95	95	-	85	1	1
gs000280	pm0995	9?	TTGCCATCAAAACACATACA	CTTGTGAGTTTTGGTTTCTG	43	55	55	-	-	1	1
gs001055	pm0959	9?	TTAAAGAATCACCCTCATTG	CACATGCTTATTGGAACACT	44	74	74	72	73	1	1
gs001157	pm0547	10	AAGTATTGTGCAAAGATGTA	AAGAAAACACTGCCTTGTGG	45	138	138	>200	>200	2	3
gs001288	pm2245	10	TGTGAAATGCTATCTCTCCT	GCAATCGTTTCCATATCAGT	47	100	100	200	>200	1	1
gs000228	pm2664	11	ATCAAAACAAACAATCCAGA	ACTATAATATACTGCCAACT	42	117	121	134	95	2	2
gs001199	pm0880	11	GAATAGCTTGGAGATTTCAC	GGAGAATCATACCTTCAGCA	46	100	100	84	95	1	1
gs001315	pm0445	11	AAAGTGACCTTGATGGACAGTGGA	TCGAGCCAAAAATACATGCTGACT	50	153	153	>200	160	1	2
gs001352	pm2943	11	AGGGTGAAGGGTATTTTACG	CACATCATGGTTGAGAGCTA	47	83	85	-	-	2	2
gs001489	pm0559	11	AACCCTCTAGTAAGGCATTG	TTATTAAACCAAATCCAGTA	37	47	47	125	53	1	1
gs001570	pm2810	11	CTGTAAAGGTTTTTGGAATTATGT	TTTCATTTTTCTACCAGATTTATT	42	75,82	75	145	>200	3	3
gs000279	pm0266	12	AGTGTATGGAAGACCTTGAG	GTTCATTGAAACGGTGTAGC	48	130	130	103	>200	1	2
gs001163	pm2756	12	TCTCCCTATTCACAACCAGT	AATGATTTCGTAGGATAGCA	49	88	88	>200	120	1	2
gs001193	pm1193	12	CACAGCATAAAAGAATCATA	ACCCTAATTTAGTTTCTCAC	46	100	100	-	-	1	1
gs001235	pm2790	12	CATCATGGTACAGTCAGAAG	CAGTTTGTCAAAATGTATTG	44	83	82	93	87	1	1
gs001274	pm1355	12	AGATGTCAGTATTCTCCTCATGG	GAGAACAGCAGTAAAGCAACCAC	47	87	87	>200	>200	1	1
gs001308	pm0368	12	CCAAAGTGCTAGGGTTACAG	TTCAATAGACCTTGGGTTAC	47	95,165	95	>200	>200	1	1
gs000159	pm2645	13	CTAAGATTTAATGCGATTCC	AGTTAGTGTATGGCAGAGGA	46	104	104	>200	-	1	2

図7

gs001044	pm1659	13	TTGTAAGCCTATCAGAGTCA	AGACAGACTTATGCCATCTA	44	109,200	109	>200	100	1	1
gs001290	pm1731	13	GCTTCTTCCTGTGCTGTGGT	GCAGTTAATCATGGCTATTCTCC	50	122	122	>200	180	1	1
gs001362	pm0118	13	ACTGAAATGGAACATAGTCT	TACATTACATGACATTGTGA	40	61	61	95	103	1	1
gs001366	pm0364	13	TGCTTAGCTTTCCCTCCTTA	GAGCATTTCTGTTGTTCCTA	45	67	67	-	-	1	1
gs001389	pm2301	13	CATGAACCTGCTCACGACAA	GCCTTACTTTAATGCTGACC	51	100	100	100,>20(	-	1	1
gs001492	pm0541	13	AAATGAATGTAAATAGCACT	ATTTAGTTTACAGGGAGAAT	41	72	72	-	74	1	1
gs001367	pm0441	14	GTTTTAAGTTTTGATTTGGG	CATTCCACTCTTACATTTCT	41	77	77	>200	180	3	4
gs001564	pm2307	14	CGTTCCTAAACTCTGAAATC	AATGCTCATTTATTCTCAAG	42	55	55	>200	>200	1	1
gs001576	pm2019	14	ATCACAATTACCTTTAGTTG	ACGATAACTTTATTGGAGAT	39	69	69	-	-	1	1
gs001339	pm2220	15	TCCCCATCCTCAGTTGAAGT	TGAGAACAAAAGGAACCAGT	47	70	70	80	150	1	1
gs000980	pm0985	16	TTGGAATGGAACCCTTGCTA	ACTTATGCTGCCTGAAATGG	48	79	79	66	70	2	2
gs001242	pm1127	16	CCCTTGTTTTTACATGTTCA	TATTAAATTCTCCCATTCAT	44	105	105	103	102	2	2
gs001516	pm2543	16	ACAGTGCTAAAATCAAAGGTG	TCTGACAACTCAAGGTGCAAT	45	70	70	>200	-	1	1
gs001566	pm0913	16	TTTGTGTCGGACTATGTAAT	TCACTTTTAATGGGAACCAG	41	53	53	>200	>200	1	1
gs000806	pm1157	17	CTCTCCATGTTCTCTACAAG	TAGAAGGAGAATCTGTGGTT	47	77	77	140	>200	2	3
gs001015	pm2369	17	ATATTCACCTTCCCATCCAT	TCAAATACGTCCTCTCAAGC	50	80	80	>200	>200	1	1
gs001156	pm0202	17	CAGAAATTAAGTGCAGCAAT	TCGTATCTGCATCTTTAAGT	45	103	100	>200	>200	2	2
gs001173	pm2117	17	AAAATCTTGTGGTTATTTCC	GTGATTCTACTGTACATTGC	41	118	118	145	200	1	1
gs001301	pm1878	17	TAAATTTGTGGAAATCTCTTGGA	ACACATTTGGGTTTGCTTTAAC	47	100	100	95	97	1	1
gs001316	pm0514	17	TGTGACAGCAGCAGCTTCAT	TCGTACATTTTAATTCCACC	45	128	128	-	1	1	1
gs001356	pm0538	17	CATCTCACAGACAAGGAAAC	ACCTAAGAGTCCAGAGAAAC	48	90	90	69	>200	1	1
gs001495	pm2212	17	TGACTGCAATAAGGAGTTGT	GAACATACCACGTTTATTTCT	46	90	90	180	>200	1	1
gs001522	pm0642	17	GTCTTCAGCAGATTTCAGGT	ACTTTCTTCTTGAGGACACA	45	68	68	160	-	1	1
gs001078	pm1815	19	TGTGTTCTCCAGCTTTGTAG	GTTACATTGCCTTGGTACAG	48	65	65	>200	>200	1	1
gs001417	pm0209	19	GGATCAGACCAACAGTGCTG	GCAAGGTATAAAACAGATTA	46	90	90	-	-	1	1
gs001467	pm1688	19	GAAGCCCACCCTGCACCTCA	GGAGAGTATTGGGGAACGGT	54	93	93	>200	>200	2	2
gs001069	pm1879	20	GCCATGCTTGTAAAGTGATGT	TTAAGAAGCCATTAGCTAGGATA	48	140	140	-	-	1	1
gs001088	pm1146	20	GCCCTTAGGATTCACTGCTC	ACCACCCAAGGTCTTTCAGG	52	66	66	180	>200	1	1
gs001089	pm0112	20	TGCTGGATGACTTCTACACG	TCCCTATCATGGCTGCTGTT	49	59	59	59,115	59	1	1
gs001128	pm0332	20	CTGCTCGGCTAGTCTGACTC	CAAATGGTCTAAGAGGACAT	49	135	135	153	180	1	1
gs001132	pm0647	20	TCTGAATGATGATGGAAACA	ATCCTAGTCCCAACCCAGTA	48	109	109	-	-	1	1
gs001158	pm1774	20	GGAGCCACATGGATTGATTG	AAATGTACCCCTGGCACCTC	52	124	124	>200	>200	1	1
gs001210	pm1235	20	AGCCATCTGGTTATGTCTTA	GGAGCAGAATGAAACTTCAC	44	90	90	>200	>200	1	1
gs001377	pm1701	20	TCCATGGTGTTAGAAGCCAG	CCACATCTCCAACAGGGAGT	54	142	142	>200	74	1	1
gs001395	pm2101	21	GTCAGCTCAATGCTACACAG	TTTATAGTGCAACACAGAGT	45	130	130	180	>200	1	2
gs001427	pm0648	21	CTTCTGCTATAAAAGTAGAG	ACAATTGGTTCACTAAATGA	39	58	58	145	>200	1	1
gs000978	pm0912	22	GGTGTAGTGTAACCATTTAG	AGTTGCACCCATCTCCTGTC	46	124	124	>200	>200	1	1
gs001444	pm0911	22	GGTCTTGTTCTCCCATCTGT	AGAAAGCCCCAAAGTAGTCC	48	65,88	65	100	125	1	2
gs001473	pm2231	22	TGAGCTGCACTTACCTGTGAGAG	AAGCAGGTTGAGTTGGGTTTTCT	50	94	94	67	135	2	4
gs001479	pm2328	22	TACAGCCCTCCCAGCTAAAC	TTTATTCTGCATCCACTACAA	46	65	65	190	>200	1	1

図8

gs000999	pm1759	X	CTGCCATAGTTACCTGGATT	TCACCCACCACTATTTAGCA	47	103	103	-	-	1	1
gs001149	pm2180	X	GGAGGGGAGATATAGATTGT	AAAAAAATCCAGAAGACTGA	46	70	70	135	150	1	1
gs001161	pm0608	X	TTCTATAAGTGTGACCAGTT	GGAGGATTTGAGATACACAT	40	85	85	>200	77	1	1
gs001406	pm1294	X	TAATGCCAGTGAATGTTGCGTAA	GTAAAGGTTTATCCTTGCATCAGA	47	82	82	>200	80	2	3
gs001168	pm2289	1,18	ATCCTGCTGAAATACATCTG	GGGGAGAGACATCACATGAC	46	70	70	68	130	1	1
gs001436	pm0113	1,2,12,13,Y	GATCCGATGGGAGTGTAAAT	AATACAAAGCTAAACCACAA	44	69	69	170	-	1	1
gs001404	pm2272	1,2,3,5,8,12,14,17,X	TTGGAATTGACATTCTCTAT	TTTATTGTAACAAAGCAACT	43	130	130	150	132	2	2
gs000803	pm0314	1,2,6,X	TATCAAGCTGAAAATGTCAC	TTACTGAATCCAGCCAACCA	45	93	93	110	-	1	3
gs000140	pm1461	1,3,4,5,8,16	TCCAAATGAAGAAGGTGTTA	AGTTGACAGCCAGGTGAATG	48	96	96	100	100	1	3
gs001354	pm1561	2,20,21,22	GTCTGTCAAGCCAAGATTCA	TTTTTATTGTTGCTCCAAGT	48	110	110	170	150	1	1
gs000336	pm2795	2,4,5,10,12,15,17,20,22,Y	GACCTGTGACATTCTGGACT	TTATATGGTTGTTACACTCG	43	61	61	-	-	2	6
gs001077	pm0943	2,5,14+C	GCCTTGTTATTTCACCACTC	ATCTCCCTTTGCTCCAGTTA	46	82	82	>200	82	1	1
gs001192	pm1853	2,8,12	TCTGAGGACATTCCAAGACAG	CAGTCAAAACCAACACGGTAT	49	95	95	93	160	1	1
gs000213	pm1778	2,9,13,17,X	TGCAATAAAGGGAAAGACCA	CCGTTGTAGGTGATGAAATG	49	78	80	>200	>200	1	2
gs000919	pm0885	20,X	GTCATTTGTATGCAATTTCC	ACATTTTTATTTTTTCAACG	37	45	45	-	-	1	2
gs001109	pm0457	3,10,15	CATGTACTCAGAGGCACTTC	GCAACTACAAATCCCAAACT	50	133	133	>200	150	2	2
gs000071	pm2651	3,4+M	CAGGGACTGGAGCAGGAAAG	GATTTAACCCATTAGGAAGC	50	101	101	101	88	3	3
gs001426	pm2632	3,6	TTAGGAAAATATGGTTAGACAG	ATAGTATTGGGTTGACACAGTA	43	80	80	>200	120	1	1
gs001391	pm1133	3,8	TGGATTTGCTTTACCTTGTT	ACACCCTCAGGAGATGTTAC	47	93	93	95	>200	1	1
gs000077	pm2256	3,9,10,15	GCACTACAAGCCAAATCAGA	CTTCTTAACACCAACAGCAG	50	96	96	>200	125	2	10
gs000805	pm0626	4,6	GGATTTCTATTTGCTGTCAT	GTTTATTGTACGGCATTTAC	44	105	100	>200	>200	2	4
gs001212	pm1234	6,20	GCATTAAACAGGAAACAATA	CTGTCCATGTGGCATAAACC	44	110	110	105	107	1	1
gs001312	pm0606	7,18	AGATGCTAACATTAGGGATA	TTTTAGACATACAGAGGAGT	43	81	81	102	-	1	1
gs001441	pm1253	9,11	CCAGACTACAGGCTGATGGC	CCCTTACCCCAGCAACTCTT	55	75,130	75	>200	>200	1	1
gs001357	pm0115	9+M	ACCAATGTCACTGCTTCTAAAATA	CCCATAATAAGTGAAGAGGTAGTTC	48	125,155	127	125	>200	1	1
gs001261	pm0428	10,15,22	AAGAAATTGTTTACTGGATT	TTATCTGACTTGGAGGAAAT	42	107	107	-	-	1	1
gs001456	pm2420	10,15,22	ACTACCCCTGAGATATTAGTT	TTCATTTATTTGATTAGTTGA	46	100	100	170	-	1	1
gs000290	pm2303	11+M	ATACCACTTCCGCTGTCACG	GAGGAGCGTCTACTGGTCTT	50	72	74	72	>200	3	20
gs000314	pm2643	12,19	GCACCAAGAAGCAGTTCCAG	TTGGGAATGAGAAAATAACT	46	83	83	81	-	1	7
gs000403	pm2773	12+M	GATCTCAGTTCTGCGTTTATT	TACATACAAAGATGCAAACAGT	44	80	80	79	68	1	1
gs001487	pm2725	13,16	ATTCTTGTGTGCTGCTTTCC	GTCTCTCTTCTGATGGCTGA	46	62	60	135	180	1	1
gs000976	pm2780	14,16	AACCTGTTTTACCGCATCTT	AGGTTATTTGTCCACCAGAA	48	87	87	>200	>200	1	1
gs001435	pm1683	17,20+C	TGTTGGTTCACCATTGAGAC	AGAACAACACATCAAAGATGC	46	90	90	>200	90	1	1
gs001393	pm1748	17,22,Y	GAATGTCATCCAAGACGTAG	CTAGTTATATCCTGGCTCTG	44	81	81	>200	200	1	1
gs000096	pm0964	17+C	TTTATCCCAGCAAGCACAAC	TCTTCCTCTTCACTCTCCTC	49	120	120	>200	170	4	11
gs001369	pm2217	17+C	ACTTAAAGTAGCTTTGTACG	TGCCTCCTGGTCTGATAATA	43	95	95	>200	95	1	1
gs001440	pm1213	18+C	CCCCAGTTAAAGATTATTGT	AGTGACGATGGAAGGATGTA	44	92	92	-	92	1	1
gs001217	pm1118	19,20	TGCAGAGTGATTTTCCAGAG	CGTAGGTCATTCTTTTCAGC	46	75	72	160	65	1	1
gs001009	pm2824	19,22	ATCCCTCTGTCTATTCACAC	GCTCGTTTAACTCACTTCAC	46	110	110	130	170	2	2
gs001172	pm0887	19,22	GCCTGCATCTGTGTTGACTT	AACCTCTGGGAACAAATCAT	48	91	89	160	86	1	1

図9

gs001057	pm2049	C	AGGACACAAACACCAGCTAT	TTTTCTGATTATGACATGAC	45	75	75	101	75	1	1
gs000473	pm1753	M	ATCTCTTTGTAGCCATCCTG	GTTAAAGTGCTGATGCCATT	42	64,100	64	64	>200	1	1
gs001096	pm2236	M	GTAGAGCTGCATTGACTACC	ACAGACAAGGAATAATCATA	42	108,96	110	110	112	1	1
gs001166	pm0506	M	GTCCCACAGTCCAGCCTAAC	GCCACATATTAGAATCCATC	46	74	74	74	>200	1	1
gs001454	pm2354	M	TGTCTTTGTGGACTCTGCCT	TTTAACAGTCAATAAATACATGTT	44	110	110	110	106	1	1
gs000029	pm2492	M+C	GCTAGAAAGAAGGGCACTCA	CTTAACTCGATAGCCAGGTC	46	75	75	75	75	1	1
gs000253	pm2786	M+C	CACAAAACAGCAAACTTCAG	ATGGTTATTTTATCAGATTG	41	83	83	82	83	2	3
gs000285	pm1704	M+C	TCCACCCAGAGAAGCACACT	AATTCATAGGGAATAGGTTC	48	75,130	75	75	75	1	23
gs000302	pm2318	M+C	TCGAGAAGGACAAAATCACC	GAACAGGGTTAGTCCATTCG	48	58	58	58	58	1	1
gs000543	pm1689	M+C	CATGAGGCTACGGAAACAGG	AGGAGTCCGTGGGTCTTGAG	51	84	84	84	84	4	18
gs000675	pm1442	M+C	AAAGCATCTTGAGAGGAACA	GGAGGACTCGCTTGGTCTTA	49	110,>200	110	110	110	1	9
gs000732	pm1452	M+C	GCAGCAGATACCTTTACACC	TGGTTCATTTCAGTTCCTTC	51	102	105	102	102	3	13
gs000995	pm0268	M+C	GAAGCTCTTGTGAGGAAAGT	CAGACCCCATCTTTTATACC	47	79	79	79	79	3	4
gs001016	pm2783	M+C	ACGATATTTATAGTGATGTG	TCAAAACTTTAATATATGCT	40	93	93	91	92	1	1
gs001053	pm1144	M+C	AGATGAGTGTGGGTCAGAGA	CCATTCCTGTCATTCCAGTT	52	135	140	135	135	1	1
gs001127	pm2290	M+C	ACTGGTGATGGAAGGTTACA	CCACACAGTGAGCACCGTCT	47	55	55	55	55	1	1
gs001167	pm1626	M+C	GAGAGCCCTTGCATCCTTTA	CTTCCCTTTGGTCTTTCTGT	49	100	100	100	100	1	1
gs001216	pm2109	M+C	TAGTCAGAGATTCAGTAAGT	ACATGTATTTTGATAGTCTT	42	110	110	110	110	1	2
gs001253	pm1240	M+C	AACTGGTTCCATCAAGACTG	AGTGAATAAACTCTCCACTCC	48	120	120	120	120	1	1
gs001281	pm1131	M+C	ACTTAAAAACCCACCAGCAT	ACAACAGCAGTCAAATAGAA	47	97	97	97	97	1	1
gs001375	pm0952	M+C	AAGAGGAGTTTCCCTGCTCA	ATCATGGCAGATGGCAAGGA	51	89	89	89	150	1	1
gs001396	pm2216	M+C	ATCTGCATGACCTATAATCT	CGTTCTCTTTTATTTGACAT	45	108	108	108	108	1	1
gs001411	pm0958	M+C	ATGGGTTTATCAGGGGTTTC	GAGACCAAAGGCACTTCTTA	47	80	77	80	80	1	1
gs001460	pm2626	M+C	ACATTGAATGGGGATGAGGT	GGACATTTCTAGCCCACAGC	51	75,55	75	75	75	1	2
gs001482	pm1210	M+C	TTGTTGACATTCCTTTTAGAA	CAGTGCCTCTGTACTGAGACA	46	85	85	85	85	1	2
gs001490	pm0109	M+C	GCCCACAGAGACATCATCCT	TCTTAGTAGGTGCTCTGGTG	51	98	98	98	98	1	1
gs000188	pm2042	No product	CAACCAGTTAGCGTGAAAGT	GAAATAATCCTTGTCATCTA	45	87	87	-	-	1	1
gs000850	pm0304	No product	CTTTGGGATATTTTCTTCAT	CCCTCGGGTACTTTTCTATG	43	60	60	62	-	1	2
gs000983	pm0808	No product	AGCCAGCCTCTTTGTATGTG	CTGGATTTGATTTTCATTAG	44	87	87	-	112	1	1
gs001254	pm1673	No product	TGTGGTATGAAAATATCTGA	TTATGAATGAAGACAACACT	43	98	98	163	>200	1	1
gs001365	pm2908	No product	CAGTAGTGTGCTTTGAAATG	TTTATGTGAAATGTGGTTGT	41	63	63	-	150	3	3
gs001373	pm0361	No product	TACAGCCGCTTCTAAAAGTC	TTTGAGCATCAAGGAAATCT	46	82	82	-	>200	1	1
gs001556	pm0849	No product	TACATTCTTCAGACTCATCG	TTTTCAAAAACTTTATTCTT	40	86	86	>200	100	1	1
gs001574	pm1284	No product	ATCAGAGCTCAGTTCCTGTAG	ATTTTGCCTCTTGCATGGTC	44	57	57	67	67	2	2
gs001622	pm1606	No product	GATCTTGAGCCTTAACTGGA	TTTGCAGTTCAGCTTTATTC	45	54	54	-	-	1	1
gs001640	pm0852	No product	GATCTCTGTTCCTTTTCACA	TTTATAACAAGACACCATAC	36	45	45	-	-	1	1

図10

図１１

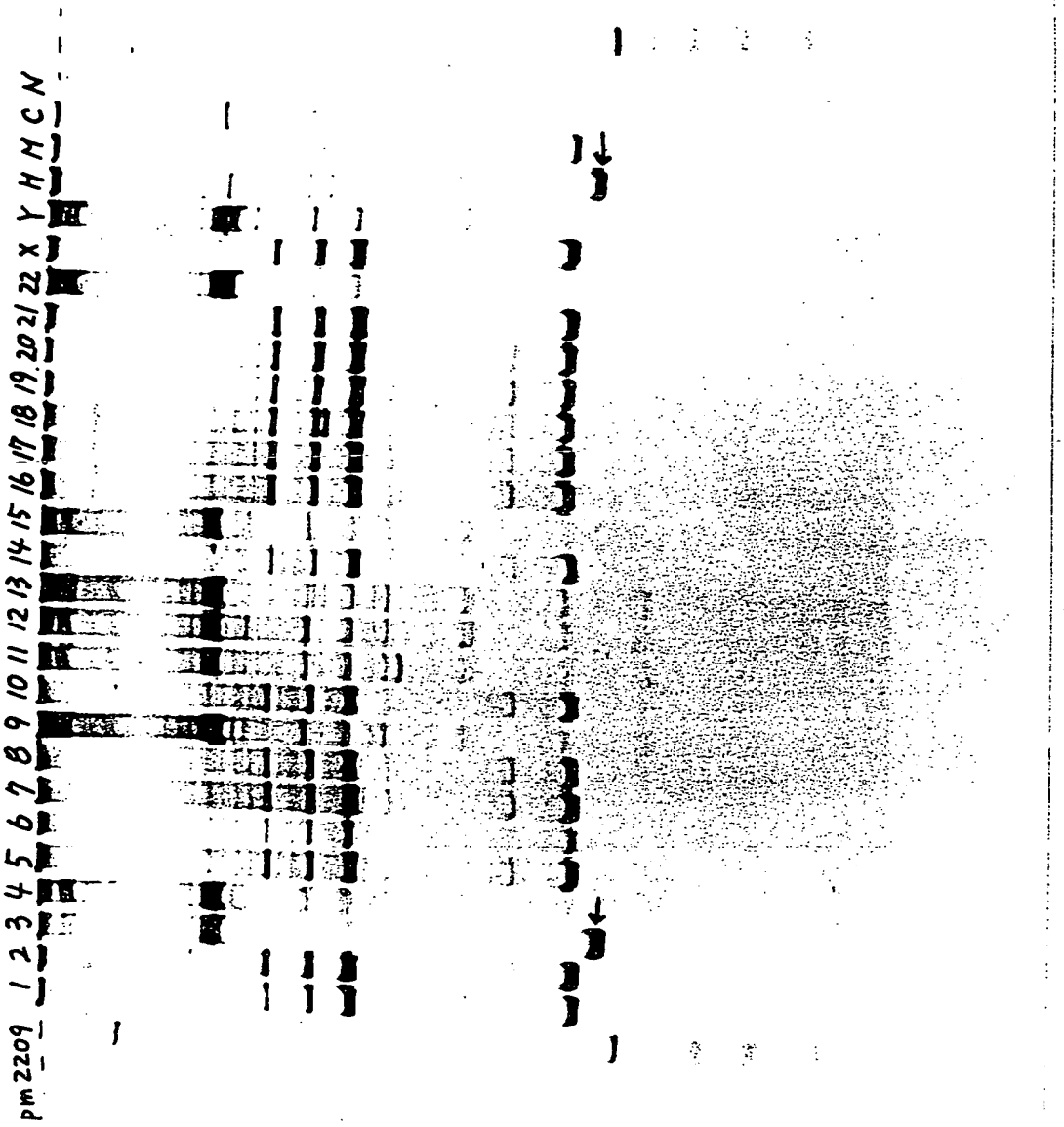


図１２

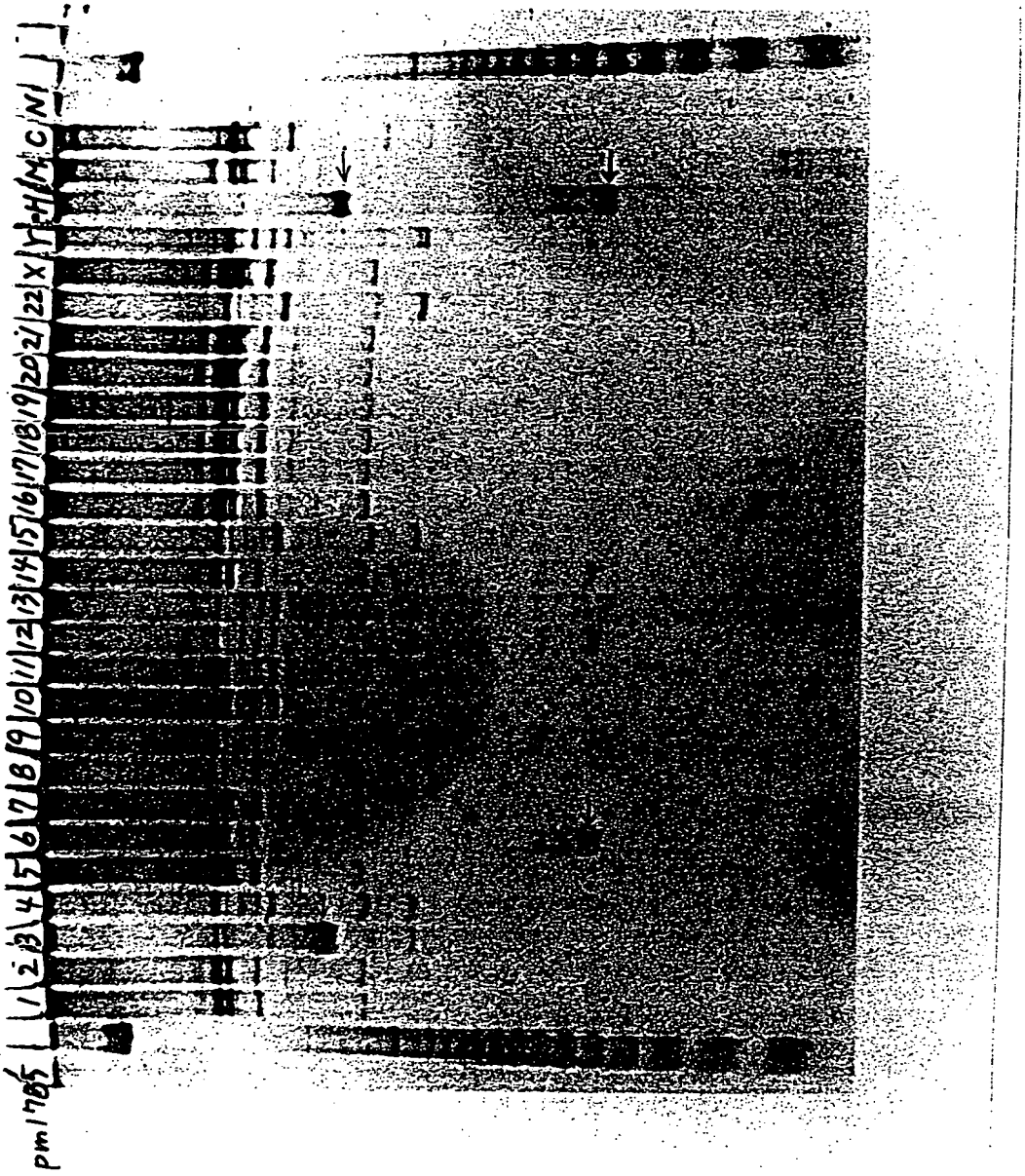


図１３

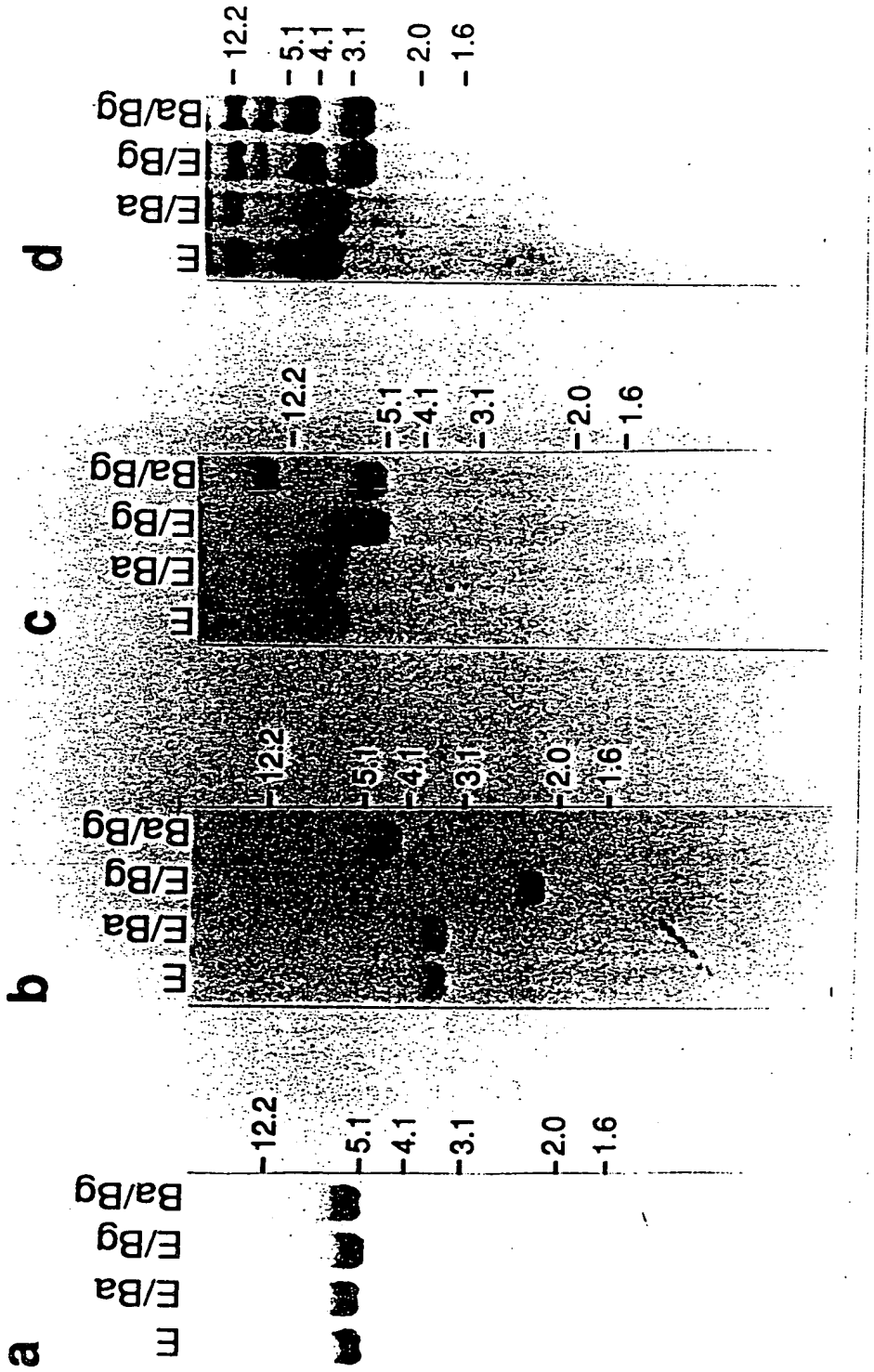


図１４

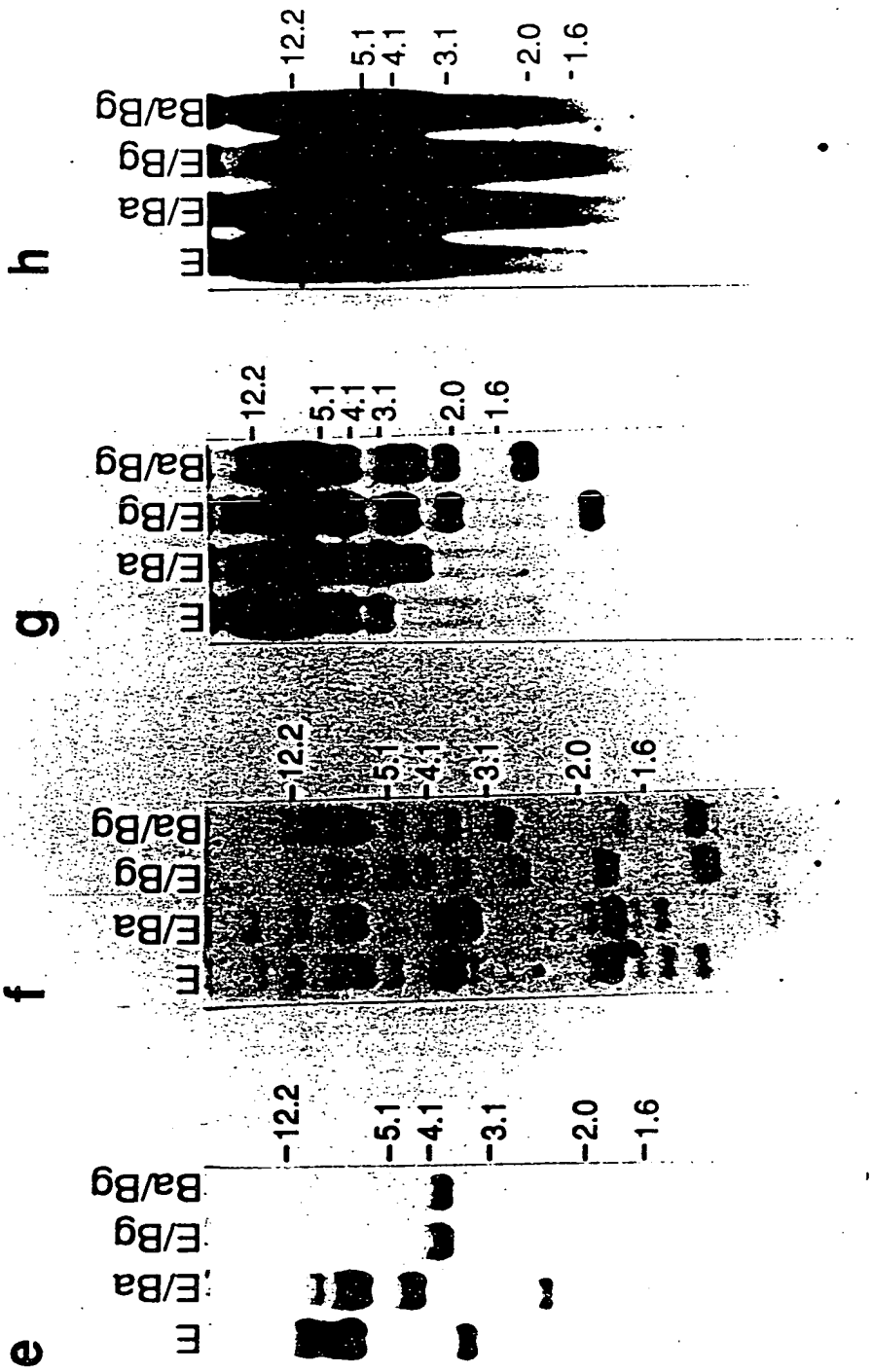


図１５

サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリットセル

ハイブリット セルの名称	ヒト染色体の番号	親細胞	インタクトな 染色体(%)	転座した 染色体(%)
A9(neo-1)-4	1	A9	100 (0)	0
A9(neo-2)-1	2	A9	93 (8)	0
GM10253	3	CHO	100 (0)	0
GM10115	4	CHO	100 (0)	0
A9(neo-5)-4	5	A9	40 (0)	90
A9(neo-6)-3	6	A9	100 (60)	0
A9(neo-7)-2	7	A9	100 (89)	0
A9(neo-8)-1	8	A9	91 (82)	0
GM10611	9	CHO	79 (5)	11
A9(neo-10)-3	10	A9	94 (6)	75
A9(neo-11)-1	11	A9	24 (0)	76
GM10927A *	11	CHO	96 (21)	4
A9(neo-12)-4	12	A9	0 (0)	100
GM10868 *	12	CHO	82 (6)	0
GM10898	13	CHO	82 (0)	10
GM10479	14	3T6	76 (29)	0
A9(neo-15)-2	15	A9	9 (0)	78
GM11418 *	15	CHO	62 (0)	100
GM10567	16	A9	69 (0)	0
GM10498	17	LTMK	80 (10)	0
A9(neo-18)-5	18	A9	100 (66)	0
A9(neo-19)-1	19	A9	92 (23)	8
A9(neo-20)-3	20	A9	81 (5)	17
GM08854	21	A9	81 (24)	0
GM10027	22	CHO	93 (0)	100
GM10324	X	A9	81 (10)	0
GM06317	Y	CHW1103	91 (0)	9

図16

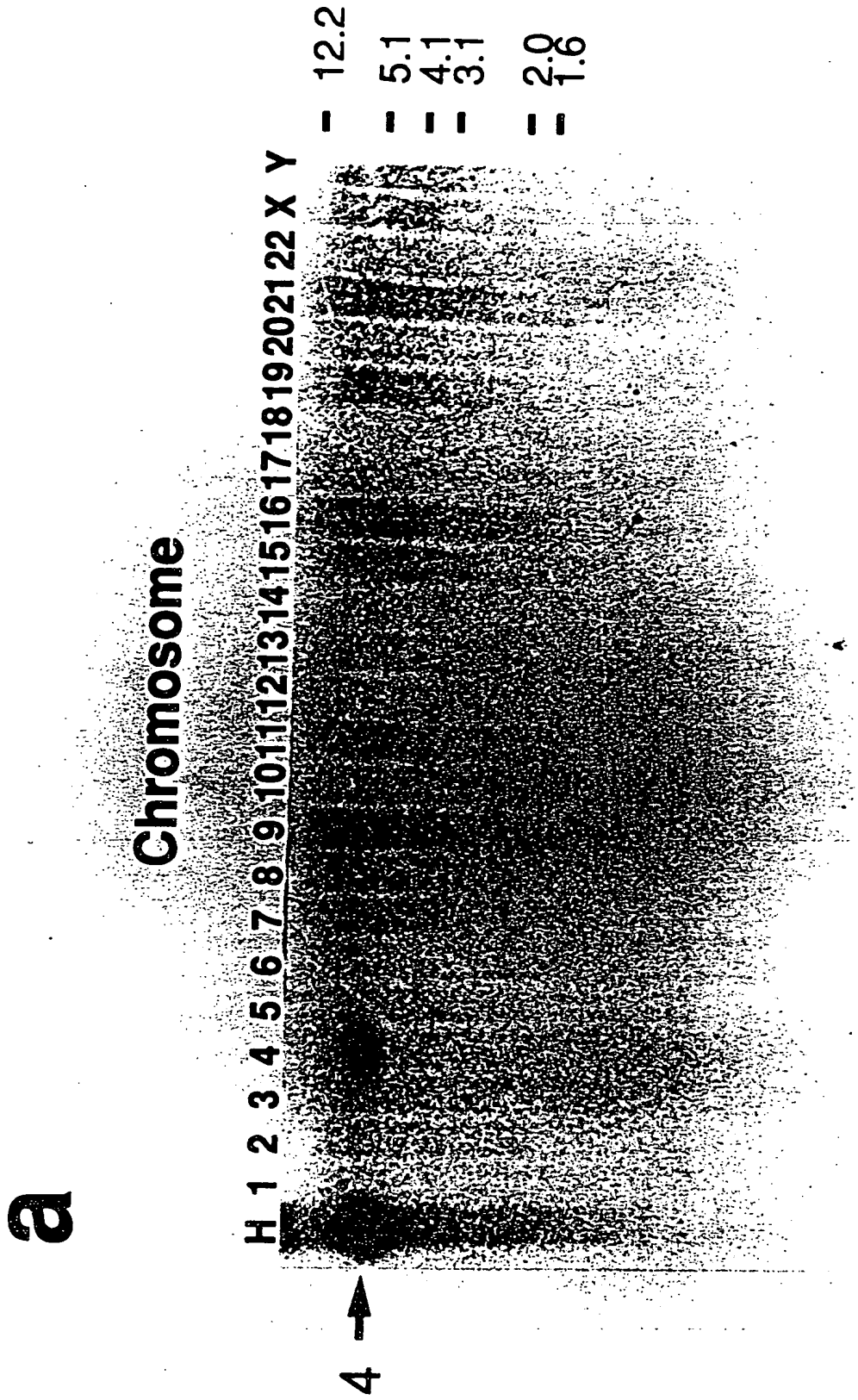

a
Chromosome
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
4

図１７

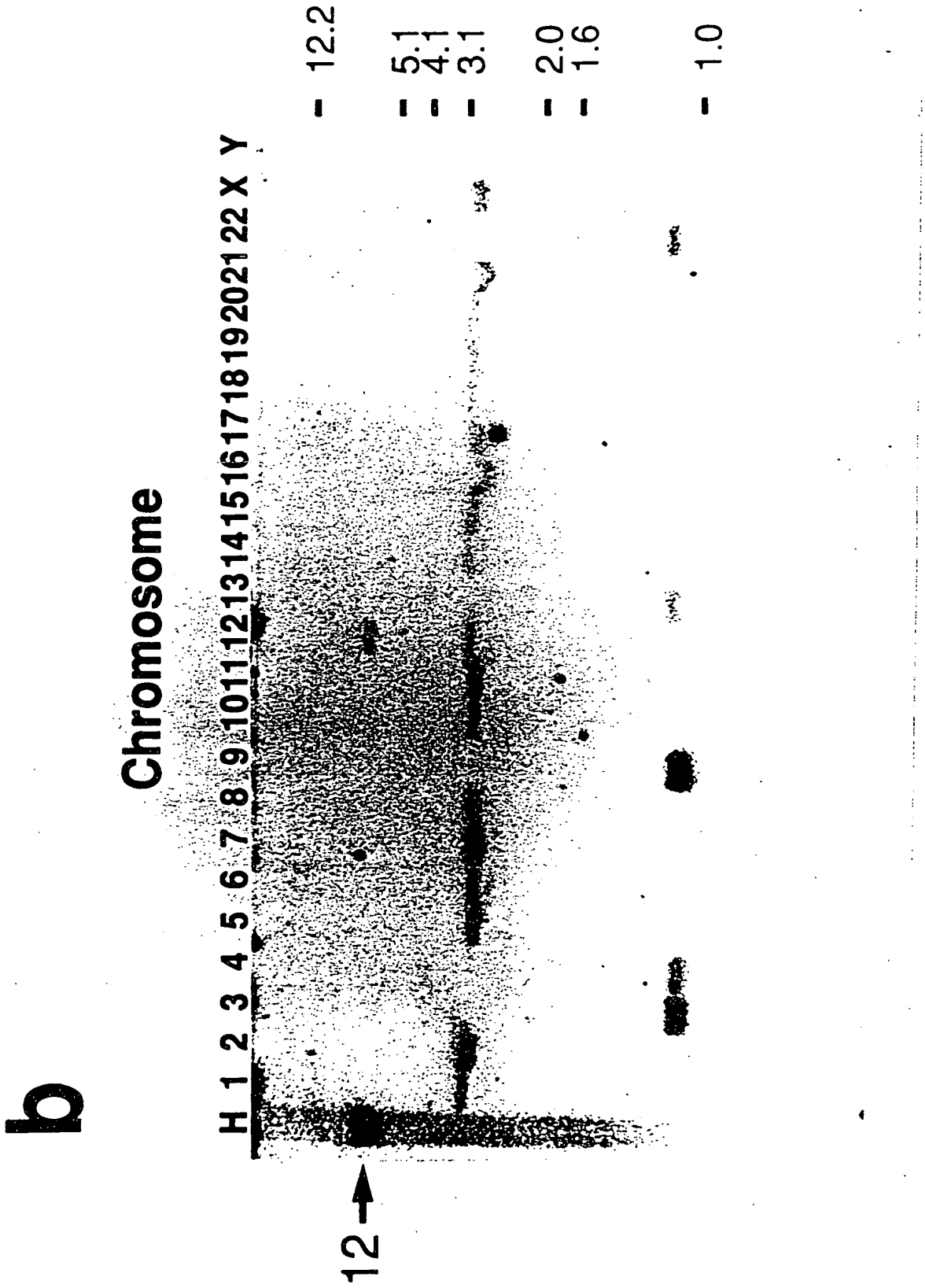

b
Chromosome
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
1.0
12

図１８

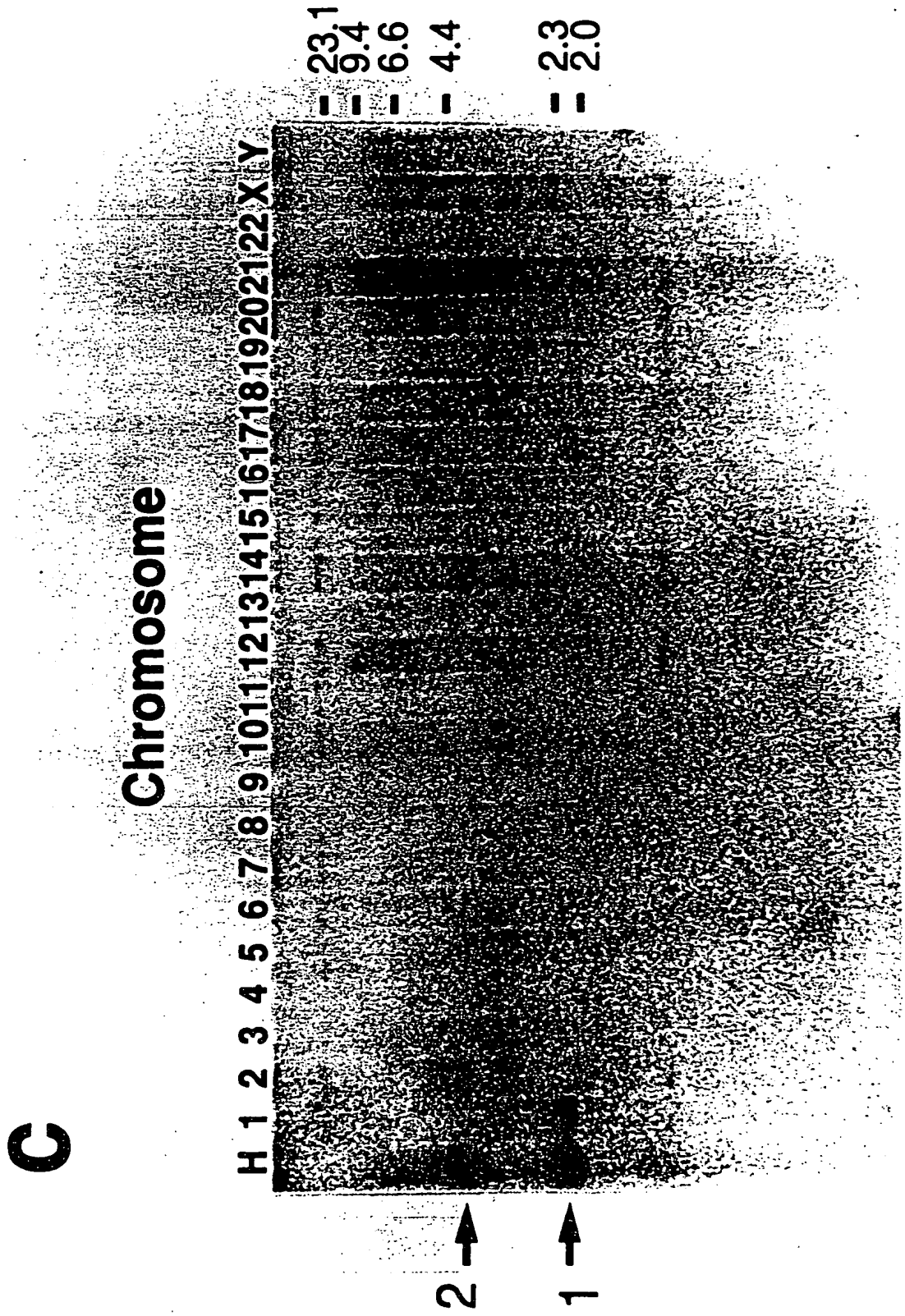

C
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
Chromosome
23.1
9.4
6.6
4.4
2.3
2.0
2
1

図１９

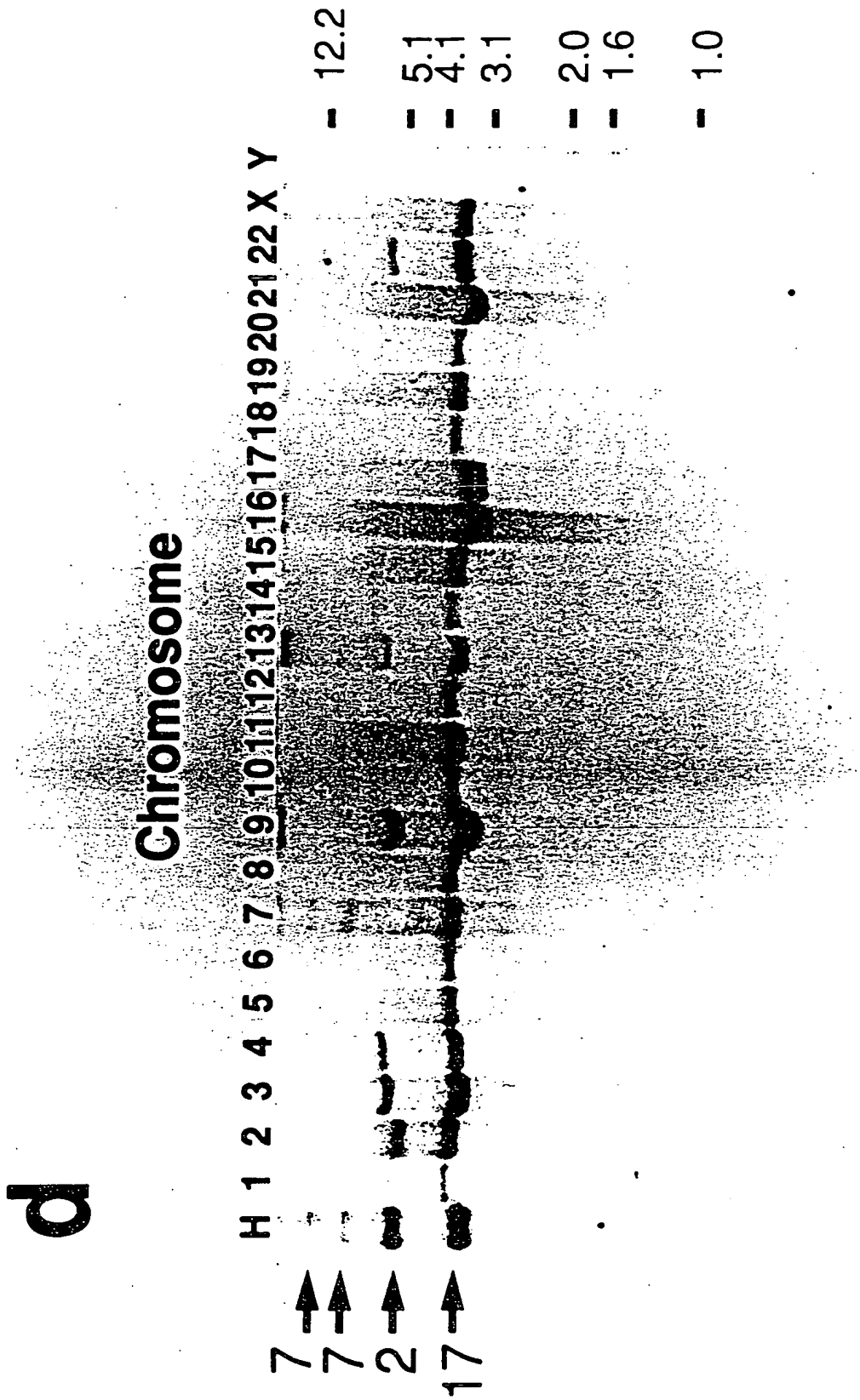

d
Chromosome
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
1.0
7
7
2
17

図２０

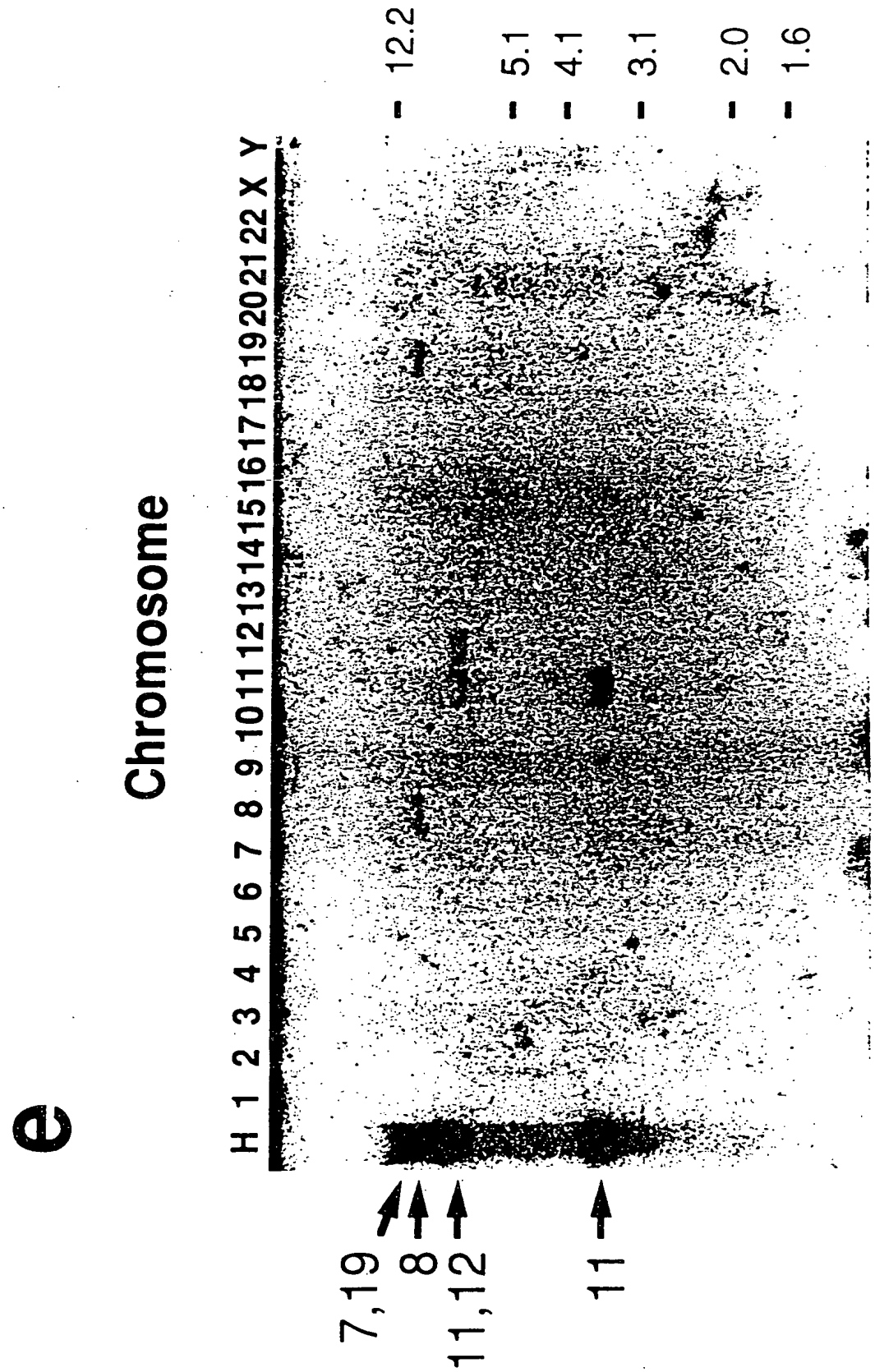
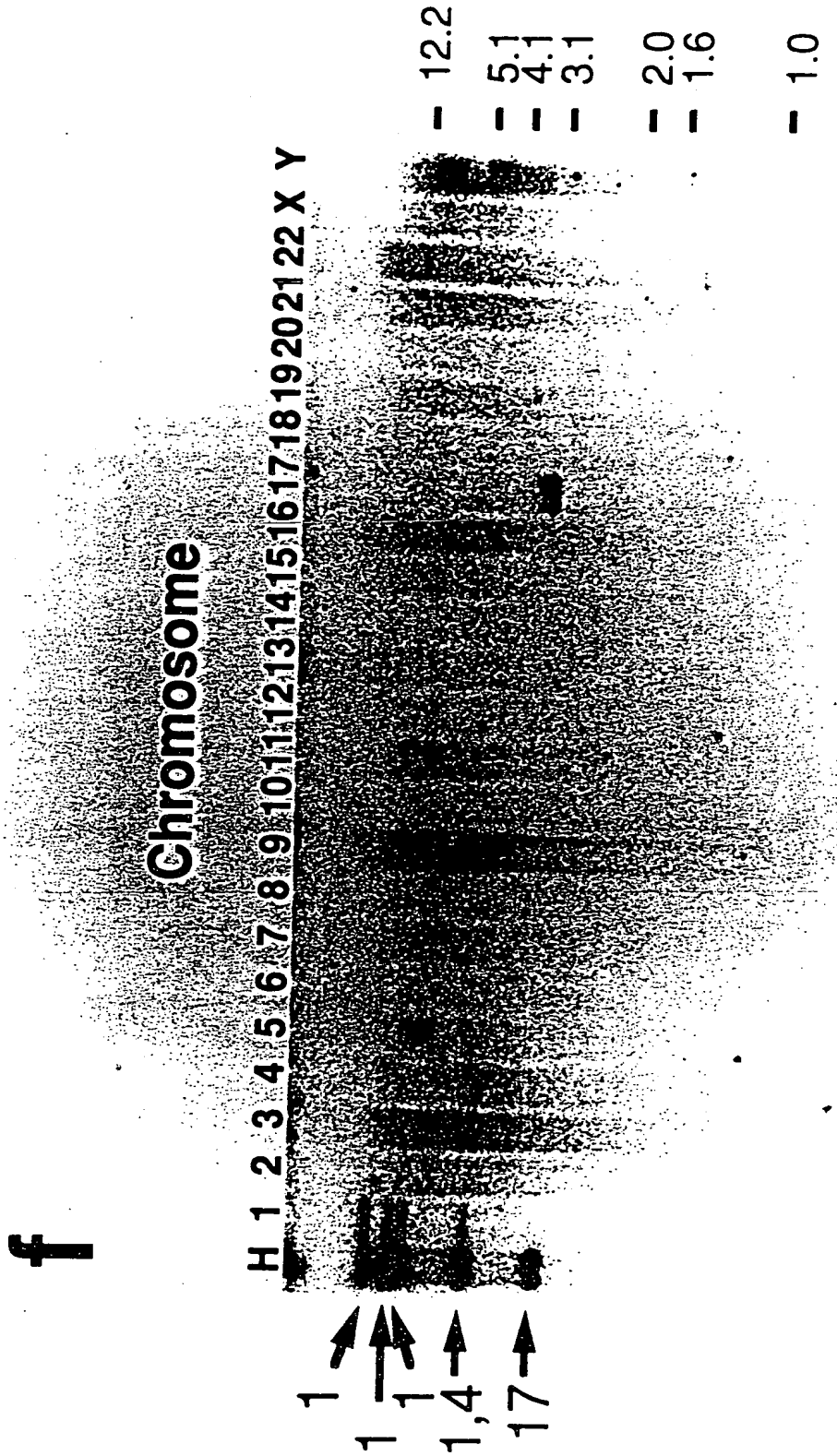

e
Chromosome
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
7,19
8
11,12
11

図２１


f
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
Chromosome
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
1.0
1
1
1,4
17

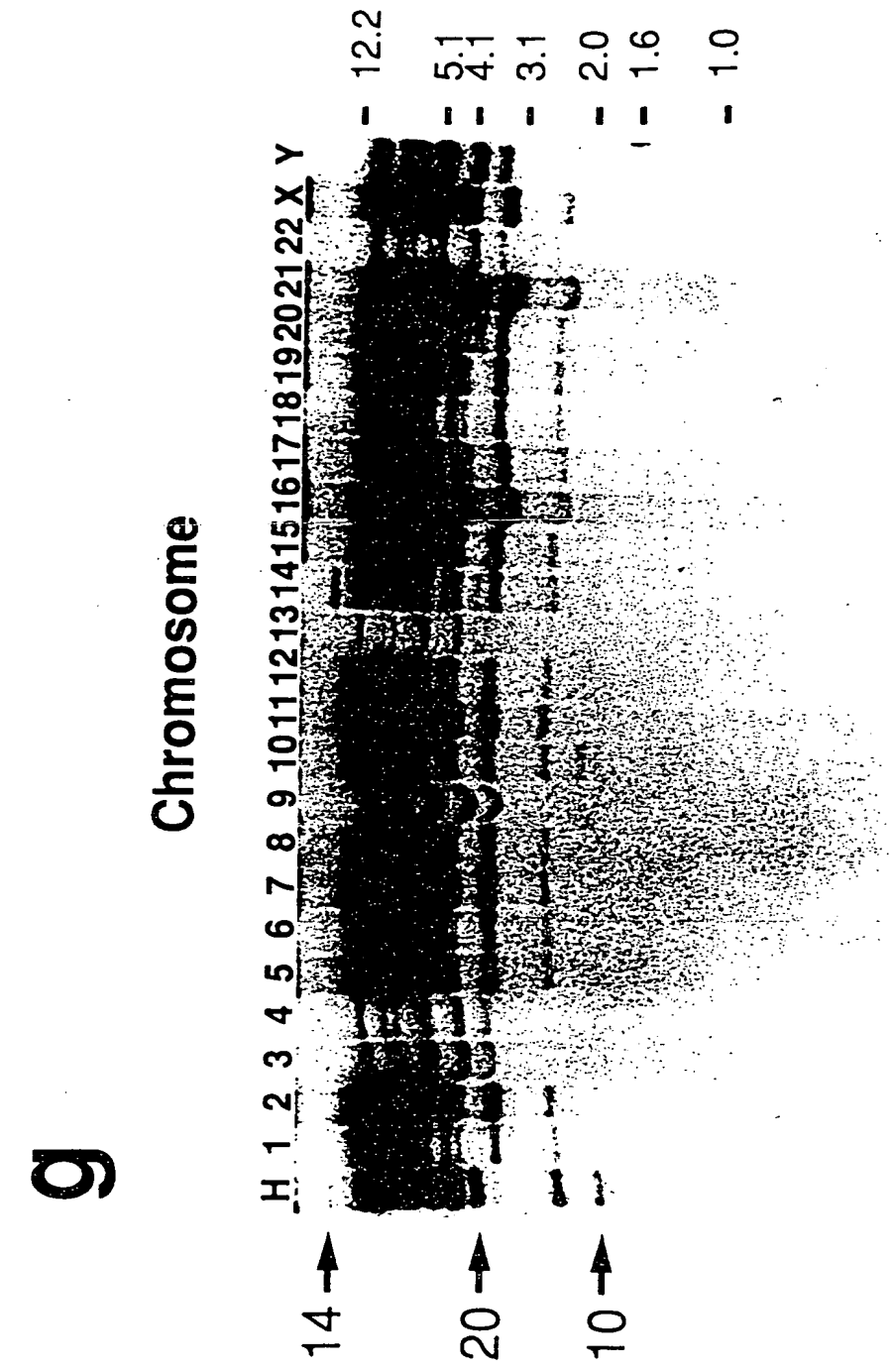

g
Chromosome
H 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 X Y
12.2
5.1
4.1
3.1
2.0
1.6
1.0
14
20
10

図２３

サザンブロッティング法による各ＧＳの染色体へのマッピング

クローン名		配列長	ヒト全染色体で出現したバンドの数 E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg	割当てられた染色体	バックグラウンド マウス	チャイニーズハムスター
(単一のバンドが出現したもの)									
c12c11	GS000075	432	1	1	1	1	9	0	0
c12c06	GS000062	540	1	1	1	1	6,15	0	0
c12g01	GS000280	212	1	1	1	1	2	1	1
c13c05	GS000117	359	1	1	1	1	11+	0	0
c13c07	GS000120	355	1	1	1	1	2	0	0
c13f10	GS000206	267	1	1	1	1	14	0	0
c13h01	GS000279	183	1	1	1	1	12+	0	0
c13h02	GS000322	167	1	1	1	1	6	0	0
d0g02	GS000095	397	1	1	1	1	8	0	0
d0h07	GS000164	313	1	1	1	1	11	1	1
d1b10	GS000348	153	1	1	1	1	20	0	0
hm01a12	GS000228	246	1	1	1	1	Y?	0	0
hm01c09	GS000428	157	0	1	1	1	1	0	0
hm01c12	junk	394	1	1	1	1	17	0	0
hm01f05	GS000066	454	1	1	1	1	19,22	0	0
hm01f10	GS000299	178	0	1	1	1	10	0	0
hm01g09	GS000053	477	1	1	1	1	6	0	0
hm01h07	GS000115	368	1	1	1	1	12	0	0
hm02a02	GS000130	344	1	1	1	1	4	0	0
hm02a04	GS000329	164	1	1	0	0	10	0	0
hm02c01	GS000203	271	1	1	1	1	16	0	0
hm02c01	GS000016	590	1	1	1	1	20	0	0
hm02e02	GS000342	156	0	1	1	1	14	0	0
hm02e05	GS000401	223	1	1	0	0	n.d.	0	0
hm02g02	GS000191	278	1	1	1	1	17	0	0
hm05a05	GS000251	219	1	1	1	1	6	2	0
hm05a10	junk	392	1	1	1	1	1	1	1
hm05c10	GS000009	606	1	1	1	1	1	0	0
kmd01	junk	169	1	1	1	0	n.d.	0	0
s105	GS000001	703	1	1	1	1	5	0	0
s110	GS000057	471	1	1	1	1	8	0	0
s11d11	GS000307	#175	0	0	0	1	7	0	0
s11h01	GS000269	204	1	1	1	1	8	0	0
s147	GS000060	461	1	1	1	0	2	0	0
s14e06	junk	639	1	1	1	1	1	0	0
s14g02	GS000152	322	1	1	1	1	4	0	0
s14h12	GS000271	198	1	1	1	1	4	1	1
s150	GS000143	330	1	1	1	1	17	0	0
s156	GS000002	806	1	1	1	1	2	1	1
s15b11	GS000250	221	1	1	1	1	14	0	0
s179	GS000275	196	1	1	1	1	n.d.	0	0
s246	GS000234	241	1	1	1	1	9	0	0
s247	GS000347	153	1	1	1	1	1	0	0
s270	junk	185	1	1	1	1	19	0	0

図２４

クローン名		配列長	ヒト全染色体で出現したバンドの数 E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg	割当てられた染色体	バックグラウンド マウス	チャイニーズ・ハムスター
s306	GS000266	205	1	1	0	1	X	0	0
s309	GS000171	305	1	1	0	1	1	0	0
s342	GS000328	165	1	1	1	1	4	3	2
s381	GS000265	207	1	1	0	1	6,15	1	1
s384	GS000165	312	1	1	1	1	1	0	0
s387	GS000276	195	1	1	1	1	17	0	0
s389	GS000295	180	1	1	1	1	n.d.	0	1
s443	GS000330	251	1	1	1	1	n.d.	0	0
s470	junk	261	1	1	1	1	17	0	0
s474	GS000192	278	1	1	1	1	5	0	0
s503	junk	312	1	1	1	1	12	0	0
s507	junk	600	1	1	1	1	1	2	1
s517	GS000334	161	1	1	1	1	14	1	1
s632	junk	587	1	1	1	1	2	0	0
s633	GS000166	311	1	1	1	1	22	2	1
s650	GS000041	644	1	1	1	1	12	1	1
tw1-04	GS000026	537	1	1	1	1	3,7	0	0
tw1-19	GS000218	255	1	1	1	1	17	0	0
tw1-32	junk	250	1	1	1	1	5	0	0
tw1-37	GS000237	235	1	1	1	1	22	0	0
tw1-42	junk	391	1	1	1	1	8	1	1
tw1-48	GS000098	178	1	1	1	1	14	0	0
tw1-96	GS000138	389	1	1	1	1	11	0	0
（2本のバンドが出現したもの）									
c12f12	GS000195	277	1	2	2	2	1,	1	1
c13d02	GS000042	503	2	2	1	1	2,	0	0
hm01a06	GS000129	344	2	2	2	2	11,18	3	5
hm01a07	GS000207	269	2	2	2	2	7,	0	0
hm01d05	GS000232	243	2	2	2	1	2,	0	0
hm01e01	GS000181	292	2	2	2	2	1,2	0	0
hm02a08	GS000435	302	2	2	2	2	3,	1	1
hm02c04	GS000221	253	2	2	2	2	3,	0	0
hm02c05	GS000146	332	2	2	2	2	17,19,22	0	0
hm05f07	GS000043	503	1	1	2	1	3,	0	0
s11d06	GS000268	205	2	2	2	2	11,12	0	0
s11g12	GS000337	255	2	2	2	2	6,	0	0
s124	GS000088	404	2	2	2	2	9,	1	1
s144	GS000132	342	1	2	2	2	1,7	0	0
s14f08	GS000239	243	1	2	2	2	2,	3	2
s15e02	junk	439	2	2	1	2	6,	0	0
s16b09	junk	420	1	1	1	2	10,14	0	0
s17c09	GS000248	223	2	2	2	2	14,	0	0
s231	junk	284	2	2	2	2	11,	0	0
s254	GS000124	353	2	2	2	2	1,	3	1
s255	GS000235	239	2	2	2	2	11,	0	0
s272	junk	195	2	2	2	2	10,16	1	1

図２５

クローン名		配列長	ヒト全染色体で出現したバンドの数 E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg	割当てられた染色体	バックグラウンド マウス	チャイニーズハムスター
s311	GS000092	383	1	1	2	2	16,	1	1
s313	junk	182	2	2	1	0	20,	0	0
s317	GS000100	389	0	0	1	2	14,14	1	1
s336	GS000184	387	2	2	2	2	12,14	0	0
s338	GS000189	283	2	2	2	1	22,X	0	0
s339	GS000283	187	2	1	1	2	17,	0	0
s394	GS000068	449	2	1	2	2	13,14	0	0
s396	junk	277	2	2	2	2	17,	0	1
s455	junk	452	1	2	2	1	4,	0	0
s456	GS000286	182	2	2	2	2	8,10	1	2
s465	GS000201	274	1	1	2	2	6,15	0	0
s635	junk	260	1	1	1	2	9,13	0	0
s639	GS000267	205	1	2	2	2	2,X	0	0
s656	GS000025	#590	2	2	0	2	6,11	0	0
tw1-33	junk	352	2	2	2	2	1,	0	0
tw1-39	GS000153	#321	2	2	2	2	17,	0	0
tw1-70	GS000061	441	1	1	2	1	11,	0	0
tw1-80	junk	453	2	2	1	2	9,17	2	2
tw1-87	GS000158	316	2	2	2	2	7,	0	0
（3本のバンドが出現したもの）									
d0h06	GS000080	417	3	3	3	1	1,	0	0
hm05b07	junk	386	2	3	3	3	5,	0	0
hm05g02	GS000209	267	2	2	2	1	3,17,19	1	1
s129	GS000107	378	3	3	3	3	n.d.	1	1
s178	GS000357	146	1	2	2	3	2,	0	0
s17a10	GS000294	181	3	3	3	3	2,13,22	1	1
s308	GS000412	688	2	2	2	3	XX	1	1
s401	GS000224	249	2	3	3	3	6,6,	0	0
s654	GS000045	491	3	3	3	3	1,22,	0	0
tw1-82	GS000208	267	3	3	3	3	13,	4	0
（4本のバンドが出現したもの）									
c12g07	GS000154	320	4	4	2	3	5, 14,	0	0
c13a08	GS000055	508	3	3	4	4	2,7,7,17	1	2
c13c04	GS000106	#376	4	3	3	3	n.d.	0	2
c13e09	GS000302	195	4	2	4	4	2,17,	7	2
s136	GS000160	315	4	4	4	4	4,X,	2	1
s163	GS000004	#618	4	4	4	2	4,4,8,20	3	1
s479	GS000180	293	4	4	2	2	7,8,11,11,12,19	0	0
（5本以上のバンドが出現したもの）									
c12f08	GS000253	217	5	5	5	2	2,7,9,14,	2	0
hc01	junk	374	12	12	15	18	1,2,6,	22	20
hd10	junk	361	4	4	4	8	n.d.	12	6
he10	junk	178	6	2	3	3	6,8,9,19,21,	3	3
hm01c05	GS000305	176	9	7	5	5	X,	9	8
hm01f04	GS000246	215	8	10	5	5	n.d.	12	12
hm01g02	junk	411	9	6	6	4	10,14,20,	14	6

図26

クローン名		配列長	ヒト全染色体で出現したバンドの数 E	E/Ba	E/Bg	Ba/Bg	割当てられた染色体	バックグラウンド マウス	チャイニーズハムスター
hm02f09	GS000273	442	8	7	7	5	3,3,6,11,13,14,15,16	0	0
hm05a02	GS000096	373	5	6	4	6	2,8,17,	3	3
hm05a04	GS000236	#239	6	6	6	7	n.d.	8	5
kmb01	junk	350	3	5	5	5	13,	14	7
s11f06	GS000316	170	6	6	6	4	1,2,2,3,4,6,13,15,	0	3
s14f01	GS000407	262	12	11	10	9	1,6,9,13,	6	3
s173	GS000094	397	5	4	6	8	1,1,1,1,4,17	0	0
s265	GS000323	167	10	12	11	14	18,	9	5
s341	junk	494	9	9	8	6	n.d.	15	8
s406	GS000118	364	6	7	5	4	2,7,8;18,20,20	4	1
tw1-46	junk	593	9	10	10	10	1,1,2,2,6,11,X,	3	5
tw1-63	junk	203	8	10	10	12	3,4,	17	11
(バンドが出現しなかったもの)									
e13g02	GS000340	157	0	0	0	0	-	-	-
hm01e10	junk	232	0	0	0	0	-	-	-
hm02d11	GS000274	196	0	0	0	0	-	-	-
s328	GS000278	194	0	0	0	0	-	-	-
s359	GS000199	279	0	0	0	0	-	-	-
s511	junk	283	0	0	0	0	-	-	-
s645	GS000012	#784	0	0	0	0	-	-	-
s647	GS000105	360	0	0	0	0	-	-	-
s651	junk	540	0	0	0	0	-	-	-